

Supplementary Table 1: Defining clinical, biochemical and ultrasound criteria of women with PCOS in contributing cohorts. Abbreviations: IM irregular menses; HA hyperandrogenism; PCOM polycystic ovary morphology; T testosterone; FT free testosterone; AD androstenedione; NA not available. To convert to SI units, multiply testosterone by 0.0347 and androstenedione by 3.492.

Cohort	IM	Clinical HA	Biochemical HA			PCOM
			T	FT	AD	
Iceland (1,2)	< 9 menses/yr	FG > 6 or acne	> 63 ng/dL	NA	>3.8 ng/mL	≥ 10 follicles 2-10 mm or > 10 cc volume
Boston (1,2)	< 9 menses/yr	FG > 9 or acne	> 63 ng/dL	NA	>3.8 ng/mL	≥ 10 follicles 2-10 mm or > 10 cc volume
Chicago (3)	< 9 menses/yr	FG ≥ 9	NA	≥ 21.8 pmol/L	NA	NA

Supplementary Table 2: Number of subjects with PCOS and controls who manifested one of the Rotterdam criteria for PCOS and the number who fulfilled the Rotterdam or NIH criteria for PCOS. Abbreviations: IM irregular menses; HA hyperandrogenism; PCOM polycystic ovary morphology; NA not available.

Cohort	Subject Group	# IM	# HA	# PCOM	# Rotterdam	# NIH
Iceland	PCOS	404	1,348	554	684	376
	Controls ¹	NA	NA	NA	NA	NA
Boston	PCOS	565	608	575	591	565
	Controls	0	0	145 ²	0	0
Chicago	PCOS	203	203	NA	203	203
	Controls	NA	NA	NA	NA	NA

¹ Control subjects did not report features of PCOS and were not affected participants in the PCOS study.

² A total of 332 controls had an ultrasound.

Supplementary Table 3. Odds ratios (OR) and *P* values for the association of PCOS with seven SNPs identified in a genome-wide association study of Chinese women, with no adjustment and adjusted for BMI and age in Iceland and Boston sample sets combined using a Mantel-Haenszel model. The association *P* values are two sided and adjusted for genomic controls in Iceland ($\lambda = 1.16$).

SNP	No adjustment		Adjusted for age and BMI	
	OR	<i>P</i>	OR	<i>P</i>
rs13405728	1.14	0.40	1.18	0.30
rs12468394	1.09	0.17	1.11	0.14
rs13429458	1.11	0.32	1.14	0.24
rs12478601	1.11	0.12	1.08	0.29
rs10818854	1.53	0.00019	1.68	0.0013
rs2479106	1.08	0.26	1.07	0.39
rs10986105	1.85	0.00098	1.94	0.00013

The analysis of the Icelandic samples was restricted to the 13,585 out of 16,976 controls that had BMI available. All the 376 Icelandic PCOS cases had BMI information.

Supplementary Table 4. Hormone levels as a function of genotype at all seven PCOS risk variants, previously identified in Han Chinese women (5), in women of European ancestry in the combined sample sets from Iceland and Boston. Phenotype data from Chicago subjects was not available. Linear regression using an additive genetic model was used to test for association of PCOS risk variants with 22 log-transformed quantitative traits in PCOS cases and controls. Results were adjusted for age and BMI (Boston) and age only (Iceland) and were meta-analyzed using a fixed effects inverse-variance model. Results are reported as P_{nominal} values. rs13429458 was analyzed only in the Icelandic cohort. A p value $< 3.2 \times 10^{-4}$ was considered significant after Bonferroni correction for 22 traits and 7 SNPs and significant values are highlighted in bold.

SNP	Trait	Effect/other allele	N	Beta	SE	P_{nominal}	Direction	$P_{\text{heterogeneity}}$
rs12468394	Testosterone	a/c	1455	0.067	0.015	9.91E-06	++	0.440
rs13429458	Testosterone	a/c	905	-0.043	0.039	0.270	-?	-
rs12478601	Testosterone	t/c	1455	0.007	0.046	0.877	++	0.963
rs13405728	Testosterone	a/g	1462	-0.043	0.025	0.086	--	0.317
rs10818854	Testosterone	a/g	1463	-0.014	0.031	0.660	+-	0.145
rs2479106	Testosterone	a/g	1464	0.019	0.013	0.159	++	0.941
rs10986105	Testosterone	t/g	1463	0.028	0.039	0.481	-+	0.986
rs12468394	Androstenedione	a/c	1412	0.018	0.012	0.128	++	0.070
rs13429458	Androstenedione	a/c	905	-0.044	0.026	0.091	-?	-
rs12478601	Androstenedione	t/c	1412	-0.004	0.027	0.875	+-	0.014
rs13405728	Androstenedione	a/g	1417	-0.024	0.019	0.202	--	0.181
rs10818854	Androstenedione	a/g	1418	-0.011	0.025	0.659	+-	0.539
rs2479106	Androstenedione	a/g	1419	0.017	0.008	0.041	++	0.566
rs10986105	Androstenedione	t/g	1418	0.041	0.031	0.186	-+	0.374
rs12468394	DHEAS	a/c	1460	-0.021	0.016	0.193	+-	0.315
rs13429458	DHEAS	a/c	905	-0.056	0.038	0.141	-?	-
rs12478601	DHEAS	t/c	1460	0.008	0.036	0.829	+-	0.126
rs13405728	DHEAS	a/g	1467	-0.008	0.025	0.739	-+	0.035
rs10818854	DHEAS	a/g	1468	0.017	0.032	0.589	++	0.965
rs2479106	DHEAS	a/g	1469	-0.007	0.016	0.644	--	0.969

rs10986105	DHEAS	t/g	1468	-0.019	0.038	0.620	--	0.571
rs12468394	17 OH-progesterone	a/c	904	0.054	0.028	0.052	++	0.263
rs13429458	17 OH-progesterone	a/c	904	-0.054	0.039	0.166	-?	-
rs12478601	17 OH-progesterone	t/c	904	0.034	0.067	0.611	++	0.794
rs13405728	17 OH-progesterone	a/g	905	0.003	0.027	0.911	+-	0.111
rs10818854	17 OH-progesterone	a/g	906	0.097	0.082	0.238	++	0.616
rs2479106	17 OH-progesterone	a/g	907	0.011	0.012	0.333	+-	0.223
rs10986105	17 OH-progesterone	t/g	907	-0.046	0.244	0.849	+-	0.302
rs12468394	Progesterone	a/c	891	0.024	0.065	0.712	+-	0.517
rs13429458	Progesterone	a/c	891	-0.040	0.065	0.538	-?	-
rs12478601	Progesterone	t/c	891	-0.023	0.037	0.540	+-	0.474
rs13405728	Progesterone	a/g	892	-0.004	0.103	0.972	+-	0.600
rs10818854	Progesterone	a/g	893	0.042	0.284	0.883	++	0.938
rs2479106	Progesterone	a/g	894	0.020	0.022	0.360	+-	0.539
rs10986105	Progesterone	t/g	894	-0.223	0.353	0.527	--	0.990
rs12468394	SHBG	a/c	1454	0.034	0.015	0.022	+-	0.068
rs13429458	SHBG	a/c	905	-0.024	0.043	0.577	-?	-
rs12478601	SHBG	t/c	1454	-0.034	0.028	0.231	--	0.448
rs13405728	SHBG	a/g	1460	0.005	0.014	0.700	++	0.558
rs10818854	SHBG	a/g	1461	0.033	0.027	0.210	+-	0.030
rs2479106	SHBG	a/g	1462	-0.030	0.013	0.023	--	0.925
rs10986105	SHBG	t/g	1461	-0.047	0.032	0.140	--	0.046
rs12468394	LH_FSH	a/c	1406	0.033	0.017	0.050	++	0.790
rs13429458	LH_FSH	a/c	842	-0.039	0.032	0.223	-?	-
rs12478601	LH_FSH	t/c	1406	-0.035	0.048	0.461	+-	0.831
rs13405728	LH_FSH	a/g	1413	0.007	0.022	0.757	++	0.846
rs10818854	LH_FSH	a/g	1415	0.011	0.033	0.747	++	0.287
rs2479106	LH_FSH	a/g	1416	-0.003	0.016	0.859	--	0.932
rs10986105	LH_FSH	t/g	1415	-0.034	0.040	0.397	--	0.671
rs12468394	FSH	a/c	1407	0.005	0.010	0.613	+-	0.891
rs13429458	FSH	a/c	842	0.038	0.030	0.205	+?	-
rs12478601	FSH	t/c	1407	-0.011	0.016	0.512	+-	0.260

rs13405728	FSH	a/g	1414	0.018	0.017	0.273	+	0.460
rs10818854	FSH	a/g	1416	0.004	0.019	0.833	+	0.280
rs2479106	FSH	a/g	1417	0.006	0.008	0.388	++	0.538
rs10986105	FSH	t/g	1416	0.001	0.023	0.983	+-	0.378
rs12468394	LH	a/c	1406	0.007	0.010	0.525	+-	0.047
rs13429458	LH	a/c	842	-0.001	0.003	0.739	-?	-
rs12478601	LH	t/c	1406	0.006	0.007	0.356	+-	0.518
rs13405728	LH	a/g	1413	0.009	0.032	0.767	+	0.362
rs10818854	LH	a/g	1415	-0.018	0.012	0.134	+	0.408
rs2479106	LH	a/g	1416	-0.004	0.006	0.450	+	0.714
rs10986105	LH	t/g	1415	0.011	0.029	0.711	+-	0.193
rs12468394	Prolactin	a/c	2040	-0.016	0.012	0.181	+-	0.172
rs13429458	Prolactin	a/c	1370	0.028	0.033	0.396	+?	-
rs12478601	Prolactin	t/c	2040	-0.036	0.015	0.014	--	0.864
rs13405728	Prolactin	a/g	2050	0.018	0.021	0.389	++	0.866
rs10818854	Prolactin	a/g	2048	-0.021	0.021	0.330	+	0.055
rs2479106	Prolactin	a/g	2048	0.009	0.011	0.390	+-	0.088
rs10986105	Prolactin	t/g	2046	0.020	0.020	0.318	++	0.997
rs12468394	Maximum Ovarian Volume	a/c	1437	0.013	0.014	0.348	++	0.581
rs13429458	Maximum Ovarian Volume	a/c	855	-0.029	0.035	0.407	-?	-
rs12478601	Maximum Ovarian Volume	t/c	1437	-0.004	0.022	0.859	+-	0.584
rs13405728	Maximum Ovarian Volume	a/g	1446	0.011	0.024	0.656	+	0.761
rs10818854	Maximum Ovarian Volume	a/g	1444	-0.021	0.024	0.383	--	0.939
rs2479106	Maximum Ovarian Volume	a/g	1444	0.021	0.012	0.080	++	0.206
rs10986105	Maximum Ovarian Volume	t/g	1442	0.042	0.029	0.142	++	0.600
rs12468394	Maximum Follicle Number	a/c	1469	0.019	0.010	0.048	++	0.983
rs13429458	Maximum Follicle Number	a/c	826	-0.041	0.027	0.129	-?	-
rs12478601	Maximum Follicle Number	t/c	1469	-0.005	0.008	0.535	+	0.585
rs13405728	Maximum Follicle Number	a/g	1478	0.011	0.016	0.490	+	0.490
rs10818854	Maximum Follicle Number	a/g	1477	-0.016	0.018	0.383	+-	0.396
rs2479106	Maximum Follicle Number	a/g	1477	0.012	0.008	0.161	+	0.438
rs10986105	Maximum Follicle Number	t/g	1475	0.013	0.023	0.573	+	0.692

rs12468394	Maximum Waist Circumference	a/c	1987	0.003	0.002	0.202	-+	0.173
rs13429458	Maximum Waist Circumference	a/c	1262	-0.005	0.011	0.649	-?	-
rs12478601	Maximum Waist Circumference	t/c	1989	0.004	0.004	0.332	+-	0.189
rs13405728	Maximum Waist Circumference	a/g	2000	0.002	0.003	0.533	++	0.777
rs10818854	Maximum Waist Circumference	a/g	2000	0.003	0.004	0.504	-+	0.894
rs2479106	Maximum Waist Circumference	a/g	2001	0.000	0.002	0.882	++	0.798
rs10986105	Maximum Waist Circumference	t/g	1999	0.001	0.005	0.849	++	0.831
rs12468394	Maximum Hip Circumference	a/c	1984	0.002	0.002	0.316	-+	0.239
rs13429458	Maximum Hip Circumference	a/c	1262	-0.003	0.007	0.668	-?	-
rs12478601	Maximum Hip Circumference	t/c	1986	0.006	0.003	0.049	++	0.956
rs13405728	Maximum Hip Circumference	a/g	1997	-0.001	0.003	0.682	--	0.803
rs10818854	Maximum Hip Circumference	a/g	1997	-0.001	0.003	0.774	+-	0.541
rs2479106	Maximum Hip Circumference	a/g	1998	0.003	0.002	0.054	-+	0.512
rs10986105	Maximum Hip Circumference	t/g	1996	0.003	0.003	0.348	-+	0.322
rs12468394	Waist/Hip Circumference	a/c	1984	-0.0009	0.0032	0.7884	-+	0.3508
rs13429458	Waist/Hip Circumference	a/c	1262	-0.002	0.0068	0.77	-?	1
rs12478601	Waist/Hip Circumference	t/c	1986	0.0014	0.0023	0.5261	+-	0.2163
rs13405728	Waist/Hip Circumference	a/g	1997	0.0035	0.0033	0.2876	++	0.3701
rs10818854	Waist/Hip Circumference	a/g	1997	0.0024	0.0039	0.5406	-+	0.2899
rs2479106	Waist/Hip Circumference	a/g	1998	-0.0021	0.0018	0.2593	+-	0.1398
rs10986105	Waist/Hip Circumference	t/g	1996	-0.0014	0.0046	0.7664	+-	0.2318
rs12468394	Systolic Blood Pressure	a/c	2134	-0.002	0.003	0.536	+-	0.245
rs13429458	Systolic Blood Pressure	a/c	1263	-0.005	0.009	0.579	-?	-
rs12478601	Systolic Blood Pressure	t/c	2136	0.003	0.003	0.342	+-	0.175
rs13405728	Systolic Blood Pressure	a/g	2147	0.002	0.005	0.758	-+	0.169
rs10818854	Systolic Blood Pressure	a/g	2146	-0.008	0.006	0.209	--	0.887

rs2479106	Systolic Blood Pressure	a/g	2148	0.002	0.003	0.429	-+	0.020
rs10986105	Systolic Blood Pressure	t/g	2146	0.002	0.006	0.776	-+	0.149
rs12468394	Diastolic Blood Pressure	a/c	2133	0.003	0.003	0.309	++	0.457
rs13429458	Diastolic Blood Pressure	a/c	1263	-0.006	0.008	0.453	-?	-
rs12478601	Diastolic Blood Pressure	t/c	2135	0.010	0.004	0.009	+-	0.016
rs13405728	Diastolic Blood Pressure	a/g	2146	0.000	0.006	0.964	-+	0.109
rs10818854	Diastolic Blood Pressure	a/g	2145	-0.003	0.006	0.555	+-	0.102
rs2479106	Diastolic Blood Pressure	a/g	2147	0.004	0.003	0.175	-+	0.001
rs10986105	Diastolic Blood Pressure	t/g	2145	0.003	0.007	0.659	-+	0.028
rs12468394	Fasting Glucose	a/c	2101	0.005	0.003	0.050	++	0.345
rs13429458	Fasting Glucose	a/c	1383	-0.023	0.008	0.004	-?	-
rs12478601	Fasting Glucose	t/c	2101	0.007	0.004	0.038	+-	0.002
rs13405728	Fasting Glucose	a/g	2113	0.003	0.005	0.559	-+	0.627
rs10818854	Fasting Glucose	a/g	2111	0.000	0.003	0.903	+-	0.246
rs2479106	Fasting Glucose	a/g	2111	0.002	0.003	0.458	++	0.816
rs10986105	Fasting Glucose	t/g	2109	-0.003	0.005	0.579	-+	0.252
rs12468394	Fasting Insulin	a/c	2094	-0.010	0.014	0.477	-+	0.368
rs13429458	Fasting Insulin	a/c	1385	-0.001	0.020	0.960	-?	-
rs12478601	Fasting Insulin	t/c	2094	-0.009	0.031	0.776	+-	0.425
rs13405728	Fasting Insulin	a/g	2106	-0.004	0.024	0.876	--	0.955
rs10818854	Fasting Insulin	a/g	2104	-0.007	0.020	0.736	+-	0.446
rs2479106	Fasting Insulin	a/g	2104	0.020	0.016	0.230	++	0.797
rs10986105	Fasting Insulin	t/g	2102	0.048	0.045	0.290	?+	-
rs12468394	HbA1C	a/c	1287	-0.001	0.002	0.786	-+	0.329
rs13429458	HbA1C	a/c	635	0.001	0.004	0.803	+?	-
rs12478601	HbA1C	t/c	1287	0.000	0.003	0.929	-+	0.618
rs13405728	HbA1C	a/g	1296	-0.005	0.003	0.103	--	0.962
rs10818854	HbA1C	a/g	1294	0.001	0.003	0.710	+-	0.351
rs2479106	HbA1C	a/g	1294	0.001	0.002	0.735	++	0.949
rs10986105	HbA1C	t/g	1293	-0.003	0.004	0.474	--	0.301
rs12468394	Total Cholesterol	a/c	2035	-0.0056	0.005	0.2696	--	0.8198
rs13429458	Total Cholesterol	a/c	1384	-0.004	0.0212	0.85	-?	1

rs12478601	Total Cholesterol	t/c	2035	0.0014	0.0147	0.9258	+	0.9877
rs13405728	Total Cholesterol	a/g	2044	0.0007	0.0085	0.9311	+	0.1759
rs10818854	Total Cholesterol	a/g	2042	0.0221	0.0104	0.03405	+	0.8396
rs2479106	Total Cholesterol	a/g	2042	-0.0002	0.0039	0.9541	+	0.308
rs10986105	Total Cholesterol	t/g	2040	-0.0088	0.0126	0.4863	+	0.762
rs12468394	LDL cholesterol	a/c	2035	-0.006	0.008	0.441	--	0.856
rs13429458	LDL cholesterol	a/c	1384	-0.022	0.019	0.247	-?	-
rs12478601	LDL cholesterol	t/c	2028	0.013	0.023	0.584	+	0.799
rs13405728	LDL cholesterol	a/g	2037	-0.011	0.013	0.401	--	0.547
rs10818854	LDL cholesterol	a/g	2035	0.017	0.016	0.281	+	0.504
rs2479106	LDL cholesterol	a/g	2035	0.000	0.006	0.969	+	0.240
rs10986105	LDL cholesterol	t/g	2033	0.007	0.019	0.699	++	0.623
rs12468394	HDL cholesterol	a/c	2035	-0.001	0.007	0.863	+-	0.420
rs13429458	HDL cholesterol	a/c	1384	0.010	0.014	0.475	+?	-
rs12478601	HDL cholesterol	t/c	2035	-0.016	0.011	0.138	--	0.369
rs13405728	HDL cholesterol	a/g	2044	0.006	0.012	0.611	+-	0.389
rs10818854	HDL cholesterol	a/g	2042	0.015	0.011	0.181	++	0.870
rs2479106	HDL cholesterol	a/g	2042	-0.006	0.006	0.321	--	0.795
rs10986105	HDL cholesterol	t/g	2040	-0.014	0.014	0.314	--	0.484
rs12468394	Triglycerides	a/c	2034	-0.011	0.011	0.342	+	0.193
rs13429458	Triglycerides	a/c	1384	0.047	0.027	0.082	+?	-
rs12478601	Triglycerides	t/c	2034	0.000	0.008	1.000	+-	0.223
rs13405728	Triglycerides	a/g	2043	-0.036	0.021	0.082	--	0.159
rs10818854	Triglycerides	a/g	2041	0.029	0.026	0.275	+	0.932
rs2479106	Triglycerides	a/g	2041	0.006	0.008	0.424	+	0.187
rs10986105	Triglycerides	t/g	2039	-0.012	0.029	0.672	+-	0.449
rs12468394	Total Cholesterol/HDL	a/c	2035	-0.0029	0.0079	0.7085	+	0.4492
rs13429458	Total Cholesterol/HDL	a/c	1384	-0.014	0.0194	0.47	-?	1
rs12478601	Total Cholesterol/HDL	t/c	2035	0.0069	0.0061	0.2611	++	0.2327
rs13405728	Total Cholesterol/HDL	a/g	2044	-0.0115	0.0137	0.4037	--	0.187
rs10818854	Total Cholesterol/HDL	a/g	2042	-0.0007	0.016	0.9667	+	0.4558
rs2479106	Total Cholesterol/HDL	a/g	2042	0.0087	0.0067	0.1941	+	0.2938

rs10986105	Total Cholesterol/HDL	t/g	2040	0.0083	0.0185	0.6536	+-	0.287
------------	-----------------------	-----	------	--------	--------	--------	----	-------

Supplementary Table 5. Power estimates for detecting association between seven PCOS risk variants, previously identified in Han Chinese women (5), in women of European ancestry in the combined sample sets from Iceland, Boston and Chicago. The power is calculated for the combined effective sample size of 1,349 cases and 1,349 controls, estimated as the sum of the geometric mean of the number of cases and controls for each sample set. The Icelandic effective sample size is further reduced by dividing it by a genomic control factor of 1.16 to adjust for the relatedness of cases and controls. Two sets of power estimates are presented, both assuming seven markers tested and a significance threshold of $\alpha = 0.05/7 \approx 0.007$ and the minor allele frequency observed in European populations. One set estimates the power assuming the effect estimates observed in the Chinese population (5); the other estimates the effect (OR) detectable with 90% power.

SNP	Locus	OR in Chinese population	Minor allele frequency in Europeans	Power ($\alpha = 0.007$)	OR detectable with 90% power
rs13405728	2p16	1.41	0.051	61%	1.57
rs12478601	2p21	1.39	0.389	> 99%	1.25
rs13429458	2p21	1.49	0.117	> 99%	1.37
rs12468394	2p21	1.39	0.475	> 99%	1.24
rs10986105	9q33	1.47	0.037	63%	1.64
rs10818854	9q33	1.51	0.046	82%	1.57
rs2479106	9q33	1.34	0.256	> 99%	1.29

Supplementary Table 6. Association with PCOS in the Icelandic samples at the three loci, **a) 2p16, b) 2p21 and c) 9q33**, for all markers identified in the October 2010 release of the 1000 Genome Project dataset (1GP)(4) and that have correlation $r^2 > 0.5$ in the 197 Han Chinese samples with any one of the seven reported PCOS risk variants (5). The association is tested using the SNPTTEST program (6) and genotypes imputed into the Icelandic samples based on phased haplotypes for the 1094 individuals in the 1GP. Each table includes for each SNP its identifier and NCBI Build 37 position, the effect and non-effect allele, the frequency in the Han Chinese (CHB and CHS) and European (CEU, GBR and TSI) samples from 1GP and in the Icelandic samples, and the estimated OR and *P* value. The tables also included, for each loci, the *P* value when the association is tested conditional on each of the reported risk variants, and the correlation (r^2) between the SNP and corresponding reported risk variant, estimated both for the Han Chinese and European 1GP samples, respectively. All reported *P* values have been adjusted using the genomic control factor of 1.16. In each table results for the previously reported risk variants are highlighted in bold.

a) 2p16

SNP	Position	Allele		Frequency			OR	<i>P</i>	Info	Conditional on rs13405728		
		Effect	Other	China	Europe	Iceland				China r^2	Europe r^2	<i>P</i>
2-48958626	48958626	A	G	0.815	0.925	0.952	1.05	0.81	0.91	0.61	0.65	0.96
2-48958647	48958647	C	T	0.815	0.925	0.952	1.05	0.82	0.90	0.61	0.65	0.95
2-48958687	48958687	G	T	0.815	0.925	0.945	1.10	0.61	0.94	0.61	0.65	0.58
2-48959537	48959537	T	C	0.815	0.925	0.945	1.10	0.6	0.94	0.61	0.65	0.57
2-48960317	48960317	A	G	0.810	0.662	0.664	1.16	0.085	0.99	0.59	0.10	0.11
2-48961641	48961641	A	C	0.820	0.925	0.946	1.08	0.69	0.94	0.62	0.65	0.64
2-48964184	48964184	G	A	0.787	0.962	0.964	1.20	0.42	0.92	0.77	0.73	0.55
2-48965603	48965603	T	C	0.749	0.942	0.948	1.11	0.59	0.94	0.94	0.86	0.87
2-48965846	48965846	T	A	0.746	0.942	0.948	1.11	0.59	0.94	0.95	0.86	0.87
2-48966039	48966039	A	C	0.744	0.942	0.947	1.12	0.53	0.94	0.96	0.86	0.9
2-48967555	48967555	T	C	0.746	0.942	0.947	1.13	0.52	0.94	0.97	0.86	0.8
2-48967735	48967735	T	C	0.749	0.947	0.950	1.15	0.46	0.92	0.94	0.89	0.54
2-48972552	48972552	A	G	0.741	0.671	0.659	1.18	0.051	0.99	0.98	0.11	0.064
2-48972674	48972674	C	T	0.835	0.945	0.949	1.19	0.36	0.93	0.62	0.78	0.32
2-48973127	48973127	G	A	0.746	0.942	0.948	1.11	0.57	0.94	1.00	0.86	1
2-48975492	48975492	G	T	0.746	0.942	0.948	1.11	0.57	0.93	1.00	0.86	0.99

rs13405728	48978159	A	G	0.746	0.949	0.954	1.12	0.55	0.93	-	-	-
2-48982868	48982868	C	A	0.749	0.942	0.949	1.10	0.61	0.93	0.99	0.86	0.91
2-48983222	48983222	T	G	0.779	0.962	0.967	1.21	0.41	0.94	0.82	0.73	0.49
2-48983395	48983395	G	A	0.746	0.905	0.900	0.98	0.88	0.95	0.98	0.53	0.49
2-48983633	48983633	G	A	0.749	0.942	0.949	1.10	0.61	0.93	0.99	0.86	0.91
2-48986474	48986474	A	G	0.741	0.940	0.947	1.12	0.54	0.92	0.95	0.83	0.27
2-48988149	48988149	G	A	0.741	0.942	0.947	1.12	0.53	0.92	0.95	0.86	0.27
2-48991542	48991542	T	G	0.766	0.962	0.963	1.22	0.37	0.89	0.77	0.73	0.15
2-48993470	48993470	T	G	0.678	0.759	0.783	1.01	0.95	0.96	0.76	0.16	0.96
2-48994107	48994107	T	C	0.678	0.759	0.784	1.00	0.99	0.96	0.76	0.16	0.9
2-48995339	48995339	T	A	0.678	0.754	0.779	1.01	0.94	0.96	0.76	0.16	0.97
2-48995644	48995644	T	C	0.678	0.752	0.778	1.01	0.94	0.96	0.76	0.15	0.97
2-48996686	48996686	C	A	0.761	0.942	0.949	1.10	0.63	0.92	0.83	0.86	0.54
2-48997123	48997123	A	G	0.703	0.752	0.778	1.01	0.93	0.95	0.66	0.15	0.98
2-48999442	48999442	C	T	0.764	0.909	0.929	0.83	0.22	0.97	0.60	0.12	0.17
2-48999658	48999658	G	A	0.764	0.881	0.895	0.92	0.53	0.98	0.60	0.08	0.48
2-48999834	48999834	C	T	0.764	0.881	0.895	0.92	0.53	0.99	0.60	0.08	0.48
2-49001640	49001640	G	A	0.759	0.914	0.932	1.00	0.98	0.98	0.58	0.09	0.94
rs10194838	49003566	C	T	0.751	0.881	0.889	0.84	0.23	0.78	0.60	0.08	0.21
2-49004199	49004199	G	A	0.751	0.881	0.895	0.92	0.54	0.99	0.60	0.08	0.43
2-49004459	49004459	T	C	0.754	0.883	0.895	0.92	0.54	0.99	0.59	0.07	0.43
2-49004757	49004757	T	C	0.759	0.883	0.896	0.91	0.49	0.99	0.57	0.07	0.39
2-49005866	49005866	G	T	0.744	0.920	0.939	0.97	0.85	0.91	0.59	0.09	0.72

b) 2p21

SNP	Position	Allele		Frequency			OR	P	Info	Conditional on rs12468394			Conditional on rs12478601			Conditional on rs13429458		
		Effect	Other	China	Europe	Iceland				China r^2	Europe r^2	P	China r^2	Europe r^2	P	China r^2	Europe r^2	P
2-43452183	43452183	A	G	0.754	0.631	0.614	0.98	0.82	0.94	0.57	0.05	0.59	0.49	0.12	0.44	0.55	0.20	0.48
2-43455654	43455654	T	C	0.744	0.818	0.831	1.11	0.35	0.94	0.58	0.18	0.56	0.50	0.18	0.97	0.59	0.38	0.87
2-43467835	43467835	G	A	0.736	0.812	0.832	1.08	0.49	0.99	0.65	0.20	0.76	0.56	0.19	0.82	0.62	0.41	0.84
rs7595299	43480317	G	A	0.746	0.821	0.837	1.08	0.50	0.99	0.69	0.19	0.75	0.64	0.19	0.84	0.72	0.33	0.89
rs6749927	43484556	A	G	0.728	0.622	0.598	0.98	0.85	0.98	0.74	0.05	0.61	0.67	0.12	0.48	0.69	0.21	0.49
2-43490619	43490619	A	T	0.723	0.808	0.826	1.08	0.48	0.99	0.63	0.20	0.75	0.55	0.18	0.82	0.64	0.41	0.81
rs6749108	43496986	C	T	0.741	0.655	0.617	0.95	0.57	0.94	0.74	0.11	0.33	0.69	0.02	0.62	0.68	0.25	0.26
2-43500976	43500976	G	C	0.751	0.777	0.807	1.13	0.24	1.00	0.69	0.26	0.40	0.64	0.22	0.79	0.69	0.39	0.61
2-43501802	43501802	G	A	0.741	0.259	0.287	1.08	0.37	0.99	0.73	0.23	0.52	0.69	0.35	0.67	0.65	0.08	0.51
2-43501970	43501970	C	T	0.741	0.412	0.427	1.06	0.51	0.97	0.73	0.43	0.80	0.69	0.20	0.87	0.65	0.13	0.75
2-43502477	43502477	G	A	0.749	0.440	0.471	1.10	0.24	0.97	0.70	0.35	0.37	0.67	0.25	0.81	0.68	0.14	0.41
rs7561670	43506259	G	A	0.749	0.779	0.809	1.13	0.24	1.00	0.69	0.26	0.40	0.65	0.23	0.80	0.71	0.40	0.61
2-43508205	43508205	G	A	0.711	0.418	0.449	1.09	0.28	1.00	0.84	0.41	0.44	0.77	0.27	0.95	0.57	0.14	0.45
2-43509140	43509140	G	C	0.701	0.232	0.267	1.06	0.52	0.99	0.88	0.28	0.74	0.81	0.42	0.36	0.56	0.06	0.69
rs7599564	43509617	A	G	0.695	0.360	0.387	1.03	0.69	0.98	0.91	0.53	0.91	0.83	0.24	0.54	0.60	0.10	0.93
rs11900952	43514036	G	A	0.739	0.619	0.638	1.05	0.54	0.99	0.72	0.07	0.71	0.68	0.22	0.73	0.70	0.21	0.93
2-43515427	43515427	C	T	0.746	0.779	0.806	1.12	0.28	1.00	0.70	0.26	0.47	0.66	0.23	0.90	0.72	0.40	0.71
2-43516146	43516146	G	A	0.739	0.744	0.760	1.05	0.64	0.99	0.72	0.31	0.95	0.68	0.15	0.79	0.70	0.35	0.75
2-43516330	43516330	T	C	0.739	0.744	0.758	1.05	0.61	0.99	0.72	0.31	0.99	0.68	0.15	0.82	0.70	0.35	0.79
2-43516776	43516776	G	A	0.749	0.779	0.806	1.12	0.28	1.00	0.71	0.26	0.47	0.67	0.23	0.89	0.73	0.40	0.71
2-43532302	43532302	C	T	0.751	0.786	0.814	1.13	0.25	0.98	0.72	0.27	0.41	0.70	0.23	0.81	0.74	0.43	0.62
2-43533214	43533214	G	A	0.741	0.401	0.447	1.10	0.27	0.98	0.78	0.45	0.44	0.73	0.34	0.94	0.69	0.12	0.44
2-43537711	43537711	C	A	0.698	0.237	0.237	1.08	0.43	0.98	0.88	0.30	0.71	0.82	0.31	0.72	0.55	0.08	0.57
2-43541386	43541386	G	A	0.716	0.425	0.442	1.05	0.55	0.99	0.89	0.42	0.83	0.84	0.29	0.58	0.62	0.15	0.80
2-43541598	43541598	C	T	0.706	0.350	0.315	1.03	0.76	0.99	0.91	0.51	0.72	0.86	0.14	0.79	0.59	0.13	0.96
2-43542507	43542507	C	T	0.749	0.792	0.814	1.14	0.21	0.98	0.71	0.27	0.37	0.68	0.23	0.73	0.72	0.48	0.52
2-43543555	43543555	C	A	0.749	0.675	0.663	1.00	0.98	0.99	0.71	0.07	0.96	0.68	0.05	0.88	0.72	0.30	0.53
2-43544014	43544014	C	T	0.751	0.673	0.663	1.00	0.99	0.99	0.73	0.07	0.95	0.69	0.05	0.87	0.73	0.29	0.53
2-43548128	43548128	G	A	0.751	0.783	0.802	1.14	0.19	0.98	0.73	0.26	0.32	0.69	0.25	0.70	0.73	0.45	0.46

2-43553949	43553949	T	C	0.683	0.195	0.180	1.13	0.27	0.96	0.86	0.24	0.44	0.82	0.26	0.83	0.59	0.07	0.35
2-43555506	43555506	T	C	0.688	0.195	0.180	1.13	0.27	0.96	0.86	0.24	0.45	0.82	0.26	0.84	0.59	0.07	0.35
rs12468394	43561161	C	A	0.711	0.475	0.497	1.08	0.32	0.98	-	-	-	0.86	0.37	0.83	0.60	0.14	0.52
2-43561771	43561771	A	G	0.713	0.462	0.532	1.12	0.17	0.91	0.90	0.48	0.33	0.83	0.39	0.77	0.61	0.07	0.27
2-43561780	43561780	G	A	0.721	0.464	0.534	1.12	0.19	0.92	0.86	0.48	0.38	0.80	0.38	0.69	0.61	0.07	0.30
2-43561815	43561815	C	G	0.756	0.398	0.465	1.15	0.11	0.87	0.72	0.33	0.21	0.67	0.39	0.63	0.48	0.00	0.11
2-43563114	43563114	C	T	0.690	0.179	0.174	1.13	0.25	0.95	0.92	0.22	0.41	0.85	0.21	0.75	0.60	0.07	0.32
2-43590329	43590329	C	T	0.695	0.245	0.235	1.11	0.29	0.99	0.86	0.31	0.48	0.94	0.34	0.96	0.58	0.09	0.39
2-43594489	43594489	A	T	0.680	0.332	0.354	1.16	0.08	0.99	0.85	0.55	0.15	0.93	0.67	0.88	0.59	0.11	0.14
2-43633568	43633568	T	C	0.723	0.487	0.534	1.21	0.02	0.96	0.75	0.15	0.038	0.75	0.50	0.39	0.76	0.16	0.046
2-43634468	43634468	T	C	0.779	0.883	0.877	1.16	0.26	0.92	0.61	0.14	0.39	0.63	0.11	0.66	0.99	1.00	0.75
2-43634922	43634922	T	C	0.734	0.485	0.535	1.20	0.02	0.97	0.77	0.14	0.038	0.78	0.50	0.40	0.79	0.16	0.046
2-43637998	43637998	A	G	0.678	0.274	0.316	1.15	0.11	1.00	0.83	0.19	0.16	0.95	0.55	0.97	0.63	0.09	0.18
2-43638185	43638185	C	T	0.680	0.292	0.339	1.11	0.24	0.99	0.83	0.23	0.35	0.96	0.57	0.61	0.62	0.10	0.37
rs13429458	43638838	A	C	0.777	0.883	0.879	1.15	0.27	0.92	0.60	0.14	0.40	0.62	0.11	0.69	-	-	-
2-43638855	43638855	C	T	0.680	0.294	0.339	1.11	0.24	0.99	0.83	0.24	0.35	0.96	0.57	0.61	0.62	0.10	0.37
2-43638888	43638888	T	C	0.779	0.883	0.879	1.15	0.27	0.92	0.61	0.14	0.40	0.63	0.11	0.69	0.99	1.00	1.00
2-43638947	43638947	T	C	0.680	0.290	0.339	1.10	0.24	0.99	0.83	0.23	0.36	0.96	0.57	0.60	0.62	0.10	0.38
rs7605725	43641627	A	G	0.731	0.651	0.641	0.99	0.88	0.99	0.66	0.06	0.85	0.77	0.05	0.70	0.77	0.25	0.41
2-43644556	43644556	C	T	0.688	0.400	0.477	1.19	0.04	0.99	0.86	0.42	0.062	0.97	0.92	1.00	0.63	0.13	0.067
2-43647464	43647464	G	A	0.784	0.885	0.881	1.15	0.30	0.91	0.63	0.14	0.45	0.62	0.11	0.72	0.96	0.98	0.91
rs10176241	43648176	A	G	0.670	0.367	0.394	1.10	0.24	0.99	0.82	0.38	0.40	0.89	0.30	0.97	0.57	0.12	0.38
2-43649780	43649780	A	C	0.678	0.396	0.475	1.17	0.050	0.98	0.85	0.39	0.092	0.95	0.92	0.60	0.59	0.12	0.094
2-43658423	43658423	C	A	0.673	0.405	0.475	1.20	0.029	0.97	0.83	0.38	0.052	0.93	0.86	0.71	0.58	0.12	0.056
2-43665245	43665245	G	C	0.685	0.416	0.506	1.14	0.10	0.98	0.87	0.40	0.19	0.98	0.87	0.30	0.62	0.12	0.18
2-43667335	43667335	T	C	0.721	0.690	0.700	1.03	0.78	0.99	0.66	0.03	0.89	0.78	0.03	0.97	0.69	0.20	0.75
2-43670449	43670449	T	A	0.721	0.697	0.710	1.00	0.96	0.98	0.66	0.04	0.82	0.76	0.04	0.73	0.67	0.21	0.47
rs6744642	43671904	C	T	0.731	0.701	0.729	1.10	0.34	0.90	0.70	0.04	0.45	0.79	0.04	0.60	0.70	0.21	0.71
2-43673316	43673316	G	C	0.718	0.701	0.715	0.99	0.93	0.98	0.65	0.04	0.81	0.77	0.04	0.72	0.69	0.22	0.42
2-43674242	43674242	T	G	0.665	0.380	0.409	1.10	0.28	0.95	0.80	0.08	0.38	0.92	0.35	0.68	0.55	0.08	0.42
2-43674354	43674354	C	G	0.683	0.480	0.504	1.07	0.43	0.97	0.81	0.23	0.64	0.93	0.19	0.78	0.59	0.13	0.66
2-43676747	43676747	A	G	0.718	0.688	0.693	0.98	0.78	0.98	0.65	0.03	0.69	0.77	0.04	0.51	0.69	0.19	0.33
2-43677509	43677509	G	A	0.782	0.892	0.891	1.20	0.18	0.92	0.64	0.12	0.27	0.62	0.11	0.50	0.95	0.88	0.31
2-43679175	43679175	A	G	0.660	0.301	0.356	1.11	0.21	0.96	0.79	0.15	0.33	0.92	0.55	0.55	0.55	0.06	0.33
2-43688496	43688496	C	T	0.678	0.429	0.500	1.20	0.022	0.98	0.82	0.36	0.035	0.95	0.84	0.49	0.57	0.14	0.045
2-43709366	43709366	C	G	0.678	0.387	0.460	1.22	0.016	0.99	0.85	0.36	0.024	0.99	0.96	0.18	0.61	0.11	0.031

2-43711066	43711066	T	C	0.721	0.785	0.811	1.19	0.092	0.98	0.66	0.25	0.15	0.78	0.24	0.42	0.71	0.37	0.20
2-43711925	43711925	A	G	0.673	0.387	0.459	1.22	0.016	0.99	0.83	0.36	0.025	0.97	0.96	0.21	0.62	0.11	0.033
2-43714728	43714728	C	T	0.728	0.785	0.812	1.19	0.094	0.98	0.69	0.25	0.15	0.82	0.24	0.42	0.74	0.37	0.21
2-43715824	43715824	A	G	0.678	0.387	0.460	1.22	0.016	0.98	0.85	0.36	0.025	0.97	0.96	0.21	0.61	0.11	0.033
2-43717650	43717650	T	C	0.675	0.381	0.446	1.18	0.044	0.99	0.84	0.36	0.075	0.98	0.94	0.81	0.62	0.11	0.083
rs12478601	43721508	C	T	0.680	0.389	0.470	1.19	0.028	0.99	0.86	0.37	0.046	-	-	-	0.62	0.11	0.06
2-43723977	43723977	T	C	0.726	0.783	0.811	1.19	0.10	0.97	0.68	0.26	0.17	0.80	0.24	0.44	0.73	0.36	0.23
2-43724910	43724910	G	C	0.726	0.790	0.813	1.19	0.09	0.98	0.68	0.25	0.15	0.80	0.22	0.41	0.73	0.37	0.20
2-43733697	43733697	G	C	0.728	0.774	0.807	1.16	0.15	0.98	0.69	0.29	0.26	0.82	0.26	0.62	0.74	0.40	0.38
2-43737063	43737063	C	T	0.728	0.779	0.808	1.17	0.13	0.98	0.69	0.28	0.22	0.82	0.25	0.56	0.74	0.42	0.32
2-43738173	43738173	T	C	0.678	0.277	0.337	1.13	0.15	0.97	0.85	0.21	0.22	0.99	0.61	0.74	0.61	0.08	0.23
2-43743012	43743012	T	C	0.782	0.816	0.830	1.12	0.30	0.95	0.58	0.23	0.48	0.58	0.21	0.91	0.90	0.50	0.80
2-43744461	43744461	T	C	0.779	0.883	0.878	1.21	0.14	0.91	0.59	0.14	0.22	0.55	0.09	0.44	0.84	0.86	0.17
2-43754992	43754992	C	T	0.728	0.785	0.809	1.18	0.11	0.97	0.69	0.27	0.19	0.80	0.24	0.49	0.71	0.37	0.26
2-43764398	43764398	A	G	0.680	0.387	0.449	1.18	0.040	0.99	0.84	0.34	0.067	0.96	0.87	0.98	0.62	0.10	0.073
2-43767039	43767039	G	A	0.678	0.400	0.456	1.17	0.051	0.99	0.85	0.33	0.087	0.97	0.85	0.90	0.61	0.09	0.093
2-43769396	43769396	C	T	0.680	0.412	0.468	1.16	0.068	0.99	0.80	0.36	0.12	0.94	0.88	0.57	0.58	0.09	0.12
2-43770877	43770877	T	G	0.728	0.786	0.809	1.19	0.10	0.98	0.63	0.23	0.16	0.76	0.21	0.44	0.67	0.36	0.22
2-43771573	43771573	G	C	0.723	0.690	0.705	1.14	0.14	0.97	0.65	0.06	0.19	0.77	0.33	0.71	0.64	0.22	0.30
2-43772135	43772135	G	A	0.728	0.785	0.809	1.18	0.11	0.99	0.63	0.23	0.18	0.76	0.21	0.46	0.67	0.36	0.24
2-43772224	43772224	C	G	0.769	0.673	0.694	1.14	0.14	0.98	0.52	0.07	0.20	0.62	0.35	0.74	0.55	0.21	0.29
2-43772229	43772229	T	C	0.766	0.673	0.695	1.14	0.14	0.97	0.53	0.08	0.19	0.63	0.35	0.73	0.56	0.21	0.29
2-43772299	43772299	A	G	0.728	0.664	0.692	1.14	0.12	0.98	0.64	0.08	0.18	0.75	0.37	0.69	0.66	0.24	0.26
2-43772663	43772663	G	C	0.723	0.686	0.704	1.14	0.14	0.98	0.65	0.06	0.19	0.77	0.35	0.72	0.64	0.25	0.30
2-43773318	43773318	T	C	0.789	0.728	0.729	1.11	0.25	0.93	0.48	0.04	0.34	0.57	0.27	0.99	0.50	0.23	0.53
2-43773427	43773427	C	A	0.787	0.734	0.739	1.12	0.22	0.90	0.52	0.02	0.28	0.59	0.26	0.90	0.55	0.16	0.42
2-43773911	43773911	A	G	0.675	0.420	0.460	1.14	0.11	0.96	0.69	0.28	0.18	0.81	0.78	0.47	0.48	0.10	0.19
2-43774380	43774380	G	A	0.721	0.662	0.690	1.14	0.13	0.99	0.68	0.08	0.18	0.80	0.36	0.70	0.63	0.24	0.27
2-43774903	43774903	T	C	0.726	0.668	0.701	1.14	0.15	0.98	0.63	0.07	0.21	0.76	0.36	0.76	0.62	0.22	0.30
2-43775207	43775207	A	G	0.721	0.664	0.691	1.14	0.13	0.99	0.68	0.08	0.18	0.80	0.36	0.70	0.63	0.24	0.27
2-43775317	43775317	C	T	0.734	0.779	0.809	1.18	0.10	0.99	0.63	0.24	0.17	0.76	0.21	0.46	0.65	0.39	0.23
2-43775683	43775683	T	A	0.721	0.662	0.690	1.14	0.13	1.00	0.68	0.08	0.18	0.80	0.36	0.70	0.63	0.24	0.27
rs6742108	43776853	T	C	0.731	0.779	0.805	1.18	0.11	0.97	0.64	0.24	0.18	0.77	0.21	0.49	0.66	0.39	0.25
2-43777082	43777082	G	A	0.723	0.684	0.704	1.14	0.13	0.98	0.67	0.06	0.19	0.79	0.35	0.69	0.64	0.24	0.29
2-43777108	43777108	A	G	0.731	0.779	0.806	1.19	0.092	1.00	0.64	0.24	0.15	0.77	0.21	0.42	0.66	0.39	0.21
2-43777654	43777654	T	A	0.723	0.679	0.703	1.14	0.14	0.99	0.67	0.06	0.19	0.79	0.33	0.71	0.64	0.25	0.30

2-43779665	43779665	T	C	0.721	0.661	0.690	1.14	0.13	1.00	0.68	0.08	0.18	0.80	0.36	0.71	0.63	0.23	0.27
2-43780105	43780105	G	T	0.721	0.664	0.690	1.14	0.13	0.99	0.68	0.09	0.18	0.80	0.37	0.71	0.63	0.23	0.27
2-43780461	43780461	T	C	0.721	0.661	0.690	1.14	0.13	1.00	0.68	0.08	0.18	0.80	0.36	0.71	0.63	0.23	0.27
2-43780942	43780942	T	C	0.723	0.659	0.690	1.14	0.13	0.99	0.69	0.08	0.18	0.79	0.36	0.71	0.62	0.23	0.28
2-43781360	43781360	C	T	0.723	0.682	0.704	1.14	0.14	0.98	0.67	0.06	0.19	0.79	0.34	0.72	0.64	0.24	0.30
2-43781453	43781453	T	G	0.726	0.682	0.704	1.14	0.14	0.98	0.68	0.06	0.20	0.78	0.34	0.72	0.63	0.24	0.30
2-43781826	43781826	G	A	0.726	0.682	0.704	1.14	0.14	0.98	0.68	0.06	0.20	0.78	0.34	0.72	0.63	0.24	0.30
2-43782563	43782563	G	A	0.726	0.682	0.704	1.14	0.14	0.98	0.68	0.06	0.20	0.78	0.34	0.72	0.63	0.24	0.30
2-43782868	43782868	C	T	0.726	0.682	0.703	1.14	0.14	0.99	0.68	0.06	0.19	0.78	0.34	0.72	0.63	0.24	0.30
2-43783141	43783141	A	G	0.723	0.657	0.674	1.09	0.30	0.99	0.69	0.09	0.39	0.79	0.35	0.90	0.62	0.23	0.59
2-43783241	43783241	C	A	0.726	0.677	0.702	1.13	0.17	0.98	0.68	0.06	0.23	0.78	0.34	0.81	0.63	0.26	0.36
2-43783273	43783273	G	A	0.726	0.675	0.687	1.09	0.32	0.98	0.68	0.07	0.41	0.78	0.33	0.90	0.63	0.25	0.64
2-43783294	43783294	A	T	0.726	0.675	0.687	1.09	0.32	0.98	0.68	0.07	0.41	0.78	0.33	0.90	0.63	0.25	0.64
2-43784203	43784203	T	C	0.723	0.653	0.674	1.09	0.30	0.99	0.69	0.08	0.39	0.79	0.34	0.90	0.62	0.24	0.59
2-43785802	43785802	A	G	0.726	0.661	0.688	1.13	0.16	0.99	0.68	0.09	0.22	0.78	0.38	0.81	0.63	0.23	0.33
2-43787576	43787576	G	A	0.728	0.681	0.698	1.11	0.24	0.97	0.67	0.07	0.33	0.78	0.35	0.99	0.63	0.25	0.50
2-43787758	43787758	G	C	0.728	0.681	0.698	1.11	0.24	0.97	0.67	0.07	0.33	0.78	0.35	0.99	0.63	0.25	0.50
2-43787999	43787999	C	T	0.728	0.681	0.698	1.11	0.24	0.97	0.67	0.07	0.33	0.78	0.35	0.99	0.63	0.25	0.50
2-43788092	43788092	A	G	0.728	0.681	0.698	1.11	0.24	0.97	0.67	0.07	0.33	0.78	0.35	0.99	0.63	0.25	0.50
2-43789231	43789231	T	C	0.685	0.288	0.327	1.03	0.75	0.99	0.79	0.23	0.93	0.94	0.58	0.11	0.56	0.09	0.96
2-43789786	43789786	C	G	0.721	0.661	0.686	1.11	0.22	0.97	0.66	0.08	0.31	0.80	0.35	0.98	0.65	0.22	0.45
2-43790259	43790259	T	C	0.721	0.655	0.669	1.07	0.41	0.98	0.66	0.09	0.53	0.80	0.35	0.72	0.65	0.23	0.77
2-43790347	43790347	A	T	0.721	0.661	0.683	1.11	0.23	0.98	0.66	0.09	0.31	0.80	0.38	0.99	0.65	0.23	0.46
2-43790448	43790448	A	C	0.731	0.777	0.802	1.14	0.20	0.98	0.63	0.24	0.34	0.77	0.22	0.72	0.69	0.40	0.50
2-43791363	43791363	C	T	0.685	0.414	0.468	1.15	0.080	0.99	0.79	0.38	0.14	0.94	0.85	0.47	0.56	0.10	0.14
2-43791563	43791563	T	C	0.721	0.655	0.674	1.09	0.31	0.99	0.66	0.09	0.40	0.80	0.35	0.89	0.65	0.23	0.60
2-43791766	43791766	A	G	0.721	0.661	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.22	0.80	0.38	0.81	0.65	0.23	0.33
2-43792538	43792538	C	T	0.726	0.682	0.704	1.13	0.16	0.98	0.64	0.07	0.23	0.78	0.35	0.80	0.64	0.25	0.35
2-43793119	43793119	C	T	0.728	0.686	0.710	1.12	0.19	0.98	0.67	0.06	0.25	0.78	0.35	0.84	0.63	0.24	0.40
2-43793222	43793222	G	C	0.728	0.681	0.703	1.13	0.17	0.98	0.67	0.07	0.23	0.78	0.35	0.81	0.63	0.25	0.36
2-43793725	43793725	G	A	0.728	0.681	0.703	1.13	0.17	0.98	0.67	0.07	0.23	0.78	0.35	0.81	0.63	0.25	0.36
2-43795076	43795076	T	A	0.756	0.653	0.689	1.14	0.12	0.98	0.50	0.07	0.17	0.63	0.36	0.68	0.47	0.23	0.26
2-43796478	43796478	T	G	0.731	0.775	0.807	1.17	0.13	0.99	0.63	0.24	0.21	0.77	0.22	0.54	0.69	0.40	0.30
2-43797619	43797619	C	T	0.736	0.779	0.807	1.17	0.13	0.99	0.64	0.24	0.21	0.75	0.22	0.54	0.66	0.39	0.30
2-43797710	43797710	G	A	0.728	0.679	0.704	1.13	0.17	0.98	0.67	0.06	0.24	0.78	0.34	0.82	0.63	0.25	0.36
2-43798053	43798053	C	T	0.728	0.677	0.703	1.13	0.17	0.98	0.67	0.06	0.24	0.78	0.34	0.82	0.63	0.26	0.37

2-43798616	43798616	C	G	0.723	0.677	0.704	1.13	0.17	0.98	0.65	0.06	0.24	0.79	0.34	0.82	0.66	0.26	0.36
2-43798792	43798792	G	A	0.728	0.679	0.705	1.12	0.19	0.98	0.67	0.06	0.26	0.78	0.34	0.87	0.63	0.25	0.40
rs3752355	43799070	C	T	0.685	0.292	0.333	1.05	0.54	1.00	0.79	0.23	0.68	0.94	0.57	0.23	0.56	0.09	0.71
2-43799775	43799775	T	C	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43800174	43800174	A	G	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43800889	43800889	T	C	0.726	0.655	0.689	1.13	0.16	0.99	0.68	0.09	0.23	0.78	0.38	0.82	0.63	0.26	0.34
2-43801712	43801712	A	G	0.723	0.655	0.689	1.13	0.16	0.99	0.67	0.09	0.23	0.79	0.38	0.82	0.64	0.26	0.34
2-43802347	43802347	T	A	0.726	0.655	0.689	1.13	0.16	0.99	0.68	0.09	0.23	0.78	0.38	0.82	0.63	0.26	0.34
2-43802380	43802380	C	G	0.726	0.655	0.689	1.13	0.16	0.99	0.68	0.09	0.23	0.78	0.38	0.82	0.63	0.26	0.34
2-43802839	43802839	A	C	0.688	0.403	0.456	1.10	0.23	1.00	0.80	0.33	0.38	0.93	0.80	0.11	0.54	0.11	0.37
2-43803228	43803228	T	A	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43803428	43803428	T	C	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43803812	43803812	A	G	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43803897	43803897	A	C	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43804229	43804229	T	C	0.721	0.653	0.689	1.13	0.16	0.99	0.66	0.09	0.23	0.80	0.38	0.83	0.65	0.25	0.34
2-43806093	43806093	C	G	0.723	0.661	0.689	1.13	0.16	0.99	0.65	0.09	0.23	0.77	0.39	0.82	0.62	0.24	0.34
2-43806172	43806172	C	T	0.741	0.779	0.807	1.17	0.12	0.99	0.58	0.26	0.21	0.71	0.25	0.53	0.62	0.41	0.29
2-43806372	43806372	A	G	0.688	0.407	0.450	1.11	0.19	1.00	0.78	0.34	0.32	0.90	0.82	0.13	0.52	0.11	0.31
2-43806382	43806382	C	T	0.688	0.412	0.464	1.14	0.10	1.00	0.78	0.33	0.17	0.90	0.84	0.31	0.52	0.10	0.17
2-43807368	43807368	C	G	0.718	0.653	0.688	1.13	0.16	0.99	0.65	0.09	0.23	0.79	0.38	0.82	0.65	0.25	0.34
rs10179648	43808065	C	T	0.685	0.296	0.333	1.05	0.59	1.00	0.73	0.23	0.75	0.85	0.57	0.20	0.48	0.08	0.77
2-43809513	43809513	G	A	0.734	0.779	0.806	1.17	0.12	0.99	0.56	0.26	0.20	0.68	0.25	0.52	0.59	0.41	0.29
2-43812716	43812716	T	A	0.726	0.675	0.698	1.12	0.19	0.96	0.58	0.07	0.25	0.70	0.36	0.88	0.54	0.18	0.38
2-43812831	43812831	A	G	0.721	0.659	0.689	1.13	0.16	0.99	0.60	0.10	0.23	0.72	0.39	0.82	0.57	0.25	0.34
2-43815829	43815829	C	T	0.731	0.777	0.806	1.17	0.12	0.99	0.57	0.27	0.20	0.69	0.25	0.52	0.60	0.42	0.29
2-43818480	43818480	C	T	0.723	0.661	0.689	1.13	0.16	0.99	0.61	0.10	0.23	0.73	0.38	0.82	0.58	0.25	0.34
2-43820549	43820549	A	T	0.734	0.777	0.806	1.17	0.12	0.99	0.58	0.27	0.20	0.70	0.25	0.52	0.61	0.42	0.29
2-43821186	43821186	T	G	0.734	0.777	0.806	1.17	0.12	0.99	0.58	0.27	0.20	0.70	0.25	0.52	0.61	0.42	0.29
2-43821489	43821489	C	T	0.734	0.777	0.806	1.17	0.12	0.99	0.58	0.27	0.20	0.70	0.25	0.52	0.61	0.42	0.29
2-43822518	43822518	C	A	0.731	0.777	0.806	1.17	0.12	0.99	0.57	0.27	0.20	0.69	0.25	0.52	0.60	0.42	0.29
2-43826080	43826080	A	C	0.718	0.777	0.806	1.17	0.12	0.99	0.52	0.27	0.20	0.65	0.25	0.51	0.58	0.42	0.28
2-43827697	43827697	C	T	0.777	0.819	0.832	1.12	0.31	0.97	0.50	0.20	0.50	0.54	0.19	0.93	0.78	0.49	0.81
2-43829540	43829540	T	C	0.683	0.416	0.452	1.11	0.21	0.99	0.69	0.32	0.35	0.73	0.79	0.14	0.49	0.08	0.32
2-43832116	43832116	G	A	0.744	0.790	0.816	1.17	0.13	0.99	0.60	0.24	0.21	0.65	0.23	0.51	0.64	0.33	0.29
2-43832300	43832300	A	T	0.739	0.792	0.815	1.17	0.12	0.99	0.58	0.24	0.20	0.63	0.23	0.50	0.63	0.33	0.28
rs7558302	43836687	C	T	0.680	0.425	0.469	1.15	0.089	0.97	0.66	0.31	0.15	0.72	0.81	0.48	0.47	0.07	0.14

2-43840813 43840813 C G 0.744 0.788 0.810 1.15 0.18 0.99 0.55 0.25 0.29 0.60 0.24 0.67 0.57 0.35 0.43

c) 9q33

SNP	Position	Allele		Frequency			OR	P	Info	Conditional on rs10986105			Conditional on rs10818854			Conditional on rs2479106		
		Effect	Other	China	Europe	Iceland				China r^2	Europe r^2	P	China r^2	Europe r^2	P	China r^2	Europe r^2	P
9-126263444	126263444	A	G	0.046	0.000	0.002	31.96	0.034	0.27	0.57	1.00	0.58	0.60	1.00	0.46	0.15	1.00	0.08
9-126287404	126287404	A	G	0.096	0.066	0.056	1.22	0.28	0.95	0.50	0.27	0.84	0.55	0.44	0.58	0.16	0.17	0.48
9-126288295	126288295	T	A	0.086	0.066	0.054	1.17	0.37	0.99	0.51	0.27	0.69	0.62	0.44	0.43	0.16	0.17	0.62
9-126296972	126296972	T	C	0.061	0.038	0.030	1.60	0.048	0.99	0.66	0.50	0.85	0.79	0.83	0.79	0.15	0.06	0.089
9-126297578	126297578	C	A	0.086	0.068	0.054	1.17	0.37	1.00	0.51	0.27	0.70	0.62	0.42	0.44	0.16	0.17	0.62
9-126299078	126299078	T	G	0.086	0.068	0.054	1.17	0.37	1.00	0.51	0.27	0.70	0.62	0.42	0.44	0.16	0.17	0.61
9-126301563	126301563	G	C	0.086	0.068	0.054	1.18	0.36	1.00	0.51	0.27	0.71	0.62	0.42	0.44	0.16	0.17	0.61
9-126302723	126302723	A	G	0.086	0.066	0.054	1.18	0.36	1.00	0.51	0.27	0.71	0.62	0.44	0.44	0.16	0.17	0.61
9-126304695	126304695	G	T	0.089	0.066	0.054	1.17	0.37	0.99	0.50	0.27	0.69	0.60	0.44	0.43	0.15	0.17	0.62
9-126305042	126305042	A	G	0.086	0.066	0.054	1.17	0.37	1.00	0.51	0.27	0.69	0.62	0.44	0.43	0.16	0.17	0.62
9-126306290	126306290	C	A	0.061	0.038	0.030	1.60	0.047	1.00	0.66	0.50	0.84	0.79	0.83	0.80	0.15	0.06	0.088
9-126306381	126306381	G	A	0.061	0.038	0.030	1.60	0.047	1.00	0.66	0.50	0.84	0.79	0.83	0.80	0.15	0.06	0.088
9-126309977	126309977	C	T	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.79	0.13	0.06	0.090
9-126315526	126315526	A	G	0.066	0.040	0.030	1.59	0.050	1.00	0.60	0.48	0.86	0.80	0.78	0.78	0.13	0.06	0.092
9-126316939	126316939	C	T	0.066	0.040	0.030	1.59	0.050	1.00	0.60	0.48	0.85	0.80	0.78	0.78	0.13	0.06	0.092
9-126317882	126317882	C	T	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.84	0.80	0.83	0.79	0.13	0.06	0.090
9-126321003	126321003	T	C	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.84	0.80	0.83	0.79	0.13	0.06	0.090
9-126324375	126324375	G	A	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.090
9-126324514	126324514	C	T	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126328698	126328698	T	C	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.090
9-126333938	126333938	T	A	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126334347	126334347	G	A	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126335458	126335458	C	T	0.066	0.038	0.030	1.59	0.050	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126335518	126335518	C	T	0.066	0.038	0.030	1.59	0.050	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126336188	126336188	G	C	0.066	0.038	0.030	1.59	0.050	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126336740	126336740	T	G	0.066	0.038	0.030	1.59	0.050	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126337149	126337149	C	T	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126337696	126337696	G	A	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126341743	126341743	C	G	0.066	0.038	0.030	1.59	0.051	0.99	0.60	0.50	0.86	0.80	0.83	0.77	0.13	0.06	0.093

9-126344742	126344742	A	G	0.066	0.038	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.50	0.85	0.80	0.83	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126345120	126345120	A	C	0.221	0.367	0.319	1.06	0.51	1.00	0.14	0.04	1.00	0.18	0.06	0.92	0.56	0.42	0.95
9-126345893	126345893	G	T	0.241	0.363	0.321	1.04	0.61	1.00	0.11	0.04	0.89	0.15	0.06	0.80	0.58	0.43	0.80
9-126346702	126346702	A	G	0.066	0.040	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.48	0.85	0.80	0.78	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126348599	126348599	A	G	0.066	0.040	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.48	0.85	0.80	0.78	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126351313	126351313	G	C	0.086	0.075	0.064	1.19	0.29	1.00	0.51	0.22	0.92	0.62	0.36	0.66	0.24	0.20	0.53
9-126352218	126352218	A	G	0.091	0.088	0.063	1.13	0.45	1.00	0.43	0.19	0.67	0.59	0.31	0.42	0.28	0.16	0.73
9-126352551	126352551	G	A	0.246	0.363	0.323	1.04	0.61	0.99	0.10	0.04	0.89	0.13	0.06	0.80	0.58	0.43	0.79
9-126352970	126352970	A	C	0.066	0.040	0.030	1.59	0.049	1.00	0.60	0.48	0.85	0.80	0.78	0.78	0.13	0.06	0.091
9-126353327	126353327	C	T	0.239	0.363	0.322	1.05	0.60	1.00	0.11	0.04	0.91	0.15	0.06	0.82	0.59	0.43	0.81
9-126360328	126360328	G	A	0.226	0.348	0.311	1.07	0.45	0.97	0.11	0.05	0.93	0.17	0.07	0.99	0.63	0.41	0.94
9-126363791	126363791	A	C	0.064	0.040	0.030	1.59	0.05	0.99	0.56	0.48	0.86	0.76	0.78	0.76	0.12	0.05	0.092
9-126364306	126364306	T	C	0.064	0.040	0.030	1.59	0.05	0.99	0.56	0.48	0.87	0.76	0.78	0.74	0.12	0.05	0.10
9-126366529	126366529	C	T	0.223	0.363	0.320	1.06	0.50	1.00	0.10	0.04	0.98	0.15	0.06	0.94	0.61	0.42	0.96
9-126366539	126366539	A	C	0.223	0.363	0.320	1.06	0.50	1.00	0.10	0.04	0.98	0.15	0.06	0.94	0.61	0.42	0.96
9-126367435	126367435	T	G	0.221	0.363	0.320	1.06	0.50	1.00	0.08	0.04	0.98	0.15	0.06	0.94	0.60	0.42	0.96
9-126368420	126368420	A	T	0.061	0.040	0.030	1.59	0.052	0.98	0.53	0.48	0.88	0.79	0.78	0.74	0.11	0.05	0.10
9-126378018	126378018	A	G	0.061	0.038	0.029	1.59	0.051	0.99	0.53	0.50	0.88	0.79	0.83	0.74	0.11	0.06	0.093
9-126380439	126380439	G	A	0.239	0.365	0.322	1.05	0.54	1.00	0.08	0.04	0.98	0.15	0.06	0.89	0.55	0.42	0.90
9-126387151	126387151	A	G	0.041	0.000	0.002	93.35	0.012	0.24	0.64	1.00	0.52	0.67	1.00	0.41	0.18	1.00	0.040
9-126387468	126387468	G	A	0.066	0.038	0.029	1.60	0.049	0.99	0.60	0.50	0.87	0.80	0.83	0.74	0.13	0.06	0.090
9-126390741	126390741	T	C	0.038	0.000	0.002	91.55	0.012	0.24	0.60	1.00	0.52	0.63	1.00	0.41	0.18	1.00	0.040
9-126391268	126391268	G	T	0.251	0.361	0.323	1.05	0.56	0.99	0.08	0.04	0.95	0.15	0.06	0.86	0.54	0.44	0.86
9-126391286	126391286	A	G	0.038	0.000	0.002	91.12	0.012	0.24	0.60	1.00	0.52	0.63	1.00	0.41	0.18	1.00	0.040
9-126393626	126393626	C	T	0.061	0.047	0.031	1.76	0.016	0.96	0.53	0.39	0.51	0.79	0.65	0.69	0.11	0.07	0.034
9-126394186	126394186	C	G	0.272	0.363	0.329	1.05	0.60	0.97	0.05	0.04	0.91	0.11	0.06	0.82	0.52	0.44	0.81
9-126394539	126394539	T	A	0.206	0.363	0.321	1.05	0.53	1.00	0.09	0.04	0.98	0.16	0.06	0.90	0.72	0.44	0.91
9-126394637	126394637	A	T	0.178	0.316	0.288	1.09	0.32	1.00	0.12	0.05	0.77	0.20	0.08	0.84	0.57	0.28	0.65
9-126395185	126395185	T	A	0.173	0.283	0.248	1.19	0.059	0.98	0.13	0.07	0.26	0.22	0.09	0.29	0.54	0.20	0.12
9-126395188	126395188	T	A	0.208	0.361	0.321	1.05	0.54	1.00	0.09	0.04	0.97	0.16	0.06	0.88	0.71	0.44	0.89
9-126395609	126395609	T	C	0.061	0.036	0.029	1.60	0.049	0.99	0.53	0.46	0.88	0.79	0.78	0.72	0.11	0.06	0.091
9-126395781	126395781	A	C	0.206	0.361	0.321	1.05	0.55	1.00	0.09	0.04	0.97	0.16	0.06	0.88	0.72	0.44	0.89
9-126396042	126396042	G	A	0.211	0.361	0.322	1.05	0.58	1.00	0.09	0.04	0.93	0.15	0.06	0.84	0.70	0.44	0.83
9-126396606	126396606	C	A	0.183	0.314	0.289	1.09	0.35	1.00	0.11	0.05	0.81	0.20	0.08	0.89	0.55	0.28	0.70
9-126396659	126396659	A	G	0.211	0.361	0.322	1.05	0.58	1.00	0.09	0.04	0.92	0.15	0.06	0.83	0.70	0.44	0.83
9-126397433	126397433	T	C	0.195	0.361	0.320	1.06	0.51	1.00	0.10	0.04	1.00	0.17	0.06	0.92	0.76	0.44	0.94

9-126397618	126397618	A	T	0.206	0.359	0.321	1.05	0.54	1.00	0.09	0.04	0.98	0.16	0.07	0.89	0.72	0.44	0.90
9-126397776	126397776	A	T	0.206	0.359	0.321	1.05	0.54	1.00	0.09	0.04	0.98	0.16	0.07	0.89	0.72	0.44	0.90
rs1475528	126400092	C	T	0.168	0.314	0.290	1.09	0.34	0.99	0.13	0.05	0.81	0.23	0.08	0.88	0.62	0.28	0.70
9-126403335	126403335	C	G	0.201	0.354	0.312	1.07	0.42	1.00	0.11	0.05	0.90	0.17	0.07	0.98	0.79	0.45	0.92
9-126403866	126403866	A	G	0.198	0.352	0.312	1.07	0.42	1.00	0.10	0.05	0.89	0.17	0.07	0.97	0.78	0.46	0.92
9-126405933	126405933	C	G	0.056	0.044	0.038	1.75	0.0080	0.99	0.65	0.65	0.72	0.86	0.96	0.46	0.14	0.08	0.018
9-126412353	126412353	A	C	0.058	0.044	0.038	1.75	0.008	0.99	0.69	0.65	0.72	0.91	0.96	0.44	0.14	0.08	0.018
9-126415689	126415689	G	A	0.213	0.359	0.312	1.06	0.49	0.99	0.11	0.04	0.98	0.17	0.07	0.97	0.76	0.46	0.96
9-126417340	126417340	T	C	0.201	0.358	0.310	1.08	0.39	1.00	0.13	0.05	0.84	0.19	0.07	0.92	0.82	0.46	0.85
9-126426427	126426427	C	T	0.180	0.329	0.296	1.08	0.37	1.00	0.16	0.05	0.84	0.23	0.08	0.91	0.63	0.34	0.78
9-126432448	126432448	C	T	0.213	0.358	0.312	1.07	0.44	1.00	0.11	0.05	0.91	0.17	0.07	0.99	0.76	0.46	0.95
9-126433214	126433214	C	T	0.213	0.358	0.312	1.07	0.44	1.00	0.11	0.05	0.91	0.17	0.07	0.99	0.76	0.46	0.95
rs913783	126434103	G	A	0.213	0.359	0.314	1.07	0.46	0.99	0.11	0.04	0.96	0.17	0.07	0.97	0.76	0.46	1.00
9-126435819	126435819	T	A	0.206	0.359	0.311	1.07	0.42	1.00	0.11	0.04	0.88	0.18	0.07	0.96	0.77	0.46	0.91
9-126440559	126440559	T	C	0.056	0.046	0.030	2.14	0.0022	0.86	0.65	0.70	0.43	0.95	1.00	0.16	0.14	0.08	0.0058
9-126441397	126441397	A	G	0.208	0.358	0.312	1.07	0.44	1.00	0.11	0.05	0.91	0.18	0.07	0.99	0.76	0.45	0.95
9-126442244	126442244	C	G	0.056	0.046	0.036	1.76	0.0084	0.98	0.65	0.70	0.78	0.95	1.00	0.48	0.14	0.08	0.019
9-126442550	126442550	G	A	0.195	0.358	0.311	1.07	0.40	1.00	0.12	0.05	0.87	0.20	0.07	0.95	0.81	0.45	0.89
9-126442740	126442740	T	C	0.150	0.294	0.260	1.11	0.24	0.99	0.18	0.06	0.69	0.30	0.09	0.74	0.55	0.18	0.48
9-126443314	126443314	C	T	0.056	0.047	0.038	1.66	0.015	0.99	0.65	0.67	0.93	0.95	0.96	0.81	0.14	0.08	0.033
9-126443959	126443959	T	C	0.195	0.347	0.303	1.08	0.40	0.96	0.12	0.05	0.89	0.20	0.07	0.96	0.81	0.47	0.91
9-126445525	126445525	T	C	0.056	0.046	0.036	1.74	0.0094	1.00	0.65	0.70	0.83	0.95	1.00	0.81	0.14	0.08	0.021
rs10818854	126446778	A	G	0.053	0.046	0.037	1.73	0.0100	0.98	0.68	0.70	0.86	-	-	-	0.15	0.08	0.023
9-126451986	126451986	T	C	0.051	0.035	0.029	2.06	0.004	0.91	0.72	0.95	0.76	0.95	0.74	0.30	0.16	0.08	0.0089
9-126452004	126452004	C	T	0.051	0.046	0.036	1.75	0.0089	1.00	0.72	0.70	0.83	0.95	1.00	0.72	0.16	0.08	0.020
9-126452936	126452936	T	C	0.188	0.256	0.225	1.10	0.320	0.99	0.15	0.07	0.91	0.17	0.11	0.96	0.91	0.89	0.93
9-126453379	126453379	C	G	0.053	0.046	0.036	1.70	0.012	1.00	0.76	0.70	0.98	0.91	1.00	0.90	0.17	0.08	0.027
9-126453684	126453684	A	G	0.165	0.190	0.172	1.25	0.035	1.00	0.20	0.12	0.27	0.22	0.16	0.27	0.81	0.60	0.056
9-126456280	126456280	A	T	0.056	0.046	0.036	1.69	0.013	1.00	0.80	0.70	0.99	0.86	1.00	0.83	0.18	0.08	0.029
9-126456729	126456729	A	G	0.056	0.046	0.037	1.69	0.013	1.00	0.80	0.70	0.98	0.86	1.00	0.81	0.18	0.08	0.029
9-126458565	126458565	G	A	0.165	0.201	0.178	1.23	0.051	1.00	0.20	0.11	0.34	0.22	0.17	0.34	0.81	0.55	0.092
rs10760297	126458789	G	A	0.165	0.201	0.176	1.25	0.038	0.97	0.20	0.11	0.26	0.22	0.17	0.28	0.81	0.55	0.063
9-126462011	126462011	C	G	0.891	0.843	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126462080	126462080	G	A	0.201	0.266	0.229	1.09	0.38	1.00	0.13	0.06	0.99	0.15	0.11	0.95	0.84	0.81	0.89
9-126462207	126462207	C	A	0.891	0.843	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126462707	126462707	T	G	0.855	0.799	0.823	0.99	0.90	0.99	0.02	0.01	0.72	0.02	0.01	0.75	0.55	0.59	0.30

9-126462964	126462964	C	T	0.891	0.843	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126462986	126462986	C	G	0.195	0.266	0.229	1.09	0.37	1.00	0.14	0.06	1.00	0.16	0.11	0.96	0.87	0.81	0.91
9-126464213	126464213	G	A	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126464927	126464927	C	G	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126465322	126465322	G	A	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126465958	126465958	C	T	0.855	0.781	0.809	1.03	0.79	0.99	0.02	0.02	1.00	0.02	0.02	0.96	0.55	0.65	0.08
9-126466125	126466125	C	T	0.056	0.046	0.037	1.68	0.014	1.00	0.80	0.70	0.94	0.86	1.00	0.74	0.18	0.08	0.031
9-126466145	126466145	C	A	0.891	0.856	0.863	0.90	0.36	1.00	0.02	0.01	0.25	0.01	0.01	0.27	0.54	0.48	0.77
9-126466775	126466775	G	A	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126467202	126467202	T	C	0.201	0.265	0.229	1.09	0.38	1.00	0.13	0.06	0.99	0.15	0.11	0.94	0.84	0.80	0.88
9-126467309	126467309	T	A	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126467949	126467949	A	T	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126468704	126468704	G	A	0.056	0.046	0.037	1.68	0.014	1.00	0.80	0.70	0.94	0.86	1.00	0.73	0.18	0.08	0.031
9-126468735	126468735	G	T	0.891	0.845	0.858	0.91	0.40	0.99	0.02	0.01	0.28	0.01	0.01	0.30	0.54	0.41	0.83
9-126468778	126468778	C	T	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126469015	126469015	C	A	0.891	0.845	0.859	0.91	0.42	1.00	0.02	0.01	0.30	0.01	0.01	0.32	0.54	0.41	0.87
9-126469730	126469730	A	G	0.853	0.779	0.808	1.03	0.80	0.99	0.02	0.02	0.99	0.02	0.02	0.96	0.53	0.65	0.082
9-126470106	126470106	A	G	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126471170	126471170	T	C	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126471188	126471188	T	C	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126471266	126471266	G	A	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126471937	126471937	C	T	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126471970	126471970	T	C	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126472654	126472654	C	T	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126472705	126472705	A	G	0.888	0.843	0.859	0.91	0.43	1.00	0.02	0.01	0.31	0.02	0.01	0.33	0.52	0.41	0.88
9-126473108	126473108	C	T	0.056	0.046	0.037	1.68	0.014	0.99	0.80	0.70	0.94	0.86	1.00	0.74	0.18	0.08	0.03
9-126473515	126473515	A	G	0.058	0.046	0.037	1.68	0.015	0.99	0.84	0.70	0.93	0.82	1.00	0.71	0.19	0.08	0.03
9-126476143	126476143	T	C	0.888	0.854	0.863	0.90	0.37	1.00	0.02	0.01	0.26	0.02	0.01	0.28	0.52	0.48	0.80
rs7851425	126476963	G	A	0.076	0.091	0.086	1.25	0.15	0.84	0.63	0.28	0.79	0.50	0.45	0.67	0.35	0.22	0.31
9-126477020	126477020	G	A	0.888	0.836	0.850	0.95	0.67	1.00	0.02	0.01	0.50	0.02	0.01	0.53	0.52	0.54	0.70
rs4838077	126477127	T	C	0.888	0.836	0.848	0.94	0.56	0.97	0.02	0.01	0.40	0.02	0.01	0.43	0.52	0.54	0.87
9-126477353	126477353	T	C	0.891	0.836	0.850	0.95	0.66	1.00	0.02	0.01	0.49	0.01	0.01	0.52	0.54	0.54	0.72
9-126477441	126477441	T	C	0.891	0.836	0.850	0.95	0.66	1.00	0.02	0.01	0.49	0.01	0.01	0.52	0.54	0.54	0.72
9-126477483	126477483	T	A	0.053	0.046	0.037	1.68	0.015	0.98	0.92	0.70	0.94	0.73	1.00	0.73	0.22	0.08	0.032
9-126478011	126478011	A	G	0.891	0.836	0.850	0.95	0.66	1.00	0.02	0.01	0.49	0.01	0.01	0.52	0.54	0.54	0.72
9-126478093	126478093	T	C	0.053	0.046	0.037	1.68	0.014	0.99	0.92	0.70	0.95	0.73	1.00	0.75	0.22	0.08	0.031

9-126478568	126478568	T	C	0.891	0.836	0.850	0.95	0.65	1.00	0.02	0.01	0.49	0.01	0.01	0.52	0.54	0.54	0.72
9-126486694	126486694	T	A	0.053	0.044	0.037	1.68	0.015	0.99	0.92	0.65	0.93	0.73	0.96	0.75	0.22	0.08	0.033
9-126490113	126490113	C	T	0.193	0.250	0.224	1.09	0.39	0.99	0.19	0.05	0.97	0.12	0.08	0.98	0.94	0.90	0.81
9-126490123	126490123	C	T	0.175	0.244	0.216	1.08	0.45	0.97	0.19	0.05	0.92	0.12	0.09	0.86	0.84	0.86	0.70
9-126490390	126490390	A	C	0.893	0.834	0.850	0.95	0.66	1.00	0.02	0.01	0.49	0.01	0.01	0.52	0.53	0.53	0.70
9-126494022	126494022	C	T	0.195	0.254	0.227	1.09	0.36	0.99	0.16	0.06	0.97	0.12	0.10	0.99	0.90	0.90	0.92
9-126497262	126497262	T	C	0.871	0.790	0.811	1.02	0.82	0.98	0.02	0.02	0.98	0.02	0.02	0.99	0.63	0.74	0.080
9-126498132	126498132	A	G	0.056	0.046	0.037	1.67	0.015	0.99	0.96	0.70	0.92	0.70	1.00	0.73	0.23	0.08	0.034
9-126502000	126502000	G	A	0.185	0.259	0.228	1.10	0.34	0.98	0.20	0.07	0.95	0.14	0.10	0.99	0.98	0.89	0.96
9-126502619	126502619	G	T	0.193	0.259	0.229	1.09	0.35	0.98	0.19	0.07	0.97	0.12	0.10	0.99	0.94	0.89	0.93
9-126507613	126507613	C	T	0.056	0.046	0.037	1.67	0.015	0.99	0.96	0.70	0.92	0.70	1.00	0.72	0.23	0.08	0.034
9-126507918	126507918	C	T	0.056	0.046	0.037	1.67	0.015	0.99	0.96	0.70	0.91	0.70	1.00	0.71	0.23	0.08	0.035
9-126509599	126509599	G	A	0.170	0.208	0.188	1.19	0.093	0.98	0.24	0.10	0.48	0.16	0.14	0.49	0.83	0.69	0.20
9-126509806	126509806	G	A	0.193	0.254	0.225	1.11	0.30	0.98	0.19	0.07	0.88	0.12	0.11	0.92	0.94	0.92	0.89
9-126509996	126509996	T	C	0.193	0.254	0.225	1.10	0.30	0.99	0.19	0.07	0.89	0.12	0.11	0.93	0.94	0.92	0.91
9-126515289	126515289	C	T	0.056	0.036	0.037	2.00	0.0026	0.83	0.96	1.00	0.90	0.70	0.70	0.18	0.23	0.08	0.0069
9-126517513	126517513	C	T	0.056	0.036	0.038	2.00	0.0026	0.83	0.96	1.00	0.90	0.70	0.70	0.18	0.23	0.08	0.0069
9-126518205	126518205	C	T	0.056	0.036	0.038	2.00	0.0026	0.83	0.96	1.00	0.90	0.70	0.70	0.18	0.23	0.08	0.0069
9-126518277	126518277	C	T	0.094	0.126	0.117	1.05	0.69	0.92	0.57	0.22	0.20	0.41	0.25	0.26	0.44	0.42	0.70
9-126518641	126518641	C	G	0.056	0.036	0.038	1.99	0.0027	0.83	0.96	1.00	0.92	0.70	0.70	0.18	0.23	0.08	0.0071
9-126520068	126520068	C	T	0.122	0.177	0.159	0.97	0.81	0.90	0.41	0.15	0.092	0.27	0.16	0.11	0.63	0.60	0.16
9-126520497	126520497	A	G	0.058	0.036	0.038	1.99	0.0028	0.82	1.00	1.00	0.93	0.68	0.70	0.19	0.24	0.08	0.0074
9-126523296	126523296	T	C	0.122	0.177	0.159	0.97	0.81	0.90	0.41	0.15	0.09	0.27	0.16	0.11	0.63	0.60	0.16
9-126523299	126523299	C	T	0.058	0.036	0.038	2.00	0.0026	0.82	1.00	1.00	0.91	0.68	0.70	0.18	0.24	0.08	0.0070
9-126523405	126523405	C	T	0.107	0.122	0.106	1.08	0.57	0.90	0.45	0.24	0.22	0.29	0.27	0.26	0.53	0.36	0.95
rs2479106	126525212	G	A	0.188	0.256	0.228	1.10	0.35	0.97	0.24	0.08	0.96	0.15	0.08	0.85	-	-	-
9-126527679	126527679	C	T	0.058	0.036	0.035	1.87	0.0047	0.97	1.00	1.00	1.00	0.68	0.70	0.19	0.24	0.08	0.0098
9-126529097	126529097	C	G	0.096	0.128	0.114	1.10	0.44	0.99	0.62	0.22	0.40	0.42	0.25	0.61	0.45	0.42	0.84
9-126530988	126530988	C	A	0.122	0.157	0.131	1.09	0.48	1.00	0.41	0.18	0.44	0.27	0.19	0.59	0.63	0.54	0.95
9-126531755	126531755	C	T	0.122	0.177	0.150	1.04	0.73	0.99	0.41	0.15	0.29	0.27	0.16	0.41	0.63	0.60	0.59
rs1752156	126534512	C	T	0.122	0.170	0.146	1.07	0.58	0.91	0.41	0.16	0.34	0.27	0.17	0.56	0.63	0.49	0.91
9-126535553	126535553	C	T	0.084	0.066	0.052	1.53	0.021	0.97	0.62	0.55	0.98	0.41	0.37	0.38	0.44	0.18	0.040
9-126535642	126535642	C	T	0.086	0.066	0.052	1.53	0.021	0.97	0.60	0.55	0.98	0.40	0.37	0.38	0.45	0.18	0.041
9-126535864	126535864	C	T	0.058	0.036	0.034	1.88	0.0046	0.97	1.00	1.00	0.99	0.68	0.70	0.18	0.24	0.08	0.010
9-126537683	126537683	A	G	0.058	0.036	0.039	1.72	0.011	0.94	1.00	1.00	0.54	0.68	0.70	0.33	0.24	0.08	0.023
9-126537952	126537952	C	T	0.081	0.095	0.079	1.18	0.26	0.98	0.72	0.31	0.35	0.48	0.35	0.73	0.37	0.24	0.49

9-126539944	126539944	G	A	0.089	0.066	0.052	1.52	0.021	0.98	0.59	0.55	0.98	0.39	0.37	0.38	0.46	0.18	0.041
9-126540566	126540566	A	G	0.124	0.179	0.148	1.03	0.82	0.98	0.4	0.15	0.22	0.27	0.16	0.38	0.64	0.59	0.46
9-126540800	126540800	C	G	0.025	0.000	0.002	1.45	0.78	0.10	0.51	1.00	0.50	0.32	1.00	0.58	0.14	1.00	0.95
9-126542635	126542635	T	C	0.058	0.036	0.034	1.88	0.0043	0.99	1.00	1.00	0.96	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.0089
9-126542704	126542704	T	A	0.188	0.257	0.229	1.08	0.45	0.99	0.24	0.08	0.79	0.15	0.08	1.00	1.00	0.99	0.57
rs2799465	126544609	C	T	0.109	0.124	0.098	1.15	0.3	0.98	0.44	0.23	0.46	0.28	0.26	0.71	0.54	0.35	0.56
9-126546255	126546255	G	A	0.058	0.036	0.034	1.87	0.0044	1.00	1.00	1.00	1.00	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.0091
9-126548266	126548266	T	A	0.058	0.036	0.035	1.86	0.0046	1.00	1.00	1.00	0.55	0.68	0.7	0.17	0.24	0.08	0.0095
9-126548335	126548335	T	C	0.086	0.066	0.051	1.51	0.023	1.00	0.60	0.55	0.92	0.40	0.37	0.38	0.45	0.18	0.046
9-126549420	126549420	G	T	0.188	0.257	0.229	1.07	0.46	0.99	0.24	0.08	0.78	0.15	0.08	0.99	1.00	0.99	0.51
9-126549526	126549526	C	T	0.058	0.036	0.035	1.86	0.0046	1.00	1.00	1.00	0.56	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.010
rs10986105	126549955	C	A	0.058	0.036	0.034	1.87	0.0044	1.00	-	-	-	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.0091
9-126550605	126550605	A	G	0.124	0.179	0.147	1.02	0.86	0.99	0.40	0.15	0.19	0.27	0.16	0.37	0.64	0.59	0.41
9-126551018	126551018	A	G	0.058	0.036	0.034	1.87	0.0044	1.00	1.00	1.00	1.00	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.0091
9-126551392	126551392	G	A	0.058	0.036	0.035	1.86	0.0046	1.00	1.00	1.00	0.56	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.010
9-126551776	126551776	C	T	0.058	0.036	0.034	1.87	0.0044	1.00	1.00	1.00	1.00	0.68	0.70	0.17	0.24	0.08	0.0091
9-126555072	126555072	C	G	0.086	0.066	0.052	1.49	0.026	1.00	0.60	0.55	0.88	0.40	0.37	0.40	0.45	0.18	0.050
9-126558417	126558417	C	T	0.038	0.038	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.95	0.83	0.55	0.66	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126558537	126558537	C	T	0.107	0.135	0.101	1.16	0.27	1.00	0.17	0.22	0.53	0.14	0.22	0.90	0.54	0.41	0.52
9-126558810	126558810	C	T	0.107	0.155	0.120	1.08	0.51	1.00	0.17	0.18	0.33	0.14	0.18	0.62	0.54	0.47	0.98
rs1752166	126558843	G	T	0.107	0.155	0.120	1.10	0.45	1.00	0.17	0.18	0.39	0.14	0.18	0.70	0.54	0.47	0.88
9-126558857	126558857	A	G	0.038	0.038	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.95	0.84	0.55	0.66	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126563493	126563493	C	T	0.038	0.038	0.035	1.86	0.0046	1.00	0.68	0.95	0.78	0.55	0.66	0.17	0.18	0.08	0.0096
9-126566945	126566945	G	A	0.038	0.038	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.95	0.84	0.55	0.66	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126569115	126569115	C	A	0.038	0.038	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.95	0.84	0.55	0.66	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126569652	126569652	G	C	0.038	0.038	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.95	0.90	0.55	0.66	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126569931	126569931	C	T	0.038	0.038	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.95	0.90	0.55	0.66	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126570553	126570553	G	T	0.038	0.038	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.95	0.84	0.55	0.66	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126572807	126572807	G	A	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.90	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126574725	126574725	A	T	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.90	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126582007	126582007	G	C	0.104	0.131	0.100	1.17	0.25	1.00	0.19	0.19	0.55	0.15	0.19	0.94	0.52	0.35	0.47
9-126584407	126584407	G	A	0.104	0.131	0.100	1.17	0.25	1.00	0.19	0.19	0.55	0.15	0.19	0.94	0.52	0.35	0.47
9-126586563	126586563	A	C	0.170	0.235	0.203	1.10	0.34	1.00	0.09	0.07	0.90	0.06	0.08	0.86	0.84	0.80	0.81
9-126590276	126590276	C	G	0.104	0.131	0.100	1.17	0.25	1.00	0.19	0.19	0.55	0.15	0.19	0.94	0.52	0.35	0.47
9-126590687	126590687	T	C	0.104	0.131	0.100	1.17	0.25	1.00	0.19	0.19	0.55	0.15	0.19	0.94	0.52	0.35	0.47
9-126593070	126593070	A	G	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.84	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093

9-126593370	126593370	G	A	0.170	0.235	0.203	1.10	0.34	1.00	0.09	0.07	0.90	0.06	0.08	0.85	0.84	0.80	0.80
9-126595628	126595628	G	A	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.84	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126596271	126596271	A	G	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.84	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126596547	126596547	G	A	0.104	0.133	0.100	1.17	0.25	0.99	0.19	0.19	0.55	0.15	0.19	0.94	0.52	0.34	0.48
9-126598352	126598352	A	G	0.038	0.036	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.90	0.90	0.55	0.62	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126598435	126598435	C	T	0.170	0.235	0.203	1.10	0.34	1.00	0.09	0.07	0.90	0.06	0.08	0.85	0.84	0.80	0.80
9-126599595	126599595	T	C	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.84	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126602627	126602627	C	T	0.038	0.036	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.90	0.90	0.55	0.62	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126603775	126603775	C	A	0.038	0.036	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.90	0.90	0.55	0.62	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126606892	126606892	G	C	0.104	0.131	0.100	1.17	0.25	1.00	0.19	0.19	0.55	0.15	0.19	0.94	0.52	0.35	0.47
9-126608922	126608922	C	A	0.038	0.036	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.90	0.90	0.55	0.62	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126609097	126609097	G	T	0.038	0.036	0.034	1.86	0.0045	1.00	0.68	0.90	0.84	0.55	0.62	0.17	0.18	0.08	0.0093
9-126610144	126610144	T	C	0.038	0.036	0.034	1.87	0.0043	1.00	0.68	0.90	0.89	0.55	0.62	0.16	0.18	0.08	0.0089
9-126610982	126610982	A	C	0.104	0.131	0.100	1.17	0.25	1.00	0.19	0.19	0.56	0.15	0.19	0.94	0.52	0.35	0.47
9-126612949	126612949	T	C	0.038	0.036	0.034	1.90	0.0038	0.99	0.68	0.90	0.67	0.55	0.62	0.15	0.18	0.08	0.0080
9-126615488	126615488	T	C	0.038	0.036	0.034	1.92	0.0034	0.99	0.68	0.90	0.55	0.55	0.62	0.13	0.18	0.08	0.0071
9-126618337	126618337	G	A	0.038	0.036	0.033	1.94	0.0031	0.99	0.68	0.90	0.50	0.55	0.62	0.13	0.18	0.08	0.0066
9-126618581	126618581	G	A	0.104	0.131	0.099	1.18	0.23	0.99	0.19	0.19	0.63	0.15	0.19	0.98	0.52	0.35	0.44
9-126620552	126620552	G	A	0.104	0.133	0.099	1.18	0.23	0.99	0.19	0.18	0.65	0.15	0.18	0.97	0.52	0.36	0.43
9-126621015	126621015	A	G	0.038	0.036	0.033	1.94	0.003	0.99	0.68	0.90	0.49	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0064
9-126623024	126623024	T	C	0.104	0.131	0.099	1.18	0.23	0.99	0.19	0.19	0.65	0.15	0.19	0.97	0.52	0.35	0.44
9-126623375	126623375	C	G	0.038	0.036	0.033	1.95	0.003	0.99	0.68	0.90	0.48	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0063
9-126625509	126625509	C	T	0.104	0.131	0.099	1.18	0.23	0.99	0.19	0.19	0.66	0.15	0.19	0.96	0.52	0.35	0.43
9-126625888	126625888	C	A	0.038	0.036	0.033	1.95	0.0029	1.00	0.68	0.90	0.47	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0062
9-126628673	126628673	A	G	0.038	0.036	0.033	1.95	0.0029	1.00	0.68	0.90	0.46	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0061
9-126633099	126633099	T	C	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
rs2670139	126634255	C	T	0.168	0.223	0.201	1.13	0.21	0.98	0.09	0.08	0.81	0.06	0.07	0.59	0.82	0.74	0.39
9-126634414	126634414	A	C	0.102	0.131	0.103	1.17	0.24	1.00	0.20	0.19	0.69	0.16	0.19	0.95	0.51	0.35	0.45
9-126636855	126636855	G	A	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126638336	126638336	C	T	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126641091	126641091	G	A	0.102	0.131	0.103	1.17	0.24	1.00	0.20	0.19	0.69	0.16	0.19	0.95	0.51	0.35	0.45
9-126646519	126646519	G	A	0.168	0.223	0.195	1.15	0.18	1.00	0.09	0.08	0.73	0.06	0.07	0.52	0.82	0.74	0.30
9-126647256	126647256	G	C	0.033	0.036	0.024	2.68	0.001	0.74	0.61	0.90	0.33	0.46	0.62	0.08	0.16	0.08	0.0025
9-126647380	126647380	C	T	0.102	0.133	0.105	1.14	0.31	1.00	0.20	0.19	0.57	0.16	0.19	0.92	0.51	0.34	0.56
9-126648704	126648704	T	A	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126650180	126650180	A	C	0.102	0.131	0.103	1.17	0.24	1.00	0.20	0.19	0.69	0.16	0.19	0.95	0.51	0.35	0.45

rs2041545	126650515	T	C	0.102	0.131	0.103	1.16	0.25	0.99	0.20	0.19	0.68	0.16	0.19	0.97	0.51	0.35	0.47
9-126654091	126654091	T	C	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126655730	126655730	G	A	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126655990	126655990	C	G	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126656997	126656997	T	C	0.102	0.131	0.103	1.17	0.24	1.00	0.20	0.19	0.69	0.16	0.19	0.95	0.51	0.35	0.45
9-126657884	126657884	C	G	0.038	0.036	0.033	1.96	0.0028	1.00	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126661757	126661757	G	A	0.038	0.036	0.032	1.96	0.0028	0.99	0.68	0.90	0.45	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126661962	126661962	T	C	0.035	0.036	0.024	2.66	0.0011	0.75	0.65	0.90	0.35	0.50	0.62	0.08	0.17	0.08	0.0026
9-126661968	126661968	C	T	0.028	0.002	0.003	0.58	0.71	0.28	0.54	0.05	0.25	0.36	0.04	0.35	0.15	0.02	0.62
9-126662879	126662879	G	C	0.102	0.131	0.103	1.17	0.24	1.00	0.20	0.19	0.69	0.16	0.19	0.95	0.51	0.35	0.45
9-126662924	126662924	C	G	0.102	0.131	0.103	1.17	0.24	1.00	0.20	0.19	0.69	0.16	0.19	0.95	0.51	0.35	0.45
9-126663019	126663019	C	A	0.102	0.131	0.103	1.16	0.25	0.99	0.20	0.19	0.68	0.16	0.19	0.97	0.51	0.35	0.47
9-126665439	126665439	G	A	0.048	0.079	0.055	1.44	0.048	0.92	0.53	0.38	0.73	0.42	0.36	0.61	0.23	0.21	0.090
9-126666057	126666057	A	G	0.038	0.031	0.031	1.87	0.0079	0.96	0.68	0.84	0.79	0.55	0.58	0.25	0.18	0.07	0.016
9-126666959	126666959	A	G	0.038	0.036	0.032	1.97	0.0028	0.99	0.68	0.90	0.46	0.55	0.62	0.11	0.18	0.08	0.0059
9-126671823	126671823	T	C	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0028	0.98	0.68	0.90	0.48	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0060
9-126674209	126674209	G	A	0.102	0.131	0.101	1.17	0.25	0.97	0.20	0.19	0.70	0.16	0.19	0.97	0.51	0.35	0.47
9-126676996	126676996	C	G	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0029	0.98	0.68	0.90	0.50	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0061
9-126677253	126677253	T	A	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0029	0.98	0.68	0.90	0.50	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0061
9-126678431	126678431	C	T	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0029	0.98	0.68	0.90	0.51	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0062
9-126679734	126679734	C	T	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0029	0.97	0.68	0.90	0.52	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0063
9-126680268	126680268	T	C	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0029	0.97	0.68	0.90	0.53	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0063
9-126680970	126680970	G	A	0.038	0.036	0.032	1.98	0.003	0.97	0.68	0.90	0.54	0.55	0.62	0.12	0.18	0.08	0.0064
9-126683955	126683955	C	T	0.162	0.241	0.212	1.10	0.33	1.00	0.09	0.07	0.99	0.07	0.07	0.78	0.79	0.77	0.77
9-126684780	126684780	A	G	0.038	0.036	0.032	1.98	0.0032	0.97	0.68	0.90	0.59	0.55	0.62	0.13	0.18	0.08	0.0068
9-126689101	126689101	G	A	0.038	0.035	0.031	1.96	0.0038	0.99	0.68	0.84	0.66	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0080
9-126689150	126689150	G	C	0.147	0.203	0.186	1.11	0.31	0.99	0.10	0.08	0.96	0.07	0.09	0.80	0.71	0.63	0.67
9-126689437	126689437	C	T	0.038	0.035	0.031	1.95	0.0039	0.99	0.68	0.84	0.68	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0082
9-126689557	126689557	C	T	0.162	0.223	0.202	1.09	0.39	1.00	0.09	0.07	0.88	0.07	0.07	0.88	0.79	0.73	0.89
9-126691221	126691221	G	A	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.68	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126691898	126691898	A	G	0.038	0.027	0.027	1.81	0.024	0.88	0.68	0.63	0.40	0.55	0.50	0.57	0.18	0.06	0.047
9-126692599	126692599	T	G	0.122	0.177	0.167	1.14	0.24	0.99	0.16	0.09	0.95	0.12	0.10	0.68	0.56	0.51	0.48
9-126692600	126692600	G	T	0.122	0.175	0.163	1.12	0.3	0.98	0.16	0.08	0.96	0.12	0.09	0.71	0.56	0.49	0.61
9-126692760	126692760	G	A	0.038	0.135	0.103	1.58	0.0024	0.77	0.68	0.21	0.09	0.55	0.15	0.031	0.18	0.00	0.0030
9-126693626	126693626	T	C	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.68	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126693752	126693752	T	G	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.68	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084

9-126693793	126693793	T	G	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.68	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126693826	126693826	A	G	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.68	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126694094	126694094	A	T	0.147	0.235	0.214	1.08	0.41	0.99	0.13	0.06	0.89	0.09	0.07	0.89	0.74	0.76	0.98
9-126694495	126694495	G	C	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.67	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126695770	126695770	A	G	0.122	0.166	0.155	1.19	0.11	0.99	0.16	0.10	0.64	0.12	0.12	0.41	0.56	0.46	0.20
9-126695851	126695851	A	G	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.67	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126695992	126695992	A	C	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.67	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126697277	126697277	C	G	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.67	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126697865	126697865	T	C	0.147	0.235	0.215	1.08	0.45	0.99	0.13	0.06	0.84	0.09	0.08	0.94	0.74	0.76	0.90
9-126698268	126698268	G	A	0.038	0.035	0.031	1.95	0.004	0.99	0.68	0.84	0.67	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126701651	126701651	A	G	0.147	0.235	0.215	1.08	0.44	0.98	0.13	0.06	0.85	0.09	0.08	0.93	0.74	0.76	0.92
9-126701707	126701707	C	G	0.038	0.035	0.031	1.95	0.0041	0.97	0.68	0.84	0.67	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0086
9-126701763	126701763	C	T	0.142	0.206	0.187	1.09	0.38	0.98	0.12	0.08	0.86	0.09	0.10	0.90	0.65	0.63	0.83
9-126701879	126701879	G	C	0.038	0.035	0.031	1.96	0.004	0.97	0.68	0.84	0.66	0.55	0.58	0.15	0.18	0.08	0.0084
9-126705780	126705780	C	T	0.038	0.035	0.033	1.70	0.019	0.99	0.68	0.74	0.69	0.55	0.51	0.39	0.18	0.08	0.036
9-126714111	126714111	T	C	0.035	0.033	0.030	2.01	0.0031	0.97	0.65	0.69	0.52	0.50	0.47	0.12	0.17	0.06	0.0066
9-126730175	126730175	G	T	0.043	0.027	0.026	1.14	0.62	0.92	0.53	0.30	0.11	0.41	0.23	0.33	0.14	0.03	0.77
9-126731286	126731286	T	C	0.043	0.025	0.026	1.14	0.62	0.92	0.53	0.33	0.11	0.41	0.25	0.32	0.14	0.02	0.77
9-126733261	126733261	A	C	0.043	0.027	0.026	1.14	0.61	0.93	0.53	0.30	0.12	0.41	0.23	0.34	0.14	0.03	0.76
9-126738469	126738469	A	G	0.043	0.027	0.026	1.15	0.6	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126741408	126741408	G	A	0.043	0.027	0.028	1.34	0.28	0.78	0.53	0.30	0.21	0.41	0.23	0.69	0.14	0.03	0.40
9-126741544	126741544	A	G	0.043	0.027	0.028	1.34	0.28	0.78	0.53	0.30	0.21	0.41	0.23	0.69	0.14	0.03	0.40
9-126741659	126741659	G	A	0.043	0.027	0.028	1.34	0.28	0.78	0.53	0.30	0.21	0.41	0.23	0.69	0.14	0.03	0.40
9-126741908	126741908	A	G	0.043	0.027	0.028	1.34	0.28	0.78	0.53	0.30	0.21	0.41	0.23	0.69	0.14	0.03	0.40
9-126742505	126742505	G	A	0.043	0.025	0.026	1.14	0.61	0.91	0.53	0.33	0.12	0.41	0.25	0.34	0.14	0.02	0.76
9-126742752	126742752	A	G	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126743270	126743270	A	T	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126743900	126743900	T	C	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.76
9-126744131	126744131	C	T	0.043	0.027	0.029	1.33	0.29	0.79	0.53	0.30	0.20	0.41	0.23	0.67	0.14	0.03	0.41
9-126744531	126744531	T	C	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126744952	126744952	A	G	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126745532	126745532	T	C	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126745697	126745697	A	G	0.043	0.027	0.026	1.15	0.61	0.92	0.53	0.30	0.13	0.41	0.23	0.35	0.14	0.03	0.75
9-126747237	126747237	T	C	0.043	0.025	0.026	1.14	0.62	0.91	0.53	0.33	0.12	0.41	0.25	0.34	0.14	0.02	0.76
9-126748298	126748298	C	T	0.043	0.025	0.026	1.14	0.62	0.91	0.53	0.33	0.12	0.41	0.25	0.34	0.14	0.02	0.76
9-126748672	126748672	C	G	0.043	0.025	0.026	1.14	0.62	0.91	0.53	0.33	0.12	0.41	0.25	0.34	0.14	0.02	0.76

9-126749775	126749775	A	T	0.043	0.025	0.026	1.14	0.62	0.91	0.53	0.33	0.12	0.41	0.25	0.34	0.14	0.02	0.76
9-126750359	126750359	T	C	0.043	0.027	0.028	1.06	0.83	0.93	0.53	0.30	0.08	0.41	0.23	0.23	0.14	0.03	0.98
9-126750903	126750903	G	C	0.043	0.027	0.027	1.06	0.81	0.92	0.53	0.30	0.08	0.41	0.23	0.25	0.14	0.03	0.96
9-126751831	126751831	T	G	0.043	0.027	0.028	1.06	0.82	0.93	0.53	0.30	0.08	0.41	0.23	0.23	0.14	0.03	0.97
9-126751921	126751921	T	C	0.043	0.027	0.028	1.06	0.82	0.93	0.53	0.30	0.08	0.41	0.23	0.23	0.14	0.03	0.97
9-126753312	126753312	T	C	0.043	0.027	0.028	1.06	0.81	0.93	0.53	0.30	0.08	0.41	0.23	0.24	0.14	0.03	0.96
9-126757541	126757541	T	G	0.043	0.025	0.025	1.15	0.60	0.89	0.53	0.33	0.17	0.41	0.25	0.42	0.14	0.02	0.74
9-126791997	126791997	A	C	0.033	0.000	0.001	4.51	0.50	0.15	0.53	1.00	0.92	0.46	1.00	0.81	0.14	1.00	0.59

References

- (1) Welt CK, Gudmundsson JA, Arason G, Adams J, Palsdottir H, Gudlaugsdottir G, Ingadottir G, Crowley WF. 2006 Characterizing Discrete Subsets of Polycystic Ovary Syndrome as Defined by the Rotterdam Criteria: The Impact of Weight on Phenotype and Metabolic Features. *J Clin Endocrinol Metab* 91:4842-4848.
- (2) Welt CK, Arason G, Gudmundsson JA, Adams JM, Palsdottir H, Gudlaugsdottir G, Ingadottir G, Crowley Jr WF. 2006 Defining constant versus variable phenotypic features of women with polycystic ovary syndrome using different ethnic groups and populations. *J Clin Endocrinol Metab* 91:4361-4368.
- (3) Ehrmann DA, Liljenquist DR, Kasza K, Azziz R, Legro RS, Ghazzi MN. 2006 Prevalence and Predictors of the Metabolic Syndrome in Women with Polycystic Ovary Syndrome (PCOS). *J Clin Endocrinol Metab* 91:48-53.
- (4) 1000 Genomes Project Consortium. A map of human genome variation from population-scale sequencing. *Nature*. 2010 Oct 28;467(7319) : 1061-73.
- (5) Chen ZJ, Zhao H, He L, Shi Y, Qin Y, Shi Y, Li Z, You L, Zhao J, Liu J, Liang X, Zhao X, Zhao J, Sun Y, Zhang B, Jiang H, Zhao D, Bian Y, Gao X, Geng L, Li Y, Zhu D, Sun X, Xu JE, Hao C, Ren CE, Zhang Y, Chen S, Zhang W, Yang A, Yan J, Li Y, Ma J, Zhao Y. 2011 Genome-wide association study identifies susceptibility loci for polycystic ovary syndrome on chromosome 2p16.3, 2p21 and 9q33.3. *Nat Genet* 43:55-59.
- (6) J. Marchini, B. Howie, S. Myers, G. McVean and P. Donnelly (2007) A new multipoint method for genome-wide association studies via imputation of genotypes. *Nature Genetics* 39 : 906-913.