

### Amino acid transporters

		ATF group								ARO	APC group		
		AAP	ANT1	ANT2	ANT3	LHT	ProT	GAT	AUX		LAT	BAT	CAT
ATF group	AAP	54,9	17,3	16,9	14,0	25,5	21,6	24,0	16,0	8,3	9,2	8,8	9,0
	ANT1		41,4	24,3	17,7	18,8	16,5	17,8	15,8	8,4	9,8	8,4	9,8
	ANT2			52,5	18,2	17,1	17,0	18,0	15,5	8,6	9,3	7,9	10,1
	ANT3				54,2	14,7	15,2	14,5	12,0	8,1	9,1	7,7	8,9
	LHT					53,4	21,6	25,1	16,3	8,4	9,2	7,3	9,9
	ProT						68,5	27,6	13,7	8,2	10,2	8,2	9,4
	GAT							51,3	19,7	7,7	9,1	8,4	10,2
	AUX								78,0	7,5	8,0	8,3	9,1
ARO										37,4	8,5	8,2	8,8
APC group	LAT										48,8	12,9	13,9
	BAT											67,5	12,2
	CAT												39,0

Additional Figure 2 Sequence distance matrices of AAT genes from Lasergene data. Only percent similarity is shown.