

Supplementary Table 6. 42 contigs (derived from unmapped reads) were matched to the EST database but unmatched to the NR-nucleotide database

rank	contig_id	pscore	query_length	target_length	target_accession
1	53546 length 301 cvg_6.0_tip_1	2.86E-24	301	609	84588596
1	53766 length 304 cvg_6.0_tip_1	8.91E-77	304	653	18817627
1	53830 length 304 cvg_5.0_tip_1	2.30745E-06	304	651	112589012
1	53974 length 306 cvg_6.0_tip_1	1.42E-149	306	596	50529253
1	54826 length 316 cvg_8.6_tip_1	5.08E-29	316	551	50449893
1	55664 length 326 cvg_4.0_tip_1	8.02E-99	326	443	50440720
1	55674 length 326 cvg_7.3_tip_1	3.39E-67	326	551	50449893
1	56050 length 330 cvg_7.0_tip_1	9.95762E-06	330	557	50528320
1	56702 length 340 cvg_7.0_tip_1	2.32E-179	340	561	50526540
1	58026 length 359 cvg_7.0_tip_1	1.81E-118	359	641	60541493
1	59870 length 389 cvg_8.0_tip_1	6.64E-69	389	609	84588596
1	59878 length 389 cvg_5.0_tip_1	8.51E-16	389	863	84586154
1	60164 length 394 cvg_6.0_tip_1	1.54E-134	394	569	60585400
1	60562 length 401 cvg_10.0_tip_1	1.86E-38	401	582	50449823
1	60650 length 403 cvg_4.0_tip_1	7.89021E-07	403	658	18823537
1	61634 length 422 cvg_7.5_tip_1	1.41E-48	422	768	84584849
1	63244 length 459 cvg_7.0_tip_1	1.66E-54	459	263	84589393
1	63536 length 467 cvg_6.0_tip_1	2.30E-115	467	923	84589511
1	64908 length 507 cvg_9.0_tip_1	0	507	664	60563913
1	65602 length 528 cvg_4.0_tip_1	1.01E-40	528	501	15911712
1	65648 length 530 cvg_7.6_tip_1	2.59E-78	530	609	84588596
1	65718 length 533 cvg_4.0_tip_1	1.47E-178	533	329	60582512
1	66232 length 550 cvg_10.0_tip_1	9.88E-72	550	840	84588081
1	66268 length 551 cvg_9.6_tip_1	7.21E-156	551	618	50532189
1	66792 length 573 cvg_7.7_tip_1	1.02E-34	573	653	18817627
1	67146 length 588 cvg_7.0_tip_1	3.85E-28	588	609	84588596
1	68202 length 639 cvg_9.4_tip_0	1.75E-104	639	551	50449893
1	68702 length 672 cvg_4.0_tip_1	0	672	860	84588879
1	68814 length 680 cvg_10.0_tip_1	9.38134E-14	680	406	60527815
1	69100 length 698 cvg_6.1_tip_1	7.46E-30	698	609	84588596
1	69258 length 708 cvg_5.0_tip_1	0	708	673	60539614
1	69624 length 737 cvg_9.0_tip_1	5.17E-142	737	277	60635979
1	69972 length 764 cvg_10.6_tip_1	6.33E-46	764	443	50440720
1	70632 length 841 cvg_7.0_tip_1	2.89E-85	841	620	84589119
1	70970 length 890 cvg_7.0_tip_1	6.72E-111	890	412	62146151
1	71804 length 1022 cvg_9.0_tip_1	9.56E-55	1022	565	50441438
1	72338 length 1155 cvg_9.0_tip_1	3.93939E-11	1155	609	84588596
1	72362 length 1162 cvg_7.9_tip_1	2.46E-46	1162	412	62146151
1	72408 length 1174 cvg_67.7_tip_0	1.43E-75	1174	900	84586140
1	72662 length 1257 cvg_9.0_tip_1	2.05E-25	1257	181	60636521
1	73018 length 1456 cvg_55.3_tip_0	4.66E-42	1456	620	84589119
1	73228 length 1613 cvg_7.4_tip_1	2.36E-16	1613	609	84588596