

Table 3. Original supporting data for Fig. 4.

Chromosome	Similarity	No. Alus		50-k intervals		No. Alus		50-k intervals		Alu densities		
		x<0.41				x>=0.41				x<0.41	x>=0.41	Total
Autosomes	100	1142	25459	507	14938	1649	40397	0.04	0.03	0.04		
	99	3151	25459	1467	14938	4618	40397	0.12	0.1	0.11		
	98	3830	25459	1821	14938	5651	40397	0.15	0.12	0.14		
	97	4302	25459	2269	14938	6571	40397	0.17	0.15	0.16		
	96	5939	25459	4052	14938	9991	40397	0.23	0.27	0.25		
	95	9633	25459	8149	14938	17782	40397	0.38	0.55	0.44		
	94	16151	25459	15382	14938	31533	40397	0.63	1.03	0.78		
	93	24175	25459	24077	14938	48252	40397	0.95	1.61	1.19		
	92	30605	25459	30343	14938	60948	40397	1.2	2.03	1.51		
	91	35616	25459	34833	14938	70449	40397	1.4	2.33	1.74		
	90	39244	25459	37709	14938	76953	40397	1.54	2.52	1.9		
	SIM	x<0.41		x>=0.41		Total	Total	x<0.41	x>=0.41	Total		
Chr. X	100	54	1716	9	415	63	2131	0.03	0.02	0.03		
	99	153	1716	28	415	181	2131	0.09	0.07	0.08		
	98	184	1716	42	415	226	2131	0.11	0.1	0.11		
	97	225	1716	67	415	292	2131	0.13	0.16	0.14		
	96	357	1716	122	415	479	2131	0.21	0.29	0.22		
	95	616	1716	264	415	880	2131	0.36	0.64	0.41		
	94	1015	1716	472	415	1487	2131	0.59	1.14	0.7		
	93	1393	1716	687	415	2080	2131	0.81	1.66	0.98		
	92	1702	1716	826	415	2528	2131	0.99	1.99	1.19		
	91	1883	1716	921	415	2804	2131	1.1	2.22	1.32		
	90	2038	1716	972	415	3010	2131	1.19	2.34	1.41		
	SIM	x<0.41		x>=0.41		Total	Total	x<0.41	x>=0.41	Total		
Chr. Y	100	14	186	2	26	16	212	0.08	0.08	0.08		
	99	34	186	6	26	40	212	0.18	0.23	0.19		
	98	46	186	6	26	52	212	0.25	0.23	0.25		
	97	50	186	8	26	58	212	0.27	0.31	0.27		
	96	53	186	8	26	61	212	0.28	0.31	0.29		
	95	66	186	9	26	75	212	0.35	0.35	0.35		
	94	83	186	10	26	93	212	0.45	0.38	0.44		
	93	114	186	11	26	125	212	0.61	0.42	0.59		
	92	144	186	17	26	161	212	0.77	0.65	0.76		
	91	169	186	24	26	193	212	0.91	0.92	0.91		
	90	217	186	31	26	248	212	1.17	1.19	1.17		

Sim. to cons	Ratios of Alu densities for different chromosomes*								
	x<0.41			x>=0.41			Total		
	X/A	Y/A	Y/X	X/A	Y/A	Y/X	X/A	Y/A	Y/X
100	0.7	1.68	2.39	0.64	2.27	3.55	0.72	1.85	2.55
99	0.72	1.48	2.05	0.69	2.35	3.42	0.74	1.65	2.22
98	0.71	1.64	2.31	0.83	1.89	2.28	0.76	1.75	2.31
97	0.78	1.59	2.05	1.06	2.03	1.91	0.84	1.68	2
96	0.89	1.22	1.37	1.08	1.13	1.05	0.91	1.16	1.28
95	0.95	0.94	0.99	1.17	0.63	0.54	0.94	0.8	0.86
94	0.93	0.7	0.75	1.1	0.37	0.34	0.89	0.56	0.63
93	0.85	0.65	0.76	1.03	0.26	0.26	0.82	0.49	0.6
92	0.83	0.64	0.78	0.98	0.32	0.33	0.79	0.5	0.64
91	0.78	0.65	0.83	0.95	0.4	0.42	0.75	0.52	0.69
90	0.77	0.76	0.98	0.93	0.47	0.51	0.74	0.61	0.83

Alu elements in segmental duplications were excluded from the analysis.
X, Y and A denote chromosomes X and Y and autosomes, respectively.

* Based on the last three columns of the original table above.