

Query Range: 1 - 1113 (Rat predicted ncRNA)
 Sbjct Range: 31 - 1124 (Mouse ncRNA-2: NR_027009.1)
 1146 bp, INT. Score: 656, OPT. Score: 2422
 Identity: 854 / 1146 (74%)
 Similarity: 854 / 1146 (74%)
 Strand: Plus / Plus

Query 1	CTGTGCTCTGGGGCTCCGCTCCTCAGAGAGCCTCGGCTAGATTGTTCCCTGAGGACAGG	60	Query 586	GAGCAAAGAGTATTCTAAACCCTGAGCCATCTTTCCAGCTCCAACATACTAACTTCAGA	645
Sbjct 31	CTGTGCTTTGGGGCTCCGGCTCCTCAGAGAGCCTCGGCTAGATCATTCTTGAGGACAGG	90	Sbjct 590	ATGTATACTGTCTTTAGAGAGTTAATATAGCATGTCTTTTGCAACATACTAACTT-----	645
Query 61	ACAGTGCTTTGTTAAGAGCTATTCTGCTGTCTGAGCAGTAACAGGCTTCGAGATCAA	120	Query 646	TAGTGTGGAAACCATCAACTGTGTAGTCATTTTGAAGGGAGTCATCCAGTGAGTGCT	705
Sbjct 91	ACAGTGCTTTGTTAAGGCTATATTTCTGCTGTCTGAGCAGCAACAGGCTTCGAGATCAA	150	Sbjct 646	TTGTGTGGTGCAGCAATATTGTGTAGTCATTTGAAAGGAGTCATTTCAATGAGTGTC	705
Query 121	CATGATTTTCATAATCCCAAGATGTTGCCCTTTCCGTTCTCAGAAGCAAGCAGAGGCAGC	180	Query 706	GGATTATTTGAATGCTATGGAA-----GGA-ACATTTAAATGTTTCATAAAACA	754
Sbjct 151	CATGATGTTTCATAATCCCAAGATGTTGCCATTTATGTCTCAGAAGCAAGCAGAGGCATG	210	Sbjct 706	AGATTGTTTTGAATGTATTGAACATTTAAATGCAGACTTGTGCTGTTTTAGAAAGCA	765
Query 181	CTGAT-----ACTGCTCACTATGTTGAATGCTGCTGCGGTTGGATTTTTTTAA	230	Query 755	AAACTGTGAGAAGCTCAAAGTAGAAATAAAAAGCTGAAGTATTTGAGAAGGGAACAA	814
Sbjct 211	ATGGTCAGTGACAGTAATGTCACTGTGTTAAATGTTGCTATGCAAGTTGGATTTTTCTAA	270	Sbjct 766	AAACTGTGAGAAGCTTGAAGTAAATAAAAAGCTGAAGTATTTGAGAAGGGAATAA	825
Query 231	GGTAGTTTAGGTAGGAGGTATGTTTTGTATGAATAAACT-TAAGTTACACCTTCCA	289	Query 815	GCTACTTGCTGTATTAGTTAGAGAAATACATACTAGTAAAGAAATTTAAAAACCATATA	874
Sbjct 271	TGTAGTGTAGGTAGAACATATGTTCTGTATGAATAAACTCTAAGTTACACCTTGTA	330	Sbjct 826	GCTACTTGCTGTATTAGTTGAAGGAAAGTGAATAGCTTAGAAAAATTT-AAAAACCATATA	884
Query 290	TAATTCATGC--AGTGTGTCACATTTGCCATTTTTAAGTCTTGCAAGTTTTTTCGTACAT	347	Query 875	CTTGACATTGCTGAGTATCTGCCAGATGAAAAGGAATGCTCAGAGTGGTCTGTTGAGCA	934
Sbjct 331	TAATCCATGCAATGTTATGCAATTACCA-TTTTAAGTATTGTAGCTTTCTTTGTATGT	389	Sbjct 885	GTTGTCACTGCTGAATATCTGGCAGATGAAAAGAAATCTC--AGTGGTCTTTTGTAGCA	942
Query 348	GAGGATAAAGGTGCTTTAGAGTGCATAAATAACGTTGCTTTTGGCAACATACATATTATTC	407	Query 935	ATATAACAACCTGTTATATTAAGACTTT-CCCACAGATTTAACTGTAATCTGTAATTC	993
Sbjct 390	GAGGATAAAGGTG--TTG--TCATAAA-----ATGTTTTG-AACAT--TTCCCC	432	Sbjct 943	ATATAACAGCTGTTATATTAATAAATTTCCCCACAGATATAAAGCTGTAATCTATAACTC	1002
Query 408	ATTTATCATATATTTATTTTACGCATATGAGAGTTTTGTCTGCATACATGTTGTGAG	467	Query 994	ATGTATGTATGTTACAAATGGATGAAACTTA-AAACGTTGGCTGGTCTTGTCACTGTGTT	1052
Sbjct 433	AAAGTCCAAATTATAAAACCACAAGCTTAGA-ACTTATTTATGAACA-ATGGTGT-AG	489	Sbjct 1003	-----ATAATGTTACAAATGGATGAAAGCTTACAAATGTGGCTTGACTTGCTCACTGTGCTT	1058
Query 468	CTATATGCATGCCTAGTGCCTGGTGAAGTACAGAGAGGGTGGTGGTCCCTTGAAACTGT	527	Query 1053	G---TATTTATGTGAAAGCTTGGCAATAAAGCTTATG---CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	1107
Sbjct 490	TTTCATGCTTTTAAATGCTTAATTA-TTCA-----ATTAACACCGTT-----TGT	534	Sbjct 1059	GTTTTAGTTATGTGAAAGTTGGCAATAAACCTATGCTCTAAATAGTCAAAAAAAAAAAAA	1118
Query 528	AGTTACAGGGTGT-GACCCACCATGTGGCTGAAGTGAATTGAACCCAGC-TTCTACAA	585	Query 1108	AAAAAA 1113	
Sbjct 535	-GTTATAATATATAAAACTGCATGTAG--AAGTG-TTTGTCAGAACATTTCTTAA	589	Sbjct 1119	AAAAAA 1124	

SUPPLEMENTARY FIG. S3. Homology of rat and mouse *Rosa26* noncoding RNAs.