

Experiment #	Ligand	Analyte	$k_d$ ( $s^{-1}$ )	Fit error	Mean ( $s^{-1}$ )	SEM	$t_{1/2}$ (s)
1	Semaphorin-7A	MTRAP	0.058	0.0003	0.056	0.003	12.38
2	Semaphorin-7A	MTRAP	0.054	0.0003			
1	S115T	MTRAP	0.053	0.0005	0.050	0.004	13.86
2	S115T	MTRAP	0.047	0.0009			
1	R207Q	MTRAP	0.054	0.0005	0.050	0.006	14.00
2	R207Q	MTRAP	0.045	0.0007			
1	Q457K	MTRAP	0.053	0.0006	0.056	0.004	12.49
2	Q457K	MTRAP	0.058	0.005			
1	R460H	MTRAP	0.049	0.0007	0.050	0.001	13.86
2	R460H	MTRAP	0.051	0.0003			
1	E473V	MTRAP	0.056	0.0007	0.055	0.001	12.60
2	E473V	MTRAP	0.054	0.0004			
1	R474L	MTRAP	0.046	0.0006	0.052	0.008	13.46
2	R474L	MTRAP	0.057	0.0003			
1	R475T	MTRAP	0.059	0.0014	0.056	0.004	12.38
2	R475T	MTRAP	0.053	0.0004			
1	Q530P	MTRAP	0.05	0.0005	0.053	0.004	13.20
2	Q530P	MTRAP	0.055	0.0002			

**Table S3**