

Supplementary Material to:

White WM, Brost BC, Sun Z, Rose C, Craici I, Wagner SJ, et al. Normal early pregnancy: A transient state of epigenetic change favoring hypomethylation.

Epigenetics 2012; 7(7); <http://dx.doi.org/10.4161/epi.20388>

<http://www.landesbioscience.com/journals/epigenetics/article/20388>

Supplementary Table 1: Differentially methylated genes in pregnant compared with postpartum maternal DNA listed in order of increasing FDR q value. There are 275 CpG sites in 258 genes with $q < 0.05$.

SYMBOL	Probeset ID	Mean Methyl Pregnant	Mean Methyl Postpartum	Mean methyl Diff	p-value	q value	CHR	CPG ISLAND
MGC39715	cg17199658	0.243	0.288	-0.04	2.81E-07	0.007	8	TRUE
SAA2	cg12907644	0.49	0.55	-0.06	2.04E-06	0.011	11	FALSE
WT1	cg13641903	0.466	0.52	-0.05	2.40E-06	0.011	11	TRUE
SPAG4	cg23713742	0.464	0.557	-0.09	2.86E-06	0.011	20	FALSE
GNLY	cg11752275	0.345	0.416	-0.07	2.88E-06	0.011	2	FALSE
SLC26A8	cg15674432	0.095	0.124	-0.03	2.90E-06	0.011	6	TRUE
TREML1	cg04454050	0.166	0.213	-0.05	2.95E-06	0.011	6	FALSE
UNC13D	cg22467534	0.123	0.172	-0.05	4.30E-06	0.014	17	TRUE
TMEPAI	cg00138126	0.526	0.574	-0.05	4.69E-06	0.014	20	FALSE
SPATC1	cg12089698	0.21	0.301	-0.09	5.65E-06	0.014	8	TRUE
INHBE	cg22630748	0.518	0.585	-0.07	5.80E-06	0.014	12	FALSE
GSG1	cg08399444	0.336	0.431	-0.09	7.07E-06	0.015	12	FALSE
PTPN7	cg23506842	0.095	0.131	-0.04	7.69E-06	0.015	1	FALSE
REEP6	cg22759185	0.612	0.655	-0.04	8.50E-06	0.015	19	TRUE
MPO	cg04988978	0.187	0.249	-0.06	8.54E-06	0.015	17	FALSE
TREM2	cg01980222	0.309	0.389	-0.08	9.89E-06	0.016	6	FALSE
SH3TC2	cg01965939	0.25	0.302	-0.05	1.23E-05	0.019	5	FALSE
DEPDC2	cg13652336	0.12	0.151	-0.03	1.34E-05	0.019	8	TRUE
HIPK3	cg05501357	0.216	0.279	-0.06	1.43E-05	0.019	11	FALSE
FUT3	cg09001777	0.198	0.267	-0.07	1.56E-05	0.019	19	FALSE
RTP3	cg02332537	0.584	0.619	-0.04	1.80E-05	0.019	3	FALSE
PNPLA2	cg22016649	0.223	0.286	-0.06	1.84E-05	0.019	11	TRUE
MST1	cg12788313	0.399	0.474	-0.07	1.87E-05	0.019	3	FALSE
IL11RA	cg21504624	0.303	0.342	-0.04	1.89E-05	0.019	9	FALSE
PPP2R4	cg25587233	0.506	0.559	-0.05	1.91E-05	0.019	9	FALSE
LRRFIP1	cg09037813	0.176	0.243	-0.07	1.98E-05	0.019	2	TRUE
RAB34	cg21237418	0.238	0.316	-0.08	2.02E-05	0.019	17	TRUE
RETN	cg22322184	0.407	0.476	-0.07	2.10E-05	0.019	19	FALSE
PRDM2	cg25402049	0.608	0.672	-0.06	2.19E-05	0.019	1	FALSE
FCN1	cg06244417	0.49	0.556	-0.07	2.27E-05	0.019	9	FALSE
KLRG1	cg00443307	0.4	0.455	-0.05	2.29E-05	0.019	12	FALSE
S100B	cg07685786	0.472	0.52	-0.05	2.50E-05	0.02	21	FALSE
SLC22A18	cg19906550	0.288	0.365	-0.08	2.63E-05	0.02	11	FALSE
SOD3	cg10307548	0.285	0.356	-0.07	2.74E-05	0.02	4	FALSE
UNQ473	cg15937958	0.614	0.694	-0.08	2.74E-05	0.02	19	FALSE
BTN2A1	cg07671208	0.582	0.628	-0.05	2.90E-05	0.021	6	FALSE
DEFA4	cg19304352	0.76	0.792	-0.03	3.03E-05	0.021	8	FALSE
TRIM21	cg09983885	0.273	0.309	-0.04	3.23E-05	0.022	11	TRUE
ECRG4	cg11024597	0.28	0.378	-0.1	3.47E-05	0.023	2	FALSE

TCN1	cg20018806	0.538	0.607	-0.07	3.53E-05	0.023	11	FALSE
KCNQ1	cg16465939	0.173	0.224	-0.05	3.60E-05	0.023	11	TRUE
FCGRT	cg15528736	0.289	0.365	-0.08	3.73E-05	0.023	19	TRUE
CLEC9A	cg20098659	0.542	0.63	-0.09	3.77E-05	0.023	12	TRUE
HIPK3	cg25600606	0.404	0.504	-0.1	3.93E-05	0.023	11	FALSE
CHI3L1	cg07423149	0.459	0.521	-0.06	3.97E-05	0.023	1	FALSE
KCNQ1	cg12949760	0.361	0.448	-0.09	4.06E-05	0.023	11	TRUE
SAA1	cg15484375	0.429	0.495	-0.07	4.21E-05	0.023	11	FALSE
CIAS1	cg26112639	0.171	0.222	-0.05	4.35E-05	0.024	1	FALSE
SERPINF1	cg22242539	0.344	0.435	-0.09	4.42E-05	0.024	17	TRUE
RPS6KA1	cg01031251	0.496	0.565	-0.07	4.56E-05	0.024	1	TRUE
CRHBP	cg16545105	0.294	0.345	-0.05	4.67E-05	0.024	5	FALSE
LEP	cg19594666	0.452	0.552	-0.1	5.11E-05	0.025	7	TRUE
FGD4	cg05681757	0.311	0.409	-0.1	5.24E-05	0.025	12	FALSE
CHI3L1	cg03625911	0.344	0.402	-0.06	5.32E-05	0.025	1	FALSE
CORO2B	cg08290628	0.507	0.55	-0.04	5.55E-05	0.025	15	FALSE
FMOD	cg03764585	0.302	0.337	-0.04	5.75E-05	0.025	1	FALSE
SLC2A13	cg01603095	0.503	0.538	-0.04	5.97E-05	0.025	12	TRUE
CTGLF1	cg13555884	0.788	0.824	-0.04	6.40E-05	0.025	10	FALSE
NDUFS2	cg17166812	0.267	0.333	-0.07	6.46E-05	0.025	1	FALSE
GSTP1	cg22224704	0.272	0.34	-0.07	6.55E-05	0.025	11	TRUE
LGALS7	cg13588835	0.354	0.408	-0.05	6.58E-05	0.025	19	FALSE
LTBR	cg15784615	0.43	0.5	-0.07	6.67E-05	0.025	12	FALSE
HCA112	cg26385222	0.467	0.528	-0.06	6.68E-05	0.025	7	TRUE
CBFA2T3	cg13745346	0.338	0.394	-0.06	6.70E-05	0.025	16	TRUE
GP1BA	cg11340260	0.456	0.498	-0.04	6.71E-05	0.025	17	FALSE
CTSG	cg24355048	0.369	0.431	-0.06	6.80E-05	0.025	14	FALSE
HP	cg06172871	0.319	0.401	-0.08	6.85E-05	0.025	16	FALSE
SLC11A1	cg18854666	0.616	0.672	-0.06	6.87E-05	0.025	2	FALSE
GPR21	cg04784315	0.31	0.386	-0.08	7.00E-05	0.025	9	FALSE
CDH5	cg08872742	0.336	0.373	-0.04	7.07E-05	0.025	16	FALSE
FLJ30046	cg08504583	0.497	0.58	-0.08	7.07E-05	0.025	13	FALSE
SYDE1	cg00666746	0.242	0.284	-0.04	7.10E-05	0.025	19	TRUE
SERPINA1	cg24621042	0.39	0.464	-0.07	7.10E-05	0.025	14	FALSE
AER61	cg14870461	0.111	0.152	-0.04	7.19E-05	0.025	3	TRUE
PCDH12	cg12845808	0.378	0.442	-0.06	7.24E-05	0.025	5	FALSE
PGBD3	cg08335125	0.623	0.678	-0.06	7.31E-05	0.025	10	FALSE
FYB	cg13703437	0.32	0.394	-0.07	7.36E-05	0.025	5	FALSE
HTR2A	cg00308665	0.477	0.533	-0.06	7.68E-05	0.026	13	FALSE
C10orf91	cg22045288	0.276	0.354	-0.08	7.84E-05	0.026	10	FALSE
H2BFS	cg15536230	0.4	0.469	-0.07	7.94E-05	0.026	21	TRUE
B3GALT7	cg20557104	0.083	0.11	-0.03	8.19E-05	0.026	19	FALSE
RLN2	cg02875297	0.247	0.278	-0.03	8.41E-05	0.026	9	TRUE
ZNF259	cg20570279	0.135	0.158	-0.02	8.44E-05	0.026	11	TRUE
CCL8	cg01636591	0.501	0.56	-0.06	8.51E-05	0.026	17	FALSE
CCL26	cg05556717	0.27	0.321	-0.05	8.72E-05	0.027	7	FALSE
PTEN	cg21480743	0.134	0.177	-0.04	8.88E-05	0.027	10	TRUE
STK24	cg10057295	0.197	0.263	-0.07	9.05E-05	0.027	13	TRUE
OSCAR	cg14511156	0.179	0.245	-0.07	9.23E-05	0.027	19	FALSE
GPLD1	cg14023451	0.51	0.569	-0.06	9.85E-05	0.028	6	FALSE

POR	cg20748065	0.255	0.345	-0.09	9.86E-05	0.028	7	TRUE
KLRG1	cg14913610	0.186	0.244	-0.06	9.89E-05	0.028	12	FALSE
BMX	cg22745747	0.497	0.568	-0.07	0.0001	0.028	X	TRUE
FAM57A	cg10981541	0.08	0.102	-0.02	0.000103	0.029	17	TRUE
CD72	cg12971694	0.21	0.285	-0.08	0.000104	0.029	9	FALSE
CD244	cg11939496	0.373	0.454	-0.08	0.000106	0.029	1	FALSE
IER2	cg17753124	0.418	0.487	-0.07	0.00011	0.03	19	FALSE
FUT7	cg09305224	0.385	0.454	-0.07	0.000113	0.03	9	FALSE
SCNN1D	cg22421766	0.159	0.196	-0.04	0.000113	0.03	1	FALSE
SRRM2	cg06736444	0.814	0.779	0.035	0.000113	0.03	16	TRUE
PITPNM2	cg08176694	0.259	0.317	-0.06	0.000115	0.03	12	TRUE
NCF1	cg02537023	0.424	0.462	-0.04	0.000119	0.03	7	FALSE
SLC26A8	cg23807646	0.589	0.635	-0.05	0.00012	0.03	6	FALSE
CLCN1	cg17922226	0.658	0.702	-0.04	0.000123	0.031	7	FALSE
CCDC19	cg02849695	0.438	0.502	-0.06	0.000127	0.032	1	TRUE
C10orf89	cg09419900	0.344	0.39	-0.05	0.000132	0.032	10	FALSE
GATAD2B	cg01402255	0.246	0.313	-0.07	0.000132	0.032	1	FALSE
UAP1L1	cg04582938	0.223	0.257	-0.03	0.000133	0.032	9	TRUE
SGK2	cg21685427	0.475	0.548	-0.07	0.000136	0.032	20	FALSE
STARD6	cg18934187	0.382	0.442	-0.06	0.000137	0.032	18	FALSE
SP6	cg23355492	0.612	0.671	-0.06	0.000137	0.032	17	FALSE
PAQR7	cg15662251	0.328	0.379	-0.05	0.000139	0.032	1	FALSE
GRB10	cg25915982	0.832	0.801	0.032	0.00014	0.032	7	TRUE
LOC55908	cg05718253	0.767	0.807	-0.04	0.000142	0.032	19	FALSE
PRTN3	cg00615241	0.302	0.365	-0.06	0.000143	0.032	19	FALSE
C10orf26	cg15227982	0.191	0.228	-0.04	0.000145	0.032	10	FALSE
RALGDS	cg16872071	0.16	0.215	-0.05	0.000146	0.032	9	FALSE
HPR	cg09584711	0.387	0.458	-0.07	0.000146	0.032	16	FALSE
ESM1	cg20451680	0.51	0.555	-0.05	0.000147	0.032	5	TRUE
GLT1D1	cg16717225	0.431	0.476	-0.04	0.000147	0.032	12	TRUE
DEFB1	cg24292612	0.292	0.377	-0.09	0.000147	0.032	8	FALSE
ITGB1BP1	cg26306976	0.423	0.515	-0.09	0.00015	0.032	2	FALSE
SLC22A18	cg21019522	0.224	0.295	-0.07	0.000155	0.033	11	FALSE
C19orf35	cg01129847	0.18	0.243	-0.06	0.000156	0.033	19	FALSE
KRT6A	cg11471401	0.516	0.576	-0.06	0.000158	0.033	12	FALSE
FUT7	cg02679745	0.234	0.319	-0.09	0.000161	0.033	9	FALSE
GPR97	cg12125117	0.244	0.305	-0.06	0.000163	0.034	16	FALSE
URP2	cg14654385	0.255	0.356	-0.1	0.000171	0.034	11	TRUE
JAK3	cg18145683	0.606	0.654	-0.05	0.000171	0.034	19	TRUE
NOTCH4	cg14700707	0.173	0.23	-0.06	0.000172	0.034	6	FALSE
TNF	cg04425624	0.11	0.15	-0.04	0.000172	0.034	6	FALSE
TRSPAP1	cg13857440	0.114	0.146	-0.03	0.000176	0.034	1	TRUE
GUCY1B2	cg24821554	0.292	0.384	-0.09	0.000176	0.034	13	FALSE
CTSG	cg24777950	0.253	0.333	-0.08	0.000177	0.034	14	FALSE
F2RL2	cg00415993	0.276	0.354	-0.08	0.000179	0.035	5	FALSE
SFTPD	cg03600318	0.224	0.279	-0.05	0.000182	0.035	10	FALSE
LGP1	cg13053608	0.239	0.318	-0.08	0.000182	0.035	17	FALSE
GPR18	cg03404502	0.442	0.514	-0.07	0.000183	0.035	13	FALSE
CASP10	cg16745604	0.213	0.269	-0.06	0.000186	0.035	2	FALSE
FLJ35530	cg19399532	0.215	0.292	-0.08	0.000188	0.035	1	TRUE

PMAIP1	cg22549408	0.371	0.427	-0.06	0.000189	0.035	18	TRUE
EHF	cg13084525	0.43	0.47	-0.04	0.000191	0.035	11	FALSE
LHFPL2	cg06759890	0.232	0.292	-0.06	0.000191	0.035	5	FALSE
GLYCTK	cg17386185	0.124	0.159	-0.04	0.000193	0.035	3	TRUE
AZU1	cg17823175	0.525	0.595	-0.07	0.000197	0.035	19	TRUE
NR2E1	cg03958979	0.191	0.218	-0.03	0.000199	0.035	6	TRUE
APOBEC3G	cg04286933	0.1	0.134	-0.03	0.0002	0.035	22	FALSE
CAB39L	cg17777592	0.322	0.376	-0.05	0.000202	0.036	13	FALSE
IFITM3	cg14885742	0.302	0.372	-0.07	0.000206	0.036	11	TRUE
AQP10	cg20713492	0.149	0.189	-0.04	0.000209	0.036	1	FALSE
CST7	cg09971811	0.245	0.3	-0.06	0.000209	0.036	20	FALSE
SLPI	cg23889010	0.343	0.413	-0.07	0.000211	0.036	20	FALSE
PTPN18	cg26160573	0.141	0.183	-0.04	0.000212	0.036	2	TRUE
MCAM	cg21096399	0.209	0.252	-0.04	0.000213	0.036	11	TRUE
PTAFR	cg24354652	0.336	0.392	-0.06	0.000213	0.036	1	FALSE
PRF1	cg02374486	0.742	0.692	0.051	0.000214	0.036	10	FALSE
CD248	cg00350296	0.147	0.189	-0.04	0.00022	0.036	11	FALSE
HK2	cg18638581	0.216	0.293	-0.08	0.000222	0.036	2	FALSE
MPG	cg16003913	0.26	0.319	-0.06	0.000222	0.036	16	FALSE
FAM65A	cg04925864	0.11	0.134	-0.02	0.000225	0.036	16	TRUE
RNASE2	cg26191951	0.26	0.32	-0.06	0.000226	0.036	14	FALSE
IL27	cg17122311	0.445	0.518	-0.07	0.000228	0.036	16	FALSE
DEFA1	cg10758292	0.398	0.49	-0.09	0.000229	0.036	8	FALSE
CSF3R	cg07285167	0.28	0.372	-0.09	0.000229	0.036	1	FALSE
FAM83F	cg03954858	0.471	0.517	-0.05	0.000231	0.036	22	FALSE
PRPH	cg24059075	0.222	0.259	-0.04	0.000232	0.036	12	FALSE
RAB36	cg15379633	0.21	0.267	-0.06	0.000234	0.036	22	TRUE
HLA-DRA	cg25764570	0.505	0.575	-0.07	0.000239	0.036	6	FALSE
LTBP3	cg08965235	0.143	0.189	-0.05	0.00024	0.036	11	TRUE
SEPT6	cg09581098	0.31	0.268	0.042	0.000241	0.036	X	TRUE
SCGB3A1	cg14472601	0.528	0.573	-0.04	0.000241	0.036	5	TRUE
C16orf50	cg01813965	0.215	0.279	-0.06	0.000241	0.036	16	FALSE
ABP1	cg07897701	0.37	0.43	-0.06	0.000243	0.036	7	FALSE
CSNK1E	cg01441777	0.429	0.501	-0.07	0.000245	0.036	22	TRUE
LMO2	cg09358725	0.32	0.394	-0.07	0.000247	0.036	11	FALSE
SPI1	cg14088811	0.275	0.351	-0.08	0.00025	0.036	11	TRUE
SFTPD	cg08458487	0.267	0.358	-0.09	0.00025	0.036	10	FALSE
GNGT2	cg17839611	0.681	0.614	0.067	0.000255	0.037	17	FALSE
MRGPRF	cg22933847	0.188	0.237	-0.05	0.000256	0.037	11	FALSE
FXD1	cg27461196	0.494	0.572	-0.08	0.000256	0.037	19	FALSE
ROBO4	cg10148841	0.47	0.533	-0.06	0.000259	0.037	11	FALSE
LY9	cg18920397	0.642	0.56	0.082	0.000262	0.037	1	FALSE
AIF1	cg24211388	0.288	0.379	-0.09	0.000263	0.037	6	FALSE
C5orf4	cg10257049	0.162	0.217	-0.05	0.000267	0.037	5	FALSE
CTNND1	cg17995823	0.21	0.275	-0.07	0.000271	0.038	11	FALSE
LST1	cg23509869	0.295	0.343	-0.05	0.000275	0.038	6	FALSE
C17orf44	cg06319579	0.256	0.286	-0.03	0.000278	0.038	17	FALSE
LOC284837	cg00546897	0.448	0.537	-0.09	0.000279	0.038	21	FALSE
NR1H3	cg12613344	0.576	0.638	-0.06	0.00028	0.038	11	FALSE
HYAL2	cg00840516	0.493	0.545	-0.05	0.000283	0.038	3	FALSE

MPO	cg09421562	0.457	0.512	-0.05	0.000287	0.038	17	FALSE
APITD1	cg09242541	0.408	0.454	-0.05	0.000288	0.038	1	FALSE
SLC34A2	cg21200703	0.268	0.293	-0.03	0.000295	0.039	4	TRUE
HCN1	cg06498267	0.114	0.137	-0.02	0.000296	0.039	5	TRUE
LYPD3	cg15014458	0.449	0.491	-0.04	0.000302	0.04	19	FALSE
HYAL2	cg27091787	0.38	0.437	-0.06	0.000305	0.04	3	FALSE
MYO1F	cg16504798	0.483	0.53	-0.05	0.000308	0.04	19	FALSE
GZMM	cg18338021	0.86	0.818	0.042	0.000312	0.04	19	TRUE
IGLL1	cg10494770	0.375	0.415	-0.04	0.000315	0.04	22	FALSE
CLIC1	cg01578324	0.182	0.22	-0.04	0.000323	0.041	6	FALSE
MFAP4	cg13030582	0.204	0.257	-0.05	0.000323	0.041	17	FALSE
ITGB2	cg04790129	0.265	0.318	-0.05	0.000329	0.041	21	FALSE
BCL2	cg25059899	0.621	0.678	-0.06	0.00033	0.041	18	TRUE
LAIR1	cg20320468	0.49	0.561	-0.07	0.000334	0.041	19	FALSE
CIDEB	cg13840968	0.5	0.542	-0.04	0.000338	0.041	14	TRUE
ATP6V1E2	cg27485921	0.24	0.317	-0.08	0.000339	0.041	2	FALSE
SIGLEC9	cg04164824	0.272	0.335	-0.06	0.000339	0.041	19	FALSE
DHCR7	cg10763288	0.281	0.319	-0.04	0.00034	0.041	11	TRUE
ELA2	cg07239938	0.334	0.408	-0.07	0.000341	0.041	19	TRUE
PDZK3	cg22705225	0.234	0.259	-0.03	0.000342	0.041	5	TRUE
DOK3	cg02357714	0.139	0.181	-0.04	0.000342	0.041	5	FALSE
CD3G	cg15880738	0.731	0.66	0.071	0.000345	0.042	11	FALSE
SPAG4L	cg08642068	0.356	0.437	-0.08	0.000349	0.042	20	FALSE
VTN	cg21846903	0.22	0.291	-0.07	0.00035	0.042	17	FALSE
P518	cg03924115	0.291	0.353	-0.06	0.000354	0.042	9	TRUE
FCGR1A	cg19464944	0.198	0.255	-0.06	0.000359	0.042	1	FALSE
ZNF690	cg21033855	0.1	0.124	-0.02	0.000359	0.042	15	TRUE
IL27	cg25341726	0.289	0.348	-0.06	0.000364	0.043	16	FALSE
NRXN1	cg10917619	0.521	0.561	-0.04	0.000367	0.043	2	TRUE
CYGB	cg21301440	0.151	0.182	-0.03	0.00037	0.043	17	TRUE
NCF4	cg09624565	0.199	0.256	-0.06	0.000375	0.043	22	FALSE
DGKZ	cg18765542	0.169	0.203	-0.03	0.000379	0.044	11	TRUE
CRYBB1	cg04541607	0.218	0.27	-0.05	0.000382	0.044	22	FALSE
SLC25A10	cg07845392	0.33	0.379	-0.05	0.000387	0.044	17	TRUE
TNFRSF7	cg06495803	0.461	0.418	0.042	0.000387	0.044	12	FALSE
K6IRS2	cg20050826	0.278	0.353	-0.07	0.000391	0.044	12	TRUE
CCIN	cg15248035	0.285	0.389	-0.1	0.000393	0.044	9	TRUE
C15orf5	cg08130265	0.346	0.427	-0.08	0.000395	0.044	15	FALSE
IL1R2	cg20340242	0.185	0.25	-0.07	0.000397	0.044	2	TRUE
TRIP6	cg01274660	0.177	0.227	-0.05	0.000406	0.045	7	FALSE
PRKG2	cg16744741	0.42	0.458	-0.04	0.00041	0.045	4	FALSE
ST6GALNAC4	cg25732252	0.431	0.472	-0.04	0.000419	0.046	9	FALSE
FLJ46380	cg19180828	0.378	0.424	-0.05	0.000421	0.046	1	TRUE
LRP3	cg08700306	0.411	0.469	-0.06	0.000425	0.046	19	FALSE
CD59	cg24453664	0.255	0.328	-0.07	0.00043	0.046	11	FALSE
FGF23	cg23219570	0.147	0.192	-0.05	0.00043	0.046	12	FALSE
ITGAM	cg15337006	0.181	0.24	-0.06	0.000431	0.046	16	FALSE
FLJ45717	cg18354594	0.761	0.793	-0.03	0.000434	0.046	1	FALSE
C6orf105	cg10787197	0.403	0.481	-0.08	0.000437	0.046	6	FALSE

MGAT5B	cg07112210	0.389	0.41	-0.02	0.000448	0.047	17	FALSE
GFRA3	cg20178764	0.319	0.377	-0.06	0.00045	0.047	5	TRUE
POLR3D	cg07059360	0.329	0.357	-0.03	0.000452	0.047	8	TRUE
PRLHR	cg15748507	0.281	0.308	-0.03	0.000452	0.047	10	TRUE
FOXJ1	cg24164563	0.169	0.203	-0.03	0.000453	0.047	17	TRUE
SH3BP5	cg21283680	0.31	0.393	-0.08	0.000454	0.047	3	FALSE
SEPT9	cg03330678	0.371	0.458	-0.09	0.00046	0.047	17	TRUE
SLCO3A1	cg17338403	0.101	0.123	-0.02	0.000463	0.047	15	FALSE
UBTD1	cg17296078	0.19	0.249	-0.06	0.000463	0.047	10	TRUE
GAS2L2	cg24922045	0.391	0.425	-0.03	0.000464	0.047	17	FALSE
NCOR2	cg22820108	0.481	0.532	-0.05	0.000465	0.047	12	TRUE
PCGF5	cg17001035	0.117	0.142	-0.03	0.000465	0.047	10	TRUE
CEACAM6	cg21126943	0.252	0.332	-0.08	0.000473	0.048	19	FALSE
C3orf9	cg17421623	0.254	0.289	-0.04	0.000475	0.048	3	FALSE
NUCB1	cg21252483	0.48	0.51	-0.03	0.000477	0.048	19	TRUE
GPR109B	cg15447486	0.369	0.448	-0.08	0.00048	0.048	12	FALSE
KNS2	cg23090046	0.422	0.5	-0.08	0.000481	0.048	14	TRUE
HPS4	cg07924575	0.493	0.55	-0.06	0.000487	0.048	22	FALSE
S100A9	cg03165378	0.471	0.532	-0.06	0.000487	0.048	1	FALSE
LGALS4	cg06394229	0.46	0.515	-0.05	0.000488	0.048	19	FALSE
TFR2	cg10681065	0.403	0.471	-0.07	0.000488	0.048	7	FALSE
ELA2	cg01963696	0.455	0.522	-0.07	0.000489	0.048	19	TRUE
PNPLA2	cg24427660	0.392	0.473	-0.08	0.00049	0.048	11	TRUE
TIGD5	cg14292823	0.574	0.621	-0.05	0.000495	0.048	8	TRUE
NIFIE14	cg00739120	0.233	0.279	-0.05	0.000501	0.048	19	TRUE
GRB7	cg17740645	0.27	0.339	-0.07	0.000512	0.049	17	FALSE