

Supplementary TABLE 1. Proteins identified and quantified in the macrophage secretome

Protein name	Human proteins																			
	SwissProt Acc. No.	Genetrail ID	N		% Seq Cov		Pept(95%)		IFN- β				HSV-1				IFN- β +HSV-1			
			Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2
									Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value
14-3-3 protein beta/alpha	P31946	YWHAB	232	310	61,4	47,2	18	9	1,48	1,48	0,1081	0,2343	2,07		0,0246	3,91	3,38	0,0084	0,025	
14-3-3 protein epsilon	P62258	YWHAE	142	227	51	38,8	14	8		1,58		0,0398			2,74	2,58	0,0063	0,0018		
14-3-3 protein eta	Q04917	YWHAH	223	232	47,6	39	11	7	1,36		0,0022		2,04		0,0012	3,75	5,15	0,0001	0,0081	
14-3-3 protein gamma	P61981	YWHAG	164	119	58,7	53	13	11	1,32	1,98	0,0213	0,0108	2,05		0,0067	3,26	3,17	0,0001	0,004	
14-3-3 protein theta	P27348	YWHAQ	340	454	50,2	44,1	11	5	1,76	2,46	0,0429	0,0307	3,19		0,0193	6,28	4,61	0,0138	0,0015	
14-3-3 protein zeta/delta	P63104	YWHAZ	58	54	60,8	55,1	19	11	1,38	1,77	0,0112	0	2,00		0,0001	3,62	3,09	0	0	
3-ketoacyl-CoA thiolase, mitochondrial	P42765	ACAA2	291	374	18,6	10,8	4	2	1,32		0,0065		1,76		0,0046	2,90		0		
40S ribosomal protein S25	P62851	RPS25	480	429	29,6	22,4	2	1								9,34		0,0469		
40S ribosomal protein SA	P08865	RPSA	628	340	23,7	24,4	1	2									11,72		0,0449	
45 kDa calcium-binding protein precursor	Q9BRK5	SDF4	166	247	35,4	28,5	9	3					0,50		0,015	1,41	1,42	0,0428	0,0434	
4F2 cell-surface antigen heavy chain	P08195	SLC3A2	154	279	26,1	11,7	7	3	1,25		0,0048		1,41		0,0005	2,15		0,0001		
4-trimethylaminobutyraldehyde dehydrogenase	P49189	ALDH9A1	582	360	19,4	19,2	2	3	1,64	1,77	0,0039					3,88	3,91	0,0539		
60 kDa heat shock protein, mitochondrial precursor	P10809	HSPD1	394		14,3		2		1,33		0,0049		1,64		0,004	2,64		0,0007		
60S acidic ribosomal protein P0 (Fragment)	Q53HK9	RPLP0	392	297	23,7	21,8	2	2	1,46	1,66	0,0076	0,0334	2,33		0,0025	4,33	2,94	0,002	0,0023	
60S ribosomal protein L10a	P62906	RPL10A	411	244	34	27,7	2	3	1,47	1,48	0,0108	0,189	2,15		0,0009	3,16	2,14	0,0012	0,0182	
60S ribosomal protein L8	P62917	RPL8	342	619	29,2	13,6	2	1					2,18		0,0085	6,16	6,08	0,0161		
6-phosphogluconate dehydrogenase, decarboxylating	P52209	PGD	68	52	35,2	31,3	14	10	1,39	1,51	0	0,0002	2,37		0	4,37	3,26	0	0	
6-phosphogluconolactonase	O95336	PGLS	229	549	46,9	15,1	5	1					2,02		0,0044	3,60		0,0016		
70 kDa SHP-1L protein	Q9UK67	PTPN6	124	115	29,3	20,8	7	7	1,46		0,0367		1,95		0,0051	3,92	4,01	0,0001	0	
78 kDa glucose-regulated protein precursor (GRP78)	P11021	HSPA5	29	84	58	32	25	11	1,18	1,56	0,0006	0,0013	1,56		0	2,15	2,53	0	0,0004	
Acetyl-CoA acetyltransferase, cytosolic	Q9BWD1	ACAT2	544	294	13,9	13,6	1	2	1,73	1,90	0,0679	0,0197	2,81		0,0167	4,91	4,62	0,0017	0,0002	
ACLY variant protein (Fragment)	Q4LE36	ACLY	107	271	19,5	12,3	9	2	1,31	1,84	0,1636	0,0005	2,05		0,0016	3,40	3,64	0,0003	0,0002	
Aconitase 1, soluble	Q5VZA7	ACO1	858	336	15,4	9,7	0	2	1,69	1,83	0,1193	0,0197					4,10		0,047	
Actin related protein 2/3 complex	Q2LE71	ARPC3	422	283	32,6	34,8	2	3	1,38	1,79	0,0058	0,0221	2,01		0,0024	3,67	3,31	0,0051	0,0056	
Actin, alpha 1, skeletal muscle	Q5T8M9	ACTA1	780	598	36,3	31	17	14	1,76	1,75										
Actin, beta (Fragment)	Q96HG5	ACTB	43	31	56,8	57,6	26	21	1,51	1,93	0,0096	0,0012	2,59		0,0017	4,72	5,25	0,001	0,0002	
Actinin alpha 1 isoform b	Q1HE25	ACTN1	16	18	43,3	32,2	37	22	1,26	1,53	0,0002	0,0004	1,68		0	2,64	2,73	0	0	
Actin-related protein 2	P61160	ACTR2	144	134	36	30	10	5	1,28	1,83	0,0073	0	1,89		0	3,24	4,15	0	0	

Actin-related protein 2/3 complex subunit 1B	O15143	ARPC1B	187	142	29,3	31,5	5	6	1,44	1,54	0,0001	0,1725	1,97	0,0001	3,64	3,19	0	0,0041		
Actin-related protein 2/3 complex subunit 4	P59998	ARPC4	258	263	54,8	33,9	5	3					1,68	0,0131	3,08		0,002			
Actin-related protein 2/3 complex subunit 5	O15511	ARPC5	294	225	51	64,9	4	4	1,42	1,66	0,0057	0,0155	2,04	0,0012	4,18	3,20	0,0001	0,0001		
Acylamino-acid-releasing enzyme	P13798	APEH	285	528	13,8	7,7	3	2	1,49	1,58	0,0341		2,24	0,0001	3,66		0			
ADAM 10 precursor	O14672	ADAM10	435	680	17,1	5,9	2	1	1,02	0,85	0,6714				1,86		0,0314			
Adenylate kinase 2	Q5EB54	AK2	363	363	36,6	21,6	3	2	1,52		0,0001		2,50	0,0056						
Adenylyl cyclase-associated protein	Q5T0S2	CAP1	97	125	37,3	35	8	4	1,47	1,51	0	0,0209	2,25	0	4,54	3,81	0	0,0006		
ADP-ribosylation factor 3	P61204	ARF3	373	678	37,6	13,3	3	1	1,52		0,0436				4,71		0,0022			
Afamin precursor	P43652	AFM	328	163	17,5	24,4	2	4	1,27	1,62	0,0041	0	0,69	0,042	1,38	2,06	0,0045	0		
Aging-associated protein 2	Q2TU77	ST13	277	321	23,9	23,7	3	2	1,63	1,77	0,3307					3,00		0,0204		
Aging-associated protein 4	Q2TU75	CLUS	204	207	18	17,8	7	5		1,30		0,0284	0,52	0,29	0,0004	0,0488	0,67	0,85	0,0075	0,2698
Agrin precursor	O00468	AGRN	20	45	21,8	13,3	22	9	1,25	1,95	0	0,0001	0,40		0,0004	1,37	1,66	0,0001	0,0022	
AKR1A1 protein	Q6IAZ4	AKR1A1	152	133	36,9	29,5	5	4	1,47	1,53	0,0205	0,0379	2,29	0,0006	3,90	3,45	0,0001	0,0013		
AKR1B1 protein	Q6FGA4	AKR1B1	287	191	27,5	26	4	5	1,60	1,40	0,0006	0,0025	2,40	0,0009	4,42	3,29	0,0002	0		
Aldehyde dehydrogenase 1 family, member A1	Q5SYR1	ALDH1A1	103	121	28,3	25,8	8	5	1,57	1,82	0,0017	0,0008	2,03	0,0007	3,66	3,95	0	0		
Aldose 1-epimerase	Q96C23	GALM	260	295	46,7	23,7	4	2		1,57		0,0318	1,79	0,0258	3,25	3,18	0,0066	0,0067		
Allograft inflammatory factor 1	Q4V347	AIF1	390		44,2		2		1,55		0,0378		1,98	0,011	5,66		0,005			
Alpha-1-antitrypsin precursor	P01009	SERPINA1	70	80	39,7	34,9	15	9	0,91	1,57	0,0371	0,0002	0,62	0,36	0,0001	0,0002	0,82	0,96	0,0604	0,8332
Alpha-2-HS-glycoprotein precursor	P02765	AHSG	581	278	18,8	19,4	1	2	1,35	1,40	0,2776	0,012		0,75		0,0104		2,46	0,0446	
Alpha-2-macroglobulin precursor	P01023	A2M	3	5	54,8	40,1	78	48	0,82	1,01	0	0,8919	0,48	0,26	0	0	0,49	0,50	0	0
Alpha-actinin-4	O43707	ACTN4	56	81	44,6	25,8	25	13	1,27	1,64	0,0015	0,0024	1,89	0,0002	2,98	3,54	0	0		
Alpha-galactosidase A (Fragment)	Q6LER7	GLA	491		11,4		2								1,25		0,0312			
Aminopeptidase B	Q9H4A4	RNPEP	208	407	22,6	10,6	5	2	1,29		0,0429		2,12	0,0075	3,49		0,0001			
Amyloid beta A4 protein precursor	P05067	APP	262	276	14	11	5	3							1,24	1,41	0,3024	0,462		
Amyloid-like protein 2 precursor	Q06481	APLP2	141	91	16,1	20,1	7	8	0,89		0,0198		0,61	0,30	0,0042	0,0062	0,79	0,73	0,186	0,1292
Angiotensin-converting enzyme, somatic isoform precursor	P12821	ACE	346	421	12,8	6,5	2	1					1,06	0,98	0,631	0,8318	1,30	1,86	0,048	0,0227
Annexin A1	Q5TZZ9	ANXA1	79	85	56,1	38,4	11	7	1,81	1,80	0,0006	0,0041	1,85	0,001	3,63	3,36	0	0		
Annexin A11	Q6ICS0	ANXA11	80	139	23,4	17,4	11	5	1,61	2,27	0,0013	0,0108	2,13	0,0056	3,73	4,31	0,0002	0,0003		
Annexin A2	Q8TBV2	ANXA2	31	29	62	56,6	18	17	1,69	2,18	0	0	1,75	0	3,21	3,41	0	0		
Annexin A4	Q6P452	ANXA4	436		25,8		2		1,74		0,0073		2,04	0,0036	3,71		0,0043			
Annexin A5	Q6FHB3	ANXA5	69	42	52,5	44,4	12	10	1,65	1,64	0	0	1,75	0,0001	2,40	2,28	0	0		
Annexin A6	P08133	ANXA6	239	277	25	17,2	3	3	1,58	2,22	0,0002	0,0038	1,82	0,0004	2,97	3,71	0	0,0037		
APEX nuclease (Multifunctional DNA repair enzyme) 1	Q5TZP7	APEX1	263	187	34	23,9	4	4	1,47	1,93	0,0257	0,0267			2,51	3,61	0,0113	0		

Apolipoprotein A-II precursor	P02652	APOA2	506	525	27	19	2	1	1,41		0,0423		1,45		0,0599		1,65		0,0205	
Apolipoprotein C-I precursor	P02654	APOC1	368	488	30,1	32,5	3	1					0,59	0,70	0,1569					
Apolipoprotein E precursor	P02649	APOE	24	21	77	66,9	30	19	1,21	1,17	0,0028	0,0102	0,40	0,15	0	0	0,72	0,47	0,01	0
Apoptosis-associated speck-like protein containing a CARD	Q9ULZ3	PYCARD	471	424	28,7	32,8	2	1	1,41		0,0096						4,21	3,44	0,0297	0,0438
ARHA protein (Fragment)	Q9BVT0	RHOA	566	425	39,6	21,2	2	1									3,95		0,0298	
ARHGDI1 protein	Q6IBM5	ARHGDI1	403	339	29,4	26	2	2	1,35		0,0343		1,95		0,0097		3,70	4,59	0,0015	0,0396
ARP3 actin-related protein 3 homolog variant (Fragment)	Q59FV6	ACTR3	148	118	33,6	23	9	7	1,40	1,59	0,0088	0,1984	2,18		0,0012		3,98	2,56	0,0006	0,0396
Asparaginyl-tRNA synthetase variant (Fragment)	Q53GU6	NARS	381	422	12,6	7,8	3	1	1,49	1,69	0,0138	0,2186	2,07		0,0172		3,57	3,68	0,0029	0,04
Aspartate aminotransferase, cytoplasmic	P17174	GOT1	498		13,1		2										3,78		0,0222	
ATP6V1G1 protein	Q6IB33	ATP6V1G1	380	593	43,2	22	3	1					2,37		0,0021		4,76		0,0019	
ATP-dependent DNA helicase 2 subunit 2	P13010	XRCC5	376	568	15,3	7,2	2	1	1,72		0,001		2,59		0,0005		4,22		0,0004	
Basigin precursor	P35613	BSG	317	436	18,2	13	3	1		1,96		0,0119	1,58		0,0146		2,66	3,59	0,0084	0,0465
B-cell receptor-associated protein 31 variant (Fragment)	Q53G72	BCAP31	578	275	22	19,9	1	3		2,30		0,0063						9,10		0,006
Beta-2-microglobulin	Q540F8	B2M	415	309	37	35,3	3	3	1,32	1,56	0,0225	0,0026	0,69	0,58	0,028	0,1099	1,15	1,28	0,0193	0,0465
Beta-hexosaminidase beta chain precursor	P07686	HEXB	99	164	24,8	16,7	8	4	1,26	1,97	0,0002	0,0009	0,71	0,61	0,01	0,118		2,39		0,0018
Biliverdin reductase A precursor	P53004	BLVRA	382		23,3		3		1,41		0,0113						3,35		0,0256	
Brain acid soluble protein 1	P80723	BASP1	83	99	75,3	56,8	10	7	1,26		0,005		1,61	1,44	0,0001		2,66		0	
Bridging integrator 2	Q9UBW5	BIN2	414		13,5		2		1,38		0,0489		1,79		0,0026		3,44		0,0034	
BTB/POZ domain-containing protein KCTD12	Q96CX2	KCTD12	691	316	21,9	15,7	1	2	2,50	2,48										
CALM3 protein	Q9BRL5	CALM3		111		34,7		7		1,83		0,0169						3,43		0,0003
Calmodulin	P62158	CALM1	137		51,7		10		1,37		0,0293		1,98		0,0036		3,99		0,0003	
Calpastatin isoform a variant (Fragment)	Q59HE3	CAST	212	332	21,2	11,7	6	2									4,39	4,65	0,0205	0,0204
CALR protein	Q6IAT4	CALR	94	184	29,3	25,2	7	3	1,20	1,45	0,0447	0,001	1,58		0		2,10	3,14	0	0
Calsyntenin-1 precursor	O94985	CLSTN1	85	167	22,7	11,6	8	3	1,14	1,31	0,0489	0,0412					1,22		0,0192	
Capping protein (Actin filament) muscle Z-line, alpha 2 variant (Fragment)	Q53GE2	CAPZA2	534	418	19,9	18,9	5	2	1,30		0,0125						3,15	3,30	0,2618	
Capping protein (Actin filament) muscle Z-line, beta	Q32Q68	CAPZB	162	126	38,5	32,4	9	7	1,42	1,95	0,0003	0,0018	2,31		0,0046		3,90	4,29	0,0006	0
Carbonic anhydrase 2	P00918	CA2	172	95	48,1	39,6	7	8	1,42	1,65	0,0074	0,0039	2,25		0,0048		3,49	3,52	0,0003	0
Carbonyl reductase [NADPH] 1	P16152	CBR1	209	237	39,7	26,7	6	3	1,60		0,01		2,09		0,0089		3,85	2,71	0,0003	0,0438
Carboxypeptidase M precursor	P14384	CPM	89	219	32,1	20,8	13	3					1,26		0,0319		1,62		0,0007	
Cat eye syndrome critical region protein 1 precursor	Q9NZK5	CECR1	71	70	36	35,4	12	7	1,25	1,42	0,0001	0,0026	0,64	0,33	0,0001	0,0012				
Catalase	P04040	CAT	128	83	32,5	20,9	8	8	1,24	1,73	0,0042	0,0332	1,88		0,0001		3,09	3,42	0	0,0031
Cathepsin B precursor	P07858	CTSB	108	94	25,7	28,6	11	7	1,41	2,04	0,001	0,0001	0,68	0,39	0,004	0,0132		1,47		0,0287

Cathepsin D precursor	P07339	CTSD	75	57	45,9	37,4	17	13	1,27	1,85	0	0,0002	0,64	0,50	0,0001	0,0122	2,03	0,0001		
Cathepsin H	Q96NY6	CTSH	255	305	21,8	22,4	4	2	1,24		0,0681		1,10	1,24	0,7536					
Cathepsin L1	Q5T8F0	CTSL1	218	242	22,8	19,6	6	3		2,69		0,0067				1,75	2,45	0,0387	0,0389	
Cathepsin Z precursor	Q9UBR2	CTSZ	251	180	28,1	20,5	6	4	1,20	1,87	0,0015	0,0055	0,44	0,29	0,0002	0,0417	0,72	0,0012		
Cation-independent mannose-6-phosphate receptor precursor	P11717	IGF2R	23	68	18,8	11,2	20	6		1,54		0,0007	2,19	2,37	0	0,001	2,37	3,91	0	0
CD109 antigen precursor	Q6YHK3	CD109	466	345	10,7	7,1	2	2	0,88		0,0227					1,36	2,12	0,0275	0,0391	
CD166 antigen precursor	Q13740	ALCAM	158	114	23,7	16,6	6	8		1,50		0,0001	1,16	1,35	0,0643	0,1056	1,53	2,90	0	0
CD44 molecule (Fragment)	Q9H5A7	CD44	93	127	21,2	18,5	11	6		1,50		0,0505	1,63	0,82	0,0002	0,0242	2,43	2,36	0	0,0057
CD48 protein	Q8MGR0	CD48	389	439	23,1	13,6	3	1	1,27		0,0224		1,73		0,0027		2,24		0,0123	
CD82 molecule	Q7Z2D4	CD82	745	469	13,1	16,9	2	2								1,96	2,08			
CDC37 cell division cycle 37 homolog	Q53YA2	CDC37	240	506	42,9	12,4	4	1	1,51	1,64	0,045	0,1996	2,35		0,0049		4,88	4,60	0,0006	0,0378
CDNA FLJ25678 fis, clone TST04067, highly similar to	Q8N7G1	NP	130	145	39,6	27,3	10	5	1,24	1,96	0,0143	0,0239	1,51		0,0076		2,39	3,65	0,0003	0,0067
PURINE NUCLEOSIDE PHOSPHORYLASE																				
cDNA FLJ31747 fis, clone NT2RI2007377, highly similar to	Q96MX4	EWSR1	489		22,1		2										3,66		0,0185	
RNA-BINDING PROTEIN EWS																				
cDNA FLJ78206, highly similar to Homo sapiens lipoprotein lipase (LPL), mRNA	A8K2M5	LPL		194		22,1		4										1,23		0,0189
cDNA FLJ78212, highly similar to Human prolidase (imidodipeptidase) mRNA	A8K416	PEPD	171		18,5		7						1,87		0,0011		2,97		0	
cDNA FLJ78433, highly similar to Homo sapiens chaperonin containing TCP1, subunit 5	A8K2X8	CCT5	214	314	17,4	15	6	2	1,58	2,62	0,0039	0,0234	2,42		0,0015		4,88	4,70	0,0001	0,0102
Cell division control protein 42 homolog precursor	P60953	CDC42	543	398	71,8	9,9	2	2									4,97		0,0218	
Chaperonin containing TCP1, subunit 3 (Gamma) variant (Fragment)	Q59H77	CCT3	292	132	21,8	24,4	3	4	1,35	1,94	0,0457	0,001	2,20	1,34	0,0049	0,0387	3,94	4,33	0,0004	0,0001
Chaperonin containing TCP1, subunit 8 (Theta) variant (Fragment)	Q53HU0	CCT8	88	179	36,3	21,9	8	4	1,47	1,63	0,0107	0,1454	2,36		0,0003		4,40	3,45	0	0,0027
Chitinase-3-like protein 1 precursor	P36222	CHI3L1	60	35	52	53,5	20	18		1,26		0,0085	0,46	0,27	0	0,0012	0,53	0,63	0,0001	0,0429
Chitotriosidase-1 precursor	Q13231	CHIT1	92	53	27,7	35,2	14	15	1,06	1,04		0,8301		0,23		0,0009				
Chloride intracellular channel 1	Q5SRT3	CLIC1	127	212	46,5	28,6	8	6	1,51	1,90	0,0022	0,0155	1,94		0,0036		3,77	3,59	0,0009	0,0027
Chloride intracellular channel protein 4	Q9Y696	CLIC4	474	423	21	10,3	5	3					1,94		0,0159		3,04	5,20	0,044	0,0229
Clathrin heavy chain 1	Q00610	CLTC	44	26	29,3	23,4	15	16	1,46	1,71	0	0	1,96		0		3,48	2,99	0	0
Clathrin light chain A	P09496	CLTA	463	375	18,6	25,8	2	3	1,51	1,64	0,0391	0,1442	2,14		0,0006		4,53	2,93	0,0048	0,0143
Clathrin, light polypeptide	Q53Y37	CLTB	407		25,1		2		1,35		0,001		2,19		0,0126		4,32		0,0011	

Coactosin-like protein	Q14019	COTL1	170	172	45,8	40,1	8	4	1,35	1,84	0,0012	0	2,06	0	4,24	4,24	0	0		
Coagulation factor XIII, A1 polypeptide	Q9BX29	F13A1	289	349	18,9	12,3	3	2	1,10	1,26	0,2562	0,6361			1,59		0,0038			
Cofilin-1	P23528	CFL1	110	154	77,7	41	8	5	1,60	1,88	0	0,0005	2,64	0	6,25	4,67	0	0		
Collagen alpha-1(VI) chain precursor	P12109	COL6A1	118	155	27,1	14,2	9	5	1,01	1,01	0,9407	0,6877	0,68	0,35	0,0119	0,0012	0,95	0,88	0,5922	0,249
Colony stimulating factor 1	Q5VVF4		180	203	21,1	16,6	6	4	0,92	0,91	0,7942	0,5302		0,72		0,0017				
Complement C1q subcomponent subunit C precursor	P02747	C1QC	279	290	31,4	22	8	5	1,21	1,75	0,0381	0,0003	0,67	0,53	0,019	0,5544				
Complement component 1, q subcomponent, B chain (Fragment)	Q5T960	C1QB	295	218	35,1	34,2	7	3	1,24	2,00	0,0019	0,0201								
Complement factor B	Q5JP67	CFB	387		13,9		2		2,97		0,0118		1,63	0,0323		4,26		0,004		
Coronin, actin binding protein, 1C variant (Fragment)	Q59EA2	CORO1C	95	90	31,7	27	8	6	1,39	1,80	0,0064	0,0001	1,89	0,0011		3,67	2,95	0	0,0005	
Coronin-1A	P31146	CORO1A	165	105	30,2	22,8	6	5	1,35	1,75	0,008	0,0013	2,19	0		4,20	3,56	0	0	
Coronin-1B	Q9BR76	CORO1B	325	663	20,9	18,6	3	0	1,34		0,0078		2,21	0,004		3,83		0,0007		
CTSS protein	Q6FHS5	CTSS	131	169	41,7	32,3	6	3		1,39		0,005	0,66	0,65	0,0015	0,2136				
C-type lectin domain family 11 member A precursor	Q9Y240	CLEC11A	273	267	29,4	25,4	3	3	0,97	1,01	0,5133		0,72	0,0096						
Cullin-associated NEDD8-dissociated protein 1	Q86VP6	CAND1	421	502	12,7	8,1	2	1								2,92		0,0188		
C-X-C motif chemokine 10 precursor	P02778	CXCL10	562	475	44,9	19,4	1	2									10,63		0,0418	
Cystatin B	Q76LA1	CSTB	282	220	59,2	57,1	4	4								4,62	5,17	0,0142	0,011	
Cystatin-C precursor	P01034	CST3	228	240	48	26,7	7	4	1,12		0,0232		0,79	0,64	0,114	0,5879	1,23	1,43	0,0522	0,1957
Cytochrome b-245 heavy chain	P04839	CYBB	542	354	11,2	6,7	1	2	2,06		0,0037		3,02	0,0077		4,93	4,58	0,0043	0,0224	
Cytochrome c	P99999	CYCS	307	322	48,6	54,3	4	1	1,35		0,0084		1,83	0,0061		3,45		0,0055		
Cytoplasmic FMR1-interacting protein 1	Q7L576	CYFIP1	316	486	15,1	7,4	3	1	1,83	2,03	0,0047		1,93	0,0564		3,98	3,89	0,0063		
Cytosol aminopeptidase	P28838	LAP3	76	144	41,2	23,7	10	5	1,31	1,71	0,0042	0,0145	2,16	0,0066		3,59	5,77	0,0003	0,0001	
Cytosolic non-specific dipeptidase	Q96KP4	CNDP2	104	123	42,3	32	9	5	1,48	1,99	0,0017	0,0046	2,34	0,0003		4,12	4,62	0	0,0025	
Diazepam binding inhibitor, splice form 1c	Q4VWZ6	DBI	375	326	59,1	67,1	6	2	1,45		0,0085		2,36	0,0158		6,27	4,85	0,0023	0,0036	
Dihydrolipoyl dehydrogenase, mitochondrial precursor	P09622	DLD	433		17,7		2						1,44	0,0214		2,19		0,0043		
Dihydropyrimidinase-like 2 variant (Fragment)	Q59GB4	DPYSL2	298	280	26,1	14,2	3	2	1,34	2,24	0,0018	0,0024	1,93	0,0008		3,69	4,50	0,0005	0,0018	
Dipeptidyl-peptidase 1 precursor	P53634	CTSC	385	300	13,4	11	4	2	1,30		0,0149					1,54		0,0422		
DnaJ homolog subfamily C member 3 precursor	Q13217	DNAJC3	541		18,7		2									1,89		0,0156		
Drebrin-like protein	Q9UJU6	DBNL	286	404	26,7	10,7	4	3									5,27		0,0494	
Dynactin 2 variant (Fragment)	Q53H88	DCTN2	431	266	15,5	17,2	2	3					1,92	0,0018		3,39	3,53	0,0087	0,0543	
Dystroglycan 1	Q969J9	DAG1	384	385	16,2	13,1	2	2	0,74	0,70	0,2262					1,29	1,50	0,3212		
EF-hand domain-containing protein D2	Q96C19	EFHD2	157	165	48,8	44,2	7	5					1,78	1,60	0,0103	0,1114	3,71	5,30	0	0,1071
EH domain-containing protein 4	Q9H223	EHD4	333		20,5		3		1,27		0,0028		1,60	0,0154		2,57		0,0005		

EIF4G1 variant protein (Fragment)	Q4LE58	EIF4G1	326	353	10,9	12,1	3	1	1,64	1,85	0,001	0,0196	2,32	0,0002	4,68	3,40	0,0001	0,0033		
Elongation factor 1-alpha	Q6IPT9	EEF1A1	117	181	35,9	22,7	9	3	1,54	2,02	0,0016	0,0004	2,39	0,0006	5,58	6,02	0	0		
Elongation factor 1-beta	P24534	EEF1B2	420	334	19,6	21,8	2	1		1,90		0,0093	2,82	0,0329	6,21	4,13	0,0036	0,0018		
Elongation factor 2	P13639	EEF2	35	51	33,9	28,1	17	9	1,50	1,72	0	0,0016	2,48	0	4,93	4,66	0	0		
EMILIN-2 precursor	Q9BXX0	EMILIN2	27	25	30,9	27,4	18	12	1,09	1,32	0,0002	0,0002	0,78	0,37	0,0017	0	0,99	1,04	0,8762	0,699
Enolase	Q6FHV6	ENO2	693	452	23,7	24,9	2	2							2,79	2,90				
Enolase (Fragment)	Q53FT9	ENO1	25	34	68,7	48,9	26	14	1,41	1,57	0	0	2,33	0	3,82	3,56	0	0		
Erythrocyte band 7 integral membrane protein	P27105	STOM	343	438	28,5	13,9	3	2	1,78		0,0163		1,79	0,0038	2,78		0,0033			
Eukaryotic initiation factor 4A-I	P60842	EIF4A1	146		37,7		7		1,62		0		1,83	0,0002	3,65		0			
Eukaryotic translation elongation factor 1 gamma	Q53YD7	EEF1G	192	301	22,4	16,7	6	2	1,49		0,012		2,35	0,0152	5,51		0,0005			
Eukaryotic translation initiation factor 3 subunit B	P55884	EIF3B	546	317	11,3	13,5	3	1					2,47	2,30	0,1356					
Eukaryotic translation initiation factor 3, subunit A	Q24JU4	EIF3A	891	377	13,7	11,7	1	2		1,68		0,0286				3,07		0,0039		
Eukaryotic translation initiation factor 4B variant (Fragment)	Q53HQ2	EIF4B	459	477	29,8	12,3	2	1	1,36		0,0391				3,18		0,0466			
Eukaryotic translation initiation factor 5A-1	P63241	EIF5A	357	668	26	17,5	2	0					2,47	0,0356	5,10	5,72	0,032	0,0068		
Extracellular matrix protein 1	Q8IZ60	ECM1	66	38	41,1	34,8	15	15	1,06	1,23	0,2561	0,0013	0,72	0,33	0,0011	0,0375		0,68	0,0435	
Ezrin	P15311	EZR	283	178	31,4	28,2	10	8		2,04		0,0174	1,95	0,0036	4,10	4,79	0	0,0002		
FABP3 protein	Q6IBD7	FABP3	167	174	66,9	66,9	7	3	1,70	1,74	0,0017	0	2,31	0,0001	5,34	3,85	0	0,0034		
FABP4 protein	Q6IBA1	FABP4	512	367	22,7	19,7	3	2								2,61		0,0485		
F-actin-capping protein subunit alpha-1	P52907	CAPZA1	184	98	43,7	43	8	7	1,38		0,0444		1,68	0,0014	3,35		0			
Far upstream element-binding protein 2	Q92945	KHSRP	337	669	21,3	15,5	3	1	1,96		0,0193		3,22	0,0021	6,09		0,0012			
Farnesyl diphosphate synthase	Q96G29	FDPS	358	285	12,4	15,3	3	3	1,39		0,0098		2,36	0,0192	4,62	3,75	0,0129	0,001		
Fatty acid synthase	Q4LE83	FASN	91	252	15,5	8,8	7	3	1,77	1,76	0	0,0191	2,22	0	4,42	3,86	0	0,0017		
Fatty acid-binding protein, epidermal	Q01469	FABP5	234	209	50,4	55,6	5	4	1,52	1,71	0,0482	0,0207	2,32	0,0002	5,78	3,92	0,0012	0,0065		
Fermitin family homolog 3	Q86UX7	FERMT3	114	138	24,4	21,1	7	5	1,46	1,70	0,0014	0,0002	1,86	0,0004	3,31	3,03	0	0		
Ferritin	Q6NZ44	FTH1	268	210	32,8	33,3	8	4	1,21		0,0495		1,88	0,0313	2,85		0,0076			
Ferritin, light polypeptide	Q96CU0	FTL	265	259	43,4	28,6	3	2	1,22		0,0277		2,05	0,0129	3,58	3,62	0,0048	0,0021		
Fibrinogen-like 2 variant (Fragment)	Q53GD2	FGL2	249	223	29,4	20,3	4	3		1,83		0,0002	1,14	0,96	0,0989	0,3782	1,61	2,61	0,0001	0,0001
Filamin A, alpha	Q5HY55	FLNA	1	1	48,2	43,6	92	81	1,31	1,71	0	0	1,73	0	2,77	3,14	0	0		
FK506 binding protein 5	Q5TGM6	FKBP5	790		11,2		2								9,63		0,0061			
FK506-binding protein 4	Q02790	FKBP4	443		22,2		3		1,30		0,022		1,53	0,0325	3,56		0,0061			
Flavin reductase	P30043	BLVRB	364	410	27,7	11,7	3	2	1,47	1,48	0,0513				3,85		0,0132			
FP1047	Q71RH4		472	518	19,3	11,6	2	1	1,74		0,0434		2,15	0,002	5,25		0,012			
Fructose-bisphosphate aldolase	Q6FII0	ALDOA	32	22	57,7	51,9	24	21	1,30	1,57	0,0002	0	1,81	0	3,07	3,10	0	0		

FSCN1 protein (Fragment)	Q96IH1	FSCN1	111	141	25,8	16,4	7	5	1,32	1,56	0	0,0395	1,85	0	3,01	3,65	0	0,0069		
Full-length cDNA clone CSODL010YH08 of B cells (Ramos cell line) of Homo sapiens	Q53XC0	EIF2S1	540		21		2		1,62		0,0466		2,81	0,0209	4,96		0,0174			
Galectin-1	P09382	LGALS1	156	129	57	46,7	14	6	1,62	1,81	0,0015	0,0003	2,66	0,001	5,53	4,41	0,0004	0,0178		
Galectin-3	Q6IBA7	LGALS3	197	176	42,4	35,6	6	4	1,60	1,61	0,001	0,0014	2,19	0,0024	4,36	3,24	0,0001	0,0105		
Galectin-3-binding protein precursor	Q08380	LGALS3BP	65	87	29,6	24,3	13	8	2,61	4,11	0	0	1,38	0,0019	2,69	3,33	0	0,0001		
Galectin-9	O00182	LGALS9	845	350	6,8	9,3	1	2		1,55		0,0367	0,93	0,70						
GDI2 protein	Q6IAT1	GDI2	34	60	64	51	15	8	1,45	1,66	0,0001	0	1,94	0	3,62	3,49	0	0		
Gelsolin	Q5T0I2	GSN	19	17	48,3	49,2	29	23		1,45		0,0001	0,84	0,0278	1,33	1,66	0,0075	0,0038		
Glia maturation factor gamma	Q8TDZ6	GMFG	419	291	31,7	31,7	2	2	1,71	1,53	0,3981	0,1064								
Glucosamine-6-phosphate isomerase	P46926	GNPDA1	434		25,3		2						1,65	0,0379	2,80		0,0077			
Glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase	P11413	G6PD	173	137	28,9	30,5	7	4	1,65	1,78	0,0003	0,0015	3,21	0	6,68	5,60	0	0,0001		
Glucose-6-phosphate isomerase	P06744	GPI	64	62	38,5	36,6	17	10	1,46	1,69	0	0,0001			3,29	3,44	0	0		
Glucosidase 2 subunit beta precursor	P14314	PRKCSH	345	361	15,9	14,6	4	3	0,96	0,99	0,6859		1,34	0,0348	1,97	1,81	0,0027			
Glucosylceramidase precursor	P04062	GBA	405		9,5		2		1,24		0,0384				1,95		0,0112			
Glutathione peroxidase 3 precursor	P22352	GPX3	351	346	29,7	19	3	2	0,98	1,12	0,8129	0,6516	0,74	0,0486	0,84	0,98	0,1627	0,6895		
Glutathione reductase, mitochondrial precursor	P00390	GSR	188	175	24,5	24,7	6	4	1,45	1,41	0,012	0,0706	2,43	0	4,02	2,95	0	0,0001		
Glutathione S-transferase P	P09211	GSTP1	219	273	45,7	36,2	5	3	1,53		0,0175		2,19	0,0002	3,53	4,16	0	0,0257		
Glutathione synthetase	P48637	GSS	409	723	19,4	9,7	2	0	1,45	1,36	0,0005	0,4247	1,92	0,0007	3,16	3,05	0	0,1083		
Glutathione transferase omega-1	P78417	GSTO1	139	150	51,5	40,7	6	4	1,55	1,76	0,0002	0,0014	2,34	0	4,38	3,58	0	0,0002		
Glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase (Fragment)	Q53X65	GAPDH	59	49	52,8	49,9	22	15	1,32	1,71	0,0003	0,0043	2,41	0,001	4,27	4,03	0	0		
Glycerol-3-phosphate dehydrogenase [NAD+], cytoplasmic	P21695	GPD1	361	307	22,6	12,9	3	2	1,96		0,0371		2,63	0,0222	4,71		0,0126			
Glycogen phosphorylase, liver form	P06737	PYGL	402	299	21,8	14,9	2	2	1,57		0,0265		2,45	0,0077	4,26	3,99	0,0004	0,0043		
Glycosyltransferase 25 family member 1 precursor	Q8NBJ5	GLT25D1	133		27		6						2,19	0	3,94		0			
Glycyl-tRNA synthetase	P41250	GARS	398	675	16,5	8,1	2	1					1,91	0,0459	3,25		0,0278			
Glypican-4 precursor	O75487	GPC4	86	143	30	21,8	10	5		1,24		0,0343	0,50	0,0353	1,28	1,15	0,1161	0,347		
GM2 activator protein	Q6LBL5	GM2A	269	198	25,4	23,3	4	4		1,83		0,0001	0,46	0,44	0,0001	0,0493	0,77	1,44	0,0036	0,0411
GNB2L1 protein (Fragment)	Q6FH47	GNB2L1	267	253	28,4	17,9	4	3	1,46	1,97	0,0176	0,0146	2,88	0,0085	5,31	5,31	0,0015	0,0007		
GRB2 protein (Fragment)	Q6ICN0	GRB2	350	667	48,9	27,2	3	0	1,20	2,13	0,1286	0,0876	1,44	0,0609	2,48	2,82	0,0153	0,029		
Growth-inhibiting protein 17	Q2TU34	FBP1	51	48	62,1	53	18	12	1,36	1,75	0	0,0453	1,87	0,0004	3,12	3,57	0	0,0005		
Guanine nucleotide-binding protein G(i), alpha-2 subunit	P04899	GNAI2	264	391	31,8	16,3	4	1		2,11		0,0064			2,67	3,21	0,0007	0,0077		
GYG1 protein (Fragment)	Q8N5Y3	GYG1	620		13		2								3,91		0,0198			
Haptoglobin precursor	P00738	HP	52	36	44,3	42,6	18	14	1,34	1,39	0	0,0065	1,23	0,0076	1,54	1,88	0,0001	0,0002		

HCLS1 protein	Q6IBK9	HCLS1	178	148	26,5	17,3	5	4		1,82		0,0023	1,74		0,0025		3,24	3,71	0,0009	0,0002
Heat shock 70kDa protein 1A variant	Q59EJ3	HSPA1A	106	69	31,3	30,8	15	14	1,45	1,93	0,0004	0,0164	1,92		0,0001		3,38	4,91	0	0,0194
Heat shock 70kDa protein 4	Q2TAL4	HSPA4	115	166	28,3	19,2	6	4	1,43	1,54	0,0008	0,0001	2,24		0		3,71	3,16	0	0
Heat shock cognate 71 kDa protein	P11142	HSPA8	17	16	50	43,8	28	22	1,36	1,97	0,0003	0,0001	1,71		0,0001		3,21	4,35	0	0
Heat shock protein 105 kDa	Q92598	HSPH1	224	358	21,8	10,1	4	2	1,44	1,50	0,0017	0,0524	1,99		0,0002		3,66	3,33	0	0,0436
Heat shock protein beta-1 (HSP27)	P04792	HSPB1	215	205	46,8	35,1	5	5	1,42	1,58	0,0158	0,1245	2,08		0,0101		3,96	3,86	0,0049	0,0027
Heat shock protein HSP 90-alpha	P07900	HSP90AA1	126	100	39,9	33,6	23	15	1,70	1,92	0	0,0021	2,29		0		4,14	4,18	0	0,0001
Heat shock protein HSP 90-beta	P08238	HSP90AB1	21	20	41,3	43,4	24	21	1,76	2,10	0,0002	0,0002	2,60	1,34	0,0019	0,0257	5,45	5,11	0	0
Heme-binding protein 2	Q9Y5Z4	HEBP2	517		28,3		2										3,63		0,0359	
Hemopexin precursor	P02790	HPX	312	170	17,8	19,7	3	4	1,30	1,52	0,0012	0,037						2,22		0,0065
Heparan sulfate proteoglycan 2	Q5SZI3	HSPG2	155	234	10,6	8,8	8	2					0,61	0,29	0,0087	0,0366				
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A1	P09651	HNRNPA1	347	327	37,1	40,9	3	4	1,43	2,01	0,057	0,0324	1,82		0,0315		3,86	3,33	0,0019	0,0007
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein D0	Q14103	HNRNPD	458	463	21,4	21,3	2	1					2,27		0,0341		5,29		0,0015	
Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein Q	O60506	SYNCRIP	372	303	19,9	19,7	3	2	1,46	1,30	0,0096	0,5235	1,77		0,0009		3,34	3,10	0,0003	0,0389
Heterogeneous nuclear ribonucleoproteins A2/B1	P22626	HNRNPA2B	134	103	33,4	37,4	6	8	1,32	1,87	0,0304	0,0159	1,93		0,0049		3,51	3,32	0,0009	0,0008
Hexokinase 3 variant (Fragment)	Q59H08	HK3	67	50	23,4	19	13	11	1,43	1,85	0,0002	0,0002	2,02		0,0009		3,72	3,31	0	0
Histidyl-tRNA synthetase	Q52NV4	HARS	529	513	17,5	12,4	2	1	1,77	1,66	0,1398									
Histone H2A type 3	Q7L7L0	HIST3H2A	482		47,7		2										2,56		0,0184	
Histone H2B type 1-M	Q99879	HIST1H2BM	256	272	57,1	50,8	6	4	1,39	1,52	0,097	0,0924	1,52		0,0882		2,58	2,49	0,0042	0,0293
Histone H4	Q0VAS5	HIST4H4	221	160	59,2	50,5	6	6	1,34	1,49	0,0049	0,0008	1,46		0,0007		2,34	2,05	0,0001	0,0005
HLA class II histocompatibility antigen, DRB1-1 beta chain precursor	P04229	HLA-DRB1	163	369	30,8	18,7	6	2	1,28		0		1,28		0		1,66		0	
HNRPK protein	Q6IBN1	HNRNPK	266	153	31,3	14,2	4	5		1,82		0,0162					4,50	3,41	0,0156	0,0073
HSPC027	Q9Y6E3	PSMD13	619	364	13	12,7	1	2					1,63	1,60	0,5261					
HSPE1 protein	Q53X54	HSPE1	280		51		4		1,61		0,0196		2,10		0,0041		4,30		0	
Hydroxyacylglutathione hydrolase	Q16775	HAGH	715	440	26,2	11,9	1	2									4,14	4,13		
IFIT1	Q5T7J1	IFIT1		257		20,3		3										7,61		0,0548
IFIT2	Q8IZ03	IFIT2	468	480	13,8	8,9	2	1									14,03	15,72	0,0158	0,0457
IFIT3	Q5T765	IFIT3	297	343	21	13,5	3	3	1,64	1,55	0,1708						5,03		0,0496	
Immunity-related GTPase family Q protein	Q8WZA9	IRGQ	475		15,9		2		1,37		0,0228		1,82		0,0109		4,32		0,0372	
Integrin alpha-L precursor	P20701	ITGAL	428	473	9,9	8,3	2	1					1,73		0,0057		2,28	5,46	0	0,0437
Integrin alpha-X precursor	P20702	ITGAX	112	39	17,3	15,6	10	10		1,69		0,0004	0,92	0,83	0,374	0,2094	1,36	2,30	0,0064	0
Integrin beta (Fragment)	Q6PJ75	ITGB2	26	27	40,8	33,3	21	16		1,64		0,0015	0,90	0,74	0,1796	0,1536	1,21	2,09	0,0048	0

Integrin beta-3 precursor	P05106	ITGB3	300	248	13,5	8	4	3											1,76	1,78	0,1218
Integrin, alpha 2b	Q17R67	ITGAB	159	333	16,5	13,5	7	2	1,33		0,0081		1,31	1,10	0,1342						
Integrin, alpha M	Q4VAK2	CD11B	39	65	22,4	19,2	21	11		1,48		0,0102	0,98	0,84	0,8395	0,394		1,32	2,44	0,0091	0,0003
Integrin, beta 1	Q8WUM6	ITGB1	259	414	23,2	8,1	4	2										2,10	2,05	0,0153	
Intercellular adhesion molecule 1	Q5NKV8	ICAM1	655	376	15	15,2	1	2		2,48		0,0067	1,20	1,37		0,5368			3,73		0,0473
Interferon, gamma-inducible protein 30	Q8WU77	IFI30	320	265	18	18	5	5	1,45	2,74	0,0491	0,0033						1,48	1,28	0,2372	0,6224
Interleukin enhancer-binding factor 3	Q12906	ILF3	605	249	9,5	12,1	1	3					0,80	0,72							
ISG15 ubiquitin-like modifier	Q5SVA4	ISG15	432	335	50,9	24,9	2	2	1,66		0,0053							4,16		0,0132	
Junctional adhesion molecule-like precursor	Q86YT9	AMICA1	438	430	13,7	11,9	2	1					0,69	0,51					2,00		0,0223
Karyopherin (Importin) beta 1	Q53XN2	KPNB1	344	215	12,6	11,1	4	4	1,30	2,32	0,0259	0,0015	2,11	0,72	0,0085	0,0147		3,82	4,39	0,0017	0,0003
Keratin, type I cytoskeletal 10	P13645	KRT10	149	64	20,1	22,4	6	10	0,62	6,08	0,018	0	0,43		0,0047				1,79		0,0167
Keratin, type I cytoskeletal 9	P35527	KRT9	101	264	32,9	18,1	8	3	0,60		0,0007		0,39	0,36	0,0002	0,2199		0,69	1,50	0,0056	0,0139
Keratin, type II cytoskeletal 1	P04264	KRT1	53	217	35,4	26,1	14	6	0,62	3,53	0	0,0005	0,41		0			0,79	2,11	0,004	0,0079
Keratin, type II cytoskeletal 2 epidermal	P35908	KRT2	202	86	28,4	29,9	6	7	0,54	6,80	0,0025	0,0105	0,55		0,0031						
Kunitz-type protease inhibitor 1 precursor	O43278	SPINT1	160	206	21,7	13,4	6	4					1,15		0,0118			1,56	2,60	0,0007	0,0116
KYNU protein	Q6I9T2	KYNU	303	239	28,2	18,3	3	3	1,20		0,0128		1,65		0,0067			2,58	2,46	0,0021	0,0067
Lamin-B1	P20700	LMNB1	473	355	22,4	22,7	2	3					1,61	1,77	0,4662	0,2915			5,82		0,0228
Leucine-rich repeat flightless-interacting protein 1	Q32MZ4	LRRFIP1	210	77	16,1	27,4	5	9	1,49	2,46	0,0188	0,0256	1,94		0,0072			4,04	4,05	0,0003	0,0031
Leukocyte common antigen precursor	P08575	PTPRC	98	128	15,1	9,8	8	6	1,35	2,52	0,0106	0,0333	1,76	1,59	0,0011	0,0119		2,65		0	
Leukocyte elastase inhibitor	P30740	SERPINB1	216	158	25,6	23,8	5	4	1,30	1,46	0,1172	0,0009	1,66		0,0021			2,65	2,94	0,0004	0,0003
Leukocyte immunoglobulin-like receptor subfamily B member 4 precursor	Q8NHJ6	LILRB4	457	401	8	9,4	3	2	1,07	1,23	0,4971	0,3767						1,86	2,38	0,0401	0,022
LIM and SH3 domain protein 1	Q14847	LASP1	193	108	44,8	34,5	6	6	1,40	1,77	0,0083	0,0026	1,82		0,0374			4,00	4,39	0,0012	0,0002
Liver carboxylesterase 1 precursor	P23141	CES1	425	341	9,2	10,9	2	2					1,78		0,0234			2,52		0,0244	
L-lactate dehydrogenase (L-lactate dehydrogenase B chain)	Q5U077	LDHB	74	92	47,6	41	14	8	1,35	1,83	0	0,0088	2,10		0			3,38	3,68	0	0
L-lactate dehydrogenase A chain	P00338	LDHA	84	43	50	50,3	12	12	1,46	1,66	0	0,0024	2,22		0			3,56	3,21	0	0
LPL protein	Q6IAV0	LPL	194		27		5											1,41		0,0271	
LSP1 protein	Q6FHM3	LSP1	121	109	54,3	48,4	11	7		1,77		0,0003	1,36	1,37	0,2648	0,1125			3,92		0
LTA4H protein	Q6IAT6	LTA4H	33	46	46	34,7	18	9	1,54	1,78	0,0001	0,0084	2,29		0			3,93	3,55	0	0,0001
Lymphocyte cytosolic protein 1 (Plastin-2)	Q5TBN4	LCP1	15	14	60,3	45,1	46	31	1,41	1,70	0	0	2,05		0			3,80	3,41	0	0
Lysosomal alpha-glucosidase precursor	P10253	GAA	355	517	7,6	7,9	3	1										1,91		0,0415	
Lysozyme C precursor	P61626	LYZ	151	124	54,7	54,7	12	10					0,37	0,21	0,0004	0,0014		0,51	0,48	0,0057	0,0013
Macrophage colony-stimulating factor 1 receptor precursor	P07333	CSF1R	664	543	7,1	6,1	2	1	0,79	2,15			0,57					0,52	1,55		

Macrophage metalloelastase precursor	P39900	MMP12	40	101	37	27,5	17	3	1,21	2,68	0,0255	0	0,67	0,0052		2,30		0		
Macrophage scavenger receptor types I and II	P21757	MSR1	242	261	22,2	12,6	4	2					1,71	0,105		3,31		0,0074		
Macrophage-capping protein	P40121	CAPG	90	72	47,4	39,7	13	11	1,63	1,62	0,0084	0,0001	2,70	0,0008		6,89	4,07	0,0001	0	
Malate dehydrogenase (Fragment)	Q75MT9	MDH2	222	171	47,2	26	4	4					1,54	0,0378		2,38	4,84	0,0128	0,0031	
Malate dehydrogenase, cytoplasmic	P40925	MDH1	140	110	33,5	35	9	7	1,48	1,68	0,0002	0	2,29	0		3,96	3,61	0	0	
Mannose receptor C type 1-like protein 1	Q5VSK2	MRC1L1	8	9	37,2	31,5	44	36		1,41		0	2,26	2,20	0	0	2,44	4,25	0	0
Mannosidase, alpha, class 2B, member 1 variant (Fragment)	Q59E90	MAN2B1	38	40	29,9	20,3	18	13		2,00		0,0001	0,67	0,44	0	0,0001		2,18		0
Matrilysin precursor	P09237	MMP7	318	238	29,2	24	4	3		1,65		0,0026	0,68	0,52	0,0452	0,0672				
Matrix metalloproteinase-9 precursor	P14780	MMP9	14	11	50,5	50,8	40	31		1,24		0,0025	0,45	0,28	0	0	0,52	0,60	0	0,0002
Membrane alanine aminopeptidase variant (Fragment)	Q59E93	ANPEP	77	37	22,7	18,4	10	12	1,17	2,13	0,001	0	1,33	0		1,86	3,20	0	0	
Metalloproteinase inhibitor 2 precursor	P16035	TIMP2	150	149	35,9	34,6	9	6	1,18	1,50	0,002	0,0039		0,30		0,0133	1,43		0,0017	
MGAT1 protein	Q6IBE3	MGAT1	261	229	24,7	18,7	4	3	1,25	1,39	0,0016	0,2512	1,31		0,0169		1,93		0,0002	
MHC class I antigen	Q7YQB0	HLA-B	183	82	37,3	39,8	6	8					0,96	1,05	0,6034	0,904				
MHC class I antigen (Fragment)	Q6F3I9	HLA-A		152		41		7										3,79		0,0154
MHC class II antigen	Q95IH1	HLA-DRB1	782	695	25,9	30,1	5	3									1,26		0,0394	
MHC class II HLA-DQ-beta-1 (Fragment)	Q30098	HLA-DQB1	290		45,2		3										1,45		0,0026	
Microtubule-associated protein 4	P27816	MAP4	203	183	16,1	9,5	5	4		1,78		0,0008	1,56		0,0349		3,40	3,87	0,0001	0,0014
Microtubule-associated protein RP/EB family member 1	Q15691	MAPRE1	327		28,7		3		1,71		0,0322						5,47		0,0022	
Moesin	P26038	MSN	22	19	47,3	48,4	22	20	1,26	1,72	0,0001	0	1,79	0			3,07	3,45	0	0
MxA	P20591	MX1	195	308	23,3	14,5	5	2	1,95	2,02	0,048						7,43	10,07	0,0045	0,001
Myoferlin	Q9NZM1	MYOF	423	567	10,5	9,1	2	1					2,62		0,0366		5,38		0,008	
Myosin regulatory light chain	Q53X45	MYL12A	227	195	48	36,8	5	4	1,39	1,53	0,0358	0,084	1,77		0,0384		3,32	2,47	0,0053	0,0274
Myosin, light chain 6, alkali, smooth muscle and non-muscle	Q561V9	MYL6	119	235	51,7	39,7	8	3	1,32	1,60	0,0052	0,0598	1,82		0,0198		3,08	3,18	0,0011	0,0128
Myristoylated alanine-rich C-kinase substrate	P29966	MARCKS	233	201	27,4	24,7	4	4					1,90		0,0343		3,12		0,0179	
Nestin	P48681	NES	313	548	11,8	13,3	3	1	1,44	3,37	0,0068		2,15		0,0183		4,33		0,0054	
Neudesin precursor	Q9UMX5	NENF	490		22,1		2						1,34		0,0098		2,79		0,0305	
Neuroblast differentiation-associated protein AHNAK	Q09666	AHNAK	5	6	39	35,8	44	37	1,51	2,20	0	0	2,11	1,37	0	0,0011	5,00	4,09	0	0
Neuropilin-1	Q6X907	NRP1	55	61	28,3	24,6	15	8		1,51		0,0005		0,56		0,0029	1,29	1,42	0,0438	0,0026
Neuropilin-2a(22)	Q7LBX7	NRP2	125	347	24,7	10,6	7	2		1,15		0,0183	1,08	0,91	0,1973		1,38	1,60	0,0008	0,0119
Neutral alpha-glucosidase AB precursor	Q14697	GANAB	331		14,8		2										1,56		0,0038	
Niban-like protein 1	Q96TA1	NIBL1	189	230	20,2	13,8	5	2	1,29	1,92	0,0034	0,0034	1,80		0,0068		3,18	3,97	0,0001	0
Nicotinamide phosphoribosyltransferase	P43490	NAMPT	497		12,6		2						1,91		0,0058		3,84		0,0111	
Niemann-Pick disease, type C2 variant (Fragment)	Q53HV6	NPC2	235	243	33,8	23,2	4	3		1,74		0,0388					1,70	3,64	0,0426	0,0026

Non-muscle myosin heavy polypeptide 9	Q60FE2	MYH9	2	3	45,1	33,5	69	41	1,36	1,49	0	0	1,80	0	3,00	2,83	0	0	
Nuclear migration protein nudC	Q9Y266	NUDC	538	381	22,7	25,4	2	2					2,60	0,0382	5,25		0,0056		
Nucleobindin-1 precursor	Q02818	NUCB1	42	59	52,9	34,9	19	12		1,84		0,0001		0,53	0,0162	1,37	1,63	0,0193	0,0242
Nucleolin	P19338	NCL	198	102	28,6	25,9	6	6	1,85	2,05	0,0013	0	2,00	0,0037		3,88	3,65	0,0005	0
Nucleophosmin	P06748	NPM1	191	228	43,5	20,4	6	5	1,70	1,78	0,0003	0,0001	2,52	0,0001		4,12	3,21	0,0003	0,0001
Nucleoside diphosphate kinase	Q32Q12	NME2	182	151	57,5	47,3	7	5	1,41	1,62	0,0084	0,0007	2,16	0		3,84	3,42	0	0
Orosomuroid 1	Q5U067	ORM1		408		13,9		2						0,49	0,0129		2,02		0,0033
p180/ribosome receptor	A7BI36	RRBP1	321	192	36	33,4	2	4								2,54	2,44	0,0595	0,1041
Paired immunoglobulin-like type 2 receptor alpha precursor	Q9UKJ1	PILRA	449	449	20,5	20,8	2	1		1,63		0,0342				1,12	1,10	0,0795	0,2744
PC cell-derived growth factor	Q540U8	GRN	120	200	22,6	12,7	8	4	1,37		0,0008		0,68	0,69	0,0188		1,28		0,0084
Pentaxin-related protein PTX3	Q38M82	PTX3	302	182	26,5	20,2	5	4	0,76	0,94	0,3424	0,9028							
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase	Q6IBH5	PPIB	176	147	46,8	49,5	7	5		1,60		0,0001		0,57	0,0113	1,36	1,82	0,0077	0,0013
Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase A	P62937	PPIA	135	93	73,3	56,4	13	8	1,55	1,93	0,0001	0,0001	2,57	0,002		4,80	4,82	0,0002	0
Peroxiredoxin-1	Q06830	PRDX1	82	74	55,8	57,8	13	10	1,61	1,73	0,0001	0	2,73	0,0001		5,36	4,32	0	0
Peroxiredoxin-6	P30041	PRDX6	243	302	33	25,9	4	2	1,23	1,37	0,1242	0,0266	1,82	0,018		3,14	3,77	0,0026	0,0081
Phosphatidylethanolamine-binding protein 1	P30086	PEBP1	237	260	49,2	25,7	4	3		1,96		0,0324		0,69	0,0214	3,51	4,60	0,0191	0,0329
Phosphoglucomutase-1	P36871	PGM1	200	241	25,3	20,1	4	3	1,53		0,0037		1,98	0,0009		3,46		0	
Phosphoglucomutase-2	Q96G03	PGM2	288	319	26,3	11,3	3	2	1,44	1,59	0,1552	0,0471	2,19	0,0046		3,96	3,87	0,0003	0,038
Phosphoglycerate kinase 1	P00558	PGK1	30	30	62,1	57,3	23	15	1,46	1,69	0	0	2,24	0		3,73	3,63	0	0
Phosphoglycerate mutase 1	Q6P6D7	PGAM1		156		35,8		7									3,37		0,0288
Phosphoglycolate phosphatase	A6NDG6	PGP	379	711	17,8	19,9	3	1					2,15	0,0165		3,72		0,0159	
Phosphoinositide-3-kinase-interacting protein 1 precursor	Q96FE7	PIK3IP1	842	411	9,9	12,9	1	2	0,97	0,89									
Phospholipase D3	Q8IV08	PLD3	281	312	15,3	12,9	4	2					0,92	0,75	0,2522		1,46		0,0076
Phosphorylase (Fragment)	Q59GM9	PYGB	557		13,3		2		1,89		0,0002		2,32	0,0009		4,75		0,0015	
Plasma alpha-L-fucosidase precursor	Q9BTY2	FUCA2	276		16,1		4		1,37		0,0199					1,68		0,0182	
Plasma protease C1 inhibitor precursor	P05155	SERPING1	211	107	26,6	29	5	6	2,52	2,30	0,0002	0,0002	1,31	0,0081		2,72	2,39	0,0001	0,0002
Plasminogen activator inhibitor 1 RNA-binding protein	Q8NC51	SERBP1	467	224	29,7	22	4	6	1,29	1,49	0,4864								
Platelet factor 4 precursor	P02776	PF4	448	435	48,5	64,8	2	1	1,48		0,0081								
Plectin 6	Q6S380	PLEC1	4	2	28,2	28,2	45	45	1,47	2,00	0	0	1,96	0		4,01	4,00	0	0
PLEK protein (Fragment)	Q6FGQ1	PLEK	306	419	31,4	18,6	3	1	1,52	1,56	0,0334	0,032	1,44	0,048		2,58	2,37	0,0091	0,0185
Plexin domain-containing protein 2 precursor	Q6UX71	PLXDC2	272	318	25,1	12,9	4	2									2,08		0,0201
Polyadenylate-binding protein 1	P11940	PABPC1		188		22,6		4		2,29		0,0107					3,41		0,0019
Probable serine carboxypeptidase CPVL precursor	Q9H3G5	CPVL	453	328	20,6	15,8	2	2		2,07		0,0217	0,83	0,98	0,5443	0,9316		2,31	0,0319

Profilin 1	Q53Y44	PFN1	123	106	69,3	69,3	10	8	1,28	1,60	0,0097	0,0072	1,60		0,0171		2,92	3,04	0,0008	0,0022
Progerin	Q6UYC3	LMNA	28	15	52,4	56	19	21	1,37	1,72	0	0	1,76		0		3,42	3,38	0	0
Programmed cell death 6-interacting protein	Q8WUM4	PDCD6IP	41	131	36,9	23,1	12	5									1,47	1,95	0	0,0008
Proliferation-associated protein 2G4	Q9UQ80	PA2G4	371	437	22,7	14,7	3	1	1,94	2,22	0,0194	0,0172	2,67	2,57	0,0009	0,0852	5,69	6,26	0,0011	0,0057
Prolow-density lipoprotein receptor-related protein 1 precursor	Q07954	LRP1	7	7	17,5	14,4	43	34		1,50		0	1,86	1,69	0	0,0001	2,17	4,26	0	0
Prosaposin	B1AVU8	PSAP	62	44	27,2	25,4	12	11	1,36	2,42	0	0,0004	0,78	0,71	0,113	0,3089	1,44	2,54	0,0171	0,0024
Prostaglandin D2 synthase 21kDa (Fragment)	Q5SQ09	PTGDS	305	289	49,5	42	4	3					0,50	0,22	0,0045	0,0026	0,64	0,46	0,0432	0,0433
Prostaglandin E synthase 3	Q15185	PTGES3	487		17,5		2		1,59		0,0411		2,07		0,027		4,49		0,0037	
Proteasome (Prosome, macropain) subunit, alpha type, 7 (Fragment)	Q5JXJ1	PSMA7	274	446	31,5	18,8	4	1	1,41	1,63	0,0045	0,0157	2,06		0,0034		3,49	3,65	0,0002	0,0785
Proteasome beta 1 subunit variant (Fragment)	Q53FT8	PSMB1	241	254	56,4	36,9	5	2	1,29	1,81	0,0001	0,0055	1,76		0		2,83	3,01	0	0,0046
Proteasome subunit alpha type	Q5U0A0	PSMA5	284	461	44,8	17	5	1	1,51	1,43	0,0245		2,30		0,002		3,72		0,0013	
Proteasome subunit alpha type	Q53XP2	PSMA4	311	292	24,9	27,6	2	1	1,42	1,34	0,0268	0,0361	1,88		0,0001		3,14		0,0001	
Proteasome subunit alpha type (Fragment)	A8MVJ4		96	193	44,4	36,6	10	4	1,47	1,83	0,0009	0,0153	2,15		0		3,58	3,19	0	0,0059
Proteasome subunit alpha type (Fragment)	Q6ICS6	PSMA2	396	403	28,6	26,1	2	1	1,11	1,24	0,7336	0,2746								
Proteasome subunit alpha type-3	P25788	PSMA3	250	666	40,8	12,9	5	0	1,27	1,24	0,1458	0,1715					3,03		0,043	
Proteasome subunit alpha type-6	P60900	PSMA6	181	226	43,9	22,8	6	3	1,27	1,65	0,0009	0,0035	1,82		0,0002		3,04	3,21	0	0,0228
Proteasome subunit beta type	Q6IAT9	PSMB6	494	371		14,2	2	2	1,50	1,61		0,0201						2,31		0,0241
Proteasome subunit beta type-2	P49721	PSMB2	205	233	42,8	30,4	6	3	1,68	1,65	0,0149	0,4695	2,40		0,0012		3,93	3,25	0,0009	0,0205
Proteasome subunit beta type-8	Q5QNR8	PSMB8	245	177	29	30,1	5	4	1,38	1,64	0,0096	0,0003					2,45	3,42	0,0501	0,0001
Proteasome subunit beta type-9	Q5JNW4	PSMB9	523	644	8,7	8,2	2	1									3,62		0,0055	
Protein CDV3 homolog	Q9UKY7	CDV3	527	432	14	10,9	2	1	1,33	1,50	0,0321	0,2964	2,04		0,0138		4,46		0,0005	
Protein disulfide-isomerase A3 precursor	P30101	PDIA3	57	56	36,8	34,5	16	10		1,48		0,0147	1,50		0		2,12	2,82	0	0,0002
Protein disulfide-isomerase precursor	P07237	P4HB	48	58	47,6	41,7	14	7	1,17	1,41	0,0378	0,0058	1,43		0		1,97	2,71	0	0
Protein DJ-1	Q99497	PARK7	190	135	57,1	48,2	6	5	1,33	1,54	0,0001	0,0143	1,87		0,006		3,35	3,31	0,0001	0
Protein FAM49B	Q9NUQ9		341	344	36,7	20,7	2	2					1,43	1,23	0,1848	0,5872	2,52		0,0232	
Protein S100-A11	P31949	S100A11	427	246	31,4	37,1	3	3		2,07		0,0044					6,06	4,58	0,0571	0,0007
Protein S100-A4	P26447	S100A4	226	162	42,6	36,6	8	6	1,53	1,74	0,0253	0,0003	2,20		0,0282		4,63	3,68	0,0032	0,0021
Protein S100-A6	P06703	S100A6	454	388	30	30	2	2	1,65	1,97	0,0162	0,0066	2,80		0,0217		5,63	4,02	0,0074	0,0015
Protein S100-A8	P05109	S100A8	236	136	57	65,6	6	6	1,28	1,67	0,001	0,0002	1,91		0,0002		2,78	2,81	0	0
Protein S100-A9	P06702	S100A9	199	168	51,8	68,4	9	9	1,24	1,78	0,0035	0,0012	1,70		0,0006		2,72	2,69	0,0001	0,0002
Protein transport protein Sec31A	O94979	SEC31A	588		5,1		2						1,89		0,0089		3,83		0,0423	

Protein-L-isoaspartate(D-aspartate) O-methyltransferase	P22061	PCMT1	509	29,1	2	1,74	0,0093	2,47	0,0113	5,09	0,0036							
PSMB4 protein	Q6IBI4	PSMB4	412 338	22,4 24,2	3 2			2,16	0,0108									
Puromycin-sensitive aminopeptidase	P55786	NPEPPS	383 213	19,8 15	2 3	1,95	0,005	2,06	0,013	3,73 3,77	0,0051 0							
Putative uncharacterized protein	Q9HBP0	INHBA	854 258	19,3 17,4	0 2	2,37	0,0072	1,50	0,004	2,45 3,22	0,002 0,0034							
Putative uncharacterized protein	Q86Z22	SH3BGRL3	217 202	40,7 28,3	8 5	1,53 1,74	0,0408	0,0129	2,44	0,0322	4,44 3,68	0,0013 0,0066						
Putative uncharacterized protein (Fragment)	Q9BRB1			96 26,6	6						3,74	0,0002						
Putative uncharacterized protein ARPC2	Q53R19	ARPC2	100 130	35,7 33,3	9 4	1,35 1,64	0,0007	0,0001	1,78	0	3,17 2,94	0 0						
Putative uncharacterized protein ATIC	Q53S28	ATIC	310	17,1	4	1,33	0,1596	2,62	0,0205	4,60	0,0152							
Putative uncharacterized protein DKFZp434B0535	Q9HOC7	ATP6AP1	231 311	20,6 18,9	6 2			0,78	0,0182	1,21 1,11	0,339							
Putative uncharacterized protein DKFZp686I04222	Q7Z2Y7	SERPINB6	413	19,3	2			1,78	0,0462	2,94	0,0201							
Putative uncharacterized protein DKFZp686I0746	Q6MZZ3	DCTN1	747 402	16,8 15,8	1 2					6,38 6,35								
Putative uncharacterized protein DKFZp686M09245	Q6MZV5	ARCNI	308 293	20,3 10,9	3 3	1,46	0,0063	1,97	0,0015	3,58 4,14	0,0012 0,0011							
Putative uncharacterized protein DKFZp686M0959	Q7Z3V0	IDH1	63 73	51 46,6	12 7	1,33 1,69	0,0039	0,0008	2,19	0	3,81 3,66	0 0						
Putative uncharacterized protein DKFZp761E1322	Q69YG1	MTPN	437 268	37,3 33,1	2 3	1,75 1,76	0,1824			4,90	0,0811							
Putative uncharacterized protein DKFZp781C13106	Q6AI32	HEXA	213 274	23,6 21,2	4 3	1,42	0,045	0,70	0,0057									
Putative uncharacterized protein ERP70	Q549T6	PDIA4	132 208	40,9 16,3	10 4	1,31 1,18	0,0263	0,0443	1,71 0,65	0,0017 0,1304	2,41 2,20	0 0,0057						
Putative uncharacterized protein IL1RN	Q53SC2	IL1RN	319 221	36,1 36,1	6 4			0,87 0,34	0,4803 0,0489	1,35 1,44	0,2338 0,5464							
Putative uncharacterized protein P5	Q53RC7	PDIA6	353 348	25 17,1	3 2	1,49	0,0206	1,49 1,59	0,2725	2,30 3,98	0,0321 0,042							
Putative uncharacterized protein SPP1	Q4W597	SPP1	87 63	51,3 39,8	16 10	1,32	0,0213	0,45 0,23	0 0,0045	0,67 0,48	0,0072 0,1245							
Putative uncharacterized protein tmp_locus_46	Q53TR4	QPCT	356 284	18 16,1	3 3	1,32	0,0063			0,97 1,10	0,8836 0,791							
Pyridoxal kinase	O00764	PDXK	225 231	28,9 29,2	6 3	1,55 1,58	0,0156	0,1411	2,63	0,003	4,29 3,64	0,0034 0,0091						
Pyruvate kinase	A6NFK3	PKM2	866	61,2	24	1,34	0,2477											
Pyruvate kinase isozymes M1/M2	P14618	PKM2	18 23	62,3 46,3	24 15	1,49 1,34	0,0647			2,60	0,002							
RAB11B protein	Q6FI42	RAB11B	408	25,7	2	1,46	0,0154	2,10	0,0002	3,88	0,0004							
RAB1A, member RAS oncogene family	Q5U0I6	RAB1A	246	33,7	4	1,63	0,0223	2,48	0,0095	4,84	0,0055							
Ras GTPase-activating-like protein IQGAP1	P46940	IQGAP1	50 67	26,3 15,6	12 8	1,27 1,80	0,0042	0,0103	2,12	0	3,98 4,34	0 0,0001						
Ras-related C3 botulinum toxin substrate 2 precursor	P15153	RAC2	349 281	32,3 18,2	3 4	1,95	0,0121	2,05	0,0105	3,43 4,40	0,0064 0,0242							
Ras-related protein Rab-1B	Q9H0U4	RAB1B	662	19,9	2					4,52	0,0505							
Ras-related protein Rab-8B	Q92930	RAB8B	925	28,5	2	1,97	0,0224	1,76	0,0124	3,64	0,0151							
Renin receptor precursor	O75787	ATP6AP2	293 296	21,1 12,3	4 2	1,48	0,0098	0,64 0,38	0,0121 0,0031	1,02 1,21	0,8354 0,0494							
Reticulon-4	Q9NQC3	RTN4	499	8,2	2					2,72	0,0477							
Retinal dehydrogenase 2	O94788	ALDH1A2	275 251	23,9 17,2	4 3	1,60 1,70	0 0,0075	2,19	0	4,55 3,05	0 0,0128							
Retinoic acid receptor responder protein 1	P49788	RARRES1	484 681	22,8 11,2	3 1	0,69	0,0079	0,38 0,44	0,0059	0,47 0,65	0,0101							

Rho GDP-dissociation inhibitor 2	P52566	ARHGDI	174	140	69,7	52,7	8	5	1,39	1,71	0,0003	0,001	2,03	0	3,64	3,64	0	0		
Ribonuclease K6 precursor	Q93091	RNASE6	369	373	22,7	15,3	3	2	0,98	1,15	0,8231		0,70	0,0397	0,96	0,76	0,5295			
Ribosomal protein L12 variant (Fragment)	Q59FI9	RPL12		323		18,8		2		1,93		0,0014				3,29		0,0024		
Ribosomal protein S19 (Fragment)	Q8WVX7	RPS19	476		38,2		2								4,77		0,0094			
Ribosomal protein S3 variant (Fragment)	Q53G83	RPS3	391	337	40,3	25,9	2	2					2,29	0,0147	4,69		0,0076			
RNH1 protein (Fragment)	Q96FD7	RNH1	122	104	34,5	28,9	8	6	1,48	1,77	0,0043	0,0034	2,04	0,004	3,85	4,18	0,0001	0		
RPLP2 protein	Q6FG96	RPLP2	314	287	43,5	34,8	3	3							3,33		0,006			
RSU1 protein	Q6FI17	RSU1	248	512	31,8	12,6	4	2					1,82	0,0093	3,23		0,001			
S-adenosylmethionine synthetase isoform type-2	P31153	MAT2A	299	330	18,2	14,7	3	2	1,58		0,005		2,26	0,0001	4,29		0,0001			
SDC4 protein	Q6FGN3	SDC4	301	372	27,3	17,2	4	2	0,70	0,84	0,1738		0,72	0,85	0,1751					
Semaphorin-7A precursor	O75326	SEMA7A	143	199	29,7	14,6	9	4		1,68		0,0021				2,42		0,0002		
Septin-9	Q9UHD8	SEPT9	366		20,8		3								6,29		0,0141			
Serglycin precursor	P10124	SRGN	338	320	41,8	27,9	7	3		1,67		0,0286	0,51	0,17	0,0042	0,0064				
Serine/threonine-protein kinase PAK 2	Q13177	PAK2	493		10,3		2						2,05	0,0127	3,50		0,0243			
Serine/threonine-protein phosphatase 2A 65 kDa regulatory subunit A alpha isoform	P30153	PPP2R1A	175	387	31,9	13,1	6	2	1,82	2,29	0,0041	0,0014	2,88	0,0017	5,64	5,10	0,0013	0,0062		
Serpin B9	P50453	SERPINB9	406		21,5		2		1,20		0,0092				2,59		0,0043			
Serum albumin precursor	P02768	ALB	10	4	67,5	62,4	50	59	1,29	1,62	0	0	1,37	0,77	0	0,0242	1,47	2,17	0	0
SET translocation	Q5VXV3	SET	440	368	20,7	20	2	2	1,47		0,0458		2,55	0,0023	5,06	6,13	0,0107	0,0222		
SH3 domain-binding glutamic acid-rich-like protein	O75368	SH3BGR	247	351	56,1	32,5	6	2	1,36	1,65	0,0201	0,0154	1,77	0,0242	3,17	3,42	0,0039	0,0058		
SH3 domain-binding protein 1	Q9Y3L3	SH3BP1	481		10,4		2		1,70		0,0013				4,50		0,0272			
Sialic acid-binding Ig-like lectin 14 precursor	Q08ET2	SIGLEC14	329		21,5		3		1,71		0,0013				2,13		0,0122			
Sialoadhesin precursor	Q9BZZ2	SIGLEC1	352		5,3		3		2,45		0,0138		3,86	0,0013	5,28		0,0027			
Signal-regulatory protein alpha	A2A2E1	SIRPA	102	112	25,2	28	9	6					1,42	0,0001	2,18		0			
Similar to protein kinase C substrate	Q96RZ2	GNPTG	455		22,1		2								1,22		0,016			
SLAM family member 5 precursor	Q9UIB8	CD84	397	324	24,6	8,4	2	2	0,89	1,05	0,2848	0,7932	1,02	0,90	0,816	0,69				
Small nuclear ribonucleoprotein Sm D3	P62318	SNRPD3	502		42,1		2						1,70	0,0351	2,89		0,0212			
Sodium/potassium-transporting ATPase subunit alpha-1 precursor	P05023	ATP1A1	206	117	20,8	12,3	5	6	1,46	2,09	0,037	0,002	1,76	0,0103	2,93	3,43	0,0007	0,0004		
Sortilin precursor	Q99523	SORT1	153	116	18,4	18,5	7	5		1,12		0,4903	2,13	3,24	0	0,0014	2,09	4,35	0,0011	0,0001
SPARC protein	Q6IBK4	SPARC	72	66	38,6	34	14	13		1,14		0,0419	0,47	0,22	0	0,0007	0,61	0,51	0,0039	0,0002
Spondin-2 precursor	Q9BUD6	SPON2	238	189	21,5	12,4	5	3	1,07	1,21	0,0305	0,1468	0,52	0,33	0,0019	0,1017	0,83	0,80	0,2593	0,2232
Staphylococcal nuclease domain-containing protein 1	Q7KZF4	SND1	477	427	17,7	7,9	2	1	1,45	1,88	0,0094	0,044	2,17	0,009	4,41	4,03	0,0003	0,0294		

STAT1	Q68D00	STAT1	270	306	22,5	12,5	3	2	1,87		0,0052		2,54		0,0025		6,47		0,0013	
Stress-induced-phosphoprotein 1	Q5TZU9	STIP1	81	79	34,3	28	8	6	1,54	1,77	0	0	2,19		0		5,24	4,61	0	0
Sulfhydryl oxidase 1 precursor	O00391	QSOX1	36	41	34,4	28,7	17	11		1,40		0,0015	0,52	0,54	0	0,0038	0,69		0,0047	
Superoxide dismutase [Cu-Zn]	Q6NR85	SOD1	573	441	29,2	42,9	2	2	1,29	1,57	0,0217	0,0247					2,74	2,71	0,0221	0,0124
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial precursor	P04179	SOD2	322	665	31,5	12,7	3	1					1,47		0,046		2,03	4,56	0,0064	0,0326
Synaptic vesicle membrane protein VAT-1 homolog	Q99536	VAT1	324	474	19,6	16,3	3	1	1,90		0,0233		2,66		0,0139		5,53	5,49	0,003	
Syntaxin-binding protein 2 (STXBP2)	Q15833	STXBP2	330	534	25,1	14,6	4	1									3,81		0,0206	
TAGLN2 protein	Q6FGI1	TAGLN2	145	120	48,7	52,3	9	6	1,61	2,07	0,0001	0,0072	2,25		0		4,85	5,72	0	0,0002
Talin-1	Q9Y490	TLN1	6	13	35,7	23,1	43	24	1,34	1,52	0	0,0005	1,62		0		2,74	3,32	0	0
Tartrate-resistant acid phosphatase type 5 precursor	P13686	ACP5	374	256	25,9	22,5	3	2	1,08	1,04	0,1396	0,7601					1,13	1,15	0,1842	0,4356
TBCA protein	Q6FGD7	TBCA	416	298	38	47,2	2	2	1,52	1,99	0,0023	0,0475	2,46		0,0095		5,91	4,83	0,0029	0,0028
T-complex protein 1 subunit alpha	P17987	TCP1	465	400	16,2	10,1	2	1		1,80		0,0521	2,17		0,0152		3,76	4,37	0,0038	0,0237
T-complex protein 1 subunit beta	P78371	CCT2	177	255	23,9	14,4	6	3	1,43		0,0368		2,24		0,0005		4,47	3,20	0	0,0051
T-complex protein 1 subunit delta	P50991	CCT4	400	433	24,3	17,4	2	1	1,45		0,2253		2,61		0,0108		4,98		0,0106	
T-complex protein 1 subunit eta	Q99832	CCT7	309	159	37,9	23,8	3	4	1,67	2,50	0,0071	0,0431	2,42		0,0004		4,75		0,0001	
T-complex protein 1 subunit zeta	P40227	CCT6A	424	329	16,2	21	2	1	1,60	1,67	0,0025	0,0249	2,48		0,0019		5,02	3,58	0,0002	0,0007
Tenascin C	Q5T7S3	TNC	129	383	12	5,1	7	2	0,89	1,05	0,0766	0,4822	0,84		0,0404					
Thioredoxin	Q53X69	TXN	334	214	48,6	44,8	4	4	1,47	1,90	0,0005	0,0041	2,69		0,0221		4,68	4,77	0,0076	0,0154
Thioredoxin domain-containing protein 4 precursor	Q9BS26	ERP44	169	359	33	15,3	5	1					2,04		0,001		3,41		0,0001	
Thioredoxin reductase 1, cytoplasmic	Q16881	TXNRD1	147	113	23,4	17	9	7	1,30	1,37	0,0325	0,0263	2,16		0,0002		3,44	2,76	0	0,0075
Threonyl-tRNA synthetase variant (Fragment)	Q53GX7	TARS	531	613	11,6	15,1	2	1	1,55		0,0391		2,16		0,0374		3,33		0,0166	
Thrombospondin 1 variant (Fragment)	Q59E99	THBS1	37	185	26,2	13,7	15	4	1,04	1,23	0,4028						1,30		0,0155	
Thymidine phosphorylase precursor	P19971	TYMP	105	89	39,8	33,4	10	8	1,41	2,33	0,0182	0,0004	1,88		0,0052		3,55	5,83	0	0,0001
TIMP1 protein	Q6FGX5	TIMP1	470	395	17,4	13	2	2		1,19		0,0143		0,38		0,0291	0,96	0,77	0,6057	0,3963
TMSB4X protein (Fragment)	Q0P5Q0	TMSB4X	254	460	47,1	43,5	4	2					2,77		0,0769		5,40		0,0474	
Transaldolase	P37837	TALDO1	47	32	53,7	51,3	15	12	1,39	1,64	0	0	2,10		0		3,61	3,59	0	0
Transcription elongation factor B polypeptide 2	Q15370	TCEB2	462		20,3		2		1,82		0,0373		2,60		0,0098		5,41		0,0041	
Transferrin receptor	Q1HE24	TFRC	13	12	53,8	51,5	41	38	0,83		0,0018		2,65		0		2,37		0	
Transferrin variant (Fragment)	Q53H26	TF	9	8	63	60,2	51	44		1,26		0	1,31		0		1,33	1,72	0	0
Transforming growth factor, beta-induced, 68kDa	Q53XM1	TGFBI	45	33	38,5	30,2	22	16	1,30	1,47	0,0001	0,0005		0,66		0,0018	1,47	1,86	0	0
Transketolase variant (Fragment)	Q53EM5	TKT	54	28	34	36,9	13	13	1,35	1,66	0,0002	0	2,08		0		3,42	3,69	0	0
Transmembrane glycoprotein NMB precursor	Q14956	GPNMB	447	313	10,5	8,2	3	2	0,79	0,85	0,1199	0,0141	0,68	0,51	0,2247	0,276				
Triosephosphate isomerase (Fragment)	Q6FHP9	TPI1	61	78	75,5	49	16	10	1,43	1,76	0	0,0017	2,16		0		3,38	3,73	0	0

Tripeptidyl peptidase II	Q5VZU9	TPP2	296	710	10,5	10,1	2	0	1,41	1,45	0,081		1,91	0,0049	2,83	0,0044		
Tropomyosin 1 alpha variant 6	Q1ZYL5	TPM1	360	467	44,9	44	7	4	1,29	1,39	0,3464				2,18	2,05	0,0883	
Tropomyosin 3	Q5VU59	TPM3	113	47	69,4	72,4	14	10	1,32	1,82	0,0107	0,0116	1,67	0,0057	3,43	3,31	0,0002	0,0008
Tropomyosin 4	Q5U0D9	TPM4	49	122	67,7	59,3	15	9	1,36	1,72	0,0003	0,0021	1,73	0	3,37	3,06	0	0
Trypsin-I precursor	P07477	PRSS1	370	282	15,4	17	6	5	1,12	1,36			1,37	0,77	1,63	1,65		
Tryptophanyl-tRNA synthetase, cytoplasmic	Q53XB6	WARS	168	222	31	27,4	8	3	1,45	1,98	0,0046	0,0281	1,82	0,0036	3,62	4,51	0,0002	0,0025
Tubulin alpha-1A chain	Q71U36	TUBA1A		75		37,3		7		1,79		0,008				4,96		0,0007
Tubulin alpha-1C chain	Q9BQE3	TUBA1C	78		39,2		12		1,46		0,0057		2,48	0,0044	4,90		0,0029	
Tubulin alpha-4A chain	P68366	TUBA4A	596		29,9		8								3,56		0,0063	
Tubulin, beta	Q5SU16	TUBB2A	511	71	36	32,9	10	10							4,90		0,0212	
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 5 precursor	P25942	CD40	521	487	7,9	12,3	2	1					1,19	0,0359		4,02		0,0395
Tumor rejection antigen (Gp96) 1	Q5CAQ5	HSP90B1	116	501	28,7	14,3	10	2	1,38		0,0009		1,61	0,0011	2,35		0	
Twinfilin-2	Q6IBS0	TWF2	386		24,4		2		1,48		0,0192		1,96	0,0021	4,33		0,0001	
Tyrosine-protein kinase receptor	A6P4V4		446		15,3		2		1,75		0,0244		2,92	0,0276	5,30		0,061	
Ubiquitin A-52 residue ribosomal protein fusion product 1	Q3MIH3	UBA52	186	173	53,1	65,6	6	4	1,28	1,43	0,003	0,0001	1,60	0,0003	3,51	3,31	0	0
Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase 5	P45974	USP5	514	587	7,9	7	2	1							4,96		0,0341	
Ubiquitin-conjugating enzyme E2 L3	P68036	UBE2L3	486	286	37	33,1	2	3	1,52		0,0042		2,04	0,0235	4,33	3,25	0,0124	0,047
Ubiquitin-like modifier activating enzyme 1	Q5JRR8	UBA1	109	88	18,1	14,5	8	7	1,58	1,75	0,0006	0,0122	2,26	0,0002	4,69	3,76	0	0
Uncharacterized metallophosphoesterase CSTP1	Q9BRF8	CPPED1	401	397	24,8	12,7	2	2		1,85		0,0248	2,16	0,0177	3,86	4,75	0,003	0,0026
Uncharacterized protein C12orf5	Q9NQ88	C12orf5	441		21,9		2						1,93	0,009	3,96		0,0005	
Uncharacterized protein C9orf19 (Fragment)	A8MZ81		456		37,3		2								2,43		0,0013	
Uncharacterized protein ENSP00000348237	A6NJ80		196		40,2		7		1,34		0,0115		1,74	0,0007	2,83		0,0002	
Uncharacterized protein ENSP00000381447 (Fragment)	A8MY04		452		28,2		2								3,84		0,0285	
Uncharacterized protein FAM129A (Fragment)	A8MYQ4		315		18,3		3		1,52		0,0189		2,07	0,0016	3,72		0,0004	
Uncharacterized protein HPRT1	A8MSU4	HPRT1	399		21,6		2								2,82		0,0238	
Uncharacterized protein PEPD (Fragment)	A8MX47	PEPD		204		17,9		3		1,46		0,0165				2,71		0
Uncharacterized protein PRKACB (Fragment)	A6NJF4	PRKACB		390		15,3		2								6,40		0,0058
UPF0556 protein C19orf10 precursor	Q969H8	C19orf10	339	530	26,6	15,6	3	1					2,38	0,004	3,58		0,0009	
UTP--glucose-1-phosphate uridylyltransferase	Q16851	UGP2	377	468	22,6	13,4	2	1	1,52	1,85	0,0157	0,0009	2,26	0,0073	4,28	4,49	0,0035	0,0009
UV excision repair protein RAD23 homolog B variant (Fragment)	Q53F10	RAD23B	393	288	14,9	11,3	2	1	1,30	1,70	0,0104	0,0306	1,79	0,0039	3,90	4,15	0,0008	0,0018
Vacuolar ATP synthase catalytic subunit A	P38606	ATP6V1A	161	97	27,1	28,9	7	7	1,63	1,56	0,0003	0,0857	2,34	0,0001	3,65	2,89	0	0,0049

Vacuolar ATP synthase subunit B, brain isoform	P21281	ATP6V1B2	201	157	26,4	16,8	5	5	1,39	1,95	0,0744	0,003	1,88	0,0134	3,49	4,40	0,0002	0,0002	
Vacuolar protein sorting-associated protein 29	Q9UBQ0	VPS29	388	417	25,8	17,7	3	1	1,42		0,0138		2,00	0,007	3,51	4,36	0	0,0403	
Vacuolar protein sorting-associated protein 35	Q96QK1	VPS35	271		12,7		4		1,28		0,0009		1,67	0,0032	3,34		0		
Valosin-containing protein	Q2TAI5	VCP	46	55	42,8	27,4	14	9	1,29	1,62	0,0293	0,0008	2,23	0	3,89	3,71	0	0	
Vascular endothelial growth factor receptor 1 precursor	P17948	FLT1	185	447	17,3	12	5	1	1,36	2,00	0,0004	0,0209	1,04	1,05	0,6152	1,84	3,33	0	0,0279
Vasodilator-stimulated phosphoprotein	P50552	VASP	576	216	20,8	24,7	2	4		2,38		0,0453	1,19	0,0435					
WD repeat-containing protein 1	O75083	WDR1	73	76	33,8	32,5	10	8	1,33	1,78	0,0002	0	2,07	0	2,98	3,42	0	0	
Vimentin	P08670	VIM	12	10	62,7	65,2	53	46	1,82	2,10	0	0	2,72	0	6,80	4,96	0	0	
Vinculin	P18206	VCL	11	24	50,1	30,1	33	13	1,22	1,66	0	0	1,54	0	2,27	3,03	0	0	
Zinc transporter ZIP10 precursor	Q9ULF5	SLC39A10	378	648	9	2,2	2	1					0,70	0,57	0,0535				
Zyxin	Q15942	ZYX	257	146	19,8	21,3	7	6	1,42		0,0183		1,99	0	4,09	3,64	0	0,0126	

HSV-1 proteins

Protein name	SwissProt Acc. No.	Genetrail ID	N		% Seq Cov		Pept(95%)		IFN- β		HSV-1		IFN- β +HSV-1						
			Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Fold change	P-value	Fold change	P-value	Fold change	P-value					
			Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2	Exp1	Exp2			
Alkaline nuclease	P04294		391		10,2		2		1,614		0,0342			5,89	0,0402				
Deoxyuridine 5'-triphosphate nucleotidohydrolase	P10234		279	368	24,9	29,1	4	3				5,162	0,0014	10,42	0,0001				
Envelope glycoprotein B	P08665		27		36,7		21		1,567		0,0016	4,939	0	8,306	0				
Envelope glycoprotein D	Q05059		239	177	28	29,7	6	11				5,432	6,968	0,0037	0,003	4,501	10,42	0,003	0,0007
Envelope glycoprotein E	P04488		410	37	14,3	36	3	21	1,308	1,26	0,2776	0,1615	4,499	0,0085	6,711	0,002			
Envelope glycoprotein H	Q9DHD5		324		17,7		3		1,664		0,0245			6,478	0,0022				
Envelope glycoprotein I	P06487		400	215	12,4	19,5	2	8				2,957	2,979	0,3247	0,1329	5,428	0,0372		
Tegument protein UL47	P08313		408		26,6		2					4,014		0,0176	6,401	0,0054			
Tegument protein VP16	P04486		546	333	15,5	14,1	1	3	2,923		0,0326		13,33	0,0142	23,27	0,0161			
Tegument protein VP22	P10233		417	520	44,3	30,9	2	3						10,33	10,49	0,1557	0,2089		