

Table S5. *PTP gene expression during OL differentiation in mouse mixed cortical cultures*
Differential gene expression of PTP family members in mixed cortical culture undergoing OL differentiation

	DIV8/DIV5			DIV12/DIV5			DIV15/DIV5	
	Fold	Pvalue		Fold	Pvalue		Fold	Pvalue
Mtmr12	-4.99	0.036	Mtmr11	-7.41	0.054	Dusp2	-8.45	0.002
Cdc25c	-3.75	0.070	Dusp4	-4.64	0.016	Ptpro	-4.27	0.013
Ptpn23	-3.33	0.022	Dusp2	-4.18	0.004	Ssh1	-2.71	0.064
Ptpn14	-2.11	0.026	Cdc25c	-4.09	0.032	Dusp8	-2.50	0.018
Ptpn6	-2.00	ND	Ptpn6	-3.36	ND	Cdc25c	-2.27	0.022
Dusp4	-1.95	0.104	Ptpn5	-3.29	0.010	Ptp4a1	-2.11	0.016
Dusp1	-1.75	0.018	Ptprz1	-3.00	0.015	Ptpn6	-1.95	ND
Ptprk	-1.57	0.045	Ptpro	-2.85	0.008	Styx	-1.84	0.000
Ssh1	-1.40	0.188	Ptpn13	-2.59	0.018	Ssh2	-1.81	0.034
Ptpro	-1.28	0.147	Mtmr12	-2.53	0.093	Cdc25a	-1.73	0.059
Tns1	-1.25	0.206	Tenc1	-2.49	0.028	Ptpn23	-1.71	0.045
Ptprm	-1.19	0.222	Ptprd	-2.43	0.013	Dusp12	-1.71	0.060
Ptpn5	-1.12	0.306	Ptpn9	-2.26	0.040	Rngtt	-1.71	0.044
Dusp8	-1.11	0.374	Dusp8	-2.26	0.016	Ptprh	-1.69	0.108
Dusp12	-1.11	0.228	Mtmr6	-2.24	0.023	Sbf2	-1.54	0.075
Mtmr2	-1.09	0.278	Ptpn12	-2.11	0.024	Dusp1	-1.50	0.003
Cdc25a	-1.09	0.303	Dusp18	-2.07	0.011	Ptpn5	-1.46	0.019
Sbf2	-1.08	0.225	Rngtt	-2.00	0.049	Ptprd	-1.46	0.067
Ptprz1	-1.07	0.312	Mtmr2	-1.93	0.059	Mtmr4	-1.40	0.161
Ptpn4	-1.07	0.330	Dusp12	-1.90	0.040	Ptpn9	-1.38	0.137
Ssh2	-1.05	0.439	Ptpn22	-1.81	0.025	Ptpn21	-1.31	0.112
Ptpn9	-1.03	0.447	Ssh1	-1.79	0.134	Dusp22	-1.30	0.220
Ptpn12	-1.02	0.433	Cdc25a	-1.65	0.071	Cdkn3	-1.29	0.014
Cdc25b	1.02	0.307	Dusp6	-1.62	0.042	Ptpn12	-1.26	0.175
Dusp16	1.02	0.436	Mtmr4	-1.59	0.084	Dusp4	-1.26	0.164
Mtmr1	1.03	0.250	Ssh2	-1.56	0.012	Cdc25b	-1.24	0.162
Ptpn1	1.05	0.193	Sbf2	-1.55	0.080	Ptprs	-1.23	0.114
Dusp2	1.06	0.314	Ptpn1	-1.43	0.013	Mtmr9	-1.21	0.192
Rngtt	1.08	0.433	Ptpn11	-1.31	0.120	Dusp11	-1.20	0.192
Dusp18	1.09	0.251	Acp1	-1.31	0.080	Ptprz1	-1.16	0.127
Ptp4a2	1.11	0.192	Ptprk	-1.31	0.156	Ptprj	-1.11	0.255
Dusp22	1.11	0.310	Ptp4a1	-1.27	0.110	Mtmr6	-1.06	0.187
Mtmr6	1.12	0.330	Styx	-1.26	0.016	Ptpn1	1.05	0.407
Ptprh	1.16	0.104	Ptprh	-1.24	0.405	Ptp4a2	1.05	0.295
Cdc14b	1.17	0.323	Ptprm	-1.23	0.084	Acp1	1.07	0.218
Dusp10	1.19	0.274	Dusp11	-1.22	0.021	Dusp18	1.09	0.427
Ptpmt1	1.19	0.079	Cdkn3	-1.19	0.230	Mtmr3	1.09	0.071
Acp1	1.20	0.283	Ptpn23	-1.15	0.247	Ptpra	1.10	0.233
Ptprs	1.23	0.244	Ptp4a2	-1.06	0.319	Ptpn4	1.10	0.148
Ptpra	1.24	0.198	Dusp22	-1.05	0.450	Cdc14a	1.11	0.339
Ptprr	1.27	0.149	Mtmr9	-1.05	0.398	Ptpdc1	1.12	0.126
Dusp11	1.28	0.030	Ptpn21	-1.05	0.365	Pten	1.19	0.106
Mtmr9	1.29	0.183	Cdc14a	-1.01	0.482	Dusp10	1.19	0.214
Styx	1.29	0.077	Ptpra	-1.00	0.496	Ptpre	1.20	0.294
Ptprj	1.29	0.160	Ptprs	1.03	0.498	Ptprg	1.23	0.159
Ptprd	1.30	0.238	Mtm1	1.04	0.436	Dusp7	1.25	0.188
Mtmr4	1.33	0.007	Ptpn20	1.05	0.404	Dusp26	1.26	0.018
Ptpn21	1.35	0.104	Mtmr3	1.06	0.417	Ptprf	1.26	0.257
Ptpn11	1.37	0.194	Ptprj	1.07	0.375	Ptprm	1.27	0.169

Ptpn20	1.47	0.142	Dusp1	1.09	0.137	Mtmr12	1.36	0.010
Mtmr3	1.47	0.040	Pten	1.20	0.105	Ptpn11	1.39	0.076
Dusp7	1.48	0.094	Ptp4a3	1.22	0.307	Ptprn2	1.52	0.160
Mtmr11	1.49	0.053	Tns1	1.22	0.073	Ptp4a3	1.59	0.131
Ptprg	1.52	0.088	Ptprg	1.23	0.258	Ptprk	1.65	0.346
Dusp6	1.52	0.031	Dusp7	1.24	0.148	Ptpmt1	1.66	0.002
Ptpn18	1.55	0.011	Ptpn4	1.28	0.148	Tenc1	1.66	0.147
Dusp23	1.55	0.117	Ptprf	1.28	0.200	Mtmr2	1.66	0.175
Pten	1.62	0.019	Mtmr1	1.31	0.072	Mtmr1	1.77	0.041
Dusp3	1.63	0.091	Dusp16	1.34	0.047	Sbf1	1.88	0.002
Ptpn22	1.67	0.003	Sbf1	1.35	0.123	Dusp6	2.08	0.195
Cdkn3	1.69	0.076	Dusp10	1.40	0.139	Dusp16	2.10	0.017
Ptp4a3	1.69	0.028	Ptpdc1	1.42	0.132	Ptpn14	2.33	0.007
Ptp4a1	1.77	0.042	Ptprt	1.42	0.010	Ptprt	2.50	0.007
Cdc14a	1.77	0.023	Ptpn18	1.50	0.114	Dusp23	2.52	0.055
Ptprn2	1.84	0.167	Ptpr	1.52	0.089	Mtmr7	2.55	0.020
Ptpre	1.89	0.023	Ptpmt1	1.59	0.000	Mtmr11	2.85	0.004
Sbf1	1.97	0.066	Ptpn2	1.89	0.193	Ptpr	2.91	0.036
Dusp26	1.97	0.040	Dusp26	2.07	0.016	Ssh3	3.02	0.010
Ptpn2	1.99	0.041	Cdc25b	2.09	0.039	Ptpn13	3.12	0.004
Ptprt	2.22	0.020	Ptpn14	2.14	0.068	Ptpn2	3.32	0.138
Tenc1	2.38	0.084	Dusp3	2.17	0.017	Dusp3	3.37	0.003
Ptpdc1	2.39	0.022	Mtmr7	2.38	0.022	Tns1	3.54	0.004
Ptprf	2.59	0.074	Ptpre	2.44	0.009	Dusp14	3.58	0.001
Ptpn13	2.75	0.027	Ptprn2	2.46	0.043	Ptpn22	3.67	0.213
Dusp14	2.83	0.065	Dusp23	2.71	0.003	Ptpn18	3.95	0.081
Mtmr7	3.05	0.002	Dusp14	2.98	0.026	Tns3	4.13	0.055
Tns3	3.36	0.019	Cdc14b	3.99	0.025	Cdc14b	4.69	0.026
Ptprn	3.68	0.026	Ptprn	4.01	0.027	Epm2a	5.52	0.012
Ssh3	3.82	0.002	Ssh3	4.40	0.015	Mtm1	5.60	0.126
Epm2a	3.86	0.044	Tns3	4.60	0.006	Ptprn	6.93	0.026
Mtm1	3.89	0.007	Dusp5	4.65	0.094	Dusp15	7.71	0.076
Dusp15	4.52	0.007	Dusp15	5.41	0.015	Dusp5	11.28	0.033
Dusp5	9.90	0.083	Epm2a	10.01	0.015	Dusp19	ND	ND
Dusp19	ND	ND	Dusp19	ND	ND	Mtmr10	ND	ND
Mtmr10	ND	ND	Mtmr10	ND	ND	Ptpn20	ND	ND
Ptpn3	ND	ND	Ptpn3	ND	ND	Ptpn3	ND	ND
Ptpn7	ND	ND	Ptpn7	ND	ND	Ptpn7	ND	ND
Ptprb	ND	ND	Ptprb	ND	ND	Ptprb	ND	ND
Ptprc	ND	ND	Ptprc	ND	ND	Ptprc	ND	ND
Ptprq	ND	ND	Ptprq	ND	ND	Ptprq	ND	ND
Ptprv	ND	ND	Ptprv	ND	ND	Ptprv	ND	ND
Styxl1	ND	ND	Styxl1	ND	ND	Styxl1	ND	ND

ND: Non Determined