

Schneider et. al. Supporting Information Table S1

Glycosylation	Prediction Server	Protein	Position	Potential	Jury Agreement	Result
N-Glycosylation	NetNGlyc 1.0 Server ¹	CD8 alpha	49 NPTS	0.7113	(9/9)	Warning: Asn-Pro-X sequence. No site predicted.
			CD3 zeta			No sites predicted in this sequence.
		CD3 delta	38 NTSI	0.6993	(9/9)	++
			74 NGTD	0.6801	(9/9)	++
		CD3 gamma	52 NITW	0.6704	(8/9)	+
			92 NKSK	0.6890	(9/9)	++
		CD3 epsilon				No sites predicted in this sequence.
		TCR alpha	93 NKSA	0.6532	(9/9)	++
			173 NVSQ	0.6240	(8/9)	+
			207 NKSD	0.5314	(6/9)	+
			218 NNSI	0.4418	(7/9)	-
			254 NLSV	0.5313	(6/9)	+
			TCR beta	30 NITK	0.8176	(9/9)
		37 NVTF		0.6997	(9/9)	++
		203 NDSR		0.6317	(9/9)	++
O-Glycosylation	NetOGlyc 3.1 Server ²	CD8 alpha	6 T	0.388	0.073	N
			22 S	0.187	0.037	N
			27 S	0.203	0.044	N
			32 T	0.31	0.059	N
			38 T	0.304	0.052	N
			48 S	0.185	0.125	N
			51 T	0.357	0.108	N
			52 S	0.3	0.031	N
			55 S	0.256	0.03	N
			66 S	0.255	0.236	N
			68 T	0.34	0.104	N
			74 S	0.256	0.071	N
			86 T	0.303	0.056	N
			90 S	0.176	0.05	N
			97 T	0.228	0.041	N
			101 T	0.214	0.047	N
			103 S	0.124	0.037	N
			116 S	0.155	0.033	N
			119 S	0.131	0.077	N
			121 S	0.118	0.018	N
126 S	0.25	0.06	N			
138 T	0.702	0.568	Y			
139 T	0.719	0.354	Y			

	140 T	0.721	0.511	Y
	147 T	0.742	0.635	Y
	151 T	0.738	0.553	Y
	154 S	0.629	0.138	Y
	158 S	0.57	0.085	Y
	174 T	0.298	0.079	N
	192 T	0.121	0.074	N
	199 S	0.094	0.06	N
	203 T	0.149	0.068	N
	224 S	0.293	0.063	N
	229 S	0.426	0.208	N
	231 S	0.472	0.155	N
CD3 zeta	8 T	0.374	0.092	N
	19 T	0.233	0.061	N
	23 S	0.159	0.074	N
	47 T	0.148	0.144	N
	56 S	0.156	0.079	N
	58 S	0.166	0.041	N
	124 S	0.159	0.053	N
	146 S	0.174	0.043	N
	147 T	0.274	0.051	N
	149 T	0.301	0.072	N
	152 T	0.351	0.042	N
CD3 delta	4 S	0.332	0.023	N
	5 T	0.436	0.031	N
	8 S	0.298	0.071	N
	14 T	0.337	0.065	N
	17 S	0.225	0.167	N
	20 S	0.245	0.027	N
	39 T	0.337	0.036	N
	40 S	0.226	0.022	N
	42 T	0.297	0.069	N
	47 T	0.255	0.049	N
	50 T	0.26	0.165	N
	53 S	0.202	0.054	N
	56 T	0.285	0.029	N
	76 T	0.231	0.031	N
	84 S	0.146	0.019	N
	85 T	0.2	0.075	N
	95 S	0.231	0.019	N
	103 T	0.279	0.191	N
	110 T	0.265	0.222	N

	115 T	0.247	0.327	N
	130 T	0.221	0.062	N
	134 S	0.175	0.073	N
	139 T	0.288	0.08	N
	161 S	0.195	0.055	N
CD3 gamma	20 T	0.134	0.02	N
	24 S	0.092	0.097	N
	41 S	0.131	0.029	N
	45 T	0.191	0.078	N
	54 T	0.187	0.045	N
	66 T	0.187	0.078	N
	76 S	0.159	0.031	N
	90 S	0.169	0.028	N
	94 S	0.127	0.064	N
	114 T	0.163	0.03	N
	116 S	0.109	0.063	N
	125 S	0.11	0.057	N
	145 S	0.195	0.201	N
	148 S	0.209	0.034	N
	152 T	0.303	0.227	N
	172 S	0.167	0.047	N
CD3 epsilon	3 S	0.283	0.03	N
	5 T	0.334	0.018	N
	16 S	0.137	0.078	N
	32 T	0.419	0.055	N
	34 T	0.398	0.022	N
	39 S	0.326	0.026	N
	41 S	0.374	0.152	N
	43 T	0.472	0.052	N
	44 T	0.474	0.037	N
	48 T	0.372	0.053	N
	55 S	0.223	0.035	N
	77 S	0.161	0.05	N
	83 S	0.179	0.069	N
	88 S	0.177	0.041	N
	93 S	0.214	0.021	N
	103 S	0.171	0.145	N
	129 S	0.118	0.083	N
	132 T	0.161	0.068	N
	141 T	0.131	0.102	N
	152 S	0.145	0.055	N
	163 T	0.32	0.097	N

TCR alpha	200 S	0.242	0.054	N
	8 S	0.163	0.029	N
	21 S	0.183	0.034	N
	34 S	0.203	0.041	N
	36 S	0.174	0.049	N
	38 S	0.153	0.071	N
	45 S	0.139	0.036	N
	52 T	0.146	0.056	N
	54 S	0.092	0.017	N
	71 T	0.211	0.138	N
	75 S	0.218	0.048	N
	77 S	0.195	0.035	N
	78 S	0.191	0.037	N
	89 T	0.244	0.068	N
	95 S	0.155	0.021	N
	100 S	0.201	0.063	N
	106 S	0.187	0.609	N
	111 S	0.256	0.024	N
	123 T	0.364	0.031	N
	125 S	0.251	0.03	N
	128 T	0.32	0.079	N
	131 T	0.366	0.046	N
133 T	0.421	0.026	N	
138 T	0.362	0.271	N	
155 S	0.249	0.043	N	
157 S	0.229	0.025	N	
158 S	0.213	0.053	N	
161 S	0.228	0.024	N	
166 T	0.317	0.053	N	
170 S	0.261	0.037	N	
172 T	0.3	0.032	N	
175 S	0.207	0.395	N	
177 S	0.203	0.31	N	
180 S	0.224	0.024	N	
185 T	0.278	0.176	N	
188 T	0.3	0.019	N	
194 S	0.175	0.047	N	
199 S	0.187	0.049	N	
201 S	0.158	0.028	N	
206 S	0.162	0.092	N	
209 S	0.202	0.024	N	
220 S	0.271	0.021	N	

	226 T	0.389	0.033	N
	230 S	0.293	0.05	N
	233 S	0.336	0.019	N
	234 S	0.345	0.053	N
	243 S	0.247	0.042	N
	246 T	0.247	0.052	N
	248 T	0.194	0.019	N
	256 S	0.082	0.028	N
	275 T	0.205	0.081	N
	280 S	0.258	0.049	N
	281 S	0.292	0.018	N
TCR beta	3 T	0.28	0.043	N
	4 S	0.196	0.026	N
	21 T	0.204	0.049	N
	24 S	0.199	0.469	N
	32 T	0.342	0.053	N
	39 T	0.226	0.093	N
	46 S	0.127	0.056	N
	57 T	0.189	0.032	N
	66 T	0.189	0.06	N
	77 S	0.199	0.032	N
	81 S	0.237	0.057	N
	85 S	0.216	0.052	N
	92 S	0.288	0.045	N
	94 S	0.277	0.029	N
	95 T	0.365	0.078	N
	101 T	0.339	0.257	N
	106 S	0.207	0.019	N
	113 S	0.19	0.037	N
	114 S	0.184	0.022	N
	128 T	0.302	0.028	N
	131 S	0.222	0.062	N
	150 S	0.292	0.096	N
	155 S	0.317	0.047	N
	157 T	0.43	0.215	N
	161 T	0.369	0.048	N
	167 T	0.261	0.053	N
	177 S	0.186	0.05	N
	187 S	0.283	0.051	N
	190 S	0.292	0.094	N
	191 T	0.402	0.061	N
	205 S	0.274	0.021	N

210 S	0.179	0.054	N
211 S	0.15	0.025	N
216 S	0.132	0.038	N
218 T	0.178	0.024	N
237 S	0.16	0.043	N
243 T	0.294	0.055	N
251 T	0.329	0.077	N
255 S	0.288	0.073	N
267 T	0.283	0.053	N
268 S	0.201	0.053	N
270 S	0.169	0.026	N
277 S	0.127	0.072	N
279 T	0.201	0.045	N
290 T	0.158	0.026	N
297 S	0.09	0.086	N

¹NetNGlyc 1.0 Serve (<http://www.cbs.dtu.dk/services/NetNGlyc/>)

²NetOGlyc 3.1 Server (<http://www.cbs.dtu.dk/services/NetOGlyc/>)