

**Table S2.** Haplotype frequency of each subspecies. Frequencies of non-functional haplotypes (pseudogenes and whole-gene deletions) are underlined.

Western ( <i>N</i> =92)	Haplotype number												Δ
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	
<i>cTAS2R1</i>	69 (75 %)	<u>22 (24 %)</u>	1 (1 %)	0	0	0	0	0	0	0	0	–	–
<i>cTAS2R2</i>	25 (27 %)	33 (36 %)	34 (37 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R3</i>	44 (48 %)	17 (18 %)	30 (33 %)	1 (1 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R4</i>	45 (49 %)	47 (51 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R5</i>	85 (92 %)	7 (8 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R7</i>	79 (86 %)	13 (14 %)	0	0	0	0	0	0	<u>0</u>	0	–	–	–
<i>cTAS2R8</i>	63 (68 %)	25 (27 %)	3 (3 %)	1 (1 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R9</i>	67 (73 %)	25 (27 %)	0	0	0	0	0	0	0	–	–	–	–
<i>cTAS2R10</i>	91 (99 %)	1 (1 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R13</i>	64 (70 %)	9 (10 %)	12 (13 %)	5 (5 %)	1 (1 %)	1 (1 %)	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R14</i>	48 (52 %)	33 (36 %)	7 (8 %)	4 (4 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R16</i>	77 (84 %)	15 (16 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R19</i>	82 (89 %)	10 (11 %)	0	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R20</i>	29 (32 %)	23 (25 %)	15 (16 %)	25 (27 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R30</i>	18 (20 %)	<u>3 (3 %)</u>	70 (76 %)	1 (1 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R31</i>	40 (43 %)	32 (35 %)	<u>9 (10 %)</u>	11 (12 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R38</i>	<u>64 (70 %)</u>	19 (21 %)	<u>6 (7 %)</u>	3 (3 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R39</i>	79 (86 %)	13 (14 %)	0	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R40</i>	92 (100 %)	0	<u>0</u>	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R41</i>	87 (95 %)	5 (5 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R42</i>	64 (70 %)	<u>17 (18 %)</u>	<u>7 (8 %)</u>	4 (4 %)	<u>0</u>	<u>0</u>	0	<u>0</u>	<u>0</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R43</i>	22 (24 %)	30 (33 %)	27 (29 %)	<u>11 (12 %)</u>	2 (2 %)	<u>0</u>	0	0	0	0	0	0	<u>0</u>
<i>cTAS2R45</i>	50 (54 %)	27 (29 %)	1 (1 %)	3 (3 %)	<u>11 (12 %)</u>	0	0	0	0	<u>0</u>	–	–	–
<i>cTAS2R46</i>	62 (67 %)	5 (5 %)	15 (16 %)	6 (7 %)	4 (4 %)	<u>0</u>	0	0	–	–	–	–	<u>0</u>
<i>cTAS2R50</i>	55 (60 %)	22 (24 %)	14 (15 %)	1 (1 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R60</i>	43 (47 %)	12 (13 %)	33 (36 %)	4 (4 %)	0	0	0	0	<u>0</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R62</i>	64 (70 %)	25 (27 %)	1 (1 %)	2 (2 %)	0	0	0	0	0	0	0	–	–
<i>cTAS2R64</i>	52 (57 %)	26 (28 %)	11 (12 %)	3 (3 %)	0	0	0	0	0	–	–	–	<u>0</u>

**Table S2.** Continued.

Eastern ( <i>N</i> =20)	Haplotype number												Δ
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	
<i>cTAS2R1</i>	0	<u>0</u>	0	9 (45 %)	3 (15 %)	1 (5 %)	4 (20 %)	1 (5 %)	2 (10 %)	0	0	–	–
<i>cTAS2R2</i>	0	4 (20 %)	14 (70 %)	2 (10 %)	0	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R3</i>	11 (55 %)	0	0	0	7 (35 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R4</i>	13 (65 %)	0	6 (30 %)	1 (5 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R5</i>	20 (100 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R7</i>	3 (15 %)	0	4 (20 %)	2 (10 %)	2 (10 %)	4 (20 %)	3 (15 %)	2 (10 %)	<u>0</u>	0	–	–	–
<i>cTAS2R8</i>	12 (60 %)	0	0	0	2 (10 %)	6 (30 %)	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R9</i>	11 (55 %)	0	2 (10 %)	1 (5 %)	5 (25 %)	1 (5 %)	0	0	0	–	–	–	–
<i>cTAS2R10</i>	16 (80 %)	0	2 (10 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R13</i>	19 (95 %)	0	0	0	0	0	1 (5 %)	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R14</i>	14 (70 %)	0	0	0	4 (20 %)	2 (10 %)	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R16</i>	12 (60 %)	0	5 (25 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R19</i>	3 (15 %)	0	3 (15 %)	5 (25 %)	6 (30 %)	3 (15 %)	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R20</i>	0	0	0	7 (35 %)	11 (55 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R30</i>	0	<u>0</u>	16 (80 %)	0	3 (15 %)	1 (5 %)	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R31</i>	8 (40 %)	3 (15 %)	<u>0</u>	0	4 (20 %)	2 (10 %)	3 (15 %)	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R38</i>	<u>0</u>	14 (70 %)	<u>0</u>	0	2 (10 %)	4 (20 %)	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R39</i>	13 (65 %)	0	2 (10 %)	5 (25 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R40</i>	15 (75 %)	4 (20 %)	<u>1 (5 %)</u>	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R41</i>	0	0	19 (95 %)	1 (5 %)	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R42</i>	8 (40 %)	<u>0</u>	<u>0</u>	0	<u>4 (20 %)</u>	<u>6 (30 %)</u>	2 (10 %)	<u>0</u>	<u>0</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R43</i>	0	0	0	<u>0</u>	0	<u>3 (15 %)</u>	4 (20 %)	6 (30 %)	3 (15 %)	1 (5 %)	0	0	<u>3 (15 %)</u>
<i>cTAS2R45</i>	12 (60 %)	0	0	0	<u>0</u>	3 (15 %)	3 (15 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	<u>0</u>	–	–	–
<i>cTAS2R46</i>	7 (35 %)	0	0	0	0	<u>3 (15 %)</u>	7 (35 %)	0	–	–	–	–	<u>3 (15 %)</u>
<i>cTAS2R50</i>	4 (20 %)	0	0	0	7 (35 %)	9 (45 %)	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R60</i>	0	0	0	0	18 (90 %)	1 (5 %)	1 (5 %)	0	<u>0</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R62</i>	0	0	0	0	10 (50 %)	2 (10 %)	2 (10 %)	2 (10 %)	2 (10 %)	2 (10 %)	0	–	–
<i>cTAS2R64</i>	4 (20 %)	4 (20 %)	0	0	2 (10 %)	4 (20 %)	2 (10 %)	1 (5 %)	0	–	–	–	<u>3 (15 %)</u>

**Table S2.** Continued.

Central (N=4)	Haplotype number												Δ
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	
<i>cTAS2R1</i>	0	<u>0</u>	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	0	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	–	–
<i>cTAS2R2</i>	0	2 (50 %)	1 (25 %)	0	1 (25 %)	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R3</i>	3 (75 %)	0	0	0	1 (25 %)	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R4</i>	2 (50 %)	0	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R5</i>	3 (75 %)	0	1 (25 %)	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R7</i>	0	0	0	0	0	1 (25 %)	0	2 (50 %)	<u>1 (25 %)</u>	0	–	–	–
<i>cTAS2R8</i>	2 (50 %)	0	0	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R9</i>	1 (25 %)	0	0	0	2 (50 %)	0	1 (25 %)	0	0	–	–	–	–
<i>cTAS2R10</i>	4 (100 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R13</i>	4 (100 %)	0	0	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R14</i>	4 (100 %)	0	0	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R16</i>	3 (75 %)	0	0	1 (25 %)	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R19</i>	2 (50 %)	0	0	1 (25 %)	0	0	1 (25 %)	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R20</i>	0	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	2 (50 %)	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R30</i>	0	<u>0</u>	3 (75 %)	0	1 (25 %)	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R31</i>	2 (50 %)	0	<u>0</u>	0	0	0	0	2 (50 %)	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R38</i>	<u>0</u>	4 (100 %)	<u>0</u>	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R39</i>	2 (50 %)	0	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	0	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R40</i>	2 (50 %)	1 (25 %)	<u>0</u>	1 (25 %)	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R41</i>	2 (50 %)	0	2 (50 %)	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R42</i>	3 (75 %)	<u>0</u>	<u>0</u>	0	<u>0</u>	<u>0</u>	0	<u>1 (25 %)</u>	<u>0</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R43</i>	2 (50 %)	0	0	<u>0</u>	0	<u>0</u>	0	0	0	1 (25 %)	1 (25 %)	0	<u>0</u>
<i>cTAS2R45</i>	0	0	0	0	<u>0</u>	0	0	1 (25 %)	0	<u>3 (75 %)</u>	–	–	–
<i>cTAS2R46</i>	2 (50 %)	0	0	0	0	<u>0</u>	2 (50 %)	0	–	–	–	–	<u>0</u>
<i>cTAS2R50</i>	3 (75 %)	0	0	0	0	0	1 (25 %)	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R60</i>	1 (25 %)	0	0	0	0	0	0	1 (25 %)	<u>2 (50 %)</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R62</i>	0	1 (25 %)	0	0	2 (50 %)	0	0	0	1 (25 %)	0	0	–	–
<i>cTAS2R64</i>	2 (50 %)	0	0	0	0	1 (25 %)	0	1 (25 %)	0	–	–	–	<u>0</u>

**Table S2.** Continued.

NC <sup>a</sup> (N=2)	Haplotype number												Δ
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	
<i>cTAS2R1</i>	0	<u>0</u>	0	0	0	2 (100 %)	0	0	0	0	0	–	–
<i>cTAS2R2</i>	0	2 (100 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R3</i>	2 (100 %)	0	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R4</i>	2 (100 %)	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R5</i>	1 (50 %)	0	0	1 (50 %)	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R7</i>	0	0	0	0	0	1 (50 %)	0	0	<u>0</u>	1 (50 %)	–	–	–
<i>cTAS2R8</i>	0	0	0	0	2 (100 %)	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R9</i>	0	0	0	0	0	0	0	1 (50 %)	1 (50 %)	–	–	–	–
<i>cTAS2R10</i>	2 (100 %)	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R13</i>	0	0	0	0	0	0	0	2 (100 %)	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R14</i>	0	0	0	0	0	0	1 (50 %)	1 (50 %)	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R16</i>	2 (100 %)	0	0	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R19</i>	0	0	0	0	0	1 (50 %)	0	1 (50 %)	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R20</i>	0	0	1 (50 %)	1 (50 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R30</i>	0	<u>0</u>	1 (50 %)	0	0	1 (50 %)	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R31</i>	1 (50 %)	0	<u>0</u>	0	0	0	1 (50 %)	0	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R38</i>	<u>0</u>	2 (100 %)	<u>0</u>	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R39</i>	0	0	0	0	0	0	1 (50 %)	1 (50 %)	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R40</i>	2 (100 %)	0	<u>0</u>	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R41</i>	2 (100 %)	0	0	0	–	–	–	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R42</i>	0	<u>0</u>	<u>0</u>	0	<u>0</u>	<u>0</u>	1 (50 %)	<u>0</u>	<u>1 (50 %)</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R43</i>	0	0	0	<u>0</u>	0	<u>0</u>	1 (50 %)	0	0	0	0	1 (50 %)	<u>0</u>
<i>cTAS2R45</i>	2 (100 %)	0	0	0	<u>0</u>	0	0	0	0	<u>0</u>	–	–	–
<i>cTAS2R46</i>	1 (50 %)	0	0	0	0	<u>0</u>	0	1 (50 %)	–	–	–	–	<u>0</u>
<i>cTAS2R50</i>	0	0	1 (50 %)	0	0	1 (50 %)	0	–	–	–	–	–	–
<i>cTAS2R60</i>	0	0	1 (50 %)	0	0	0	0	0	<u>1 (50 %)</u>	–	–	–	–
<i>cTAS2R62</i>	0	0	0	0	1 (50 %)	0	0	0	0	0	1 (50 %)	–	–
<i>cTAS2R64</i>	1 (50 %)	0	0	0	0	0	0	0	1 (50 %)	–	–	–	<u>0</u>

<sup>a</sup>Subspecies of a Nigerian-Cameroonian (NC) chimpanzee was identified only maternally due to a lack of information about the antecedents in captivity.