

Probe Set ID	Gene Symbol	hESC (3)		hiPSC (6)		PSC-Heps (5)		Adult-Hep (2)	
		avg	stderr	avg	stderr	avg	stderr	avg	stderr
214829_at	AASS	2936	215	1982	316	220	13	314	106
237974_at	ABHD12B	529	72	204	98	8	0	8	1
203872_at	ACTA1	897	106	1368	519	657	280	18	0
205132_at	ACTC1	2724	398	3937	690	4382	1100	125	14
236126_at	ACVR2B	3084	42	2631	168	1713	141	211	48
1553179_at	ADAMTS19	314	16	316	34	135	35	36	3
213217_at	ADCY2	1071	44	1540	266	223	36	50	3
205268_s_at	ADD2	624	78	789	126	35	3	44	5
228771_at	ADRBK2	866	38	644	81	575	46	55	13
223075_s_at	AIF1L	1006	59	1435	179	379	43	46	6
228342_s_at	ALPK3	215	32	235	27	1319	146	169	53
215783_s_at	ALPL	159	9	460	110	61	11	71	12
206385_s_at	ANK3	1363	85	1379	126	1438	94	290	164
209369_at	ANXA3	1028	141	1699	312	3550	863	939	427
218261_at	AP1M2	473	19	459	71	392	52	73	6
228415_at	AP1S2	9974	891	8598	1058	1932	179	408	30
203381_s_at	APOE	3165	72	2766	162	8399	1069	12644	6762
203946_s_at	ARG2	1026	28	873	93	1180	84	303	221
37117_at	ARHGAP8	976	48	873	100	2696	355	142	28
218964_at	ARID3B	936	89	1249	96	805	64	101	6
209464_at	AURKB	1012	38	915	69	140	18	97	62
1555962_at	B3GNT7	509	69	524	56	184	33	40	2
222891_s_at	BCL11A	1297	46	1032	123	424	75	18	1
227920_at	BEND3	1124	37	873	82	188	20	110	20
230896_at	BEND4	1497	181	824	94	22	6	11	0
218332_at	BEX1	4164	274	3931	216	5073	467	85	34
224367_at	BEX2	1514	149	1393	143	748	100	58	21
1554020_at	BICD1	791	108	633	93	216	22	40	29
205733_at	BLM	512	28	495	28	93	11	45	13
231953_at	BPTF	695	15	540	45	68	5	42	13
209642_at	BUB1	1695	60	1413	64	264	70	95	83
203755_at	BUB1B	2938	32	2576	127	390	66	215	179
228281_at	C11orf82	721	52	762	23	135	21	86	53
218614_at	C12orf35	2753	139	1609	139	1395	132	1001	533
227928_at	C12orf48	285	23	307	31	55	9	40	29
1570153_at	C13orf38	984	306	716	144	20	3	21	10
220536_at	C14orf115	609	7	501	41	103	7	104	22
226456_at	C16orf75	2096	64	1457	123	370	45	145	76
223631_s_at	C19orf33	332	57	333	111	623	94	158	6
219010_at	C1orf106	1645	59	1271	83	2317	188	390	154
220011_at	C1orf135	773	45	693	30	161	11	76	14
1554340_a_at	C1orf187	409	15	376	70	28	8	14	0
219004_s_at	C21orf45	1586	22	1361	53	262	32	181	64
232067_at	C6orf168	315	30	424	50	241	70	21	9
230903_s_at	C8orf42	1308	144	1328	137	451	46	414	114
243610_at	C9orf135	2099	301	1926	363	54	14	12	2
209726_at	CA11	787	87	519	93	120	19	21	2
219464_at	CA14	642	19	469	60	113	17	48	7

225627_s_at	CACHD1	2449	113	1967	216	1664	267	109	20
204811_s_at	CACNA2D2	484	46	386	80	148	15	79	17
205625_s_at	CALB1	412	105	465	87	106	26	15	0
214636_at	CALCB	136	74	211	142	26	8	18	4
226473_at	CBX2	1346	36	959	100	459	88	73	10
239233_at	CCDC88A	72	6	57	8	9	1	9	1
227228_s_at	CCDC88C	339	27	398	46	294	35	54	15
210381_s_at	CCKBR	198	28	318	104	461	209	34	1
228729_at	CCNB1	2322	78	1721	119	356	41	177	156
202705_at	CCNB2	2785	63	2362	84	458	55	226	195
209583_s_at	CD200	1809	39	1618	281	222	51	31	17
209771_x_at	CD24	17099	52	14710	602	15262	1043	9532	1357
204695_at	CDC25A	1369	23	1255	91	253	15	101	12
203967_at	CDC6	611	52	652	33	156	13	99	78
204510_at	CDC7	1398	99	1268	93	291	27	127	76
224428_s_at	CDCA7	2738	36	2073	188	547	102	113	95
201131_s_at	CDH1	4756	206	3161	353	5044	640	2050	886
203256_at	CDH3	1688	6	1409	135	1869	250	94	34
226185_at	CDS1	368	26	282	29	608	74	64	17
228868_x_at	CDT1	615	1	496	38	168	24	47	25
219505_at	CECR1	1049	148	866	125	544	47	90	2
223729_at	CECR2	982	30	815	68	213	10	194	69
231772_x_at	CENPH	927	31	659	79	138	17	59	32
221378_at	CER1	492	154	501	156	60	23	33	1
225817_at	CGNL1	1538	74	1089	123	1192	44	1574	903
218829_s_at	CHD7	836	228	1447	138	1049	71	196	11
205394_at	CHEK1	1163	37	849	90	148	19	95	75
226803_at	CHMP4C	212	29	402	61	615	139	761	41
206533_at	CHRNA5	175	20	157	8	19	2	16	4
224400_s_at	CHST9	163	37	149	42	384	67	242	76
202712_s_at	CKMT1A/B	926	60	553	90	51	5	52	4
205328_at	CLDN10	715	32	845	144	47	5	94	0
237810_at	CLDN6	1051	312	2111	534	1113	85	28	1
202790_at	CLDN7	894	62	684	49	1444	208	507	192
219301_s_at	CNTNAP2	1404	132	1184	222	425	57	103	2
223796_at	CNTNAP3	284	43	256	48	33	7	26	7
213050_at	COBL	787	154	826	188	705	69	864	421
205229_s_at	COCH	838	53	1292	322	187	33	42	18
213492_at	COL2A1	159	10	908	576	3865	944	43	6
213992_at	COL4A6	333	36	486	44	3188	414	20	3
227177_at	CORO2A	211	14	302	46	483	104	149	42
224344_at	COX6A1	2567	865	1506	544	57	6	46	0
208146_s_at	CPVL	598	20	543	48	726	163	38	19
239205_s_at	CR1 /CR1L	74	37	175	33	10	1	9	1
239206_at	CR1L	62	32	108	14	15	1	14	0
205350_at	CRABP1	947	59	4103	1430	405	332	62	1
223475_at	CRISPLD1	713	22	1917	1067	572	45	6	0
206224_at	CST1	131	23	524	393	1492	323	22	4
210074_at	CTSL2	2509	180	1948	169	1804	197	132	20
203917_at	CXADR	4296	116	4419	278	2238	36	1209	445

239155_at	CXADRP1	663	22	533	54	315	35	285	10
214974_x_at	CXCL5	1544	424	2275	1030	36	8	456	337
206424_at	CYP26A1	1367	155	1472	343	103	23	33	4
223385_at	CYP2S1	291	25	778	229	94	15	42	5
235044_at	CYYR1	392	37	479	42	511	109	11	0
206588_at	DAZL	112	20	76	26	6	0	6	0
205399_at	DCLK1	1595	157	1347	183	38	7	20	3
235258_at	DCP2	504	74	359	44	240	26	62	10
219945_at	DDX25	497	53	374	62	54	8	34	3
226980_at	DEPDC1B	1227	48	898	93	192	35	53	21
205603_s_at	DIAPH2	2259	737	1789	142	151	9	236	37
203764_at	DLGAP5	2130	39	1815	78	207	40	134	120
209560_s_at	DLK1	108	14	721	464	6810	625	14	0
226926_at	DMKN	1084	21	1176	174	716	90	94	8
222640_at	DNMT3A	1967	36	1824	60	950	46	214	6
220668_s_at	DNMT3B	12326	579	8911	479	660	118	134	16
240301_at	DPPA2	359	54	150	18	46	7	26	3
231385_at	DPPA3	240	14	43	13	304	61	10	0
232985_s_at	DPPA4	9192	358	7635	379	447	80	30	4
226817_at	DSC2	1051	63	871	114	2545	162	401	22
219000_s_at	DSCC1	1227	71	1044	72	126	11	89	36
217901_at	DSG2	4138	153	3471	256	5354	711	2051	300
218585_s_at	DTL	2142	109	2321	161	307	31	180	146
221586_s_at	E2F5	960	17	1003	86	332	58	117	60
204271_s_at	EDNRB	1710	132	3166	671	930	122	143	118
219232_s_at	EGLN3	384	21	381	51	113	7	172	111
227180_at	ELOVL7	312	13	253	40	473	127	73	3
226789_at	EMB	906	15	783	110	242	78	106	29
229080_at	EMID2	240	31	306	43	427	73	52	0
220161_s_at	EPB41L4B	1251	52	1234	144	349	16	2354	236
229292_at	EPB41L5	461	52	362	40	429	55	614	283
201839_s_at	EPCAM	7357	195	5443	524	9719	1314	438	20
205977_s_at	EPHA1	421	34	427	35	392	72	180	77
229288_at	EPHA7	124	7	519	130	690	106	18	4
220013_at	EPHX3	527	33	430	88	166	27	50	3
232165_at	EPPK1	478	12	473	95	970	216	96	7
226213_at	ERBB3	1538	70	1024	143	1494	330	2774	1251
219650_at	ERCC6L	531	54	466	25	68	8	71	32
225846_at	ESRP1	3037	150	2478	340	2209	75	44	2
219395_at	ESRP2	593	7	522	68	1168	88	964	335
223000_s_at	F11R	4770	216	4284	316	6440	408	3156	616
213506_at	F2RL1	2044	161	2561	702	9854	2230	1272	465
219429_at	FA2H	246	27	164	27	108	17	58	2
202345_s_at	FABP5	10904	434	10457	384	4683	1258	523	452
235177_at	FAM119A	1700	74	1400	88	495	54	318	87
230067_at	FAM124A	837	37	698	80	43	4	37	12
238018_at	FAM150B	177	3	398	78	29	3	107	50
235048_at	FAM169A	867	16	880	53	533	65	213	88
242348_at	FAM19A4	55	6	50	5	246	172	8	0
229518_at	FAM46B	2203	100	1518	62	770	72	77	34

220147_s_at	FAM60A	6725	54	6074	516	2210	247	384	179
225687_at	FAM83D	1509	60	1425	82	144	23	161	116
235269_at	FAM83F	175	20	212	30	477	74	48	11
226129_at	FAM83H	453	16	519	55	944	56	469	9
225864_at	FAM84B	997	70	984	88	1669	130	350	116
242560_at	FANCD2	1740	72	1669	112	362	28	118	60
220615_s_at	FAR2	513	31	491	73	307	74	15	1
218796_at	FERMT1	806	72	660	97	186	19	213	126
205110_s_at	FGF13	1380	148	2101	215	469	93	86	11
223761_at	FGF19	154	13	222	85	62	7	38	11
203638_s_at	FGFR2	1139	107	935	102	1324	60	583	469
1570515_a_at	FILIP1	85	13	76	20	20	3	7	1
1553991_s_at	FLJ20674	942	67	557	60	76	9	290	18
1564413_at	FLJ36116	474	57	799	371	587	195	42	3
210287_s_at	FLT1	82	23	59	14	15	2	11	1
222906_at	FLVCR1	1358	175	1335	145	785	171	153	14
228463_at	FOXA3	324	38	243	14	547	32	449	7
241612_at	FOXD3	191	15	198	25	12	1	12	0
231407_s_at	FOXH1	1138	36	753	89	182	24	39	1
202724_s_at	FOXO1	1038	40	696	62	469	80	227	27
226145_s_at	FRAS1	2024	194	1784	287	4479	322	88	44
209864_at	FRAT2	1668	53	1258	102	471	59	260	46
230964_at	FREM2	535	60	412	69	1943	162	30	20
203697_at	FRZB	136	22	292	88	2791	224	15	1
221245_s_at	FZD5	2433	28	2559	196	3828	735	1528	529
227830_at	GABRB3	2725	101	2266	163	96	8	40	3
214240_at	GAL	4289	628	4936	816	97	12	548	453
203397_s_at	GALNT3	587	217	507	72	138	26	81	19
213280_at	GARNL4	831	34	625	91	267	32	105	54
230788_at	GCNT2	1903	45	1569	80	1475	65	558	1
220053_at	GDF3	1112	149	1167	687	96	31	59	4
206102_at	GINS1	3530	92	3173	173	538	52	284	193
221521_s_at	GINS2	1515	82	1476	67	209	30	130	62
1569886_a_at	GLB1L3	194	9	105	30	6	0	6	0
204836_at	GLDC	2983	325	2976	330	3566	650	1970	263
220108_at	GNA14	475	100	1035	110	54	7	76	2
214071_at	GNAL	289	51	235	55	31	4	18	2
209220_at	GPC3	374	55	614	60	9377	1086	42	11
204984_at	GPC4	3755	202	3711	593	383	68	49	17
206696_at	GPR143	249	11	201	25	104	11	40	13
223423_at	GPR160	960	67	714	45	515	136	49	1
207183_at	GPR19	665	52	559	59	47	10	14	1
206002_at	GPR64	412	11	305	31	42	7	115	4
203632_s_at	GPRC5B	2138	45	1764	150	1766	498	870	239
206204_at	GRB14	385	26	451	44	182	27	2154	1437
205862_at	GREB1	144	15	187	41	295	54	76	57
219388_at	GRHL2	199	34	166	34	164	28	27	4
229377_at	GRTP1	668	166	391	57	352	45	985	564
1255_g_at	GUCA1A	813	63	360	98	104	17	16	2
204237_at	GULP1	4701	358	4840	151	3680	214	80	15

223541_at	HAS3	896	97	845	50	154	31	162	100
239781_at	hCG_1815504	571	36	349	30	27	3	32	5
227350_at	HELLS	2866	60	2053	247	406	69	129	72
219863_at	HERC5	857	70	549	71	1554	738	88	2
231381_at	HESRG	13573	473	11514	439	28	5	16	0
211267_at	HESX1	560	60	398	78	46	3	46	12
219743_at	HEY2	548	32	364	13	129	17	75	41
212964_at	HIC2	990	40	817	91	1601	118	93	5
239975_at	HLA-DPB2	1348	251	731	169	14	3	11	1
208025_s_at	HMGA2	2761	223	3488	340	1927	396	176	160
225601_at	HMGB3	2558	74	1972	123	628	36	434	114
207165_at	HMMR	2677	132	2164	216	360	73	311	195
225792_at	HOOK1	705	49	537	44	277	36	719	340
203914_x_at	HPGD	191	37	416	103	2660	638	3283	402
219983_at	HRASLS	368	29	296	27	231	37	15	7
1552767_a_at	HS6ST2	293	37	662	269	1341	129	33	16
204130_at	HSD11B2	107	11	99	11	34	4	25	5
210029_at	IDO1	2459	290	1164	370	49	3	40	7
230960_at	IGDCC3	276	14	655	114	2426	530	23	6
227377_at	IGF2BP1	750	43	1256	173	991	178	67	13
203819_s_at	IGF2BP3	5474	256	4570	433	2236	195	140	100
216493_s_at	IGF2BP3	983	24	543	93	102	9	37	2
227760_at	IGFBPL1	464	27	602	106	164	40	23	1
227997_at	IL17RD	1566	61	2333	412	435	68	143	108
203126_at	IMPA2	1333	47	1221	128	760	89	270	64
213447_at	IPW	3908	155	3757	293	720	133	316	9
203474_at	IQGAP2	730	52	627	46	848	146	1669	849
227297_at	ITGA9	98	20	194	33	344	36	67	53
221051_s_at	ITGB1BP3	946	40	957	115	275	115	47	5
202747_s_at	ITM2A	966	72	532	67	196	27	39	7
203298_s_at	JARID2	4897	157	4373	191	1018	68	234	26
229139_at	JPH1	549	26	644	40	254	20	24	2
229294_at	JPH3	247	11	199	24	189	30	10	0
205206_at	KAL1	2053	84	2543	348	410	123	46	24
239835_at	KBTBD8	708	42	543	50	202	24	64	40
207103_at	KCND2	181	11	153	30	14	1	16	3
1552897_a_at	KCNG3	407	14	217	46	27	8	11	1
219615_s_at	KCNK5	271	27	231	20	85	15	184	79
220116_at	KCNN2	739	25	631	60	362	43	85	48
58916_at	KCTD14	399	13	362	30	126	17	446	206
203934_at	KDR	927	242	677	146	557	90	38	15
231887_s_at	KIAA1274	406	24	459	31	142	14	62	5
235301_at	KIAA1324L	379	32	333	27	334	16	36	7
228565_at	KIAA1804	688	50	745	115	203	43	234	86
232069_at	KIF26A	370	20	307	14	217	46	72	21
242517_at	KISS1R	310	25	166	32	419	160	45	12
213610_s_at	KLHL23	1825	92	1431	101	439	44	220	76
220239_at	KLHL7	1441	85	1510	63	230	17	113	52
206541_at	KLKB1	320	31	401	52	54	5	2822	2468
244264_at	KLRG2	238	26	342	98	74	8	35	1

201596_x_at	KRT18	4494	302	5600	770	12374	954	14490	4342
201650_at	KRT19	1051	30	802	138	6793	511	1104	308
209008_x_at	KRT8	1472	222	2030	438	7133	277	7813	2389
219955_at	L1TD1	12955	366	11925	449	196	33	32	4
227048_at	LAMA1	453	22	487	32	4531	1084	32	22
1554679_a_at	LAPTM4B	5291	351	3142	417	321	56	421	241
204891_s_at	LCK	769	64	635	100	41	2	36	2
206309_at	LECT1	813	16	901	124	27	2	25	3
206268_at	LEFTY1	1272	91	4740	1577	34	6	53	24
206012_at	LEFTY2	790	46	2988	1390	142	27	48	1
219823_at	LIN28	14338	239	11441	925	5595	633	18	4
229349_at	LIN28B	5194	135	4153	246	1749	119	10	1
227933_at	LINGO1	1703	62	867	133	186	17	72	3
230195_at	LOC100131138	1004	247	1340	379	163	17	13	3
226809_at	LOC100216479	703	264	661	119	342	71	24	8
232181_at	LOC153346	444	30	282	29	62	11	111	5
1561101_at	LOC153469	419	40	371	75	28	2	24	3
228051_at	LOC202451	498	30	402	70	87	14	46	8
1557369_a_at	LOC285401	354	37	204	47	24	1	25	1
1564359_a_at	LOC339260	502	22	223	51	184	30	10	2
236756_at	LOC389857	325	17	295	14	58	2	44	3
232001_at	LOC439949	489	55	479	60	47	3	37	7
229669_at	LOC440416	945	58	561	129	566	68	75	55
1557765_at	LOC643401	99	32	50	9	78	10	8	0
1568780_at	LOC649305	583	15	462	59	515	185	55	16
239319_at	LOC728342	147	22	158	40	45	8	25	2
242070_at	LOC728485	313	65	319	48	59	8	28	0
229978_at	LOC729993	864	69	887	211	288	79	33	0
232111_at	LOC730125	936	179	1042	88	64	12	32	1
228859_at	LOC91431	344	39	310	31	76	8	39	1
220317_at	LRAT	305	6	83	31	12	1	12	1
226884_at	LRRN1	3515	118	2651	201	1718	191	15	1
208190_s_at	LSR	637	44	924	155	2106	113	1442	284
223413_s_at	LYAR	1925	44	1480	172	261	24	255	135
232151_at	MACC1	216	22	181	36	85	24	26	3
203362_s_at	MAD2L1	3445	109	3179	175	538	67	314	262
224650_at	MAL2	2195	117	1763	156	1502	126	1055	254
213927_at	MAP3K9	334	8	283	30	506	40	148	16
202890_at	MAP7	2125	43	1281	188	869	109	664	172
235141_at	MARVELD2	1453	79	1398	218	3387	453	2879	1095
239350_at	MARVELD3	446	5	277	51	323	16	137	42
242260_at	MATR3	662	57	371	63	77	7	59	23
214397_at	MBD2	825	25	658	52	427	43	11	1
220651_s_at	MCM10	1126	43	1058	41	90	16	81	57
201555_at	MCM3	3310	117	3009	68	635	57	438	112
222037_at	MCM4	727	24	793	41	130	14	97	41
216237_s_at	MCM5	1970	57	1935	97	339	42	201	81
229797_at	MCOLN3	309	37	230	50	414	105	16	1
212693_at	MDN1	2023	43	2019	232	418	46	494	87
232523_at	MEGF10	1546	135	870	183	106	46	22	11

228658_at	MIAT	899	47	386	109	54	19	15	2
232291_at	MIRHG1	1082	43	680	155	172	49	81	6
218883_s_at	MLF1P	3956	235	3451	234	470	51	145	77
223700_at	MND1	586	47	500	32	60	10	29	15
238778_at	MPP7	131	13	111	16	98	17	52	13
213924_at	MPPE1	480	42	580	92	197	27	72	0
218536_at	MRS2	1760	221	1674	169	1051	227	338	8
209421_at	MSH2	2327	94	2172	133	348	53	197	59
223311_s_at	MTA3	1945	92	1371	129	521	39	240	4
203345_s_at	MTF2	2838	76	2335	219	688	39	306	15
209757_s_at	MYCN	3159	139	2783	357	868	217	17	1
229464_at	MYEF2	699	26	665	70	161	18	22	6
218966_at	MYO5C	728	16	1026	199	687	135	540	159
228242_at	N4BP2	1458	17	1074	117	943	59	189	14
222161_at	NAALAD2	175	61	104	16	910	114	10	3
220184_at	NANOG	5685	278	6042	463	55	10	44	20
219368_at	NAP1L2	914	55	649	75	45	9	73	12
204749_at	NAP1L3	2189	381	2242	221	213	69	89	82
201970_s_at	NASP	6774	74	5543	336	1667	234	834	81
238697_at	NCRNA00086	298	51	193	37	613	89	22	8
203961_at	NEBL	262	38	327	36	245	16	150	8
203413_at	NELL2	1279	37	1309	82	111	26	44	3
204702_s_at	NFE2L3	526	20	597	78	267	79	23	13
215228_at	NHLH2	108	24	145	32	33	5	16	1
221933_at	NLGN4X	3114	161	3385	379	354	127	25	7
221690_s_at	NLRP2	1464	726	1088	446	1057	367	22	1
206023_at	NMU	2029	114	1623	197	55	14	26	4
230916_at	NODAL	900	39	997	163	309	108	68	1
206801_at	NPPB	632	204	548	177	1899	703	57	9
205440_s_at	NPY1R	143	31	71	18	64	16	9	3
228894_at	NR6A1	1154	57	1084	89	778	168	76	11
227494_at	NR6A1	727	58	915	121	772	162	109	7
206291_at	NTS	2103	646	3794	903	746	224	15	6
213947_s_at	NUP210	547	26	547	54	293	39	202	87
220520_s_at	NUP62CL	84	16	86	7	29	3	32	4
209925_at	OCLN	198	28	184	31	624	148	578	430
213599_at	OIP5	2013	55	1393	114	176	21	110	72
205085_at	ORC1L	514	21	378	42	57	5	33	10
219073_s_at	OSBPL10	907	20	995	164	855	106	87	73
242128_at	OTX2	2717	173	1782	294	551	161	9	1
211778_s_at	OVOL2	168	16	141	20	213	56	30	5
228245_s_at	OVOS/OVOS2	622	97	513	100	130	43	32	10
221868_at	PAIP2B	373	25	306	39	92	10	139	47
214834_at	PAR5	90	18	44	8	7	0	7	0
235165_at	PARD6B	566	33	420	61	1205	169	352	219
223435_s_at	PCDHA1	756	21	943	128	834	129	48	2
231725_at	PCDHB2	570	95	584	46	588	91	23	8
223629_at	PCDHB5	657	146	702	219	488	94	66	5
232553_at	PCYT1B	226	53	237	17	152	20	20	2
223358_s_at	PDE7A	1158	51	1002	56	473	30	65	36

221898_at	PDPN	727	29	729	63	600	95	40	15
209493_at	PDZD2	216	37	192	22	57	9	16	4
213302_at	PFAS	2475	27	1977	98	465	69	364	152
225958_at	PHC1	4691	285	3371	261	369	44	152	21
218338_at	PHC1/PHC1B	4380	342	3203	403	527	20	242	31
235024_at	PHF17	1040	113	637	78	448	102	90	25
204269_at	PIM2	1267	154	891	41	126	4	104	2
205632_s_at	PIP5K1B	239	28	222	57	370	63	18	5
223551_at	PKIB	1231	141	1280	120	1103	128	935	221
207717_s_at	PKP2	274	9	361	43	1187	231	646	83
209581_at	PLA2G16	2962	195	2611	218	1425	441	1172	19
218454_at	PLBD1	563	34	490	50	409	93	194	40
214745_at	PLCH1	453	30	375	58	91	10	51	7
230441_at	PLEKHG4B	331	12	310	21	227	64	32	2
225726_s_at	PLEKHH1	653	20	520	71	1592	172	265	63
210198_s_at	PLP1	1570	383	911	206	72	30	9	0
205190_at	PLS1	530	32	591	53	303	51	1358	140
204285_s_at	PMAIP1	4612	181	3351	303	471	185	325	309
201578_at	PODXL	9923	543	8961	415	5476	453	157	101
205909_at	POLE2	849	15	791	61	99	13	164	28
206653_at	POLR3G	2022	97	2036	171	52	12	115	65
208286_x_at	POU5F1 (OCT4)	11303	544	8105	983	170	15	217	56
214532_x_at	POU5F1B	7223	102	6228	540	173	11	197	38
210265_x_at	POU5F1P3	4766	233	3359	362	46	4	56	10
210905_x_at	POU5F1P4	4009	162	2723	348	58	5	76	20
209529_at	PPAP2C	689	39	370	75	130	13	51	8
209433_s_at	PPAT	1328	13	1305	121	315	62	123	9
212686_at	PPM1H	638	19	395	80	501	70	99	18
228494_at	PPP1R9A	427	21	379	38	324	46	18	2
213849_s_at	PPP2R2B	1308	46	750	140	110	45	17	0
228010_at	PPP2R2C	187	22	204	35	27	2	22	4
233002_at	PPP4R4	106	16	158	26	21	3	45	12
220714_at	PRDM14	2002	213	996	223	72	4	65	10
230708_at	PRICKLE1	666	77	855	142	476	47	46	19
205053_at	PRIM1	1555	56	1329	82	163	26	151	2
210038_at	PRKCQ	517	72	411	61	87	7	46	1
204304_s_at	PROM1	2197	312	2047	298	5964	1308	137	69
208165_s_at	PRSS16	188	13	140	22	332	32	22	6
202525_at	PRSS8	390	41	415	68	2322	83	158	16
229073_at	PRTG	142	52	1078	565	3094	339	17	0
210758_at	PSIP1	1961	103	1526	101	199	15	131	32
204469_at	PTPRZ1	2467	192	2104	178	67	33	6	1
218186_at	RAB25	435	58	371	51	1237	208	64	10
203020_at	RABGAP1L	2024	70	1625	199	374	44	331	38
204146_at	RAD51AP1	2230	93	2089	249	269	44	160	110
220549_at	RAD54B	182	31	127	25	50	7	22	2
230563_at	RASGEF1A	655	71	467	50	289	46	16	3
219142_at	RASL11B	1341	163	979	98	491	86	84	9
218035_s_at	RBM47	1804	29	1995	176	2280	352	2304	549
228802_at	RBPM52	5114	41	5443	415	2065	225	464	139

224578_at	RCC2	5617	91	5182	289	1941	128	534	214
204127_at	RFC3	2165	85	1987	162	274	43	245	133
209071_s_at	RGS5	487	41	1546	364	841	108	81	14
214519_s_at	RLN2	86	35	107	12	18	3	14	1
229782_at	RMST	1120	76	678	155	65	18	11	1
213467_at	RND2	576	5	597	38	145	9	55	0
235199_at	RNF125	886	125	448	92	47	5	391	171
239143_x_at	RNF138	515	37	349	52	51	6	51	10
232060_at	ROR1	2157	273	1905	226	738	119	409	394
226482_s_at	RP11-544M22.4	1482	104	1029	187	589	51	965	179
218499_at	RP6-213H19.1	2967	127	3211	392	1778	190	395	29
219370_at	RPRM	794	10	1460	321	148	16	88	28
1555878_at	RPS24	1368	76	964	119	341	19	636	107
213283_s_at	SALL2	4028	126	3267	207	832	120	114	3
243672_at	SALL3	1112	28	600	62	38	6	15	3
229661_at	SALL4	2998	135	3426	625	750	91	82	3
226548_at	SBK1	946	4	676	69	456	60	39	2
219196_at	SCG3	726	60	382	94	17	3	7	0
228782_at	SCGB3A2	504	47	352	41	36	3	24	1
203453_at	SCNN1A	1670	15	1241	118	876	245	123	23
203528_at	SEMA4D	318	9	255	24	180	10	27	1
223449_at	SEMA6A	2117	38	2983	572	1232	203	71	3
206442_at	SEMG1	85	3	111	17	10	1	10	0
208939_at	SEPHS1	5652	118	4429	150	415	72	335	96
209723_at	SERPINB9	3701	314	3945	485	2698	509	222	165
223122_s_at	SFRP2	2022	157	2859	588	305	112	18	3
205637_s_at	SH3GL3	656	35	846	133	324	35	54	1
230493_at	SHISA2	437	30	428	75	96	44	7	0
209848_s_at	SILV	466	21	376	32	252	18	107	43
210567_s_at	SKP2	413	33	360	36	91	9	37	8
202234_s_at	SLC16A1	2415	157	2000	110	1189	69	354	87
222939_s_at	SLC16A10	457	16	565	107	393	96	116	32
227506_at	SLC16A9	1684	289	1354	191	142	35	41	7
1554593_s_at	SLC1A6	290	111	296	50	26	8	8	0
203775_at	SLC25A13	1549	49	1574	84	1084	61	847	269
220474_at	SLC25A21	88	18	99	16	10	1	17	3
222088_s_at	SLC2A14	3002	143	3885	699	7479	899	101	37
202499_s_at	SLC2A3	4738	353	5842	1062	14179	1069	119	103
209267_s_at	SLC39A8	1077	95	1192	186	383	55	730	249
223748_at	SLC4A11	709	63	406	66	174	13	149	45
232263_at	SLC6A15	217	32	275	35	30	2	12	2
230597_at	SLC7A3	2146	21	1961	349	215	45	15	3
222071_s_at	SLCO4C1	250	28	165	33	242	98	195	117
1558217_at	SLFN13	36	8	124	22	30	2	19	5
205309_at	SMPDL3B	501	60	278	46	89	15	42	2
228370_at	SNRPN	4746	95	3650	385	566	84	228	8
206042_x_at	SNRPN/SNURF	6568	266	5196	531	515	79	850	2
220129_at	SOHLH2	373	79	293	77	72	8	14	1
212560_at	SORL1	1405	95	1206	72	499	144	1300	1065
228038_at	SOX2	7792	240	6287	384	452	289	17	7

209891_at	SPC25	562	24	469	43	33	5	42	34
205185_at	SPINK5	186	23	180	42	211	33	27	5
202826_at	SPINT1	417	28	551	107	2228	171	259	55
210715_s_at	SPINT2	2076	66	1621	147	4158	446	228	30
201998_at	ST6GAL1	1058	52	1173	138	1117	171	4933	463
228821_at	ST6GAL2	223	32	252	68	82	65	44	35
235334_at	ST6GALNAC3	263	20	310	28	715	85	12	4
227461_at	STON2	508	63	690	81	324	40	37	2
231969_at	STOX2	460	16	802	62	164	19	124	58
233252_s_at	STRBP	1496	129	1158	127	436	79	286	6
205691_at	SYNGR3	842	41	844	43	326	69	52	5
244227_at	SYT6	341	75	377	73	85	11	33	11
206552_s_at	TAC1	158	17	148	18	57	14	6	0
235020_at	TAF4B	870	34	1124	68	89	12	54	25
234970_at	TC2N	103	4	66	8	53	9	16	6
206286_s_at	TDGF1/TDGF3	14828	287	13589	661	1863	486	46	5
223530_at	TDRKH	246	10	261	35	69	10	57	4
41037_at	TEAD4	690	16	672	61	266	22	97	71
203449_s_at	TERF1	9136	334	6222	758	439	42	360	15
228906_at	TET1	2962	119	2278	220	1477	498	47	16
221035_s_at	TEX14	66	9	169	60	21	4	26	3
232760_at	TEX15	232	25	208	38	12	1	10	1
203176_s_at	TFAM	1552	58	1265	160	311	40	238	44
230185_at	THAP9	513	35	398	30	114	13	65	6
205122_at	TMEFF1	2143	104	1749	167	1266	79	57	38
225822_at	TMEM125	352	10	274	24	544	59	64	8
213285_at	TMEM30B	333	36	223	42	491	78	216	115
238846_at	TNFRSF11A	172	3	107	26	22	6	15	3
210643_at	TNFSF11	300	54	130	28	39	6	262	211
220065_at	TNMD	87	10	82	17	18	4	16	1
205742_at	TNNI3	212	42	163	19	50	7	27	5
213201_s_at	TNNT1	795	50	631	96	740	160	40	1
201690_s_at	TPD52	1748	8	1601	184	1723	173	1336	232
206117_at	TPM1	1529	211	1687	137	703	140	188	8
211796_s_at	TRBC1/2	263	27	360	56	40	5	85	29
213301_x_at	TRIM24	2909	105	2090	173	1541	68	583	149
219736_at	TRIM36	307	25	273	53	48	6	30	11
223599_at	TRIM6	863	56	635	100	779	95	259	61
213172_at	TTC9	238	26	220	31	43	3	31	3
204822_at	TTK	1809	45	1476	109	263	39	106	84
214023_x_at	TUBB2B	5101	357	4535	475	2294	125	55	12
202954_at	UBE2C	4190	26	3746	302	771	79	446	345
228956_at	UGT8	631	23	406	58	259	53	7	0
231325_at	UNC5D	708	39	401	61	83	18	22	2
224048_at	USP44	3052	84	2435	181	21	3	14	1
202546_at	VAMP8	1058	43	1000	276	1188	230	2988	604
226029_at	VANGL2	791	59	1022	103	762	107	20	3
219740_at	VASH2	2068	294	1209	169	35	6	22	3
203797_at	VSNL1	756	125	1143	285	152	57	496	198
239552_at	VWDE	400	122	87	45	24	9	12	3

204728_s_at	WDHD1	737	37	579	47	120	12	48	25
1556429_a_at	WDR67	324	7	226	27	23	4	22	5
204712_at	WIF1	305	53	220	27	243	62	16	1
229849_at	WIPF3	752	54	614	83	543	123	183	49
232282_at	WNK3	310	9	326	55	164	21	112	57
206698_at	XK	82	5	88	12	62	14	38	20
243161_x_at	ZFP42	3124	437	1417	472	376	101	12	3
233064_at	ZFR2	752	105	787	84	154	19	49	2
223642_at	ZIC2	3164	152	3434	405	384	119	12	2
207197_at	ZIC3	1762	16	1686	147	49	14	29	3
205739_x_at	ZNF107	781	148	733	72	234	44	104	4
1552947_x_at	ZNF114	325	8	257	32	174	58	15	1
206683_at	ZNF165	248	29	178	19	325	96	25	2
214823_at	ZNF204	415	25	397	76	267	12	15	2
242919_at	ZNF253	614	25	416	39	136	9	60	10
230789_at	ZNF280B	456	91	437	62	254	16	25	13
214761_at	ZNF423	1494	140	2038	269	672	189	66	26
1568873_at	ZNF519	367	30	290	29	50	7	30	7
219968_at	ZNF589	1162	36	970	96	184	15	131	1
207219_at	ZNF643	217	21	175	21	29	3	27	13
223616_at	ZNF649	524	112	499	54	61	12	33	6
242923_at	ZNF678	646	48	494	43	185	16	77	9
239482_x_at	ZNF708	385	26	316	32	123	16	43	6
229700_at	ZNF738	3398	192	2171	277	757	55	89	68
244552_at	ZNF788	523	34	397	45	60	6	36	15
241912_at	ZNF814	509	8	319	57	101	14	39	2
1569191_at	ZNF826	131	114	593	85	149	49	18	10
244640_at	ZNF850P	710	92	561	87	134	12	35	9
208119_s_at	ZNF93	1468	89	1193	87	500	43	97	33
1553875_s_at	ZSCAN10	558	89	624	92	53	4	59	2
231061_at		15325	617	13151	1369	465	69	132	0
231310_at		8281	300	6819	395	3450	207	23	10
1559280_a_at		4917	736	3763	421	2126	588	11	2
1554007_at		4634	130	3580	277	192	26	43	1
239752_at		3859	114	2879	224	908	86	573	423
226374_at		3328	32	2695	198	1693	84	1004	234
216405_at		3018	976	2086	723	54	4	35	5
237911_at		2969	868	992	116	13	1	10	0
228191_at		2581	272	2616	134	1731	309	399	11
1570266_x_at		2259	158	2466	247	162	7	139	3
227921_at		2007	47	1560	203	327	37	332	135
227492_at		1884	138	1875	121	2638	360	1813	1280
241535_at		1509	122	747	208	51	11	18	4
242346_x_at		1509	206	1137	162	214	20	54	41
211781_x_at		1486	108	1000	195	442	64	131	32
230785_at		1114	3	621	63	102	15	39	12
213484_at		1099	125	879	97	61	7	66	11
230356_at		1089	112	862	206	13	1	8	0
235363_at		1059	84	800	37	182	15	54	27
239231_at		1030	31	887	101	223	10	171	44

1569023_a_at		1021	178	1387	740	21	5	7	1
230423_at		986	112	813	95	40	3	41	3
242890_at		983	27	1047	104	168	27	44	25
227769_at		950	68	1184	95	156	18	18	4
226498_at		917	136	911	82	461	66	17	6
230312_at		807	20	736	143	236	22	143	7
236236_at		801	20	669	53	412	39	319	153
237193_s_at		792	136	809	170	92	28	15	1
231628_s_at		762	113	362	149	191	17	8	1
231690_at		739	37	418	57	53	11	254	98
232667_at		719	22	952	164	152	9	79	47
226497_s_at		658	103	612	58	395	52	25	3
240681_at		628	66	529	56	164	34	427	199
231079_at		604	11	586	68	37	2	37	4
230269_at		569	24	417	59	120	16	61	7
232254_at		544	38	551	104	169	21	58	24
230988_at		509	30	496	57	35	2	45	5
219987_at		509	19	495	90	183	49	30	5
240267_at		502	63	253	40	49	5	24	1
1560652_at		475	31	430	73	23	3	10	1
1556911_at		440	30	244	27	44	3	19	3
221648_s_at		432	23	326	49	472	219	1543	367
222033_s_at		431	35	339	57	272	19	42	12
227985_at		416	33	419	88	124	21	37	3
216319_at		395	59	221	47	10	1	12	3
243745_at		385	52	294	65	65	21	13	1
215594_at		384	48	354	130	226	80	62	29
237192_at		370	51	426	96	46	13	9	1
1556469_s_at		369	51	196	64	35	3	12	2
1562828_at		347	22	215	51	78	23	13	2
217676_at		333	102	227	74	30	3	28	5
239292_at		320	5	257	40	194	14	27	13
231192_at		313	28	205	51	20	2	25	13
233142_at		304	11	343	43	66	6	24	5
222325_at		275	9	169	25	57	11	12	1
239994_at		271	4	208	20	43	1	30	2
231311_at		269	50	245	27	919	94	89	8
237275_at		257	51	522	345	37	6	15	1
1564083_at		252	75	85	19	13	1	13	0
1554887_at		249	32	294	30	24	3	20	1
240987_at		237	45	183	98	39	15	7	0
231644_at		234	56	192	43	209	32	143	85
228441_s_at		233	12	169	23	85	17	33	0
233413_at		229	79	188	54	524	68	11	0
241455_at		218	19	206	27	196	35	29	1
243229_at		189	13	147	20	39	2	26	4
241466_at		187	8	141	22	35	3	36	4
231470_at		164	92	136	44	22	5	10	0
232202_at		161	44	166	21	445	47	30	0
1563357_at		159	11	152	40	82	13	11	6

228440_at		158	17	83	17	81	15	21	0
231594_at		152	57	99	30	19	1	17	1
230951_at		152	13	106	15	116	18	345	194
244867_at		148	27	208	62	21	2	8	0
238175_at		145	18	45	18	9	1	9	1
231925_at		144	11	232	105	101	18	15	2
241776_at		131	57	201	34	28	4	16	1
241772_at		117	32	106	24	34	5	8	1
1564964_at		89	22	40	9	7	0	8	1

PSC-FBs (5)		Tissue-FB (8)		PSC-NPC (6)		Fetal-NPC (5)	
<i>avg</i>	<i>stderr</i>	<i>avg</i>	<i>stderr</i>	<i>avg</i>	<i>stderr</i>	<i>avg</i>	<i>stderr</i>
113	18	101	18	300	59	197	24
8	0	8	0	8	0	8	1
50	15	30	3	33	4	31	5
1815	1118	1183	522	392	143	193	36
203	28	159	26	2901	209	711	187
81	28	33	3	118	36	35	4
73	13	66	6	379	86	560	126
25	3	35	4	115	17	192	25
84	21	91	43	777	174	142	61
54	3	35	2	1138	159	1639	207
69	32	22	3	43	7	39	10
76	10	69	26	86	6	31	6
170	42	12	2	1298	178	614	119
659	170	163	30	199	39	29	13
89	6	47	5	85	14	63	7
227	54	425	70	2418	630	1756	213
226	39	137	27	987	252	917	376
482	99	95	13	453	42	277	92
146	46	134	58	215	37	87	9
144	13	105	11	565	98	130	16
158	57	199	89	931	91	386	93
34	4	30	2	45	6	44	15
362	27	142	54	501	190	1235	817
132	6	118	13	336	59	199	23
16	0	13	1	103	19	81	45
1456	1267	513	202	4156	762	5305	1237
157	28	32	9	1214	164	973	309
156	31	118	26	85	12	214	17
55	11	66	22	302	29	170	24
51	7	61	9	112	20	41	5
145	47	233	93	829	62	559	99
337	116	459	173	1885	115	1174	226
113	23	155	52	353	16	281	29
234	53	237	37	483	31	301	56
60	9	66	19	122	8	61	6
49	2	43	11	133	33	55	21
96	3	91	3	115	19	82	4
188	53	210	20	1007	103	408	87
740	460	48	4	101	23	30	5
125	13	79	13	937	138	263	24
116	18	111	31	244	50	139	9
15	2	13	1	314	64	476	50
273	44	273	71	859	41	467	47
94	24	56	11	310	55	242	47
136	14	172	33	421	84	234	38
14	1	15	2	145	25	108	55
139	18	84	15	284	44	158	23
48	6	44	6	730	127	634	385

326	29	367	50	1355	64	646	93
68	7	54	5	444	106	116	14
16	0	14	1	283	173	612	282
14	1	13	1	46	11	18	2
91	12	95	20	1115	138	387	85
8	1	10	1	32	7	15	4
34	4	24	2	277	34	262	69
44	1	36	2	54	6	44	7
296	85	368	105	1484	126	762	124
485	171	582	185	2441	161	1386	360
226	98	45	14	1285	231	885	266
4014	2385	109	36	9649	794	6567	1176
140	34	135	45	653	99	260	56
137	49	182	85	252	18	179	16
166	38	196	51	1364	131	757	169
180	39	319	68	1263	107	955	211
31	8	20	8	710	166	132	68
331	127	68	3	610	117	198	21
84	24	29	2	153	24	90	16
70	25	101	31	183	44	109	12
104	36	142	28	797	258	473	87
90	9	93	10	244	26	170	27
62	15	124	25	481	61	269	52
32	3	34	2	31	4	27	3
184	46	74	12	280	33	266	113
163	38	36	13	1964	207	987	203
155	25	206	49	381	57	260	29
116	28	22	1	84	18	32	6
24	4	22	4	132	22	82	16
10	1	10	1	25	2	40	11
48	2	44	3	111	15	89	22
30	2	29	4	85	15	98	31
36	1	23	1	284	97	25	3
108	11	88	7	243	45	78	8
77	9	78	5	650	171	270	95
31	8	29	8	122	18	132	26
25	2	23	2	83	9	228	39
53	12	17	1	307	61	231	50
66	9	43	5	5100	1013	155	23
86	15	76	50	992	181	454	173
158	32	28	5	82	12	25	4
69	20	44	2	145	96	52	7
81	15	14	1	242	44	148	28
10	1	10	1	10	1	10	1
15	1	13	1	14	0	13	1
93	9	75	5	7308	1098	303	114
371	58	25	12	1438	148	1485	354
22	2	21	1	34	6	22	4
165	19	133	8	355	59	227	27
338	119	57	13	2570	398	1969	341

29	4	15	1	87	13	70	13
43	19	146	86	53	18	124	73
46	5	32	2	237	95	35	4
201	106	40	4	51	9	32	3
31	13	20	5	419	33	112	20
10	1	8	1	8	2	8	1
97	43	129	42	1025	284	1809	291
77	7	58	10	115	17	58	8
36	3	35	4	96	10	168	49
55	18	73	29	707	63	331	77
152	27	200	23	119	22	87	11
216	71	354	124	1367	116	862	169
368	274	31	14	7327	1798	229	87
70	11	83	21	108	23	36	8
270	22	184	18	1032	66	485	55
143	17	112	13	1129	368	204	19
28	1	26	2	40	5	25	3
11	1	11	1	13	2	12	1
73	16	20	1	1353	180	83	32
177	54	25	4	601	106	77	30
131	21	188	56	373	28	288	26
1758	141	61	23	1564	176	409	162
279	111	447	203	1649	87	948	189
226	58	107	24	1188	161	853	87
53	13	115	80	2750	620	1173	167
52	14	32	6	71	19	73	16
14	2	13	1	45	15	34	16
554	144	251	65	299	40	65	15
72	8	48	3	390	58	65	4
100	18	83	14	154	19	109	56
39	13	23	2	42	12	25	7
27	4	25	3	792	230	67	21
44	4	47	7	66	9	39	6
156	80	26	3	644	103	423	132
41	3	46	2	60	5	49	5
132	28	28	5	161	32	30	6
52	8	40	6	556	220	198	131
76	11	112	38	177	23	99	9
25	1	20	1	215	83	20	3
56	7	44	4	108	23	40	10
306	102	28	4	1145	268	276	73
1402	343	212	118	902	221	1598	993
27	3	23	1	32	4	50	9
2233	283	1097	345	4994	459	11312	1191
396	73	262	33	456	45	272	31
37	3	36	5	119	31	200	56
66	27	13	2	248	117	59	17
42	10	24	4	248	32	265	18
10	1	10	1	15	2	10	1
208	54	144	26	172	23	127	23

482	46	347	78	2520	178	564	36
220	67	402	210	855	47	542	104
40	2	37	3	41	5	38	2
189	56	83	6	153	44	38	10
1055	277	37	18	1096	162	1438	336
181	56	191	61	986	195	571	111
386	154	138	34	157	19	134	47
186	24	157	38	150	25	136	42
45	16	110	29	1875	274	1381	277
35	1	31	2	250	56	37	5
140	69	52	14	838	113	608	166
41	19	13	2	53	10	33	13
72	2	92	13	92	8	84	8
48	6	46	2	51	4	46	3
31	9	14	2	11	1	10	1
214	53	140	15	496	72	279	56
33	2	29	2	43	6	32	3
10	1	11	0	83	45	94	78
40	1	37	1	61	13	42	2
287	94	124	35	328	28	150	54
268	43	467	129	445	75	250	194
149	12	121	8	233	27	103	8
9	2	7	0	702	153	332	98
441	314	44	24	1191	257	80	13
60	24	61	14	1554	726	237	67
40	3	50	4	195	41	379	114
134	39	412	339	150	19	111	68
77	35	43	15	70	12	30	13
93	19	102	18	144	35	103	21
92	33	48	27	386	84	200	48
64	2	61	3	177	41	81	24
281	78	345	141	1823	259	1206	218
217	65	276	113	1439	155	986	245
6	0	6	0	8	1	6	0
73	4	76	12	1363	261	1550	146
177	105	55	11	39	4	111	19
20	6	17	4	185	37	126	28
319	182	35	4	2953	558	387	244
625	263	141	28	1166	168	912	206
48	9	26	1	76	11	29	3
32	7	21	3	31	5	44	22
21	2	28	2	419	71	171	35
16	2	19	2	38	10	31	6
566	223	95	27	884	104	2070	405
34	8	13	2	48	8	112	8
23	7	12	0	900	122	44	11
32	3	25	2	54	9	28	2
14	1	51	10	99	35	82	16
59	18	25	3	146	33	94	23
1146	186	933	170	2464	187	1351	94

164	43	92	46	82	23	296	169
68	11	44	4	43	8	35	5
195	50	303	108	1028	154	488	88
32	5	53	18	91	11	105	20
15	1	14	1	518	375	16	3
36	1	43	4	100	42	46	6
40	14	22	1	187	46	631	168
202	33	133	17	1181	183	188	34
9	1	8	0	37	16	12	2
2362	277	663	146	5391	721	619	247
242	45	315	31	958	91	598	111
337	129	569	201	1612	188	564	90
27	7	11	1	151	25	19	2
40	10	22	2	61	13	28	3
298	95	17	2	322	66	232	22
517	155	14	1	1053	99	716	117
18	2	16	1	35	3	20	2
58	4	52	2	54	9	210	126
38	4	30	3	4790	382	250	78
558	72	93	13	1454	175	175	14
1429	149	660	167	2909	450	1474	343
96	12	122	24	323	62	154	31
45	11	27	3	1641	239	1280	811
124	23	184	34	3145	394	1923	354
336	98	318	43	444	56	176	25
606	43	402	90	846	75	680	77
724	427	19	6	483	46	538	107
25	11	17	3	380	74	73	18
50	2	47	3	86	25	47	7
93	18	44	5	186	39	307	126
330	41	271	29	1380	224	604	29
337	147	25	2	79	21	241	91
18	2	13	1	159	41	168	62
1603	550	34	4	696	125	1410	319
97	16	54	24	79	19	62	12
20	3	12	1	38	12	230	78
12	1	11	0	22	7	11	1
40	3	44	5	132	19	38	6
623	363	32	12	143	42	76	27
36	3	53	9	53	9	56	4
623	309	31	3	342	142	380	171
84	19	44	4	247	26	239	12
162	22	105	34	427	46	82	11
72	15	35	3	57	6	47	2
72	16	44	5	365	53	100	24
47	4	33	3	210	65	42	3
91	26	137	36	1374	131	922	224
255	32	280	52	337	30	379	25
47	3	45	3	52	5	46	6
39	2	36	3	52	9	42	6

13634	2598	674	346	2487	429	163	44
1951	1005	410	283	693	204	16	3
5076	2073	135	10	1344	293	95	7
48	10	51	7	701	354	52	16
78	22	82	26	441	60	224	25
629	92	564	85	905	159	1141	333
37	3	30	2	46	5	35	4
27	2	24	1	53	8	143	72
27	1	25	3	34	4	29	2
58	5	42	3	84	16	140	67
19	3	15	1	3502	1223	20	7
230	122	12	1	2952	460	23	5
102	13	82	8	746	157	482	179
15	2	13	1	36	14	18	5
140	39	32	3	289	75	133	28
51	12	30	3	49	4	72	19
26	2	23	1	63	12	143	82
47	24	48	15	124	40	191	40
24	2	23	1	31	4	35	6
246	84	10	0	224	30	14	3
49	4	42	3	129	38	88	9
39	6	20	1	76	14	39	7
1679	192	82	27	2601	233	81	44
50	17	9	1	84	22	6	1
50	6	81	23	187	19	133	28
22	1	17	1	19	2	18	2
57	6	33	2	82	9	33	5
35	5	27	2	81	19	118	25
45	10	33	1	160	29	128	46
33	6	63	15	179	16	117	28
9	0	9	0	13	2	10	0
152	37	18	10	1994	274	1551	194
52	9	86	8	221	68	41	10
304	40	388	69	447	67	224	14
21	1	18	1	26	4	19	2
631	176	733	242	2673	147	1419	183
476	265	14	2	279	72	79	32
121	34	22	2	157	40	123	52
19	4	86	20	180	29	160	35
199	23	147	14	248	71	153	17
56	3	54	3	63	5	56	6
47	7	83	10	53	7	30	5
13	1	16	1	365	78	115	51
131	43	252	153	529	23	441	80
445	94	538	132	1822	211	1004	220
89	9	140	46	275	31	265	30
244	85	339	104	809	88	597	133
36	13	53	8	58	16	21	3
289	16	354	33	401	55	249	39
93	45	13	3	1343	302	2568	751

28	3	59	12	783	325	459	219
36	4	62	13	151	48	32	8
416	153	619	267	2158	257	1404	486
50	17	79	35	468	64	201	41
92	27	19	5	44	11	12	2
61	24	67	17	501	107	329	62
314	40	227	20	440	32	145	26
314	56	339	67	1137	69	825	127
368	13	331	22	512	31	193	18
524	42	396	37	1614	215	560	80
45	22	24	7	2338	69	1039	431
138	21	95	23	801	107	602	131
55	8	40	2	276	95	192	42
289	39	174	22	748	39	404	73
124	58	19	2	238	34	31	9
26	3	29	2	146	66	49	6
45	13	45	13	206	60	252	68
1138	251	336	92	1092	135	1460	168
554	73	845	96	4059	282	1735	289
18	1	18	1	133	27	99	21
71	28	22	2	430	104	223	68
54	4	51	7	2986	712	1960	806
102	34	86	29	40	3	98	42
18	1	18	1	468	142	99	76
87	40	102	43	1077	170	2232	209
61	27	20	2	150	79	37	6
89	45	22	2	652	67	243	34
90	6	78	2	76	12	73	4
940	505	48	3	470	291	35	3
28	10	7	1	100	62	14	1
84	4	63	6	320	42	70	5
128	4	109	5	412	109	105	3
18	1	15	2	353	113	38	14
87	8	63	5	433	71	227	48
16	5	9	1	132	21	21	2
21	3	22	4	28	5	25	4
173	52	211	91	936	41	666	133
41	4	46	10	111	11	62	10
791	248	222	50	162	47	81	34
10	1	10	1	1175	567	176	114
24	1	24	2	34	4	20	2
35	9	40	8	833	167	522	335
36	3	31	3	166	19	85	13
10	1	8	0	13	2	11	1
95	47	18	4	190	22	86	20
1258	105	32	4	929	142	702	87
749	89	86	8	732	111	125	35
298	60	43	11	512	158	277	39
34	11	21	2	88	18	215	30
146	15	163	21	872	110	412	93

1302	686	97	27	400	65	752	188
26	6	19	3	127	69	150	60
379	57	357	76	1119	186	611	18
254	18	289	27	729	52	649	84
310	21	337	42	752	56	601	52
168	19	130	15	207	24	155	15
106	9	92	6	123	15	113	10
37	12	17	2	248	49	321	150
1079	146	20	4	1273	240	414	211
836	370	10	2	193	30	28	5
310	105	319	50	353	69	925	194
59	9	40	5	144	16	86	27
28	0	42	11	507	115	183	47
49	8	29	5	183	46	123	25
103	27	49	6	341	71	236	31
33	14	17	1	1010	349	532	277
66	8	36	13	146	15	104	24
1126	369	862	331	825	172	568	231
254	101	761	470	1153	145	1003	152
126	35	161	69	460	20	288	33
151	39	107	27	94	17	47	11
151	14	127	4	398	194	123	14
176	11	144	5	399	181	131	7
42	5	40	2	134	71	36	4
61	8	44	2	140	63	51	4
67	6	67	13	45	5	56	9
264	25	196	35	561	77	468	101
97	10	34	6	137	32	41	8
22	6	34	13	492	92	524	87
206	122	32	9	306	89	1833	490
48	21	26	3	80	31	114	34
17	4	37	16	96	28	23	6
70	3	68	4	89	16	66	7
722	100	227	40	303	73	208	103
153	40	222	83	706	91	467	100
63	7	46	3	97	12	62	3
37	20	14	2	1560	192	1606	445
26	6	14	1	43	15	12	1
49	3	37	3	174	56	34	3
25	3	24	3	3405	733	50	14
179	22	234	25	671	48	579	104
14	4	8	1	2576	570	7628	757
24	3	24	4	144	43	21	1
216	9	221	32	430	46	464	35
300	120	421	170	1377	197	763	154
49	11	23	5	40	3	36	2
33	10	47	15	51	12	52	9
102	18	98	23	452	73	407	122
379	184	55	14	193	23	110	11
917	422	169	42	1718	131	397	68

1305	86	1000	76	2526	100	1222	49
325	93	416	127	839	64	682	60
890	453	117	61	1247	501	142	45
12	1	11	0	51	27	18	2
11	1	10	1	942	251	59	10
78	10	65	6	545	48	264	16
23	2	13	1	27	7	32	18
61	4	71	8	137	17	106	25
782	226	399	92	453	187	178	93
170	88	38	8	495	132	443	140
1261	260	174	47	2130	126	182	62
123	15	57	5	374	36	222	43
312	62	402	53	54	7	37	14
336	20	241	46	2702	421	1308	103
19	1	15	1	127	44	1077	224
135	21	105	8	592	90	120	11
48	2	39	2	1166	199	833	326
9	1	8	0	100	30	150	90
31	3	32	3	38	8	32	5
52	13	35	2	91	26	27	2
52	17	37	12	196	35	134	38
229	90	56	8	1031	192	1387	266
10	1	11	0	11	0	18	8
531	53	412	49	1543	67	915	148
852	353	157	46	437	211	51	27
484	458	420	191	3508	716	573	202
563	293	58	6	310	46	296	105
520	380	11	2	649	192	222	86
64	8	60	5	447	105	67	7
194	92	92	28	276	66	63	12
556	24	368	46	536	116	483	76
28	4	24	3	117	17	56	8
79	5	39	5	500	21	612	90
9	0	8	1	309	87	96	54
358	21	214	46	1062	105	340	45
10	1	12	3	18	2	11	1
694	133	670	143	1953	456	421	44
1097	202	954	260	3038	545	574	48
712	317	243	179	267	31	349	171
83	11	109	10	71	8	56	8
45	22	48	12	73	10	47	10
41	5	33	4	349	62	98	20
16	1	12	1	25	6	27	6
15	3	14	2	18	2	11	1
29	3	19	2	24	4	18	1
535	79	282	71	808	111	631	121
1163	105	912	171	1785	138	1517	139
38	17	23	3	393	146	55	8
53	12	55	29	502	59	471	138
13	3	17	6	6639	629	7734	949

70	22	119	67	347	37	227	41
46	11	33	3	169	60	34	2
134	33	43	3	149	29	42	5
708	311	107	26	716	118	138	41
124	20	65	8	452	37	199	50
494	432	8	0	311	135	201	78
165	62	25	9	634	102	173	25
25	3	39	10	391	71	393	32
162	68	118	97	777	125	779	209
136	19	129	18	687	59	416	78
202	31	104	22	420	78	494	44
43	3	43	4	60	3	97	15
7	0	7	0	548	446	563	539
90	16	110	27	136	9	61	15
9	1	10	1	10	1	19	5
72	22	40	2	468	308	41	2
40	2	23	2	187	26	172	27
314	53	168	24	131	21	69	17
997	231	539	20	1062	111	716	23
145	20	143	22	1003	141	255	59
22	1	18	1	20	1	19	1
10	1	8	1	44	12	61	30
260	32	252	38	546	60	341	40
79	9	57	5	239	23	172	22
194	43	317	43	2442	152	1326	539
60	3	52	3	99	19	63	7
18	3	21	2	40	15	18	5
12	2	14	5	9	0	9	1
14	1	12	1	20	5	344	321
16	0	15	1	23	5	14	1
35	2	25	2	72	23	22	1
267	130	82	23	153	34	40	5
739	408	73	25	647	107	355	139
1006	299	488	90	675	90	230	72
71	40	46	15	29	3	62	39
405	35	191	26	1270	102	1196	200
26	3	17	2	317	115	409	187
252	15	205	31	197	44	51	8
33	10	8	1	91	26	208	72
180	67	267	111	918	55	571	120
363	225	175	70	5115	356	6165	532
812	292	923	385	3873	255	1952	440
7	0	8	0	94	11	247	50
19	1	24	3	247	67	333	61
25	4	107	53	215	71	39	6
326	170	33	6	308	93	69	29
230	53	49	18	2144	228	1236	232
56	19	59	37	214	52	204	63
171	24	49	11	157	37	272	41
8	0	9	0	18	5	8	0

69	7	107	21	275	31	182	28
37	5	39	8	97	17	51	3
17	1	17	1	76	33	66	26
55	6	55	6	220	59	602	256
52	6	20	2	349	64	240	46
19	5	10	1	31	7	20	4
94	64	14	1	109	64	15	2
59	6	52	5	294	69	115	10
176	100	12	1	2671	509	1536	302
34	9	23	2	484	157	191	53
83	26	110	16	217	16	295	47
25	2	15	2	93	3	59	15
12	1	16	1	29	7	17	1
37	15	26	9	167	37	55	21
45	5	53	8	212	43	180	37
237	26	71	17	256	68	169	20
155	48	92	30	3108	256	2023	396
30	5	47	6	179	41	82	24
146	11	153	12	235	25	172	12
47	5	29	6	76	6	53	9
48	4	62	5	71	10	70	7
79	14	78	16	380	31	253	17
43	3	53	8	173	36	107	16
350	49	341	49	2264	343	1057	240
52	4	98	11	87	14	105	11
36	3	41	5	57	12	50	8
29	2	46	9	178	42	49	18
112	24	58	9	139	29	79	11
178	31	171	23	554	31	456	85
73	2	65	4	62	8	65	5
115	12	145	12	764	381	132	27
24	3	22	4	2299	578	39	8
11	0	62	44	201	34	12	1
68	10	99	31	537	67	458	53
27	5	20	2	1245	181	616	182
177	58	29	8	1465	212	1171	235
54	23	38	2	588	552	25	3
9	1	10	1	54	29	10	1
510	125	266	32	1134	132	744	148
192	5	185	23	226	36	190	14
236	55	200	47	1349	320	721	188
129	46	133	37	342	75	200	40
33	8	57	23	148	48	42	10
55	6	60	13	215	42	171	23
183	33	81	5	272	53	147	48
49	2	37	3	127	32	716	115
61	5	60	7	335	81	698	170
9	0	8	0	22	6	9	0
71	14	93	26	388	39	361	59
147	6	173	17	243	65	170	21

8	0	7	0	8	1	8	0
44	4	40	2	103	33	53	17
110	36	121	71	355	24	186	30
42	10	16	2	634	136	593	319
1036	455	92	45	58	21	60	36
79	17	75	15	363	108	182	24
125	7	46	9	715	89	539	93
18	2	16	1	27	5	15	1
18	8	9	0	499	317	9	1
17	1	19	2	22	4	15	2
283	48	128	18	175	26	65	10
609	269	74	31	48	11	48	22
15	1	25	6	43	19	19	4
47	2	41	2	49	6	37	3
74	3	63	4	89	9	80	7
67	16	93	12	90	11	73	12
41	3	33	3	111	10	171	30
27	3	25	1	45	4	27	3
24	1	22	1	27	2	34	2
11	1	11	1	139	54	21	3
35	5	31	8	75	17	45	8
47	9	47	7	42	10	29	4
209	88	80	28	45	4	40	12
45	3	45	4	56	14	38	3
9	0	11	1	23	6	18	8
22	3	51	8	53	7	67	13
60	8	42	3	169	44	33	3
12	1	11	0	16	2	10	0
11	0	11	0	11	1	11	1
16	1	16	1	71	17	91	17
31	1	26	2	38	11	28	2
111	41	48	13	53	13	35	6
16	1	26	4	27	4	16	0
31	4	29	2	275	80	130	37
9	1	9	1	538	176	50	12
33	1	34	2	40	3	40	3
201	79	20	2	177	29	79	19
17	1	17	1	18	1	14	1
19	1	20	5	24	3	30	3
16	1	14	0	21	2	16	1
9	1	9	0	8	0	8	1
17	3	10	1	29	15	20	6
21	2	17	1	19	2	14	1
12	1	10	0	37	5	12	1
50	6	65	11	28	3	23	3
28	2	27	3	44	8	27	3
35	2	31	2	44	5	25	1
9	0	11	1	29	9	39	12
60	17	20	1	63	14	24	2
23	8	11	2	18	8	6	0

12	1	11	1	13	1	10	1
21	1	18	1	23	6	15	1
18	4	11	1	19	4	13	2
9	0	9	0	12	2	9	0
9	0	9	0	9	0	9	0
12	3	12	1	170	80	138	20
27	3	22	2	57	12	38	8
8	0	9	1	56	13	67	31
8	0	8	1	9	1	9	2

Supplemental Table 1 Expression of pluripotency genes across samples. Average normalized expression values across groups of similar samples for unique genes and unannotated probe sets identified as being highly expressed in pluripotent cells over specified somatic cells (Figure 3B). Note: in the event that more than one probe set for a single gene was identified, the probe set with the highest overall expression was selected.