

Table S3.

Dataset_Disease_Region	Number of genes detected	P-value
GSE12654_SZ_prefontal_BA10	110	0.382
GSE17612_SZ_prefontal_BA10	129	0.423
GSE20168_PD_prefontal_BA9	123	0.0837
GSE20291_PD_putamen	122	0.356
GSE20292_PD_substantia nigra	120	0.214
GSE7621_PD_substantia nigra	134	0.253
GSE3790_HD_prefontal_BA4	126	0.0725
GSE3790_HD_prefontal_BA9	127	0.561
GSE3790_HD_cerebellum	125	0.206
GSE5281_AD_EC	130	0.0191
GSE5281_AD_HIP	133	0.00547
GSE5281_AD_MTG	134	0.00111
GSE5281_AD_PC	134	0.0121
GSE5281_AD_SFG	135	0.0312
GSE5281_AD_VCX	134	0.0606
GSE15222_AD_cortex (frontal, temporal, parietal, cerebellar)	115	2.58E-05