

Supplementary Table 1

methylation microarray data performed using Illumina's Infinium Human Methylation27 Beadchip
RefSeqs of Annotated Genomes: Build 36.1

values are comprised between 0 and 1, with 0 meaning total hypomethylation and 1 meaning total hypermethylation
in yellow are the CpG with $\Delta\beta > 0.2$

SYMBOL	SYNONYM	GENE_ID	TargetID	Ecto1	Ecto2	Ecto3	Ecto4	SCC1	SCC2	SCC3	SCC4	SCC5	Ecto β -mean value	SCC β -mean value	$\Delta\beta > 0.2$
UTF1		GeneID:8433	cg09053680	0.017	0.016	0.015	0.034	0.671	0.693	0.687	0.841	0.634	0.021	0.705	0.685
UTF1		GeneID:8433	cg03755123	0.091	0.075	0.094	0.076	0.628	0.567	0.614	0.745	0.593	0.084	0.629	0.545
MSI1	musashi1	GeneID:4440	cg02883161	0.077	0.062	0.078	0.085	0.221	0.416	0.704	0.251	0.208	0.075	0.360	0.285
DNMT3L	MGC1090;	GeneID:29947	cg27076046	0.470	0.277	0.335	0.292	0.590	0.396	0.732	0.649	0.651	0.343	0.603	0.260
SMO	Gx; SMOH;	GeneID:6608	cg04478795	0.064	0.051	0.064	0.034	0.332	0.214	0.100	0.502	0.398	0.053	0.309	0.256
FGF7	KGF; HBGf-7;	GeneID:2252	cg23504246	0.287	0.136	0.268	0.229	0.442	0.205	0.781	0.480	0.426	0.230	0.467	0.237
SALL4	DRRS; HSAL4; dJ1112F19.1;	GeneID:57167	cg06303238	0.650	0.694	0.626	0.529	0.903	0.647	0.919	0.939	0.898	0.624	0.861	0.237
SOX2	ANOP3; MGC2413;	GeneID:6657	cg15105987	0.169	0.168	0.162	0.201	0.392	0.455	0.392	0.429	0.339	0.175	0.401	0.226
FGF7	KGF; HBGf-7;	GeneID:2252	cg27525902	0.191	0.340	0.275	0.230	0.417	0.254	0.553	0.494	0.382	0.259	0.420	0.161
TDGF1	CR; CRGF; CRIPTO;	GeneID:6997	cg27371741	0.551	0.369	0.488	0.648	0.731	0.520	0.811	0.505	0.756	0.514	0.665	0.151
NES	FLJ21841; Nbla00170;	GeneID:10763	cg21838334	0.104	0.042	0.054	0.032	0.102	0.114	0.566	0.089	0.089	0.058	0.192	0.134
POU5F1	OCT3; OTF3; OTF4; Oct4; MGC22487;	GeneID:5460	cg27388462	0.800	0.815	0.749	0.769	0.887	0.813	0.879	0.876	0.788	0.783	0.849	0.065
EGFR	ERBB; mENA; ERBB1;	GeneID:1956	cg03860890	0.039	0.049	0.023	0.035	0.085	0.066	0.062	0.127	0.134	0.036	0.095	0.058
GNL3	NS; E2IG3; C77032; MGC800;	GeneID:26354	cg11041457	0.078	0.085	0.102	0.107	0.113	0.157	0.177	0.135	0.102	0.093	0.137	0.044
TDGF1	CR; CRGF; CRIPTO;	GeneID:6997	cg10242476	0.414	0.425	0.678	0.415	0.469	0.557	0.545	0.610	0.439	0.483	0.524	0.041
MSI1	musashi1	GeneID:4440	cg20380069	0.039	0.036	0.022	0.028	0.032	0.201	0.024	0.027	0.044	0.031	0.066	0.035
PROM1	AC133; CD133; PROM1.1; MSTP061;	GeneID:8842	cg20576510	0.782	0.742	0.756	0.736	0.869	0.734	0.800	0.725	0.813	0.754	0.788	0.034
ITGA6	CD49f;	GeneID:3655	cg20795401	0.147	0.099	0.117	0.089	0.179	0.153	0.141	0.127	0.132	0.113	0.146	0.033
GNL3	NS; E2IG3; C77032; MGC800;	GeneID:26354	cg13174197	0.101	0.071	0.109	0.162	0.130	0.154	0.200	0.132	0.096	0.111	0.142	0.031
EGFR	ERBB; mENA; ERBB1;	GeneID:1956	cg14094960	0.070	0.014	0.016	0.023	0.029	0.186	0.031	0.027	0.024	0.031	0.059	0.029
PROM1	AC133; CD133; PROM1.1; MSTP061;	GeneID:8842	cg21230392	0.838	0.838	0.823	0.789	0.859	0.870	0.856	0.887	0.780	0.822	0.850	0.028
ALDH1A1	ALDC; ALDH1; PUMB1; ALDH1.1; RALDH1; ALDH-E1; MGC2318;	GeneID:216	cg16601861	0.146	0.132	0.110	0.149	0.146	0.153	0.231	0.152	0.124	0.134	0.161	0.027
PTGS2	COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2;	GeneID:5743	cg03160309	0.052	0.049	0.056	0.037	0.044	0.039	0.052	0.173	0.068	0.048	0.075	0.027
ITGA1	VLA1; CD49a;	GeneID:3672	cg22625415	0.042	0.039	0.042	0.054	0.034	0.073	0.066	0.112	0.057	0.044	0.068	0.024
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg08606356	0.064	0.060	0.044	0.050	0.067	0.057	0.067	0.130	0.059	0.055	0.076	0.021
PTGS2	COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2;	GeneID:5743	cg19155599	0.151	0.072	0.106	0.134	0.100	0.118	0.137	0.142	0.176	0.116	0.135	0.019
POU5F1	OCT3; OTF3; OTF4; Oct4; MGC22487;	GeneID:5460	cg13083810	0.904	0.858	0.879	0.899	0.893	0.899	0.913	0.951	0.857	0.885	0.903	0.018
MYBL2	BMYB; MGC15600;	GeneID:4605	cg23843505	0.075	0.064	0.057	0.066	0.095	0.035	0.120	0.058	0.097	0.065	0.081	0.015
CKAP4	p63; CLIMP-63; MGC99554;	GeneID:10970	cg25591867	0.040	0.024	0.042	0.029	0.062	0.052	0.034	0.033	0.052	0.034	0.047	0.013
KLF4	EZF; GKLf;	GeneID:9314	cg07309102	0.016	0.012	0.012	0.009	0.009	0.040	0.016	0.037	0.022	0.012	0.025	0.012
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg20143092	0.090	0.087	0.092	0.055	0.114	0.078	0.090	0.098	0.085	0.081	0.093	0.012
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg01879488	0.026	0.030	0.038	0.047	0.040	0.031	0.056	0.049	0.051	0.035	0.045	0.010
CTNNB1	CTNNB;	GeneID:1499	cg14663065	0.028	0.026	0.032	0.028	0.027	0.037	0.046	0.023	0.055	0.028	0.037	0.009
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg17640322	0.022	0.019	0.022	0.016	0.021	0.031	0.024	0.026	0.030	0.020	0.027	0.007
MYB	efg; c-myb; c-myb_CDS;	GeneID:4602	cg11579069	0.039	0.052	0.070	0.045	0.042	0.060	0.042	0.095	0.052	0.051	0.058	0.007
SSSCA1	p27;	GeneID:10534	cg22526269	0.020	0.018	0.020	0.025	0.020	0.023	0.019	0.036	0.038	0.021	0.027	0.006
KLF4	EZF; GKLf;	GeneID:9314	cg03939688	0.024	0.013	0.015	0.025	0.024	0.015	0.015	0.020	0.052	0.019	0.025	0.006
NES	FLJ21841; Nbla00170;	GeneID:10763	cg12356261	0.039	0.043	0.049	0.027	0.046	0.041	0.037	0.038	0.061	0.040	0.044	0.005
SMO	Gx; SMOH;	GeneID:6608	cg15447479	0.044	0.025	0.025	0.030	0.030	0.035	0.034	0.052	0.026	0.031	0.035	0.004
PTGS2	COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2;	GeneID:5743	cg18335243	0.017	0.022	0.050	0.043	0.038	0.026	0.035	0.037	0.048	0.033	0.037	0.004
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg08530414	0.038	0.029	0.035	0.024	0.038	0.026	0.030	0.025	0.058	0.032	0.036	0.004
ITGA1	VLA1; CD49a;	GeneID:3672	cg21153758	0.014	0.016	0.011	0.018	0.014	0.017	0.017	0.029	0.016	0.015	0.019	0.004
PTGS2	COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2;	GeneID:5743	cg13986130	0.045	0.032	0.078	0.054	0.068	0.048	0.077	0.047	0.038	0.052	0.055	0.003
ATXN1	ATX1; SCA1; D6S504E;	GeneID:6310	cg10487127	0.011	0.017	0.012	0.028	0.013	0.015	0.025	0.028	0.014	0.017	0.019	0.002
PTGS2	COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2;	GeneID:5743	cg15774283	0.018	0.016	0.018	0.023	0.012	0.032	0.015	0.022	0.018	0.019	0.020	0.001
SOX2	ANOP3; MGC2413;	GeneID:6657	cg01340005	0.027	0.021	0.018	0.026	0.014	0.018	0.032	0.025	0.028	0.023	0.024	0.000
ITGA6	CD49f;	GeneID:3655	cg10749011	0.018	0.016	0.013	0.014	0.013	0.019	0.012	0.017	0.017	0.013	0.015	0.000
MYC	c-Myc;	GeneID:4609	cg19972619	0.036	0.023	0.018	0.029	0.030	0.024	0.031	0.017	0.030	0.027	0.026	0.000
MYBL2	BMYB; MGC15600;	GeneID:4605	cg09604203	0.019	0.014	0.016	0.013	0.012	0.017	0.010	0.016	0.017	0.016	0.014	-0.001
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg18652941	0.027	0.031	0.026	0.025	0.023	0.022	0.023	0.016	0.046	0.027	0.026	-0.002
SSSCA1	p27;	GeneID:10534	cg24977709	0.026	0.028	0.023	0.026	0.023	0.021	0.018	0.045	0.013	0.026	0.024	-0.002
PCGF4	BMI1; RNF51; MGC12685;	GeneID:648	cg13984351	0.018	0.035	0.015	0.018	0.016	0.021	0.020	0.018	0.022	0.021	0.019	-0.002
CKAP4	p63; CLIMP-63; MGC99554;	GeneID:10970	cg09239756	0.024	0.022	0.026	0.031	0.024	0.016	0.016	0.034	0.026	0.026	0.023	-0.003
PCGF4	BMI1; RNF51; MGC12685;	GeneID:648	cg13379871	0.012	0.012	0.012	0.018	0.009	0.013	0.008	0.009	0.011	0.014	0.010	-0.004
ATXN1	ATX1; SCA1; D6S504E;	GeneID:6310	cg04542938	0.019	0.017	0.021	0.016	0.011	0.021	0.014	0.011	0.015	0.014	0.014	-0.004
CD44	IN; LHR; MC56; MDU2; MDU3; MIC4; Pgp1; CDW44; MUTCH-I; ECMR-III; MGC10468;	GeneID:960	cg04125208	0.038	0.026	0.016	0.019	0.022	0.018	0.024	0.010	0.027	0.025	0.020	-0.005
CTNNB1	CTNNB;	GeneID:1499	cg04180460	0.024	0.017	0.021	0.029	0.012	0.010	0.022	0.016	0.025	0.023	0.017	-0.006
PTGS2	COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2;	GeneID:5743	cg09461185	0.035	0.027	0.032	0.020	0.022	0.024	0.019	0.020	0.024	0.028	0.022	-0.006
MYC	c-Myc;	GeneID:4609	cg27207274	0.036	0.045	0.031	0.047	0.034	0.026	0.028	0.029	0.037	0.040	0.031	-0.009
TP53	p53; LFS1; TRP53;	GeneID:7157	cg11519508	0.031	0.027	0.037	0.033	0.021	0.015	0.019	0.025	0.027	0.032	0.022	-0.010
MYB	efg; c-myb; c-myb_CDS;	GeneID:4602	cg18253802	0.038	0.038	0.036	0.030								