

TABLE S8. Changes in gene transcript levels for select *L. monocytogenes* acid response genes after acid shock for 5 or 15 min.

Gene	Bacteria grown to Log phase at				Bacteria grown to Stationary phase at			
	7°C		37°C		7°C		37°C	
	Acid treated for 5 min	15 min	Acid treated for 5 min	15 min	Acid treated for 5 min	15 min	Acid treated for 5 min	15 min
Decarboxylases								
lmo0011	-1.16	-1.11	1.15	1.20	-1.07	1.11	1.01	-1.02
lmo0447 (<i>gadD1</i>)	1.13	-1.25	-1.07	-1.10	-1.05	-1.03	NA	NA
lmo1675	1.25	1.24	1.03	1.03	1.03	1.02	1.11	1.16
lmo1832	1.26	1.26	1.58	1.71	1.07	-1.03	NA	NA
lmo1900	-1.03	-1.07	-1.01	-1.02	1.07	1.08	-1.13	-1.01
lmo1952 (<i>lysA</i>)	1.05	1.06	-1.21	-1.36	1.19	1.16	-1.05	1.14
lmo2212 (<i>hemE</i>)	-1.08	-1.09	-1.09	-1.15	-1.09	-1.18	NA	NA
lmo2363 (<i>gadD2</i>)	-1.00	-1.23	-2.59	-2.28	-1.16	1.02	1.22	1.24
lmo2434 (<i>gadD3</i>)	1.17	1.19	1.17	1.12	-1.07	-1.13	-1.04	1.01
lmo2694	-1.07	-1.10	-1.07	-1.11	-1.10	-1.27	-1.36	-1.41
Deiminases								
lmo0038	1.16	1.05	-1.16	1.02	-1.04	1.04	1.05	-1.04
lmo0040	1.04	1.10	-1.21	-1.17	NA	NA	NA	NA
lmo0043	1.08	1.04	1.19	1.16	1.26	1.32	-1.34	-1.30
ATP Synthase								
lmo0088	1.05	1.47	-1.06	1.09	1.10	1.11	NA	NA
lmo0089	1.15	-1.15	1.10	1.07	-1.19	1.88	1.04	1.01
lmo0090	1.19	1.20	-1.07	1.03	1.00	-1.17	1.10	-1.24
lmo0091	1.10	-1.01	1.00	-1.02	1.05	-1.02	1.11	-1.04
lmo0092	-1.18	-1.25	-1.08	-1.01	NA	NA	1.00	1.24
lmo0093	-1.04	-1.14	1.01	-1.04	1.00	-1.00	1.18	1.13
lmo2528	-1.00	1.00	1.02	1.02	-1.07	-1.02	1.05	1.22
lmo2529	1.01	1.04	-1.00	-1.03	1.02	1.03	1.17	1.29
lmo2530	1.02	1.05	1.02	1.01	-1.03	1.03	1.17	1.22
lmo2531	1.02	1.04	-1.07	-1.03	-1.05	-1.10	1.16	1.16
lmo2532	1.05	1.07	-1.03	-1.01	-1.07	-1.06	1.20	1.15
lmo2533	1.01	1.08	-1.04	-1.03	1.06	-1.03	1.11	1.22
lmo2534	1.03	1.08	-1.04	-1.02	1.03	-1.10	1.03	1.03
lmo2535	1.02	1.05	-1.06	-1.11	-1.14	-1.32	-1.05	-1.15
lmo2536	1.04	1.03	1.03	-1.01	-1.40	-1.66	-1.16	-1.56
Macromolecular repair								
lmo0232 (<i>clpC</i>)	1.20	1.28	1.59	1.67	1.02	1.03	-1.14	-1.13
lmo0292 (<i>htrA</i>)	1.03	1.07	1.43	1.43	1.02	-1.01	-1.05	-1.00
lmo0997 (<i>clpE</i>)	-1.07	1.09	2.01	1.83	1.07	1.20	1.03	1.26
lmo1473 (<i>dnaK</i>)	1.01	-1.01	1.60	1.49	1.04	1.07	-1.02	1.03
lmo1475 (<i>grpE</i>)	-1.08	-1.11	1.83	1.76	1.03	-1.03	-1.19	-1.16
lmo2068 (<i>groEL</i>)	1.00	1.04	1.18	1.04	1.00	1.01	1.05	1.15
lmo2069 (<i>groES</i>)	1.02	1.02	1.32	1.18	1.05	-1.01	-1.03	-1.03
lmo2206 (<i>clpB</i>)	-1.05	1.04	1.42	1.43	1.03	1.13	-1.06	-1.02
lmo2468 (<i>clpP</i>)	1.02	-1.00	1.58	1.64	1.02	-1.02	-1.01	-1.06
lmo2488 (<i>uvrA</i>)	1.01	1.00	1.19	1.18	1.10	1.09	1.04	1.15
lmo2489 (<i>uvrB</i>)	1.02	1.01	1.13	1.12	1.05	1.04	-1.15	-1.12
Other σ^B-dependent genes								
lmo0796	0.93	0.95	0.94	0.89	0.96	0.52	1.14	1.11
lmo0913	0.95	0.93	1.31	1.29	0.99	0.54	1.23	1.27
lmo2391	0.88	0.96	0.69	0.72	0.84	0.46	1.17	1.07

^aFold changes are based on LIMMA analysis of four biological replicates. Emboldened fold changes indicate statistical significance (adj. p-value \geq 0.05).