

Table S1. Primer sequence

Name	Sequence (5'-3')
PTM181	GAGAAACAAGCAGGCCCTGGTAGCATAGTTTGGTCCCTAATAATTTAGTCAAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM182	CATTCAAAATGAAAAGTCAGGACCCCTTTTCAAAAAGGATCGCAATATACTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM183	GATCGCTCAAATCCTTCTTGGTCGTTATTTTTGAAGAAGAAGGAAAAGCAAAGCCAGCAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM184	GATAATACTATATACAGCAAAAATAAATGCTAACTTTACATATGATTGCTTCTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM243	CTGTTTGTGTTTAACTTGAATTACAATAACAATAATACCAGTTTATAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM245	GTATTAGTATTACATGTTGAATAATGCACATCTGTGCTAAAATATATACTCTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM272	CAATTAATACAAAAAAACCAACTGCAAGAACTTCAGCATCGTCAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM273	CGGAGAGTATGTAATGTGTAGTTATGACTTAGATATGTAACCTTAACTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM316	CACGTAGGCATATATATGTAATTCGGACGGGAAAGCTGGCAGTCTACTATAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM317	CGATGCTATGTAAATGCAATATGACAGAAAAGTGACAGGAGTAGGTATTCCTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM318	AAACAAAAGGCACATACAGATTATCAGGTGGTGGGAGGTTATAAAATTCAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM319	CTTGATAAATGAAATGCAAGGAAGTTCAGTTGATAATTATAAAGCAATAGCTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM324	GGGGCAAACCTGAAAGCGCGCATTCATTACATCGTCTCCTTACCTAGTCAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM325	TATGTAATATAAAAAATAAAATGTTTTACTTTTTATTAAGTTGCCCTAAGTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM337	GTATCAATTTGGTAAAGAATCCTCGATTTCAGGAGCATCAACGACGAAGAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM338	TTTTTTTTTTTCCATTTGGTAACCACTAAGTACAGCCAAITTTTCGGCGGCTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM353	GTATGTGGCCACGTAGTAAAAATACGAGAGAGAAAAGCCTACAGAGTTACGGATCCCCGGTTAATTA
PTM354	GAGGCAGAGAAGATAGGAAAAAGATAGAACAATAAATTTGTACATAAATATGAATTCGAGCTCGTTAAAC
PTM361	GAGATGAAAGAACCTTTGAGAGAGTCAATATAATACCTGTAGCCTTTTCTGAAAAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM362	GAGGCAGAGAAGATAGGAAAAAGATAGAACAATAAATTTGTACATAAATATCTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM363	CAAAGCAATATACGTTAGGAAAAAGACACGAACAGAGAAGACCATTTGAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM364	CTTATTTTTAACCTGTATATTAACCTTTATTTTTATTTACATTAATCTACTGTGCGGTATTTACACCCG
PTM365	AGGAGTTAGCATGGCCAAGTTGGATTAATCTGGATTTCACAGATGGTGATGAGCGGATCCCCGGTTAATTA
PTM366	CTCAAAAATGTTGTTTTTTATGTAGACACTATTTCAAACCTATCTTTGTTAAAGAAATTCGAGCTCGTTAAAC
PTM371	CCCGGATCCGGAGGCCCTTGACATAATCTG
PTM372	GGGCTCGAGGGTACTAGATTGTCTGGCTATAATC
PTM374	CCCGGATCCGGTATTTTCATCACAAAAGGAGG
PTM375	GGGCTCGAGACTTTCCATGATAATTTCTCCATTG
PTM376	CCCGGATCCCAACAGCTTCGAAACACTGATCTGGAC
PTM377	GGGCTCGAGGAGGAGTCGTGCAGTGAACAAGGC
PTM379	CCCGGATCCCAGGTAAACATTGCATATAAATTC
PTM380	GGGCTCGAGCTGTATAAAGTTATATAATAATATG
PTM454	AAAGCGCCGCAATAATAGAGTTTTGGATGTGCC
PTM455	GGGCTCGAGGATGGTTCAAACCAACGTTGACC
PTM460	AAAGCGCCGCAATTTGCCAATCAATCTCTGGC
PTM461	CCCGAATCTTTAATTCCTTCTCTTCCAC
PTM462	AAAGCGCCGCTGCCCCATCTGTCCACTTAC
PTM469	GGGCTCGAGATGACGGTATCTCTGTAGACG
PTM489	GGGCTCGAGATGGACACATATTTCCGCAATG
PTM492	TTTGAGCTCCACCTGACCAACAAGATTG
PTM685	TTTTGAATTTCTCACACCTTCTCAAGCGTAAATGTCCTC
PTM690	TTTTCTCGAGTTAATTCCTTCTCTTCCAC
PTM705	TTTGAATTCAGAAATAGTCTTTAGCGATGCCG
PTM706	TTTTGAATTCGACTACAAGACCATGACGGTGATTATAAAGATCATGACATCGACTACAAGGATGACGATGACAAGAATGAGTCTAAAAGTGGAGGGATGCTCC
PTM709	GGGACTAGTGAAAACCTGTACTTTCAAGGCGACTACAAGACCATGACGGTGATTATAAAGATCATGACATCGACTACAAGGATGACGATGACAAGCTGGTTGGGCCAGGATCTCCCCGG
PTM712	GGGACTAGTAGGAAGGGATGAAGTGTACCTTTTC
PTM740	CCTCTTACCGAGCAAGIAGGCTAGCTTCTGTAAAGGGAITTTCCATCTAATAACAAGATTGACTGAGAGTGCAC
PTM741	CATCAGATTGCACTCTCGTTCTTTAAATATGTATGAGATTGATTCTATATAGCTGTGCGGTATTTACACCCG
571	TGCTTAGAATGCTGTTTAAAGGGACACGTCG
582	TCCCCGGTCACTCGAGCGAGTACACCAATTC
1729	AGTATGTCTGGCTTCTGAGACGGCGGTAAGATATCCTTAAAGATTGCAAGATTGACTGAGAGTGCAC
1730	CAATTTCCGCTCGCCATGGTGAATCTTTAAAGATCTTTAAATGGGAACACTGTGCGGTATTTACACCCG
1744	AATAGATTTACAGACTAAGATAAATAATCGAGAATAATTAAGAGCATAAAGATTGACTGAGAGTGCAC
1745	AGGAATAAAGTAGTATGCAGTGCATCGGGATCAAGGAATTTGTATCTGTGCGGTATTTACACCCG