

chr	start	end	maximum	p53 Height	p53 Area	IgG	Ratio p53/IgG	P-Value	Gene Symbol	Ensemble name
1	557273	557605	557439	13	13	28	0.56629944	0.965798		ENSG00000209350
1	559622	559962	559792	21	21	54	0.469219536	0.999213		ENSG00000212678
1	846502	846716	846555	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SAMD11	ENSG00000187634
1	998957	999257	999107	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000217801
1	999404	999647	999513	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000217801
1	1176117	1176529	1176296	17	26	3	7.918079665	5.55E-07	FAM132A	ENSG00000184163
1	1827625	1827845	1827754	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CALML6	ENSG00000169885
1	1828778	1829125	1828951	21	25	1	15.24963491	2.59E-08	CALML6	ENSG00000169885
1	1881428	1881611	1881542	9	9	1	5.865244197	0.00272497	C1orf222	ENSG00000205073
1	3266116	3266362	3266219	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ARHGEF16	ENSG00000130762
1	3575269	3575556	3575412	12	13	3	4.105670938	0.00243034	TP73	ENSG00000078900
1	3807046	3807247	3807146	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C1orf174	ENSG00000198912
1	5043778	5043979	5043878	8	8	0	10.55743955	0.000925496	AJAP1	ENSG00000196581
1	6056814	6057267	6056990	21	30	1	18.18225701	6.30E-10	KCNAB2	ENSG00000069424
1	6182234	6182485	6182359	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RPL22	ENSG00000116251
1	6202980	6203235	6203107	9	9	2	3.910162798	0.00955088	RNF207	ENSG00000158286
1	6395632	6395911	6395793	12	12	1	7.624817456	0.000332769	HES2	ENSG00000069812
1	6397056	6397785	6397318	61	105	0	124.343177	1.86E-36	HES2	ENSG00000069812
1	6506271	6506514	6506392	8	11	1	7.038293036	0.000674435	PLEKHG5	ENSG00000171680
1	6596174	6596376	6596275	10	11	1	7.038293036	0.000674435	PHF13	ENSG00000116273
1	6872568	6872815	6872691	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000219260
1	7208154	7208360	7208264	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207056
1	8000225	8000451	8000346	11	13	3	4.105670938	0.00243034	ERRFI1	ENSG00000116285
1	8043956	8044151	8044102	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000219182
1	8053027	8053326	8053178	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000219182
1	8653107	8653439	8653273	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000218821
1	8886576	8886812	8886694	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000220443
1	8894246	8894427	8894336	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000218059
1	9164065	9164387	9164226	13	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000207865
1	9164404	9165205	9164864	105	190	2	74.68410944	2.27E-61		ENSG00000207865
1	9609717	9609957	9609842	8	10	0	12.90353723	0.000195991	PIK3CD	ENSG00000171608
1	9808236	9808457	9808346	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CLSTN1	ENSG00000171603

1	9808556	9808736	9808646	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CLSTN1	ENSG00000171603
1	9826206	9826504	9826359	12	13	3	4.105670938	0.00243034	CLSTN1	ENSG00000171603
1	9857559	9857739	9857649	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CTNNBIP1	ENSG00000178585
1	9873817	9874117	9873994	9	12	2	5.083211637	0.00143337	CTNNBIP1	ENSG00000178585
1	9925985	9926187	9926086	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NMNAT1	ENSG00000173614
1	9933102	9933356	9933229	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000202415
1	10065798	10066114	10065956	19	21	0	25.80707446	3.84E-08	UBE4B	ENSG00000130939
1	10152016	10152242	10152129	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000201746
1	10192308	10192502	10192405	8	8	3	2.639359888	0.0415794	KIF1B	ENSG00000054523
1	10382109	10382369	10382264	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PGD	ENSG00000142657
1	10493639	10493867	10493753	12	13	2	5.474227917	0.000747844	PEX14	ENSG00000142655
1	10706915	10707138	10707026	11	11	3	3.519146518	0.00788869	CASZ1	ENSG00000130940
1	10726732	10727152	10726987	17	23	0	28.15317214	8.13E-09	CASZ1	ENSG00000130940
1	10727207	10727533	10727370	23	25	0	30.49926982	1.72E-09	CASZ1	ENSG00000130940
1	10759192	10759450	10759296	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	CASZ1	ENSG00000130940
1	10779213	10779512	10779362	14	14	4	3.519146518	0.00361132	CASZ1	ENSG00000130940
1	10873485	10873736	10873598	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217499
1	10892477	10892704	10892590	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000217499
1	10995089	10995278	10995135	8	8	2	3.519146518	0.017558	TARDBP	ENSG00000120948
1	11062887	11063106	11062996	9	9	3	2.932622098	0.0242899	EXOSC10	ENSG00000171824
1	11245225	11245582	11245390	12	16	2	6.647276756	0.000101928	FRAP1	ENSG00000198793
1	11633003	11633266	11633168	9	10	1	6.451768616	0.00135978	FBXO44	ENSG00000132879
1	11890879	11891616	11891069	13	33	16	2.346097679	0.00141036		ENSG00000199347
1	11892295	11892667	11892557	8	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000201801
1	12189720	12190224	12189927	46	68	0	80.94036991	5.52E-24		ENSG00000219226
1	12214827	12215206	12214857	9	16	4	3.988366054	0.00115141	VPS13D	ENSG00000048707
1	12467984	12468174	12468086	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000209463
1	12600894	12601444	12601083	32	46	1	27.56664772	3.79E-15	DHRS3	ENSG00000162496
1	12601636	12601860	12601749	8	9	2	3.910162798	0.00955088	DHRS3	ENSG00000162496
1	12623151	12623439	12623305	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	AADA4L4	ENSG00000204518
1	14623726	14623980	14623850	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000189337
1	14932240	14932521	14932380	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000203390
1	15094084	15094368	15094226	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000189337
1	15106499	15106889	15106712	21	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000189337

1	15245559	15245913	15245736	12	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000189337
1	15352011	15352212	15352094	9	10	0	12.90353723	0.000195991	TMEM51	ENSG00000171729
1	15399677	15399870	15399762	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000215720
1	15502227	15502545	15502376	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	FHAD1	ENSG00000142621
1	15503763	15503942	15503852	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FHAD1	ENSG00000142621
1	15599757	15600138	15599959	13	20	0	24.63402563	8.35E-08	EFHD2	ENSG00000142634
1	15816253	15816439	15816294	8	9	0	11.73048839	0.000425898	DDI2	ENSG00000197312
1	15999386	15999956	15999787	11	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000197883
1	16035057	16035294	16035175	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000216318
1	16048435	16048623	16048529	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000179743
1	16351580	16351825	16351702	8	8	2	3.519146518	0.017558	EPHA2	ENSG00000142627
1	16383680	16384089	16383910	48	59	1	35.19146518	1.99E-19	ARHGEF19	ENSG00000142632
1	16566007	16566332	16566181	16	21	3	6.451768616	1.56E-05	C1orf144	ENSG00000055070
1	16639532	16639844	16639688	11	13	7	2.052835469	0.046392	NECAP2	ENSG00000157191
1	16712966	16713326	16713162	22	28	14	2.267894423	0.00376222		ENSG00000206652
1	16758752	16759378	16758980	58	80	0	95.01695598	4.98E-28		ENSG00000209524
1	16807308	16807631	16807469	11	14	2	5.865244197	0.000387308	NBPF1	ENSG00000179571
1	16812435	16812972	16812793	14	27	12	2.526566731	0.00187486	NBPF1	ENSG00000179571
1	16820154	16820406	16820280	9	10	6	1.843362462	0.0964212	NBPF1	ENSG00000179571
1	16843541	16843938	16843746	13	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000186543
1	16877246	16877456	16877331	13	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000188605
1	16926309	16926517	16926446	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000209530
1	17095167	17095450	17095305	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000207005
1	17104034	17104216	17104064	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000207005
1	17104280	17104480	17104410	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000207005
1	17253041	17253375	17253214	11	14	2	5.865244197	0.000387308	SDHB	ENSG00000117118
1	17444422	17444655	17444538	9	10	0	12.90353723	0.000195991	PADI3	ENSG00000142619
1	17449892	17450141	17450039	8	10	0	12.90353723	0.000195991	PADI3	ENSG00000142619
1	17476894	17477236	17477084	13	17	3	5.278719777	0.000205462	PADI3	ENSG00000142619
1	17508618	17509143	17508937	22	32	3	9.677652924	9.12E-09	PADI4	ENSG00000159339
1	17611282	17611577	17611425	16	19	1	11.73048839	2.14E-06	RCC2	ENSG00000179051
1	17638994	17639306	17639165	9	10	0	12.90353723	0.000195991	RCC2	ENSG00000179051
1	17642629	17642843	17642736	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RCC2	ENSG00000179051
1	17719223	17719493	17719317	12	15	2	6.256260476	0.000199274	ARHGEF10L	ENSG00000074964

1	17737435	17737742	17737569	8	10	8	1.433726359	0.209175	ARHGEF10L	ENSG00000074964
1	18156885	18157271	18157062	19	25	2	10.16642327	2.02E-07	ACTL8	ENSG00000117148
1	18391986	18392407	18392205	12	20	0	24.63402563	8.35E-08	IGSF21	ENSG00000117154
1	18679977	18680273	18680122	10	12	2	5.083211637	0.00143337	KLHDC7A	ENSG00000179023
1	18865776	18865980	18865862	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PAX7	ENSG00000009709
1	18867970	18868248	18868076	12	15	3	4.692195357	0.000718455	PAX7	ENSG00000009709
1	19197316	19197831	19197514	33	45	1	26.9801233	8.07E-15	IFFO2	ENSG00000169991
1	19210178	19210424	19210304	9	11	1	7.038293036	0.000674435	IFFO2	ENSG00000169991
1	19409359	19409646	19409467	8	12	1	7.624817456	0.000332769	UBR4	ENSG00000127481
1	19450411	19450602	19450490	9	10	2	4.301179077	0.00512919	KIAA0090	ENSG00000127463
1	20081074	20081489	20081310	11	18	1	11.14396397	4.44E-06	OTUD3	ENSG00000169914
1	20174034	20174251	20174139	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000209591
1	20332631	20332997	20332805	17	21	0	25.80707446	3.84E-08	PLA2G2F	ENSG00000158786
1	20555993	20556276	20556134	10	12	4	3.049926982	0.0108184	VWA5B1	ENSG00000158816
1	20812799	20813172	20812978	13	19	0	23.46097679	1.81E-07	PINK1	ENSG00000158828
1	21082866	21083208	21083037	21	24	0	29.32622098	3.74E-09	EIF4G3	ENSG00000075151
1	21454310	21454590	21454450	11	12	7	1.906204364	0.0695918	ECE1	ENSG00000117298
1	21535008	21535227	21535117	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ECE1	ENSG00000117298
1	21876221	21876400	21876383	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RAP1GAP	ENSG00000076864
1	22154735	22155301	22155087	24	40	0	48.09500241	1.51E-14	HSPG2	ENSG00000142798
1	22155940	22156287	22156113	15	21	5	4.301179077	0.000172642	HSPG2	ENSG00000142798
1	22173771	22174149	22173973	25	32	0	38.7106117	7.53E-12	ELA3B	ENSG00000219073
1	22242292	22242612	22242452	27	31	5	6.256260476	3.74E-07	CDC42	ENSG00000070831
1	22547586	22547778	22547669	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000198137
1	22570041	22570220	22570108	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000198137
1	22671718	22672121	22671881	18	25	3	7.624817456	1.09E-06	ZBTB40	ENSG00000184677
1	23016523	23016975	23016724	32	47	1	28.15317214	1.78E-15	EPHB2	ENSG00000133216
1	23218235	23218551	23218412	16	20	9	2.463402563	0.00689886	AOF2	ENSG00000004487
1	23576477	23576814	23576643	31	36	4	8.680561411	3.18E-09		ENSG00000201405
1	23623869	23624331	23624048	16	24	0	29.32622098	3.74E-09	TCEA3	ENSG00000204219
1	23651035	23651481	23651241	14	23	3	7.038293036	4.15E-06	TCEA3	ENSG00000204219
1	23738839	23739170	23738999	11	15	4	3.753756286	0.0020497	E2F2	ENSG00000007968
1	23758250	23758578	23758414	9	13	3	4.105670938	0.00243034	ID3	ENSG00000117318
1	23784692	23785020	23784856	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	ID3	ENSG00000117318

1	23791587	23792429	23791858	122	183	5	35.97349774	8.52E-55	ID3	ENSG00000117318
1	24156278	24156532	24156361	9	12	4	3.049926982	0.0108184	PNRC2	ENSG00000189266
1	24158031	24158408	24158188	11	16	5	3.323638378	0.00288759	PNRC2	ENSG00000189266
1	24158696	24158904	24158800	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PNRC2	ENSG00000189266
1	24328365	24328654	24328516	10	13	1	8.211341875	0.000163445	IL22RA1	ENSG00000142677
1	24415501	24415696	24415598	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221054
1	24482863	24483207	24483035	12	18	5	3.714654658	0.000961539	GRHL3	ENSG00000158055
1	24518256	24518440	24518348	8	8	4	2.111487911	0.0804809	GRHL3	ENSG00000158055
1	24518508	24518985	24518622	12	22	6	3.854303329	0.000260696	GRHL3	ENSG00000158055
1	24614553	24614872	24614709	13	16	2	6.647276756	0.000101928	NPAL3	ENSG00000001461
1	24734944	24735152	24735082	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C1orf130	ENSG00000184454
1	24793334	24793651	24793492	8	10	5	2.150589539	0.0575848	C1orf130	ENSG00000184454
1	25171324	25171762	25171543	63	78	3	23.16771458	3.38E-23	RUNX3	ENSG00000020633
1	25681382	25681606	25681494	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMEM57	ENSG00000204178
1	25995960	25996156	25996125	11	11	4	2.815317214	0.0183428	SEPN1	ENSG00000162430
1	26197292	26197611	26197471	8	12	1	7.624817456	0.000332769	PAFAH2	ENSG00000158006
1	26730308	26730678	26730454	8	14	4	3.519146518	0.00361132	RPS6KA1	ENSG00000117676
1	26819668	26820088	26819840	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000217647
1	26820351	26820530	26820432	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000217647
1	26876615	26876880	26876774	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ARID1A	ENSG00000117713
1	26891366	26891552	26891466	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ARID1A	ENSG00000117713
1	26892130	26892432	26892264	10	13	6	2.346097679	0.0266147	ARID1A	ENSG00000117713
1	26894542	26894832	26894681	11	12	2	5.083211637	0.00143337	ARID1A	ENSG00000117713
1	27060320	27060757	27060559	29	46	1	27.56664772	3.79E-15	SFN	ENSG00000175793
1	27061920	27062151	27062062	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SFN	ENSG00000175793
1	27064072	27064520	27064188	8	16	2	6.647276756	0.000101928	SFN	ENSG00000175793
1	27159444	27159625	27159534	8	8	7	1.319679944	0.283403	C1orf172	ENSG00000175707
1	27365535	27365756	27365645	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	SLC9A1	ENSG00000090020
1	27540880	27541116	27540998	12	14	3	4.398933147	0.00132748	SYTL1	ENSG00000142765
1	27541981	27542324	27542152	23	25	1	15.24963491	2.59E-08	SYTL1	ENSG00000142765
1	27703303	27703510	27703427	8	8	1	5.278719777	0.00542188	WASF2	ENSG00000158195
1	27742005	27742216	27742091	8	8	0	10.55743955	0.000925496	WASF2	ENSG00000158195
1	28134174	28134396	28134285	9	11	4	2.815317214	0.0183428	SMPDL3B	ENSG00000130768
1	28396126	28396338	28396236	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000215903

1	28438178	28438559	28438380	10	17	0	21.11487911	8.57E-07	ATPIF1	ENSG00000130770
1	28440937	28441292	28441114	19	24	0	29.32622098	3.74E-09	ATPIF1	ENSG00000130770
1	28459225	28459768	28459404	29	44	3	13.19679944	1.95E-12	SESN2	ENSG00000130766
1	28491853	28492078	28491968	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000209766
1	28551396	28551720	28551558	41	42	0	50.44110009	3.21E-15	PHACTR4	ENSG00000204138
1	28637098	28637285	28637218	8	8	2	3.519146518	0.017558	PHACTR4	ENSG00000204138
1	28705028	28705279	28705155	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RCC1	ENSG00000180198
1	28751947	28752135	28752023	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TRNAU1AP	ENSG00000180098
1	28780736	28780958	28780838	8	10	6	1.843362462	0.0964212	SNHG12	ENSG00000197989
1	28842010	28842289	28842149	8	12	1	7.624817456	0.000332769	TAF12	ENSG00000120656
1	28847673	28848083	28847907	12	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000209804
1	29081277	29081496	29081396	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000199756
1	29402031	29402300	29402165	9	11	5	2.346097679	0.0364013	SFRS4	ENSG00000116350
1	29438333	29438713	29438538	39	45	0	53.96024661	3.12E-16	PTPRU	ENSG00000060656
1	29578711	29578951	29578831	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000219178
1	29955047	29955595	29955428	31	45	3	13.49006165	9.57E-13		ENSG00000221126
1	30233189	30233410	30233299	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000222787
1	30663775	30664217	30663954	12	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000217351
1	30666037	30666465	30666298	35	45	0	53.96024661	3.12E-16		ENSG00000217351
1	30993465	30994113	30993753	73	111	2	43.79382333	3.37E-35	LAPTM5	ENSG00000162511
1	31052954	31053135	31053044	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000222784
1	31069501	31069909	31069730	9	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000222784
1	31310875	31311099	31310994	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PUM1	ENSG00000134644
1	31416163	31416532	31416339	9	15	4	3.753756286	0.0020497	NKAIN1	ENSG00000084628
1	31417755	31417967	31417890	9	9	2	3.910162798	0.00955088	NKAIN1	ENSG00000084628
1	31542044	31542332	31542188	8	9	4	2.346097679	0.050148	SNRNP40	ENSG00000060688
1	31729014	31729206	31729110	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000215899
1	31939277	31939528	31939374	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	COL16A1	ENSG00000084636
1	32003454	32003719	32003586	10	12	7	1.906204364	0.0695918	BAI2	ENSG00000121753
1	32026278	32026640	32026449	16	22	1	13.49006165	2.37E-07	SPOCD1	ENSG00000134668
1	32251556	32251824	32251690	8	11	3	3.519146518	0.00788869	KHDRBS1	ENSG00000121774
1	32300546	32300828	32300649	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TMEM39B	ENSG00000121775
1	32997613	32997879	32997746	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	KIAA1522	ENSG00000162522
1	33171874	33172096	33171960	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221423

1	33172255	33172526	33172390	17	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000221423
1	33201925	33202151	33202025	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	RNF19B	ENSG00000116514
1	33275102	33275345	33275211	9	9	0	11.73048839	0.000425898	AK2	ENSG00000004455
1	33458124	33458320	33458222	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TRIM62	ENSG00000116525
1	33708757	33708960	33708862	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ZSCAN20	ENSG00000121903
1	34226735	34227013	34226874	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000201148
1	34637228	34637407	34637358	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C1orf94	ENSG00000142698
1	34656362	34656566	34656449	8	10	0	12.90353723	0.000195991	C1orf94	ENSG00000142698
1	34980933	34981142	34981039	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GJB5	ENSG00000189280
1	35184461	35184753	35184607	15	17	2	7.038293036	5.19E-05	DLGAP3	ENSG00000116544
1	35714323	35714527	35714480	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216751
1	35744166	35744474	35744320	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000216751
1	36008108	36008318	36008170	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CLSPN	ENSG00000092853
1	36121182	36121363	36121275	8	8	1	5.278719777	0.00542188	EIF2C1	ENSG00000092847
1	36326897	36327101	36326999	9	9	4	2.346097679	0.050148	ADPRHL2	ENSG00000116863
1	36387575	36388051	36387872	8	18	0	22.28792795	3.94E-07	TRAPPC3	ENSG00000054116
1	36496982	36497312	36497138	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000218941
1	36507236	36507484	36507365	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000218941
1	36659009	36659223	36659116	13	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000201448
1	36675080	36675395	36675237	10	11	1	7.038293036	0.000674435	C1orf102	ENSG00000116885
1	36725270	36725505	36725387	8	8	2	3.519146518	0.017558	CSF3R	ENSG00000119535
1	36955323	36955520	36955443	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000220821
1	37276369	37276664	37276523	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GRIK3	ENSG00000163873
1	37338577	37338985	37338767	49	61	0	72.72902804	1.26E-21	GRIK3	ENSG00000163873
1	37493712	37493985	37493848	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000210044
1	37722856	37723039	37722930	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000188904
1	38049378	38049605	38049491	8	10	5	2.150589539	0.0575848	C1orf122	ENSG00000197982
1	38072945	38073292	38073117	26	31	1	18.76878143	2.99E-10		ENSG00000217771
1	38185143	38185531	38185352	21	29	0	35.19146518	7.73E-11	INPP5B	ENSG00000204084
1	38228134	38228644	38228433	20	29	4	7.038293036	3.41E-07	SF3A3	ENSG00000183431
1	38278914	38279103	38279008	8	8	2	3.519146518	0.017558	POU3F1	ENSG00000185668
1	38286109	38286411	38286284	14	18	2	7.429309316	2.63E-05	POU3F1	ENSG00000185668
1	38525431	38525868	38525599	16	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000200796
1	39111677	39111874	39111767	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MYCBP	ENSG00000214114

1	39341964	39342184	39342040	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000206654
1	39355516	39355724	39355621	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000206654
1	39422009	39422229	39422118	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210142
1	39584946	39585522	39585302	38	53	0	63.34463732	6.28E-19	MACF1	ENSG00000127603
1	39891287	39891466	39891376	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HEYL	ENSG00000163909
1	40090455	40090704	40090577	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TRIT1	ENSG00000043514
1	40215155	40215522	40215334	22	29	2	11.73048839	1.18E-08		ENSG00000217900
1	40496154	40496489	40496321	9	14	2	5.865244197	0.000387308	ZMPSTE24	ENSG00000084073
1	40612747	40612997	40612907	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	SMAP2	ENSG00000084070
1	40907243	40907438	40907358	9	9	3	2.932622098	0.0242899	RIMS3	ENSG00000117016
1	40929786	40929985	40929885	9	9	0	11.73048839	0.000425898	NFYC	ENSG00000066136
1	40949729	40950180	40949888	21	30	2	12.12150467	5.77E-09	NFYC	ENSG00000066136
1	41008117	41008386	41008220	19	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000207962
1	41137805	41138260	41137981	16	23	2	9.384390715	8.25E-07	CITED4	ENSG00000179862
1	41242044	41242233	41242138	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SLFNL1	ENSG00000171790
1	41506546	41506763	41506654	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000213987
1	41585688	41585941	41585833	9	10	5	2.150589539	0.0575848	FOXO6	ENSG00000204060
1	41657515	41657805	41657667	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000210279
1	41712110	41712400	41712255	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000210279
1	41720503	41720880	41720701	45	53	7	7.918079665	4.10E-12	EDN2	ENSG00000127129
1	41854416	41854694	41854539	12	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000217547
1	41956699	41956946	41956822	9	9	0	11.73048839	0.000425898	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42028220	42028572	42028396	10	13	6	2.346097679	0.0266147	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42097362	42097581	42097471	9	9	1	5.865244197	0.00272497	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42098507	42098787	42098647	11	13	4	3.28453675	0.00629037	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42099761	42100003	42099882	12	14	4	3.519146518	0.00361132	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42100089	42100383	42100235	17	20	8	2.737113958	0.0036449	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42100974	42101207	42101096	8	9	3	2.932622098	0.0242899	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42241761	42242032	42241891	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000216933
1	42404051	42404548	42404230	11	20	4	4.926805125	0.00010522	GUCA2A	ENSG00000197273
1	42412207	42412543	42412378	20	24	4	5.865244197	8.64E-06	GUCA2A	ENSG00000197273
1	42771375	42771914	42771554	22	35	4	8.445951643	6.26E-09		ENSG00000186409
1	42896602	42896833	42896717	10	10	5	2.150589539	0.0575848	PPIH	ENSG00000171960
1	42960262	42960481	42960371	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CLDN19	ENSG00000164007



1	43181526	43181766	43181635	12	13	2	5.474227917	0.000747844	SLC2A1	ENSG00000117394
1	43199926	43200130	43200081	8	8	7	1.319679944	0.283403	SLC2A1	ENSG00000117394
1	43230686	43230914	43230821	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000207256
1	43259751	43260057	43259901	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000207256
1	43391053	43391416	43391237	35	42	0	50.44110009	3.21E-15	FAM183A	ENSG00000186973
1	43508412	43508591	43508474	8	8	2	3.519146518	0.017558	TMEM125	ENSG00000179178
1	43587006	43587243	43587124	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CDC20	ENSG00000117399
1	43596547	43596804	43596681	10	11	5	2.346097679	0.0364013	CDC20	ENSG00000117399
1	43788571	43788751	43788661	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PTPRF	ENSG00000142949
1	44263163	44263673	44263502	9	19	3	5.865244197	5.72E-05	SLC6A9	ENSG00000196517
1	44566136	44566443	44566294	13	15	3	4.692195357	0.000718455	PRNP	ENSG00000117419
1	44643343	44643576	44643511	9	9	0	11.73048839	0.000425898	RNF220	ENSG00000187147
1	44969049	44969462	44969228	8	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000200169
1	44977903	44978178	44978040	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	KIF2C	ENSG00000142945
1	45037929	45038630	45038169	119	204	4	48.09500241	5.31E-63	PLK3	ENSG00000173846
1	45048447	45048638	45048554	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222009
1	45058006	45058438	45058155	9	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000202444
1	45224831	45225036	45224923	8	9	3	2.932622098	0.0242899	EIF2B3	ENSG00000070785
1	45578493	45578789	45578656	9	12	2	5.083211637	0.00143337	MUTYH	ENSG00000132781
1	45760071	45760509	45760344	10	18	6	3.183989707	0.00227432	PRDX1	ENSG00000117450
1	45789243	45789481	45789346	10	11	3	3.519146518	0.00788869	AKR1A1	ENSG00000117448
1	45795770	45796093	45795931	17	21	0	25.80707446	3.84E-08	AKR1A1	ENSG00000117448
1	45851533	45851929	45851772	17	25	1	15.24963491	2.59E-08	CCDC17	ENSG00000159588
1	45926238	45926462	45926378	9	10	5	2.150589539	0.0575848	TMEM69	ENSG00000159596
1	46195767	46195992	46195886	8	10	0	12.90353723	0.000195991	MAST2	ENSG00000086015
1	46310202	46310500	46310346	12	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000216741
1	46370987	46371300	46371141	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PIK3R3	ENSG00000117461
1	46410203	46410457	46410351	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	TSPAN1	ENSG00000117472
1	46421338	46421879	46421592	22	37	1	22.28792795	3.34E-12	TSPAN1	ENSG00000117472
1	46456771	46457137	46456921	9	16	1	9.970915134	1.89E-05	POMGNT1	ENSG00000085998
1	46578815	46579194	46579078	10	15	2	6.256260476	0.000199274	NSUN4	ENSG00000117481
1	46842289	46842481	46842404	8	8	2	3.519146518	0.017558	MKNK1	ENSG00000079277
1	46842628	46842816	46842729	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MKNK1	ENSG00000079277
1	46877861	46878180	46878023	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	MOBKLC	ENSG00000142961

1	46957313	46957570	46957441	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	KIAA0494	ENSG00000159658
1	46974011	46974193	46974127	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217954
1	46995953	46996565	46996160	14	28	4	6.803683268	6.55E-07		ENSG00000217954
1	47036069	47036625	47036455	22	33	1	19.94183027	6.71E-11	CYP4B1	ENSG00000142973
1	48332053	48332271	48332186	12	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000204015
1	48769105	48769332	48769197	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000220052
1	48935417	48935655	48935532	8	8	2	3.519146518	0.017558	BEND5	ENSG00000162373
1	50377504	50377716	50377610	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ELAVL4	ENSG00000162374
1	50841808	50842165	50841986	22	28	1	17.00920817	2.80E-09		ENSG00000207194
1	51562545	51562831	51562688	11	14	4	3.519146518	0.00361132	TTC39A	ENSG00000085831
1	51796692	51796957	51796824	9	13	2	5.474227917	0.000747844	OSBPL9	ENSG00000117859
1	51808117	51808459	51808288	8	12	10	1.386330446	0.21117	OSBPL9	ENSG00000117859
1	51915772	51915956	51915864	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000219625
1	51930589	51930843	51930716	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000219625
1	51931935	51932283	51932109	13	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000219625
1	52067347	52067538	52067503	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212076
1	52293376	52293628	52293464	8	11	7	1.759573259	0.102361	TXNDC12	ENSG00000117862
1	52795185	52795470	52795359	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	ZCCHC11	ENSG00000134744
1	53098911	53099216	53099053	8	11	1	7.038293036	0.000674435	ZYG11A	ENSG00000203995
1	53159826	53160086	53159971	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ECHDC2	ENSG00000121310
1	53345963	53346191	53346077	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000220146
1	53434953	53435159	53435078	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CPT2	ENSG00000157184
1	53439535	53439735	53439635	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CPT2	ENSG00000157184
1	53458385	53458676	53458541	8	10	3	3.225884308	0.0139466	C1orf123	ENSG00000162384
1	53476758	53477062	53476912	9	11	4	2.815317214	0.0183428	MAGOH	ENSG00000162385
1	54192433	54192745	54192589	12	14	6	2.513676084	0.016726	LRRC42	ENSG00000116212
1	54291680	54291862	54291718	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TMEM59	ENSG00000116209
1	54819951	54820264	54820103	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	ACOT11	ENSG00000162390
1	55298411	55298714	55298545	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	PCSK9	ENSG00000169174
1	56653045	56653434	56653256	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000216893
1	56677972	56678272	56678118	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000216893
1	56755171	56755408	56755287	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000216893
1	56786233	56786445	56786293	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216893
1	56809204	56809432	56809320	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PPAP2B	ENSG00000162407

1	57057342	57057614	57057478	10	13	4	3.28453675	0.00629037	C1orf168	ENSG00000187889
1	58062999	58063191	58063095	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000127266
1	58445126	58445454	58445290	17	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000216719
1	58815463	58815729	58815596	11	13	1	8.211341875	0.000163445	TACSTD2	ENSG00000184292
1	59022374	59022695	59022540	9	13	3	4.105670938	0.00243034	JUN	ENSG00000177606
1	59869887	59870158	59870022	8	10	1	6.451768616	0.00135978	FGGY	ENSG00000172456
1	59997801	59997996	59997891	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HOOK1	ENSG00000134709
1	60185652	60185847	60185695	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000203270
1	61288101	61288385	61288243	9	12	1	7.624817456	0.000332769	NFIA	ENSG00000162599
1	61315333	61315700	61315535	10	15	4	3.753756286	0.0020497	NFIA	ENSG00000162599
1	61318202	61318546	61318293	11	16	6	2.848832895	0.00632407	NFIA	ENSG00000162599
1	61377818	61378009	61377913	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NFIA	ENSG00000162599
1	61880912	61881144	61881028	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000218038
1	63271566	63271789	63271657	16	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000216534
1	64581812	64582093	64581938	9	12	5	2.541605819	0.0225912	CACHD1	ENSG00000158966
1	65136547	65136726	65136636	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000216314
1	65227885	65228066	65227961	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000185031
1	65313603	65313959	65313775	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000217013
1	66509528	66509896	66509707	8	15	2	6.256260476	0.000199274	PDE4B	ENSG00000184588
1	66638945	66639246	66639095	8	10	0	12.90353723	0.000195991	PDE4B	ENSG00000184588
1	67234383	67234635	67234555	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SLC35D1	ENSG00000116704
1	67384838	67385294	67385003	21	32	0	38.7106117	7.53E-12	C1orf141	ENSG00000203963
1	67614649	67615020	67614828	19	27	7	4.105670938	4.08E-05		ENSG00000223263
1	67884368	67884689	67884533	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210968
1	67923944	67924149	67924002	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	GADD45A	ENSG00000116717
1	67924610	67925301	67925049	90	129	8	16.94403879	3.06E-34	GADD45A	ENSG00000116717
1	67963411	67963750	67963637	17	21	1	12.90353723	4.95E-07	GADD45A	ENSG00000116717
1	67976744	67977029	67976892	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	GADD45A	ENSG00000116717
1	68764135	68764472	68764313	11	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000218491
1	69293488	69294155	69293681	53	72	1	42.81628264	1.00E-23		
1	72238971	72239474	72239257	118	159	2	62.56260476	4.50E-51	NEGR1	ENSG00000172260
1	75330415	75330694	75330554	21	22	2	8.993374435	1.66E-06	LHX8	ENSG00000162624
1	76024517	76024731	76024584	8	9	3	2.932622098	0.0242899	RABGGTB	ENSG00000137955
1	77157484	77157828	77157651	20	24	1	14.66311049	5.43E-08	ST6GALNA6	ENSG00000117069

1	77257044	77257286	77257165	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000216814
1	78187365	78187632	78187501	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	FUBP1	ENSG00000162613
1	78217204	78217499	78217322	10	11	1	7.038293036	0.000674435	FUBP1	ENSG00000162613
1	80455835	80456050	80455924	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218484
1	81405419	81405628	81405523	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217652
1	82112758	82113046	82112898	19	23	0	28.15317214	8.13E-09	LPHN2	ENSG00000117114
1	82118966	82119171	82119083	9	9	0	11.73048839	0.000425898	LPHN2	ENSG00000117114
1	82464373	82464763	82464584	34	43	0	51.61414893	1.48E-15	LPHN2	ENSG00000117114
1	82527314	82527495	82527445	8	8	0	10.55743955	0.000925496	LPHN2	ENSG00000117114
1	83053431	83053715	83053550	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		
1	83249526	83249936	83249757	25	34	2	13.68556979	3.24E-10		
1	83304669	83305030	83304848	11	18	1	11.14396397	4.44E-06		
1	84717416	84717600	84717496	9	9	2	3.910162798	0.00955088	BXDC5	ENSG00000117133
1	84812370	84812555	84812434	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CTBS	ENSG00000117151
1	84824046	84824259	84824210	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	CTBS	ENSG00000117151
1	84873036	84873357	84873196	10	15	6	2.68125449	0.0103552	C1orf180	ENSG00000180869
1	84929000	84929296	84929162	8	11	6	2.010940867	0.0640214	SSX2IP	ENSG00000117155
1	85013277	85013482	85013379	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222670
1	85463452	85463950	85463604	8	17	4	4.222975822	0.000640773	SYDE2	ENSG00000097096
1	85515067	85515292	85515179	11	11	4	2.815317214	0.0183428	BCL10	ENSG00000142867
1	85820671	85820899	85820756	10	12	6	2.178519273	0.0416567	CYR61	ENSG00000142871
1	85946610	85946881	85946720	13	13	2	5.474227917	0.000747844	ZNHIT6	ENSG00000117174
1	86662161	86662540	86662376	23	28	1	17.00920817	2.80E-09	CLCA2	ENSG00000137975
1	87088397	87088642	87088519	18	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000183291
1	87231220	87231432	87231374	9	10	1	6.451768616	0.00135978	HS2ST1	ENSG00000153936
1	87412973	87413391	87413196	19	29	1	17.59573259	1.33E-09		ENSG00000221222
1	87442223	87442402	87442312	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221222
1	87689162	87689519	87689340	8	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000199318
1	88885598	88885894	88885761	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PKN2	ENSG00000065243
1	89038769	89039055	89038888	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207234
1	89040167	89040461	89040335	25	29	0	35.19146518	7.73E-11		ENSG00000207234
1	90218756	90218935	90218845	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF326	ENSG00000162664
1	91625228	91625838	91625558	252	395	312	1.484112909	7.82E-08		ENSG00000211233
1	91768045	91768394	91768214	48	53	1	31.67231866	1.89E-17		ENSG00000185636

1	91768409	91768621	91768481	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000185636
1	93070133	93070412	93070272	11	13	5	2.737113958	0.0137917	RPL5	ENSG00000122406
1	93097128	93097312	93097210	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000207022
1	93153177	93153480	93153344	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000220385
1	93317179	93317440	93317312	8	10	5	2.150589539	0.0575848	MTF2	ENSG00000143033
1	93461516	93461798	93461652	17	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000220257
1	93583842	93584208	93584070	11	16	8	2.215758919	0.0222902	DR1	ENSG00000117505
1	93823387	93823658	93823545	10	13	1	8.211341875	0.000163445	BCAR3	ENSG00000137936
1	93835902	93836142	93836045	14	16	5	3.323638378	0.00288759	BCAR3	ENSG00000137936
1	93867350	93867942	93867679	14	29	2	11.73048839	1.18E-08	BCAR3	ENSG00000137936
1	94085745	94085929	94085808	10	11	4	2.815317214	0.0183428	BCAR3	ENSG00000137936
1	94199000	94199278	94199139	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000216267
1	94339777	94340133	94339890	12	16	2	6.647276756	0.000101928	ABCA4	ENSG00000198691
1	94341801	94342050	94341952	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	ABCA4	ENSG00000198691
1	94356241	94356529	94356389	15	17	5	3.519146518	0.00167472	ABCA4	ENSG00000198691
1	94356603	94356804	94356703	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ABCA4	ENSG00000198691
1	94660060	94660324	94660192	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	ABCD3	ENSG00000117528
1	94818084	94818302	94818148	8	8	1	5.278719777	0.00542188	F3	ENSG00000117525
1	95075133	95075400	95075264	17	19	2	7.820325595	1.32E-05	SLC44A3	ENSG00000143036
1	95281636	95281877	95281756	8	8	2	3.519146518	0.017558	ALG14	ENSG00000172339
1	96959363	96959607	96959484	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PTBP2	ENSG00000117569
1	98703215	98703431	98703280	13	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000221777
1	98754456	98754844	98754631	17	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000221777
1	100004671	100005000	100004847	10	13	2	5.474227917	0.000747844	FRRS1	ENSG00000156869
1	100203833	100204121	100203977	8	11	1	7.038293036	0.000674435	SLC35A3	ENSG00000117620
1	100668377	100668905	100668644	76	118	4	27.91856238	6.14E-35		ENSG00000216398
1	101764970	101765307	101765147	26	29	0	35.19146518	7.73E-11		ENSG00000173810
1	106546308	106546645	106546476	12	17	10	1.919534464	0.0400548		ENSG00000217439
1	106576245	106576586	106576415	13	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000217439
1	106608124	106608384	106608250	13	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000217439
1	106612283	106612615	106612452	11	15	13	1.340627245	0.210788		ENSG00000217439
1	106663784	106663980	106663882	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000217439
1	106751675	106751920	106751760	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000217439
1	106761908	106762107	106762007	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000217439

1	106762622	106762878	106762750	8	8	8	1.173048839	0.36929	ENSG00000217439
1	106811404	106811656	106811499	8	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000220633
1	106833273	106833757	106833516	39	59	11	5.865244197	2.04E-11	ENSG00000220633
1	106850374	106850709	106850549	11	14	10	1.599612054	0.114822	ENSG00000220633
1	106857583	106857877	106857745	10	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000220633
1	106871014	106871312	106871163	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000220633
1	106875686	106876014	106875850	11	14	11	1.466311049	0.15926	ENSG00000220633
1	106878834	106879119	106878976	12	15	13	1.340627245	0.210788	ENSG00000220633
1	106879959	106880280	106880119	14	17	11	1.759573259	0.0609179	ENSG00000220633
1	106887988	106888313	106888150	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000220633
1	106899782	106900023	106899880	12	16	10	1.812893661	0.0578656	ENSG00000220633
1	106907970	106908422	106908328	9	18	15	1.392995497	0.16305	ENSG00000220633
1	106909414	106909617	106909515	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000220633
1	106928831	106929132	106928960	15	17	10	1.919534464	0.0400548	ENSG00000220633
1	106946693	106947027	106946860	14	19	9	2.346097679	0.0107159	ENSG00000220633
1	106953927	106954149	106954038	8	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000220633
1	106958099	106958424	106958273	8	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000220633
1	106959660	106960101	106959837	11	17	7	2.639359888	0.00777415	ENSG00000220633
1	106966590	106966889	106966728	9	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000220633
1	106991599	106991778	106991734	8	8	5	1.759573259	0.13508	ENSG00000220633
1	106993882	106994062	106993972	8	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000220633
1	107021848	107022059	107021907	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000220633
1	107062689	107062868	107062768	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000220633
1	107066115	107066329	107066215	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000220633
1	107084558	107084782	107084670	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000220633
1	107090834	107091212	107091033	8	15	8	2.085420159	0.0338693	ENSG00000220633
1	107094125	107094432	107094271	20	23	6	4.021881735	0.000148535	ENSG00000220633
1	107099890	107100133	107099986	8	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000220633
1	107100327	107100560	107100443	8	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000220633
1	107117079	107117294	107117208	8	8	6	1.508205651	0.203852	ENSG00000220633
1	107117626	107117818	107117722	8	8	5	1.759573259	0.13508	ENSG00000220633
1	107133693	107133909	107133801	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000220633
1	107136562	107136934	107136741	9	14	11	1.466311049	0.15926	ENSG00000220633
1	107142303	107142758	107142482	10	20	8	2.737113958	0.0036449	ENSG00000220633

1	107143166	107143462	107143303	14	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000220633
1	107147018	107147205	107147111	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000220633
1	107160371	107160663	107160513	10	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000216572
1	107162223	107162601	107162388	13	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000216572
1	107175773	107175974	107175873	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000216572
1	107204458	107204681	107204596	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000216572
1	107214403	107214806	107214467	13	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000216572
1	107223960	107224194	107224049	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000216572
1	107225045	107225322	107225176	9	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000216572
1	107241812	107242023	107241865	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000216572
1	107243021	107243260	107243092	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000216572
1	107268583	107268899	107268721	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000216572
1	107300758	107301051	107300888	8	12	6	2.178519273	0.0416567	PRMT6	ENSG00000198890
1	107324539	107324783	107324657	10	11	10	1.279689643	0.277323	PRMT6	ENSG00000198890
1	107346071	107346293	107346182	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PRMT6	ENSG00000198890
1	107348198	107348455	107348326	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PRMT6	ENSG00000198890
1	107371125	107371409	107371288	10	11	9	1.407658607	0.210479	PRMT6	ENSG00000198890
1	107373792	107373971	107373873	8	8	5	1.759573259	0.13508	PRMT6	ENSG00000198890
1	107380963	107381190	107381076	8	8	6	1.508205651	0.203852	PRMT6	ENSG00000198890
1	107399666	107399908	107399778	11	13	4	3.28453675	0.00629037	PRMT6	ENSG00000198890
1	107400561	107401387	107400726	13	36	20	2.066800336	0.00314492	PRMT6	ENSG00000198890
1	107425331	107425664	107425492	8	11	6	2.010940867	0.0640214	PRMT6	ENSG00000198890
1	107443227	107443463	107443340	11	12	10	1.386330446	0.21117	NTNG1	ENSG00000162631
1	107446538	107446756	107446578	11	14	8	1.955081399	0.0506438	NTNG1	ENSG00000162631
1	107447409	107447624	107447516	9	10	10	1.173048839	0.355733	NTNG1	ENSG00000162631
1	107456886	107457290	107457118	9	16	12	1.533986944	0.120062	NTNG1	ENSG00000162631
1	107465213	107465412	107465312	8	9	3	2.932622098	0.0242899	NTNG1	ENSG00000162631
1	107479507	107479744	107479681	8	10	6	1.843362462	0.0964212	NTNG1	ENSG00000162631
1	107485772	107486189	107486068	11	21	24	1.032282979	0.459444	NTNG1	ENSG00000162631
1	107486204	107486567	107486383	13	20	29	0.821134188	0.760976	NTNG1	ENSG00000162631
1	107493132	107493329	107493234	8	9	3	2.932622098	0.0242899	NTNG1	ENSG00000162631
1	107496608	107496919	107496772	8	10	11	1.075294769	0.434143	NTNG1	ENSG00000162631
1	107497186	107497557	107497442	11	15	10	1.706252857	0.0822346	NTNG1	ENSG00000162631
1	107497795	107498130	107497962	10	14	17	0.977540699	0.52995	NTNG1	ENSG00000162631

1	107513973	107514203	107514054	11	11	11	1.173048839	0.349489	NTNG1	ENSG00000162631
1	107515478	107515821	107515652	10	13	9	1.642268375	0.111397	NTNG1	ENSG00000162631
1	107517505	107517703	107517604	10	10	8	1.433726359	0.209175	NTNG1	ENSG00000162631
1	107541197	107541481	107541308	8	13	7	2.052835469	0.046392	NTNG1	ENSG00000162631
1	107553602	107553837	107553754	9	13	5	2.737113958	0.0137917	NTNG1	ENSG00000162631
1	107570466	107570812	107570643	8	12	11	1.270802909	0.274822	NTNG1	ENSG00000162631
1	107570973	107571152	107571126	8	8	6	1.508205651	0.203852	NTNG1	ENSG00000162631
1	107579357	107579642	107579486	10	13	11	1.368556979	0.211388	NTNG1	ENSG00000162631
1	107588780	107589133	107589008	8	13	17	0.912371319	0.606688	NTNG1	ENSG00000162631
1	107598431	107598660	107598547	11	11	9	1.407658607	0.210479	NTNG1	ENSG00000162631
1	107599765	107599976	107599870	10	12	11	1.270802909	0.274822	NTNG1	ENSG00000162631
1	107608786	107609006	107608896	8	10	10	1.173048839	0.355733	NTNG1	ENSG00000162631
1	107621024	107621554	107621350	21	34	27	1.466311049	0.0643683	NTNG1	ENSG00000162631
1	107646056	107646443	107646230	9	14	14	1.173048839	0.332418	NTNG1	ENSG00000162631
1	107660178	107660435	107660298	8	11	13	1.005470434	0.498567	NTNG1	ENSG00000162631
1	107660519	107660784	107660649	8	10	6	1.843362462	0.0964212	NTNG1	ENSG00000162631
1	107660839	107661145	107660992	9	13	10	1.49297125	0.157311	NTNG1	ENSG00000162631
1	107662619	107662839	107662776	9	9	2	3.910162798	0.00955088	NTNG1	ENSG00000162631
1	107668829	107669079	107668975	8	10	8	1.433726359	0.209175	NTNG1	ENSG00000162631
1	107671627	107671937	107671792	21	24	2	9.775406994	4.09E-07	NTNG1	ENSG00000162631
1	107683245	107683439	107683325	9	11	8	1.564065119	0.151515	NTNG1	ENSG00000162631
1	107699886	107700213	107700042	10	13	5	2.737113958	0.0137917	NTNG1	ENSG00000162631
1	107721496	107721740	107721604	8	11	13	1.005470434	0.498567	NTNG1	ENSG00000162631
1	107725488	107725748	107725646	9	12	7	1.906204364	0.0695918	NTNG1	ENSG00000162631
1	107725781	107726113	107725960	8	13	15	1.026417734	0.475096	NTNG1	ENSG00000162631
1	107914464	107914803	107914633	22	22	12	2.0753941	0.0149739		ENSG00000211552
1	107916917	107917194	107917044	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000211552
1	107938037	107938340	107938192	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000211552
1	107970432	107970913	107970734	10	19	9	2.346097679	0.0107159		ENSG00000211552
1	108021893	108022331	108022029	13	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000211552
1	108027323	108027678	108027500	12	17	5	3.519146518	0.00167472	VAV3	ENSG00000134215
1	108033390	108033753	108033574	12	19	6	3.351568112	0.00134187	VAV3	ENSG00000134215
1	108033951	108034199	108034075	8	10	1	6.451768616	0.00135978	VAV3	ENSG00000134215
1	108047431	108047612	108047521	8	8	4	2.111487911	0.0804809	VAV3	ENSG00000134215



1	108066706	108067027	108066869	9	10	0	12.90353723	0.000195991	VAV3	ENSG00000134215
1	108072150	108072331	108072283	9	9	5	1.955081399	0.0892323	VAV3	ENSG00000134215
1	108094579	108094784	108094696	11	12	4	3.049926982	0.0108184	VAV3	ENSG00000134215
1	108235217	108235523	108235352	8	11	2	4.692195357	0.00272444	VAV3	ENSG00000134215
1	108262196	108262453	108262327	8	10	0	12.90353723	0.000195991	VAV3	ENSG00000134215
1	108280759	108281118	108280900	9	14	5	2.932622098	0.00829617	VAV3	ENSG00000134215
1	108455597	108455845	108455731	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108462530	108462716	108462661	9	9	4	2.346097679	0.050148	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108469522	108470076	108469839	16	31	11	3.128130238	0.000146711	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108534907	108535125	108535016	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108543425	108543667	108543544	10	11	3	3.519146518	0.00788869	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108544699	108544953	108544860	8	10	7	1.612942154	0.147335	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108544955	108545270	108545112	17	21	8	2.867452718	0.00225035	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108877614	108877962	108877788	19	25	8	3.388807758	0.000297109		ENSG00000217136
1	108898157	108898747	108898322	19	32	4	7.742122339	4.68E-08	FAM102B	ENSG00000162636
1	108902909	108903246	108903087	10	14	4	3.519146518	0.00361132	FAM102B	ENSG00000162636
1	108903847	108904104	108903975	9	12	4	3.049926982	0.0108184	FAM102B	ENSG00000162636
1	108914294	108914524	108914426	13	13	3	4.105670938	0.00243034	FAM102B	ENSG00000162636
1	108948715	108948906	108948810	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM102B	ENSG00000162636
1	108968238	108968468	108968353	10	10	3	3.225884308	0.0139466	C1orf59	ENSG00000162639
1	108990169	108990403	108990286	8	9	0	11.73048839	0.000425898	C1orf59	ENSG00000162639
1	109036216	109036400	109036310	8	9	4	2.346097679	0.050148	PRPF38B	ENSG00000134186
1	109036537	109036726	109036646	8	8	5	1.759573259	0.13508	PRPF38B	ENSG00000134186
1	109090633	109090925	109090779	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	STXBP3	ENSG00000116266
1	109091481	109091674	109091561	9	9	1	5.865244197	0.00272497	STXBP3	ENSG00000116266
1	109172550	109172777	109172655	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C1orf62	ENSG00000162641
1	109174716	109174940	109174828	11	12	8	1.694403879	0.107291	C1orf62	ENSG00000162641
1	109190033	109190606	109190319	48	89	0	105.5743955	4.61E-31	C1orf62	ENSG00000162641
1	109307542	109307793	109307667	9	12	8	1.694403879	0.107291	CLCC1	ENSG00000121940
1	109410501	109410716	109410608	9	10	5	2.150589539	0.0575848	TAF13	ENSG00000197780
1	109433451	109433771	109433595	13	15	3	4.692195357	0.000718455	TMEM167B	ENSG00000162647
1	109434594	109435082	109434903	13	25	9	3.049926982	0.000648806	TMEM167B	ENSG00000162647
1	109440386	109440694	109440515	8	11	4	2.815317214	0.0183428	TMEM167B	ENSG00000162647
1	109444157	109444532	109444292	16	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000219444

1	109458038	109458307	109458172	9	10	0	12.90353723	0.000195991	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109460579	109460811	109460681	9	10	8	1.433726359	0.209175	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109496410	109496611	109496510	9	9	8	1.303387599	0.281715	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109506502	109506772	109506636	11	13	1	8.211341875	0.000163445	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109542130	109542487	109542308	30	35	5	7.038293036	2.84E-08	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109558423	109558808	109558629	34	43	5	8.602358155	1.42E-10	SARS	ENSG00000031698
1	109558820	109559008	109558913	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SARS	ENSG00000031698
1	109607303	109607737	109607558	27	37	0	44.57585589	1.55E-13	CELSR2	ENSG00000143126
1	109607778	109608096	109607939	14	17	5	3.519146518	0.00167472	CELSR2	ENSG00000143126
1	109618924	109619535	109619133	15	33	3	9.970915134	4.56E-09	PSRC1	ENSG00000134222
1	109621607	109621872	109621719	13	13	3	4.105670938	0.00243034	PSRC1	ENSG00000134222
1	109627168	109627602	109627423	13	20	9	2.463402563	0.00689886	PSRC1	ENSG00000134222
1	109640982	109641331	109641156	13	17	3	5.278719777	0.000205462	MYBPHL	ENSG00000221986
1	109769953	109770177	109770024	11	11	3	3.519146518	0.00788869	PSMA5	ENSG00000143106
1	109770750	109771047	109770892	13	17	5	3.519146518	0.00167472	PSMA5	ENSG00000143106
1	109827745	109827935	109827840	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ATXN7L2	ENSG00000162650
1	109828279	109828553	109828383	10	12	7	1.906204364	0.0695918	ATXN7L2	ENSG00000162650
1	109838084	109838433	109838258	11	16	2	6.647276756	0.000101928	CYB561D1	ENSG00000174151
1	109876575	109876892	109876733	11	16	4	3.988366054	0.00115141	GPR61	ENSG00000156097
1	109892547	109892910	109892726	10	17	6	3.016411301	0.00381427	GNAI3	ENSG00000065135
1	109910258	109910776	109910550	11	21	2	8.602358155	3.33E-06	GNAI3	ENSG00000065135
1	109914737	109914928	109914832	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000206832
1	110106143	110106382	110106242	8	10	0	12.90353723	0.000195991	EPS8L3	ENSG00000198758
1	110136360	110136612	110136486	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000219071
1	110255551	110255914	110255699	15	21	1	12.90353723	4.95E-07	CSF1	ENSG00000184371
1	110328692	110328952	110328869	9	11	7	1.759573259	0.102361	AHCYL1	ENSG00000168710
1	110378522	110378783	110378652	11	11	1	7.038293036	0.000674435	FAM40A	ENSG00000143093
1	110461079	110461333	110461184	10	13	3	4.105670938	0.00243034	UBL4B	ENSG00000186150
1	110510151	110510337	110510315	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC6A17	ENSG00000197106
1	110558667	110558916	110558839	10	12	4	3.049926982	0.0108184	KCNC4	ENSG00000116396
1	110656801	110657006	110656903	9	9	2	3.910162798	0.00955088	RBM15	ENSG00000162775
1	110683108	110683463	110683285	8	13	3	4.105670938	0.00243034	RBM15	ENSG00000162775
1	110751744	110752106	110751927	16	21	8	2.867452718	0.00225035	HBXIP	ENSG00000134248
1	111125087	111125301	111125145	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000199710

1	111483457	111483674	111483576	8	8	2	3.519146518	0.017558	CEPT1	ENSG00000134255
1	111484372	111484558	111484453	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CEPT1	ENSG00000134255
1	111546578	111546906	111546731	9	12	1	7.624817456	0.000332769	DENND2D	ENSG00000162777
1	111553085	111553269	111553177	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DENND2D	ENSG00000162777
1	111558321	111559330	111558801	167	259	1	152.4963491	3.25E-86	DENND2D	ENSG00000162777
1	111567071	111567400	111567280	10	14	2	5.865244197	0.000387308	CHI3L2	ENSG00000064886
1	111708845	111709446	111709132	102	142	4	33.5491968	1.02E-42		ENSG00000217967
1	111723027	111723298	111723162	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000218817
1	111793357	111793618	111793509	9	11	8	1.564065119	0.151515	ATP5F1	ENSG00000116459
1	111825849	111826076	111825962	10	13	4	3.28453675	0.00629037	C1orf162	ENSG00000143110
1	111851845	111852142	111851996	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ADORA3	ENSG00000121933
1	111857629	111857891	111857736	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ADORA3	ENSG00000121933
1	111920763	111921060	111920906	13	16	7	2.492728784	0.0124193	ADORA3	ENSG00000121933
1	112082476	112082923	112082699	39	50	1	29.9127454	1.84E-16	C1orf183	ENSG00000197852
1	112083009	112083551	112083330	10	24	7	3.665777623	0.000215502	C1orf183	ENSG00000197852
1	112091346	112091677	112091511	13	19	6	3.351568112	0.00134187	C1orf183	ENSG00000197852
1	112099850	112100151	112100000	14	18	5	3.714654658	0.000961539	DDX20	ENSG00000064703
1	112177574	112177863	112177714	14	15	3	4.692195357	0.000718455	DDX20	ENSG00000064703
1	112179119	112179321	112179211	8	8	6	1.508205651	0.203852	DDX20	ENSG00000064703
1	112196945	112197323	112197124	8	15	12	1.443752418	0.160732	DDX20	ENSG00000064703
1	112198442	112198621	112198531	8	8	3	2.639359888	0.0415794	DDX20	ENSG00000064703
1	112209099	112209346	112209197	10	14	5	2.932622098	0.00829617	DDX20	ENSG00000064703
1	112213485	112213786	112213629	10	13	4	3.28453675	0.00629037	KCND3	ENSG00000171385
1	112239921	112240377	112240202	12	21	14	1.720471631	0.0496182	KCND3	ENSG00000171385
1	112246784	112246984	112246884	8	8	4	2.111487911	0.0804809	KCND3	ENSG00000171385
1	112252140	112252338	112252214	9	9	4	2.346097679	0.050148	KCND3	ENSG00000171385
1	112271113	112271292	112271202	9	9	15	0.733155525	0.788527	KCND3	ENSG00000171385
1	112275862	112276041	112275951	8	8	4	2.111487911	0.0804809	KCND3	ENSG00000171385
1	112317909	112318186	112318047	9	10	8	1.433726359	0.209175	KCND3	ENSG00000171385
1	112320718	112320945	112320867	9	10	12	0.992579787	0.511743	KCND3	ENSG00000171385
1	112321051	112321338	112321197	11	14	13	1.256838042	0.269506	KCND3	ENSG00000171385
1	112332762	112332948	112332894	9	9	8	1.303387599	0.281715	KCND3	ENSG00000171385
1	112334797	112335144	112334966	11	15	4	3.753756286	0.0020497	KCND3	ENSG00000171385
1	112335611	112336060	112335823	11	21	15	1.612942154	0.070218	KCND3	ENSG00000171385

1	112351306	112351563	112351434	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KCND3	ENSG00000171385
1	112357133	112357363	112357254	9	11	5	2.346097679	0.0364013	KCND3	ENSG00000171385
1	112358843	112359110	112358966	10	10	2	4.301179077	0.00512919	KCND3	ENSG00000171385
1	112642823	112643039	112642986	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000217202
1	112663841	112664154	112664004	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000217202
1	112713878	112714092	112714002	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000209263
1	112808635	112808965	112808793	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	WNT2B	ENSG00000134245
1	112810308	112810542	112810425	10	12	4	3.049926982	0.0108184	WNT2B	ENSG00000134245
1	112852613	112852837	112852675	10	10	3	3.225884308	0.0139466	WNT2B	ENSG00000134245
1	112963205	112963599	112963384	8	16	9	1.994183027	0.0370915	ST7L	ENSG00000007341
1	112990401	112990773	112990563	16	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000209307
1	113031490	113031974	113031695	143	184	0	217.0140353	4.39E-63	MOV10	ENSG00000155363
1	113043106	113043325	113043208	14	14	2	5.865244197	0.000387308	RHOC	ENSG00000155366
1	113047828	113048286	113048078	18	32	1	19.35530585	1.42E-10	RHOC	ENSG00000155366
1	113049045	113049296	113049182	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	RHOC	ENSG00000155366
1	113049450	113049755	113049617	12	14	4	3.519146518	0.00361132	RHOC	ENSG00000155366
1	113058182	113058456	113058319	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PPM1J	ENSG00000155367
1	113107020	113107668	113107361	59	97	0	114.9587863	9.27E-34		ENSG00000198789
1	113373586	113373823	113373704	8	8	2	3.519146518	0.017558	LRIG2	ENSG00000198799
1	113416832	113417305	113417137	8	16	5	3.323638378	0.00288759	LRIG2	ENSG00000198799
1	113615219	113615424	113615344	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000218094
1	113732778	113733153	113732986	14	20	7	3.079253203	0.00177418	MAGI3	ENSG00000081026
1	113734207	113734454	113734310	8	11	5	2.346097679	0.0364013	MAGI3	ENSG00000081026
1	113923882	113924094	113923988	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000217056
1	114018823	114019065	114018967	11	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000217298
1	114102855	114103228	114103034	11	18	9	2.228792795	0.0164363	PHTF1	ENSG00000116793
1	114103437	114103992	114103782	11	25	12	2.346097679	0.00444113	PHTF1	ENSG00000116793
1	114136589	114136790	114136655	8	9	8	1.303387599	0.281715	RSBN1	ENSG00000081019
1	114148969	114149236	114149102	11	12	6	2.178519273	0.0416567	RSBN1	ENSG00000081019
1	114152839	114153021	114152930	8	8	6	1.508205651	0.203852	RSBN1	ENSG00000081019
1	114155337	114155661	114155499	13	18	14	1.485861863	0.123674	RSBN1	ENSG00000081019
1	114155756	114157070	114156593	47	118	44	3.102062486	2.51E-12	RSBN1	ENSG00000081019
1	114162925	114163109	114163012	8	8	5	1.759573259	0.13508	RSBN1	ENSG00000081019
1	114229384	114229563	114229501	8	8	5	1.759573259	0.13508	C1orf178	ENSG00000188761

1	114247786	114248092	114247954	8	11	15	0.879786629	0.637414	AP4B1	ENSG00000134262
1	114248562	114250027	114249341	58	156	38	4.722273533	4.27E-23	AP4B1	ENSG00000134262
1	114261273	114261697	114261447	38	46	13	3.938092532	3.17E-07	DCLRE1B	ENSG00000118655
1	114272243	114272610	114272450	11	16	15	1.246364392	0.263987	HIPK1	ENSG00000163349
1	114272946	114273246	114273109	8	12	21	0.693165223	0.860764	HIPK1	ENSG00000163349
1	114273303	114273855	114273620	28	46	22	2.397099802	0.000174658	HIPK1	ENSG00000163349
1	114274262	114274966	114274620	20	46	18	2.901752392	1.57E-05	HIPK1	ENSG00000163349
1	114277937	114278214	114278075	9	10	5	2.150589539	0.0575848	HIPK1	ENSG00000163349
1	114320801	114321224	114320980	17	26	25	1.218166102	0.236859	OLFML3	ENSG00000116774
1	114321257	114321528	114321392	9	13	16	0.966040221	0.542489	OLFML3	ENSG00000116774
1	114322977	114323290	114323118	14	16	16	1.173048839	0.322157	OLFML3	ENSG00000116774
1	114345633	114345919	114345776	11	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000216343
1	114354730	114354909	114354802	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000216343
1	114362052	114362270	114362161	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000216343
1	114377335	114377942	114377564	12	27	16	1.932080441	0.0141162		ENSG00000216343
1	114384507	114384719	114384613	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000216343
1	114416883	114417150	114417038	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000216343
1	114417988	114418187	114418091	9	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000216343
1	114427156	114427542	114427335	8	16	6	2.848832895	0.00632407	SYT6	ENSG00000134207
1	114427678	114427961	114427819	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SYT6	ENSG00000134207
1	114434726	114434931	114434857	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SYT6	ENSG00000134207
1	114437763	114438212	114438052	10	18	9	2.228792795	0.0164363	SYT6	ENSG00000134207
1	114453424	114453750	114453589	8	13	9	1.642268375	0.111397	SYT6	ENSG00000134207
1	114454683	114454871	114454777	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SYT6	ENSG00000134207
1	114455867	114456113	114456032	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SYT6	ENSG00000134207
1	114460183	114460477	114460333	13	17	10	1.919534464	0.0400548	SYT6	ENSG00000134207
1	114461321	114461561	114461441	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SYT6	ENSG00000134207
1	114483152	114483439	114483295	8	12	12	1.173048839	0.343543	SYT6	ENSG00000134207
1	114488171	114488360	114488220	8	9	8	1.303387599	0.281715	SYT6	ENSG00000134207
1	114491311	114491509	114491410	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SYT6	ENSG00000134207
1	114509404	114509685	114509513	11	13	7	2.052835469	0.046392	SYT6	ENSG00000134207
1	114517808	114518023	114517957	9	11	9	1.407658607	0.210479	SYT6	ENSG00000134207
1	114518096	114518318	114518207	8	10	8	1.433726359	0.209175	SYT6	ENSG00000134207
1	114518334	114518770	114518513	9	17	16	1.242051712	0.261202	SYT6	ENSG00000134207

1	114518973	114519170	114519073	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SYT6	ENSG00000134207
1	114522013	114522227	114522120	9	9	11	0.977540699	0.526123	SYT6	ENSG00000134207
1	114546285	114546733	114546554	8	17	10	1.919534464	0.0400548	SYT6	ENSG00000134207
1	114559622	114559851	114559736	8	9	8	1.303387599	0.281715	SYT6	ENSG00000134207
1	114563739	114564216	114563977	11	20	16	1.449060331	0.126098	SYT6	ENSG00000134207
1	114565125	114565387	114565256	12	12	12	1.173048839	0.343543	SYT6	ENSG00000134207
1	114573545	114573762	114573669	8	9	12	0.902345261	0.602772	SYT6	ENSG00000134207
1	114574045	114574259	114574175	8	10	10	1.173048839	0.355733	SYT6	ENSG00000134207
1	114602363	114602765	114602542	12	17	5	3.519146518	0.00167472	SYT6	ENSG00000134207
1	114605142	114605495	114605387	8	12	11	1.270802909	0.274822	SYT6	ENSG00000134207
1	114605920	114606251	114606082	10	15	11	1.564065119	0.11768	SYT6	ENSG00000134207
1	114614799	114615119	114614959	8	13	12	1.263283365	0.272203	SYT6	ENSG00000134207
1	114619919	114620229	114620081	8	12	3	3.812408728	0.004404	SYT6	ENSG00000134207
1	114626912	114627262	114627089	19	23	15	1.759573259	0.0372968	SYT6	ENSG00000134207
1	114631837	114632098	114631967	10	12	2	5.083211637	0.00143337	SYT6	ENSG00000134207
1	114635690	114635898	114635794	9	10	6	1.843362462	0.0964212	SYT6	ENSG00000134207
1	114655070	114655312	114655209	8	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000216325
1	114664897	114665181	114665039	9	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000216325
1	114680215	114680413	114680313	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000216325
1	114680416	114680981	114680693	122	153	17	10.03608451	4.31E-34		ENSG00000216325
1	114690582	114691150	114690866	55	75	19	4.457585589	1.12E-11		ENSG00000216325
1	114698354	114698533	114698443	8	8	9	1.055743955	0.456865		ENSG00000216325
1	114722583	114722852	114722745	8	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000216325
1	114730924	114731340	114731175	9	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000216325
1	114734164	114734446	114734290	8	8	12	0.812110735	0.692685		ENSG00000216325
1	114765557	114765898	114765727	8	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000216325
1	114766412	114766702	114766552	9	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000216325
1	114771762	114772081	114771921	10	14	21	0.799806027	0.754204		ENSG00000216325
1	114778825	114779204	114779025	16	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000216325
1	114779288	114779632	114779451	24	28	1	17.00920817	2.80E-09		ENSG00000216325
1	114793626	114793866	114793746	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000216325
1	114799765	114800041	114799902	8	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000216325
1	114803428	114803658	114803524	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000216325
1	114834398	114834661	114834542	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000201114

1	114837053	114837232	114837091	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000201114
1	114847768	114847997	114847932	8	10	6	1.843362462	0.0964212	TRIM33	ENSG00000197323
1	114849282	114849752	114849547	18	29	10	3.199224107	0.000186763	TRIM33	ENSG00000197323
1	114852519	114852814	114852643	9	10	8	1.433726359	0.209175	TRIM33	ENSG00000197323
1	114853995	114854201	114854130	8	10	6	1.843362462	0.0964212	TRIM33	ENSG00000197323
1	114854206	114854954	114854775	11	30	24	1.454580561	0.0803614	TRIM33	ENSG00000197323
1	114855310	114856230	114855538	31	80	38	2.436332205	9.98E-07	TRIM33	ENSG00000197323
1	114856244	114856723	114856494	10	18	8	2.476436439	0.00924552	TRIM33	ENSG00000197323
1	114857203	114857427	114857305	11	12	6	2.178519273	0.0416567	TRIM33	ENSG00000197323
1	114857864	114858120	114857992	8	8	7	1.319679944	0.283403	TRIM33	ENSG00000197323
1	114858874	114859090	114858982	11	11	9	1.407658607	0.210479	TRIM33	ENSG00000197323
1	114866450	114866640	114866556	9	9	5	1.955081399	0.0892323	TRIM33	ENSG00000197323
1	114873344	114873709	114873523	11	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000216823
1	114894396	114894705	114894568	8	12	14	1.016642327	0.486402		ENSG00000216823
1	114898553	114898969	114898728	12	20	10	2.239456875	0.0121685		ENSG00000216823
1	114902749	114902970	114902838	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000216823
1	114908877	114909145	114908995	8	9	6	1.675784056	0.141978	BCAS2	ENSG00000116752
1	114910120	114910356	114910261	12	12	6	2.178519273	0.0416567	BCAS2	ENSG00000116752
1	114925337	114926171	114925846	40	86	31	3.189226532	9.08E-10	BCAS2	ENSG00000116752
1	114948045	114948285	114948106	8	11	11	1.173048839	0.349489	BCAS2	ENSG00000116752
1	114951411	114951642	114951526	10	12	19	0.762481746	0.784291	BCAS2	ENSG00000116752
1	114954810	114955167	114954988	19	25	6	4.357038546	4.72E-05	BCAS2	ENSG00000116752
1	114964640	114964847	114964743	10	11	8	1.564065119	0.151515	BCAS2	ENSG00000116752
1	115013402	115014544	115014148	18	58	34	1.977425186	0.000540051	DENND2C	ENSG00000175984
1	115027772	115028054	115027900	8	10	2	4.301179077	0.00512919	AMPD1	ENSG00000116748
1	115031792	115032077	115031934	11	14	9	1.759573259	0.0786014	AMPD1	ENSG00000116748
1	115039659	115039862	115039724	8	8	2	3.519146518	0.017558	AMPD1	ENSG00000116748
1	115044387	115044566	115044460	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000223048
1	115046862	115047258	115047020	11	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000223048
1	115047380	115047630	115047510	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000223048
1	115060531	115061331	115060861	31	62	33	2.173590496	8.51E-05	NRAS	ENSG00000213281
1	115083895	115084085	115083945	8	8	2	3.519146518	0.017558	CSDE1	ENSG00000009307
1	115093505	115093720	115093609	8	9	7	1.466311049	0.20706	CSDE1	ENSG00000009307
1	115100700	115101022	115100861	9	13	11	1.368556979	0.211388	CSDE1	ENSG00000009307

1	115101388	115102646	115102271	27	115	46	2.895184369	3.77E-11	CSDE1	ENSG00000009307
1	115113020	115113256	115113132	11	11	6	2.010940867	0.0640214	CSDE1	ENSG00000009307
1	115124151	115124523	115124344	11	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000052723
1	115124583	115125157	115124814	31	56	15	4.17898649	8.69E-09		ENSG00000052723
1	115141602	115141802	115141702	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000052723
1	115147323	115147599	115147442	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000052723
1	115300790	115301061	115300923	10	14	6	2.513676084	0.016726	TSHB	ENSG00000134200
1	115317048	115317252	115317160	8	9	6	1.675784056	0.141978	TSHB	ENSG00000134200
1	115381231	115381549	115381372	18	22	9	2.69801233	0.00276236	TSHB	ENSG00000134200
1	115385809	115386039	115385920	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TSHB	ENSG00000134200
1	115396554	115396910	115396732	11	16	5	3.323638378	0.00288759	TSHB	ENSG00000134200
1	115432408	115432591	115432499	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TSPAN2	ENSG00000134198
1	115483131	115483394	115483262	10	12	5	2.541605819	0.0225912	TSPAN2	ENSG00000134198
1	115538661	115539049	115538885	9	16	13	1.424416448	0.161813	TSPAN2	ENSG00000134198
1	115619445	115619624	115619534	8	8	4	2.111487911	0.0804809	NGF	ENSG00000134259
1	115644712	115644993	115644850	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	NGF	ENSG00000134259
1	115661782	115661996	115661851	8	8	12	0.812110735	0.692685	NGF	ENSG00000134259
1	115713820	115714144	115713982	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	NGF	ENSG00000134259
1	115778657	115778848	115778723	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216304
1	115802777	115803000	115802893	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000216304
1	115891931	115892275	115892101	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000219215
1	115940019	115940413	115940238	12	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000222797
1	115952366	115952669	115952504	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000222797
1	116050966	116051176	116051071	10	10	4	2.580707446	0.0306059	VANGL1	ENSG00000173218
1	116055513	116055745	116055629	16	18	3	5.571981987	0.000108726	CASQ2	ENSG00000118729
1	116057325	116057740	116057532	12	20	16	1.449060331	0.126098	CASQ2	ENSG00000118729
1	116058947	116059357	116059224	12	20	9	2.463402563	0.00689886	CASQ2	ENSG00000118729
1	116115841	116116431	116116133	38	58	3	17.30247038	8.05E-17	CASQ2	ENSG00000118729
1	116155284	116155597	116155440	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	NHLH2	ENSG00000177551
1	116159938	116160207	116160088	8	11	4	2.815317214	0.0183428	NHLH2	ENSG00000177551
1	116183162	116184186	116183563	138	240	5	47.11746171	1.96E-73	NHLH2	ENSG00000177551
1	116221625	116221977	116221801	28	34	1	20.52835469	3.17E-11		ENSG00000219640
1	116325602	116325979	116325844	11	16	5	3.323638378	0.00288759	SLC22A15	ENSG00000163393
1	116454429	116454807	116454537	9	17	9	2.111487911	0.0248715	C1orf161	ENSG00000173212



1	116457345	116457672	116457508	17	21	5	4.301179077	0.000172642	C1orf161	ENSG00000173212
1	116476198	116476535	116476366	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	C1orf161	ENSG00000173212
1	116483181	116483687	116483360	18	28	6	4.859773763	8.07E-06	C1orf161	ENSG00000173212
1	116495642	116495888	116495752	10	10	1	6.451768616	0.00135978	C1orf161	ENSG00000173212
1	116538985	116539222	116539103	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209230
1	116612355	116612681	116612514	14	17	13	1.508205651	0.12204		ENSG00000209170
1	116656169	116656829	116656279	13	27	15	2.052835469	0.00908649		ENSG00000209170
1	116678160	116678356	116678257	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116717235	116717435	116717323	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116719046	116719515	116719225	9	16	12	1.533986944	0.120062	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116728060	116728256	116728180	8	8	2	3.519146518	0.017558	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116739292	116739589	116739470	11	13	3	4.105670938	0.00243034	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116762634	116762869	116762751	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000203865
1	116795853	116796130	116795976	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000200547
1	116796199	116796530	116796366	8	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000200547
1	116797749	116798005	116797877	16	18	14	1.485861863	0.123674		ENSG00000200547
1	116810591	116810819	116810705	11	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000200547
1	116811462	116811648	116811602	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000200547
1	116816644	116817046	116816895	8	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000200547
1	116829479	116829799	116829639	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000200547
1	116843247	116843530	116843388	10	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000177173
1	116883325	116883527	116883419	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000177173
1	116918724	116919081	116918902	14	18	9	2.228792795	0.0164363	CD58	ENSG00000116815
1	117010881	117011355	117011153	8	18	3	5.571981987	0.000108726	IGSF3	ENSG00000143061
1	117018872	117019361	117019051	14	25	8	3.388807758	0.000297109		ENSG00000211543
1	117052675	117052965	117052820	8	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000219018
1	117108220	117108551	117108385	9	14	3	4.398933147	0.00132748	CD2	ENSG00000116824
1	117122378	117122557	117122448	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000220126
1	117161806	117162047	117161920	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000220126
1	117186764	117187007	117186885	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000221425
1	117197886	117198164	117198025	18	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000221425
1	117222065	117224226	117223437	197	405	20	22.67894423	6.59E-109		ENSG00000221425
1	117251102	117251351	117251214	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000221425
1	117357424	117357784	117357605	19	26	8	3.519146518	0.000175368	IGSF2	ENSG00000134256

1	117359910	117360194	117360057	9	11	4	2.815317214	0.0183428	IGSF2	ENSG00000134256
1	117378575	117378767	117378671	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TTF2	ENSG00000116830
1	117399526	117399779	117399652	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TTF2	ENSG00000116830
1	117403589	117403773	117403681	8	9	7	1.466311049	0.20706	TTF2	ENSG00000116830
1	117403865	117404432	117404118	9	23	16	1.65606895	0.0532464	TTF2	ENSG00000116830
1	117404498	117404690	117404641	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TTF2	ENSG00000116830
1	117411994	117412232	117412070	9	12	6	2.178519273	0.0416567	TTF2	ENSG00000116830
1	117413543	117413812	117413713	9	11	5	2.346097679	0.0364013	TTF2	ENSG00000116830
1	117432884	117433175	117433042	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000215930
1	117466133	117466567	117466419	11	17	8	2.346097679	0.0144542	TRIM45	ENSG00000134253
1	117523631	117523879	117523745	9	10	1	6.451768616	0.00135978	VTCN1	ENSG00000134258
1	117555003	117555341	117555165	9	13	8	1.824742639	0.0744168	VTCN1	ENSG00000134258
1	117612767	117613427	117613142	16	34	14	2.737113958	0.000281523		ENSG00000223204
1	117628706	117629037	117628873	10	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000223204
1	117743878	117744171	117744043	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MAN1A2	ENSG00000198162
1	117885159	117885538	117885359	13	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000217774
1	117925051	117925291	117925171	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM46C	ENSG00000183508
1	117935439	117935755	117935597	13	17	5	3.519146518	0.00167472	FAM46C	ENSG00000183508
1	117936286	117936697	117936495	8	17	9	2.111487911	0.0248715	FAM46C	ENSG00000183508
1	117949232	117949517	117949382	8	13	2	5.474227917	0.000747844	FAM46C	ENSG00000183508
1	117949649	117949873	117949792	8	9	0	11.73048839	0.000425898	FAM46C	ENSG00000183508
1	117971897	117972243	117972073	18	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000213262
1	117999357	117999640	117999523	9	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000213262
1	118001241	118001455	118001348	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213262
1	118018763	118018958	118018830	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000212266
1	118103029	118103471	118103208	12	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000218616
1	118191245	118191716	118191424	16	24	8	3.258468998	0.000499412		ENSG00000218616
1	118239749	118239969	118239859	10	11	4	2.815317214	0.0183428	GDAP2	ENSG00000196505
1	118425585	118425930	118425757	10	15	2	6.256260476	0.000199274	SPAG17	ENSG00000155761
1	118901104	118901333	118901218	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000218441
1	118980209	118980398	118980303	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218441
1	119484269	119484461	119484355	9	9	3	2.932622098	0.0242899	WARS2	ENSG00000116874
1	119484590	119484982	119484863	9	15	7	2.346097679	0.0195693	WARS2	ENSG00000116874
1	119685565	119685859	119685710	14	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000194297

1	119702914	119703226	119703057	17	20	4	4.926805125	0.00010522	HAO2	ENSG00000116882
1	119718508	119718815	119718661	13	14	4	3.519146518	0.00361132	HAO2	ENSG00000116882
1	119732513	119732917	119732738	11	18	6	3.183989707	0.00227432	HAO2	ENSG00000116882
1	120018996	120019212	120019104	9	11	2	4.692195357	0.00272444	PHGDH	ENSG00000092621
1	120030961	120031172	120031066	8	9	7	1.466311049	0.20706	PHGDH	ENSG00000092621
1	120056226	120056418	120056301	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PHGDH	ENSG00000092621
1	120056501	120056810	120056645	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PHGDH	ENSG00000092621
1	120093264	120093474	120093378	8	9	2	3.910162798	0.00955088	HMGCS2	ENSG00000134240
1	120123994	120124441	120124221	21	29	13	2.513676084	0.00141455	HMGCS2	ENSG00000134240
1	120230392	120230579	120230531	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000219683
1	120261491	120261804	120261647	11	13	2	5.474227917	0.000747844	ADAM30	ENSG00000134249
1	120281984	120282219	120282069	8	8	2	3.519146518	0.017558	ADAM30	ENSG00000134249
1	120292540	120293079	120292969	15	25	8	3.388807758	0.000297109	ADAM30	ENSG00000134249
1	120312103	120312437	120312270	9	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000209009
1	120405744	120405945	120405823	8	10	3	3.225884308	0.0139466	NOTCH2	ENSG00000134250
1	120987274	120987659	120987446	17	24	0	29.32622098	3.74E-09		ENSG00000216725
1	121185538	121187107	121186578	489	2119	2756	0.902017969	0.999827		ENSG00000216725
1	141477170	141477424	141477297	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000221652
1	141480235	141480424	141480329	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000221652
1	141775739	141775920	141775791	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000217764
1	141832647	141832826	141832736	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000217764
1	142310670	142311011	142310840	10	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000222289
1	142719537	142719791	142719669	17	19	11	1.955081399	0.0295891		ENSG00000196369
1	142720966	142721178	142721040	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000196369
1	142721309	142723014	142722209	475	710	49	16.6807545	8.69E-176		ENSG00000196369
1	142724882	142725109	142724995	9	12	12	1.173048839	0.343543		ENSG00000196369
1	143245265	143245822	143245590	20	40	25	1.849807785	0.00619803		ENSG00000201699
1	143597963	143598184	143598073	10	10	4	2.580707446	0.0306059	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143628763	143628962	143628933	8	9	4	2.346097679	0.050148	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143638953	143639308	143639154	8	13	8	1.824742639	0.0744168	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143641808	143642127	143641987	9	13	11	1.368556979	0.211388	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143642296	143643002	143642631	10	32	15	2.419413231	0.0012352	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143643195	143644488	143643944	27	119	46	2.995018313	6.18E-12	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143644542	143644783	143644656	10	13	8	1.824742639	0.0744168	PDE4DIP	ENSG00000178104

1	143657868	143658202	143658024	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000222788
1	143698211	143698489	143698353	9	11	8	1.564065119	0.151515	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143700487	143700762	143700624	12	14	11	1.466311049	0.15926	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143700857	143701505	143701295	8	24	22	1.275053086	0.200162	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143701651	143701841	143701746	8	9	9	1.173048839	0.362316	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143703158	143703477	143703307	8	11	7	1.759573259	0.102361	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143703817	143704623	143704045	17	48	29	1.915979771	0.00209077	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143704668	143705013	143704840	9	15	16	1.104045966	0.390393	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143706202	143706694	143706315	12	24	17	1.629234499	0.0548227	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143706853	143707227	143707031	8	14	13	1.256838042	0.269506	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143707654	143707892	143707807	10	11	10	1.279689643	0.277323	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143710141	143710566	143710353	13	22	16	1.587066077	0.071956	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143717618	143717845	143717731	8	10	12	0.992579787	0.511743	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143727871	143728220	143728045	10	16	21	0.90644683	0.624241	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143728886	143729100	143728978	8	9	9	1.173048839	0.362316	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143736614	143736830	143736722	9	9	12	0.902345261	0.602772	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143737744	143737951	143737819	9	9	18	0.617394126	0.901359	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143740082	143740520	143740151	10	19	9	2.346097679	0.0107159	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143740560	143740942	143740763	11	18	6	3.183989707	0.00227432	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143741285	143741693	143741464	16	25	25	1.173048839	0.283523	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143743570	143744044	143743874	10	19	10	2.132816071	0.01835	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143744215	143744623	143744371	10	17	15	1.319679944	0.209239	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143745333	143745588	143745488	10	12	13	1.089259637	0.414883	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143750482	143751702	143751085	20	78	50	1.817075653	0.00036393	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143751730	143751927	143751828	9	10	11	1.075294769	0.434143	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143754646	143754996	143754787	8	13	10	1.49297125	0.157311	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143757559	143757882	143757720	8	11	16	0.828034475	0.698553	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143757889	143758155	143758045	8	12	14	1.016642327	0.486402	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143766775	143766988	143766881	9	11	18	0.740872951	0.800189	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143770096	143770804	143770450	22	45	35	1.498895739	0.0335424	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143774946	143775162	143775054	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143776184	143776600	143776363	15	24	13	2.09473007	0.011141	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143780977	143781230	143781102	8	11	11	1.173048839	0.349489	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143783144	143783449	143783278	8	13	20	0.78203256	0.76897	PDE4DIP	ENSG00000178104

1	143787372	143787595	143787483	8	9	10	1.066408036	0.444985	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143792277	143792460	143792368	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143801201	143801482	143801341	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000218759
1	143802262	143802441	143802351	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000218759
1	143807601	143808006	143807740	15	25	18	1.605224727	0.0562573		ENSG00000218759
1	143826938	143827727	143827108	11	31	36	1.014528726	0.478595		ENSG00000218759
1	143920150	143920493	143920320	17	20	0	24.63402563	8.35E-08	NOTCH2NL	ENSG00000213240
1	143921512	143921694	143921661	9	9	3	2.932622098	0.0242899	NOTCH2NL	ENSG00000213240
1	143928314	143928505	143928397	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NOTCH2NL	ENSG00000213240
1	143988808	143988994	143988837	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000208961
1	144002033	144002247	144002140	8	10	12	0.992579787	0.511743	NBPF10	ENSG00000163386
1	144093989	144094701	144094283	28	54	17	3.584315898	1.47E-07		ENSG00000201558
1	144106718	144107173	144106945	17	28	23	1.417434014	0.101931		ENSG00000201558
1	144108011	144108357	144108184	14	20	15	1.539626602	0.0943825		ENSG00000201558
1	144108565	144109481	144109216	15	43	25	1.985159574	0.00226191		ENSG00000201558
1	144110328	144110930	144110706	28	52	30	2.005535112	0.000809045	HFE2	ENSG00000168509
1	144113318	144113655	144113566	10	14	13	1.256838042	0.269506	HFE2	ENSG00000168509
1	144133046	144133271	144133173	14	17	9	2.111487911	0.0248715	HFE2	ENSG00000168509
1	144138706	144139151	144138862	13	19	22	1.020042469	0.477122	TXNIP	ENSG00000117289
1	144149235	144149414	144149407	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TXNIP	ENSG00000117289
1	144149479	144150201	144149801	28	54	15	4.032355385	2.59E-08	TXNIP	ENSG00000117289
1	144151175	144151406	144151241	9	11	5	2.346097679	0.0364013	TXNIP	ENSG00000117289
1	144155458	144155671	144155564	9	9	0	11.73048839	0.000425898	TXNIP	ENSG00000117289
1	144166349	144167355	144166831	22	59	40	1.716656838	0.00344236	POLR3GL	ENSG00000121851
1	144168674	144168902	144168788	13	16	10	1.812893661	0.0578656	POLR3GL	ENSG00000121851
1	144181446	144182087	144181638	22	45	16	3.174132153	6.18E-06	POLR3GL	ENSG00000121851
1	144183900	144184099	144183999	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ANKRD34A	ENSG00000181039
1	144188201	144188520	144188360	8	12	7	1.906204364	0.0695918	LIX1L	ENSG00000152022
1	144218428	144219395	144218801	14	42	24	2.017644004	0.002103	RBM8A	ENSG00000131795
1	144227229	144227894	144227573	23	51	27	2.178519273	0.000306518	GNRHR2	ENSG00000211451
1	144236121	144236386	144236253	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ITGA10	ENSG00000143127
1	144253979	144255447	144254335	31	115	43	3.092583304	5.07E-12	ANKRD35	ENSG00000198483
1	144255670	144255987	144255828	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ANKRD35	ENSG00000198483
1	144259999	144260216	144260107	8	9	10	1.066408036	0.444985	ANKRD35	ENSG00000198483

1	144286693	144287632	144287190	13	45	15	3.372515413	2.88E-06	PIAS3	ENSG00000131788
1	144300515	144301173	144300881	18	39	22	2.040084938	0.0025741	NUDT17	ENSG00000186364
1	144321981	144322488	144322396	19	36	7	5.425350882	2.04E-07	RNF115	ENSG00000121848
1	144405741	144406086	144405913	19	24	12	2.255863153	0.00673318	CD160	ENSG00000117281
1	144424838	144425261	144425130	8	14	6	2.513676084	0.016726	CD160	ENSG00000117281
1	144434895	144435094	144434945	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CD160	ENSG00000117281
1	144455243	144455443	144455404	8	10	0	12.90353723	0.000195991	PDZK1	ENSG00000174827
1	145022500	145022815	145022671	8	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000200838
1	145058039	145058284	145058157	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000216758
1	145058686	145058872	145058752	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000216758
1	145109875	145110115	145109995	8	12	3	3.812408728	0.004404	PRKAB2	ENSG00000131791
1	145110249	145111163	145110678	29	61	12	5.594540618	2.02E-11	PRKAB2	ENSG00000131791
1	145111510	145111751	145111647	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PRKAB2	ENSG00000131791
1	145162164	145162396	145162317	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000216253
1	145163362	145163568	145163465	9	11	7	1.759573259	0.102361	FMO5	ENSG00000131781
1	145163640	145163911	145163791	8	10	6	1.843362462	0.0964212	FMO5	ENSG00000131781
1	145172554	145172827	145172690	9	11	2	4.692195357	0.00272444	CHD1L	ENSG00000131778
1	145175932	145176204	145176068	8	11	3	3.519146518	0.00788869	CHD1L	ENSG00000131778
1	145180454	145180965	145180817	17	31	16	2.208091933	0.00315316	CHD1L	ENSG00000131778
1	145181319	145181508	145181413	8	9	6	1.675784056	0.141978	CHD1L	ENSG00000131778
1	145183402	145183669	145183535	8	11	12	1.082814313	0.424156	CHD1L	ENSG00000131778
1	145212297	145212524	145212410	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CHD1L	ENSG00000131778
1	145328528	145328739	145328598	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207209
1	145433526	145433731	145433628	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000221166
1	145476874	145477149	145476985	11	13	4	3.28453675	0.00629037	BCL9	ENSG00000116128
1	145550797	145551106	145550951	17	21	6	3.686724924	0.000453999	ACP6	ENSG00000162836
1	145566013	145566265	145566180	14	17	3	5.278719777	0.000205462	ACP6	ENSG00000162836
1	145579089	145579468	145579333	12	17	7	2.639359888	0.00777415	ACP6	ENSG00000162836
1	145580149	145580329	145580239	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ACP6	ENSG00000162836
1	145580453	145580830	145580651	12	19	10	2.132816071	0.01835	ACP6	ENSG00000162836
1	145587353	145587578	145587465	8	9	7	1.466311049	0.20706	ACP6	ENSG00000162836
1	145608287	145608517	145608402	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ACP6	ENSG00000162836
1	145608583	145608875	145608729	9	13	10	1.49297125	0.157311	ACP6	ENSG00000162836
1	145609001	145609611	145609174	13	30	16	2.13908906	0.00465307	ACP6	ENSG00000162836

1	145652426	145652650	145652539	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000208881
1	145655706	145656102	145655943	23	28	19	1.700920817	0.031791		ENSG00000208881
1	145662637	145662923	145662756	9	12	11	1.270802909	0.274822		ENSG00000208881
1	145748652	145748923	145748787	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000216883
1	145781323	145781537	145781430	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000216883
1	145828915	145829185	145829069	9	10	5	2.150589539	0.0575848	GJA8	ENSG00000121634
1	145831490	145831742	145831616	8	11	6	2.010940867	0.0640214	GJA8	ENSG00000121634
1	146193791	146194232	146194053	12	21	15	1.612942154	0.070218		ENSG00000199879
1	146202057	146203047	146202551	22	64	21	3.465826116	2.30E-08		ENSG00000199879
1	146203917	146204136	146204059	11	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000199879
1	146272946	146273840	146273369	25	58	20	3.295708644	2.10E-07		ENSG00000202408
1	146467344	146467528	146467436	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000220427
1	146607993	146608293	146608148	18	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000207501
1	146823333	146823593	146823463	9	10	4	2.580707446	0.0306059	NBPF15	ENSG00000219481
1	147489879	147490077	147489979	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000206737
1	147490107	147490804	147490497	41	89	43	2.39941808	3.87E-07		ENSG00000206737
1	147491084	147491356	147491220	14	17	9	2.111487911	0.0248715		ENSG00000206737
1	147539559	147539739	147539649	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208707
1	147561270	147561465	147561367	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000208696
1	147565084	147565284	147565184	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000208696
1	147978277	147978628	147978452	11	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000212053
1	148123454	148123693	148123540	11	13	7	2.052835469	0.046392	HIST2H2BE	ENSG00000184678
1	148123910	148124275	148124088	14	21	14	1.720471631	0.0496182	HIST2H2BE	ENSG00000184678
1	148124660	148125270	148125091	12	28	11	2.834868028	0.000626961	BOLA1	ENSG00000178096
1	148125480	148125915	148125700	13	23	12	2.165628626	0.0100985	HIST2H2AE	ENSG00000184270
1	148125975	148126922	148126750	20	47	25	2.165628626	0.000534104	HIST2H2AE	ENSG00000184270
1	148127243	148127433	148127336	9	11	6	2.010940867	0.0640214	HIST2H2AE	ENSG00000184270
1	148137570	148138113	148137749	14	29	18	1.852182378	0.015944	BOLA1	ENSG00000178096
1	148165973	148166972	148166447	22	59	19	3.519146518	5.83E-08	SF3B4	ENSG00000143368
1	148175188	148175660	148175483	15	24	14	1.955081399	0.0175993	MTMR11	ENSG00000014914
1	148175711	148176252	148176039	14	31	10	3.412505714	6.73E-05	MTMR11	ENSG00000014914
1	148177519	148178193	148178015	19	48	10	5.225399375	4.82E-09	MTMR11	ENSG00000014914
1	148249122	148249541	148249362	20	28	3	8.504604085	1.43E-07	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148259968	148260270	148260134	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	OTUD7B	ENSG00000163113

1	148260502	148260790	148260670	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148289221	148289546	148289383	14	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000219469
1	148306014	148306613	148306434	23	45	8	5.995582957	2.73E-09	VPS45	ENSG00000136631
1	148352078	148352315	148352233	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PLEKHO1	ENSG00000023902
1	148404822	148405097	148404965	10	11	7	1.759573259	0.102361	PLEKHO1	ENSG00000023902
1	148407819	148408156	148407979	15	18	5	3.714654658	0.000961539	PLEKHO1	ENSG00000023902
1	148422741	148423188	148422964	16	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000222828
1	148452346	148453313	148452877	11	38	26	1.694403879	0.0163717		ENSG00000222828
1	148473375	148473606	148473503	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ANP32E	ENSG00000143401
1	148474562	148475160	148474981	16	30	24	1.454580561	0.0803614	ANP32E	ENSG00000143401
1	148475244	148475557	148475454	11	15	11	1.564065119	0.11768	ANP32E	ENSG00000143401
1	148494435	148494696	148494573	9	10	10	1.173048839	0.355733	CA14	ENSG00000118298
1	148494921	148495316	148495139	17	24	12	2.255863153	0.00673318	CA14	ENSG00000118298
1	148498978	148499349	148499171	8	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000208660
1	148507834	148508182	148508008	15	21	11	2.150589539	0.0135908	APH1A	ENSG00000117362
1	148508367	148508617	148508465	8	11	7	1.759573259	0.102361	APH1A	ENSG00000117362
1	148520303	148520663	148520520	18	25	8	3.388807758	0.000297109	C1orf51	ENSG00000159208
1	148521238	148521438	148521298	9	11	9	1.407658607	0.210479	C1orf51	ENSG00000159208
1	148521443	148521772	148521607	11	16	12	1.533986944	0.120062	C1orf51	ENSG00000159208
1	148532748	148533229	148532857	11	23	17	1.564065119	0.0735049	MRPS21	ENSG00000221879
1	148560510	148560840	148560675	13	14	8	1.955081399	0.0506438	PRPF3	ENSG00000117360
1	148602423	148603521	148602931	21	60	28	2.467447559	1.49E-05	RPRD2	ENSG00000163125
1	148604098	148604347	148604216	8	11	4	2.815317214	0.0183428	RPRD2	ENSG00000163125
1	148703408	148703744	148703576	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	TARS2	ENSG00000143374
1	148726159	148726715	148726373	40	58	16	4.071169501	7.41E-09	TARS2	ENSG00000143374
1	148726961	148727243	148727076	9	11	5	2.346097679	0.0364013	TARS2	ENSG00000143374
1	148754307	148754778	148754570	14	23	12	2.165628626	0.0100985	ECM1	ENSG00000143369
1	148754829	148755032	148754945	8	9	10	1.066408036	0.444985	ECM1	ENSG00000143369
1	148771737	148772039	148771888	10	13	8	1.824742639	0.0744168	ADAMTSL4	ENSG00000143382
1	148799099	148799373	148799278	8	12	7	1.906204364	0.0695918	C1orf138	ENSG00000203804
1	148800103	148800852	148800694	16	44	23	2.199466574	0.000639852	C1orf138	ENSG00000203804
1	148800948	148801513	148801230	17	31	11	3.128130238	0.000146711	C1orf138	ENSG00000203804
1	148802738	148803081	148802902	9	14	7	2.199466574	0.0303778	C1orf138	ENSG00000203804
1	148807201	148807393	148807309	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000223014



1	148807422	148807676	148807539	10	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000223014
1	148816308	148816487	148816397	9	9	8	1.303387599	0.281715	MCL1	ENSG00000143384
1	148817251	148817521	148817386	9	12	9	1.524963491	0.154777	MCL1	ENSG00000143384
1	148817665	148817934	148817799	8	10	5	2.150589539	0.0575848	MCL1	ENSG00000143384
1	148818529	148818852	148818693	13	15	8	2.085420159	0.0338693	MCL1	ENSG00000143384
1	148843831	148844053	148843935	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000208652
1	148860690	148860966	148860796	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSA	ENSG00000143420
1	148863289	148863703	148863468	44	53	5	10.55743955	1.56E-13	ENSA	ENSG00000143420
1	148868221	148868875	148868599	13	30	20	1.731643525	0.0242039	ENSA	ENSG00000143420
1	148889259	148889703	148889478	15	26	12	2.436332205	0.00289956	ENSA	ENSG00000143420
1	148936191	148936433	148936312	9	12	7	1.906204364	0.0695918	GOLPH3L	ENSG00000143457
1	148936437	148936797	148936618	10	17	5	3.519146518	0.00167472	GOLPH3L	ENSG00000143457
1	149052111	149052524	149052401	12	18	11	1.857327329	0.0427732		ENSG00000200175
1	149115641	149116026	149115847	14	21	12	1.985159574	0.021936	ARNT	ENSG00000143437
1	149145381	149145900	149145640	15	27	9	3.28453675	0.000236424		ENSG00000198962
1	149161657	149161959	149161823	10	13	10	1.49297125	0.157311	SETDB1	ENSG00000143379
1	149165286	149165699	149165465	13	24	20	1.396486713	0.128495	SETDB1	ENSG00000143379
1	149218504	149218905	149218729	15	24	9	2.932622098	0.00106136	ANXA9	ENSG00000143412
1	149220168	149220496	149220332	8	14	9	1.759573259	0.0786014	ANXA9	ENSG00000143412
1	149220844	149221540	149221289	12	27	20	1.564065119	0.0587454	ANXA9	ENSG00000143412
1	149245569	149245864	149245745	8	11	6	2.010940867	0.0640214	FAM63A	ENSG00000143409
1	149245952	149246131	149246041	8	8	9	1.055743955	0.456865	FAM63A	ENSG00000143409
1	149247209	149247674	149247458	11	22	10	2.452738482	0.00515848	PRUNE	ENSG00000143363
1	149248153	149248496	149248324	10	16	6	2.848832895	0.00632407	PRUNE	ENSG00000143363
1	149263795	149264037	149263905	10	10	6	1.843362462	0.0964212	PRUNE	ENSG00000143363
1	149275547	149275790	149275655	11	12	7	1.906204364	0.0695918	BNIP1	ENSG00000163141
1	149286428	149286618	149286523	8	8	5	1.759573259	0.13508	C1orf56	ENSG00000143443
1	149286653	149287493	149286813	13	37	14	2.971723726	6.95E-05	C1orf56	ENSG00000143443
1	149287522	149287914	149287689	10	17	9	2.111487911	0.0248715	C1orf56	ENSG00000143443
1	149297725	149298203	149297937	115	133	15	9.824284029	1.06E-29	MLLT11	ENSG00000213190
1	149298340	149298808	149298587	16	26	12	2.436332205	0.00289956	MLLT11	ENSG00000213190
1	149309314	149310022	149309759	28	50	18	3.148710042	2.36E-06		ENSG00000143458
1	149310181	149310493	149310335	12	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000143458
1	149383638	149383872	149383782	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SEMA6C	ENSG00000143434

1	149385716	149386217	149385857	11	22	8	2.997791478	0.00137524	SEMA6C	ENSG00000143434
1	149395211	149395431	149395353	11	13	4	3.28453675	0.00629037	TNFAIP8L2	ENSG00000163154
1	149404873	149405383	149405139	26	39	12	3.609381044	5.48E-06	SCNM1	ENSG00000163156
1	149429099	149429555	149429369	23	37	12	3.428911992	1.55E-05	VPS72	ENSG00000163159
1	149434326	149434690	149434523	21	27	9	3.28453675	0.000236424	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149435267	149435453	149435393	8	8	8	1.173048839	0.36929	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149435471	149435776	149435623	9	14	5	2.932622098	0.00829617	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149437147	149437621	149437428	11	22	12	2.0753941	0.0149739	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149454729	149454939	149454868	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149461207	149461418	149461295	8	8	2	3.519146518	0.017558	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149490821	149491060	149490940	14	14	2	5.865244197	0.000387308	PSMD4	ENSG00000159352
1	149493524	149493924	149493745	16	24	4	5.865244197	8.64E-06	PSMD4	ENSG00000159352
1	149520322	149521981	149520499	14	76	23	3.763531693	2.55E-10	ZNF687	ENSG00000143373
1	149531179	149531493	149531319	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000222803
1	149540055	149540270	149540132	12	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000222803
1	149550681	149550950	149550815	11	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000222803
1	149566034	149566220	149566127	8	9	7	1.466311049	0.20706	PI4KB	ENSG00000143393
1	149566382	149567055	149566795	14	36	17	2.411267059	0.000703324	PI4KB	ENSG00000143393
1	149567163	149567454	149567280	14	17	9	2.111487911	0.0248715	PI4KB	ENSG00000143393
1	149569258	149569457	149569357	9	9	6	1.675784056	0.141978	PI4KB	ENSG00000143393
1	149579961	149580223	149580116	10	13	12	1.263283365	0.272203	RFX5	ENSG00000143390
1	149580240	149580422	149580276	8	9	9	1.173048839	0.362316	RFX5	ENSG00000143390
1	149586079	149586326	149586202	10	13	3	4.105670938	0.00243034	RFX5	ENSG00000143390
1	149586448	149586736	149586587	12	16	4	3.988366054	0.00115141	RFX5	ENSG00000143390
1	149586738	149586955	149586790	10	13	5	2.737113958	0.0137917	RFX5	ENSG00000143390
1	149589118	149589342	149589230	9	11	6	2.010940867	0.0640214	RFX5	ENSG00000143390
1	149611570	149611948	149611769	20	29	18	1.852182378	0.015944	SELENBP1	ENSG00000143416
1	149623998	149624354	149624176	8	14	2	5.865244197	0.000387308	SELENBP1	ENSG00000143416
1	149637344	149637527	149637456	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PSMB4	ENSG00000159377
1	149638394	149639195	149638573	27	51	14	4.06656931	5.25E-08	PSMB4	ENSG00000159377
1	149640287	149640473	149640367	8	9	8	1.303387599	0.281715	PSMB4	ENSG00000159377
1	149682984	149683318	149683151	19	23	5	4.692195357	5.29E-05	POGZ	ENSG00000143442
1	149697302	149697633	149697474	14	16	6	2.848832895	0.00632407	POGZ	ENSG00000143442
1	149698515	149699023	149698844	11	24	18	1.543485315	0.0748829	POGZ	ENSG00000143442

1	149750342	149750990	149750467	10	25	5	5.083211637	1.58E-05	CGN	ENSG00000143375
1	149752139	149752544	149752367	37	50	7	7.478186351	2.92E-11	CGN	ENSG00000143375
1	149759173	149759358	149759283	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CGN	ENSG00000143375
1	149763229	149763558	149763429	9	13	8	1.824742639	0.0744168	CGN	ENSG00000143375
1	149773732	149774082	149773907	15	20	9	2.463402563	0.00689886	TUFT1	ENSG00000143367
1	149778416	149779109	149778930	17	44	13	3.770514126	9.25E-07	TUFT1	ENSG00000143367
1	149779368	149779727	149779547	15	22	7	3.372515413	0.000629223	TUFT1	ENSG00000143367
1	149786891	149787086	149786988	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000207606
1	149787922	149788243	149788085	17	19	14	1.564065119	0.0925887		ENSG00000207606
1	149818104	149818353	149818274	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000219893
1	149818603	149818813	149818727	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000219893
1	149821068	149821451	149821247	18	25	6	4.357038546	4.72E-05		ENSG00000219893
1	149824840	149825243	149825014	13	19	13	1.675784056	0.0660887	SNX27	ENSG00000143376
1	149833016	149833635	149833380	16	30	14	2.424300935	0.00163956	SNX27	ENSG00000143376
1	149847489	149847761	149847640	13	15	8	2.085420159	0.0338693	SNX27	ENSG00000143376
1	149850951	149851130	149851035	8	8	6	1.508205651	0.203852	SNX27	ENSG00000143376
1	149863973	149864189	149864095	9	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000206635
1	149952867	149953329	149953114	26	36	6	6.200401008	5.86E-08	TNRC4	ENSG00000159409
1	149955923	149956354	149956087	11	20	4	4.926805125	0.00010522	TNRC4	ENSG00000159409
1	149956675	149956854	149956784	8	8	7	1.319679944	0.283403	TNRC4	ENSG00000159409
1	149957251	149957520	149957382	9	11	4	2.815317214	0.0183428	TNRC4	ENSG00000159409
1	149957656	149958021	149957835	12	18	10	2.026175268	0.0273052	TNRC4	ENSG00000159409
1	149962865	149963414	149963235	13	28	12	2.616801257	0.00120123	TNRC4	ENSG00000159409
1	149972367	149972695	149972504	9	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000206980
1	149974006	149974566	149974390	19	32	9	3.87106117	1.67E-05		ENSG00000206980
1	149979009	149979612	149979188	29	44	10	4.798836161	5.09E-08		ENSG00000206980
1	150002345	150002865	150002689	17	31	7	4.692195357	4.07E-06	MRPL9	ENSG00000143436
1	150007474	150007653	150007563	8	9	1	5.865244197	0.00272497	OAZ3	ENSG00000143450
1	150029181	150029526	150029431	10	15	5	3.128130238	0.00492422	TDRKH	ENSG00000182134
1	150029795	150030285	150029974	16	26	16	1.863077568	0.0200163	TDRKH	ENSG00000182134
1	150060128	150060444	150060282	12	13	7	2.052835469	0.046392	RORC	ENSG00000143365
1	150068140	150068499	150068318	10	16	1	9.970915134	1.89E-05	RORC	ENSG00000143365
1	150075517	150076304	150076023	16	49	20	2.792973427	1.48E-05		ENSG00000201134
1	150078625	150079238	150079011	11	27	11	2.737113958	0.00100133		ENSG00000201134

1	150079324	150079618	150079471	11	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000201134
1	150079703	150079935	150079836	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201134
1	150097301	150097597	150097455	13	14	10	1.599612054	0.114822	THEM5	ENSG00000196407
1	150110458	150111046	150110637	12	26	16	1.863077568	0.0200163	THEM5	ENSG00000196407
1	150120531	150120874	150120695	14	18	4	4.457585589	0.000353565	THEM5	ENSG00000196407
1	150144543	150144735	150144639	8	8	2	3.519146518	0.017558	THEM4	ENSG00000159445
1	150148279	150148489	150148365	9	9	2	3.910162798	0.00955088	THEM4	ENSG00000159445
1	150148550	150149028	150148728	23	33	15	2.492728784	0.000807271	THEM4	ENSG00000159445
1	150164475	150164703	150164589	8	9	8	1.303387599	0.281715	THEM4	ENSG00000159445
1	150173195	150173560	150173374	15	22	12	2.0753941	0.0149739		ENSG00000215843
1	150184918	150185244	150185081	14	18	11	1.857327329	0.0427732		ENSG00000215843
1	150205171	150205658	150205350	9	17	10	1.919534464	0.0400548		ENSG00000215843
1	150207162	150207468	150207322	13	17	15	1.319679944	0.209239		ENSG00000215843
1	150212087	150212401	150212264	8	13	7	2.052835469	0.046392	S100A10	ENSG00000197747
1	150219674	150219902	150219777	10	13	13	1.173048839	0.337862	S100A10	ENSG00000197747
1	150227612	150227869	150227740	10	14	10	1.599612054	0.114822	S100A10	ENSG00000197747
1	150228610	150228947	150228778	21	26	8	3.519146518	0.000175368	S100A10	ENSG00000197747
1	150229163	150230218	150229609	25	85	26	3.736377784	3.03E-11	S100A10	ENSG00000197747
1	150231307	150231975	150231556	39	66	17	4.366348457	2.36E-10	S100A10	ENSG00000197747
1	150232288	150232665	150232486	8	15	11	1.564065119	0.11768	S100A10	ENSG00000197747
1	150233794	150233973	150233936	9	9	2	3.910162798	0.00955088	S100A10	ENSG00000197747
1	150240885	150241188	150241016	12	16	9	1.994183027	0.0370915	S100A10	ENSG00000197747
1	150252699	150252942	150252820	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000216988
1	150273456	150274712	150274329	78	157	40	4.520529673	1.80E-22	S100A11	ENSG00000163191
1	150275048	150275557	150275387	11	23	18	1.481745902	0.0984143	S100A11	ENSG00000163191
1	150275977	150276313	150276145	21	26	7	3.959039833	7.16E-05	S100A11	ENSG00000163191
1	150277858	150278076	150277967	8	9	7	1.466311049	0.20706	S100A11	ENSG00000163191
1	150286791	150287843	150287150	33	94	33	3.277636463	8.39E-11	S100A11	ENSG00000163191
1	150291761	150292171	150291940	18	26	15	1.979519916	0.0131534	S100A11	ENSG00000163191
1	150349510	150350042	150349676	11	22	12	2.0753941	0.0149739	TCHH	ENSG00000159450
1	150381177	150381408	150381292	10	12	11	1.270802909	0.274822	RPTN	ENSG00000215853
1	150406878	150407186	150407032	14	18	4	4.457585589	0.000353565	RPTN	ENSG00000215853
1	150424682	150424978	150424821	11	14	4	3.519146518	0.00361132	RPTN	ENSG00000215853
1	150427823	150428082	150427952	8	9	6	1.675784056	0.141978	RPTN	ENSG00000215853

1	150429091	150429364	150429217	11	12	8	1.694403879	0.107291	RPTN	ENSG00000215853
1	150564390	150564648	150564532	9	11	5	2.346097679	0.0364013	FLG	ENSG00000143631
1	150606547	150606780	150606668	9	10	7	1.612942154	0.147335	FLG2	ENSG00000143520
1	150631934	150632316	150632113	17	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000183586
1	150638178	150638500	150638339	13	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000183586
1	150679971	150680276	150680123	15	19	13	1.675784056	0.0660887	CRNN	ENSG00000143536
1	150680282	150680461	150680371	8	8	8	1.173048839	0.36929	CRNN	ENSG00000143536
1	150697548	150697817	150697652	13	15	7	2.346097679	0.0195693	CRNN	ENSG00000143536
1	150700616	150700983	150700795	10	17	4	4.222975822	0.000640773	CRNN	ENSG00000143536
1	150716701	150716899	150716800	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LCE5A	ENSG00000186207
1	150957369	150957553	150957461	9	9	3	2.932622098	0.0242899	C1orf68	ENSG00000198854
1	150982368	150982868	150982616	12	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000220175
1	151025086	151025520	151025311	24	34	1	20.52835469	3.17E-11	LCE1E	ENSG00000186226
1	151050178	151050425	151050296	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	LCE1B	ENSG00000196734
1	151237136	151237423	151237302	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SPRR3	ENSG00000163209
1	151362024	151362361	151362192	27	29	2	11.73048839	1.18E-08	SPRR2F	ENSG00000213163
1	151431975	151432162	151432068	8	8	4	2.111487911	0.0804809	LLEP1	ENSG00000203784
1	151594656	151594912	151594782	9	11	8	1.564065119	0.151515	S100A9	ENSG00000163220
1	151603394	151603663	151603552	8	12	3	3.812408728	0.004404	S100A9	ENSG00000163220
1	151604426	151604982	151604584	9	19	7	2.932622098	0.00293566	S100A9	ENSG00000163220
1	151765256	151765645	151765422	24	31	2	12.51252095	2.82E-09	S100A6	ENSG00000197956
1	151783212	151783487	151783363	8	9	2	3.910162798	0.00955088	S100A4	ENSG00000196154
1	151805626	151806045	151805805	27	37	3	11.14396397	2.78E-10	S100A2	ENSG00000196754
1	151806616	151807052	151806811	43	53	2	21.11487911	2.91E-16	S100A2	ENSG00000196754
1	151807571	151807926	151807748	9	15	11	1.564065119	0.11768	S100A2	ENSG00000196754
1	151811694	151812012	151811853	9	13	5	2.737113958	0.0137917	S100A2	ENSG00000196754
1	151866415	151867032	151866614	16	32	5	6.451768616	1.97E-07	S100A13	ENSG00000189171
1	151872845	151873585	151873428	9	26	19	1.583615933	0.0575614	S100A13	ENSG00000189171
1	151910188	151910513	151910355	13	16	15	1.246364392	0.263987	ILF2	ENSG00000143621
1	151966910	151967140	151967077	8	11	1	7.038293036	0.000674435	INTS3	ENSG00000143624
1	151993801	151994025	151993913	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208567
1	152013928	152014216	152014072	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000216243
1	152036442	152036631	152036520	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000219979
1	152161707	152161920	152161813	8	8	2	3.519146518	0.017558	GATAD2B	ENSG00000143614

1	152162302	152162997	152162518	11	32	14	2.580707446	0.000690197	GATAD2B	ENSG00000143614
1	152185751	152186110	152185931	10	17	9	2.111487911	0.0248715	DENND4B	ENSG00000198837
1	152197629	152197984	152197806	16	21	9	2.580707446	0.00438951	CRTC2	ENSG00000160741
1	152202712	152202955	152202872	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SLC39A1	ENSG00000143570
1	152202966	152203315	152203140	8	14	5	2.932622098	0.00829617	SLC39A1	ENSG00000143570
1	152206162	152206737	152206388	9	22	9	2.69801233	0.00276236	SLC39A1	ENSG00000143570
1	152206969	152207226	152207133	8	11	5	2.346097679	0.0364013	CREB3L4	ENSG00000143578
1	152216566	152216859	152216690	8	12	4	3.049926982	0.0108184	JTB	ENSG00000143543
1	152225038	152225240	152225202	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RAB13	ENSG00000143545
1	152225903	152226146	152226024	13	14	3	4.398933147	0.00132748	RAB13	ENSG00000143545
1	152229661	152230109	152229905	18	30	8	4.040501558	1.98E-05	RPS27	ENSG00000177954
1	152343943	152344136	152344039	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208550
1	152422475	152422691	152422564	9	11	2	4.692195357	0.00272444	TPM3	ENSG00000143549
1	152436126	152436454	152436278	12	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000215938
1	152459714	152459912	152459832	8	9	4	2.346097679	0.050148	C1orf43	ENSG00000143612
1	152511539	152511872	152511705	11	15	8	2.085420159	0.0338693	HAX1	ENSG00000143575
1	152565324	152565594	152565459	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ATP8B2	ENSG00000143515
1	152644153	152644385	152644246	8	10	2	4.301179077	0.00512919	IL6R	ENSG00000160712
1	152645499	152645727	152645613	8	10	4	2.580707446	0.0306059	IL6R	ENSG00000160712
1	152666339	152666693	152666516	12	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000219049
1	152797783	152798075	152797929	10	12	3	3.812408728	0.004404	UBE2Q1	ENSG00000160714
1	153052381	153053015	153052742	65	113	6	19.10393824	3.55E-31	KCNN3	ENSG00000143603
1	153098946	153099283	153099114	23	25	0	30.49926982	1.72E-09	KCNN3	ENSG00000143603
1	153175656	153175919	153175801	12	14	6	2.513676084	0.016726	PMVK	ENSG00000163344
1	153176237	153176554	153176395	11	15	9	1.876878143	0.0544542	PMVK	ENSG00000163344
1	153211757	153212167	153211988	17	26	3	7.918079665	5.55E-07	SHC1	ENSG00000160691
1	153212703	153213091	153212912	9	18	2	7.429309316	2.63E-05	SHC1	ENSG00000160691
1	153214391	153214647	153214483	8	10	3	3.225884308	0.0139466	CKS1B	ENSG00000173207
1	153238119	153238608	153238304	15	24	6	4.18946014	8.40E-05	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153239930	153240512	153240333	14	28	13	2.429886881	0.00217891	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153240966	153241305	153241129	10	14	3	4.398933147	0.00132748	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153242137	153242327	153242232	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153242649	153243204	153243036	29	43	5	8.602358155	1.42E-10	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153244307	153244487	153244378	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZBTB7B	ENSG00000160685

1	153256401	153256916	153256760	15	28	2	11.33947211	2.41E-08	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153284090	153284283	153284147	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ADAM15	ENSG00000143537
1	153302625	153302841	153302731	9	10	1	6.451768616	0.00135978	EFNA4	ENSG00000143620
1	153323713	153324242	153324006	10	22	9	2.69801233	0.00276236	EFNA3	ENSG00000143590
1	153330485	153330805	153330634	8	11	6	2.010940867	0.0640214	EFNA3	ENSG00000143590
1	153356732	153357160	153356935	13	21	9	2.580707446	0.00438951		ENSG00000202027
1	153363642	153364023	153363851	11	18	3	5.571981987	0.000108726	EFNA1	ENSG00000169242
1	153369012	153369253	153369132	10	13	7	2.052835469	0.046392	EFNA1	ENSG00000169242
1	153374174	153374444	153374307	12	16	5	3.323638378	0.00288759	RAG1AP1	ENSG00000169241
1	153374826	153375079	153374981	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RAG1AP1	ENSG00000169241
1	153379485	153379822	153379656	9	13	5	2.737113958	0.0137917	DPM3	ENSG00000179085
1	153415723	153416055	153415889	13	16	10	1.812893661	0.0578656	TRIM46	ENSG00000163462
1	153416320	153416784	153416452	12	20	10	2.239456875	0.0121685	TRIM46	ENSG00000163462
1	153425170	153425417	153425255	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	MUC1	ENSG00000185499
1	153429851	153430213	153430030	12	19	4	4.692195357	0.000193572	MUC1	ENSG00000185499
1	153461064	153461360	153461200	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000160766
1	153463062	153463386	153463224	15	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000160766
1	153463837	153464080	153463929	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000160766
1	153481140	153481516	153481318	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	GBA	ENSG00000177628
1	153491819	153491998	153491908	8	8	5	1.759573259	0.13508	C1orf2	ENSG00000160767
1	153498596	153499014	153498775	9	17	7	2.639359888	0.00777415	SCAMP3	ENSG00000116521
1	153509219	153509398	153509344	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CLK2	ENSG00000176444
1	153545052	153545245	153545192	8	9	2	3.910162798	0.00955088	FDPS	ENSG00000160752
1	153559599	153559985	153559778	11	19	2	7.820325595	1.32E-05	RUSC1	ENSG00000160753
1	153799149	153799480	153799314	8	13	7	2.052835469	0.046392	ASH1L	ENSG00000116539
1	153799486	153799722	153799561	8	12	5	2.541605819	0.0225912	ASH1L	ENSG00000116539
1	153887854	153888130	153887958	9	13	3	4.105670938	0.00243034	ERVK5	ENSG00000198358
1	154170624	154170875	154170749	10	11	7	1.759573259	0.102361	KIAA0907	ENSG00000132680
1	154174634	154174864	154174741	12	13	7	2.052835469	0.046392	RXFP4	ENSG00000173080
1	154216590	154216818	154216729	9	12	1	7.624817456	0.000332769	ARHGEF2	ENSG00000116584
1	154291095	154291460	154291242	14	19	11	1.955081399	0.0295891	ROBLD3	ENSG00000116586
1	154297339	154297715	154297506	10	16	6	2.848832895	0.00632407	RAB25	ENSG00000132698
1	154350946	154351169	154351077	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	LMNA	ENSG00000160789
1	154351506	154351963	154351784	9	17	3	5.278719777	0.000205462	LMNA	ENSG00000160789

1	154359823	154360579	154360319	99	140	8	18.37776515	1.12E-37		ENSG00000203263
1	154389807	154390144	154389969	11	16	4	3.988366054	0.00115141	SEMA4A	ENSG00000196189
1	154430303	154430676	154430587	11	17	4	4.222975822	0.000640773	SLC25A44	ENSG00000160785
1	154452704	154453427	154452881	109	235	154	1.786061459	6.42E-09		ENSG00000203262
1	154461878	154462131	154462013	16	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000203262
1	154519192	154519543	154519367	19	25	5	5.083211637	1.58E-05	TMEM79	ENSG00000163472
1	154520569	154520859	154520690	11	14	5	2.932622098	0.00829617	TMEM79	ENSG00000163472
1	154531890	154532220	154532060	9	13	3	4.105670938	0.00243034	C1orf85	ENSG00000198715
1	154538190	154538382	154538304	10	10	2	4.301179077	0.00512919	VHLL	ENSG00000189030
1	154593411	154593713	154593568	12	14	8	1.955081399	0.0506438	CCT3	ENSG00000163468
1	154604698	154604939	154604787	11	14	4	3.519146518	0.00361132	CCT3	ENSG00000163468
1	154622048	154622261	154622176	9	10	7	1.612942154	0.147335	RHBG	ENSG00000132677
1	154658186	154658487	154658336	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000207933
1	154693468	154693987	154693639	9	19	9	2.346097679	0.0107159		ENSG00000206651
1	154707999	154708424	154708245	14	22	10	2.452738482	0.00515848		ENSG00000206651
1	154737616	154737852	154737734	8	9	6	1.675784056	0.141978	MEF2D	ENSG00000116604
1	154741648	154741931	154741789	9	11	2	4.692195357	0.00272444	MEF2D	ENSG00000116604
1	154837534	154838132	154837944	15	28	8	3.779824038	5.98E-05	GPATCH4	ENSG00000160818
1	154839160	154839423	154839291	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	GPATCH4	ENSG00000160818
1	154852941	154853203	154853072	11	14	7	2.199466574	0.0303778	HAPLN2	ENSG00000132702
1	154896513	154896692	154896588	8	8	7	1.319679944	0.283403	NES	ENSG00000132688
1	154929092	154929351	154929207	12	13	2	5.474227917	0.000747844	CRABP2	ENSG00000143320
1	154942537	154942811	154942639	9	11	2	4.692195357	0.00272444	CRABP2	ENSG00000143320
1	154948982	154949193	154949090	8	9	4	2.346097679	0.050148	CRABP2	ENSG00000143320
1	154962228	154962473	154962371	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ISG20L2	ENSG00000143319
1	154977326	154978093	154977752	12	38	25	1.759573259	0.011673	MRPL24	ENSG00000143314
1	154988125	154988336	154988280	11	12	2	5.083211637	0.00143337	HDGF	ENSG00000143321
1	155003524	155003843	155003657	9	13	10	1.49297125	0.157311	PRCC	ENSG00000143294
1	155162731	155162968	155162807	9	9	2	3.910162798	0.00955088	C1orf92	ENSG00000160838
1	155310572	155310927	155310760	12	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000220759
1	155337795	155337998	155337938	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ETV3L	ENSG00000172018
1	155368848	155369416	155369276	18	30	6	5.194930574	2.42E-06		ENSG00000219338
1	155389004	155389183	155389100	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ETV3	ENSG00000117036
1	156361487	156361736	156361611	11	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000212882



1	157152574	157152770	157152706	10	11	1	7.038293036	0.000674435	PYHIN1	ENSG00000163564
1	157413727	157413947	157413858	12	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000208478
1	158017013	158017509	158017192	14	23	5	4.692195357	5.29E-05	DUSP23	ENSG00000158716
1	158136861	158137158	158136988	26	29	6	5.027352168	4.43E-06	CCDC19	ENSG00000213085
1	158152770	158152974	158152872	10	12	2	5.083211637	0.00143337	TAGLN2	ENSG00000158710
1	158182405	158182832	158182584	12	21	4	5.161414893	5.68E-05	IGSF9	ENSG00000085552
1	158268295	158268540	158268417	8	10	6	1.843362462	0.0964212	PIGM	ENSG00000143315
1	158498897	158499101	158499025	10	10	7	1.612942154	0.147335	WDR42A	ENSG00000132716
1	158651311	158651615	158651461	9	12	1	7.624817456	0.000332769	VANGL2	ENSG00000162738
1	159017813	159017996	159017944	8	8	3	2.639359888	0.0415794	LY9	ENSG00000122224
1	159187838	159188051	159187938	10	12	5	2.541605819	0.0225912	ITLN2	ENSG00000158764
1	159277970	159278179	159278074	8	9	2	3.910162798	0.00955088	USF1	ENSG00000158773
1	159282130	159282683	159282417	14	26	7	3.959039833	7.16E-05	USF1	ENSG00000158773
1	159311076	159311392	159311241	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	ARHGAP30	ENSG00000186517
1	159319976	159320265	159320120	9	13	4	3.28453675	0.00629037	PVRL4	ENSG00000143217
1	159325090	159325288	159325207	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PVRL4	ENSG00000143217
1	159325778	159326055	159325916	14	15	4	3.753756286	0.0020497	PVRL4	ENSG00000143217
1	159341058	159341262	159341160	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KLHDC9	ENSG00000162755
1	159413565	159413884	159413739	10	12	4	3.049926982	0.0108184	B4GALT3	ENSG00000158850
1	159438477	159438769	159438631	11	12	4	3.049926982	0.0108184	NDUFS2	ENSG00000158864
1	159462006	159462406	159462185	12	19	5	3.910162798	0.000546977	TOMM40L	ENSG00000158882
1	159528085	159528264	159528174	8	8	2	3.519146518	0.017558	MPZ	ENSG00000158887
1	159626123	159626484	159626302	11	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000217421
1	159635750	159636006	159635878	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000206921
1	159636241	159636531	159636366	11	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000206921
1	159658351	159658613	159658456	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000208455
1	159664138	159664615	159664451	19	30	14	2.424300935	0.00163956		ENSG00000208455
1	159760224	159760420	159760322	8	9	5	1.955081399	0.0892323	HSPA6	ENSG00000173110
1	159767363	159767700	159767606	11	16	6	2.848832895	0.00632407	HSPA6	ENSG00000173110
1	159776619	159776876	159776747	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000219527
1	159928261	159928602	159928464	11	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000213075
1	160002553	160002926	160002732	8	15	6	2.68125449	0.0103552	ATF6	ENSG00000118217
1	160330765	160331206	160330943	21	30	6	5.194930574	2.42E-06	NOS1AP	ENSG00000198929
1	160388719	160389014	160388866	11	14	4	3.519146518	0.00361132	NOS1AP	ENSG00000198929

1	160395949	160396216	160396093	17	19	1	11.73048839	2.14E-06	NOS1AP	ENSG00000198929
1	160404684	160404925	160404804	11	14	2	5.865244197	0.000387308	NOS1AP	ENSG00000198929
1	160823804	160823993	160823898	8	8	3	2.639359888	0.0415794	UAP1	ENSG00000117143
1	161083370	161083621	161083470	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C1orf110	ENSG00000185860
1	161149811	161150061	161149936	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C1orf110	ENSG00000185860
1	161558135	161558457	161558293	14	17	6	3.016411301	0.00381427	NUF2	ENSG00000143228
1	161838873	161839077	161838975	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000212527
1	162059970	162060240	162060105	18	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000219510
1	162834586	162834866	162834733	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000215839
1	162837895	162838160	162838049	17	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000215839
1	162847678	162847935	162847806	11	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000215839
1	162937124	162937383	162937241	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000208426
1	162942990	162943169	162943079	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000208426
1	162984397	162984677	162984564	10	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000208426
1	163008675	163008894	163008831	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000208426
1	163023092	163023471	163023295	8	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000201987
1	163127558	163127818	163127653	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217172
1	163398491	163398742	163398618	10	12	3	3.812408728	0.004404	LMX1A	ENSG00000162761
1	163398756	163399034	163398895	11	16	3	4.985457567	0.000385643	LMX1A	ENSG00000162761
1	163603370	163603569	163603400	9	9	0	11.73048839	0.000425898	LMX1A	ENSG00000162761
1	163732428	163732607	163732517	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000220111
1	163828878	163829057	163828972	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208402
1	164064847	164065058	164064971	8	9	7	1.466311049	0.20706	UCK2	ENSG00000143179
1	164094238	164094547	164094397	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	UCK2	ENSG00000143179
1	164139761	164139945	164139889	8	8	2	3.519146518	0.017558	UCK2	ENSG00000143179
1	164839222	164839423	164839342	9	9	0	11.73048839	0.000425898	FMO9P	ENSG00000215834
1	165112083	165112423	165112222	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	TADA1L	ENSG00000152382
1	165146380	165146581	165146480	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TADA1L	ENSG00000152382
1	165249047	165249348	165249197	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000200036
1	165302478	165302657	165302584	8	8	4	2.111487911	0.0804809	GPA33	ENSG00000143167
1	165458217	165458413	165458315	9	10	1	6.451768616	0.00135978	POU2F1	ENSG00000143190
1	165951400	165951649	165951516	8	9	5	1.955081399	0.0892323	MPZL1	ENSG00000197965
1	166162418	166162768	166162590	9	12	2	5.083211637	0.00143337	BRP44	ENSG00000143158
1	166171997	166172228	166172071	8	11	4	2.815317214	0.0183428	BRP44	ENSG00000143158

1	166334558	166334859	166334708	9	12	4	3.049926982	0.0108184	GPR161	ENSG00000143147
1	166336354	166336567	166336460	8	8	4	2.111487911	0.0804809	GPR161	ENSG00000143147
1	166414588	166415013	166414707	9	16	5	3.323638378	0.00288759	TIPRL	ENSG00000143155
1	166557942	166558151	166558046	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TBX19	ENSG00000143178
1	166578641	166578826	166578733	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000218085
1	166641667	166642084	166641918	10	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000207974
1	166675669	166675898	166675776	14	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000215833
1	166839470	166839649	166839573	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000216686
1	167002525	167002879	167002702	8	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000221578
1	167100183	167100458	167100320	8	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000220043
1	167142921	167143279	167143100	16	22	8	2.997791478	0.00137524		ENSG00000220043
1	167227537	167228147	167227803	26	46	8	6.125921716	1.47E-09		ENSG00000213063
1	167344777	167345103	167344940	10	15	6	2.68125449	0.0103552	ATP1B1	ENSG00000143153
1	167438740	167439205	167438959	53	65	0	77.42122339	5.67E-23	ATP1B1	ENSG00000143153
1	167603781	167604214	167604054	12	17	3	5.278719777	0.000205462	BLZF1	ENSG00000117475
1	167721883	167722214	167722048	9	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000213062
1	167765238	167765542	167765390	16	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000213062
1	167820426	167820688	167820552	9	10	2	4.301179077	0.00512919	F5	ENSG00000198734
1	168030515	168030830	168030672	9	14	5	2.932622098	0.00829617	C1orf156	ENSG00000171806
1	168030882	168031061	168030971	10	11	1	7.038293036	0.000674435	C1orf112	ENSG00000000460
1	168127090	168127441	168127265	17	22	9	2.69801233	0.00276236	SCYL3	ENSG00000000457
1	168402556	168402735	168402629	8	8	1	5.278719777	0.00542188	METTL11B	ENSG00000203740
1	168767459	168768127	168767949	11	30	12	2.797270309	0.000480593	SCYL1BP1	ENSG00000120370
1	169490968	169491185	169491076	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000206692
1	169557905	169558210	169558073	12	16	3	4.985457567	0.000385643	FMO4	ENSG00000076258
1	169721117	169721413	169721235	8	12	4	3.049926982	0.0108184	BAT2D1	ENSG00000117523
1	169734048	169734305	169734176	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208362
1	169891353	169891532	169891442	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MYOC	ENSG00000034971
1	169977896	169978163	169978036	15	18	6	3.183989707	0.00227432	VAMP4	ENSG00000117533
1	169990139	169990561	169990317	17	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000218993
1	170016855	170017104	170016979	9	10	10	1.173048839	0.355733	KIAA0859	ENSG00000010165
1	170442772	170443082	170442927	25	27	4	6.5690735	1.26E-06		ENSG00000208024
1	170659114	170659493	170659339	49	53	1	31.67231866	1.89E-17	C1orf105	ENSG00000180999
1	170679658	170680001	170679829	10	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000212919

1	170685777	170685972	170685863	8	10	6	1.843362462	0.0964212	C1orf105	ENSG00000180999
1	170712039	170712374	170712208	22	25	1	15.24963491	2.59E-08	C1orf105	ENSG00000180999
1	170739674	170739853	170739763	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C1orf9	ENSG00000094975
1	170765812	170766195	170765986	21	27	10	2.9859425	0.000503424	C1orf9	ENSG00000094975
1	170768190	170768435	170768316	8	10	12	0.992579787	0.511743	C1orf9	ENSG00000094975
1	170768545	170768745	170768645	8	9	4	2.346097679	0.050148	C1orf9	ENSG00000094975
1	171248503	171248737	171248618	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TNFSF18	ENSG00000120337
1	171510780	171510988	171510902	8	10	5	2.150589539	0.0575848	TNFSF4	ENSG00000117586
1	171592392	171592609	171592500	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000218557
1	171712675	171712916	171712795	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PRDX6	ENSG00000117592
1	171724963	171725152	171725060	8	8	2	3.519146518	0.017558	PRDX6	ENSG00000117592
1	171950486	171950769	171950627	18	19	5	3.910162798	0.000546977	KLHL20	ENSG00000076321
1	172060169	172060357	172060263	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CENPL	ENSG00000120334
1	172060441	172060678	172060562	8	9	5	1.955081399	0.0892323	DARS2	ENSG00000117593
1	172103544	172103861	172103702	20	25	18	1.605224727	0.0562573	ZBTB37	ENSG00000185278
1	172104575	172104862	172104746	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ZBTB37	ENSG00000185278
1	172129873	172130286	172130052	13	20	2	8.211341875	6.65E-06	SERPINC1	ENSG00000117601
1	172161178	172161404	172161291	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SERPINC1	ENSG00000117601
1	172395254	172395485	172395411	9	10	5	2.150589539	0.0575848	RABGAP1L	ENSG00000152061
1	172642262	172642553	172642398	17	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000218489
1	173119231	173119467	173119349	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RABGAP1L	ENSG00000152061
1	173234343	173234766	173234628	9	14	5	2.932622098	0.00829617	CACYBP	ENSG00000116161
1	173235153	173235785	173235438	13	30	6	5.194930574	2.42E-06	CACYBP	ENSG00000116161
1	173258974	173259351	173259153	8	15	5	3.128130238	0.00492422	MRPS14	ENSG00000120333
1	173413960	173414159	173414047	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TNN	ENSG00000120332
1	173414342	173414613	173414491	10	13	2	5.474227917	0.000747844	TNN	ENSG00000120332
1	173507108	173507301	173507184	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000219660
1	173555069	173555377	173555202	9	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000219660
1	173766633	173767049	173766799	10	18	5	3.714654658	0.000961539	TNR	ENSG00000116147
1	173978797	173979020	173978869	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TNR	ENSG00000116147
1	174123716	174123957	174123839	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000218113
1	174443054	174443392	174443214	16	21	7	3.225884308	0.00106152	RFWD2	ENSG00000143207
1	174443492	174443688	174443579	8	9	4	2.346097679	0.050148	RFWD2	ENSG00000143207
1	174795707	174795937	174795811	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000172760

1	174927469	174927711	174927599	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000172760
1	174979935	174980268	174980099	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000172760
1	174981621	174982052	174981800	8	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000172760
1	174988440	174988679	174988559	11	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000172760
1	175133642	175133845	175133720	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000202609
1	175184876	175185186	175185031	12	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000202609
1	175406516	175406895	175406692	13	19	1	11.73048839	2.14E-06	FAM5B	ENSG00000198797
1	175421781	175421972	175421914	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222749
1	175492170	175492489	175492329	15	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000222749
1	175540899	175541100	175540995	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222749
1	175676648	175676900	175676774	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222749
1	175678391	175678595	175678482	8	9	13	0.837892028	0.672794		ENSG00000222749
1	175684519	175685099	175684698	18	34	14	2.737113958	0.000281523		ENSG00000222749
1	175686854	175687091	175686980	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000222749
1	175723224	175723470	175723396	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222749
1	175821317	175821810	175821496	19	35	18	2.222618853	0.00178073	SEC16B	ENSG00000120341
1	175824917	175825297	175825073	17	22	4	5.396024661	3.05E-05	SEC16B	ENSG00000120341
1	175834912	175835140	175835052	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SEC16B	ENSG00000120341
1	175846774	175847227	175846999	12	22	6	3.854303329	0.000260696	SEC16B	ENSG00000120341
1	176142797	176142976	176142934	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SEC16B	ENSG00000120341
1	176148887	176149218	176149154	12	17	4	4.222975822	0.000640773	SEC16B	ENSG00000120341
1	176149393	176149792	176149559	9	15	5	3.128130238	0.00492422	SEC16B	ENSG00000120341
1	176150771	176150952	176150796	9	10	0	12.90353723	0.000195991	SEC16B	ENSG00000120341
1	176181643	176181992	176181817	20	25	5	5.083211637	1.58E-05	SEC16B	ENSG00000120341
1	176184074	176184452	176184253	12	19	5	3.910162798	0.000546977	SEC16B	ENSG00000120341
1	176220025	176220205	176220115	8	8	6	1.508205651	0.203852	SEC16B	ENSG00000120341
1	176231170	176231413	176231291	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SEC16B	ENSG00000120341
1	176329141	176329605	176329375	9	20	6	3.519146518	0.000784044	RASAL2	ENSG00000075391
1	176330263	176330533	176330383	8	11	4	2.815317214	0.0183428	RASAL2	ENSG00000075391
1	176513899	176514235	176514067	22	23	1	14.07658607	1.14E-07	RASAL2	ENSG00000075391
1	176546371	176546550	176546503	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RASAL2	ENSG00000075391
1	176891437	176891847	176891616	9	17	5	3.519146518	0.00167472	RALGPS2	ENSG00000116191
1	177252790	177253138	177252993	10	14	4	3.519146518	0.00361132	FAM20B	ENSG00000116199
1	177262858	177263037	177262995	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM20B	ENSG00000116199

1	177274632	177275331	177274945	49	69	5	13.68556979	2.14E-18		ENSG00000217530
1	177317404	177317851	177317568	11	19	3	5.865244197	5.72E-05	TOR3A	ENSG00000186283
1	177318664	177318922	177318787	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TOR3A	ENSG00000186283
1	177341118	177341441	177341267	14	18	4	4.457585589	0.000353565	TOR3A	ENSG00000186283
1	177601330	177601867	177601537	9	23	12	2.165628626	0.0100985	C1orf125	ENSG00000162779
1	177616204	177616435	177616315	8	9	4	2.346097679	0.050148	C1orf125	ENSG00000162779
1	177634235	177634452	177634343	10	10	2	4.301179077	0.00512919	C1orf125	ENSG00000162779
1	177822020	177822258	177822139	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000217660
1	177827861	177828133	177827997	8	11	1	7.038293036	0.000674435	TDRD5	ENSG00000162782
1	177942134	177942385	177942275	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000221547
1	178050491	178051014	178050842	12	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000218839
1	178113414	178113595	178113502	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000218839
1	178113711	178113928	178113804	8	9	8	1.303387599	0.281715	TOR1AIP2	ENSG00000169905
1	178117596	178117910	178117753	8	13	5	2.737113958	0.0137917	TOR1AIP1	ENSG00000143337
1	178117971	178118302	178118144	10	14	8	1.955081399	0.0506438	TOR1AIP1	ENSG00000143337
1	178118329	178118732	178118500	25	33	6	5.697665791	3.83E-07	TOR1AIP1	ENSG00000143337
1	178190139	178190588	178190441	12	24	14	1.955081399	0.0175993	CEP350	ENSG00000135837
1	178362188	178362376	178362235	8	8	1	5.278719777	0.00542188	QSOX1	ENSG00000116260
1	178390086	178390432	178390256	17	22	4	5.396024661	3.05E-05	QSOX1	ENSG00000116260
1	178403651	178404104	178403917	13	23	16	1.65606895	0.0532464	QSOX1	ENSG00000116260
1	178409686	178409868	178409719	8	8	4	2.111487911	0.0804809	QSOX1	ENSG00000116260
1	178414575	178414809	178414685	8	10	9	1.290353723	0.279648	QSOX1	ENSG00000116260
1	178423895	178424265	178424074	10	17	8	2.346097679	0.0144542	QSOX1	ENSG00000116260
1	178505626	178505805	178505715	9	9	2	3.910162798	0.00955088	LHX4	ENSG00000121454
1	178735563	178735894	178735730	28	32	4	7.742122339	4.68E-08	ACBD6	ENSG00000135847
1	178738471	178738818	178738606	10	15	4	3.753756286	0.0020497	ACBD6	ENSG00000135847
1	178751326	178751535	178751422	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000206905
1	178751574	178752298	178751872	100	196	10	21.0082383	2.77E-53		ENSG00000206905
1	178757694	178758308	178758040	48	85	2	33.62740006	1.17E-26		ENSG00000206905
1	178791207	178791513	178791360	17	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000206905
1	178816121	178816430	178816273	8	12	4	3.049926982	0.0108184	XPR1	ENSG00000143324
1	178821283	178821646	178821467	33	40	7	6.011875301	1.73E-08	XPR1	ENSG00000143324
1	179098862	179099111	179098963	8	11	5	2.346097679	0.0364013	KIAA1614	ENSG00000135835
1	179117710	179117927	179117818	9	9	9	1.173048839	0.362316	KIAA1614	ENSG00000135835

1	179188335	179188539	179188437	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000220772
1	179198058	179198407	179198232	11	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000220772
1	179257593	179257781	179257639	8	8	9	1.055743955	0.456865	STX6	ENSG00000135823
1	179258749	179259043	179258884	10	13	4	3.28453675	0.00629037	STX6	ENSG00000135823
1	179268925	179269517	179269093	10	23	11	2.346097679	0.00594236	MR1	ENSG00000153029
1	179269555	179269806	179269721	10	14	9	1.759573259	0.0786014	MR1	ENSG00000153029
1	179274274	179274575	179274445	10	12	7	1.906204364	0.0695918	MR1	ENSG00000153029
1	179276249	179276634	179276428	9	17	3	5.278719777	0.000205462	MR1	ENSG00000153029
1	179320082	179320568	179320261	24	35	9	4.222975822	3.17E-06	IER5	ENSG00000162783
1	179324159	179324678	179324522	18	28	13	2.429886881	0.00217891	IER5	ENSG00000162783
1	179325392	179326001	179325688	13	27	8	3.649485278	0.000102745	IER5	ENSG00000162783
1	179331648	179331875	179331761	9	11	2	4.692195357	0.00272444	IER5	ENSG00000162783
1	179333711	179333961	179333809	8	10	4	2.580707446	0.0306059	IER5	ENSG00000162783
1	179335060	179336175	179335522	90	140	12	12.72306818	4.33E-34	IER5	ENSG00000162783
1	179336214	179336597	179336486	8	14	12	1.353517892	0.211235	IER5	ENSG00000162783
1	179337740	179337959	179337849	9	11	1	7.038293036	0.000674435	IER5	ENSG00000162783
1	179340036	179340303	179340170	9	14	4	3.519146518	0.00361132	IER5	ENSG00000162783
1	179344287	179344516	179344352	8	10	7	1.612942154	0.147335	IER5	ENSG00000162783
1	179348024	179348711	179348353	15	37	10	4.052350536	2.71E-06	IER5	ENSG00000162783
1	179353319	179353933	179353579	44	75	9	8.915171179	4.29E-17	IER5	ENSG00000162783
1	179354850	179355679	179355247	46	77	18	4.815674182	1.31E-12	IER5	ENSG00000162783
1	179356580	179356858	179356713	10	13	8	1.824742639	0.0744168	IER5	ENSG00000162783
1	179362816	179363269	179363042	27	36	16	2.553106297	0.000397168	IER5	ENSG00000162783
1	179369382	179369676	179369543	8	11	3	3.519146518	0.00788869	IER5	ENSG00000162783
1	179369748	179369966	179369857	8	8	7	1.319679944	0.283403	IER5	ENSG00000162783
1	179370216	179371683	179370888	1067	1468	26	63.82254611	0	IER5	ENSG00000162783
1	179371798	179372111	179371934	10	13	4	3.28453675	0.00629037	IER5	ENSG00000162783
1	179378204	179378638	179378383	19	28	10	3.092583304	0.000307818	IER5	ENSG00000162783
1	179387624	179387976	179387800	8	13	5	2.737113958	0.0137917	IER5	ENSG00000162783
1	179394352	179394536	179394471	8	9	2	3.910162798	0.00955088	IER5	ENSG00000162783
1	179402340	179402587	179402466	13	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000179452
1	179547144	179547474	179547309	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000179452
1	179592287	179592472	179592379	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179626558	179626756	179626650	8	10	5	2.150589539	0.0575848	CACNA1E	ENSG00000198216

1	179633625	179633808	179633716	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179659248	179659565	179659406	11	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000208272
1	179660567	179661107	179660811	28	42	10	4.585554554	1.62E-07		ENSG00000208272
1	179705621	179705862	179705714	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179715050	179715311	179715170	8	10	7	1.612942154	0.147335	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179721499	179721747	179721623	10	11	4	2.815317214	0.0183428	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179757151	179757384	179757267	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179757444	179757987	179757758	102	134	9	15.83615933	7.34E-35	CACNA1E	ENSG00000198216
1	180265113	180265404	180265258	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	ZNF648	ENSG00000179930
1	180337228	180337442	180337335	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ZNF648	ENSG00000179930
1	180382076	180382451	180382248	41	50	4	11.96509816	2.00E-13		ENSG00000217074
1	180551119	180551303	180551207	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000206764
1	180824839	180825018	180824926	8	8	7	1.319679944	0.283403	RNASEL	ENSG00000135828
1	180839105	180839340	180839222	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	RGS16	ENSG00000143333
1	180840099	180840320	180840247	9	11	4	2.815317214	0.0183428	RGS16	ENSG00000143333
1	180840322	180840512	180840417	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RGS16	ENSG00000143333
1	180850509	180851118	180850813	9	22	6	3.854303329	0.000260696	RGS16	ENSG00000143333
1	180852083	180852279	180852181	11	12	2	5.083211637	0.00143337	RGS16	ENSG00000143333
1	180869496	180870043	180869661	22	37	15	2.785990993	0.000136587	RGS16	ENSG00000143333
1	180879136	180879332	180879271	9	9	1	5.865244197	0.00272497	RGS8	ENSG00000135824
1	180879344	180879907	180879670	165	220	6	37.03482764	1.45E-65	RGS8	ENSG00000135824
1	180882555	180882808	180882655	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	RGS8	ENSG00000135824
1	180923123	180923440	180923273	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	RGS8	ENSG00000135824
1	180996851	180997629	180997282	209	281	0	330.7997727	8.84E-96	NPL	ENSG00000135838
1	181018087	181018402	181018244	9	13	2	5.474227917	0.000747844	NPL	ENSG00000135838
1	181020406	181020585	181020566	8	8	6	1.508205651	0.203852	NPL	ENSG00000135838
1	181042146	181042352	181042249	8	10	4	2.580707446	0.0306059	NPL	ENSG00000135838
1	181048048	181048249	181048177	8	10	1	6.451768616	0.00135978	NPL	ENSG00000135838
1	181075074	181075298	181075171	11	11	2	4.692195357	0.00272444	DHX9	ENSG00000135829
1	181104972	181105416	181105242	18	26	3	7.918079665	5.55E-07	DHX9	ENSG00000135829
1	181198312	181198757	181198529	46	60	5	11.92599653	1.21E-15		ENSG00000176855
1	181205331	181205594	181205451	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000176855
1	181258215	181258499	181258386	8	13	3	4.105670938	0.00243034	LAMC1	ENSG00000135862
1	181259609	181259945	181259777	11	15	2	6.256260476	0.000199274	LAMC1	ENSG00000135862



1	181277851	181278044	181277947	10	10	0	12.90353723	0.000195991	LAMC1	ENSG00000135862
1	181287491	181287805	181287648	8	13	6	2.346097679	0.0266147	LAMC1	ENSG00000135862
1	181288633	181288915	181288800	10	14	2	5.865244197	0.000387308	LAMC1	ENSG00000135862
1	181363832	181364090	181363961	8	10	6	1.843362462	0.0964212	LAMC2	ENSG00000058085
1	181395748	181396119	181395927	20	27	10	2.9859425	0.000503424	LAMC2	ENSG00000058085
1	181448741	181448955	181448848	8	10	1	6.451768616	0.00135978	LAMC2	ENSG00000058085
1	181493846	181494103	181493959	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000219772
1	181550097	181550307	181550202	10	10	1	6.451768616	0.00135978	NMNAT2	ENSG00000157064
1	181585096	181585479	181585300	10	17	4	4.222975822	0.000640773	NMNAT2	ENSG00000157064
1	181697165	181697441	181697296	12	13	6	2.346097679	0.0266147	SMG7	ENSG00000116698
1	181706088	181706316	181706201	8	10	5	2.150589539	0.0575848	SMG7	ENSG00000116698
1	181707586	181708186	181707765	15	30	16	2.13908906	0.00465307	SMG7	ENSG00000116698
1	181816108	181816509	181816330	9	16	7	2.492728784	0.0124193	NCF2	ENSG00000116701
1	181871302	181871622	181871463	9	12	8	1.694403879	0.107291	ARPC5	ENSG00000162704
1	181891237	181891863	181891532	9	22	10	2.452738482	0.00515848	APOBEC4	ENSG00000173627
1	182005690	182005972	182005833	16	18	6	3.183989707	0.00227432	RGL1	ENSG00000143344
1	182287070	182287501	182287355	10	17	6	3.016411301	0.00381427	TSEN15	ENSG00000198860
1	182623596	182623776	182623686	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C1orf21	ENSG00000116667
1	182629053	182629264	182629157	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	C1orf21	ENSG00000116667
1	182644388	182644819	182644544	9	17	14	1.407658607	0.162567		ENSG00000221414
1	182654319	182654604	182654461	17	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000221414
1	182659990	182660241	182660138	19	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000221414
1	182693410	182693630	182693520	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000221414
1	182718948	182719354	182719131	10	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000221414
1	182781416	182781649	182781532	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000217919
1	182799123	182799388	182799283	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000217919
1	182802763	182802967	182802865	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000217919
1	182871608	182871851	182871729	8	11	1	7.038293036	0.000674435	C1orf21	ENSG00000116667
1	182920536	182920731	182920657	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	EDEM3	ENSG00000116406
1	182922464	182922657	182922608	9	11	2	4.692195357	0.00272444	EDEM3	ENSG00000116406
1	182989768	182990120	182989944	9	15	4	3.753756286	0.0020497	EDEM3	ENSG00000116406
1	182990429	182990936	182990596	11	20	6	3.519146518	0.000784044	EDEM3	ENSG00000116406
1	183041368	183041583	183041475	8	9	1	5.865244197	0.00272497	EDEM3	ENSG00000116406
1	183074279	183074897	183074568	18	33	9	3.988366054	9.65E-06	FAM129A	ENSG00000135842

1	183125253	183125455	183125347	9	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM129A	ENSG00000135842
1	183140967	183141154	183141093	10	10	8	1.433726359	0.209175	FAM129A	ENSG00000135842
1	183141350	183141716	183141529	12	19	1	11.73048839	2.14E-06	FAM129A	ENSG00000135842
1	183165726	183166060	183165893	13	18	6	3.183989707	0.00227432	FAM129A	ENSG00000135842
1	183222117	183222361	183222239	11	12	1	7.624817456	0.000332769	FAM129A	ENSG00000135842
1	183392643	183392897	183392770	9	11	8	1.564065119	0.151515	C1orf26	ENSG00000116668
1	183553163	183553449	183553306	12	14	7	2.199466574	0.0303778	IVNS1ABP	ENSG00000116679
1	183724815	183724994	183724885	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000207108
1	183727477	183727710	183727615	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207108
1	183882034	183882321	183882177	26	29	2	11.73048839	1.18E-08		ENSG00000201596
1	183932530	183932792	183932681	8	10	2	4.301179077	0.00512919	HMCN1	ENSG00000143341
1	183969751	183970143	183969930	9	17	3	5.278719777	0.000205462	HMCN1	ENSG00000143341
1	183987719	183987898	183987777	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HMCN1	ENSG00000143341
1	184388436	184388903	184388610	18	27	8	3.649485278	0.000102745	PRG4	ENSG00000116690
1	184448268	184448621	184448444	10	16	6	2.848832895	0.00632407	PRG4	ENSG00000116690
1	184610739	184611408	184611229	15	33	10	3.625787322	2.36E-05	TPR	ENSG00000047410
1	184975303	184975663	184975501	16	20	0	24.63402563	8.35E-08	PTGS2	ENSG00000073756
1	184987158	184987376	184987257	11	11	2	4.692195357	0.00272444	PTGS2	ENSG00000073756
1	185163665	185163918	185163791	12	14	6	2.513676084	0.016726	PLA2G4A	ENSG00000116711
1	185498525	185498800	185498639	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000203918
1	185500755	185500976	185500865	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000203918
1	185643914	185644346	185644121	33	46	2	18.37776515	5.11E-14		ENSG00000203918
1	185712512	185712811	185712661	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000203918
1	185866371	185866727	185866549	31	37	0	44.57585589	1.55E-13		ENSG00000217211
1	185874382	185875024	185874688	45	62	2	24.63402563	3.62E-19		ENSG00000217712
1	186353237	186353449	186353343	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222240
1	186608592	186608860	186608751	15	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000219094
1	186668186	186668384	186668318	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000219094
1	186725030	186725505	186725208	15	24	27	1.047365035	0.435612		ENSG00000217509
1	186768988	186769167	186769077	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217509
1	186886993	186887214	186887103	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000217509
1	187005712	187005916	187005830	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000218573
1	187101854	187102041	187101947	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000218573
1	187385432	187385816	187385611	13	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000219973

1	187425519	187425782	187425667	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000219973
1	187666548	187666727	187666637	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219973
1	188165322	188165527	188165382	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000217253
1	188688584	188688781	188688638	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FAM5C	ENSG00000162670
1	188869864	188870097	188869980	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000218693
1	188905592	188905790	188905685	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000218693
1	189108204	189108421	189108348	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219198
1	189515215	189515561	189515388	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000217637
1	189888977	189889166	189889114	8	8	5	1.759573259	0.13508		
1	189926775	189926961	189926868	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RGS18	ENSG00000150681
1	189937767	189938104	189937935	10	15	7	2.346097679	0.0195693	RGS18	ENSG00000150681
1	190137420	190137733	190137576	17	20	1	12.31701281	1.03E-06	RGS18	ENSG00000150681
1	190299707	190299938	190299822	11	11	1	7.038293036	0.000674435	RGS18	ENSG00000150681
1	191084048	191084228	191084152	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000223075
1	191137299	191137669	191137492	34	40	3	12.0237506	3.35E-11		ENSG00000223075
1	191295019	191295459	191295198	26	38	13	3.26777891	2.05E-05	UCHL5	ENSG00000116750
1	191357462	191358116	191357661	14	35	8	4.692195357	1.14E-06	CDC73	ENSG00000134371
1	192141130	192141348	192141239	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000219380
1	192771061	192771496	192771286	66	79	2	31.28130238	1.07E-24		ENSG00000208230
1	193433855	193434124	193433996	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000219853
1	193554404	193554673	193554580	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		
1	194175579	194175906	194175745	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		
1	194596850	194597050	194596950	10	11	5	2.346097679	0.0364013	KCNT2	ENSG00000162687
1	194959312	194959492	194959402	9	9	4	2.346097679	0.050148	CFHR3	ENSG00000116785
1	195260274	195260586	195260430	10	12	4	3.049926982	0.0108184	F13B	ENSG00000143278
1	195382561	195382740	195382672	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ASPM	ENSG00000066279
1	195436962	195437540	195437361	19	31	15	2.346097679	0.00187452	ZBTB41	ENSG00000177888
1	195592763	195593041	195592902	10	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000219706
1	195635881	195636093	195636027	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CRB1	ENSG00000134376
1	195721555	195721987	195721770	9	18	6	3.183989707	0.00227432	CRB1	ENSG00000134376
1	195722837	195723026	195722964	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CRB1	ENSG00000134376
1	195851011	195851218	195851098	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000213047
1	195996576	195996956	195996782	15	21	2	8.602358155	3.33E-06	DENND1B	ENSG00000162701
1	196011190	196011440	196011314	10	10	9	1.290353723	0.279648	DENND1B	ENSG00000162701

1	196151562	196151801	196151695	11	12	7	1.906204364	0.0695918	LHX9	ENSG00000143355
1	196308050	196308268	196308159	8	9	1	5.865244197	0.00272497	NEK7	ENSG00000151414
1	196391922	196392258	196392131	10	15	8	2.085420159	0.0338693	NEK7	ENSG00000151414
1	196393548	196393727	196393637	8	8	7	1.319679944	0.283403	NEK7	ENSG00000151414
1	196582034	196582278	196582156	16	17	4	4.222975822	0.000640773	NEK7	ENSG00000151414
1	196659457	196659776	196659598	16	19	2	7.820325595	1.32E-05	ATP6V1G3	ENSG00000151418
1	196905088	196905428	196905259	10	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000219393
1	197069498	197069803	197069650	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000207975
1	197126379	197126621	197126448	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000207759
1	197139081	197139319	197139191	11	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000207759
1	197168439	197168813	197168618	17	24	9	2.932622098	0.00106136		ENSG00000177287
1	197171164	197171621	197171486	18	26	10	2.879301697	0.000816629		ENSG00000177287
1	197175010	197175432	197175181	25	36	8	4.822534117	6.35E-07		ENSG00000177287
1	197349170	197349368	197349237	10	11	11	1.173048839	0.349489		ENSG00000177287
1	197410459	197410645	197410552	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220028
1	197479345	197479606	197479475	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000220028
1	198144764	198145382	198145062	25	47	5	9.384390715	9.52E-12		ENSG00000216458
1	198184672	198185162	198184917	160	211	5	41.44772566	6.23E-64		ENSG00000216458
1	198252645	198253110	198252852	8	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000202329
1	198275643	198275848	198275745	11	11	2	4.692195357	0.00272444	NR5A2	ENSG00000116833
1	198311867	198312199	198312033	8	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000208220
1	198326066	198326311	198326188	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000208220
1	198386511	198386829	198386690	14	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000220390
1	198396263	198396502	198396382	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000220390
1	198397656	198397961	198397808	12	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000220390
1	198419933	198420249	198420096	14	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000217193
1	198478649	198478831	198478740	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000217193
1	198502315	198502513	198502428	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000217193
1	198531866	198532246	198532039	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000213045
1	198555342	198555554	198555465	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000213045
1	198555734	198555936	198555896	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000213045
1	198612794	198613041	198612917	10	13	5	2.737113958	0.0137917	C1orf98	ENSG00000203721
1	198645707	198645951	198645803	11	14	9	1.759573259	0.0786014	ZNF281	ENSG00000162702
1	198646451	198646678	198646605	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ZNF281	ENSG00000162702

1	198713644	198713890	198713752	9	10	13	0.921681231	0.585856	ZNF281	ENSG00000162702
1	198719279	198719526	198719402	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ZNF281	ENSG00000162702
1	198724497	198724802	198724649	17	22	10	2.452738482	0.00515848	ZNF281	ENSG00000162702
1	198856393	198856837	198856615	12	22	9	2.69801233	0.00276236	KIF14	ENSG00000118193
1	198905237	198906075	198905931	10	32	12	2.977739361	0.000186314	DDX59	ENSG00000118197
1	198923454	198923854	198923677	11	17	1	10.55743955	9.18E-06	DDX59	ENSG00000118197
1	198941332	198941511	198941472	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CAMSAP1L1	ENSG00000118200
1	198974661	198974905	198974772	13	13	4	3.28453675	0.00629037	CAMSAP1L1	ENSG00000118200
1	198974965	198975263	198975134	12	13	7	2.052835469	0.046392	CAMSAP1L1	ENSG00000118200
1	198977741	198977935	198977837	8	9	5	1.955081399	0.0892323	CAMSAP1L1	ENSG00000118200
1	199038605	199038942	199038766	8	13	11	1.368556979	0.211388	RPL34P1	ENSG00000218506
1	199130393	199130617	199130505	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C1orf106	ENSG00000163362
1	199207795	199208004	199207871	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000201032
1	199278687	199278948	199278833	10	12	8	1.694403879	0.107291	KIF21B	ENSG00000116852
1	199315903	199316128	199316039	10	10	5	2.150589539	0.0575848	CACNA1S	ENSG00000081248
1	199329032	199329211	199329153	8	8	2	3.519146518	0.017558	CACNA1S	ENSG00000081248
1	199349904	199350505	199350074	21	43	4	10.32282979	2.63E-11		ENSG00000217218
1	199354931	199355238	199355076	10	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000217218
1	199412836	199413040	199412969	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMEM9	ENSG00000116857
1	199420561	199420982	199420839	14	21	6	3.686724924	0.000453999	TMEM9	ENSG00000116857
1	199443435	199443614	199443605	8	9	1	5.865244197	0.00272497	IGFN1	ENSG00000163395
1	199458555	199459138	199458821	11	24	12	2.255863153	0.00673318	IGFN1	ENSG00000163395
1	199495135	199495316	199495233	8	8	2	3.519146518	0.017558	PKP1	ENSG00000081277
1	199518101	199518356	199518228	13	15	4	3.753756286	0.0020497	PKP1	ENSG00000081277
1	199521387	199521910	199521711	15	28	6	4.859773763	8.07E-06	PKP1	ENSG00000081277
1	199524499	199524779	199524603	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	PKP1	ENSG00000081277
1	199543365	199543991	199543701	11	28	15	2.126151021	0.00621236	PKP1	ENSG00000081277
1	199545117	199545609	199545373	19	34	10	3.732428125	1.39E-05	PKP1	ENSG00000081277
1	199582445	199582660	199582600	11	13	10	1.49297125	0.157311	TNNT2	ENSG00000118194
1	199583950	199584147	199584045	9	10	6	1.843362462	0.0964212	TNNT2	ENSG00000118194
1	199606516	199606710	199606613	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TNNT2	ENSG00000118194
1	199616884	199617167	199617025	20	21	7	3.225884308	0.00106152	TNNT2	ENSG00000118194
1	199621087	199621562	199621383	10	18	10	2.026175268	0.0273052	TNNT2	ENSG00000118194
1	199628920	199629181	199629062	9	10	5	2.150589539	0.0575848	LAD1	ENSG00000159166

1	199635407	199635762	199635584	10	15	3	4.692195357	0.000718455	LAD1	ENSG00000159166
1	199671494	199671784	199671639	13	14	3	4.398933147	0.00132748	TNNI1	ENSG00000159173
1	199683732	199683966	199683849	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TNNI1	ENSG00000159173
1	199683998	199684371	199684243	8	14	4	3.519146518	0.00361132	TNNI1	ENSG00000159173
1	199696842	199697199	199697020	12	18	4	4.457585589	0.000353565	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199697415	199697981	199697857	9	21	5	4.301179077	0.000172642	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199703526	199703768	199703692	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199703772	199704152	199703973	14	23	9	2.815317214	0.00172056	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199704162	199705086	199704880	202	241	9	28.38778191	1.02E-68	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199705103	199705548	199705295	12	21	7	3.225884308	0.00106152	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199716041	199716837	199716493	22	51	13	4.357038546	2.02E-08	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199717742	199718251	199717996	17	29	7	4.398933147	1.30E-05	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199747816	199748036	199747931	14	16	6	2.848832895	0.00632407	CSRP1	ENSG00000159176
1	199748081	199748324	199748202	10	13	5	2.737113958	0.0137917	CSRP1	ENSG00000159176
1	199748735	199749063	199748908	23	26	12	2.436332205	0.00289956	CSRP1	ENSG00000159176
1	199753479	199753678	199753625	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000218820
1	199758982	199759207	199759082	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000218820
1	199773473	199773685	199773543	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000218820
1	199776636	199777133	199776954	12	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000218820
1	199795349	199795748	199795528	18	26	10	2.879301697	0.000816629		ENSG00000218820
1	199829129	199829364	199829246	8	10	2	4.301179077	0.00512919	NAV1	ENSG00000134369
1	199830370	199830753	199830611	9	14	6	2.513676084	0.016726	NAV1	ENSG00000134369
1	199833585	199833868	199833726	13	16	9	1.994183027	0.0370915	NAV1	ENSG00000134369
1	199859525	199859816	199859662	8	9	6	1.675784056	0.141978	NAV1	ENSG00000134369
1	199886073	199886505	199886351	11	19	4	4.692195357	0.000193572	NAV1	ENSG00000134369
1	199940010	199940303	199940156	12	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000184965
1	199943862	199944043	199943952	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000184965
1	199945278	199945563	199945441	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000184965
1	199977802	199978013	199977907	8	9	6	1.675784056	0.141978	NAV1	ENSG00000134369
1	200113714	200113893	200113813	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SHISA4	ENSG00000198892
1	200222842	200223056	200222949	9	10	0	12.90353723	0.000195991	RNPEP	ENSG00000176393
1	200245945	200246180	200246062	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ELF3	ENSG00000163435
1	200254225	200255044	200254640	28	62	19	3.695103844	1.25E-08	ELF3	ENSG00000163435
1	200258408	200258597	200258512	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000220486

1	200258699	200259423	200258970	23	45	23	2.248343609	0.000435705		ENSG00000220486
1	200270574	200270808	200270685	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000217849
1	200281825	200282968	200282238	34	80	40	2.317486731	2.80E-06		ENSG00000217849
1	200292311	200293193	200292520	96	179	22	9.180382221	4.32E-38		ENSG00000217849
1	200294015	200294622	200294194	10	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000217849
1	200321744	200321942	200321913	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000216268
1	200322613	200323100	200322861	13	22	13	1.927151665	0.0235996		ENSG00000216268
1	200326739	200326993	200326866	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000216268
1	200336966	200337219	200337062	8	11	11	1.173048839	0.349489		ENSG00000216268
1	200341270	200341999	200341801	12	29	13	2.513676084	0.00141455		ENSG00000216268
1	200342052	200342421	200342231	16	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000216268
1	200342446	200342677	200342559	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000216268
1	200343033	200343439	200343276	13	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000216268
1	200344062	200344444	200344265	10	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000216268
1	200349866	200350045	200349955	8	8	5	1.759573259	0.13508	GPR37L1	ENSG00000170075
1	200354811	200355085	200354940	14	15	5	3.128130238	0.00492422	GPR37L1	ENSG00000170075
1	200367813	200368603	200367976	12	32	14	2.580707446	0.000690197	GPR37L1	ENSG00000170075
1	200370984	200371183	200371083	10	10	3	3.225884308	0.0139466	ARL8A	ENSG00000143862
1	200371185	200371369	200371236	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ARL8A	ENSG00000143862
1	200379511	200379771	200379641	17	18	5	3.714654658	0.000961539	ARL8A	ENSG00000143862
1	200390516	200390945	200390677	9	16	4	3.988366054	0.00115141	PTPN7	ENSG00000143851
1	200390976	200391415	200391155	11	20	8	2.737113958	0.0036449	PTPN7	ENSG00000143851
1	200406726	200406937	200406831	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000216731
1	200420495	200420675	200420612	8	8	7	1.319679944	0.283403	LGR6	ENSG00000133067
1	200472154	200472655	200472415	13	26	14	2.111487911	0.00831019		ENSG00000208209
1	200472824	200473599	200473065	116	142	10	15.24963491	2.02E-36		ENSG00000208209
1	200551433	200551660	200551516	12	15	9	1.876878143	0.0544542	UBE2T	ENSG00000077152
1	200577813	200578038	200577923	14	15	8	2.085420159	0.0338693	UBE2T	ENSG00000077152
1	200584160	200584558	200584359	17	26	11	2.639359888	0.0015854	PPP1R12B	ENSG00000077157
1	200589999	200590358	200590169	21	26	7	3.959039833	7.16E-05	PPP1R12B	ENSG00000077157
1	200615671	200616127	200615929	8	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000220897
1	200646608	200646795	200646701	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000201103
1	200811959	200812373	200812210	14	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000212880
1	200836008	200836214	200836138	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000212880

1	200907108	200907424	200907274	11	15	5	3.128130238	0.00492422	SYT2	ENSG00000143858
1	200955380	200955643	200955511	13	14	6	2.513676084	0.016726	SYT2	ENSG00000143858
1	201032166	201032363	201032253	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000216668
1	201044091	201044552	201044280	9	17	8	2.346097679	0.0144542	JARID1B	ENSG00000117139
1	201046302	201046725	201046518	13	23	6	4.021881735	0.000148535	JARID1B	ENSG00000117139
1	201048397	201048719	201048562	9	12	4	3.049926982	0.0108184	JARID1B	ENSG00000117139
1	201070878	201071322	201071122	8	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000184774
1	201071987	201072207	201072097	9	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000184774
1	201072255	201072681	201072499	28	40	13	3.435357315	7.45E-06		ENSG00000184774
1	201080040	201080274	201080106	11	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000220471
1	201096474	201096817	201096645	16	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000220471
1	201123577	201123777	201123724	8	9	4	2.346097679	0.050148	RABIF	ENSG00000183155
1	201124162	201124359	201124297	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RABIF	ENSG00000183155
1	201124580	201124904	201124742	11	15	14	1.251252095	0.26676	RABIF	ENSG00000183155
1	201124986	201125177	201125081	8	10	15	0.806471077	0.716145	RABIF	ENSG00000183155
1	201162499	201163230	201162781	19	47	13	4.021881735	1.84E-07	KLHL12	ENSG00000117153
1	201174205	201174514	201174395	10	14	2	5.865244197	0.000387308	KLHL12	ENSG00000117153
1	201194240	201194485	201194376	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ADIPOR1	ENSG00000159346
1	201203712	201203918	201203815	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CYB5R1	ENSG00000159348
1	201211535	201211834	201211684	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	CYB5R1	ENSG00000159348
1	201234972	201235309	201235138	14	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000218804
1	201238201	201238787	201238437	71	97	5	19.15979771	3.89E-27		ENSG00000218804
1	201242870	201243154	201243012	11	14	11	1.466311049	0.15926	TMEM183B	ENSG00000163444
1	201261728	201262193	201262026	13	21	5	4.301179077	0.000172642	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201275187	201275636	201275373	9	17	9	2.111487911	0.0248715	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201292277	201292599	201292398	13	17	8	2.346097679	0.0144542	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201365438	201366054	201365707	13	29	15	2.199466574	0.00420562	ADORA1	ENSG00000163485
1	201402224	201402541	201402382	14	19	4	4.692195357	0.000193572	MYBPH	ENSG00000133055
1	201407996	201408203	201408074	10	12	6	2.178519273	0.0416567	MYBPH	ENSG00000133055
1	201503023	201503441	201503155	14	24	15	1.832888811	0.0266638	NECAP1	ENSG00000219801
1	201503458	201503805	201503664	11	16	10	1.812893661	0.0578656	NECAP1	ENSG00000219801
1	201504805	201505224	201505049	15	21	10	2.346097679	0.00796926	NECAP1	ENSG00000219801
1	201508694	201509273	201508988	17	35	8	4.692195357	1.14E-06	NECAP1	ENSG00000219801
1	201516908	201517224	201517049	12	15	6	2.68125449	0.0103552	BTG2	ENSG00000159388



1	201517994	201518314	201518143	17	20	4	4.926805125	0.00010522	BTG2	ENSG00000159388
1	201540758	201541036	201540926	12	15	13	1.340627245	0.210788	BTG2	ENSG00000159388
1	201541130	201541514	201541321	58	69	6	11.73048839	1.48E-17	BTG2	ENSG00000159388
1	201542096	201542925	201542469	80	114	10	12.26369241	6.94E-28	BTG2	ENSG00000159388
1	201552166	201553012	201552576	33	68	12	6.226182301	2.79E-13		ENSG00000202300
1	201562844	201563431	201563241	16	35	10	3.839068929	8.08E-06		ENSG00000202300
1	201563563	201564147	201563944	8	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000202300
1	201575825	201576227	201575954	10	15	13	1.340627245	0.210788	FMOD	ENSG00000122176
1	201590336	201590601	201590501	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000219588
1	201716408	201716866	201716587	11	21	7	3.225884308	0.00106152	PRELP	ENSG00000188783
1	201723148	201723640	201723406	9	19	9	2.346097679	0.0107159	OPTC	ENSG00000188770
1	201785074	201785376	201785234	13	15	9	1.876878143	0.0544542	OPTC	ENSG00000188770
1	201861401	201861863	201861580	16	28	10	3.092583304	0.000307818	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201862003	201862652	201862499	12	28	16	2.001083314	0.00984958	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201864313	201864891	201864479	10	22	2	8.993374435	1.66E-06	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201886130	201886395	201886238	15	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000217902
1	201886594	201886781	201886637	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000217902
1	201909920	201910145	201910061	10	11	8	1.564065119	0.151515	ATP2B4	ENSG00000058668
1	202031123	202031591	202031282	11	17	6	3.016411301	0.00381427	ZC3H11A	ENSG00000058673
1	202074868	202075090	202074979	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000216908
1	202097075	202097647	202097284	25	39	7	5.865244197	3.22E-08	SNRPEL1	ENSG00000182004
1	202106845	202107076	202106935	9	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000216997
1	202142791	202142977	202142860	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000184655
1	202165573	202165816	202165694	12	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000218299
1	202167642	202168001	202167822	16	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000218299
1	202231968	202232166	202232067	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000211554
1	202237366	202237592	202237439	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000211554
1	202308795	202309152	202308973	15	21	5	4.301179077	0.000172642	SOX13	ENSG00000143842
1	202309480	202309660	202309602	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SOX13	ENSG00000143842
1	202316154	202316561	202316355	14	26	3	7.918079665	5.55E-07	SOX13	ENSG00000143842
1	202319148	202319392	202319227	8	11	5	2.346097679	0.0364013	SOX13	ENSG00000143842
1	202320017	202320431	202320255	13	19	7	2.932622098	0.00293566	SOX13	ENSG00000143842
1	202320715	202320913	202320814	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SOX13	ENSG00000143842
1	202339980	202340290	202340131	11	15	3	4.692195357	0.000718455	SOX13	ENSG00000143842

1	202364817	202365147	202364982	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	ETNK2	ENSG00000143845
1	202365295	202365597	202365456	11	14	9	1.759573259	0.0786014	ETNK2	ENSG00000143845
1	202366018	202366316	202366177	8	10	8	1.433726359	0.209175	ETNK2	ENSG00000143845
1	202366788	202367337	202367096	19	36	12	3.338677466	2.58E-05	ETNK2	ENSG00000143845
1	202376853	202377101	202376993	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ETNK2	ENSG00000143845
1	202384882	202385344	202385061	22	34	7	5.132088672	6.85E-07	ETNK2	ENSG00000143845
1	202398219	202398489	202398348	14	17	10	1.919534464	0.0400548	REN	ENSG00000143839
1	202419788	202420029	202419908	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000218951
1	202434389	202434581	202434422	8	9	7	1.466311049	0.20706	KISS1	ENSG00000170498
1	202442806	202443134	202442957	11	13	5	2.737113958	0.0137917	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202449526	202450333	202449794	17	44	13	3.770514126	9.25E-07	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202461949	202462132	202462058	8	8	2	3.519146518	0.017558	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202462192	202462480	202462336	16	18	5	3.714654658	0.000961539	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202494258	202494508	202494425	10	12	3	3.812408728	0.004404	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202522632	202523337	202523056	13	32	17	2.150589539	0.00349111		ENSG00000219133
1	202537400	202537639	202537509	13	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000219133
1	202548129	202548338	202548191	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000219133
1	202550034	202550433	202550288	9	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000219133
1	202552024	202552310	202552135	11	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000219133
1	202552719	202552931	202552836	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000219133
1	202553001	202553265	202553133	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000219133
1	202555263	202555614	202555438	20	25	10	2.772660893	0.00131329		ENSG00000219133
1	202577012	202577459	202577191	8	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000219133
1	202598467	202598687	202598577	8	9	4	2.346097679	0.050148	PLEKHA6	ENSG00000143850
1	202599283	202599748	202599542	18	28	11	2.834868028	0.000626961	PLEKHA6	ENSG00000143850
1	202613849	202614214	202614028	18	25	8	3.388807758	0.000297109		ENSG00000220782
1	202616224	202616642	202616465	30	39	6	6.703136225	8.68E-09		ENSG00000220782
1	202634328	202634657	202634487	18	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000220782
1	202647024	202647875	202647661	14	42	15	3.152568756	1.28E-05	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202652820	202653810	202652989	23	64	17	4.236009698	7.14E-10	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202654794	202655229	202655081	11	19	15	1.466311049	0.125014	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202678989	202679354	202679175	10	17	8	2.346097679	0.0144542	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202715289	202715871	202715583	19	34	17	2.280928299	0.00159255	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202728886	202729116	202729022	8	9	4	2.346097679	0.050148	PIK3C2B	ENSG00000133056

1	202729908	202730120	202730014	8	9	7	1.466311049	0.20706	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202733133	202733312	202733222	8	8	8	1.173048839	0.36929	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202742184	202742557	202742357	12	18	27	0.795997427	0.784443	MDM4	ENSG00000198625
1	202742573	202743035	202742872	16	26	23	1.319679944	0.160955	MDM4	ENSG00000198625
1	202745085	202745525	202745319	75	96	0	113.7857374	2.01E-33	MDM4	ENSG00000198625
1	202751864	202752377	202752130	18	33	11	3.323638378	5.37E-05	MDM4	ENSG00000198625
1	202760479	202761161	202760848	250	324	12	29.32622098	6.58E-92	MDM4	ENSG00000198625
1	202801371	202801944	202801547	23	35	9	4.222975822	3.17E-06		ENSG00000200408
1	202811994	202812176	202812085	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200408
1	202857294	202857530	202857412	8	9	3	2.932622098	0.0242899	LRRN2	ENSG00000170382
1	202938039	202938218	202938128	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000208201
1	202953349	202953593	202953459	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000208201
1	202966738	202967147	202966917	10	17	12	1.62422147	0.088135		ENSG00000221071
1	202982681	202982929	202982805	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000221071
1	203042345	203042524	203042434	8	8	5	1.759573259	0.13508	NFASC	ENSG00000163531
1	203043057	203043306	203043220	12	15	12	1.443752418	0.160732	NFASC	ENSG00000163531
1	203043906	203044122	203043984	11	11	6	2.010940867	0.0640214	NFASC	ENSG00000163531
1	203062814	203063082	203062954	9	11	5	2.346097679	0.0364013	NFASC	ENSG00000163531
1	203073310	203073607	203073458	8	12	6	2.178519273	0.0416567	NFASC	ENSG00000163531
1	203160075	203160603	203160454	15	25	14	2.033284655	0.0121606	NFASC	ENSG00000163531
1	203177474	203177718	203177602	11	13	4	3.28453675	0.00629037	NFASC	ENSG00000163531
1	203211399	203211691	203211552	12	15	7	2.346097679	0.0195693	NFASC	ENSG00000163531
1	203225155	203225379	203225243	9	10	11	1.075294769	0.434143	NFASC	ENSG00000163531
1	203239265	203239659	203239396	14	20	9	2.463402563	0.00689886	CNTN2	ENSG00000184144
1	203249760	203250184	203249990	78	91	5	17.98674887	3.02E-25	CNTN2	ENSG00000184144
1	203297415	203297606	203297510	9	10	10	1.173048839	0.355733	CNTN2	ENSG00000184144
1	203303915	203304094	203304062	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TMEM81	ENSG00000174529
1	203312519	203312781	203312657	9	12	4	3.049926982	0.0108184	TMEM81	ENSG00000174529
1	203357553	203358229	203358032	31	59	13	5.027352168	2.07E-10	RBBP5	ENSG00000117222
1	203411276	203411493	203411384	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000213041
1	203446985	203447758	203447485	52	77	9	9.149780947	1.13E-17	RIPK5	ENSG00000133059
1	203465316	203465547	203465431	11	12	5	2.541605819	0.0225912	TMCC2	ENSG00000133069
1	203491964	203492243	203492103	12	15	3	4.692195357	0.000718455	TMCC2	ENSG00000133069
1	203509238	203509534	203509399	12	16	5	3.323638378	0.00288759	TMCC2	ENSG00000133069

1	203530107	203530286	203530196	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NUAK2	ENSG00000163545
1	203553358	203553659	203553527	9	13	5	2.737113958	0.0137917	NUAK2	ENSG00000163545
1	203561246	203561602	203561423	9	14	10	1.599612054	0.114822	NUAK2	ENSG00000163545
1	203571448	203571893	203571627	10	18	11	1.857327329	0.0427732	NUAK2	ENSG00000163545
1	203590188	203590484	203590317	9	11	4	2.815317214	0.0183428	KLHDC8A	ENSG00000162873
1	203632751	203632956	203632853	8	8	4	2.111487911	0.0804809	LEMD1	ENSG00000186007
1	203674611	203674875	203674768	12	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000199059
1	203713596	203714040	203713818	20	30	4	7.272902804	1.76E-07	PCTK3	ENSG00000117266
1	203721333	203721702	203721512	8	15	8	2.085420159	0.0338693	PCTK3	ENSG00000117266
1	203723962	203724150	203724056	8	9	7	1.466311049	0.20706	PCTK3	ENSG00000117266
1	203740293	203740609	203740451	8	11	4	2.815317214	0.0183428	PCTK3	ENSG00000117266
1	203751788	203751983	203751885	9	11	2	4.692195357	0.00272444	PCTK3	ENSG00000117266
1	203758208	203758397	203758302	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PCTK3	ENSG00000117266
1	203764805	203765131	203764958	9	14	7	2.199466574	0.0303778	PCTK3	ENSG00000117266
1	203779013	203779330	203779155	19	21	10	2.346097679	0.00796926	MFSD4	ENSG00000174514
1	203799623	203799891	203799728	17	19	9	2.346097679	0.0107159	MFSD4	ENSG00000174514
1	203812437	203812734	203812565	11	14	5	2.932622098	0.00829617	MFSD4	ENSG00000174514
1	203827529	203828092	203827859	22	38	11	3.812408728	3.92E-06		ENSG00000206762
1	203866704	203867119	203866874	8	14	5	2.932622098	0.00829617	ELK4	ENSG00000158711
1	203867647	203868167	203867859	19	36	5	7.233801176	1.48E-08	ELK4	ENSG00000158711
1	203871334	203871895	203871724	17	27	3	8.211341875	2.82E-07	ELK4	ENSG00000158711
1	203894610	203894983	203894776	12	17	11	1.759573259	0.0609179	SLC45A3	ENSG00000158715
1	203900130	203900366	203900248	10	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC45A3	ENSG00000158715
1	203907780	203908036	203907915	8	12	6	2.178519273	0.0416567	SLC45A3	ENSG00000158715
1	203933202	203933408	203933242	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC45A3	ENSG00000158715
1	203984621	203985478	203985308	21	52	18	3.272188868	8.89E-07	NUCKS1	ENSG00000069275
1	203985541	203986529	203985720	28	77	9	9.149780947	1.13E-17	NUCKS1	ENSG00000069275
1	203998278	203998462	203998370	8	8	9	1.055743955	0.456865	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204006389	204006649	204006482	9	12	11	1.270802909	0.274822	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204010952	204011231	204011086	8	12	2	5.083211637	0.00143337	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204034317	204034687	204034510	16	21	10	2.346097679	0.00796926	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204035563	204035840	204035747	8	12	5	2.541605819	0.0225912	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204046960	204047140	204047042	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204052565	204052863	204052726	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SLC41A1	ENSG00000133065

1	204060015	204060240	204060127	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204063390	204063645	204063562	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204154846	204155066	204154956	9	9	7	1.466311049	0.20706	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204175530	204175718	204175624	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204182783	204183121	204182949	21	23	5	4.692195357	5.29E-05	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204401084	204401371	204401227	14	16	7	2.492728784	0.0124193	AVPR1B	ENSG00000198049
1	204456159	204456357	204456269	8	8	2	3.519146518	0.017558	C1orf186	ENSG00000196533
1	204477022	204477379	204477200	21	27	9	3.28453675	0.000236424	CTSE	ENSG00000196188
1	204688436	204688770	204688603	9	13	11	1.368556979	0.211388	IKBKE	ENSG00000143466
1	204710241	204710466	204710381	9	11	7	1.759573259	0.102361	IKBKE	ENSG00000143466
1	204718376	204718593	204718463	8	9	4	2.346097679	0.050148	IKBKE	ENSG00000143466
1	204719593	204719788	204719672	8	9	5	1.955081399	0.0892323	IKBKE	ENSG00000143466
1	204722660	204722882	204722769	9	11	6	2.010940867	0.0640214	IKBKE	ENSG00000143466
1	204729970	204730382	204730149	11	20	7	3.079253203	0.00177418	C1orf147	ENSG00000162888
1	204761211	204761484	204761347	18	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000218386
1	204784788	204785084	204784931	11	14	10	1.599612054	0.114822	RASSF5	ENSG00000136653
1	204796986	204797232	204797109	11	13	2	5.474227917	0.000747844	RASSF5	ENSG00000136653
1	204826604	204827098	204826904	25	36	12	3.338677466	2.58E-05	LGTN	ENSG00000143486
1	204852030	204852897	204852419	29	57	18	3.580885931	7.17E-08	LGTN	ENSG00000143486
1	204887102	204887516	204887346	14	21	2	8.602358155	3.33E-06	DYRK3	ENSG00000143479
1	204903544	204903825	204903742	9	13	3	4.105670938	0.00243034	MAPKAPK2	ENSG00000162889
1	204904207	204904464	204904335	10	12	3	3.812408728	0.004404	MAPKAPK2	ENSG00000162889
1	204949268	204949476	204949372	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000216783
1	204954645	204955036	204954905	12	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000216783
1	204978906	204979215	204979048	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000199349
1	204979430	204979721	204979599	10	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000199349
1	205048734	205048928	205048831	10	10	11	1.075294769	0.434143	IL19	ENSG00000142224
1	205049510	205049775	205049642	12	13	6	2.346097679	0.0266147	IL19	ENSG00000142224
1	205066361	205067036	205066713	40	65	5	12.90353723	3.61E-17	IL19	ENSG00000142224
1	205082032	205082228	205082142	9	10	12	0.992579787	0.511743	IL19	ENSG00000142224
1	205083618	205084081	205083873	14	24	3	7.331555246	2.13E-06	IL19	ENSG00000142224
1	205087495	205087837	205087700	8	12	3	3.812408728	0.004404	IL20	ENSG00000162891
1	205087945	205088296	205088122	13	18	6	3.183989707	0.00227432	IL20	ENSG00000162891
1	205096492	205096694	205096593	8	8	2	3.519146518	0.017558	IL20	ENSG00000162891

1	205104833	205105756	205105199	32	91	34	3.083442663	7.16E-10	IL20	ENSG00000162891
1	205105820	205106038	205105886	9	12	5	2.541605819	0.0225912	IL20	ENSG00000162891
1	205113736	205114163	205113950	25	36	6	6.200401008	5.86E-08	IL20	ENSG00000162891
1	205125565	205125841	205125675	10	15	4	3.753756286	0.0020497	IL24	ENSG00000162892
1	205130373	205130675	205130524	9	11	8	1.564065119	0.151515	IL24	ENSG00000162892
1	205135147	205136079	205135477	17	47	22	2.448101926	0.000115871	IL24	ENSG00000162892
1	205138624	205138917	205138751	9	11	3	3.519146518	0.00788869	IL24	ENSG00000162892
1	205140446	205140673	205140577	9	9	6	1.675784056	0.141978	IL24	ENSG00000162892
1	205141113	205141679	205141449	12	26	9	3.167231866	0.000393236	IL24	ENSG00000162892
1	205143404	205144060	205143742	30	58	36	1.870537338	0.00117291		ENSG00000217798
1	205144324	205144546	205144442	9	9	11	0.977540699	0.526123		ENSG00000217798
1	205148999	205149538	205149268	15	29	8	3.910162798	3.45E-05		ENSG00000217798
1	205149693	205149971	205149814	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000217798
1	205152546	205152783	205152664	14	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000217798
1	205201325	205202238	205201832	59	98	14	7.742122339	2.37E-20	FCAMR	ENSG00000162897
1	205244758	205245165	205244937	8	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000208197
1	205292781	205293157	205292978	17	25	9	3.049926982	0.000648806	YOD1	ENSG00000180667
1	205293271	205293604	205293437	10	14	5	2.932622098	0.00829617	PFKFB2	ENSG00000123836
1	205317854	205318037	205317945	8	8	5	1.759573259	0.13508	C4BPB	ENSG00000123843
1	205472595	205472816	205472669	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000218808
1	205480645	205481415	205480824	22	45	12	4.150788201	2.16E-07		ENSG00000218808
1	205556103	205556354	205556228	14	14	3	4.398933147	0.00132748	CD55	ENSG00000196352
1	205556498	205556927	205556748	37	52	13	4.440827749	1.15E-08	CD55	ENSG00000196352
1	205560915	205561744	205561566	21	61	7	9.091128505	2.01E-14	CD55	ENSG00000196352
1	205561962	205562357	205562120	11	16	4	3.988366054	0.00115141	CD55	ENSG00000196352
1	205705783	205706036	205705909	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CR2	ENSG00000117322
1	205739490	205739715	205739593	9	10	6	1.843362462	0.0964212	CR1	ENSG00000203710
1	205947240	205947644	205947377	22	30	0	36.36451402	3.56E-11	CR1L	ENSG00000197721
1	206063956	206064188	206064033	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207790
1	206068554	206068746	206068631	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207790
1	206453660	206454081	206453902	18	28	0	34.01841634	1.68E-10	PLXNA2	ENSG00000076356
1	206459248	206459585	206459416	17	21	0	25.80707446	3.84E-08	PLXNA2	ENSG00000076356
1	206661485	206661670	206661577	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000216499
1	206736448	206736631	206736539	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000217293

1	207623800	207624243	207624045	58	67	3	19.94183027	1.12E-19		ENSG00000207623
1	207651660	207651998	207651829	15	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000207623
1	207670938	207671303	207671142	18	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000207623
1	207673215	207673458	207673345	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000207623
1	207827782	207828043	207827922	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	CAMK1G	ENSG00000008118
1	208056400	208056798	208056625	15	21	0	25.80707446	3.84E-08	IRF6	ENSG00000117595
1	208561288	208561886	208561662	101	124	4	29.32622098	7.06E-37	HHAT	ENSG00000054392
1	208640672	208640979	208640825	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000200972
1	208651686	208651959	208651805	11	14	2	5.865244197	0.000387308	HHAT	ENSG00000054392
1	209585827	209586096	209585959	9	12	1	7.624817456	0.000332769	TRAF5	ENSG00000082512
1	209817148	209817805	209817419	30	53	1	31.67231866	1.89E-17	SLC30A1	ENSG00000170385
1	209945445	209945655	209945550	9	9	1	5.865244197	0.00272497	NEK2	ENSG00000117650
1	210168118	210168521	210168330	18	27	1	16.42268375	5.88E-09		ENSG00000218132
1	210169009	210169362	210169185	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000218132
1	210184786	210185006	210184896	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000218132
1	210835901	210836731	210836496	72	111	4	26.276294	1.11E-32	ATF3	ENSG00000162772
1	210848321	210848799	210848656	15	23	4	5.630634429	1.63E-05	ATF3	ENSG00000162772
1	211031689	211031905	211031748	10	10	2	4.301179077	0.00512919	NSL1	ENSG00000117697
1	212456695	212457117	212456938	12	21	4	5.161414893	5.68E-05	SMYD2	ENSG00000143499
1	212501462	212501812	212501617	10	15	2	6.256260476	0.000199274	SMYD2	ENSG00000143499
1	212679372	212679944	212679609	236	303	3	89.15171179	2.57E-97		ENSG00000213036
1	212756354	212756681	212756510	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000215819
1	212791234	212791442	212791371	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PTPN14	ENSG00000152104
1	212885685	212885907	212885814	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CENPF	ENSG00000117724
1	212898742	212899189	212898906	12	21	9	2.580707446	0.00438951	CENPF	ENSG00000117724
1	213112418	213112597	213112473	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000185221
1	213241630	213242075	213241825	39	55	4	13.138147	5.86E-15	KCNK2	ENSG00000082482
1	213243683	213244042	213243883	12	17	6	3.016411301	0.00381427	KCNK2	ENSG00000082482
1	213354021	213354273	213354147	8	11	5	2.346097679	0.0364013	KCNK2	ENSG00000082482
1	213483315	213483525	213483374	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000217162
1	213488687	213488895	213488739	11	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000217162
1	213492557	213492759	213492694	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000217162
1	213570608	213570811	213570709	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000217162
1	213640794	213641043	213640904	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000217162

1	213722057	213722433	213722254	11	18	8	2.476436439	0.00924552	KCTD3	ENSG00000136636
1	213729759	213730049	213729887	8	11	3	3.519146518	0.00788869	KCTD3	ENSG00000136636
1	213757573	213757828	213757721	8	10	4	2.580707446	0.0306059	KCTD3	ENSG00000136636
1	213770438	213770620	213770552	8	9	6	1.675784056	0.141978	KCTD3	ENSG00000136636
1	213780130	213780474	213780330	11	15	6	2.68125449	0.0103552	KCTD3	ENSG00000136636
1	213806897	213807477	213807218	20	38	12	3.519146518	9.23E-06	KCTD3	ENSG00000136636
1	213876593	213876772	213876682	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000202498
1	213926945	213927124	213927035	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000202498
1	214683810	214684025	214683917	10	11	4	2.815317214	0.0183428	USH2A	ENSG00000042781
1	215058263	215058496	215058379	8	8	2	3.519146518	0.017558	ESRRG	ENSG00000196482
1	215330411	215330600	215330498	8	9	6	1.675784056	0.141978	ESRRG	ENSG00000196482
1	215365904	215366152	215366028	10	12	1	7.624817456	0.000332769	ESRRG	ENSG00000196482
1	215413702	215413915	215413780	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ESRRG	ENSG00000196482
1	215417885	215418085	215417955	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ESRRG	ENSG00000196482
1	215563748	215564177	215563998	11	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000201753
1	215571761	215571950	215571854	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000201753
1	215573754	215574163	215574004	17	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000201753
1	215664952	215665160	215665056	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201753
1	215697118	215697339	215697205	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201753
1	215814607	215814929	215814768	25	27	8	3.649485278	0.000102745	GPATCH2	ENSG00000092978
1	215870782	215871557	215871169	12	35	26	1.564065119	0.0380712	SPATA17	ENSG00000162814
1	215900430	215900696	215900563	9	13	1	8.211341875	0.000163445	SPATA17	ENSG00000162814
1	216121807	216121986	216121870	8	8	6	1.508205651	0.203852	UBBP2	ENSG00000220297
1	216129395	216129723	216129559	9	14	5	2.932622098	0.00829617	UBBP2	ENSG00000220297
1	216133778	216134042	216133954	14	17	4	4.222975822	0.000640773	UBBP2	ENSG00000220297
1	216157550	216157812	216157684	13	13	7	2.052835469	0.046392	UBBP2	ENSG00000220297
1	216158328	216158571	216158449	10	10	4	2.580707446	0.0306059	UBBP2	ENSG00000220297
1	216185007	216185189	216185149	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UBBP2	ENSG00000220297
1	216193390	216193767	216193508	11	16	15	1.246364392	0.263987	UBBP2	ENSG00000220297
1	216193936	216194317	216194115	18	26	10	2.879301697	0.000816629	UBBP2	ENSG00000220297
1	216396613	216396872	216396698	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000201493
1	216524920	216525501	216525197	25	49	17	3.258468998	1.83E-06	RRP15	ENSG00000067533
1	216603279	216603495	216603328	8	10	3	3.225884308	0.0139466	TGFB2	ENSG00000092969
1	216614472	216614728	216614600	11	14	3	4.398933147	0.00132748	TGFB2	ENSG00000092969



1	216620344	216620803	216620624	22	32	13	2.765043693	0.00036798	TGFB2	ENSG00000092969
1	216626018	216626197	216626107	8	8	5	1.759573259	0.13508	TGFB2	ENSG00000092969
1	216636308	216636593	216636450	10	12	3	3.812408728	0.004404	TGFB2	ENSG00000092969
1	216649331	216649513	216649447	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TGFB2	ENSG00000092969
1	216699813	216700167	216699961	13	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000222824
1	216720724	216720989	216720847	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000222824
1	216730242	216730559	216730400	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222824
1	216734372	216734625	216734498	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000222824
1	216793245	216793596	216793420	9	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000212610
1	216840782	216841453	216841207	193	280	6	47.08953198	3.56E-85		ENSG00000212610
1	216874126	216874456	216874291	18	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000212610
1	217146474	217146653	217146563	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000218763
1	217207391	217207625	217207511	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000218763
1	217234247	217234459	217234353	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000218763
1	217557928	217558123	217558003	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000222634
1	217563385	217563584	217563484	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000222634
1	217625853	217626093	217625973	12	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000222634
1	217710699	217710919	217710794	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000222634
1	217756994	217757207	217757100	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217771194	217771499	217771346	12	16	8	2.215758919	0.0222902	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217807365	217807672	217807518	9	12	9	1.524963491	0.154777	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217825646	217826322	217825984	53	86	7	12.75690613	6.93E-22	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	218576306	218576699	218576532	14	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000218105
1	218577157	218577582	218577336	12	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000218105
1	219016726	219016949	219016837	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MOSC1	ENSG00000186205
1	220407189	220407380	220407284	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000217821
1	221045836	221046198	221046022	23	28	0	34.01841634	1.68E-10	DISP1	ENSG00000154309
1	221270460	221270680	221270545	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218136
1	221288155	221288339	221288222	8	9	0	11.73048839	0.000425898	TLR5	ENSG00000187554
1	221661689	221661938	221661813	9	10	0	12.90353723	0.000195991	C1orf65	ENSG00000178395
1	221771751	221772002	221771876	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000218790
1	221962386	221962760	221962521	20	28	1	17.00920817	2.80E-09	CAPN2	ENSG00000162909
1	222458118	222458328	222458218	8	8	7	1.319679944	0.283403	DEGS1	ENSG00000143753
1	222459184	222459402	222459308	8	8	3	2.639359888	0.0415794	DEGS1	ENSG00000143753

1	222689204	222689390	222689252	8	9	6	1.675784056	0.141978	WDR26	ENSG00000162923
1	223700453	223700674	223700516	9	9	0	11.73048839	0.000425898	LBR	ENSG00000143815
1	224026692	224026943	224026829	10	11	7	1.759573259	0.102361	SRP9	ENSG00000143742
1	224075134	224075468	224075301	33	38	2	15.24963491	1.78E-11	EPHX1	ENSG00000143819
1	224080671	224081005	224080838	19	22	2	8.993374435	1.66E-06	EPHX1	ENSG00000143819
1	224137416	224137608	224137496	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMEM63A	ENSG00000196187
1	224253589	224253883	224253727	9	11	7	1.759573259	0.102361	C1orf55	ENSG00000143751
1	224254028	224254207	224254120	8	8	2	3.519146518	0.017558	C1orf55	ENSG00000143751
1	224468880	224469119	224468999	9	13	1	8.211341875	0.000163445	MIXL1	ENSG00000185155
1	224569377	224569613	224569495	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000208161
1	224733777	224734226	224734001	26	36	4	8.680561411	3.18E-09		ENSG00000177770
1	224802052	224802316	224802148	8	9	5	1.955081399	0.0892323	C1orf95	ENSG00000203685
1	225167065	225167256	225167186	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CABC1	ENSG00000163050
1	225194798	225195088	225194966	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	CABC1	ENSG00000163050
1	225977841	225978312	225978076	15	27	1	16.42268375	5.88E-09	SNAP47	ENSG00000143740
1	225982420	225982709	225982564	10	10	1	6.451768616	0.00135978	SNAP47	ENSG00000143740
1	226042171	226042493	226042337	19	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000185888
1	226200647	226200848	226200750	9	11	1	7.038293036	0.000674435	WNT9A	ENSG00000143816
1	226661081	226661300	226661190	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TRIM11	ENSG00000154370
1	226749732	226749990	226749858	8	10	1	6.451768616	0.00135978	RNF187	ENSG00000168159
1	227105607	227105840	227105716	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000181413
1	227240540	227240771	227240683	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000181413
1	227272674	227272947	227272798	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000181413
1	227297154	227297333	227297243	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000181413
1	227364681	227365024	227364852	11	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000208134
1	227433092	227433284	227433188	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TMEM78	ENSG00000177800
1	227433798	227434020	227433906	10	10	2	4.301179077	0.00512919	TMEM78	ENSG00000177800
1	227441045	227441349	227441205	23	25	0	30.49926982	1.72E-09	TMEM78	ENSG00000177800
1	228046282	228046463	228046390	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000219709
1	228047028	228047355	228047201	17	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000219709
1	228830171	228830533	228830371	29	34	1	20.52835469	3.17E-11	COG2	ENSG00000135775
1	229342211	229342744	229342477	11	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000220221
1	229374007	229374338	229374163	42	44	3	13.19679944	1.95E-12	TRIM67	ENSG00000119283
1	229730999	229731275	229731130	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TSNAX	ENSG00000116918

1	229828911	229829156	229829021	8	9	0	11.73048839	0.000425898	DISC1	ENSG00000162946
1	229980481	229980695	229980609	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DISC1	ENSG00000162946
1	230189280	230189517	230189398	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217276
1	230333283	230333569	230333426	15	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000217276
1	230831592	230831810	230831721	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SIPA1L2	ENSG00000116991
1	230951396	230951592	230951451	12	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000208118
1	231155180	231155611	231155442	88	106	1	62.7581129	5.04E-35	C1orf57	ENSG00000135778
1	231381958	231382374	231382143	23	31	0	37.53756286	1.64E-11	PCNXL2	ENSG00000135749
1	231597328	231597511	231597419	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000143674
1	231867209	231867475	231867344	9	11	2	4.692195357	0.00272444	KCNK1	ENSG00000135750
1	231907591	231907822	231907706	9	10	3	3.225884308	0.0139466	KCNK1	ENSG00000135750
1	232595606	232595915	232595760	40	44	7	6.598399721	1.39E-09	C1orf31	ENSG00000168275
1	232806309	232806569	232806430	8	10	2	4.301179077	0.00512919	IRF2BP2	ENSG00000168264
1	232813042	232813237	232813144	9	10	3	3.225884308	0.0139466	IRF2BP2	ENSG00000168264
1	232820721	232821302	232820959	111	138	0	163.0537887	1.40E-47	IRF2BP2	ENSG00000168264
1	232926577	232926882	232926730	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000201638
1	233597195	233597446	233597283	9	10	2	4.301179077	0.00512919	TBCE	ENSG00000116957
1	233899709	233900172	233899950	12	21	3	6.451768616	1.56E-05	GNG4	ENSG00000168243
1	233904884	233905457	233905134	41	60	0	71.5559792	2.75E-21	GNG4	ENSG00000168243
1	236549910	236550130	236550020	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208075
1	238109408	238109653	238109518	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000215805
1	239166913	239167134	239167004	16	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000220141
1	239749714	239749915	239749811	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FH	ENSG00000091483
1	239936951	239937292	239937121	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	WDR64	ENSG00000162843
1	239979957	239980160	239980058	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000220413
1	240430039	240430377	240430208	17	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000222120
1	240455726	240455981	240455853	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000222120
1	242469282	242469775	242469506	42	64	1	38.12408728	4.44E-21	C1orf100	ENSG00000173728
1	242965295	242965813	242965520	95	116	0	137.2467142	3.65E-40		ENSG00000218614
1	243027097	243027281	243027173	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000215797
1	243117318	243117513	243117452	9	9	2	3.910162798	0.00955088	HNRNPU	ENSG00000153187
1	243201162	243201412	243201287	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000179576
1	243338952	243339150	243339051	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216496
1	243719795	243720079	243719908	25	26	2	10.55743955	9.97E-08	KIF26B	ENSG00000162849

1	244230996	244231400	244231221	24	33	0	39.88366054	3.46E-12	SMYD3	ENSG00000185420
1	245161743	245162137	245161940	10	18	4	4.457585589	0.000353565	AHCTF1P	ENSG00000153207
1	245343106	245343412	245343270	14	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000216290
1	245602747	245602992	245602869	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ZNF496	ENSG00000162714
1	245620100	245620412	245620265	9	10	3	3.225884308	0.0139466	NLRP3	ENSG00000162711
1	247134833	247135307	247135151	14	25	5	5.083211637	1.58E-05	ZNF692	ENSG00000171163
10	266750	266938	266836	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ZMYND11	ENSG00000015171
10	270667	271027	270843	18	24	3	7.331555246	2.13E-06		ENSG00000201861
10	365396	365703	365549	10	13	3	4.105670938	0.00243034	DIP2C	ENSG00000151240
10	406490	406725	406607	11	12	4	3.049926982	0.0108184	DIP2C	ENSG00000151240
10	409548	409892	409720	16	21	3	6.451768616	1.56E-05	DIP2C	ENSG00000151240
10	441929	442140	442034	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000209361
10	472205	472431	472318	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000209361
10	514380	514605	514512	10	12	4	3.049926982	0.0108184	DIP2C	ENSG00000151240
10	547022	547292	547165	15	18	6	3.183989707	0.00227432	DIP2C	ENSG00000151240
10	556382	556793	556554	32	41	5	8.211341875	5.42E-10	DIP2C	ENSG00000151240
10	582848	583185	583014	22	26	6	4.524616952	2.63E-05	DIP2C	ENSG00000151240
10	649076	649541	649362	17	28	10	3.092583304	0.000307818	C10orf108	ENSG00000180525
10	931328	931523	931425	8	8	7	1.319679944	0.283403	LARP5	ENSG00000107929
10	1092133	1092316	1092249	8	8	1	5.278719777	0.00542188	WDR37	ENSG00000047056
10	1301084	1301328	1301206	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	ADARB2	ENSG00000185736
10	1453129	1453468	1453292	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ADARB2	ENSG00000185736
10	1480803	1481026	1480914	13	15	3	4.692195357	0.000718455	ADARB2	ENSG00000185736
10	1748015	1748235	1748126	8	9	7	1.466311049	0.20706	ADARB2	ENSG00000185736
10	1757082	1757562	1757351	39	60	3	17.8889948	1.88E-17	ADARB2	ENSG00000185736
10	2960570	2960811	2960690	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000218235
10	3127519	3127825	3127692	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PFKP	ENSG00000067057
10	3205249	3205441	3205348	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PITRM1	ENSG00000107959
10	3206205	3206384	3206276	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PITRM1	ENSG00000107959
10	3514597	3514821	3514758	8	11	4	2.815317214	0.0183428	KLF6	ENSG00000067082
10	3809318	3809660	3809489	10	15	6	2.68125449	0.0103552	KLF6	ENSG00000067082
10	3816001	3816396	3816180	8	17	7	2.639359888	0.00777415	KLF6	ENSG00000067082
10	3838578	3838757	3838671	8	8	0	10.55743955	0.000925496	KLF6	ENSG00000067082
10	3887300	3887493	3887374	8	8	2	3.519146518	0.017558	KLF6	ENSG00000067082

10	4765394	4765633	4765532	9	10	0	12.90353723	0.000195991	AKR1CL2	ENSG00000165568
10	4881860	4882284	4882034	15	22	2	8.993374435	1.66E-06	AKR1CL2	ENSG00000165568
10	4943292	4943690	4943468	23	34	0	41.05670938	1.59E-12		ENSG00000151631
10	4950478	4950754	4950628	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000151631
10	5315547	5315855	5315697	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000215267
10	5478406	5478626	5478523	8	11	3	3.519146518	0.00788869	NET1	ENSG00000173848
10	5525671	5526187	5525839	15	23	16	1.65606895	0.0532464	CALML5	ENSG00000178372
10	5535313	5535740	5535561	16	26	3	7.918079665	5.55E-07	CALML5	ENSG00000178372
10	5576480	5576677	5576522	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CALML3	ENSG00000178363
10	5583130	5583405	5583229	13	15	3	4.692195357	0.000718455	CALML3	ENSG00000178363
10	5705174	5705402	5705288	9	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000216230
10	5711885	5712114	5712007	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000222233
10	5766437	5766909	5766730	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	C10orf18	ENSG00000108021
10	5875618	5875801	5875709	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GDI2	ENSG00000057608
10	5926591	5926785	5926688	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GDI2	ENSG00000057608
10	5926864	5927148	5927006	9	11	2	4.692195357	0.00272444	GDI2	ENSG00000057608
10	6104617	6104849	6104735	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209380
10	6170692	6170926	6170809	12	12	9	1.524963491	0.154777	RBM17	ENSG00000134453
10	6321209	6321634	6321460	12	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000213994
10	6379021	6379282	6379157	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000219056
10	6379952	6380144	6379987	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000219056
10	6655426	6655731	6655578	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	PRKCQ	ENSG00000065675
10	7002007	7002321	7002181	10	11	1	7.038293036	0.000674435	PRKCQ	ENSG00000065675
10	7315376	7315689	7315532	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000220641
10	7769293	7769516	7769412	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ITIH2	ENSG00000151655
10	7838476	7838661	7838500	9	9	4	2.346097679	0.050148	KIN	ENSG00000151657
10	7856071	7856268	7856194	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KIN	ENSG00000151657
10	7869816	7870028	7869911	8	10	6	1.843362462	0.0964212	KIN	ENSG00000151657
10	7900278	7900653	7900498	10	15	7	2.346097679	0.0195693	TAF3	ENSG00000165632
10	8024863	8025182	8025038	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000216815
10	8132465	8132949	8132786	20	31	4	7.507512572	9.10E-08		ENSG00000197308
10	8135279	8135501	8135388	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000197308
10	8136000	8136329	8136167	8	12	9	1.524963491	0.154777	GATA3	ENSG00000107485
10	8136629	8136974	8136801	12	17	8	2.346097679	0.0144542	GATA3	ENSG00000107485

10	8139677	8139942	8139809	8	10	5	2.150589539	0.0575848	GATA3	ENSG00000107485
10	8140462	8140687	8140552	8	8	2	3.519146518	0.017558	GATA3	ENSG00000107485
10	8143293	8143520	8143381	9	10	0	12.90353723	0.000195991	GATA3	ENSG00000107485
10	8166605	8166898	8166737	9	13	3	4.105670938	0.00243034	GATA3	ENSG00000107485
10	8166919	8167098	8167008	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GATA3	ENSG00000107485
10	8382924	8383277	8383100	8	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000217532
10	8443555	8443746	8443630	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000220584
10	8489542	8489946	8489721	10	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000220584
10	8664026	8664208	8664101	8	9	11	0.977540699	0.526123		ENSG00000219750
10	8710342	8710706	8710521	18	25	7	3.812408728	0.00012465		ENSG00000219750
10	8808017	8808250	8808136	16	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000212505
10	8845991	8846505	8846314	64	78	2	30.8902861	2.27E-24		ENSG00000212505
10	8938281	8938462	8938294	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000212505
10	8938849	8939204	8939026	8	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000212505
10	8944116	8944449	8944232	9	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000212505
10	8950047	8950337	8950175	12	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000212505
10	9053408	9053874	9053650	14	25	11	2.541605819	0.00248721		ENSG00000212505
10	9057579	9057976	9057757	14	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000212505
10	9120263	9120637	9120458	12	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000212505
10	9270004	9270266	9270165	9	10	2	4.301179077	0.00512919		
10	9270413	9271003	9270686	48	75	20	4.245319609	2.95E-11		
10	9291123	9291472	9291300	12	16	11	1.661819189	0.0853913		
10	9907465	9907669	9907587	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000203336
10	11153529	11154068	11153764	15	27	6	4.692195357	1.46E-05	CUGBP2	ENSG00000048740
10	11352611	11352814	11352707	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C10orf31	ENSG00000181800
10	11509551	11509763	11509657	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C10orf31	ENSG00000181800
10	11840023	11840256	11840139	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ECHDC3	ENSG00000134463
10	11956715	11956949	11956832	11	13	6	2.346097679	0.0266147	C10orf47	ENSG00000148426
10	12124959	12125183	12125071	9	11	2	4.692195357	0.00272444	UPF2	ENSG00000151461
10	12277649	12277878	12277763	8	11	3	3.519146518	0.00788869	NUDT5	ENSG00000165609
10	12278151	12278399	12278275	8	10	6	1.843362462	0.0964212	CDC123	ENSG00000151465
10	12416190	12416461	12416338	11	14	2	5.865244197	0.000387308	CAMK1D	ENSG00000183049
10	12585534	12585761	12585683	9	10	4	2.580707446	0.0306059	CAMK1D	ENSG00000183049
10	12687559	12688105	12687878	26	39	6	6.703136225	8.68E-09		ENSG00000221331

10	12699579	12699859	12699710	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000221331
10	12713203	12713477	12713371	16	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000221331
10	12747710	12748172	12747882	17	26	5	5.278719777	8.57E-06		ENSG00000221331
10	12867624	12867815	12867752	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000221331
10	12931945	12932144	12932031	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000212499
10	12957222	12957441	12957331	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000212499
10	12963852	12964339	12964123	20	31	7	4.692195357	4.07E-06		ENSG00000212499
10	13668738	13669134	13668917	16	24	12	2.255863153	0.00673318	PRPF18	ENSG00000165630
10	13690288	13690502	13690358	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000217518
10	13692099	13692278	13692193	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000217518
10	13754960	13755417	13755104	9	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000222235
10	13785166	13785432	13785299	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000222235
10	13790800	13790986	13790893	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000222235
10	13799703	13799918	13799747	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199407
10	13840284	13840892	13840559	105	139	3	41.05670938	4.94E-43		ENSG00000199407
10	13840945	13841352	13841192	8	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000199407
10	13869720	13869913	13869862	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000199407
10	13952984	13953261	13953107	14	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000215227
10	14581091	14581389	14581240	8	10	1	6.451768616	0.00135978	FAM107B	ENSG00000065809
10	14683586	14683770	14683678	9	9	2	3.910162798	0.00955088	FAM107B	ENSG00000065809
10	14735736	14736244	14735915	25	40	4	9.619000482	2.08E-10		ENSG00000201766
10	14919574	14919962	14919873	8	14	5	2.932622098	0.00829617	ARMETL1	ENSG00000185267
10	15036114	15036417	15036266	8	12	2	5.083211637	0.00143337	DCLRE1C	ENSG00000152457
10	15041947	15042238	15042107	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	MEIG1	ENSG00000197889
10	15179134	15179330	15179195	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RPP38	ENSG00000152464
10	15205734	15206405	15206070	66	105	0	124.343177	1.86E-36	RPP38	ENSG00000152464
10	15254513	15254776	15254648	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000216981
10	15807834	15808020	15807880	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ITGA8	ENSG00000077943
10	16278880	16279261	16279082	24	31	1	18.76878143	2.99E-10		ENSG00000201260
10	17103922	17104137	17104033	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CUBN	ENSG00000107611
10	17312053	17312338	17312195	12	13	2	5.474227917	0.000747844	VIM	ENSG00000026025
10	17312469	17312735	17312602	10	11	9	1.407658607	0.210479	VIM	ENSG00000026025
10	17329293	17329687	17329486	49	60	1	35.7779896	9.32E-20	VIM	ENSG00000026025
10	17430578	17430836	17430687	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000204832

10	17439356	17439614	17439485	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000204832
10	17469761	17470532	17470434	21	41	7	6.158506406	9.25E-09		ENSG00000204832
10	17698531	17698715	17698623	8	8	2	3.519146518	0.017558	PTPLA	ENSG00000165996
10	17725674	17725969	17725809	8	11	5	2.346097679	0.0364013	STAM	ENSG00000136738
10	18281847	18282137	18281992	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC39A12	ENSG00000148482
10	18448756	18449019	18448881	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	CACNB2	ENSG00000165995
10	18562821	18563040	18562931	8	9	6	1.675784056	0.141978	CACNB2	ENSG00000165995
10	18939516	18939780	18939648	14	16	3	4.985457567	0.000385643	NSUN6	ENSG00000152487
10	18980372	18980797	18980546	9	16	4	3.988366054	0.00115141	NSUN6	ENSG00000152487
10	19538296	19538659	19538462	19	26	11	2.639359888	0.0015854		ENSG00000204741
10	19561382	19561580	19561479	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000204741
10	19575251	19575736	19575430	17	26	13	2.262308476	0.00502778		ENSG00000204741
10	21412887	21413245	21413066	8	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000216609
10	21520557	21520835	21520696	9	13	6	2.346097679	0.0266147	NEBL	ENSG00000078114
10	21665807	21666121	21665957	9	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000207264
10	21679128	21679420	21679274	10	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000207264
10	21731669	21731890	21731811	10	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000216589
10	21756683	21757152	21756895	53	68	1	40.47018496	2.11E-22		ENSG00000216589
10	22056771	22057039	22056905	15	17	2	7.038293036	5.19E-05	MLLT10	ENSG00000078403
10	22273739	22273933	22273859	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000201364
10	22426242	22426514	22426378	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000218554
10	22558315	22558537	22558471	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000218957
10	22962000	22962237	22962109	11	14	9	1.759573259	0.0786014	PIP4K2A	ENSG00000150867
10	23010750	23010987	23010840	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PIP4K2A	ENSG00000150867
10	23241358	23241656	23241526	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	ARMC3	ENSG00000165309
10	23487333	23487526	23487452	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209517
10	24071903	24072166	24072039	9	11	3	3.519146518	0.00788869	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24323527	24323726	24323626	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000209529
10	24525460	24525677	24525563	8	9	5	1.955081399	0.0892323	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24567443	24567728	24567585	15	17	4	4.222975822	0.000640773	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24578635	24579042	24578838	15	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000207930
10	24580553	24580911	24580732	10	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000207930
10	24584795	24585535	24585128	137	185	9	21.81870841	7.63E-51		ENSG00000207930
10	24617537	24618264	24617899	28	57	5	11.33947211	9.77E-15		ENSG00000207930



10	24847961	24848184	24848048	11	11	4	2.815317214	0.0183428	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24852915	24853111	24853030	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24871185	24871744	24871529	9	23	9	2.815317214	0.00172056	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24871757	24872434	24872296	9	25	8	3.388807758	0.000297109	KIAA1217	ENSG00000120549
10	25064731	25064979	25064855	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ARHGAP21	ENSG00000107863
10	25085264	25085645	25085467	21	31	1	18.76878143	2.99E-10	ARHGAP21	ENSG00000107863
10	25389002	25389352	25389177	10	15	3	4.692195357	0.000718455	THNSL1	ENSG00000185875
10	25837111	25837326	25837218	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222543
10	26752689	26752977	26752829	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	APBB1IP	ENSG00000077420
10	26879695	26879903	26879811	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000199733
10	27189746	27190114	27189925	11	18	6	3.183989707	0.00227432	ABI1	ENSG00000136754
10	27483246	27483467	27483356	8	9	4	2.346097679	0.050148	YME1L1	ENSG00000136758
10	27570634	27570866	27570750	9	12	3	3.812408728	0.004404	ACBD5	ENSG00000107897
10	27571085	27571321	27571180	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ACBD5	ENSG00000107897
10	27572053	27572275	27572122	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ACBD5	ENSG00000107897
10	27689581	27689763	27689672	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000213770
10	27833081	27833442	27833208	10	15	3	4.692195357	0.000718455	RAB18	ENSG00000099246
10	28194136	28194812	28194366	53	85	5	16.81370003	2.30E-23		ENSG00000219432
10	28710778	28711091	28710934	14	17	15	1.319679944	0.209239		ENSG00000209609
10	28824903	28825082	28825007	8	8	4	2.111487911	0.0804809	WAC	ENSG00000095787
10	28825390	28825752	28825569	14	21	9	2.580707446	0.00438951	WAC	ENSG00000095787
10	28825788	28825987	28825883	8	9	7	1.466311049	0.20706	WAC	ENSG00000095787
10	28992667	28993073	28992894	10	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000207483
10	29008810	29009027	29008968	10	12	5	2.541605819	0.0225912	BAMBI	ENSG00000095739
10	29014152	29014543	29014383	14	19	6	3.351568112	0.00134187	BAMBI	ENSG00000095739
10	29051333	29051517	29051435	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000201001
10	29298763	29299075	29298895	13	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000216946
10	29351537	29351799	29351637	8	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000216946
10	29421094	29421526	29421310	29	42	2	16.81370003	9.62E-13		ENSG00000216946
10	29428116	29428320	29428228	8	9	2	3.910162798	0.00955088	LYZL1	ENSG00000120563
10	29428451	29428680	29428565	8	10	4	2.580707446	0.0306059	LYZL1	ENSG00000120563
10	29431371	29431576	29431413	9	9	1	5.865244197	0.00272497	LYZL1	ENSG00000120563
10	29434082	29434273	29434151	8	9	8	1.303387599	0.281715	LYZL1	ENSG00000120563
10	29434631	29434873	29434781	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	LYZL1	ENSG00000120563

10	29453736	29454261	29454049	20	37	7	5.571981987	1.11E-07	LYZL1	ENSG00000120563
10	29461473	29461864	29461638	11	19	5	3.910162798	0.000546977	LYZL1	ENSG00000120563
10	29470773	29471054	29470913	10	14	4	3.519146518	0.00361132	LYZL1	ENSG00000120563
10	29479014	29479218	29479116	8	9	5	1.955081399	0.0892323	LYZL1	ENSG00000120563
10	29605414	29605710	29605562	9	9	4	2.346097679	0.050148	LYZL1	ENSG00000120563
10	29773081	29773412	29773246	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207612
10	29963171	29963371	29963271	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SVIL	ENSG00000197321
10	30001645	30001844	30001793	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000197474
10	30064806	30065004	30064905	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SVIL	ENSG00000197321
10	30113342	30113620	30113490	22	25	2	10.16642327	2.02E-07	SVIL	ENSG00000197321
10	30255656	30255878	30255803	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000220159
10	30280680	30281000	30280852	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000220159
10	30507466	30507717	30507572	8	9	2	3.910162798	0.00955088	KIAA1462	ENSG00000165757
10	30558937	30559460	30559207	27	45	1	26.9801233	8.07E-15		ENSG00000200887
10	30762275	30762477	30762397	10	11	1	7.038293036	0.000674435	MAP3K8	ENSG00000107968
10	30762655	30762896	30762788	11	13	5	2.737113958	0.0137917	MAP3K8	ENSG00000107968
10	31048902	31049084	31049005	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217332
10	31160494	31160732	31160634	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000216260
10	31360585	31360764	31360684	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZNF438	ENSG00000183621
10	31820069	31820340	31820168	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000196960
10	32271855	32272120	32271976	13	14	2	5.865244197	0.000387308	ARHGAP12	ENSG00000165322
10	32399635	32399898	32399765	15	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000206660
10	32434806	32435038	32434922	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000219005
10	32468317	32468580	32468474	14	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000216812
10	32500218	32500501	32500380	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000217094
10	32675033	32675806	32675208	13	35	3	10.55743955	1.13E-09		ENSG00000222309
10	33269833	33270059	33269946	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000218547
10	33287247	33287490	33287373	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ITGB1	ENSG00000150093
10	33337595	33337953	33337774	10	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000220900
10	33602284	33602669	33602463	14	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000209716
10	33620176	33620417	33620336	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000209716
10	33714013	33714202	33714120	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NRP1	ENSG00000099250
10	33838091	33838296	33838203	8	9	6	1.675784056	0.141978	NRP1	ENSG00000099250
10	34033366	34033798	34033646	11	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000219446

10	34634135	34634342	34634238	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000209724
10	35027875	35028220	35028047	14	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000215184
10	35048346	35048612	35048507	15	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000215184
10	35234882	35235468	35235177	29	50	6	8.546498686	6.41E-12		ENSG00000223047
10	35283138	35283409	35283273	16	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000213724
10	35419376	35419586	35419506	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CUL2	ENSG00000108094
10	35456505	35456777	35456644	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CREM	ENSG00000095794
10	35547457	35547721	35547626	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000209753
10	35635772	35636177	35635920	12	21	6	3.686724924	0.000453999	CCNY	ENSG00000108100
10	36150101	36150512	36150280	18	27	5	5.474227917	4.62E-06		ENSG00000218744
10	36201490	36201817	36201653	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218744
10	36216705	36216938	36216812	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000218744
10	36303800	36304127	36303963	19	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000218744
10	36384801	36385071	36384948	18	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000218744
10	36402786	36403031	36402925	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000218688
10	36552849	36553036	36552967	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000218688
10	38305503	38305938	38305720	21	31	4	7.507512572	9.10E-08	ZNF25	ENSG00000175395
10	38336982	38337358	38337138	25	30	1	18.18225701	6.30E-10	ZNF33A	ENSG00000189180
10	38339567	38339802	38339681	9	11	2	4.692195357	0.00272444	ZNF33A	ENSG00000189180
10	38423074	38423380	38423227	8	12	5	2.541605819	0.0225912	ZNF37A	ENSG00000075407
10	38841082	38841339	38841231	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000219057
10	39134173	39134502	39134337	25	26	23	1.319679944	0.160955		ENSG00000217685
10	39163579	39163760	39163669	10	12	17	0.84720194	0.681997		ENSG00000217685
10	39186635	39186819	39186783	9	9	13	0.837892028	0.672794		ENSG00000217685
10	41683232	41683563	41683397	17	17	17	1.173048839	0.317303		ENSG00000220883
10	41684759	41685068	41684927	8	9	19	0.58652442	0.925417		ENSG00000220883
10	41699742	41700089	41699915	118	119	208	0.673520865	0.999776		ENSG00000220883
10	41700105	41700435	41700270	11	14	26	0.6516938	0.91539		ENSG00000220883
10	41705028	41705372	41705200	63	64	80	0.941335488	0.643892		ENSG00000220883
10	41705546	41705725	41705573	9	9	11	0.977540699	0.526123		ENSG00000220883
10	41716290	41716712	41716469	12	21	30	0.832486273	0.749627		ENSG00000220883
10	41716715	41717068	41716891	76	80	106	0.888008934	0.792216		ENSG00000220883
10	41718361	41718880	41718701	22	37	55	0.795997427	0.864955		ENSG00000220883
10	41719205	41719537	41719371	29	34	38	1.052736138	0.414626		ENSG00000220883

10	41719542	41719971	41719721	21	30	32	1.10195497	0.350579		ENSG00000220883
10	41721690	41722190	41721869	21	31	27	1.340627245	0.128083		ENSG00000220883
10	41722975	41723306	41723140	12	13	25	0.631641683	0.924582		ENSG00000220883
10	41849257	41850098	41849596	68	96	123	0.917626915	0.738915		ENSG00000220883
10	41850629	41850822	41850673	10	11	32	0.426563214	0.996587		ENSG00000220883
10	41850917	41851246	41851081	21	22	30	0.870326558	0.697587		ENSG00000220883
10	41851777	41852125	41851951	52	53	64	0.974532882	0.557859		ENSG00000220883
10	41852436	41852925	41852615	14	20	19	1.231701281	0.25288		ENSG00000220883
10	42117145	42117478	42117311	20	23	29	0.938439071	0.595359		ENSG00000219859
10	42119843	42120024	42119993	10	10	11	1.075294769	0.434143		ENSG00000219859
10	42137066	42137395	42137230	13	14	12	1.353517892	0.211235		ENSG00000215146
10	42137411	42137591	42137563	9	9	13	0.837892028	0.672794		ENSG00000215146
10	42197143	42197322	42197172	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000197120
10	42453414	42453834	42453598	8	17	10	1.919534464	0.0400548	ZNF33B	ENSG00000196693
10	42456168	42456665	42456486	42	53	1	31.67231866	1.89E-17	ZNF33B	ENSG00000196693
10	42841526	42842222	42841812	15	36	5	7.233801176	1.48E-08	RET	ENSG00000165731
10	43165511	43165901	43165766	21	30	4	7.272902804	1.76E-07		ENSG00000209850
10	43177511	43178035	43177672	13	24	5	4.887703497	2.90E-05	FXVD4	ENSG00000150201
10	43211528	43211779	43211666	9	10	2	4.301179077	0.00512919	HNRNPF	ENSG00000169813
10	43212770	43213122	43212946	11	17	5	3.519146518	0.00167472	HNRNPF	ENSG00000169813
10	43252295	43252536	43252415	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ZNF487	ENSG00000180812
10	43669447	43669929	43669750	13	23	3	7.038293036	4.15E-06	C10orf136	ENSG00000204187
10	43728167	43728536	43728357	30	37	3	11.14396397	2.78E-10	C10orf136	ENSG00000204187
10	43989114	43989306	43989210	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	CXCL12	ENSG00000107562
10	44116607	44116910	44116758	10	16	7	2.492728784	0.0124193	CXCL12	ENSG00000107562
10	44116938	44117335	44117159	9	15	4	3.753756286	0.0020497	CXCL12	ENSG00000107562
10	44154657	44154948	44154816	13	14	6	2.513676084	0.016726	CXCL12	ENSG00000107562
10	44250697	44250977	44250838	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000218699
10	44479603	44479852	44479727	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000220202
10	44824204	44824414	44824262	8	9	8	1.303387599	0.281715	C10orf25	ENSG00000165511
10	45253624	45254569	45254013	248	345	0	405.8748984	2.37E-117	8-Mar	ENSG00000165406
10	45286110	45286327	45286226	10	10	8	1.433726359	0.209175	8-Mar	ENSG00000165406
10	46389477	46389760	46389618	9	12	2	5.083211637	0.00143337	SYT15	ENSG00000204176
10	46398449	46398675	46398560	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	SYT15	ENSG00000204176

10	46403737	46404046	46403855	13	17	10	1.919534464	0.0400548	GPRIN2	ENSG00000204175
10	46477211	46477600	46477429	12	18	5	3.714654658	0.000961539	PPYR1	ENSG00000204174
10	46501068	46501284	46501240	10	12	8	1.694403879	0.107291	PPYR1	ENSG00000204174
10	47937824	47938003	47937885	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZNF488	ENSG00000165388
10	47952221	47952559	47952394	20	23	4	5.630634429	1.63E-05	ZNF488	ENSG00000165388
10	47952804	47953077	47952932	17	19	1	11.73048839	2.14E-06	ZNF488	ENSG00000165388
10	47954437	47954654	47954564	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ZNF488	ENSG00000165388
10	47962576	47963317	47962930	121	161	6	27.14770171	1.81E-46	ZNF488	ENSG00000165388
10	47981553	47981775	47981660	11	11	2	4.692195357	0.00272444	ZNF488	ENSG00000165388
10	48104535	48104748	48104641	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221361
10	49129300	49130321	49129801	69	120	9	14.19389096	1.50E-30	FRMPD2	ENSG00000170324
10	49165957	49166418	49166159	21	30	3	9.091128505	3.63E-08		ENSG00000217494
10	49295345	49295822	49295616	101	122	5	24.04750121	4.36E-35	MAPK8	ENSG00000107643
10	49354462	49354815	49354638	14	19	1	11.73048839	2.14E-06	ARHGAP22	ENSG00000128805
10	49467505	49467848	49467676	25	28	1	17.00920817	2.80E-09	ARHGAP22	ENSG00000128805
10	49495631	49495829	49495735	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ARHGAP22	ENSG00000128805
10	49605268	49605471	49605429	9	9	2	3.910162798	0.00955088	WDFY4	ENSG00000128815
10	49666653	49666910	49666781	13	14	3	4.398933147	0.00132748	WDFY4	ENSG00000128815
10	49826661	49827103	49826853	31	42	3	12.61027502	8.12E-12	LRRC18	ENSG00000165383
10	50285715	50286016	50285846	8	8	2	3.519146518	0.017558	DRGX	ENSG00000165606
10	50297109	50297388	50297248	19	23	3	7.038293036	4.15E-06	DRGX	ENSG00000165606
10	50485003	50485299	50485153	10	14	3	4.398933147	0.00132748	CHAT	ENSG00000070748
10	51751874	51752146	51752003	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000217121
10	51851067	51851275	51851166	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000217121
10	51901410	51901665	51901537	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000209947
10	52051670	52052119	52051809	11	17	1	10.55743955	9.18E-06	SGMS1	ENSG00000198964
10	52054233	52054570	52054401	10	15	6	2.68125449	0.0103552	SGMS1	ENSG00000198964
10	53129351	53129543	53129465	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CSTF2T	ENSG00000177613
10	53743400	53743693	53743546	12	16	6	2.848832895	0.00632407	DKK1	ENSG00000107984
10	53743983	53744410	53744162	8	17	5	3.519146518	0.00167472	DKK1	ENSG00000107984
10	53873189	53873819	53873416	40	65	6	11.06017477	2.37E-16		ENSG00000216209
10	53881672	53881867	53881752	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000216209
10	53902119	53902415	53902248	19	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000216209
10	54171650	54172048	54171823	14	21	0	25.80707446	3.84E-08	MBL2	ENSG00000165471

10	54209980	54210243	54210135	10	13	2	5.474227917	0.000747844	MBL2	ENSG00000165471
10	55049473	55049894	55049661	70	85	2	33.62740006	1.17E-26		ENSG00000217935
10	57061050	57061252	57061152	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PCDH15	ENSG00000150275
10	58013098	58013449	58013273	14	19	0	23.46097679	1.81E-07	ZWINT	ENSG00000122952
10	58175317	58175541	58175464	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	ZWINT	ENSG00000122952
10	58648094	58648423	58648258	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000218583
10	59053864	59054201	59054077	15	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000218583
10	59619089	59619461	59619275	21	29	4	7.038293036	3.41E-07		ENSG00000180221
10	59698490	59699024	59698666	10	20	5	4.105670938	0.000308509	CISD1	ENSG00000122873
10	60211682	60211928	60211769	8	9	0	11.73048839	0.000425898	BICC1	ENSG00000122870
10	60766948	60767415	60767175	89	106	3	31.37905645	2.98E-32	FAM13C1	ENSG00000148541
10	61025306	61025544	61025435	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000219119
10	61336261	61336887	61336418	10	24	4	5.865244197	8.64E-06	CCDC6	ENSG00000108091
10	61395162	61395707	61395350	74	96	6	16.25510534	7.52E-26	CCDC6	ENSG00000108091
10	61396830	61397282	61397026	20	29	4	7.038293036	3.41E-07	CCDC6	ENSG00000108091
10	61462576	61462834	61462705	11	13	6	2.346097679	0.0266147	ANK3	ENSG00000151150
10	61478016	61478219	61478143	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ANK3	ENSG00000151150
10	61605171	61605370	61605229	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ANK3	ENSG00000151150
10	61654089	61654285	61654152	8	8	2	3.519146518	0.017558	ANK3	ENSG00000151150
10	61712628	61712825	61712726	8	9	4	2.346097679	0.050148	ANK3	ENSG00000151150
10	61844530	61844737	61844633	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ANK3	ENSG00000151150
10	61858450	61858788	61858619	12	16	2	6.647276756	0.000101928	ANK3	ENSG00000151150
10	61917862	61918243	61918047	57	65	0	77.42122339	5.67E-23	ANK3	ENSG00000151150
10	61924721	61924973	61924842	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	ANK3	ENSG00000151150
10	62187194	62187653	62187488	16	25	1	15.24963491	2.59E-08	CDC2	ENSG00000170312
10	62190407	62190964	62190653	193	232	4	54.66407591	3.21E-72	CDC2	ENSG00000170312
10	62207829	62208326	62208103	9	20	8	2.737113958	0.0036449	CDC2	ENSG00000170312
10	62239986	62240173	62240058	8	8	7	1.319679944	0.283403	CDC2	ENSG00000170312
10	62278501	62278707	62278604	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000223107
10	62312914	62313109	62312994	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000223107
10	63180700	63181024	63180860	8	11	1	7.038293036	0.000674435	C10orf107	ENSG00000183346
10	63252786	63252993	63252879	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ARID5B	ENSG00000150347
10	63264384	63264614	63264468	11	13	6	2.346097679	0.0266147	ARID5B	ENSG00000150347
10	63353295	63353475	63353385	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221272

10	63441326	63441569	63441447	10	13	4	3.28453675	0.00629037	ARID5B	ENSG00000150347
10	63478689	63479278	63479104	11	24	3	7.331555246	2.13E-06	ARID5B	ENSG00000150347
10	63542110	63542461	63542285	16	20	10	2.239456875	0.0121685		ENSG00000221094
10	63766210	63766546	63766378	13	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000223151
10	64067356	64067540	64067448	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ZNF365	ENSG00000138311
10	64234310	64234613	64234461	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ADO	ENSG00000181915
10	65059138	65059450	65059294	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000220039
10	65063547	65063816	65063672	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000220039
10	65142040	65142351	65142210	9	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000220039
10	65296284	65296489	65296416	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000213609
10	65302451	65302655	65302511	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000213609
10	65471036	65471262	65471158	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217682
10	66788381	66788590	66788529	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000219519
10	66849038	66849456	66849241	62	78	1	46.33542915	1.03E-25		ENSG00000219519
10	67045135	67045420	67045267	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000219519
10	69193883	69194437	69194245	10	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000213606
10	69279258	69279465	69279346	8	10	1	6.451768616	0.00135978	DNAJC12	ENSG00000108176
10	69504805	69504986	69504890	8	9	2	3.910162798	0.00955088	HERC4	ENSG00000148634
10	69583299	69583546	69583422	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000222371
10	69583549	69583790	69583669	16	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000222371
10	69761562	69762122	69761916	12	26	5	5.278719777	8.57E-06	HNRNPH3	ENSG00000096746
10	69989836	69990033	69989954	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TET1	ENSG00000138336
10	70150759	70150978	70150909	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CCAR1	ENSG00000060339
10	70331060	70331239	70331149	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DDX50	ENSG00000107625
10	70609648	70609857	70609762	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SUPV3L1	ENSG00000156502
10	70643554	70643782	70643656	15	15	2	6.256260476	0.000199274	HKDC1	ENSG00000156510
10	70763021	70763384	70763200	24	31	8	4.170840318	1.13E-05	HK1	ENSG00000156515
10	70822256	70822531	70822405	15	16	1	9.970915134	1.89E-05	TACR2	ENSG00000075073
10	70844002	70844195	70844109	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TACR2	ENSG00000075073
10	70855648	70855890	70855769	11	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000217700
10	70868434	70868679	70868565	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217700
10	70876465	70876966	70876656	10	19	12	1.804690522	0.0452624	TSPAN15	ENSG00000099282
10	70888474	70888819	70888646	12	17	4	4.222975822	0.000640773	TSPAN15	ENSG00000099282
10	71030793	71031051	71030906	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000220737

10	71230924	71231234	71231079	8	9	1	5.865244197	0.00272497	COL13A1	ENSG00000197467
10	71482448	71482678	71482571	10	10	2	4.301179077	0.00512919	H2AFY2	ENSG00000099284
10	71549961	71550237	71550072	11	15	4	3.753756286	0.0020497	AIFM2	ENSG00000042286
10	71576391	71576886	71576615	14	28	5	5.669736057	2.48E-06	TYSND1	ENSG00000156521
10	71652211	71652459	71652358	13	17	3	5.278719777	0.000205462	PPA1	ENSG00000180817
10	71794144	71794540	71794381	13	19	2	7.820325595	1.32E-05	LRRC20	ENSG00000172731
10	72506801	72507057	72506936	9	11	3	3.519146518	0.00788869	UNC5B	ENSG00000107731
10	72643160	72643350	72643247	8	10	1	6.451768616	0.00135978	UNC5B	ENSG00000107731
10	72647249	72647476	72647351	13	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000216004
10	72730728	72730993	72730860	13	14	2	5.865244197	0.000387308	SLC29A3	ENSG00000198246
10	72769734	72770192	72770013	11	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000210259
10	72942403	72943008	72942831	36	61	2	24.24300935	7.63E-19	CDH23	ENSG00000107736
10	73150770	73151043	73150912	17	19	1	11.73048839	2.14E-06	C10orf105	ENSG00000214688
10	73318746	73319076	73318860	9	13	2	5.474227917	0.000747844	PSAP	ENSG00000197746
10	73478383	73478611	73478494	8	10	9	1.290353723	0.279648	SPOCK2	ENSG00000107742
10	73563094	73563318	73563184	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SPOCK2	ENSG00000107742
10	73645754	73646022	73645929	10	12	3	3.812408728	0.004404	C10orf104	ENSG00000166295
10	73690446	73690631	73690529	9	9	0	11.73048839	0.000425898	DDIT4	ENSG00000168209
10	73700292	73700778	73700558	12	25	4	6.099853964	4.56E-06	DDIT4	ENSG00000168209
10	73703256	73703523	73703389	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	DDIT4	ENSG00000168209
10	73703883	73704071	73703984	8	9	2	3.910162798	0.00955088	DDIT4	ENSG00000168209
10	73727654	73728604	73728129	142	214	5	42.03425008	6.50E-65	DDIT4	ENSG00000168209
10	73740448	73740718	73740599	9	10	3	3.225884308	0.0139466	DDIT4	ENSG00000168209
10	73761163	73762203	73761530	24	69	3	20.52835469	2.58E-20	DNAJB12	ENSG00000148719
10	73779078	73779440	73779239	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	DNAJB12	ENSG00000148719
10	73784404	73784888	73784572	8	18	6	3.183989707	0.00227432	DNAJB12	ENSG00000148719
10	74547713	74547987	74547850	8	10	1	6.451768616	0.00135978	NUDT13	ENSG00000166321
10	74682121	74682657	74682436	18	32	2	12.90353723	1.37E-09	MRPS16	ENSG00000182180
10	74959233	74959415	74959324	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207327
10	75173860	75174264	75174039	11	18	8	2.476436439	0.00924552	SEC24C	ENSG00000176986
10	75215071	75215287	75215122	10	11	2	4.692195357	0.00272444	KIAA0913	ENSG00000214655
10	75305873	75306156	75305993	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	CAMK2G	ENSG00000148660
10	75315757	75316115	75315964	11	15	7	2.346097679	0.0195693	CAMK2G	ENSG00000148660
10	75317163	75318045	75317588	63	95	8	12.51252095	8.74E-24	CAMK2G	ENSG00000148660



10	75318229	75319096	75318489	26	62	6	10.55743955	1.87E-15	CAMK2G	ENSG00000148660
10	75349806	75350145	75349912	13	17	0	21.11487911	8.57E-07	C10orf55	ENSG00000222047
10	75487957	75488194	75488106	9	10	0	12.90353723	0.000195991	VCL	ENSG00000035403
10	75619841	75620115	75619981	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	ADK	ENSG00000156110
10	75623276	75623467	75623413	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ADK	ENSG00000156110
10	75636479	75636734	75636658	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	ADK	ENSG00000156110
10	76043290	76043496	76043382	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000214626
10	76251384	76251627	76251505	11	12	2	5.083211637	0.00143337	MYST4	ENSG00000156650
10	76509559	76509897	76509737	17	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000217937
10	76639757	76639999	76639878	8	11	6	2.010940867	0.0640214	VDAC2	ENSG00000165637
10	76665736	76666074	76665954	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	COMTD1	ENSG00000165644
10	76833124	76833344	76833284	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ZNF503	ENSG00000165655
10	76839124	76839339	76839221	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF503	ENSG00000165655
10	77466259	77466500	77466373	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000221232
10	77542490	77542782	77542632	13	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000221232
10	77544459	77544784	77544621	11	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000221232
10	78595497	78595876	78595745	11	16	3	4.985457567	0.000385643	KCNMA1	ENSG00000156113
10	78820296	78820484	78820390	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KCNMA1	ENSG00000156113
10	78822859	78823062	78822964	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KCNMA1	ENSG00000156113
10	78835552	78835755	78835682	9	12	4	3.049926982	0.0108184	KCNMA1	ENSG00000156113
10	78840368	78840635	78840501	9	10	3	3.225884308	0.0139466	KCNMA1	ENSG00000156113
10	78885729	78885971	78885861	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000216801
10	78891399	78891769	78891552	11	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000216801
10	78950013	78950351	78950182	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000199592
10	78963754	78963994	78963874	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000199592
10	78968999	78969219	78969139	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000199592
10	79012449	79012739	79012593	13	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000199592
10	79036542	79036934	79036755	17	24	9	2.932622098	0.00106136		ENSG00000199592
10	79071635	79071927	79071766	13	15	5	3.128130238	0.00492422	KCNMA1	ENSG00000156113
10	79089087	79089416	79089237	9	13	1	8.211341875	0.000163445	KCNMA1	ENSG00000156113
10	79328533	79328883	79328708	8	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000210457
10	79464072	79464251	79464127	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RPS24	ENSG00000138326
10	79845807	79846025	79845916	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000201393
10	79888719	79889067	79888893	15	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000201393

10	80349749	80350194	80349989	30	44	5	8.797866295	7.25E-11	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80356885	80357350	80357171	10	18	6	3.183989707	0.00227432	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80377570	80377883	80377739	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80391329	80391508	80391418	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80482540	80482778	80482668	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80496236	80496427	80496327	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80497083	80497426	80497211	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80529691	80530063	80529889	23	27	0	32.8453675	3.65E-10	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80625219	80625497	80625366	11	15	2	6.256260476	0.000199274	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80665537	80665776	80665656	10	11	2	4.692195357	0.00272444	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80667509	80667975	80667698	29	43	6	7.373449847	6.53E-10	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80669927	80670168	80670053	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80690634	80690881	80690784	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80694737	80695006	80694900	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	81828628	81828934	81828781	9	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000133678
10	81850673	81851367	81850930	13	32	13	2.765043693	0.00036798		ENSG00000133678
10	81908376	81908612	81908494	10	11	5	2.346097679	0.0364013	PLAC9	ENSG00000189129
10	81921097	81921344	81921193	9	11	7	1.759573259	0.102361	ANXA11	ENSG00000122359
10	82127947	82128191	82128069	15	15	1	9.384390715	3.90E-05	DYDC2	ENSG00000133665
10	82157956	82158218	82158047	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C10orf57	ENSG00000122378
10	82179486	82179756	82179628	17	19	0	23.46097679	1.81E-07	C10orf57	ENSG00000122378
10	82186145	82186546	82186324	18	26	8	3.519146518	0.000175368	C10orf57	ENSG00000122378
10	82210427	82210763	82210598	19	24	5	4.887703497	2.90E-05	TSPAN14	ENSG00000108219
10	82220782	82221288	82220966	9	21	2	8.602358155	3.33E-06	TSPAN14	ENSG00000108219
10	82254239	82254492	82254331	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SH2D4B	ENSG00000178217
10	82368756	82369209	82368985	36	51	2	20.33284655	1.28E-15	SH2D4B	ENSG00000178217
10	82413797	82414176	82414016	12	18	3	5.571981987	0.000108726	SH2D4B	ENSG00000178217
10	82497275	82497529	82497402	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000217745
10	82555009	82555380	82555203	11	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000218551
10	82646232	82646714	82646405	13	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000220859
10	82647231	82647465	82647348	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000220859
10	82716008	82716327	82716164	19	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000220859
10	82858401	82858849	82858580	14	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000219745
10	82927720	82928067	82927893	33	37	0	44.57585589	1.55E-13		ENSG00000219745

10	83057099	83057351	83057254	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000219745
10	83194006	83194370	83194184	31	37	2	14.85861863	3.69E-11		ENSG00000219745
10	83647904	83648089	83647996	10	10	3	3.225884308	0.0139466	NRG3	ENSG00000185737
10	84213327	84213514	84213420	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207275
10	84442253	84442649	84442453	8	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000207275
10	84577013	84577206	84577127	12	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000200774
10	85733136	85733766	85733535	64	90	3	26.68686109	4.60E-27		ENSG00000200789
10	85742230	85742439	85742302	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000200789
10	85889155	85889390	85889282	13	13	6	2.346097679	0.0266147	GHITM	ENSG00000165678
10	85955395	85955679	85955537	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PCDH21	ENSG00000148600
10	86179833	86180194	86179975	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000216576
10	86273244	86273517	86273380	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000178429
10	86274744	86275169	86274960	91	112	3	33.13862971	3.32E-34		ENSG00000178429
10	87297840	87298315	87298049	31	45	2	17.98674887	1.07E-13		ENSG00000210526
10	87441421	87441636	87441588	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000216996
10	87484710	87485073	87485002	8	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000216996
10	87943983	87944336	87944159	13	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000199104
10	87969936	87970766	87970337	23	46	1	27.56664772	3.79E-15		ENSG00000199104
10	88257263	88257501	88257382	12	12	4	3.049926982	0.0108184	WAPAL	ENSG00000062650
10	88306508	88306715	88306611	8	9	0	11.73048839	0.000425898	WAPAL	ENSG00000062650
10	88397595	88397786	88397686	9	9	2	3.910162798	0.00955088	OPN4	ENSG00000122375
10	88398747	88398940	88398908	8	10	0	12.90353723	0.000195991	OPN4	ENSG00000122375
10	88689170	88689419	88689294	8	10	3	3.225884308	0.0139466	MMRN2	ENSG00000173269
10	88718072	88718527	88718251	31	44	8	5.865244197	5.07E-09	C10orf116	ENSG00000148671
10	89592103	89592395	89592264	23	26	2	10.55743955	9.97E-08		ENSG00000213478
10	89592607	89593262	89593016	137	168	5	33.04087564	6.40E-50		ENSG00000213478
10	89611808	89612324	89612154	23	39	7	5.865244197	3.22E-08	PTENP1	ENSG00000171862
10	89612779	89613219	89613042	16	24	2	9.775406994	4.09E-07	PTENP1	ENSG00000171862
10	89728755	89729048	89728904	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000200891
10	89881409	89882290	89881826	12	37	11	3.714654658	6.69E-06		ENSG00000216533
10	89902483	89902724	89902609	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000216533
10	90003878	90004081	90003990	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000216533
10	90010382	90010802	90010592	15	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000216533
10	90332945	90333188	90333122	9	12	2	5.083211637	0.00143337	C10orf59	ENSG00000184719

10	90453084	90453347	90453215	8	12	3	3.812408728	0.004404	LIPK	ENSG00000204021
10	90601480	90601773	90601627	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ANKRD22	ENSG00000152766
10	90740371	90740710	90740540	14	18	4	4.457585589	0.000353565	FAS	ENSG00000026103
10	90740809	90741482	90741068	86	118	1	69.79640594	5.05E-39	FAS	ENSG00000026103
10	90991589	90991769	90991634	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LIPA	ENSG00000107798
10	91394882	91395293	91395061	21	30	2	12.12150467	5.77E-09	PANK1	ENSG00000152782
10	91801359	91801704	91801531	15	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000148667
10	92342680	92342901	92342751	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000197911
10	92629503	92629766	92629651	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210652
10	92727010	92727492	92727315	23	32	2	12.90353723	1.37E-09		ENSG00000201604
10	92987991	92988327	92988167	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	PCGF5	ENSG00000180628
10	93305215	93305401	93305308	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RPS27P1	ENSG00000218952
10	93306329	93306695	93306522	9	13	6	2.346097679	0.0266147	RPS27P1	ENSG00000218952
10	93339132	93339363	93339213	10	13	1	8.211341875	0.000163445	PPP1R3C	ENSG00000119938
10	93547870	93548152	93548011	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TNKS2	ENSG00000107854
10	93630177	93630662	93630493	10	19	2	7.820325595	1.32E-05	FGFBP3	ENSG00000174721
10	93837495	93837730	93837612	10	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000214549
10	94040745	94040954	94040846	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CPEB3	ENSG00000107864
10	94160552	94160801	94160686	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000220795
10	94324224	94324459	94324358	11	11	2	4.692195357	0.00272444	IDE	ENSG00000119912
10	94341224	94341592	94341326	8	14	5	2.932622098	0.00829617	KIF11	ENSG00000138160
10	94887833	94888286	94888033	53	67	2	26.58910702	8.66E-21		ENSG00000218488
10	94932451	94932659	94932555	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000218607
10	94993808	94994035	94993902	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000218607
10	95184772	95185250	95184947	25	33	5	6.647276756	1.04E-07	FER1L3	ENSG00000138119
10	95188543	95188954	95188776	14	20	8	2.737113958	0.0036449	FER1L3	ENSG00000138119
10	95190535	95190850	95190673	10	12	9	1.524963491	0.154777	FER1L3	ENSG00000138119
10	95195100	95195599	95195276	10	20	13	1.759573259	0.0475388	FER1L3	ENSG00000138119
10	95208607	95208794	95208734	9	10	1	6.451768616	0.00135978	FER1L3	ENSG00000138119
10	95215514	95216230	95215787	17	45	7	6.745030826	7.35E-10	FER1L3	ENSG00000138119
10	95231888	95232469	95232186	10	24	4	5.865244197	8.64E-06	FER1L3	ENSG00000138119
10	95452207	95452566	95452389	18	24	6	4.18946014	8.40E-05	C10orf4	ENSG00000148690
10	95512921	95513181	95513022	21	23	4	5.630634429	1.63E-05	LGI1	ENSG00000108231
10	96112675	96112927	96112804	9	10	3	3.225884308	0.0139466	NOC3L	ENSG00000173145

10	96151864	96152129	96152029	12	14	2	5.865244197	0.000387308	TBC1D12	ENSG00000108239
10	96336022	96336207	96336114	9	9	0	11.73048839	0.000425898	HELLS	ENSG00000119969
10	96484395	96484709	96484569	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	CYP2C19	ENSG00000165841
10	96882783	96883040	96882948	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000219399
10	96933413	96933646	96933553	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000219399
10	97044731	97045384	97044998	36	64	2	25.41605819	8.14E-20	PDLIM1	ENSG00000107438
10	97088803	97089339	97089080	21	39	1	23.46097679	7.43E-13		ENSG00000210773
10	97262085	97262428	97262250	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	SORBS1	ENSG00000095637
10	97443839	97444122	97443949	14	14	9	1.759573259	0.0786014	TCTN3	ENSG00000119977
10	97792922	97793124	97792998	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CCNJ	ENSG00000107443
10	97879540	97879834	97879687	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	ZNF518A	ENSG00000177853
10	97979291	97979573	97979432	8	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000216429
10	98021280	98021638	98021459	9	15	4	3.753756286	0.0020497	BLNK	ENSG00000095585
10	98084666	98084867	98084766	8	9	7	1.466311049	0.20706	OPALIN	ENSG00000197430
10	98390733	98390953	98390862	11	13	4	3.28453675	0.00629037	PIK3AP1	ENSG00000155629
10	98470624	98470815	98470666	8	8	2	3.519146518	0.017558	PIK3AP1	ENSG00000155629
10	98551323	98551672	98551497	9	14	15	1.099733287	0.398076		ENSG00000207976
10	98613997	98614192	98614104	8	8	4	2.111487911	0.0804809	LCOR	ENSG00000196233
10	99041962	99042299	99042130	9	13	8	1.824742639	0.0744168	ARHGAP19	ENSG00000213390
10	99042422	99042634	99042528	8	11	3	3.519146518	0.00788869	ARHGAP19	ENSG00000213390
10	99077558	99077947	99077713	10	16	5	3.323638378	0.00288759	FRAT2	ENSG00000181274
10	99082606	99082864	99082777	12	15	4	3.753756286	0.0020497	FRAT2	ENSG00000181274
10	99087081	99087356	99087213	14	15	5	3.128130238	0.00492422	FRAT2	ENSG00000181274
10	99150997	99151238	99151139	8	10	0	12.90353723	0.000195991	RRP12	ENSG00000052749
10	99213470	99213653	99213561	10	10	1	6.451768616	0.00135978	ZDHC16	ENSG00000171307
10	99292963	99293248	99293093	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99299692	99300170	99299931	114	143	4	33.78380657	4.83E-43	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99303266	99303541	99303406	11	14	5	2.932622098	0.00829617	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99316219	99316430	99316324	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99321347	99321707	99321528	11	18	4	4.457585589	0.000353565	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99322115	99322294	99322217	8	8	2	3.519146518	0.017558	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99324507	99324806	99324656	10	15	3	4.692195357	0.000718455	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99401411	99401915	99401696	93	128	2	50.44110009	8.29E-41	PI4K2A	ENSG00000043822
10	99426476	99426675	99426575	9	10	3	3.225884308	0.0139466	AVPI1	ENSG00000119986

10	99433763	99433976	99433869	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	AVPI1	ENSG00000119986
10	99437232	99437439	99437358	9	9	1	5.865244197	0.00272497	AVPI1	ENSG00000119986
10	99451230	99451800	99451314	9	21	1	12.90353723	4.95E-07	MARVELD1	ENSG00000155254
10	99486538	99486782	99486676	9	9	4	2.346097679	0.050148	ZFYVE27	ENSG00000155256
10	99756471	99756682	99756550	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CRTAC1	ENSG00000095713
10	99795563	99795746	99795654	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CRTAC1	ENSG00000095713
10	100015196	100015520	100015358	15	19	0	23.46097679	1.81E-07	LOXL4	ENSG00000138131
10	100081811	100082003	100081907	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000221419
10	100126130	100126309	100126242	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221419
10	100332102	100332376	100332236	14	15	2	6.256260476	0.000199274	HPS1	ENSG00000107521
10	100361680	100361863	100361748	9	9	2	3.910162798	0.00955088	HPS1	ENSG00000107521
10	100666600	100666859	100666766	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000217480
10	100757283	100757502	100757390	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217480
10	100757759	100758121	100757870	10	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000217480
10	100758800	100759351	100759036	43	60	3	17.8889948	1.88E-17		ENSG00000217480
10	101180896	101181223	101181055	9	10	3	3.225884308	0.0139466	GOT1	ENSG00000120053
10	101404567	101404940	101404746	18	25	2	10.16642327	2.02E-07	ENTPD7	ENSG00000198018
10	101481672	101481970	101481842	10	13	4	3.28453675	0.00629037	COX15	ENSG00000014919
10	101680661	101680867	101680764	10	11	3	3.519146518	0.00788869	DNMBP	ENSG00000107554
10	101770291	101770517	101770404	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000210837
10	101793159	101793481	101793318	42	46	1	27.56664772	3.79E-15		ENSG00000210842
10	101935994	101936219	101936115	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ERLIN1	ENSG00000107566
10	101979339	101979523	101979410	9	9	5	1.955081399	0.0892323	CHUK	ENSG00000213341
10	102017222	102017682	102017401	14	22	9	2.69801233	0.00276236	CWF19L1	ENSG00000095485
10	102035701	102036152	102035880	46	61	3	18.18225701	9.05E-18	BLOC1S2	ENSG00000196072
10	102036178	102036441	102036309	11	14	4	3.519146518	0.00361132	BLOC1S2	ENSG00000196072
10	102098531	102098719	102098619	8	9	6	1.675784056	0.141978	SCD	ENSG00000099194
10	102114619	102114920	102114769	9	14	3	4.398933147	0.00132748	SCD	ENSG00000099194
10	102123238	102123692	102123417	10	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000212325
10	102183518	102183848	102183679	20	22	7	3.372515413	0.000629223	WNT8B	ENSG00000075290
10	102232353	102232542	102232447	8	8	1	5.278719777	0.00542188	WNT8B	ENSG00000075290
10	102406212	102406460	102406336	23	23	1	14.07658607	1.14E-07	PAX2	ENSG00000075891
10	102478864	102479105	102479008	9	10	2	4.301179077	0.00512919	PAX2	ENSG00000075891
10	102747432	102747684	102747540	8	11	2	4.692195357	0.00272444	LZTS2	ENSG00000107816

10	102748089	102748273	102748181	8	9	6	1.675784056	0.141978	LZTS2	ENSG00000107816
10	102762686	102762878	102762782	11	12	4	3.049926982	0.0108184	LZTS2	ENSG00000107816
10	102782170	102782349	102782259	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SFXN3	ENSG00000107819
10	102792919	102793114	102792964	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SFXN3	ENSG00000107819
10	102810793	102810979	102810927	8	9	5	1.955081399	0.0892323	KAZALD1	ENSG00000107821
10	102815893	102816076	102815980	8	8	6	1.508205651	0.203852	KAZALD1	ENSG00000107821
10	102816403	102816602	102816530	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	KAZALD1	ENSG00000107821
10	102845215	102845640	102845394	10	18	5	3.714654658	0.000961539	KAZALD1	ENSG00000107821
10	102891203	102891463	102891333	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TLX1	ENSG00000107807
10	102971080	102971709	102971447	30	49	7	7.331555246	5.59E-11	LBX1	ENSG00000138136
10	103103519	103103781	103103614	11	13	7	2.052835469	0.046392	BTRC	ENSG00000166167
10	103308085	103308330	103308207	11	11	2	4.692195357	0.00272444	POLL	ENSG00000166169
10	103530771	103531192	103530950	13	20	3	6.158506406	2.99E-05	NPM3	ENSG00000107833
10	103580380	103580565	103580472	8	9	7	1.466311049	0.20706	KCNIP2	ENSG00000120049
10	103639518	103639714	103639619	8	8	2	3.519146518	0.017558	KCNIP2	ENSG00000120049
10	103639999	103640309	103640154	9	12	1	7.624817456	0.000332769	KCNIP2	ENSG00000120049
10	103805955	103806206	103806091	9	11	7	1.759573259	0.102361	C10orf76	ENSG00000120029
10	103822749	103822929	103822799	8	8	7	1.319679944	0.283403	HPS6	ENSG00000166189
10	103862937	103863160	103863048	9	10	0	12.90353723	0.000195991	LDB1	ENSG00000198728
10	103864677	103864871	103864774	8	9	4	2.346097679	0.050148	LDB1	ENSG00000198728
10	103882288	103882493	103882390	12	13	3	4.105670938	0.00243034	PPRC1	ENSG00000148840
10	103994987	103995218	103995079	10	10	5	2.150589539	0.0575848	GBF1	ENSG00000107862
10	104097043	104097245	104097144	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NFKB2	ENSG00000077150
10	104153544	104153782	104153649	8	10	1	6.451768616	0.00135978	NFKB2	ENSG00000077150
10	104170567	104171087	104170731	10	19	8	2.606775198	0.00583935	FBXL15	ENSG00000107872
10	104172522	104172737	104172629	8	10	6	1.843362462	0.0964212	FBXL15	ENSG00000107872
10	104182253	104182570	104182411	19	23	11	2.346097679	0.00594236	CUEDC2	ENSG00000107874
10	104210857	104211179	104210996	9	13	4	3.28453675	0.00629037	TMEM180	ENSG00000138111
10	104252629	104252831	104252721	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ACTR1A	ENSG00000138107
10	104391759	104391953	104391856	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TRIM8	ENSG00000171206
10	104479108	104479289	104479218	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SFXN2	ENSG00000156398
10	104519094	104519287	104519201	8	8	2	3.519146518	0.017558	C10orf26	ENSG00000166272
10	104519665	104519872	104519768	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C10orf26	ENSG00000166272
10	104603929	104604161	104604055	9	10	5	2.150589539	0.0575848	C10orf32	ENSG00000166275

10	104747776	104748000	104747888	13	13	3	4.105670938	0.00243034	ENSG00000210987
10	104791953	104792365	104792186	25	32	1	19.35530585	1.42E-10	ENSG00000210987
10	104982096	104982280	104982210	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000213276
10	104990187	104990423	104990305	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000213276
10	105117438	105117674	105117533	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TAF5 ENSG00000148835
10	105235543	105235854	105235687	12	15	4	3.753756286	0.0020497	CALHM3 ENSG00000183128
10	105304531	105304711	105304671	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NEURL ENSG00000107954
10	105413568	105413853	105413688	11	13	1	8.211341875	0.000163445	ENSG00000222503
10	105462631	105462931	105462780	8	11	1	7.038293036	0.000674435	SH3PXD2A ENSG00000107957
10	105466077	105466329	105466181	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SH3PXD2A ENSG00000107957
10	105573987	105574349	105574189	25	31	2	12.51252095	2.82E-09	SH3PXD2A ENSG00000107957
10	105629132	105629461	105629283	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	SH3PXD2A ENSG00000107957
10	105639982	105640264	105640142	15	18	8	2.476436439	0.00924552	OBFC1 ENSG00000107960
10	105871256	105871642	105871493	9	15	5	3.128130238	0.00492422	C10orf78 ENSG00000156384
10	106230567	106230857	106230699	8	11	5	2.346097679	0.0364013	CCDC147 ENSG00000120051
10	106558892	106559292	106559117	17	26	0	31.67231866	7.93E-10	SORCS3 ENSG00000156395
10	107701970	107702237	107702103	9	13	3	4.105670938	0.00243034	ENSG00000213260
10	108189166	108189422	108189294	15	15	4	3.753756286	0.0020497	ENSG00000213257
10	108301779	108301977	108301878	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ENSG00000213257
10	109789578	109789958	109789754	26	32	2	12.90353723	1.37E-09	ENSG00000217870
10	111424903	111425082	111424992	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000216476
10	111634074	111634368	111634221	10	14	5	2.932622098	0.00829617	XPNPEP1 ENSG00000108039
10	111640853	111641214	111641025	38	44	1	26.39359888	1.72E-14	XPNPEP1 ENSG00000108039
10	111652750	111653231	111652871	10	21	4	5.161414893	5.68E-05	XPNPEP1 ENSG00000108039
10	111758442	111758671	111758556	8	8	2	3.519146518	0.017558	ADD3 ENSG00000148700
10	111925159	111925492	111925325	28	32	0	38.7106117	7.53E-12	MXI1 ENSG00000119950
10	111966844	111967405	111967152	22	35	6	6.032822602	1.10E-07	MXI1 ENSG00000119950
10	111975450	111975666	111975552	11	11	3	3.519146518	0.00788869	MXI1 ENSG00000119950
10	112317187	112317447	112317317	9	11	3	3.519146518	0.00788869	SMC3 ENSG00000108055
10	112379432	112379669	112379538	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000223302
10	112540871	112541337	112541126	9	19	1	11.73048839	2.14E-06	RBM20 ENSG00000203867
10	112553705	112553922	112553800	9	10	4	2.580707446	0.0306059	RBM20 ENSG00000203867
10	112572308	112572872	112572462	9	21	14	1.720471631	0.0496182	RBM20 ENSG00000203867
10	112668711	112669106	112668957	11	18	5	3.714654658	0.000961539	NCRNA0001 ENSG00000214413



10	112806781	112807061	112806921	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	ADRA2A	ENSG00000150594
10	113887266	113887538	113887402	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	GPAM	ENSG00000119927
10	114465875	114466212	114466054	21	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000203854
10	114474186	114474599	114474428	14	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000203854
10	114491497	114491712	114491619	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000203854
10	114515573	114515784	114515702	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000203854
10	114560562	114560804	114560703	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000203854
10	114561554	114561893	114561726	10	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000203854
10	114817317	114817636	114817486	22	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000179487
10	116016252	116016604	116016415	18	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000219906
10	116056366	116056677	116056514	9	13	1	8.211341875	0.000163445	AFAP1L2	ENSG00000169129
10	116099810	116099989	116099877	8	8	8	1.173048839	0.36929	AFAP1L2	ENSG00000169129
10	116350412	116350613	116350512	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ABLIM1	ENSG00000099204
10	116373705	116373933	116373788	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ABLIM1	ENSG00000099204
10	116529559	116529758	116529654	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220318
10	116529833	116530025	116529955	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000220318
10	116561417	116561689	116561544	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000220318
10	116687797	116688034	116687915	10	13	3	4.105670938	0.00243034	TRUB1	ENSG00000165832
10	117194959	117195221	117195080	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	ATRNL1	ENSG00000107518
10	117414199	117414575	117414363	9	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000203279
10	117415709	117415926	117415817	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000203279
10	117794297	117794523	117794410	10	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000222696
10	117808004	117808261	117808132	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222696
10	117893107	117893348	117893236	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222696
10	117976764	117976978	117976850	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GFRA1	ENSG00000151892
10	118027750	118027958	118027865	8	10	1	6.451768616	0.00135978	GFRA1	ENSG00000151892
10	118339456	118339664	118339560	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PNLIPRP1	ENSG00000187021
10	118383853	118384348	118384137	26	38	5	7.624817456	3.97E-09	PNLIPRP2	ENSG00000165862
10	118419878	118420077	118419970	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C10orf82	ENSG00000165863
10	118598994	118599206	118599062	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000188316
10	118739813	118740017	118739915	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KIAA1598	ENSG00000187164
10	118754506	118755019	118754673	9	19	6	3.351568112	0.00134187	KIAA1598	ENSG00000187164
10	118966190	118966746	118966387	32	54	4	12.90353723	1.19E-14	KCNK18	ENSG00000186795
10	119246177	119246364	119246190	8	10	1	6.451768616	0.00135978	EMX2	ENSG00000170370

10	119695804	119696036	119695920	9	9	0	11.73048839	0.000425898	RAB11FIP2	ENSG00000107560
10	119803959	119804394	119804138	15	22	7	3.372515413	0.000629223	CASC2	ENSG00000177640
10	120272303	120272488	120272395	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000203278
10	120293670	120293908	120293789	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000203278
10	120339986	120340244	120340142	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	PRLHR	ENSG00000119973
10	120709621	120709988	120709800	11	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000216505
10	120750256	120750651	120750397	15	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000215925
10	120753122	120753883	120753413	43	72	2	28.54418842	2.05E-22		ENSG00000215925
10	120756297	120756772	120756490	26	38	3	11.43722618	1.38E-10		ENSG00000215925
10	121074408	121075000	121074821	36	56	6	9.55196912	1.13E-13		ENSG00000211177
10	121166502	121166685	121166593	9	9	0	11.73048839	0.000425898	RGS10	ENSG00000148908
10	121346469	121346875	121346648	10	18	2	7.429309316	2.63E-05	TIAL1	ENSG00000151923
10	121357872	121358163	121358023	10	12	5	2.541605819	0.0225912	TIAL1	ENSG00000151923
10	121413593	121414108	121413929	15	24	20	1.396486713	0.128495	BAG3	ENSG00000151929
10	121641849	121642203	121642026	10	16	4	3.988366054	0.00115141	SEC23IP	ENSG00000107651
10	121955160	121955494	121955317	10	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000221402
10	122002717	122002947	122002879	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000220842
10	122145844	122146056	122145950	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000218859
10	122207620	122207799	122207709	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PPAPDC1A	ENSG00000203805
10	122253829	122254169	122253999	16	18	0	22.28792795	3.94E-07	PPAPDC1A	ENSG00000203805
10	122348081	122348339	122348208	10	10	3	3.225884308	0.0139466	C10orf85	ENSG00000177234
10	122600512	122601029	122600691	15	28	6	4.859773763	8.07E-06	BRWD2	ENSG00000120008
10	122995382	122995561	122995471	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000220021
10	123082393	123082674	123082522	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222979
10	123259686	123259948	123259850	11	13	1	8.211341875	0.000163445	FGFR2	ENSG00000066468
10	123303488	123303759	123303614	11	13	2	5.474227917	0.000747844	FGFR2	ENSG00000066468
10	123360471	123360890	123360640	51	61	0	72.72902804	1.26E-21	FGFR2	ENSG00000066468
10	123636523	123636743	123636625	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201884
10	123677647	123677850	123677717	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ATE1	ENSG00000107669
10	123744085	123744822	123744658	18	37	6	6.367979413	3.11E-08	TACC2	ENSG00000138162
10	123801199	123801389	123801312	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TACC2	ENSG00000138162
10	123803654	123803893	123803763	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TACC2	ENSG00000138162
10	123892352	123892705	123892528	11	16	5	3.323638378	0.00288759	TACC2	ENSG00000138162
10	124225806	124226123	124225964	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	HTRA1	ENSG00000166033

10	124446640	124446824	124446724	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C10orf120	ENSG00000183559
10	124703660	124704026	124703815	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	C10orf88	ENSG00000119965
10	124758231	124758429	124758330	12	14	4	3.519146518	0.00361132	IKZF5	ENSG00000095574
10	124977372	124977587	124977479	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000216983
10	125195006	125195226	125195116	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GPR26	ENSG00000154478
10	125287826	125288009	125287917	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GPR26	ENSG00000154478
10	125288352	125288791	125288587	50	63	4	15.01502514	1.95E-17	GPR26	ENSG00000154478
10	125322747	125323036	125322891	13	16	5	3.323638378	0.00288759	GPR26	ENSG00000154478
10	125371036	125371326	125371181	9	12	2	5.083211637	0.00143337	GPR26	ENSG00000154478
10	125471293	125471587	125471440	9	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000221293
10	125493479	125493770	125493624	16	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000221293
10	125744993	125745258	125745125	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000219465
10	125745317	125745506	125745470	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000219465
10	125813640	125813971	125813805	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000182022
10	125855187	125855463	125855325	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000182022
10	125855981	125856354	125856175	10	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000182022
10	126369604	126370008	126369747	12	19	6	3.351568112	0.00134187	FAM53B	ENSG00000189319
10	126372299	126372484	126372338	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM53B	ENSG00000189319
10	126743301	126743626	126743463	15	20	5	4.105670938	0.000308509	CTBP2	ENSG00000175029
10	126766115	126766333	126766239	11	11	2	4.692195357	0.00272444	CTBP2	ENSG00000175029
10	126839347	126839682	126839514	11	15	4	3.753756286	0.0020497	CTBP2	ENSG00000175029
10	126975155	126975589	126975372	47	56	6	9.55196912	1.13E-13		ENSG00000212946
10	127085844	127086146	127086002	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000220396
10	127131748	127131944	127131846	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220396
10	127217490	127217692	127217591	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220396
10	127263489	127263753	127263656	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000214297
10	127303371	127303738	127303559	13	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000214297
10	127312738	127312987	127312861	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000214297
10	127325071	127325268	127325169	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214297
10	127515128	127515307	127515217	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000215972
10	127515367	127515709	127515538	11	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000215972
10	127568083	127568406	127568244	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000222629
10	127574112	127574561	127574322	9	18	6	3.183989707	0.00227432	FANK1	ENSG00000203780
10	127579638	127579868	127579734	8	11	1	7.038293036	0.000674435	FANK1	ENSG00000203780

10	127646111	127646563	127646317	45	61	2	24.24300935	7.63E-19	FANK1	ENSG00000203780
10	127923880	127924059	127923969	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000213170
10	128065622	128065817	128065723	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ADAM12	ENSG00000148848
10	128722011	128722478	128722313	14	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000202487
10	128732511	128732872	128732669	12	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000202487
10	129263011	129263570	129263240	20	36	2	14.46760235	7.62E-11	NPS	ENSG00000214285
10	129551400	129551877	129551641	89	119	0	140.7658607	3.56E-41	CLRN3	ENSG00000180745
10	129627868	129628467	129628172	45	79	1	46.92195357	4.78E-26	PTPRE	ENSG00000132334
10	129699658	129699880	129699749	9	11	5	2.346097679	0.0364013	PTPRE	ENSG00000132334
10	129900137	129900594	129900316	12	22	4	5.396024661	3.05E-05	MKI67	ENSG00000148773
10	130012438	130012724	130012592	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MKI67	ENSG00000148773
10	130208691	130209003	130208847	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	MKI67	ENSG00000148773
10	131377799	131378346	131378072	19	33	9	3.988366054	9.65E-06	MGMT	ENSG00000170430
10	131406952	131407341	131407104	20	26	1	15.83615933	1.23E-08	EBF3	ENSG00000108001
10	131733314	131733640	131733477	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000172211
10	131826821	131827078	131826966	11	11	4	2.815317214	0.0183428	GLRX3	ENSG00000108010
10	132078241	132078552	132078396	17	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000222997
10	132594682	132594902	132594792	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000211268
10	132782807	132783528	132783112	137	166	2	65.29971872	2.14E-53	TCERG1L	ENSG00000176769
10	132787418	132787612	132787515	9	10	4	2.580707446	0.0306059	TCERG1L	ENSG00000176769
10	132817874	132818071	132817987	10	10	5	2.150589539	0.0575848	TCERG1L	ENSG00000176769
10	132830247	132830448	132830347	10	10	4	2.580707446	0.0306059	TCERG1L	ENSG00000176769
10	133459789	133460374	133459984	44	59	2	23.46097679	3.38E-18		ENSG00000189275
10	133589378	133589567	133589472	8	8	2	3.519146518	0.017558	PPP2R2D	ENSG00000175470
10	133679305	133679558	133679431	10	10	1	6.451768616	0.00135978	BNIP3	ENSG00000176171
10	133729358	133729641	133729499	10	11	1	7.038293036	0.000674435	JAKMIP3	ENSG00000188385
10	134045101	134045503	134045316	33	42	1	25.22055005	7.76E-14	PWWP2B	ENSG00000171813
10	134061525	134061803	134061692	14	16	5	3.323638378	0.00288759	PWWP2B	ENSG00000171813
10	134071475	134071712	134071558	14	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000213154
10	134071927	134072341	134072220	8	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000213154
10	134087786	134088175	134087997	15	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000197735
10	134180660	134180945	134180779	8	10	3	3.225884308	0.0139466	INPP5A	ENSG00000068383
10	134238772	134238960	134238866	8	8	5	1.759573259	0.13508	INPP5A	ENSG00000068383
10	134526939	134527266	134527102	38	40	1	24.04750121	3.50E-13	C10orf92	ENSG00000108046

10	134888931	134889263	134889097	14	19	1	11.73048839	2.14E-06	UTF1	ENSG00000171794
10	134908275	134909008	134908662	33	59	0	70.38293036	5.97E-21		ENSG00000199089
10	134982134	134982480	134982302	10	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000198050
11	440936	441115	441021	9	10	0	12.90353723	0.000195991	PTDSS2	ENSG00000174915
11	455908	456171	456056	11	13	3	4.105670938	0.00243034	PTDSS2	ENSG00000174915
11	524656	524872	524819	8	10	2	4.301179077	0.00512919	HRAS	ENSG00000174775
11	527415	527594	527463	8	8	5	1.759573259	0.13508	LRRC56	ENSG00000161328
11	566156	566500	566328	12	15	4	3.753756286	0.0020497	PHRF1	ENSG00000070047
11	696831	697199	697007	49	55	3	16.42268375	7.12E-16	EPS8L2	ENSG00000177106
11	794218	794701	794381	27	40	4	9.619000482	2.08E-10	LRDD	ENSG00000177595
11	1041173	1041391	1041282	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MUC6	ENSG00000184956
11	1197518	1197817	1197680	8	11	3	3.519146518	0.00788869	MUC5B	ENSG00000117983
11	1633110	1633570	1633310	30	40	0	48.09500241	1.51E-14	FAM99A	ENSG00000205866
11	1683347	1683750	1683431	9	16	2	6.647276756	0.000101928	KRTAP5-6	ENSG00000205864
11	1740237	1740445	1740370	9	10	0	12.90353723	0.000195991	CTSD	ENSG00000117984
11	1774248	1774886	1774596	13	28	7	4.252302043	2.31E-05		ENSG00000216482
11	1805060	1805312	1805176	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SYT8	ENSG00000149043
11	1808222	1808959	1808664	128	176	1	103.8148223	2.11E-58	SYT8	ENSG00000149043
11	1811948	1812266	1812113	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	SYT8	ENSG00000149043
11	2180268	2180572	2180420	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	TH	ENSG00000180176
11	2725347	2725605	2725497	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000218400
11	2978335	2978514	2978485	9	10	1	6.451768616	0.00135978	NAP1L4	ENSG00000205531
11	3356754	3357110	3356954	12	17	2	7.038293036	5.19E-05	ZNF195	ENSG00000005801
11	3593683	3594182	3594017	18	27	1	16.42268375	5.88E-09	TRPC2	ENSG00000215103
11	3602097	3602276	3602186	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000182048
11	3723058	3723263	3723160	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000209091
11	4072320	4072634	4072469	17	21	1	12.90353723	4.95E-07	RRM1	ENSG00000167325
11	4165287	4165548	4165417	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000186223
11	4431923	4432194	4432067	15	17	0	21.11487911	8.57E-07	OR52K2	ENSG00000181963
11	4442025	4442631	4442225	100	123	5	24.24300935	2.09E-35	OR52K3P	ENSG00000205512
11	5454162	5454352	5454264	8	8	3	2.639359888	0.0415794	OR51I1	ENSG00000167359
11	5668208	5668692	5668409	31	48	0	57.47939313	3.05E-17	TRIM22	ENSG00000132274
11	5785450	5785774	5785610	22	26	3	7.918079665	5.55E-07	OR52N2	ENSG00000180988
11	5786331	5786519	5786451	8	8	4	2.111487911	0.0804809	OR52N2	ENSG00000180988

11	6581199	6581561	6581402	13	18	6	3.183989707	0.00227432	KIAA0409	ENSG00000132275
11	6589339	6589550	6589504	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TAF10	ENSG00000166337
11	6661242	6661479	6661364	12	13	4	3.28453675	0.00629037	MRPL17	ENSG00000158042
11	7420437	7420616	7420538	8	8	0	10.55743955	0.000925496	OLFML1	ENSG00000183801
11	7551678	7551909	7551773	10	11	10	1.279689643	0.277323	PPFIBP2	ENSG00000166387
11	7555766	7555947	7555856	8	8	5	1.759573259	0.13508	PPFIBP2	ENSG00000166387
11	7575310	7575819	7575650	20	33	5	6.647276756	1.04E-07	CYB5R2	ENSG00000166394
11	7578146	7578513	7578334	27	34	6	5.865244197	2.06E-07	CYB5R2	ENSG00000166394
11	7589879	7590274	7590095	11	19	5	3.910162798	0.000546977	CYB5R2	ENSG00000166394
11	7590507	7590820	7590651	10	12	3	3.812408728	0.004404	CYB5R2	ENSG00000166394
11	7771394	7771660	7771522	8	8	1	5.278719777	0.00542188	OR5P2	ENSG00000183303
11	7965104	7965438	7965271	16	21	7	3.225884308	0.00106152	EIF3F	ENSG00000175390
11	8116794	8117027	8116890	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	RIC3	ENSG00000166405
11	8314442	8314712	8314577	10	14	3	4.398933147	0.00132748	LMO1	ENSG00000166407
11	8314718	8314969	8314817	9	12	1	7.624817456	0.000332769	LMO1	ENSG00000166407
11	8667051	8667391	8667175	9	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000212607
11	8937822	8938031	8937923	10	10	6	1.843362462	0.0964212	TMEM9B	ENSG00000175348
11	9054827	9055011	9054919	8	9	6	1.675784056	0.141978	SCUBE2	ENSG00000175356
11	9116990	9117361	9117200	13	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000212788
11	9123098	9123736	9123249	14	28	4	6.803683268	6.55E-07		ENSG00000212788
11	9126845	9127024	9126908	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212788
11	9439046	9439271	9439135	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF143	ENSG00000166478
11	9439353	9439542	9439447	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZNF143	ENSG00000166478
11	9453531	9453968	9453710	11	18	0	22.28792795	3.94E-07	ZNF143	ENSG00000166478
11	9544088	9544358	9544223	8	12	3	3.812408728	0.004404	WEE1	ENSG00000166483
11	9546843	9547232	9547022	9	16	3	4.985457567	0.000385643	WEE1	ENSG00000166483
11	9551282	9551512	9551337	8	10	5	2.150589539	0.0575848	WEE1	ENSG00000166483
11	9587954	9588471	9588214	18	36	1	21.70140353	7.08E-12		ENSG00000209446
11	9780438	9780866	9780592	24	31	2	12.51252095	2.82E-09		ENSG00000201564
11	9846821	9847093	9846957	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000215043
11	9884131	9884435	9884292	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000215043
11	9951112	9951293	9951202	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000215043
11	10022668	10023130	10022887	65	80	0	95.01695598	4.98E-28		ENSG00000215043
11	10478378	10478595	10478537	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000209455

11	10567161	10567367	10567264	9	9	4	2.346097679	0.050148	LYVE1	ENSG00000133800
11	10632391	10632603	10632482	9	11	5	2.346097679	0.0364013	MRVI1	ENSG00000072952
11	10772927	10773155	10773105	9	9	0	11.73048839	0.000425898	EIF4G2	ENSG00000110321
11	10786834	10787155	10786999	8	12	1	7.624817456	0.000332769	EIF4G2	ENSG00000110321
11	11006284	11006463	11006373	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222048
11	11389734	11390039	11389898	10	14	5	2.932622098	0.00829617	GALNTL4	ENSG00000110328
11	11584234	11584430	11584332	9	9	4	2.346097679	0.050148	GALNTL4	ENSG00000110328
11	11823297	11823476	11823386	8	8	2	3.519146518	0.017558	USP47	ENSG00000170242
11	11972055	11972248	11972151	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DKK3	ENSG00000050165
11	12022415	12022615	12022500	9	10	3	3.225884308	0.0139466	DKK3	ENSG00000050165
11	12044064	12044400	12044232	14	17	0	21.11487911	8.57E-07	MICAL2	ENSG00000133816
11	12058110	12058514	12058289	8	15	1	9.384390715	3.90E-05	MICAL2	ENSG00000133816
11	12226598	12227012	12226777	9	15	4	3.753756286	0.0020497	MICALCL	ENSG00000133808
11	12475591	12475836	12475713	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PARVA	ENSG00000197702
11	12701929	12702180	12702069	11	13	3	4.105670938	0.00243034	TEAD1	ENSG00000187079
11	12780771	12781118	12780944	10	16	3	4.985457567	0.000385643	TEAD1	ENSG00000187079
11	14227489	14227762	14227619	8	10	1	6.451768616	0.00135978	RRAS2	ENSG00000133818
11	15593658	15593859	15593758	10	10	5	2.150589539	0.0575848		
11	15747361	15747540	15747464	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221556
11	16611013	16611214	16611113	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000209504
11	16753647	16753905	16753801	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	PLEKHA7	ENSG00000166689
11	16934940	16935228	16935103	10	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000209522
11	16964644	16965048	16964823	13	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000209522
11	16965313	16965751	16965492	14	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000209522
11	17005001	17005195	17005162	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PLEKHA7	ENSG00000166689
11	17055890	17056143	17056061	9	12	3	3.812408728	0.004404	RPS13	ENSG00000110700
11	17090818	17091153	17090985	22	27	0	32.8453675	3.65E-10		ENSG00000201586
11	17185911	17186208	17186044	11	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000213779
11	17216601	17216889	17216736	14	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000197149
11	17347951	17348296	17348126	12	16	0	19.94183027	1.86E-06	KCNJ11	ENSG00000187486
11	17356733	17357186	17356895	18	26	2	10.55743955	9.97E-08	KCNJ11	ENSG00000187486
11	17789405	17789787	17789656	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000205289
11	17791843	17792037	17791940	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000205289
11	18300218	18300512	18300337	8	11	1	7.038293036	0.000674435	HPS5	ENSG00000110756

11	18566678	18566964	18566819	9	13	3	4.105670938	0.00243034	UEVLD	ENSG00000151116
11	19511591	19511793	19511668	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207407
11	19973235	19973660	19973495	14	19	6	3.351568112	0.00134187	NAV2	ENSG00000166833
11	20009896	20010316	20010075	8	16	2	6.647276756	0.000101928	NAV2	ENSG00000166833
11	20462086	20462460	20462246	18	24	2	9.775406994	4.09E-07	PRMT3	ENSG00000185238
11	22808048	22808245	22808170	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000198168
11	27152203	27152422	27152322	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	BBOX1	ENSG00000129151
11	27180174	27180411	27180267	8	10	0	12.90353723	0.000195991	CCDC34	ENSG00000109881
11	27484936	27485122	27485029	8	10	2	4.301179077	0.00512919	LIN7C	ENSG00000148943
11	27679769	27680016	27679895	9	10	1	6.451768616	0.00135978	BDNF	ENSG00000176697
11	28118002	28118348	28118175	12	17	2	7.038293036	5.19E-05	METT5D1	ENSG00000169519
11	28118826	28119204	28119030	12	18	1	11.14396397	4.44E-06	METT5D1	ENSG00000169519
11	28499244	28499611	28499429	79	87	2	34.40943262	2.59E-27		ENSG00000216849
11	30175986	30176307	30176146	15	20	1	12.31701281	1.03E-06	FSHB	ENSG00000131808
11	30466674	30467085	30466919	10	17	0	21.11487911	8.57E-07	MPPED2	ENSG00000066382
11	32960756	32961008	32960882	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200615
11	33039563	33039883	33039723	46	50	0	59.82549081	6.45E-18		ENSG00000213713
11	33138311	33138497	33138396	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CSTF3	ENSG00000176102
11	33139481	33140000	33139734	8	19	9	2.346097679	0.0107159	CSTF3	ENSG00000176102
11	33694535	33694787	33694688	9	10	0	12.90353723	0.000195991	C11orf91	ENSG00000205177
11	33807595	33807846	33807771	10	11	2	4.692195357	0.00272444	LMO2	ENSG00000135363
11	34008543	34008822	34008682	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	CAPRIN1	ENSG00000135387
11	34083577	34083878	34083742	12	17	1	10.55743955	9.18E-06	NAT10	ENSG00000135372
11	34144388	34144579	34144480	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000201867
11	34241610	34241847	34241723	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000201867
11	34252853	34253317	34253038	18	29	7	4.398933147	1.30E-05	ABTB2	ENSG00000166016
11	34337385	34337655	34337560	8	12	3	3.812408728	0.004404	ABTB2	ENSG00000166016
11	34491128	34491457	34491326	9	13	5	2.737113958	0.0137917	ELF5	ENSG00000135374
11	34491849	34492093	34491991	9	11	5	2.346097679	0.0364013	ELF5	ENSG00000135374
11	34549097	34549301	34549199	8	9	3	2.932622098	0.0242899	EHF	ENSG00000135373
11	34610290	34610618	34610475	9	13	3	4.105670938	0.00243034	EHF	ENSG00000135373
11	34611800	34612035	34611917	11	13	5	2.737113958	0.0137917	EHF	ENSG00000135373
11	34614304	34614634	34614469	12	15	2	6.256260476	0.000199274	EHF	ENSG00000135373
11	34618391	34618803	34618644	11	18	4	4.457585589	0.000353565	EHF	ENSG00000135373



11	34646234	34646712	34646473	9	18	2	7.429309316	2.63E-05	EHF	ENSG00000135373
11	34663461	34663871	34663692	39	48	3	14.36984828	1.11E-13	EHF	ENSG00000135373
11	35121915	35122140	35121995	8	10	0	12.90353723	0.000195991	CD44	ENSG00000026508
11	35368058	35368430	35368219	11	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000209654
11	35872310	35872547	35872443	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000186082
11	36725216	36725459	36725303	11	11	2	4.692195357	0.00272444	RAG2	ENSG00000175097
11	38438969	38439315	38439142	10	14	4	3.519146518	0.00361132		
11	38573051	38573318	38573182	12	15	0	18.76878143	4.04E-06		
11	42750008	42750203	42750105	8	8	0	10.55743955	0.000925496		
11	43622174	43622514	43622344	11	15	0	18.76878143	4.04E-06	HSD17B12	ENSG00000149084
11	44122101	44122404	44122252	9	12	2	5.083211637	0.00143337	EXT2	ENSG00000151348
11	44280080	44280297	44280188	10	10	2	4.301179077	0.00512919	ALX4	ENSG00000052850
11	44542774	44543097	44542943	8	12	6	2.178519273	0.0416567	CD82	ENSG00000085117
11	45714638	45714911	45714760	13	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000205106
11	45821466	45821663	45821564	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CRY2	ENSG00000121671
11	45831036	45831221	45831128	10	10	2	4.301179077	0.00512919	CRY2	ENSG00000121671
11	45850974	45851184	45851037	8	9	4	2.346097679	0.050148	MAPK8IP1	ENSG00000121653
11	46099445	46099633	46099539	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PHF21A	ENSG00000135365
11	46194242	46194585	46194413	8	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000206837
11	46317504	46317767	46317614	8	10	4	2.580707446	0.0306059	DGKZ	ENSG00000149091
11	46323203	46323495	46323349	13	17	0	21.11487911	8.57E-07	DGKZ	ENSG00000149091
11	46346438	46346683	46346537	9	12	3	3.812408728	0.004404	DGKZ	ENSG00000149091
11	46532362	46532620	46532508	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	AMBRA1	ENSG00000110497
11	46572185	46572435	46572334	10	13	6	2.346097679	0.0266147	AMBRA1	ENSG00000110497
11	46635818	46636241	46635997	22	31	5	6.256260476	3.74E-07	KIAA0652	ENSG00000175224
11	46678511	46678782	46678665	11	13	10	1.49297125	0.157311	ARHGAP1	ENSG00000175220
11	46678804	46679173	46679014	14	21	10	2.346097679	0.00796926	ZNF408	ENSG00000175213
11	46804508	46805048	46804768	11	23	3	7.038293036	4.15E-06	CKAP5	ENSG00000175216
11	46876910	46877104	46877003	9	9	2	3.910162798	0.00955088	LRP4	ENSG00000134569
11	46914624	46914873	46914762	9	12	3	3.812408728	0.004404	C11orf49	ENSG00000149179
11	47121584	47121831	47121656	11	14	3	4.398933147	0.00132748	ARFGAP2	ENSG00000149182
11	47154760	47154939	47154815	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ARFGAP2	ENSG00000149182
11	47155353	47155841	47155620	16	29	4	7.038293036	3.41E-07	ARFGAP2	ENSG00000149182
11	47163602	47163930	47163714	8	12	3	3.812408728	0.004404	PAC3IN3	ENSG00000165912

11	47192413	47192742	47192624	11	16	5	3.323638378	0.00288759	DDB2	ENSG00000134574
11	47192787	47193941	47193125	309	419	9	49.26805125	1.33E-126	DDB2	ENSG00000134574
11	47194328	47194693	47194481	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	DDB2	ENSG00000134574
11	47208350	47208529	47208439	8	8	2	3.519146518	0.017558	DDB2	ENSG00000134574
11	47226829	47227141	47226966	16	20	10	2.239456875	0.0121685	ACP2	ENSG00000134575
11	47247866	47248140	47248003	9	12	2	5.083211637	0.00143337	MADD	ENSG00000110514
11	47249104	47249330	47249174	9	9	6	1.675784056	0.141978	MADD	ENSG00000110514
11	47333415	47333718	47333563	19	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000203453
11	47386359	47386699	47386547	10	14	2	5.865244197	0.000387308	SLC39A13	ENSG00000165915
11	47387098	47387332	47387215	8	10	0	12.90353723	0.000195991	SLC39A13	ENSG00000165915
11	47404310	47404577	47404479	16	19	4	4.692195357	0.000193572	PSMC3	ENSG00000165916
11	47543489	47543687	47543556	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PTPMT1	ENSG00000110536
11	47556992	47557284	47557153	17	21	10	2.346097679	0.00796926	NDUFS3	ENSG00000213619
11	47567315	47567546	47567430	10	10	3	3.225884308	0.0139466	FAM180B	ENSG00000196666
11	47620118	47620703	47620454	9	22	8	2.997791478	0.00137524	MTCH2	ENSG00000109919
11	47703981	47704214	47704122	19	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000200090
11	47826296	47826558	47826437	8	11	10	1.279689643	0.277323	NUP160	ENSG00000030066
11	47894647	47894875	47894761	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PTPRJ	ENSG00000149177
11	47925299	47925613	47925477	10	14	7	2.199466574	0.0303778	PTPRJ	ENSG00000149177
11	48028074	48028342	48028208	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	PTPRJ	ENSG00000149177
11	48030466	48030705	48030576	13	13	3	4.105670938	0.00243034	PTPRJ	ENSG00000149177
11	48088011	48088306	48088158	9	10	1	6.451768616	0.00135978	OR4B1	ENSG00000175619
11	48286021	48286249	48286135	11	11	7	1.759573259	0.102361	OR4S1	ENSG00000176555
11	48772888	48773067	48772917	10	10	14	0.860235815	0.65444		ENSG00000214907
11	48815934	48816113	48815963	8	8	19	0.527871978	0.95364		ENSG00000214907
11	48820167	48820497	48820332	26	26	46	0.67387912	0.953019		ENSG00000214907
11	48914373	48914705	48914539	23	23	18	1.481745902	0.0984143		ENSG00000214907
11	49261441	49261667	49261559	10	10	2	4.301179077	0.00512919	FOLH1	ENSG00000086205
11	51428561	51428890	51428725	11	14	8	1.955081399	0.0506438	OR4C46	ENSG00000185926
11	51435885	51436216	51436050	28	30	23	1.515188084	0.0616668	OR4C46	ENSG00000185926
11	51439857	51440186	51440021	9	9	2	3.910162798	0.00955088	OR4C46	ENSG00000185926
11	51447743	51447927	51447896	9	9	12	0.902345261	0.602772	OR4C46	ENSG00000185926
11	55795109	55795401	55795254	10	10	0	12.90353723	0.000195991	OR5T1	ENSG00000181698
11	57181539	57181773	57181693	10	12	3	3.812408728	0.004404	CLP1	ENSG00000172409

11	57191536	57191940	57191715	9	16	2	6.647276756	0.000101928	ZDHC5	ENSG00000156599
11	57285738	57285968	57285889	8	9	7	1.466311049	0.20706	CTNND1	ENSG00000198561
11	57303442	57303739	57303590	10	10	0	12.90353723	0.000195991	CTNND1	ENSG00000198561
11	57305679	57305916	57305791	10	10	7	1.612942154	0.147335	CTNND1	ENSG00000198561
11	57312547	57312785	57312704	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CTNND1	ENSG00000198561
11	58182629	58182873	58182716	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000197254
11	58666853	58667067	58666960	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM111A	ENSG00000166801
11	58725441	58725744	58725592	11	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000197629
11	59074551	59074792	59074626	12	13	5	2.737113958	0.0137917	OR4D9	ENSG00000172742
11	59084298	59084576	59084419	10	13	4	3.28453675	0.00629037	OR4D9	ENSG00000172742
11	59090231	59090445	59090363	8	12	11	1.270802909	0.274822	OSBP	ENSG00000110048
11	59193356	59193573	59193450	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PATL1	ENSG00000166889
11	59278428	59278627	59278527	9	11	1	7.038293036	0.000674435	STX3	ENSG00000166900
11	59334792	59334973	59334872	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MRPL16	ENSG00000166902
11	59894879	59895365	59895058	8	17	4	4.222975822	0.000640773	MS4A7	ENSG00000166927
11	60087625	60088110	60087862	51	67	2	26.58910702	8.66E-21	MS4A13	ENSG00000204979
11	60355186	60355473	60355363	8	11	2	4.692195357	0.00272444	CCDC86	ENSG00000110104
11	60430552	60430807	60430668	9	12	2	5.083211637	0.00143337	PRPF19	ENSG00000110107
11	60437793	60438002	60437823	8	11	6	2.010940867	0.0640214	TMEM109	ENSG00000110108
11	60459657	60459972	60459814	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	TMEM132A	ENSG00000006118
11	60466273	60466564	60466413	8	10	7	1.612942154	0.147335	SLC15A3	ENSG00000110446
11	60467278	60467524	60467451	10	11	2	4.692195357	0.00272444	SLC15A3	ENSG00000110446
11	60494508	60494691	60494599	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CD6	ENSG00000013725
11	60653880	60654127	60654003	16	16	4	3.988366054	0.00115141	CD5	ENSG00000110448
11	60665799	60666038	60665964	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	VPS37C	ENSG00000167987
11	60682675	60683001	60682838	20	23	7	3.519146518	0.000369739	VPS37C	ENSG00000167987
11	60818420	60818613	60818516	8	8	0	10.55743955	0.000925496	VWCE	ENSG00000167992
11	60818806	60819003	60818904	10	11	2	4.692195357	0.00272444	VWCE	ENSG00000167992
11	60821612	60821996	60821791	13	21	1	12.90353723	4.95E-07	VWCE	ENSG00000167992
11	60824660	60824971	60824813	26	29	1	17.59573259	1.33E-09	VWCE	ENSG00000167992
11	61012667	61012991	61012829	10	15	6	2.68125449	0.0103552	C11orf66	ENSG00000162148
11	61091354	61091564	61091466	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000011347
11	61099462	61099649	61099555	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000011347
11	61105444	61105687	61105569	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000011347

11	61110899	61111119	61110991	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000011347
11	61150693	61151113	61150921	24	33	9	3.988366054	9.65E-06		ENSG00000213553
11	61267490	61267669	61267579	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C11orf9	ENSG00000124920
11	61282572	61282807	61282683	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000124915
11	61304949	61305223	61305086	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	C11orf9	ENSG00000124920
11	61344188	61344543	61344366	29	34	3	10.26417734	2.27E-09	FADS1	ENSG00000149485
11	61423151	61423446	61423325	8	11	1	7.038293036	0.000674435	FADS3	ENSG00000221968
11	61505259	61505626	61505447	22	29	2	11.73048839	1.18E-08	FTH1	ENSG00000167996
11	61523049	61523480	61523221	27	37	5	7.429309316	7.67E-09	FTH1	ENSG00000167996
11	61606221	61606400	61606347	8	8	3	2.639359888	0.0415794	INCENP	ENSG00000149503
11	61746963	61747385	61747174	22	30	0	36.36451402	3.56E-11	SCGB2A1	ENSG00000124939
11	61766099	61766338	61766250	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SCGB1D2	ENSG00000124935
11	61849022	61849233	61849147	8	9	4	2.346097679	0.050148	ASRGL1	ENSG00000162174
11	61917490	61917833	61917661	9	13	2	5.474227917	0.000747844	SCGB1A1	ENSG00000149021
11	62032367	62032578	62032486	10	12	2	5.083211637	0.00143337	AHNAK	ENSG00000124942
11	62066884	62067101	62066992	9	10	2	4.301179077	0.00512919	AHNAK	ENSG00000124942
11	62067224	62067536	62067380	10	15	2	6.256260476	0.000199274	AHNAK	ENSG00000124942
11	62077296	62077577	62077427	10	13	4	3.28453675	0.00629037	AHNAK	ENSG00000124942
11	62097537	62097980	62097801	13	22	3	6.745030826	8.05E-06	EEF1G	ENSG00000186676
11	62098018	62098463	62098295	9	15	8	2.085420159	0.0338693	EEF1G	ENSG00000186676
11	62115441	62115854	62115662	17	28	4	6.803683268	6.55E-07	TUT1	ENSG00000149016
11	62123184	62123577	62123392	12	21	5	4.301179077	0.000172642	MTA2	ENSG00000149480
11	62123930	62124373	62124127	62	78	3	23.16771458	3.38E-23	MTA2	ENSG00000149480
11	62125743	62126071	62125907	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	MTA2	ENSG00000149480
11	62146111	62146362	62146247	13	15	4	3.753756286	0.0020497	B3GAT3	ENSG00000149541
11	62146376	62146598	62146489	8	11	7	1.759573259	0.102361	B3GAT3	ENSG00000149541
11	62177340	62177603	62177486	15	16	6	2.848832895	0.00632407	INTS5	ENSG00000185085
11	62189213	62189565	62189389	11	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000214756
11	62195486	62195832	62195660	9	13	3	4.105670938	0.00243034	C11orf83	ENSG00000204922
11	62218840	62219179	62219009	10	13	1	8.211341875	0.000163445	LRRN4CL	ENSG00000177363
11	62229771	62229978	62229874	8	9	1	5.865244197	0.00272497	BSCL2	ENSG00000168000
11	62251734	62251982	62251869	8	11	4	2.815317214	0.0183428	TTC9C	ENSG00000162222
11	62252542	62252722	62252632	9	9	5	1.955081399	0.0892323	TTC9C	ENSG00000162222
11	62311210	62311542	62311376	10	16	6	2.848832895	0.00632407	TMEM179B	ENSG00000185475

11	62329392	62329648	62329477	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NXF1	ENSG00000162231
11	62355700	62355922	62355811	8	8	5	1.759573259	0.13508	STX5	ENSG00000162236
11	62365360	62365958	62365659	27	54	37	1.697833846	0.00551563		ENSG00000222328
11	62379737	62379961	62379897	11	13	8	1.824742639	0.0744168	SLC3A2	ENSG00000168003
11	62405371	62405842	62405592	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	SLC3A2	ENSG00000168003
11	63002822	63003130	63002976	12	14	3	4.398933147	0.00132748	HRASLS5	ENSG00000168004
11	63138293	63138529	63138411	10	11	4	2.815317214	0.0183428	PLA2G16	ENSG00000176485
11	63146194	63146381	63146352	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000196566
11	63195744	63196004	63195879	13	14	2	5.865244197	0.000387308	ATL3	ENSG00000184743
11	63315632	63315867	63315713	9	9	1	5.865244197	0.00272497	C11orf84	ENSG00000168005
11	63371320	63371703	63371578	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	MARK2	ENSG00000072518
11	63393402	63393591	63393491	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000202089
11	63510284	63510529	63510385	11	11	3	3.519146518	0.00788869	OTUB1	ENSG00000167770
11	63690550	63690784	63690704	15	15	2	6.256260476	0.000199274	MACROD1	ENSG00000133315
11	63728660	63728846	63728754	8	8	2	3.519146518	0.017558	FERMT3	ENSG00000149781
11	63761662	63761952	63761800	14	16	6	2.848832895	0.00632407	VEGFB	ENSG00000173511
11	63792723	63792957	63792840	13	16	2	6.647276756	0.000101928	BAD	ENSG00000002330
11	63835256	63835542	63835363	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	ESRRA	ENSG00000173153
11	63841743	63841993	63841868	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000173113
11	63961430	63961764	63961603	12	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000181908
11	63973635	63974027	63973795	9	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000181908
11	64043528	64043926	64043747	12	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000220919
11	64228557	64228789	64228653	14	14	0	17.59573259	8.79E-06	NRXN2	ENSG00000110076
11	64302832	64303100	64302969	8	12	6	2.178519273	0.0416567	SF1	ENSG00000168066
11	64366837	64367420	64367241	21	41	1	24.63402563	1.65E-13	CDC42BPG	ENSG00000171219
11	64400669	64400985	64400836	12	17	5	3.519146518	0.00167472	EHD1	ENSG00000110047
11	64401038	64401389	64401229	9	14	4	3.519146518	0.00361132	EHD1	ENSG00000110047
11	64402873	64403068	64402940	8	9	1	5.865244197	0.00272497	EHD1	ENSG00000110047
11	64448042	64448331	64448140	10	15	0	18.76878143	4.04E-06	PPP2R5B	ENSG00000068971
11	64537446	64537878	64537625	8	15	10	1.706252857	0.0822346	ARL2	ENSG00000213465
11	64551307	64551527	64551421	10	11	2	4.692195357	0.00272444	SNX15	ENSG00000110025
11	64564966	64565531	64565374	21	34	3	10.26417734	2.27E-09	SAC3D1	ENSG00000168061
11	64602385	64602566	64602475	9	9	2	3.910162798	0.00955088	CDCA5	ENSG00000146670
11	64620033	64620327	64620180	17	17	13	1.508205651	0.12204	C11orf2	ENSG00000149823

11	64641478	64642031	64641858	11	25	8	3.388807758	0.000297109	ZNHIT2	ENSG00000174276
11	64646205	64646511	64646359	9	13	2	5.474227917	0.000747844	MRPL49	ENSG00000149792
11	64658542	64658827	64658685	16	18	4	4.457585589	0.000353565	SYVN1	ENSG00000162298
11	64707122	64707390	64707272	11	12	1	7.624817456	0.000332769	CAPN1	ENSG00000014216
11	64790294	64790480	64790388	8	9	5	1.955081399	0.0892323	POLA2	ENSG00000014138
11	64857836	64858185	64858010	10	15	7	2.346097679	0.0195693	DPF2	ENSG00000133884
11	64906187	64906555	64906366	8	15	2	6.256260476	0.000199274	SLC25A45	ENSG00000162241
11	64942633	64943615	64942845	18	52	13	4.440827749	1.15E-08		ENSG00000207727
11	64944022	64944441	64944198	23	31	3	9.384390715	1.82E-08		ENSG00000207727
11	64944911	64946144	64945395	354	450	17	29.39139036	1.44E-126		ENSG00000207727
11	64946186	64946500	64946341	15	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000207727
11	64946552	64947064	64946885	33	51	5	10.16642327	6.18E-13		ENSG00000207727
11	64947740	64948023	64947869	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000207727
11	64953890	64954339	64954049	11	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000207727
11	64992928	64993217	64993073	16	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000173727
11	64996140	64996615	64996409	13	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000173727
11	65000947	65001126	65001036	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000173727
11	65001617	65001862	65001770	11	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000173727
11	65011538	65012193	65011870	10	27	7	4.105670938	4.08E-05		ENSG00000173727
11	65015805	65016167	65016027	12	17	4	4.222975822	0.000640773	SCYL1	ENSG00000142186
11	65017932	65018166	65018066	9	11	4	2.815317214	0.0183428	SCYL1	ENSG00000142186
11	65021305	65021979	65021753	23	47	7	7.038293036	2.04E-10	SCYL1	ENSG00000142186
11	65022878	65023293	65023035	21	29	10	3.199224107	0.000186763	SCYL1	ENSG00000142186
11	65031747	65031970	65031820	9	11	7	1.759573259	0.102361	SCYL1	ENSG00000142186
11	65063844	65064122	65063975	9	10	3	3.225884308	0.0139466	SCYL1	ENSG00000142186
11	65065765	65065966	65065853	9	10	8	1.433726359	0.209175	LTBP3	ENSG00000168056
11	65074974	65075193	65075088	9	9	3	2.932622098	0.0242899	LTBP3	ENSG00000168056
11	65094071	65094643	65094357	9	23	2	9.384390715	8.25E-07	SSSCA1	ENSG00000173465
11	65138282	65138486	65138389	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MAP3K11	ENSG00000173327
11	65139025	65139296	65139160	8	10	11	1.075294769	0.434143	MAP3K11	ENSG00000173327
11	65139351	65139569	65139444	8	8	5	1.759573259	0.13508	PCNXL3	ENSG00000197136
11	65187298	65187641	65187469	10	15	4	3.753756286	0.0020497	RELA	ENSG00000173039
11	65235936	65236498	65236182	12	26	6	4.524616952	2.63E-05	KAT5	ENSG00000172977
11	65308035	65308390	65308212	22	28	2	11.33947211	2.41E-08	OVOL1	ENSG00000172818

11	65308405	65308718	65308561	9	12	4	3.049926982	0.0108184	OVOL1	ENSG00000172818
11	65317248	65317559	65317400	26	31	1	18.76878143	2.99E-10	OVOL1	ENSG00000172818
11	65342345	65342620	65342497	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	SNX32	ENSG00000172803
11	65373736	65373930	65373880	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CFL1	ENSG00000172757
11	65382019	65382491	65382181	13	19	2	7.820325595	1.32E-05	CFL1	ENSG00000172757
11	65383909	65384125	65384031	9	10	4	2.580707446	0.0306059	MUS81	ENSG00000172732
11	65384308	65384721	65384457	15	22	8	2.997791478	0.00137524	MUS81	ENSG00000172732
11	65408715	65408976	65408828	11	14	7	2.199466574	0.0303778	FIBP	ENSG00000172500
11	65412414	65412882	65412641	8	17	11	1.759573259	0.0609179	FIBP	ENSG00000172500
11	65413837	65414016	65413926	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCDC85B	ENSG00000175602
11	65414957	65415136	65415065	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCDC85B	ENSG00000175602
11	65423083	65423642	65423302	39	57	3	17.00920817	1.67E-16	FOSL1	ENSG00000175592
11	65526090	65526415	65526253	16	20	6	3.519146518	0.000784044	EIF1AD	ENSG00000175376
11	65537007	65537193	65537100	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CST6	ENSG00000175315
11	65569272	65569586	65569429	10	15	6	2.68125449	0.0103552	GAL3ST3	ENSG00000175229
11	65575875	65576108	65576007	8	11	9	1.407658607	0.210479	SF3B2	ENSG00000087365
11	65576199	65576378	65576288	8	8	6	1.508205651	0.203852	SF3B2	ENSG00000087365
11	65595384	65595729	65595556	9	14	5	2.932622098	0.00829617	PACS1	ENSG00000175115
11	65605442	65605941	65605768	10	17	3	5.278719777	0.000205462	PACS1	ENSG00000175115
11	65607494	65607717	65607595	10	12	1	7.624817456	0.000332769	PACS1	ENSG00000175115
11	65650857	65651171	65651014	8	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000210102
11	65651344	65651551	65651447	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000210102
11	65746636	65746854	65746762	8	9	7	1.466311049	0.20706	RAB1B	ENSG00000174903
11	65781044	65781248	65781131	9	9	2	3.910162798	0.00955088	KLC2	ENSG00000174996
11	65813556	65813769	65813687	8	9	2	3.910162798	0.00955088	YIF1A	ENSG00000174851
11	65860935	65861291	65861124	12	17	5	3.519146518	0.00167472	RIN1	ENSG00000174791
11	65871905	65872300	65872080	14	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000174684
11	65895718	65896218	65895823	12	23	4	5.630634429	1.63E-05	SLC29A2	ENSG00000174669
11	65910214	65910530	65910372	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000202317
11	65913031	65913217	65913171	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000202317
11	65932549	65932829	65932693	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	NPAS4	ENSG00000174576
11	65945641	65945995	65945816	29	34	6	5.865244197	2.06E-07	NPAS4	ENSG00000174576
11	65954065	65954319	65954202	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000201733
11	65962869	65963269	65963117	11	19	15	1.466311049	0.125014	MRPL11	ENSG00000174547

11	65990572	65990787	65990679	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PELI3	ENSG00000174516
11	66003919	66004153	66004037	9	9	2	3.910162798	0.00955088	DPP3	ENSG00000221844
11	66004431	66004687	66004551	11	14	4	3.519146518	0.00361132	DPP3	ENSG00000221844
11	66004840	66005065	66004952	10	10	7	1.612942154	0.147335	DPP3	ENSG00000221844
11	66034387	66034891	66034662	19	30	7	4.545564252	7.31E-06	BBS1	ENSG00000174483
11	66140403	66141110	66140778	15	31	14	2.502504191	0.00106817	RBM4	ENSG00000173933
11	66143231	66143726	66143487	49	66	4	15.71885445	2.26E-18	RBM4	ENSG00000173933
11	66162597	66162943	66162775	12	16	12	1.533986944	0.120062	RBM4	ENSG00000173933
11	66201702	66202003	66201881	9	12	4	3.049926982	0.0108184	RBM4B	ENSG00000173914
11	66202067	66202357	66202206	15	17	8	2.346097679	0.0144542	RBM4B	ENSG00000173914
11	66218800	66219149	66218974	15	20	6	3.519146518	0.000784044	RBM4B	ENSG00000173914
11	66242711	66243018	66242864	13	16	11	1.661819189	0.0853913	SPTBN2	ENSG00000173898
11	66244019	66244239	66244129	8	9	8	1.303387599	0.281715	SPTBN2	ENSG00000173898
11	66244417	66244777	66244624	10	16	9	1.994183027	0.0370915	SPTBN2	ENSG00000173898
11	66272909	66273170	66273063	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000213410
11	66313840	66314053	66313946	13	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000213409
11	66358284	66358568	66358426	9	13	11	1.368556979	0.211388	RCE1	ENSG00000173653
11	66376338	66376546	66376431	9	10	1	6.451768616	0.00135978	LRFN4	ENSG00000173621
11	66392818	66393149	66392983	13	16	11	1.661819189	0.0853913	PC	ENSG00000173599
11	66404831	66405276	66405097	9	19	9	2.346097679	0.0107159	PC	ENSG00000173599
11	66407296	66407555	66407425	10	14	6	2.513676084	0.016726	PC	ENSG00000173599
11	66498123	66498352	66498275	8	10	0	12.90353723	0.000195991	C11orf86	ENSG00000173237
11	66546384	66546719	66546551	14	20	4	4.926805125	0.00010522	SYT12	ENSG00000173227
11	66551815	66552346	66552025	16	33	18	2.099140028	0.00383241	SYT12	ENSG00000173227
11	66554896	66555618	66555315	10	27	12	2.526566731	0.00187486	SYT12	ENSG00000173227
11	66555708	66556043	66555875	13	17	4	4.222975822	0.000640773	SYT12	ENSG00000173227
11	66578846	66579030	66578946	10	11	1	7.038293036	0.000674435	RHOD	ENSG00000173156
11	66579044	66579660	66579481	14	34	13	2.932622098	0.000144323	RHOD	ENSG00000173156
11	66580654	66580853	66580753	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RHOD	ENSG00000173156
11	66581656	66582081	66581898	27	41	5	8.211341875	5.42E-10	RHOD	ENSG00000173156
11	66586339	66586599	66586469	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RHOD	ENSG00000173156
11	66595762	66596005	66595872	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RHOD	ENSG00000173156
11	66605589	66606017	66605768	16	26	8	3.519146518	0.000175368	RHOD	ENSG00000173156
11	66606206	66606688	66606521	12	19	6	3.351568112	0.00134187	RHOD	ENSG00000173156



11	66643160	66643502	66643331	8	13	1	8.211341875	0.000163445	FBXL11	ENSG00000173120
11	66763989	66764309	66764156	9	11	7	1.759573259	0.102361	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66772726	66773000	66772876	18	19	11	1.955081399	0.0295891	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66777940	66778173	66778063	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66786614	66787066	66786887	12	19	1	11.73048839	2.14E-06	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66834580	66834860	66834733	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SSH3	ENSG00000172830
11	66836854	66837191	66837022	20	24	6	4.18946014	8.40E-05	SSH3	ENSG00000172830
11	66841589	66842121	66841765	13	24	6	4.18946014	8.40E-05	SSH3	ENSG00000172830
11	66880980	66881208	66881116	10	11	5	2.346097679	0.0364013	POLD4	ENSG00000175482
11	66903682	66903886	66903829	10	11	2	4.692195357	0.00272444	CLCF1	ENSG00000175505
11	66906598	66906902	66906748	10	13	8	1.824742639	0.0744168	CLCF1	ENSG00000175505
11	66952304	66952548	66952426	11	13	5	2.737113958	0.0137917	RPS6KB2	ENSG00000175634
11	66963102	66963374	66963218	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	PTPRCAP	ENSG00000213402
11	66987368	66987567	66987474	10	10	5	2.150589539	0.0575848	TMEM134	ENSG00000172663
11	66988039	66988718	66988218	18	39	10	4.265632143	8.90E-07	TMEM134	ENSG00000172663
11	66988857	66989189	66989023	18	23	2	9.384390715	8.25E-07	TMEM134	ENSG00000172663
11	66990558	66990773	66990702	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TMEM134	ENSG00000172663
11	66992217	66992446	66992375	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	TMEM134	ENSG00000172663
11	67007074	67007574	67007214	11	20	11	2.052835469	0.0201852	AIP	ENSG00000110711
11	67029732	67029937	67029834	11	13	12	1.263283365	0.272203	PITPNM1	ENSG00000110697
11	67029956	67030440	67030191	18	30	5	6.060752336	7.05E-07	PITPNM1	ENSG00000110697
11	67106531	67106829	67106677	18	19	5	3.910162798	0.000546977	GSTP1	ENSG00000084207
11	67130861	67131126	67130993	8	8	4	2.111487911	0.0804809	NDUFV1	ENSG00000167792
11	67154565	67155170	67154867	14	28	6	4.859773763	8.07E-06	NUDT8	ENSG00000167799
11	67180423	67180767	67180577	13	18	2	7.429309316	2.63E-05	ACY3	ENSG00000132744
11	67198599	67199160	67198812	17	31	11	3.128130238	0.000146711	ALDH3B2	ENSG00000132746
11	67219100	67219468	67219318	9	14	3	4.398933147	0.00132748	ALDH3B2	ENSG00000132746
11	67219797	67220091	67219938	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ALDH3B2	ENSG00000132746
11	67526141	67526331	67526279	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UNC93B1	ENSG00000110057
11	67528148	67528432	67528290	10	13	2	5.474227917	0.000747844	UNC93B1	ENSG00000110057
11	67553540	67553762	67553651	9	9	2	3.910162798	0.00955088	NDUFS8	ENSG00000110717
11	67554237	67554591	67554377	10	15	0	18.76878143	4.04E-06	NDUFS8	ENSG00000110717
11	67597801	67598028	67597914	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TCIRG1	ENSG00000110719
11	67623737	67623916	67623826	8	9	3	2.932622098	0.0242899	CHKA	ENSG00000110721

11	67671147	67671380	67671280	8	9	4	2.346097679	0.050148	CHKA	ENSG00000110721
11	67722374	67722738	67722553	47	54	0	64.51768616	2.89E-19	SUV420H1	ENSG00000110066
11	67733229	67733592	67733345	12	19	3	5.865244197	5.72E-05	SUV420H1	ENSG00000110066
11	67806202	67806402	67806302	8	9	4	2.346097679	0.050148	C11orf24	ENSG00000171067
11	67861265	67861759	67861583	17	26	4	6.334463732	2.40E-06	LRP5	ENSG00000162337
11	67866511	67867086	67866861	23	37	15	2.785990993	0.000136587	LRP5	ENSG00000162337
11	67878760	67878990	67878863	10	10	3	3.225884308	0.0139466	LRP5	ENSG00000162337
11	68287206	68287589	68287397	22	30	6	5.194930574	2.42E-06	MTL5	ENSG00000132749
11	68363232	68363759	68363438	13	26	6	4.524616952	2.63E-05	CPT1A	ENSG00000110090
11	68414231	68414527	68414367	10	14	3	4.398933147	0.00132748	MRPL21	ENSG00000197345
11	68415077	68415280	68415207	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MRPL21	ENSG00000197345
11	68427741	68428125	68427982	12	18	8	2.476436439	0.00924552	IGHMBP2	ENSG00000132740
11	68429790	68430118	68429954	10	14	3	4.398933147	0.00132748	IGHMBP2	ENSG00000132740
11	68568305	68568607	68568465	11	14	3	4.398933147	0.00132748	TPCN2	ENSG00000162341
11	68568887	68569066	68568989	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TPCN2	ENSG00000162341
11	68625378	68625754	68625655	8	13	8	1.824742639	0.0744168	TPCN2	ENSG00000162341
11	68630536	68630739	68630704	10	10	4	2.580707446	0.0306059	TPCN2	ENSG00000162341
11	68639130	68639309	68639200	8	8	2	3.519146518	0.017558	TPCN2	ENSG00000162341
11	68645001	68645327	68645164	12	17	1	10.55743955	9.18E-06	TPCN2	ENSG00000162341
11	68646136	68646414	68646288	9	12	1	7.624817456	0.000332769	TPCN2	ENSG00000162341
11	68646590	68647213	68646906	18	39	9	4.692195357	3.22E-07	TPCN2	ENSG00000162341
11	68655680	68655957	68655831	14	17	3	5.278719777	0.000205462	TPCN2	ENSG00000162341
11	68673773	68674058	68673932	15	17	0	21.11487911	8.57E-07	TPCN2	ENSG00000162341
11	68825816	68826045	68825930	8	10	1	6.451768616	0.00135978	MYEOV	ENSG00000172927
11	69018378	69018620	69018499	10	13	3	4.105670938	0.00243034	CCND1	ENSG00000110092
11	69025567	69025908	69025737	37	40	0	48.09500241	1.51E-14	CCND1	ENSG00000110092
11	69034472	69034810	69034641	31	34	2	13.68556979	3.24E-10	CCND1	ENSG00000110092
11	69039274	69039607	69039438	11	16	4	3.988366054	0.00115141	CCND1	ENSG00000110092
11	69155673	69155853	69155763	8	8	2	3.519146518	0.017558	CCND1	ENSG00000110092
11	69162918	69163291	69163097	9	16	1	9.970915134	1.89E-05	CCND1	ENSG00000110092
11	69164976	69165338	69165159	12	18	3	5.571981987	0.000108726	CCND1	ENSG00000110092
11	69168266	69168474	69168370	10	11	2	4.692195357	0.00272444	CCND1	ENSG00000110092
11	69178161	69178623	69178444	13	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000204579
11	69178680	69179085	69178911	15	22	8	2.997791478	0.00137524		ENSG00000204579

11	69221302	69221497	69221354	8	9	2	3.910162798	0.00955088	FGF19	ENSG00000162344
11	69333432	69333840	69333601	16	25	1	15.24963491	2.59E-08	FGF3	ENSG00000186895
11	69418249	69418458	69418353	8	9	7	1.466311049	0.20706	FGF3	ENSG00000186895
11	69489557	69489748	69489669	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000202070
11	69572580	69572877	69572757	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000202070
11	69587372	69587669	69587524	21	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000202070
11	69591872	69592132	69592002	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000202070
11	69707354	69707836	69707569	9	18	6	3.183989707	0.00227432	FADD	ENSG00000168040
11	69757308	69757561	69757434	10	12	4	3.049926982	0.0108184	FADD	ENSG00000168040
11	69793942	69794228	69794069	10	11	5	2.346097679	0.0364013	PPFIA1	ENSG00000131626
11	70048836	70049251	70049051	22	32	1	19.35530585	1.42E-10	CTTN	ENSG00000085733
11	70138013	70138274	70138120	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	SHANK2	ENSG00000162105
11	70167450	70168120	70167821	41	74	4	17.59573259	7.00E-21	SHANK2	ENSG00000162105
11	70174132	70174401	70174300	10	12	3	3.812408728	0.004404	SHANK2	ENSG00000162105
11	70279363	70279606	70279529	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000207196
11	70293311	70293618	70293464	20	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000207196
11	70329610	70329912	70329761	15	20	5	4.105670938	0.000308509	C11orf76	ENSG00000171671
11	70329958	70330137	70330070	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C11orf76	ENSG00000171671
11	70338560	70338959	70338865	9	17	3	5.278719777	0.000205462	C11orf76	ENSG00000171671
11	70629629	70630073	70629894	8	16	5	3.323638378	0.00288759	SHANK2	ENSG00000162105
11	70642005	70642326	70642165	11	13	8	1.824742639	0.0744168	SHANK2	ENSG00000162105
11	70672653	70672967	70672869	9	13	6	2.346097679	0.0266147	SHANK2	ENSG00000162105
11	70809233	70809415	70809350	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000172900
11	70814540	70814939	70814760	10	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000172900
11	70841818	70842185	70842016	14	20	7	3.079253203	0.00177418	NADSYN1	ENSG00000172890
11	70859466	70859668	70859567	13	14	4	3.519146518	0.00361132	NADSYN1	ENSG00000172890
11	70869933	70870593	70870112	22	41	7	6.158506406	9.25E-09	NADSYN1	ENSG00000172890
11	70876756	70877146	70876968	24	30	3	9.091128505	3.63E-08	NADSYN1	ENSG00000172890
11	71316935	71317321	71317066	10	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000196763
11	71333877	71334143	71333988	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	RNF121	ENSG00000137522
11	71413867	71414086	71413998	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000206783
11	71429250	71429820	71429641	11	24	9	2.932622098	0.00106136		ENSG00000206783
11	71429971	71430727	71430456	11	30	9	3.636451402	4.92E-05		ENSG00000206783
11	71458564	71458800	71458682	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000212089

11	71469312	71469611	71469487	12	15	6	2.68125449	0.0103552	LRRC51	ENSG00000184154
11	71470585	71470964	71470746	16	22	10	2.452738482	0.00515848	LRRC51	ENSG00000184154
11	71488351	71488602	71488476	9	11	3	3.519146518	0.00788869	C11orf59	ENSG00000149357
11	71491989	71492307	71492162	13	16	5	3.323638378	0.00288759	C11orf59	ENSG00000149357
11	71501386	71501761	71501565	11	19	5	3.910162798	0.000546977	C11orf51	ENSG00000110200
11	71611748	71612052	71611914	12	14	5	2.932622098	0.00829617	INPPL1	ENSG00000165458
11	71803158	71803413	71803299	9	11	11	1.173048839	0.349489	CLPB	ENSG00000162129
11	71819719	71819923	71819790	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CLPB	ENSG00000162129
11	71823056	71823443	71823327	8	14	9	1.759573259	0.0786014	CLPB	ENSG00000162129
11	71859980	71860329	71860151	13	18	6	3.183989707	0.00227432	CLPB	ENSG00000162129
11	72031735	72031994	72031820	8	11	1	7.038293036	0.000674435	PDE2A	ENSG00000186642
11	72110576	72110994	72110838	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	ARAP1	ENSG00000186635
11	72169330	72169565	72169401	11	13	11	1.368556979	0.211388	STARD10	ENSG00000214530
11	72169771	72170092	72169931	8	12	4	3.049926982	0.0108184	STARD10	ENSG00000214530
11	72175150	72175388	72175269	8	9	4	2.346097679	0.050148	STARD10	ENSG00000214530
11	72202495	72202768	72202594	8	11	7	1.759573259	0.102361	ATG16L2	ENSG00000168010
11	72203148	72203450	72203287	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	ATG16L2	ENSG00000168010
11	72203462	72203864	72203641	11	19	3	5.865244197	5.72E-05	ATG16L2	ENSG00000168010
11	72220212	72220842	72220592	15	34	7	5.132088672	6.85E-07	FCHSD2	ENSG00000137478
11	72461555	72461891	72461723	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	FCHSD2	ENSG00000137478
11	72530488	72530768	72530656	9	12	2	5.083211637	0.00143337	FCHSD2	ENSG00000137478
11	72531081	72531371	72531215	11	12	4	3.049926982	0.0108184	FCHSD2	ENSG00000137478
11	72566758	72567046	72566899	12	13	1	8.211341875	0.000163445	FCHSD2	ENSG00000137478
11	72574016	72574236	72574126	8	9	9	1.173048839	0.362316	P2RY2	ENSG00000175591
11	72574504	72575396	72575206	24	62	8	8.211341875	4.98E-14	P2RY2	ENSG00000175591
11	72576515	72576896	72576733	40	48	4	11.49587863	8.11E-13	P2RY2	ENSG00000175591
11	72578856	72579156	72579008	8	9	7	1.466311049	0.20706	P2RY2	ENSG00000175591
11	72581033	72581421	72581183	14	20	10	2.239456875	0.0121685	P2RY2	ENSG00000175591
11	72582582	72582995	72582788	28	40	15	3.005937651	3.36E-05	P2RY2	ENSG00000175591
11	72583248	72583680	72583427	22	30	3	9.091128505	3.63E-08	P2RY2	ENSG00000175591
11	72584045	72584530	72584351	18	29	6	5.027352168	4.43E-06	P2RY2	ENSG00000175591
11	72606963	72607396	72607174	14	24	2	9.775406994	4.09E-07	P2RY2	ENSG00000175591
11	72616590	72616905	72616742	24	25	4	6.099853964	4.56E-06	P2RY2	ENSG00000175591
11	72617004	72617310	72617142	10	12	3	3.812408728	0.004404	P2RY2	ENSG00000175591

11	72631296	72631712	72631549	22	30	2	12.12150467	5.77E-09	P2RY6	ENSG00000171631
11	72660631	72661188	72660829	25	39	6	6.703136225	8.68E-09	P2RY6	ENSG00000171631
11	72664033	72664382	72664207	17	23	8	3.128130238	0.000832453	P2RY6	ENSG00000171631
11	72695966	72696344	72696145	8	14	4	3.519146518	0.00361132	ARHGEF17	ENSG00000110237
11	72774889	72775068	72774985	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RELT	ENSG00000054967
11	72867499	72867720	72867583	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	RELT	ENSG00000054967
11	72987201	72987529	72987365	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	FAM168A	ENSG00000054965
11	73048698	73048929	73048820	12	12	5	2.541605819	0.0225912	PLEKHB1	ENSG00000021300
11	73167961	73168555	73168272	9	23	14	1.876878143	0.0251753	MRPL48	ENSG00000175581
11	73176433	73176901	73176611	14	23	10	2.559379286	0.00330263	MRPL48	ENSG00000175581
11	73265435	73265879	73265700	12	23	8	3.128130238	0.000832453	PAAF1	ENSG00000175575
11	73320092	73320331	73320253	8	11	5	2.346097679	0.0364013	DNAJB13	ENSG00000187726
11	73335758	73336036	73335892	11	14	2	5.865244197	0.000387308	DNAJB13	ENSG00000187726
11	73371693	73371899	73371823	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	UCP2	ENSG00000175567
11	73425290	73425556	73425423	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000204552
11	73457781	73458236	73457960	23	36	7	5.425350882	2.04E-07		ENSG00000204552
11	73523827	73524283	73524108	30	40	5	8.015833735	1.06E-09	C2CD3	ENSG00000168014
11	73527298	73527513	73527405	11	11	3	3.519146518	0.00788869	C2CD3	ENSG00000168014
11	73559636	73560019	73559840	10	18	11	1.857327329	0.0427732	C2CD3	ENSG00000168014
11	73644637	73644870	73644753	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000206913
11	73786264	73786518	73786391	8	11	9	1.407658607	0.210479	PGM2L1	ENSG00000165434
11	73921255	73921529	73921376	18	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000210380
11	73944871	73945069	73944966	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210380
11	74091152	74091416	74091342	8	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000185162
11	74115212	74115538	74115375	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	CHRD12	ENSG00000054938
11	74337567	74337969	74337790	9	17	4	4.222975822	0.000640773	XRRA1	ENSG00000166435
11	74424857	74425082	74424957	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000213333
11	74536356	74536677	74536499	8	12	4	3.049926982	0.0108184	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74538984	74539163	74539073	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74587184	74587558	74587379	24	29	1	17.59573259	1.33E-09	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74603109	74603336	74603246	12	14	4	3.519146518	0.00361132	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74622537	74622843	74622688	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74637416	74637672	74637529	19	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000199090
11	74717513	74717773	74717643	8	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000199090

11	74723235	74723563	74723399	12	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000199090
11	74731742	74731974	74731858	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000199090
11	74732180	74732473	74732331	13	17	9	2.111487911	0.0248715	ARRB1	ENSG00000137486
11	74736571	74736834	74736717	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ARRB1	ENSG00000137486
11	74745217	74745589	74745396	8	15	2	6.256260476	0.000199274	ARRB1	ENSG00000137486
11	74760519	74760809	74760664	10	12	3	3.812408728	0.004404	ARRB1	ENSG00000137486
11	74761191	74761547	74761385	14	19	11	1.955081399	0.0295891	ARRB1	ENSG00000137486
11	74765131	74765424	74765307	9	11	2	4.692195357	0.00272444	RPS3	ENSG00000149273
11	74788000	74788613	74788246	11	26	12	2.436332205	0.00289956	RPS3	ENSG00000149273
11	74794258	74794450	74794376	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207445
11	74810962	74811254	74811092	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	KLHL35	ENSG00000149243
11	74834077	74834420	74834250	14	17	5	3.519146518	0.00167472	KLHL35	ENSG00000149243
11	74889458	74889865	74889683	50	66	3	19.64856806	2.33E-19	GDPD5	ENSG00000158555
11	74890370	74890549	74890454	8	8	2	3.519146518	0.017558	GDPD5	ENSG00000158555
11	74897023	74897488	74897202	10	18	10	2.026175268	0.0273052	GDPD5	ENSG00000158555
11	74920992	74921311	74921149	16	19	7	2.932622098	0.00293566	GDPD5	ENSG00000158555
11	74936324	74936577	74936450	8	9	6	1.675784056	0.141978	SERPINH1	ENSG00000149257
11	75180702	75180937	75180819	8	8	3	2.639359888	0.0415794	UVRAG	ENSG00000198382
11	75191959	75192279	75192122	12	17	8	2.346097679	0.0144542	UVRAG	ENSG00000198382
11	75203193	75203630	75203406	10	21	5	4.301179077	0.000172642	UVRAG	ENSG00000198382
11	75229673	75229994	75229825	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000199362
11	75485330	75485792	75485499	22	34	8	4.561856597	2.04E-06	WNT11	ENSG00000085741
11	75540861	75541166	75540999	8	11	4	2.815317214	0.0183428	WNT11	ENSG00000085741
11	75623897	75624859	75624457	18	49	22	2.550106172	5.01E-05	WNT11	ENSG00000085741
11	75707578	75707876	75707743	8	10	4	2.580707446	0.0306059	PRKRIR	ENSG00000137492
11	75833070	75833392	75833231	9	14	5	2.932622098	0.00829617	C11orf30	ENSG00000158636
11	75833526	75833810	75833668	10	14	2	5.865244197	0.000387308	C11orf30	ENSG00000158636
11	76069568	76069845	76069706	10	13	8	1.824742639	0.0744168	LRRC32	ENSG00000137507
11	76110402	76110755	76110649	12	17	3	5.278719777	0.000205462	GUCY2E	ENSG00000204529
11	76159716	76159933	76159824	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TSKU	ENSG00000182704
11	76161278	76161672	76161457	20	28	12	2.616801257	0.00120123	TSKU	ENSG00000182704
11	76173023	76173588	76173328	17	31	3	9.384390715	1.82E-08	TSKU	ENSG00000182704
11	76177005	76177265	76177094	8	11	1	7.038293036	0.000674435	TSKU	ENSG00000182704
11	76177360	76177710	76177536	15	20	8	2.737113958	0.0036449	TSKU	ENSG00000182704

11	76196122	76196450	76196286	14	18	4	4.457585589	0.000353565	TSKU	ENSG00000182704
11	76213548	76214096	76213822	12	20	1	12.31701281	1.03E-06	PHCA	ENSG00000078124
11	76308623	76308802	76308755	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000212030
11	76408916	76409218	76409067	12	15	3	4.692195357	0.000718455	B3GNT6	ENSG00000198488
11	76477275	76477652	76477473	20	27	8	3.649485278	0.000102745	CAPN5	ENSG00000149260
11	76490004	76490360	76490182	9	14	4	3.519146518	0.00361132	MYO7A	ENSG00000137474
11	76580727	76581021	76580874	11	15	6	2.68125449	0.0103552	MYO7A	ENSG00000137474
11	76800524	76800795	76800659	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PAK1	ENSG00000149269
11	76820337	76820519	76820428	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PAK1	ENSG00000149269
11	76904399	76904591	76904458	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PAK1	ENSG00000149269
11	76936990	76937284	76937137	9	10	3	3.225884308	0.0139466	AQP11	ENSG00000178301
11	77026350	77026736	77026557	32	40	7	6.011875301	1.73E-08	CLNS1A	ENSG00000074201
11	77209441	77210217	77209594	11	31	11	3.128130238	0.000146711	RSF1	ENSG00000048649
11	77382959	77383139	77382980	8	8	6	1.508205651	0.203852	INTS4	ENSG00000149262
11	77383372	77383619	77383495	8	11	11	1.173048839	0.349489	INTS4	ENSG00000149262
11	77388934	77389226	77389080	14	16	6	2.848832895	0.00632407	INTS4	ENSG00000149262
11	77417261	77417478	77417332	9	10	0	12.90353723	0.000195991	KCTD14	ENSG00000151364
11	77419257	77419485	77419371	8	10	7	1.612942154	0.147335	KCTD14	ENSG00000151364
11	77434868	77435193	77435030	14	18	5	3.714654658	0.000961539	THRSP	ENSG00000151365
11	77468233	77468737	77468594	17	27	11	2.737113958	0.00100133	NDUFC2	ENSG00000151366
11	77528100	77528418	77528258	12	16	6	2.848832895	0.00632407	ALG8	ENSG00000159063
11	77804935	77805114	77805049	8	8	5	1.759573259	0.13508	GAB2	ENSG00000033327
11	77805561	77805874	77805710	12	16	7	2.492728784	0.0124193	GAB2	ENSG00000033327
11	78098523	78098729	78098619	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210533
11	78104477	78104715	78104596	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000210533
11	78187330	78187560	78187451	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000210533
11	78207056	78207314	78207187	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000210533
11	78220980	78221222	78221126	10	13	3	4.105670938	0.00243034	ODZ4	ENSG00000149256
11	78387391	78387720	78387555	8	12	5	2.541605819	0.0225912	ODZ4	ENSG00000149256
11	78448619	78449257	78449000	15	31	15	2.346097679	0.00187452	ODZ4	ENSG00000149256
11	78449369	78449550	78449459	8	8	5	1.759573259	0.13508	ODZ4	ENSG00000149256
11	78486914	78487148	78487010	10	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000212701
11	78506361	78506575	78506452	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000212701
11	78544717	78545095	78544916	27	34	3	10.26417734	2.27E-09		ENSG00000212701

11	78557430	78557774	78557602	30	32	4	7.742122339	4.68E-08		ENSG00000212701
11	78742455	78742746	78742578	12	15	11	1.564065119	0.11768		ENSG00000211997
11	78829946	78830179	78830062	9	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000211997
11	80304983	80305248	80305116	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000200146
11	80422904	80423187	80423057	12	13	1	8.211341875	0.000163445		
11	81411716	81411943	81411823	16	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000210568
11	82289125	82289328	82289207	9	10	0	12.90353723	0.000195991	PRCP	ENSG00000137509
11	82316062	82316241	82316151	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C11orf82	ENSG00000165490
11	82395643	82396058	82395818	8	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000207221
11	82396771	82397078	82396949	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207221
11	82414008	82414340	82414161	11	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000207221
11	82460439	82460844	82460665	13	22	2	8.993374435	1.66E-06	RAB30	ENSG00000137502
11	82481453	82481921	82481727	21	34	14	2.737113958	0.000281523	RAB30	ENSG00000137502
11	82545216	82545454	82545329	11	12	2	5.083211637	0.00143337	PCF11	ENSG00000165494
11	82549287	82549537	82549412	17	18	4	4.457585589	0.000353565	PCF11	ENSG00000165494
11	82582125	82582385	82582258	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ANKRD42	ENSG00000137494
11	82674209	82674860	82674421	29	55	9	6.5690735	1.91E-11	CCDC90B	ENSG00000137500
11	82674873	82675364	82675185	22	35	5	7.038293036	2.84E-08	CCDC90B	ENSG00000137500
11	82767898	82768081	82768014	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210588
11	83050318	83050894	83050550	44	64	1	38.12408728	4.44E-21	DLG2	ENSG00000150672
11	83564726	83564993	83564844	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	DLG2	ENSG00000150672
11	84060101	84060385	84060243	11	13	2	5.474227917	0.000747844	DLG2	ENSG00000150672
11	84076267	84076470	84076342	9	11	3	3.519146518	0.00788869	DLG2	ENSG00000150672
11	84102973	84103152	84103062	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DLG2	ENSG00000150672
11	84294196	84294415	84294282	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DLG2	ENSG00000150672
11	84657884	84658105	84657981	10	10	1	6.451768616	0.00135978	DLG2	ENSG00000150672
11	84673051	84673409	84673230	18	23	3	7.038293036	4.15E-06	DLG2	ENSG00000150672
11	84872519	84872982	84872750	183	249	203	1.437559852	5.65E-05		ENSG00000210598
11	84984047	84984312	84984179	12	12	1	7.624817456	0.000332769	DLG2	ENSG00000150672
11	85016454	85016801	85016627	9	13	8	1.824742639	0.0744168	DLG2	ENSG00000150672
11	85017239	85017418	85017328	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TMEM126B	ENSG00000171204
11	85036488	85036753	85036592	10	14	8	1.955081399	0.0506438	TMEM126A	ENSG00000171202
11	85052762	85053034	85052881	8	10	4	2.580707446	0.0306059	CREBZF	ENSG00000137504
11	85053727	85054035	85053857	8	11	6	2.010940867	0.0640214	CREBZF	ENSG00000137504



11	85195579	85196016	85195798	55	71	6	12.0656452	3.68E-18	CCDC83	ENSG00000150676
11	85217348	85217646	85217497	10	14	10	1.599612054	0.114822	CCDC83	ENSG00000150676
11	85219855	85220223	85220012	13	18	3	5.571981987	0.000108726	CCDC83	ENSG00000150676
11	85457592	85458067	85457919	10	21	5	4.301179077	0.000172642	PICALM	ENSG00000073921
11	85607171	85607474	85607301	8	11	2	4.692195357	0.00272444	EED	ENSG00000074266
11	85633250	85633500	85633375	9	12	2	5.083211637	0.00143337	EED	ENSG00000074266
11	85633516	85634318	85633918	10	30	9	3.636451402	4.92E-05	EED	ENSG00000074266
11	85680556	85680809	85680686	11	12	3	3.812408728	0.004404	C11orf73	ENSG00000149196
11	85690757	85691216	85690940	18	31	7	4.692195357	4.07E-06	C11orf73	ENSG00000149196
11	85723872	85724609	85724293	129	207	11	20.33284655	9.93E-56		ENSG00000222550
11	85848660	85848986	85848823	12	17	7	2.639359888	0.00777415	CCDC81	ENSG00000149201
11	85885897	85886193	85886045	9	13	3	4.105670938	0.00243034	CCDC81	ENSG00000149201
11	85888538	85888889	85888713	9	14	6	2.513676084	0.016726	CCDC81	ENSG00000149201
11	85912885	85913144	85913018	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ME3	ENSG00000151376
11	85967865	85968324	85968040	12	22	3	6.745030826	8.05E-06	ME3	ENSG00000151376
11	85997197	85997455	85997326	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ME3	ENSG00000151376
11	86054899	86055233	86055066	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	ME3	ENSG00000151376
11	86094823	86095589	86095283	14	38	9	4.574890473	5.74E-07	ME3	ENSG00000151376
11	86130641	86130824	86130732	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PRSS23	ENSG00000150687
11	86191427	86191679	86191543	8	9	7	1.466311049	0.20706	PRSS23	ENSG00000150687
11	86207196	86207452	86207324	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000197882
11	86323727	86323994	86323860	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FZD4	ENSG00000174804
11	86388830	86389123	86388976	13	17	4	4.222975822	0.000640773	TMEM135	ENSG00000166575
11	86992882	86993213	86993047	20	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000223015
11	93034391	93034612	93034496	8	9	2	3.910162798	0.00955088	KIAA1731	ENSG00000166004
11	93114102	93114298	93114200	10	10	0	12.90353723	0.000195991	TAF1D	ENSG00000166012
11	93477610	93477849	93477756	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	PANX1	ENSG00000110218
11	93485454	93485774	93485614	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	PANX1	ENSG00000110218
11	93678051	93678372	93678223	21	24	2	9.775406994	4.09E-07		ENSG00000183560
11	94067258	94067536	94067417	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	AMOTL1	ENSG00000166025
11	94113822	94114115	94113961	9	10	1	6.451768616	0.00135978	AMOTL1	ENSG00000166025
11	94438185	94438541	94438363	36	40	0	48.09500241	1.51E-14		ENSG00000180771
11	94627192	94627507	94627358	10	13	2	5.474227917	0.000747844	SESN3	ENSG00000149212
11	95468692	95468978	95468811	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	MAML2	ENSG00000184384

11	95580178	95580714	95580512	10	22	1	13.49006165	2.37E-07	MAML2	ENSG00000184384
11	97937282	97937540	97937411	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		
11	100065823	100066101	100065979	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000223242
11	100410121	100410413	100410267	14	16	6	2.848832895	0.00632407	TMEM133	ENSG00000170647
11	100717780	100717973	100717835	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PGR	ENSG00000082175
11	100810105	100810564	100810351	20	32	4	7.742122339	4.68E-08	TRPC6	ENSG00000137672
11	100817715	100817928	100817821	8	9	4	2.346097679	0.050148	TRPC6	ENSG00000137672
11	101486268	101486491	101486413	9	12	1	7.624817456	0.000332769	YAP1	ENSG00000137693
11	101632158	101632585	101632392	86	100	0	118.4779328	9.04E-35		ENSG00000212466
11	102184014	102184196	102184087	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MMP1	ENSG00000196611
11	102485092	102485404	102485247	10	14	2	5.865244197	0.000387308	DYNC2H1	ENSG00000187240
11	103110303	103110482	103110365	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DDI1	ENSG00000170967
11	105359476	105359780	105359628	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	KIAA1826	ENSG00000170903
11	106165364	106165631	106165516	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000222559
11	106533855	106534089	106533953	9	11	1	7.038293036	0.000674435	GUCY1A2	ENSG00000152402
11	106534973	106535554	106535263	72	99	6	16.75784056	8.73E-27	GUCY1A2	ENSG00000152402
11	107711164	107711537	107711430	12	19	0	23.46097679	1.81E-07	ATM	ENSG00000149311
11	107873351	107873629	107873473	8	11	2	4.692195357	0.00272444	KDEL2	ENSG00000178202
11	107900516	107900744	107900630	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	KDEL2	ENSG00000178202
11	108024239	108024599	108024418	14	21	3	6.451768616	1.56E-05	DDX10	ENSG00000178105
11	108324222	108324562	108324389	23	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000203334
11	108718214	108718485	108718349	12	13	2	5.474227917	0.000747844	C11orf87	ENSG00000185742
11	109315235	109315417	109315270	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZC3H12C	ENSG00000149289
11	109398274	109398858	109398664	19	36	1	21.70140353	7.08E-12	ZC3H12C	ENSG00000149289
11	110703853	110704161	110704007	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000196167
11	110710587	110710976	110710797	10	18	4	4.457585589	0.000353565	POU2AF1	ENSG00000110777
11	110802519	110802877	110802698	23	29	0	35.19146518	7.73E-11	POU2AF1	ENSG00000110777
11	110803347	110803571	110803459	8	10	2	4.301179077	0.00512919	POU2AF1	ENSG00000110777
11	110886243	110886981	110886485	57	84	2	33.23638378	2.48E-26	BTG4	ENSG00000137707
11	111656559	111656764	111656661	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000213234
11	111668848	111669185	111669016	8	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000213234
11	112145077	112145264	112145170	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000211166
11	112720192	112720568	112720371	12	20	0	24.63402563	8.35E-08	TTC12	ENSG00000149292
11	112760520	112760946	112760775	54	64	2	25.41605819	8.14E-20	ANKK1	ENSG00000170209

11	112822830	112823270	112823038	71	85	3	25.22055005	1.89E-25	DRD2	ENSG00000149295
11	113536004	113536243	113536174	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000221112
11	113692053	113692232	113692092	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NNMT	ENSG00000166741
11	113776141	113776610	113776431	11	21	5	4.301179077	0.000172642	C11orf71	ENSG00000180425
11	114963629	114963918	114963760	17	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000211200
11	115678514	115678719	115678616	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000211210
11	116108688	116108932	116108782	8	9	1	5.865244197	0.00272497	BUD13	ENSG00000137656
11	116212088	116212309	116212228	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	APOA1	ENSG00000118137
11	116471725	116471965	116471834	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000160584
11	116783176	116783382	116783210	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CEP164	ENSG00000110274
11	116882251	116882581	116882416	26	28	1	17.00920817	2.80E-09	CEP164	ENSG00000110274
11	116930648	116930868	116930758	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CEP164	ENSG00000110274
11	116969423	116969603	116969449	9	9	1	5.865244197	0.00272497	DSCAML1	ENSG00000177103
11	117079219	117079441	117079346	8	10	2	4.301179077	0.00512919	DSCAML1	ENSG00000177103
11	117171952	117172302	117172093	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	DSCAML1	ENSG00000177103
11	117276753	117277197	117277046	13	18	8	2.476436439	0.00924552	FXVD6	ENSG00000137726
11	117305264	117305593	117305429	14	18	2	7.429309316	2.63E-05	TMPRSS13	ENSG00000137747
11	117433570	117434135	117433964	17	33	12	3.067973887	0.000114749		ENSG00000222925
11	117436717	117436931	117436824	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222925
11	117450786	117451111	117450948	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117452685	117453204	117452890	11	23	12	2.165628626	0.0100985	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117456865	117457110	117456987	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117468744	117469257	117469024	23	35	4	8.445951643	6.26E-09	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117521125	117521668	117521490	12	22	7	3.372515413	0.000629223	SCN4B	ENSG00000177098
11	117532474	117532821	117532647	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	SCN4B	ENSG00000177098
11	117574317	117574575	117574480	8	11	3	3.519146518	0.00788869	AMICA1	ENSG00000160593
11	117617577	117617808	117617637	11	13	7	2.052835469	0.046392	MPZL3	ENSG00000160588
11	117640071	117640391	117640231	8	12	5	2.541605819	0.0225912	MPZL2	ENSG00000149573
11	117651163	117651387	117651275	10	10	2	4.301179077	0.00512919	MPZL2	ENSG00000149573
11	117735400	117735677	117735538	9	12	10	1.386330446	0.21117	UBE4A	ENSG00000110344
11	117777250	117777554	117777402	11	14	5	2.932622098	0.00829617	ATP5L	ENSG00000167283
11	117941813	117942163	117941988	15	18	7	2.785990993	0.00480525	C11orf60	ENSG00000118096
11	117999061	117999581	117999427	17	29	4	7.038293036	3.41E-07	PHLDB1	ENSG00000019144
11	118035405	118035640	118035522	12	13	3	4.105670938	0.00243034	TREH	ENSG00000118094

11	118038596	118038843	118038719	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TREH	ENSG00000118094
11	118067954	118068174	118068069	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000207462
11	118167066	118167255	118167163	9	10	6	1.843362462	0.0964212	DDX6	ENSG00000110367
11	118287660	118288230	118287839	8	20	4	4.926805125	0.00010522	BCL9L	ENSG00000186174
11	118288287	118288664	118288466	8	15	17	1.042710079	0.454615	BCL9L	ENSG00000186174
11	118292743	118293092	118292917	17	23	2	9.384390715	8.25E-07	BCL9L	ENSG00000186174
11	118293586	118293866	118293689	9	11	6	2.010940867	0.0640214	BCL9L	ENSG00000186174
11	118294092	118294345	118294218	11	13	6	2.346097679	0.0266147	BCL9L	ENSG00000186174
11	118295748	118296103	118295825	9	14	4	3.519146518	0.00361132	BCL9L	ENSG00000186174
11	118297255	118297475	118297365	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000223272
11	118297985	118298251	118298118	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000223272
11	118303974	118304415	118304153	15	25	8	3.388807758	0.000297109		ENSG00000223272
11	118304435	118304647	118304541	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000223272
11	118306024	118306484	118306254	17	28	5	5.669736057	2.48E-06		ENSG00000223272
11	118332574	118332784	118332647	9	11	5	2.346097679	0.0364013	UPK2	ENSG00000110375
11	118364151	118364443	118364298	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000200242
11	118374090	118374445	118374267	10	15	2	6.256260476	0.000199274	CCDC84	ENSG00000186166
11	118406710	118407076	118406947	15	20	5	4.105670938	0.000308509	SLC37A4	ENSG00000137700
11	118443552	118443869	118443710	11	15	7	2.346097679	0.0195693	VPS11	ENSG00000160695
11	118460707	118460987	118460848	10	13	6	2.346097679	0.0266147	HMBS	ENSG00000149397
11	118461043	118461268	118461154	9	11	3	3.519146518	0.00788869	HMBS	ENSG00000149397
11	118477690	118478331	118478152	16	33	13	2.848832895	0.000231281	DPAGT1	ENSG00000172269
11	118736998	118737441	118737262	13	22	2	8.993374435	1.66E-06	USP2	ENSG00000036672
11	118750981	118751185	118751034	8	8	0	10.55743955	0.000925496	USP2	ENSG00000036672
11	118752268	118752554	118752411	10	11	3	3.519146518	0.00788869	USP2	ENSG00000036672
11	118857307	118857508	118857395	11	11	3	3.519146518	0.00788869	THY1	ENSG00000154096
11	118984820	118985092	118984976	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000199217
11	118988712	118989055	118988932	10	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000199217
11	119071063	119071282	119071172	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PVRL1	ENSG00000110400
11	119072214	119072841	119072464	135	182	1	107.3339688	2.07E-60	PVRL1	ENSG00000110400
11	119221487	119222072	119221831	57	82	3	24.34076342	1.75E-24	PVRL1	ENSG00000110400
11	119400187	119400497	119400342	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	TRIM29	ENSG00000137699
11	119400802	119401266	119401045	52	72	6	12.23322361	1.83E-18	TRIM29	ENSG00000137699
11	119656704	119656937	119656819	8	10	5	2.150589539	0.0575848	POU2F3	ENSG00000137709

11	119660190	119660569	119660424	10	14	4	3.519146518	0.00361132	TMEM136	ENSG00000181264
11	119677745	119678244	119677919	20	30	4	7.272902804	1.76E-07	TMEM136	ENSG00000181264
11	119679092	119679272	119679182	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TMEM136	ENSG00000181264
11	119692771	119692997	119692884	10	12	3	3.812408728	0.004404	TMEM136	ENSG00000181264
11	119978957	119979198	119979077	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	GRIK4	ENSG00000149403
11	120633901	120634191	120634047	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	SC5DL	ENSG00000109929
11	120668691	120668880	120668766	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	SC5DL	ENSG00000109929
11	120822652	120822910	120822781	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SORL1	ENSG00000137642
11	120842480	120842781	120842630	14	18	3	5.571981987	0.000108726	SORL1	ENSG00000137642
11	120854279	120854593	120854439	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SORL1	ENSG00000137642
11	120858415	120858821	120858643	22	29	0	35.19146518	7.73E-11	SORL1	ENSG00000137642
11	122438147	122438380	122438263	8	9	2	3.910162798	0.00955088	HSPA8	ENSG00000109971
11	122459494	122459780	122459649	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000166250
11	124015777	124016014	124015909	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000200278
11	124121688	124122021	124121854	11	14	3	4.398933147	0.00132748	VSIG2	ENSG00000019102
11	124192168	124192398	124192283	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C11orf61	ENSG00000120458
11	124412183	124412484	124412346	8	11	6	2.010940867	0.0640214	SLC37A2	ENSG00000134955
11	124944363	124944559	124944418	8	8	0	10.55743955	0.000925496	EI24	ENSG00000149547
11	125000691	125000883	125000782	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CHEK1	ENSG00000149554
11	125491081	125491314	125491197	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	CDON	ENSG00000064309
11	125643972	125644154	125644063	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SRPR	ENSG00000182934
11	129001092	129001458	129001271	24	30	1	18.18225701	6.30E-10	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129016981	129017394	129017160	9	18	0	22.28792795	3.94E-07	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129167883	129168079	129167982	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129215421	129215687	129215554	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129228947	129229272	129229109	11	12	4	3.049926982	0.0108184	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129298476	129298675	129298592	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PRDM10	ENSG00000170325
11	133760867	133761282	133761121	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	B3GAT1	ENSG00000109956
12	36128	36333	36274	8	10	3	3.225884308	0.0139466	IQSEC3	ENSG00000120645
12	440596	440808	440702	9	10	0	12.90353723	0.000195991	B4GALNT3	ENSG00000139044
12	503544	504357	504017	111	174	10	18.66214063	2.30E-46	B4GALNT3	ENSG00000139044
12	577734	577975	577834	16	17	0	21.11487911	8.57E-07	NINJ2	ENSG00000171840
12	730597	730925	730761	8	14	6	2.513676084	0.016726	WNK1	ENSG00000060237
12	827256	827575	827432	23	25	1	15.24963491	2.59E-08	WNK1	ENSG00000060237

12	928894	929494	929297	13	32	3	9.677652924	9.12E-09	RAD52	ENSG00000002016
12	970209	970499	970331	8	12	3	3.812408728	0.004404	ERC1	ENSG00000082805
12	1562960	1563208	1563080	9	10	3	3.225884308	0.0139466	FBXL14	ENSG00000171823
12	1585229	1585665	1585520	10	16	3	4.985457567	0.000385643	WNT5B	ENSG00000111186
12	1770646	1770825	1770735	8	9	3	2.932622098	0.0242899	LRTM2	ENSG00000166159
12	1810466	1810720	1810593	11	12	2	5.083211637	0.00143337	LRTM2	ENSG00000166159
12	1887167	1887565	1887399	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	CACNA2D4	ENSG00000151062
12	1915860	1916192	1916026	9	12	2	5.083211637	0.00143337	CACNA2D4	ENSG00000151062
12	1983663	1984462	1984090	187	265	2	104.0103304	2.29E-86	DCP1B	ENSG00000151065
12	2031517	2031869	2031693	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	CACNA1C	ENSG00000151067
12	2604000	2604274	2604132	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000216217
12	2676378	2676952	2676718	33	48	1	28.73969656	8.36E-16		ENSG00000216217
12	2774132	2774315	2774227	8	9	3	2.932622098	0.0242899	FKBP4	ENSG00000004478
12	2775350	2775595	2775515	11	12	2	5.083211637	0.00143337	FKBP4	ENSG00000004478
12	2791866	2792302	2792029	8	15	7	2.346097679	0.0195693	ITFG2	ENSG00000111203
12	2792324	2792523	2792375	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ITFG2	ENSG00000111203
12	2912699	2912878	2912819	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000209043
12	3279387	3279705	3279546	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	TSPAN9	ENSG00000011105
12	3294709	3294985	3294847	15	18	3	5.571981987	0.000108726	TSPAN9	ENSG00000011105
12	3358247	3358462	3358354	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000212730
12	3471655	3471852	3471753	8	8	2	3.519146518	0.017558	PRMT8	ENSG00000111218
12	3579497	3579700	3579607	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000206004
12	3584739	3584935	3584834	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000206004
12	3727604	3727911	3727757	8	12	6	2.178519273	0.0416567	EFCAB4B	ENSG00000130038
12	3953555	3953796	3953675	12	13	2	5.474227917	0.000747844	PARP11	ENSG00000111224
12	3978988	3979286	3979131	16	20	1	12.31701281	1.03E-06	PARP11	ENSG00000111224
12	3993135	3993379	3993224	9	11	2	4.692195357	0.00272444	PARP11	ENSG00000111224
12	4010893	4011126	4011015	12	13	2	5.474227917	0.000747844	PARP11	ENSG00000111224
12	4017211	4017524	4017390	10	12	6	2.178519273	0.0416567	PARP11	ENSG00000111224
12	4122366	4122565	4122504	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CCND2	ENSG00000118971
12	4287281	4287664	4287451	12	18	4	4.457585589	0.000353565	C12orf5	ENSG00000078237
12	4300582	4301303	4301090	27	50	2	19.94183027	2.68E-15	C12orf5	ENSG00000078237
12	4462372	4462697	4462534	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	FGF6	ENSG00000111241
12	4996925	4997144	4997024	9	10	0	12.90353723	0.000195991	KCNA5	ENSG00000130037

12	5119451	5119804	5119627	13	19	0	23.46097679	1.81E-07	KCNA5	ENSG00000130037
12	5600539	5600761	5600650	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NTF3	ENSG00000185652
12	6179767	6179985	6179875	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CD9	ENSG00000010278
12	6180649	6180883	6180766	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CD9	ENSG00000010278
12	6195313	6195629	6195471	8	10	9	1.290353723	0.279648	CD9	ENSG00000010278
12	6208308	6208522	6208452	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000202318
12	6214922	6215314	6215116	23	32	4	7.742122339	4.68E-08		ENSG00000202318
12	6251980	6252529	6252317	9	19	3	5.865244197	5.72E-05	PLEKHG6	ENSG00000008323
12	6301314	6301712	6301533	14	21	5	4.301179077	0.000172642	PLEKHG6	ENSG00000008323
12	6315672	6315932	6315810	11	13	6	2.346097679	0.0266147	TNFRSF1A	ENSG00000067182
12	6321468	6321717	6321630	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	TNFRSF1A	ENSG00000067182
12	6356293	6356612	6356443	10	13	7	2.052835469	0.046392	SCNN1A	ENSG00000111319
12	6403070	6403249	6403147	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000213942
12	6487113	6487460	6487287	37	42	1	25.22055005	7.76E-14	NCAPD2	ENSG00000010292
12	6642481	6642998	6642671	16	31	2	12.51252095	2.82E-09	ING4	ENSG00000111653
12	6703383	6703666	6703556	10	13	4	3.28453675	0.00629037	COPS7A	ENSG00000111652
12	6732356	6732550	6732458	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MLF2	ENSG00000089693
12	6732942	6733412	6733138	14	22	6	3.854303329	0.000260696	MLF2	ENSG00000089693
12	6758357	6758662	6758509	10	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000209379
12	6831634	6831983	6831809	12	16	12	1.533986944	0.120062	USP5	ENSG00000111667
12	6846895	6847167	6847031	9	12	4	3.049926982	0.0108184	TPI1	ENSG00000111669
12	6905394	6905602	6905498	8	8	5	1.759573259	0.13508	ATN1	ENSG00000111676
12	6917460	6917724	6917592	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	ATN1	ENSG00000111676
12	6922952	6923495	6923333	20	33	11	3.323638378	5.37E-05	C12orf57	ENSG00000111678
12	6923829	6924278	6924149	15	23	8	3.128130238	0.000832453	C12orf57	ENSG00000111678
12	6925805	6926266	6925984	9	18	4	4.457585589	0.000353565	PTPN6	ENSG00000111679
12	6941490	6941873	6941701	11	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000207713
12	6942255	6942443	6942411	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000207713
12	6942472	6942661	6942566	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207713
12	6943540	6943749	6943605	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000207708
12	6949940	6950437	6950141	18	29	5	5.865244197	1.33E-06	PHB2	ENSG00000215021
12	7017038	7017397	7017218	18	24	1	14.66311049	5.43E-08	C1S	ENSG00000182326
12	7263597	7263936	7263766	10	12	3	3.812408728	0.004404	PEX5	ENSG00000139197
12	7682526	7682830	7682674	12	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000209109

12	7977135	7977338	7977219	14	15	4	3.753756286	0.0020497	SLC2A3	ENSG00000059804
12	8125857	8126166	8126024	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000089818
12	8871419	8871708	8871537	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	A2ML1	ENSG00000166535
12	8993945	8994180	8994049	8	10	5	2.150589539	0.0575848	M6PR	ENSG00000003056
12	9176143	9176339	9176241	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000211542
12	9317140	9317344	9317242	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000212440
12	9692229	9692594	9692435	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000214774
12	9841985	9842277	9842109	9	10	1	6.451768616	0.00135978	KLRF1	ENSG00000150045
12	9954895	9955313	9955169	26	35	2	14.07658607	1.57E-10	CLEC2A	ENSG00000188393
12	10405637	10405823	10405730	9	9	1	5.865244197	0.00272497	KLRK1	ENSG00000213809
12	10657335	10657561	10657444	8	10	1	6.451768616	0.00135978	MAGOHB	ENSG00000111196
12	10761320	10761650	10761476	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	CSDA	ENSG00000060138
12	10962786	10963025	10962905	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	TAS2R13	ENSG00000212128
12	11452329	11452687	11452508	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	PRB2	ENSG00000121335
12	11624622	11624854	11624771	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000221128
12	11679621	11679890	11679732	17	19	0	23.46097679	1.81E-07	ETV6	ENSG00000139083
12	12077571	12077813	12077730	12	15	5	3.128130238	0.00492422	BCL2L14	ENSG00000121380
12	12090634	12090958	12090796	8	11	1	7.038293036	0.000674435	BCL2L14	ENSG00000121380
12	12091325	12091892	12091500	44	58	0	69.20988152	1.30E-20	BCL2L14	ENSG00000121380
12	12115153	12115345	12115260	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BCL2L14	ENSG00000121380
12	12490181	12490457	12490319	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	LOH12CR1	ENSG00000165714
12	12513679	12514073	12513896	20	28	0	34.01841634	1.68E-10	DUSP16	ENSG00000111266
12	12652950	12653168	12653011	11	11	4	2.815317214	0.0183428	CREBL2	ENSG00000111269
12	12748859	12749155	12749007	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	CDKN1B	ENSG00000111276
12	12761531	12761804	12761644	8	11	3	3.519146518	0.00788869	CDKN1B	ENSG00000111276
12	12769600	12769823	12769711	8	8	3	2.639359888	0.0415794	APOLD1	ENSG00000178878
12	12857302	12857534	12857418	9	11	2	4.692195357	0.00272444	DDX47	ENSG00000213782
12	12916516	12916831	12916665	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	GPRC5A	ENSG00000013588
12	12927559	12927944	12927765	18	28	5	5.669736057	2.48E-06	GPRC5A	ENSG00000013588
12	13179924	13180175	13180039	14	16	5	3.323638378	0.00288759	EMP1	ENSG00000134531
12	13299992	13300224	13300108	8	8	7	1.319679944	0.283403	EMP1	ENSG00000134531
12	14252160	14252366	14252263	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000209525
12	14361525	14361914	14361736	13	19	0	23.46097679	1.81E-07	ATF7IP	ENSG00000171681
12	14543779	14543976	14543877	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000200830



12	14558533	14558723	14558614	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000200830
12	14815242	14815455	14815333	8	9	9	1.173048839	0.362316	HIST4H4	ENSG00000197837
12	14930561	14930837	14930699	9	10	0	12.90353723	0.000195991	MGP	ENSG00000111341
12	14973285	14973520	14973383	16	16	2	6.647276756	0.000101928	ERP27	ENSG00000139055
12	15055360	15055539	15055411	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PDE6H	ENSG00000139053
12	15207195	15207447	15207321	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RERG	ENSG00000134533
12	15579058	15579250	15579160	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000200105
12	15579511	15579898	15579705	22	31	0	37.53756286	1.64E-11		ENSG00000200105
12	15833631	15834125	15833946	10	19	2	7.820325595	1.32E-05	EPS8	ENSG00000151491
12	15980874	15981319	15981050	101	121	4	28.62239168	6.59E-36	DERA	ENSG00000023697
12	16840535	16840839	16840687	8	13	3	4.105670938	0.00243034	LMO3	ENSG00000048540
12	18305528	18305754	18305663	12	12	3	3.812408728	0.004404	PIK3C2G	ENSG00000139144
12	18394013	18394292	18394171	14	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000209542
12	19475919	19476560	19476248	104	146	0	172.4381794	2.82E-50	AEBP2	ENSG00000139154
12	19617128	19617343	19617235	8	10	5	2.150589539	0.0575848	AEBP2	ENSG00000139154
12	20257058	20257264	20257161	10	10	5	2.150589539	0.0575848	PDE3A	ENSG00000172572
12	20595492	20595901	20595687	104	145	128	1.327636671	0.00942142		ENSG00000209580
12	21862970	21863313	21863141	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	KCNJ8	ENSG00000121361
12	22588584	22588901	22588726	10	12	2	5.083211637	0.00143337	KIAA0528	ENSG00000111731
12	22669187	22669595	22669299	12	19	2	7.820325595	1.32E-05	ETNK1	ENSG00000139163
12	22875139	22875592	22875413	74	84	2	33.23638378	2.48E-26	ETNK1	ENSG00000139163
12	25098355	25098626	25098490	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000212652
12	25112857	25113060	25112906	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000212652
12	25179658	25180307	25180087	45	83	5	16.42268375	9.72E-23	CASC1	ENSG00000118307
12	25295136	25295322	25295230	9	9	3	2.932622098	0.0242899	KRAS	ENSG00000133703
12	25301198	25301422	25301293	11	14	2	5.865244197	0.000387308	KRAS	ENSG00000133703
12	25320785	25321086	25320937	8	11	1	7.038293036	0.000674435	KRAS	ENSG00000133703
12	25545766	25546080	25545923	11	15	6	2.68125449	0.0103552	IFLTD1	ENSG00000152936
12	25568573	25569051	25568877	9	18	3	5.571981987	0.000108726	IFLTD1	ENSG00000152936
12	25734333	25734647	25734484	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000209624
12	25755475	25755828	25755638	15	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000222950
12	26061934	26062160	26062071	11	11	4	2.815317214	0.0183428	RASSF8	ENSG00000123094
12	26204198	26204377	26204287	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BHLHB3	ENSG00000123095
12	26271234	26271436	26271335	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SSPN	ENSG00000123096

12	26318948	26319245	26319084	9	11	3	3.519146518	0.00788869	SSPN	ENSG00000123096
12	26391052	26391268	26391160	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000212549
12	26845452	26845661	26845525	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ITPR2	ENSG00000123104
12	27057093	27057631	27057265	32	42	1	25.22055005	7.76E-14	TM7SF3	ENSG00000064115
12	27121247	27121485	27121368	11	11	3	3.519146518	0.00788869	C12orf71	ENSG00000214700
12	27347595	27347842	27347728	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ARNTL2	ENSG00000029153
12	27472116	27472295	27472205	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C12orf70	ENSG00000165935
12	27747943	27748162	27748052	8	9	6	1.675784056	0.141978	MRPS35	ENSG00000061794
12	27754873	27755108	27754990	9	11	1	7.038293036	0.000674435	MRPS35	ENSG00000061794
12	29425402	29425643	29425522	10	13	8	1.824742639	0.0744168	ERGIC2	ENSG00000087502
12	30799202	30799470	30799336	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	CAPRIN2	ENSG00000110888
12	30948089	30948300	30948194	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TSPAN11	ENSG00000110900
12	31273751	31273930	31273840	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213703
12	31290526	31290894	31290694	15	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000213703
12	31290979	31291194	31291081	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000213703
12	31570525	31570766	31570645	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000201228
12	31635815	31636017	31635916	8	10	5	2.150589539	0.0575848	DENND5B	ENSG00000170456
12	31773193	31773602	31773372	12	21	3	6.451768616	1.56E-05	AMN1	ENSG00000151743
12	31777114	31777427	31777270	14	16	2	6.647276756	0.000101928	AMN1	ENSG00000151743
12	31793361	31793903	31793632	22	40	4	9.619000482	2.08E-10	AMN1	ENSG00000151743
12	32003348	32003628	32003488	14	16	3	4.985457567	0.000385643	C12orf35	ENSG00000174718
12	32091803	32091982	32091892	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BICD1	ENSG00000151746
12	32293053	32293389	32293221	17	22	2	8.993374435	1.66E-06	BICD1	ENSG00000151746
12	32579499	32579840	32579729	8	13	1	8.211341875	0.000163445	FGD4	ENSG00000139132
12	32723226	32723592	32723471	8	13	1	8.211341875	0.000163445	DNM1L	ENSG00000087470
12	32799343	32799553	32799448	9	9	3	2.932622098	0.0242899	YARS2	ENSG00000139131
12	32800040	32800267	32800153	9	10	6	1.843362462	0.0964212	YARS2	ENSG00000139131
12	32800468	32800674	32800571	9	11	7	1.759573259	0.102361	YARS2	ENSG00000139131
12	32937283	32937502	32937359	12	13	4	3.28453675	0.00629037	PKP2	ENSG00000057294
12	32941312	32941547	32941451	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	PKP2	ENSG00000057294
12	32945631	32945906	32945762	12	15	2	6.256260476	0.000199274	PKP2	ENSG00000057294
12	34066261	34066729	34066495	9	18	3	5.571981987	0.000108726	ALG10	ENSG00000139133
12	34247525	34247704	34247632	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000199654
12	34263745	34264084	34263914	50	50	45	1.300554148	0.0979016		ENSG00000209793

12	34308365	34308545	34308515	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000209793
12	34333686	34333973	34333856	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000209793
12	34724578	34724903	34724740	12	13	16	0.966040221	0.542489		ENSG00000209793
12	34742040	34742226	34742189	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000209793
12	36337993	36338230	36338146	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000209796
12	36730917	36731098	36731067	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000209796
12	36829914	36830250	36830082	29	30	13	2.597465287	0.000910385		ENSG00000199843
12	36996603	36996935	36996769	10	14	5	2.932622098	0.00829617	ALG10B	ENSG00000175548
12	38441002	38441221	38441113	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000209839
12	38592505	38592962	38592684	10	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000199571
12	38708393	38708687	38708538	18	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000219786
12	38766237	38766416	38766327	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219786
12	39089519	39089772	39089645	15	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000214639
12	39154676	39155156	39154916	70	93	7	13.78332386	5.07E-24		ENSG00000214639
12	39618793	39619008	39618900	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CNTN1	ENSG00000018236
12	39869716	39870031	39869880	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PDZRN4	ENSG00000165966
12	40824788	40824984	40824886	9	9	0	11.73048839	0.000425898	GLT8D3	ENSG00000151233
12	41602204	41602598	41602462	12	17	13	1.508205651	0.12204		ENSG00000213677
12	42134505	42134685	42134595	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ADAMTS20	ENSG00000173157
12	42266652	42267256	42266864	71	96	2	37.92857914	2.90E-30		ENSG00000214615
12	42438787	42439216	42438966	10	18	7	2.785990993	0.00480525	IRAK4	ENSG00000198001
12	42709316	42709619	42709467	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	TMEM117	ENSG00000139173
12	42998359	42998801	42998695	13	24	3	7.331555246	2.13E-06	TMEM117	ENSG00000139173
12	43556816	43557075	43556945	9	12	1	7.624817456	0.000332769	NELL2	ENSG00000184613
12	43628654	43629043	43628804	12	19	12	1.804690522	0.0452624		ENSG00000201788
12	43810969	43811191	43811079	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000199556
12	43850492	43850819	43850655	10	14	6	2.513676084	0.016726	PLEKHA9	ENSG00000134297
12	43895799	43896287	43896062	12	22	3	6.745030826	8.05E-06	PLEKHA9	ENSG00000134297
12	43913064	43913298	43913180	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ANO6	ENSG00000177119
12	43950117	43950306	43950239	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ANO6	ENSG00000177119
12	43956361	43956571	43956458	11	12	9	1.524963491	0.154777	ANO6	ENSG00000177119
12	44325013	44325397	44325192	11	18	1	11.14396397	4.44E-06	ARID2	ENSG00000189079
12	44407246	44407911	44407499	10	29	4	7.038293036	3.41E-07	ARID2	ENSG00000189079
12	44408757	44409104	44408929	12	16	2	6.647276756	0.000101928	ARID2	ENSG00000189079

12	44558669	44558990	44558835	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000209242
12	44670649	44671041	44670828	20	27	9	3.28453675	0.000236424	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44671783	44671991	44671887	8	8	5	1.759573259	0.13508	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44751424	44751762	44751592	31	35	4	8.445951643	6.26E-09	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44752227	44752549	44752401	13	18	14	1.485861863	0.123674	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44787485	44788073	44787852	79	103	2	40.6656931	1.45E-32	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44840788	44841133	44840960	15	20	5	4.105670938	0.000308509	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44844272	44844622	44844447	17	22	4	5.396024661	3.05E-05	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44881434	44881777	44881605	11	16	9	1.994183027	0.0370915	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44890086	44890340	44890213	12	15	3	4.692195357	0.000718455	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44939194	44939443	44939318	12	13	5	2.737113958	0.0137917	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44941200	44941466	44941352	12	14	6	2.513676084	0.016726	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44943721	44943936	44943840	8	8	2	3.519146518	0.017558	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44948768	44949266	44949084	9	20	9	2.463402563	0.00689886	SLC38A1	ENSG00000111371
12	45022526	45022850	45022696	9	13	5	2.737113958	0.0137917	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45051769	45052053	45051911	8	11	8	1.564065119	0.151515	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45052629	45052881	45052755	10	12	2	5.083211637	0.00143337	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45063283	45063725	45063533	9	17	1	10.55743955	9.18E-06	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45064003	45064200	45064138	8	9	7	1.466311049	0.20706	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45130657	45130836	45130675	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45135794	45136176	45136059	14	20	6	3.519146518	0.000784044	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45153726	45154082	45153947	12	17	10	1.919534464	0.0400548	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45173717	45173971	45173844	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45189247	45189451	45189360	10	11	2	4.692195357	0.00272444	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45257517	45257873	45257696	19	24	4	5.865244197	8.64E-06	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45330563	45330771	45330667	8	8	6	1.508205651	0.203852	SLC38A4	ENSG00000139209
12	45595282	45595461	45595371	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SLC38A4	ENSG00000139209
12	45630214	45630534	45630371	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC38A4	ENSG00000139209
12	45644135	45644368	45644259	13	14	6	2.513676084	0.016726	FAM113B	ENSG00000179715
12	45751370	45751556	45751450	8	8	4	2.111487911	0.0804809	FAM113B	ENSG00000179715
12	45768435	45768787	45768603	16	21	1	12.90353723	4.95E-07	AMIGO2	ENSG00000139211
12	45777341	45777595	45777478	13	15	2	6.256260476	0.000199274	AMIGO2	ENSG00000139211
12	45821602	45821874	45821738	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	AMIGO2	ENSG00000139211
12	45927635	45927932	45927763	8	10	1	6.451768616	0.00135978	FAM113B	ENSG00000179715

12	46050499	46050796	46050641	16	16	7	2.492728784	0.0124193	ENSG00000199566
12	46236249	46236756	46236485	76	96	3	28.44643435	5.26E-29 RPAP3	ENSG00000005175
12	46331779	46331984	46331862	9	9	5	1.955081399	0.0892323 RPAP3	ENSG00000005175
12	46422294	46422604	46422437	16	19	6	3.351568112	0.00134187 RAPGEF3	ENSG00000079337
12	46434212	46434516	46434364	12	15	2	6.256260476	0.000199274 RAPGEF3	ENSG00000079337
12	46448448	46448904	46448640	45	64	9	7.624817456	5.98E-14 SLC48A1	ENSG00000211584
12	46459355	46459651	46459502	10	12	3	3.812408728	0.004404 SLC48A1	ENSG00000211584
12	46584671	46585041	46584912	9	15	3	4.692195357	0.000718455 VDR	ENSG00000111424
12	46625058	46625419	46625237	12	19	8	2.606775198	0.00583935 TMEM106C	ENSG00000134291
12	46629500	46629767	46629633	9	11	3	3.519146518	0.00788869 TMEM106C	ENSG00000134291
12	46630940	46631188	46631106	8	11	3	3.519146518	0.00788869 TMEM106C	ENSG00000134291
12	46677480	46677666	46677573	8	9	3	2.932622098	0.0242899 COL2A1	ENSG00000139219
12	46681464	46681900	46681662	9	17	1	10.55743955	9.18E-06 COL2A1	ENSG00000139219
12	46682643	46682831	46682695	8	9	5	1.955081399	0.0892323 COL2A1	ENSG00000139219
12	46701786	46702286	46702107	24	40	10	4.372272947	5.06E-07 COL2A1	ENSG00000139219
12	46703214	46703545	46703379	13	17	2	7.038293036	5.19E-05 COL2A1	ENSG00000139219
12	46786461	46786744	46786575	8	10	2	4.301179077	0.00512919 SENP1	ENSG00000079387
12	46837357	46837542	46837487	8	8	3	2.639359888	0.0415794 ASB8	ENSG00000177981
12	46961982	46962292	46962134	20	24	2	9.775406994	4.09E-07 H1FNT	ENSG00000187166
12	47282247	47282718	47282419	63	74	8	9.775406994	1.64E-17 LALBA	ENSG00000167531
12	47334888	47335078	47334983	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ENSG00000221491
12	47362005	47362307	47362129	10	14	6	2.513676084	0.016726 C12orf41	ENSG00000139620
12	47362310	47362544	47362398	8	11	7	1.759573259	0.102361 C12orf41	ENSG00000139620
12	47396575	47397182	47396706	11	27	5	5.474227917	4.62E-06 CCNT1	ENSG00000129315
12	47469736	47469943	47469844	10	12	2	5.083211637	0.00143337 ADCY6	ENSG00000174233
12	47474897	47475105	47475001	10	10	3	3.225884308	0.0139466 ADCY6	ENSG00000174233
12	47475913	47476295	47475997	14	21	7	3.225884308	0.00106152 ADCY6	ENSG00000174233
12	47499191	47499392	47499291	9	11	1	7.038293036	0.000674435 CACNB3	ENSG00000167535
12	47532200	47532578	47532379	10	16	3	4.985457567	0.000385643 DDX23	ENSG00000174243
12	47570759	47570986	47570872	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000199394
12	47675487	47675746	47675640	11	14	6	2.513676084	0.016726 DDN	ENSG00000181418
12	47698378	47698630	47698504	8	11	2	4.692195357	0.00272444 PRKAG1	ENSG00000181929
12	47698665	47698916	47698815	10	13	5	2.737113958	0.0137917 PRKAG1	ENSG00000181929
12	47698932	47699173	47699052	11	14	4	3.519146518	0.00361132 PRKAG1	ENSG00000181929

12	47740608	47741175	47741001	12	28	5	5.669736057	2.48E-06	MLL2	ENSG00000167548
12	47768310	47768588	47768439	8	10	3	3.225884308	0.0139466	DHH	ENSG00000139549
12	47810327	47810686	47810516	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	TUBA1B	ENSG00000123416
12	47868763	47869139	47868987	12	18	4	4.457585589	0.000353565	TUBA1A	ENSG00000167552
12	47945534	47945757	47945645	9	10	0	12.90353723	0.000195991	TUBA1C	ENSG00000167553
12	47957116	47957400	47957266	8	10	8	1.433726359	0.209175	TUBA1C	ENSG00000167553
12	47969069	47969395	47969232	20	24	4	5.865244197	8.64E-06	PRPH	ENSG00000135406
12	47976630	47976851	47976740	8	11	2	4.692195357	0.00272444	PRPH	ENSG00000135406
12	48046636	48046851	48046751	11	11	4	2.815317214	0.0183428	SPATS2	ENSG00000123352
12	48047848	48048100	48047999	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SPATS2	ENSG00000123352
12	48083917	48084398	48084117	25	39	8	5.213550397	1.07E-07	SPATS2	ENSG00000123352
12	48194218	48194439	48194314	8	8	6	1.508205651	0.203852	KCNH3	ENSG00000135519
12	48289881	48290076	48289978	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM186B	ENSG00000135436
12	48420978	48421550	48421287	12	27	8	3.649485278	0.000102745	TMBIM6	ENSG00000139644
12	48548136	48548360	48548302	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214531
12	48549096	48549485	48549381	12	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000214531
12	48574452	48574779	48574621	11	14	4	3.519146518	0.00361132	FAIM2	ENSG00000135472
12	48643036	48643324	48643180	11	14	2	5.865244197	0.000387308	AQP5	ENSG00000161798
12	48647070	48647320	48647167	9	12	3	3.812408728	0.004404	AQP5	ENSG00000161798
12	48705476	48705922	48705655	15	27	13	2.346097679	0.00332578	RACGAP1	ENSG00000161800
12	48765058	48765315	48765186	12	15	8	2.085420159	0.0338693	SMARCD1	ENSG00000066117
12	48791680	48791915	48791799	8	9	5	1.955081399	0.0892323	C12orf62	ENSG00000178449
12	48792295	48792508	48792401	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C12orf62	ENSG00000178449
12	48812629	48812952	48812790	8	12	3	3.812408728	0.004404	C12orf62	ENSG00000178449
12	48847497	48847896	48847773	12	19	6	3.351568112	0.00134187	LASS5	ENSG00000139624
12	48850149	48850819	48850594	94	122	4	28.85700145	3.13E-36	LASS5	ENSG00000139624
12	48882245	48882640	48882411	16	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000221604
12	48902256	48902535	48902401	10	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000221604
12	48932057	48932315	48932186	14	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000212496
12	48934539	48934815	48934649	16	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000212496
12	49080686	49080979	49080838	14	17	4	4.222975822	0.000640773	LARP4	ENSG00000161813
12	49098480	49098701	49098621	12	12	2	5.083211637	0.00143337	LARP4	ENSG00000161813
12	49212920	49213164	49213058	8	8	3	2.639359888	0.0415794	DIP2B	ENSG00000066084
12	49318087	49318339	49318213	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207136

12	49445388	49445640	49445514	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ATF1	ENSG00000123268
12	49608378	49608826	49608582	24	35	1	21.11487911	1.50E-11	METTL7A	ENSG00000185432
12	49685839	49686070	49685911	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000206830
12	49704649	49704831	49704737	8	8	5	1.759573259	0.13508	SLC11A2	ENSG00000110911
12	49704887	49705192	49705039	16	18	9	2.228792795	0.0164363	SLC11A2	ENSG00000110911
12	49763556	49763834	49763680	11	14	2	5.865244197	0.000387308	FAM130A1	ENSG00000110925
12	49918793	49919080	49918913	11	14	3	4.398933147	0.00132748	DAZAP2	ENSG00000183283
12	50068057	50068612	50068308	26	39	7	5.865244197	3.22E-08	SLC4A8	ENSG00000050438
12	50211891	50212229	50212063	15	20	6	3.519146518	0.000784044	SLC4A8	ENSG00000050438
12	50273580	50273792	50273716	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SCN8A	ENSG00000196876
12	50502510	50502704	50502607	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FIGNL2	ENSG00000205432
12	50503946	50504275	50504100	10	15	7	2.346097679	0.0195693	FIGNL2	ENSG00000205432
12	50673241	50673424	50673372	8	8	14	0.703829304	0.807737		ENSG00000206992
12	50763605	50763802	50763691	10	10	3	3.225884308	0.0139466	C12orf44	ENSG00000123395
12	50823686	50823967	50823829	17	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000214487
12	50827545	50827750	50827644	9	10	1	6.451768616	0.00135978	KRT80	ENSG00000167767
12	50836852	50837171	50837022	11	13	3	4.105670938	0.00243034	KRT80	ENSG00000167767
12	50844036	50844433	50844215	12	21	3	6.451768616	1.56E-05	KRT80	ENSG00000167767
12	50856007	50856516	50856253	116	133	4	31.43770889	8.57E-40	KRT80	ENSG00000167767
12	50871837	50872180	50871980	9	14	4	3.519146518	0.00361132	KRT80	ENSG00000167767
12	50872182	50872718	50872402	15	31	8	4.170840318	1.13E-05	KRT80	ENSG00000167767
12	50893587	50893799	50893685	10	11	3	3.519146518	0.00788869	KRT7	ENSG00000135480
12	50895665	50896132	50895883	19	37	9	4.457585589	1.02E-06	KRT7	ENSG00000135480
12	50897386	50897810	50897564	18	28	13	2.429886881	0.00217891	KRT7	ENSG00000135480
12	50908511	50908872	50908694	16	22	3	6.745030826	8.05E-06	KRT7	ENSG00000135480
12	50915888	50916364	50916209	16	25	3	7.624817456	1.09E-06	KRT7	ENSG00000135480
12	50924124	50924420	50924272	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	KRT7	ENSG00000135480
12	50934460	50934769	50934613	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000135477
12	51007584	51007892	51007738	15	18	6	3.183989707	0.00227432	KRT83	ENSG00000170523
12	51018636	51019040	51018802	18	25	4	6.099853964	4.56E-06	KRT83	ENSG00000170523
12	51024730	51024915	51024822	11	11	3	3.519146518	0.00788869	KRT85	ENSG00000135443
12	51026026	51026232	51026073	9	11	3	3.519146518	0.00788869	KRT85	ENSG00000135443
12	51052547	51052878	51052704	11	14	2	5.865244197	0.000387308	KRT85	ENSG00000135443
12	51262936	51263370	51263153	10	20	7	3.079253203	0.00177418	KRT74	ENSG00000170484

12	51306945	51307262	51307094	8	11	5	2.346097679	0.0364013	KRT73	ENSG00000186049
12	51334974	51335236	51335118	9	12	6	2.178519273	0.0416567	KRT2	ENSG00000172867
12	51335637	51336099	51335988	9	17	5	3.519146518	0.00167472	KRT2	ENSG00000172867
12	51338800	51339099	51338949	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	KRT2	ENSG00000172867
12	51480939	51481238	51481088	27	29	7	4.398933147	1.30E-05	KRT3	ENSG00000186442
12	51540054	51540638	51540232	22	44	8	5.865244197	5.07E-09	KRT78	ENSG00000170423
12	51545285	51545664	51545520	12	16	7	2.492728784	0.0124193	KRT78	ENSG00000170423
12	51556531	51556786	51556658	12	14	3	4.398933147	0.00132748	KRT78	ENSG00000170423
12	51559460	51559815	51559637	9	13	6	2.346097679	0.0266147	KRT8	ENSG00000170421
12	51559987	51560326	51560156	13	18	7	2.785990993	0.00480525	KRT8	ENSG00000170421
12	51564960	51565319	51565140	8	14	6	2.513676084	0.016726	KRT8	ENSG00000170421
12	51575260	51576001	51575479	29	65	17	4.301179077	4.11E-10	KRT8	ENSG00000170421
12	51576173	51576915	51576285	11	31	23	1.564065119	0.0471936	KRT8	ENSG00000170421
12	51583401	51583701	51583550	9	11	7	1.759573259	0.102361	KRT8	ENSG00000170421
12	51585028	51585630	51585268	17	31	6	5.36250898	1.31E-06	KRT8	ENSG00000170421
12	51587136	51587564	51587374	21	33	10	3.625787322	2.36E-05	KRT8	ENSG00000170421
12	51625601	51626498	51626142	20	51	23	2.541605819	3.82E-05	KRT18	ENSG00000111057
12	51626500	51626726	51626664	10	12	3	3.812408728	0.004404	KRT18	ENSG00000111057
12	51626902	51627157	51627043	8	11	5	2.346097679	0.0364013	KRT18	ENSG00000111057
12	51650000	51650844	51650413	35	89	28	3.640496398	2.05E-11	KRT18	ENSG00000111057
12	51651533	51652488	51652196	33	87	14	6.881886524	2.66E-17	KRT18	ENSG00000111057
12	51656366	51656611	51656488	14	16	4	3.988366054	0.00115141	KRT18	ENSG00000111057
12	51686092	51686555	51686260	15	26	7	3.959039833	7.16E-05	EIF4B	ENSG00000063046
12	51726897	51727211	51727053	10	13	1	8.211341875	0.000163445	TENC1	ENSG00000111077
12	51728566	51728759	51728615	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TENC1	ENSG00000111077
12	51759970	51760196	51760069	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SPRYD3	ENSG00000167778
12	51839366	51839658	51839512	9	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000213484
12	51847090	51847270	51847180	8	8	2	3.519146518	0.017558	CSAD	ENSG00000139631
12	51860299	51860509	51860392	8	8	5	1.759573259	0.13508	CSAD	ENSG00000139631
12	51870312	51870505	51870408	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ZNF740	ENSG00000139651
12	51874971	51875161	51875085	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF740	ENSG00000139651
12	51910618	51910813	51910715	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RARG	ENSG00000172819
12	51913119	51913300	51913179	8	8	2	3.519146518	0.017558	RARG	ENSG00000172819
12	51931657	51931846	51931744	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MFSD5	ENSG00000182544



12	51975456	51975803	51975632	13	17	4	4.222975822	0.000640773	PFDN5	ENSG00000123349
12	52001335	52001738	52001514	9	16	9	1.994183027	0.0370915	AAAS	ENSG00000094914
12	52004603	52005000	52004902	8	14	5	2.932622098	0.00829617	AAAS	ENSG00000094914
12	52032836	52033077	52032949	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SP7	ENSG00000170374
12	52050891	52051428	52051153	10	22	8	2.997791478	0.00137524	SP1	ENSG00000185591
12	52051446	52051826	52051651	9	15	6	2.68125449	0.0103552	SP1	ENSG00000185591
12	52059475	52059792	52059679	9	13	9	1.642268375	0.111397	SP1	ENSG00000185591
12	52121105	52121549	52121260	8	15	6	2.68125449	0.0103552	PRR13	ENSG00000205352
12	52131745	52132151	52131985	23	28	10	3.092583304	0.000307818	PCBP2	ENSG00000197111
12	52132363	52132734	52132505	8	13	1	8.211341875	0.000163445	PCBP2	ENSG00000197111
12	52150677	52150929	52150803	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	PCBP2	ENSG00000197111
12	52172873	52173240	52173040	8	14	4	3.519146518	0.00361132	MAP3K12	ENSG00000139625
12	52178741	52179096	52178903	10	15	3	4.692195357	0.000718455	MAP3K12	ENSG00000139625
12	52180856	52181124	52180990	10	10	2	4.301179077	0.00512919	TARBP2	ENSG00000139546
12	52306024	52306806	52306414	15	39	12	3.609381044	5.48E-06	ATF7	ENSG00000170653
12	52355892	52356380	52356230	8	18	7	2.785990993	0.00480525	ATP5G2	ENSG00000135390
12	52381888	52382112	52382007	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ATP5G2	ENSG00000135390
12	52407541	52407983	52407664	13	21	17	1.433726359	0.126962	CALCOCO1	ENSG00000012822
12	52423679	52423893	52423786	11	11	4	2.815317214	0.0183428	CALCOCO1	ENSG00000012822
12	52426787	52427054	52426885	10	13	4	3.28453675	0.00629037	CALCOCO1	ENSG00000012822
12	52484529	52484877	52484703	10	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000223213
12	52505360	52505651	52505505	19	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000223213
12	52525052	52525293	52525200	15	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000223213
12	52525593	52525870	52525731	14	16	6	2.848832895	0.00632407		ENSG00000223213
12	52525970	52526352	52526173	12	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000223213
12	52547599	52548029	52547778	17	26	9	3.167231866	0.000393236	HOXC13	ENSG00000123364
12	52618333	52618702	52618512	10	17	10	1.919534464	0.0400548	HOXC13	ENSG00000123364
12	52633053	52633396	52633279	8	12	3	3.812408728	0.004404	HOXC12	ENSG00000123407
12	52664939	52665161	52665050	11	11	1	7.038293036	0.000674435	HOXC10	ENSG00000180818
12	52696803	52696982	52696873	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HOXC4	ENSG00000198353
12	52897143	52897383	52897263	10	11	5	2.346097679	0.0364013	SMUG1	ENSG00000123415
12	52960753	52961040	52960869	8	10	3	3.225884308	0.0139466	HNRNPA1	ENSG00000135486
12	53059648	53060045	53059818	10	15	3	4.692195357	0.000718455	ZNF385A	ENSG00000161642
12	53067703	53067950	53067835	14	15	4	3.753756286	0.0020497	ZNF385A	ENSG00000161642

12	53072521	53072789	53072655	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	ZNF385A	ENSG00000161642
12	53207194	53207470	53207317	11	13	7	2.052835469	0.046392	PDE1B	ENSG00000123360
12	53361339	53361541	53361440	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DCD	ENSG00000161634
12	53699839	53700018	53699995	8	8	4	2.111487911	0.0804809	NEUROD4	ENSG00000123307
12	53852744	53853099	53852922	32	36	1	21.70140353	7.08E-12	OR9K2	ENSG00000170605
12	54417209	54417405	54417307	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GDF11	ENSG00000135414
12	54610792	54611049	54610951	8	10	1	6.451768616	0.00135978	DGKA	ENSG00000065357
12	54613316	54613652	54613484	17	21	3	6.451768616	1.56E-05	DGKA	ENSG00000065357
12	54646395	54646634	54646546	9	9	6	1.675784056	0.141978	SILV	ENSG00000185664
12	54646648	54646863	54646767	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SILV	ENSG00000185664
12	54709085	54709450	54709295	15	21	1	12.90353723	4.95E-07	IKZF4	ENSG00000123411
12	54709703	54709920	54709832	8	9	2	3.910162798	0.00955088	IKZF4	ENSG00000123411
12	54721582	54721798	54721690	8	8	7	1.319679944	0.283403	RPS26	ENSG00000197728
12	54721949	54722139	54722026	8	8	7	1.319679944	0.283403	RPS26	ENSG00000197728
12	54758999	54759326	54759155	10	15	2	6.256260476	0.000199274	ERBB3	ENSG00000065361
12	54760074	54760300	54760179	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ERBB3	ENSG00000065361
12	54784212	54784456	54784385	9	12	5	2.541605819	0.0225912	PA2G4	ENSG00000170515
12	54796575	54796967	54796746	11	17	6	3.016411301	0.00381427	ZC3H10	ENSG00000135482
12	54798119	54798404	54798261	12	15	5	3.128130238	0.00492422	ZC3H10	ENSG00000135482
12	54806270	54806526	54806395	12	14	6	2.513676084	0.016726	FAM62A	ENSG00000139641
12	54808070	54808329	54808199	8	11	2	4.692195357	0.00272444	FAM62A	ENSG00000139641
12	54838324	54838534	54838399	9	11	3	3.519146518	0.00788869	MYL6	ENSG00000092841
12	54870350	54870531	54870410	9	9	4	2.346097679	0.050148	SMARCC2	ENSG00000139613
12	54904007	54904435	54904256	10	18	2	7.429309316	2.63E-05	OBFC2B	ENSG00000139579
12	54946869	54947121	54947032	8	10	1	6.451768616	0.00135978	COQ10A	ENSG00000135469
12	54971575	54971820	54971690	13	16	2	6.647276756	0.000101928	CS	ENSG00000062485
12	54995807	54996161	54995984	8	14	5	2.932622098	0.00829617	CNPY2	ENSG00000144785
12	54996213	54996401	54996338	9	10	6	1.843362462	0.0964212	CNPY2	ENSG00000144785
12	55014095	55014314	55014183	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PAN2	ENSG00000135473
12	55129514	55129720	55129617	9	10	2	4.301179077	0.00512919	TIMELESS	ENSG00000111602
12	55149116	55149326	55149246	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SPRYD4	ENSG00000176422
12	55310354	55310607	55310499	12	13	1	8.211341875	0.000163445	BAZ2A	ENSG00000076108
12	55310698	55310883	55310798	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BAZ2A	ENSG00000076108
12	55316934	55317187	55317026	11	14	8	1.955081399	0.0506438	BAZ2A	ENSG00000076108

12	55326202	55326410	55326306	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ATP5B	ENSG00000110955
12	55405347	55405678	55405528	9	13	8	1.824742639	0.0744168	NACA	ENSG00000196531
12	55432381	55432670	55432535	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PRIM1	ENSG00000198056
12	55437579	55437800	55437689	10	10	6	1.843362462	0.0964212	PRIM1	ENSG00000198056
12	55621511	55622017	55621729	8	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000170426
12	55666035	55666216	55666137	9	9	3	2.932622098	0.0242899	GPR182	ENSG00000166856
12	55711412	55711874	55711643	76	98	0	116.1318351	4.27E-34	TAC3	ENSG00000166863
12	55766523	55766791	55766657	8	10	4	2.580707446	0.0306059	NAB2	ENSG00000166886
12	55767154	55767347	55767234	8	10	7	1.612942154	0.147335	NAB2	ENSG00000166886
12	55775842	55776545	55776341	96	117	8	15.37997367	1.61E-30	NAB2	ENSG00000166886
12	55791909	55792088	55791994	8	8	2	3.519146518	0.017558	STAT6	ENSG00000166888
12	55792200	55792481	55792315	8	12	1	7.624817456	0.000332769	STAT6	ENSG00000166888
12	55807663	55808471	55807854	38	65	0	77.42122339	5.67E-23	LRP1	ENSG00000123384
12	55863100	55863342	55863225	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000221365
12	56062309	56062590	56062449	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000201198
12	56142633	56142907	56142770	8	10	7	1.612942154	0.147335	GLI1	ENSG00000111087
12	56167873	56168175	56168019	11	15	4	3.753756286	0.0020497	MARS	ENSG00000166986
12	56200443	56200648	56200563	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DDIT3	ENSG00000175197
12	56202169	56202637	56202403	21	34	2	13.68556979	3.24E-10	MBD6	ENSG00000166987
12	56271247	56271493	56271370	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PIP4K2C	ENSG00000166908
12	56374102	56374540	56374256	9	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000135506
12	56432551	56432741	56432641	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CDK4	ENSG00000135446
12	56452036	56452399	56452234	12	16	5	3.323638378	0.00288759	METTL1	ENSG00000037897
12	56462652	56462941	56462796	10	12	7	1.906204364	0.0695918	TSFM	ENSG00000123297
12	56526570	56527018	56526741	14	22	8	2.997791478	0.00137524	CTDSP2	ENSG00000175215
12	56566789	56566968	56566844	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210429
12	56585348	56585711	56585527	10	16	6	2.848832895	0.00632407	XRCC6BP1	ENSG00000166896
12	56621551	56621818	56621683	8	11	4	2.815317214	0.0183428	XRCC6BP1	ENSG00000166896
12	56942905	56943084	56942994	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000213368
12	57021872	57022134	57022003	13	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000213368
12	57220623	57220847	57220735	9	10	4	2.580707446	0.0306059	LRIG3	ENSG00000139263
12	57568163	57568490	57568331	15	15	1	9.384390715	3.90E-05	LRIG3	ENSG00000139263
12	57587016	57587297	57587170	18	20	4	4.926805125	0.00010522	LRIG3	ENSG00000139263
12	57845014	57845220	57845117	15	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000212599

12	58037814	58038390	58038040	60	86	1	51.02762451	2.27E-28		ENSG00000212599
12	58416955	58417187	58417071	15	15	6	2.68125449	0.0103552	SLC16A7	ENSG00000118596
12	59601226	59601673	59601396	10	15	3	4.692195357	0.000718455		
12	60226470	60226696	60226583	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000214304
12	60334853	60335041	60334951	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000214304
12	60543831	60544175	60544003	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000214304
12	60872611	60873474	60872969	54	110	11	10.85070176	6.68E-26	USP15	ENSG00000135655
12	60895586	60895863	60895713	10	10	7	1.612942154	0.147335	USP15	ENSG00000135655
12	60939817	60940653	60940487	16	44	8	5.865244197	5.07E-09	USP15	ENSG00000135655
12	61146876	61147219	61147047	9	15	3	4.692195357	0.000718455	MON2	ENSG00000061987
12	61405054	61405314	61405184	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000213352
12	61428861	61429040	61428950	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000213352
12	61479218	61479458	61479338	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213352
12	61482402	61482712	61482556	22	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000213352
12	61553438	61553787	61553610	9	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000200296
12	61615178	61615565	61615340	13	18	6	3.183989707	0.00227432	PPM1H	ENSG00000111110
12	61900946	61901164	61901055	11	11	2	4.692195357	0.00272444	AVPR1A	ENSG00000166148
12	62482150	62482366	62482282	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TMEM5	ENSG00000118600
12	62523938	62524129	62524021	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62542260	62542713	62542431	19	26	11	2.639359888	0.0015854	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62581528	62581730	62581615	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62609142	62609321	62609234	10	10	1	6.451768616	0.00135978	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62698746	62699033	62698882	9	11	6	2.010940867	0.0640214	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62705291	62705499	62705395	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212298
12	62760690	62761007	62760848	18	21	12	1.985159574	0.021936		ENSG00000212298
12	62768582	62768779	62768680	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000212298
12	62850077	62850372	62850227	18	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000212298
12	62901858	62902119	62901988	10	12	9	1.524963491	0.154777	C12orf66	ENSG00000174206
12	63084107	63084408	63084265	13	16	3	4.985457567	0.000385643	XPOT	ENSG00000184575
12	63132934	63133325	63133168	21	30	6	5.194930574	2.42E-06	TBK1	ENSG00000183735
12	63202136	63202615	63202447	21	27	7	4.105670938	4.08E-05		ENSG00000223294
12	63229700	63230023	63229849	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000223294
12	63278543	63278750	63278625	10	10	1	6.451768616	0.00135978	RASSF3	ENSG00000153179
12	63280211	63280414	63280305	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RASSF3	ENSG00000153179

12	63288946	63289444	63289088	15	24	11	2.443851749	0.00386428	RASSF3	ENSG00000153179
12	63305444	63305785	63305606	20	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000207546
12	63313893	63314359	63314185	13	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000207546
12	63314386	63315635	63314911	70	140	9	16.53998863	1.01E-36		ENSG00000207546
12	63336548	63336727	63336637	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207546
12	63351825	63352064	63351944	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000207546
12	63352594	63352901	63352747	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000207546
12	63376544	63376775	63376646	9	9	5	1.955081399	0.0892323	GNS	ENSG00000135677
12	63378146	63378327	63378236	8	10	7	1.612942154	0.147335	GNS	ENSG00000135677
12	63387296	63387862	63387569	36	53	1	31.67231866	1.89E-17	GNS	ENSG00000135677
12	63415094	63415362	63415236	8	10	5	2.150589539	0.0575848	GNS	ENSG00000135677
12	63439362	63439885	63439758	10	21	6	3.686724924	0.000453999	GNS	ENSG00000135677
12	63476341	63476558	63476449	10	10	3	3.225884308	0.0139466	TBC1D30	ENSG00000111490
12	63481348	63481644	63481519	9	12	5	2.541605819	0.0225912	TBC1D30	ENSG00000111490
12	63494548	63494771	63494659	10	10	4	2.580707446	0.0306059	TBC1D30	ENSG00000111490
12	63569892	63570471	63570118	25	42	8	5.604566677	1.73E-08		ENSG00000210581
12	63570946	63571219	63571090	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210581
12	63663853	63664257	63664027	22	33	6	5.697665791	3.83E-07		ENSG00000210581
12	63849309	63849891	63849653	17	32	8	4.301179077	6.43E-06	LEMD3	ENSG00000174106
12	64236757	64237010	64236852	12	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000213344
12	64287543	64287848	64287695	9	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000213344
12	64311707	64312025	64311873	14	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000213344
12	64319679	64320150	64319858	23	35	3	10.55743955	1.13E-09		ENSG00000213344
12	64403448	64403645	64403537	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213344
12	64558715	64558970	64558842	11	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000197301
12	64616310	64616596	64616453	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000197301
12	64617198	64617434	64617316	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000197301
12	64638494	64638674	64638584	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000197301
12	64663784	64664020	64663915	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213343
12	64694924	64695338	64695163	13	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000213343
12	64787489	64787683	64787586	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000177747
12	64810604	64810948	64810777	14	19	4	4.692195357	0.000193572	LLPH	ENSG00000139233
12	64818234	64818505	64818377	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000214287
12	64849694	64850197	64850032	15	31	6	5.36250898	1.31E-06	TMBIM4	ENSG00000155957

12	64918047	64918251	64918144	8	8	2	3.519146518	0.017558	RBMS1P	ENSG00000174082
12	65083852	65084161	65084006	16	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000210604
12	65089380	65089706	65089540	11	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000210604
12	65122116	65122295	65122144	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210604
12	65792809	65792988	65792914	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CAND1	ENSG00000111530
12	65841253	65841624	65841488	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	CAND1	ENSG00000111530
12	65948673	65949545	65949279	13	35	15	2.639359888	0.000336887	CAND1	ENSG00000111530
12	66035705	66036063	66035865	11	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000210608
12	66121797	66122149	66122010	10	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000210608
12	66131325	66131532	66131458	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210608
12	66163952	66164154	66164053	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210608
12	66199906	66200179	66200042	13	15	5	3.128130238	0.00492422	DYRK2	ENSG00000127334
12	66221984	66222168	66222076	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DYRK2	ENSG00000127334
12	66273001	66273389	66273176	12	18	3	5.571981987	0.000108726	DYRK2	ENSG00000127334
12	66275061	66275243	66275152	8	8	4	2.111487911	0.0804809	DYRK2	ENSG00000127334
12	66275468	66275813	66275637	22	27	5	5.474227917	4.62E-06	DYRK2	ENSG00000127334
12	66322383	66322592	66322423	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DYRK2	ENSG00000127334
12	66327843	66328202	66328056	11	16	6	2.848832895	0.00632407	DYRK2	ENSG00000127334
12	66351363	66351545	66351454	9	9	4	2.346097679	0.050148	DYRK2	ENSG00000127334
12	66605226	66605497	66605367	8	10	10	1.173048839	0.355733	IFNG	ENSG00000111537
12	66720622	66720832	66720727	11	11	4	2.815317214	0.0183428	IFNG	ENSG00000111537
12	66722147	66722710	66722337	59	78	4	18.53417166	3.83E-22	IFNG	ENSG00000111537
12	66748075	66748269	66748172	8	8	2	3.519146518	0.017558	IFNG	ENSG00000111537
12	66812110	66812440	66812274	24	29	4	7.038293036	3.41E-07	IFNG	ENSG00000111537
12	66889420	66889622	66889527	9	9	2	3.910162798	0.00955088	IL26	ENSG00000111536
12	66903198	66903464	66903331	16	17	14	1.407658607	0.162567	IL26	ENSG00000111536
12	66920123	66920455	66920297	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	IL22	ENSG00000127318
12	67012231	67012557	67012388	10	11	3	3.519146518	0.00788869	MDM1	ENSG00000111554
12	67038673	67039181	67039100	11	21	9	2.580707446	0.00438951	MDM1	ENSG00000111554
12	67091367	67091640	67091523	9	12	1	7.624817456	0.000332769	MDM1	ENSG00000111554
12	67366494	67367437	67366883	18	51	22	2.652110419	2.12E-05	NUP107	ENSG00000111581
12	67425865	67426407	67426066	9	21	11	2.150589539	0.0135908	SLC35E3	ENSG00000175782
12	67426885	67427132	67427008	8	11	2	4.692195357	0.00272444	SLC35E3	ENSG00000175782
12	67460923	67461119	67461079	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MDM2	ENSG00000135679

12	67461342	67461691	67461536	16	20	3	6.158506406	2.99E-05	MDM2	ENSG00000135679
12	67467146	67467336	67467241	10	10	1	6.451768616	0.00135978	MDM2	ENSG00000135679
12	67467391	67467971	67467793	57	78	5	15.44514305	3.51E-21	MDM2	ENSG00000135679
12	67480043	67480351	67480197	16	20	1	12.31701281	1.03E-06	MDM2	ENSG00000135679
12	67480354	67480656	67480533	18	21	2	8.602358155	3.33E-06	MDM2	ENSG00000135679
12	67487558	67489430	67489008	868	1150	19	67.5089607	0	MDM2	ENSG00000135679
12	67534100	67534306	67534245	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MDM2	ENSG00000135679
12	67548427	67548708	67548559	11	13	3	4.105670938	0.00243034	MDM2	ENSG00000135679
12	67552046	67552314	67552180	11	14	2	5.865244197	0.000387308	CPM	ENSG00000135678
12	67688509	67688917	67688727	10	18	7	2.785990993	0.00480525	CPM	ENSG00000135678
12	67781666	67781939	67781799	10	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000221422
12	67837129	67837467	67837298	20	23	10	2.559379286	0.00330263		ENSG00000221422
12	67865589	67865801	67865663	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221422
12	67950417	67950641	67950529	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CPSF6	ENSG00000111605
12	67966244	67966423	67966333	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CPSF6	ENSG00000111605
12	68039775	68039979	68039877	8	9	8	1.303387599	0.281715	YEATS4	ENSG00000127337
12	68040058	68040451	68040277	10	16	7	2.492728784	0.0124193	YEATS4	ENSG00000127337
12	68096395	68096618	68096506	9	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000223320
12	68120072	68120430	68120251	19	25	7	3.812408728	0.00012465	FRS2	ENSG00000166225
12	68150217	68150529	68150376	10	14	12	1.353517892	0.211235	FRS2	ENSG00000166225
12	68150901	68151235	68151074	14	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000205128
12	68183557	68183761	68183659	8	8	5	1.759573259	0.13508	FRS2	ENSG00000166225
12	68233961	68234218	68234089	11	12	2	5.083211637	0.00143337	FRS2	ENSG00000166225
12	68246738	68247044	68246879	17	20	0	24.63402563	8.35E-08	CCT2	ENSG00000166226
12	68265372	68265708	68265550	12	16	8	2.215758919	0.0222902	CCT2	ENSG00000166226
12	68418349	68418719	68418509	10	15	7	2.346097679	0.0195693	RAB3IP	ENSG00000127328
12	68419820	68420010	68419864	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RAB3IP	ENSG00000127328
12	68445632	68445813	68445785	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RAB3IP	ENSG00000127328
12	68448158	68448356	68448233	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RAB3IP	ENSG00000127328
12	68559629	68559832	68559738	8	9	4	2.346097679	0.050148	C12orf28	ENSG00000166268
12	68616327	68616678	68616502	16	22	13	1.927151665	0.0235996	C12orf28	ENSG00000166268
12	68758233	68758561	68758398	14	16	4	3.988366054	0.00115141	C12orf28	ENSG00000166268
12	68770966	68771670	68771284	53	96	1	56.89286871	1.08E-31	CNOT2	ENSG00000111596
12	68922753	68923127	68922894	10	16	6	2.848832895	0.00632407	CNOT2	ENSG00000111596

12	68923251	68923525	68923388	10	11	4	2.815317214	0.0183428	CNOT2	ENSG00000111596
12	68924071	68924276	68924222	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CNOT2	ENSG00000111596
12	69200897	69201277	69201086	25	33	2	13.29455351	6.68E-10		ENSG00000218665
12	69270097	69270370	69270205	11	12	2	5.083211637	0.00143337	PTPRB	ENSG00000127329
12	69325971	69326279	69326125	12	17	3	5.278719777	0.000205462	PTPRB	ENSG00000127329
12	69453472	69453689	69453580	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PTPRR	ENSG00000153233
12	69472710	69472970	69472851	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	PTPRR	ENSG00000153233
12	69503216	69503395	69503253	8	8	5	1.759573259	0.13508	PTPRR	ENSG00000153233
12	70059039	70059273	70059156	10	11	3	3.519146518	0.00788869	LGR5	ENSG00000139292
12	70072633	70072837	70072735	8	8	5	1.759573259	0.13508	LGR5	ENSG00000139292
12	70343693	70343875	70343816	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZFC3H1	ENSG00000133858
12	70343998	70344318	70344163	11	14	9	1.759573259	0.0786014	THAP2	ENSG00000173451
12	70366221	70366552	70366393	8	12	4	3.049926982	0.0108184	TMEM19	ENSG00000139291
12	70405779	70406061	70405911	16	17	3	5.278719777	0.000205462	RAB21	ENSG00000080371
12	70434503	70434795	70434618	12	15	7	2.346097679	0.0195693	RAB21	ENSG00000080371
12	70434800	70435107	70434972	8	11	6	2.010940867	0.0640214	RAB21	ENSG00000080371
12	70519530	70519767	70519648	8	11	16	0.828034475	0.698553	TBC1D15	ENSG00000121749
12	70618784	70619077	70618933	12	14	9	1.759573259	0.0786014	TPH2	ENSG00000139287
12	70697154	70697336	70697272	8	9	6	1.675784056	0.141978	TPH2	ENSG00000139287
12	70888867	70889067	70888967	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TRHDE	ENSG00000072657
12	70959067	70959288	70959145	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TRHDE	ENSG00000072657
12	71231972	71232151	71232061	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000216084
12	71655216	71655574	71655403	20	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000216084
12	71870782	71871055	71870912	16	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000216084
12	71901199	71901415	71901310	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000216084
12	72063762	72064287	72063972	14	28	8	3.779824038	5.98E-05		ENSG00000210684
12	72087906	72088131	72088018	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210684
12	72230134	72230376	72230223	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000210684
12	72596729	72597019	72596874	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000215944
12	72615898	72616092	72616023	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000215944
12	72723313	72723725	72723552	11	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000215944
12	72791665	72792026	72791844	12	18	6	3.183989707	0.00227432		ENSG00000215944
12	73217820	73218227	73217955	8	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000180632
12	73529294	73529484	73529322	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210718



12	73569959	73570569	73570408	10	23	12	2.165628626	0.0100985		ENSG00000210718
12	73577518	73577789	73577667	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000210718
12	73625692	73625875	73625781	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210718
12	73857982	73858398	73858160	51	66	0	78.59427223	2.61E-23	KCNC2	ENSG00000166006
12	74010241	74010589	74010464	13	17	7	2.639359888	0.00777415	CAPS2	ENSG00000180881
12	74014390	74014688	74014550	20	20	10	2.239456875	0.0121685	GLIPR1L1	ENSG00000173401
12	74071193	74071613	74071449	8	15	9	1.876878143	0.0544542	GLIPR1L2	ENSG00000180481
12	74191530	74191965	74191786	16	25	6	4.357038546	4.72E-05	KRR1	ENSG00000111615
12	74400889	74401235	74401062	10	15	12	1.443752418	0.160732	KRR1	ENSG00000111615
12	74589198	74589405	74589301	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000210725
12	74658000	74658246	74658123	17	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000198923
12	74695248	74695522	74695385	18	19	0	23.46097679	1.81E-07	PHLDA1	ENSG00000139289
12	74711583	74711865	74711724	12	15	2	6.256260476	0.000199274	PHLDA1	ENSG00000139289
12	74764469	74764663	74764566	8	8	5	1.759573259	0.13508	NAP1L1	ENSG00000187109
12	75057038	75057282	75057195	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000199754
12	75076629	75076866	75076747	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000199754
12	75204421	75204738	75204565	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000223273
12	75266254	75266678	75266502	10	18	2	7.429309316	2.63E-05	BBS10	ENSG00000179941
12	75361147	75361366	75361256	10	10	3	3.225884308	0.0139466	OSBPL8	ENSG00000091039
12	75477763	75478053	75477929	13	17	6	3.016411301	0.00381427	OSBPL8	ENSG00000091039
12	75526146	75526374	75526303	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000213272
12	75539459	75539733	75539596	9	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000213272
12	75682177	75682387	75682282	8	9	4	2.346097679	0.050148	ZDHHC17	ENSG00000186908
12	75717351	75717950	75717518	11	24	7	3.665777623	0.000215502	ZDHHC17	ENSG00000186908
12	75870962	75871239	75871099	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	CSRP2	ENSG00000175183
12	75983544	75984298	75984001	156	237	6	39.88366054	4.17E-71	E2F7	ENSG00000165891
12	76051403	76051725	76051564	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000210743
12	76069104	76069310	76069247	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000210743
12	76548317	76548695	76548490	15	21	3	6.451768616	1.56E-05	NAV3	ENSG00000067798
12	76603088	76603317	76603208	11	12	4	3.049926982	0.0108184	NAV3	ENSG00000067798
12	76604740	76605025	76604859	9	11	1	7.038293036	0.000674435	NAV3	ENSG00000067798
12	76843525	76843774	76843639	10	11	5	2.346097679	0.0364013	NAV3	ENSG00000067798
12	77035998	77036193	77036103	8	8	2	3.519146518	0.017558	NAV3	ENSG00000067798
12	77037316	77037526	77037386	10	11	1	7.038293036	0.000674435	NAV3	ENSG00000067798

12	77075042	77075545	77075328	104	134	0	158.3615933	3.13E-46	NAV3	ENSG00000067798
12	77169239	77169445	77169347	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NAV3	ENSG00000067798
12	77401278	77401458	77401368	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000213271
12	77412885	77413140	77412986	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000213271
12	77663942	77664341	77664141	73	92	4	21.81870841	1.37E-26		ENSG00000213271
12	77720622	77720840	77720731	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000213271
12	77924241	77924539	77924382	8	12	2	5.083211637	0.00143337	SYT1	ENSG00000067715
12	77963446	77963694	77963565	10	12	1	7.624817456	0.000332769	SYT1	ENSG00000067715
12	78262901	78263089	78262995	9	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000221788
12	78291885	78292105	78292030	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221788
12	78441747	78441938	78441842	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210752
12	78450873	78451133	78451003	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000210752
12	78464957	78465151	78465054	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000210752
12	78465314	78465641	78465477	9	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000210752
12	78465646	78465931	78465819	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000210752
12	78467267	78467446	78467356	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210752
12	78608159	78608495	78608388	9	13	8	1.824742639	0.0744168	PAWR	ENSG00000177425
12	78608690	78608996	78608843	10	13	3	4.105670938	0.00243034	PAWR	ENSG00000177425
12	78609358	78609656	78609507	8	13	2	5.474227917	0.000747844	PAWR	ENSG00000177425
12	78852945	78853313	78853124	12	19	5	3.910162798	0.000546977	PPP1R12A	ENSG00000058272
12	79317462	79317641	79317551	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222880
12	79352042	79352231	79352119	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222880
12	79390858	79391050	79390928	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000222880
12	79630884	79631094	79630989	9	10	3	3.225884308	0.0139466	MYF5	ENSG00000111049
12	79695881	79696535	79696178	174	219	10	23.46097679	1.43E-60		ENSG00000207763
12	79755341	79755556	79755422	8	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000207763
12	79786539	79786840	79786689	20	23	11	2.346097679	0.00594236		ENSG00000207763
12	79812825	79813016	79812896	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208022
12	79843144	79843361	79843296	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000208022
12	79854322	79854650	79854481	9	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000203357
12	79855679	79855944	79855784	10	15	5	3.128130238	0.00492422	LIN7A	ENSG00000111052
12	80046929	80047129	80047036	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ACSS3	ENSG00000111058
12	80299860	80300393	80300140	14	25	7	3.812408728	0.00012465	ACSS3	ENSG00000111058
12	81276223	81276908	81276485	19	41	6	7.038293036	2.39E-09	C12orf26	ENSG00000127720

12	81301964	81302195	81302016	10	12	2	5.083211637	0.00143337	C12orf26	ENSG00000127720
12	81445193	81445435	81445314	8	9	8	1.303387599	0.281715	TMTC2	ENSG00000179104
12	81600877	81601091	81600973	10	11	7	1.759573259	0.102361	TMTC2	ENSG00000179104
12	81603577	81604011	81603756	12	19	5	3.910162798	0.000546977	TMTC2	ENSG00000179104
12	81604248	81604490	81604369	10	13	6	2.346097679	0.0266147	TMTC2	ENSG00000179104
12	81604679	81604926	81604832	11	13	2	5.474227917	0.000747844	TMTC2	ENSG00000179104
12	81612254	81612549	81612408	9	11	9	1.407658607	0.210479	TMTC2	ENSG00000179104
12	81814914	81815188	81815021	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000212029
12	81849206	81849456	81849331	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000212029
12	82741660	82741858	82741754	10	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000221148
12	83656434	83656668	83656551	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000222637
12	84599112	84599429	84599270	10	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000213268
12	85182260	85182506	85182368	8	8	6	1.508205651	0.203852	MGAT4C	ENSG00000182050
12	86149804	86150132	86149968	24	28	1	17.00920817	2.80E-09		
12	86192600	86192873	86192724	9	10	5	2.150589539	0.0575848		
12	86301603	86301948	86301829	12	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000205071
12	86357877	86358086	86357993	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000205071
12	86358125	86358373	86358289	13	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000205071
12	86636827	86637052	86636903	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000205071
12	86766278	86766619	86766448	10	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000213267
12	86913532	86913792	86913638	11	13	2	5.474227917	0.000747844	C12orf50	ENSG00000165805
12	87059541	87060334	87060064	11	34	8	4.561856597	2.04E-06	CEP290	ENSG00000198707
12	87060708	87060917	87060826	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TMTC3	ENSG00000139324
12	87062617	87063053	87062892	15	21	1	12.90353723	4.95E-07	TMTC3	ENSG00000139324
12	87099887	87100067	87099977	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TMTC3	ENSG00000139324
12	87440988	87441167	87441077	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000205065
12	87463265	87463481	87463368	9	10	6	1.843362462	0.0964212	KITLG	ENSG00000049130
12	87472283	87472545	87472414	19	20	3	6.158506406	2.99E-05	KITLG	ENSG00000049130
12	87476305	87476607	87476456	12	16	2	6.647276756	0.000101928	KITLG	ENSG00000049130
12	87477028	87478077	87477796	646	810	6	135.906087	4.37E-261	KITLG	ENSG00000049130
12	87479564	87479781	87479642	10	12	2	5.083211637	0.00143337	KITLG	ENSG00000049130
12	87497144	87497337	87497276	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KITLG	ENSG00000049130
12	87668747	87668962	87668875	9	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000210830
12	87674224	87674406	87674322	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000210830

12	87681496	87682125	87681756	21	37	5	7.429309316	7.67E-09		ENSG00000210830
12	87699863	87700262	87700086	42	48	3	14.36984828	1.11E-13		ENSG00000210830
12	87783594	87783824	87783709	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210830
12	87844006	87844242	87844124	14	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000210830
12	87935012	87935388	87935275	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000210830
12	88035314	88035649	88035481	14	20	8	2.737113958	0.0036449	DUSP6	ENSG00000139318
12	88143729	88144155	88143942	17	26	7	3.959039833	7.16E-05	DUSP6	ENSG00000139318
12	88145695	88146040	88145873	11	15	3	4.692195357	0.000718455	DUSP6	ENSG00000139318
12	88188278	88188481	88188386	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DUSP6	ENSG00000139318
12	88237030	88237385	88237209	24	29	5	5.865244197	1.33E-06	DUSP6	ENSG00000139318
12	88270394	88270763	88270584	14	21	3	6.451768616	1.56E-05	DUSP6	ENSG00000139318
12	88271792	88272096	88271955	9	13	2	5.474227917	0.000747844	DUSP6	ENSG00000139318
12	88382934	88383229	88383089	10	12	7	1.906204364	0.0695918	WDR51B	ENSG00000139323
12	88442379	88442673	88442544	9	13	3	4.105670938	0.00243034	WDR51B	ENSG00000139323
12	88443763	88444298	88444051	12	23	7	3.519146518	0.000369739	WDR51B	ENSG00000139323
12	88460949	88461193	88461071	10	12	7	1.906204364	0.0695918	WDR51B	ENSG00000139323
12	88484530	88484970	88484737	13	23	9	2.815317214	0.00172056	WDR51B	ENSG00000139323
12	88627626	88627854	88627740	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000210846
12	88680745	88680995	88680870	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000210846
12	88687062	88687477	88687221	14	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000210846
12	88693390	88693584	88693487	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000210846
12	88747650	88747909	88747757	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000210846
12	88837347	88837688	88837517	10	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000210846
12	88869181	88869481	88869347	8	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000210846
12	89152340	89152906	89152519	88	112	1	66.27725942	5.05E-37		
12	89274068	89274361	89274190	9	9	4	2.346097679	0.050148		
12	89277249	89277514	89277335	8	8	4	2.111487911	0.0804809		
12	89544948	89545216	89545125	8	10	3	3.225884308	0.0139466	C12orf37	ENSG00000196243
12	90299417	90299704	90299565	11	13	2	5.474227917	0.000747844	DCN	ENSG00000011465
12	90299901	90300200	90300050	11	15	10	1.706252857	0.0822346	DCN	ENSG00000011465
12	90302353	90302594	90302475	9	9	2	3.910162798	0.00955088	DCN	ENSG00000011465
12	90306652	90306857	90306754	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DCN	ENSG00000011465
12	90340220	90340476	90340341	8	9	2	3.910162798	0.00955088	DCN	ENSG00000011465
12	90340777	90341047	90340947	14	16	3	4.985457567	0.000385643	DCN	ENSG00000011465

12	90341630	90341890	90341766	9	12	7	1.906204364	0.0695918	DCN	ENSG00000011465
12	90811334	90811741	90811562	13	20	3	6.158506406	2.99E-05	BTG1	ENSG00000133639
12	90820686	90821130	90820954	29	36	1	21.70140353	7.08E-12	BTG1	ENSG00000133639
12	90838164	90838398	90838280	9	10	7	1.612942154	0.147335	BTG1	ENSG00000133639
12	90952671	90953263	90952973	175	215	7	31.67231866	1.06E-62	BTG1	ENSG00000133639
12	90973876	90974079	90973977	11	11	5	2.346097679	0.0364013	BTG1	ENSG00000133639
12	90998330	90998619	90998474	8	10	0	12.90353723	0.000195991	BTG1	ENSG00000133639
12	91062383	91062596	91062489	8	9	2	3.910162798	0.00955088	BTG1	ENSG00000133639
12	91063532	91063897	91063718	14	21	3	6.451768616	1.56E-05	BTG1	ENSG00000133639
12	91064035	91064279	91064157	9	10	3	3.225884308	0.0139466	BTG1	ENSG00000133639
12	91452279	91452482	91452413	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CLLU1OS	ENSG00000205057
12	91461363	91461646	91461504	32	35	4	8.445951643	6.26E-09	CLLU1OS	ENSG00000205057
12	91471354	91471590	91471472	9	11	2	4.692195357	0.00272444	CLLU1OS	ENSG00000205057
12	91510172	91510522	91510347	50	51	0	60.99853964	2.97E-18		ENSG00000214215
12	91520631	91520822	91520731	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214215
12	91521671	91521869	91521770	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000214215
12	91539191	91539666	91539412	50	70	2	27.76215586	9.17E-22		ENSG00000214215
12	91566174	91566355	91566264	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000214215
12	91702360	91702913	91702539	74	101	5	19.94183027	2.11E-28	PLEKHG7	ENSG00000187510
12	91703039	91703319	91703187	21	23	3	7.038293036	4.15E-06	PLEKHG7	ENSG00000187510
12	91891512	91891969	91891733	74	88	0	104.4013467	1.00E-30		ENSG00000202534
12	92005267	92005491	92005422	12	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000221617
12	92062966	92063447	92063130	16	26	14	2.111487911	0.00831019		ENSG00000221617
12	92232312	92232691	92232512	11	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000210913
12	92233316	92233550	92233435	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210913
12	92347454	92347635	92347544	8	9	1	5.865244197	0.00272497	UBE2N	ENSG00000177889
12	92385365	92385752	92385480	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	MRPL42	ENSG00000198015
12	92442728	92442941	92442856	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000214214
12	92454085	92454313	92454177	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000214214
12	92459589	92460245	92459950	19	43	8	5.734905437	9.40E-09		ENSG00000214214
12	92482250	92482515	92482389	9	11	5	2.346097679	0.0364013	SOCS2	ENSG00000120833
12	92491677	92491856	92491766	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SOCS2	ENSG00000120833
12	92542968	92543376	92543206	27	34	4	8.211341875	1.23E-08		ENSG00000220515
12	92660444	92660713	92660568	9	13	6	2.346097679	0.0266147	CRADD	ENSG00000169372

12	92975667	92975924	92975790	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000210951
12	93010795	93011125	93010960	12	15	7	2.346097679	0.0195693	PLXNC1	ENSG00000136040
12	93120431	93120671	93120578	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PLXNC1	ENSG00000136040
12	93180088	93180459	93180219	8	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000223185
12	93390988	93391575	93391412	13	30	3	9.091128505	3.63E-08	CCDC41	ENSG00000173588
12	93391633	93391888	93391747	9	12	1	7.624817456	0.000332769	CCDC41	ENSG00000173588
12	93450628	93450956	93450800	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000213249
12	93474352	93474535	93474441	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000187738
12	93628970	93629166	93629086	9	10	6	1.843362462	0.0964212	TMCC3	ENSG00000057704
12	93921547	93921786	93921643	10	12	8	1.694403879	0.107291	NDUFA12	ENSG00000184752
12	94135648	94135905	94135747	10	13	1	8.211341875	0.000163445	VEZT	ENSG00000028203
12	94388260	94388558	94388414	8	11	2	4.692195357	0.00272444	METAP2	ENSG00000111142
12	94391836	94392101	94391975	13	18	5	3.714654658	0.000961539	METAP2	ENSG00000111142
12	94541622	94541814	94541718	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000212448
12	94635861	94636347	94636126	11	21	9	2.580707446	0.00438951		ENSG00000216285
12	94638866	94639083	94638957	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000216285
12	94639251	94639593	94639422	41	47	6	8.04376347	4.71E-11		ENSG00000216285
12	94776713	94776942	94776821	10	12	2	5.083211637	0.00143337	SNRPF	ENSG00000139343
12	94916564	94916881	94916686	12	17	4	4.222975822	0.000640773	HAL	ENSG00000084110
12	94953698	94954057	94953876	12	17	14	1.407658607	0.162567	LTA4H	ENSG00000111144
12	94965567	94965809	94965688	9	11	4	2.815317214	0.0183428	LTA4H	ENSG00000111144
12	95012166	95012385	95012275	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000223104
12	95112366	95112607	95112481	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ELK3	ENSG00000111145
12	95133249	95133458	95133358	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ELK3	ENSG00000111145
12	95137670	95138005	95137837	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	ELK3	ENSG00000111145
12	95491738	95491917	95491871	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C12orf63	ENSG00000188596
12	95670215	95670442	95670303	8	10	0	12.90353723	0.000195991	C12orf63	ENSG00000188596
12	96066948	96067195	96067071	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000211051
12	96119378	96119562	96119470	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000211051
12	96137036	96137291	96137163	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000211051
12	96322500	96322760	96322666	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000221479
12	96343633	96343824	96343726	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221479
12	96389673	96389852	96389762	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221479
12	96405472	96405711	96405557	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000221479

12	96418529	96418762	96418616	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221479
12	96485685	96485883	96485835	8	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000207586
12	96486597	96486958	96486796	14	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000207586
12	96670138	96670327	96670232	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000206899
12	96767320	96767536	96767428	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000206899
12	96793128	96793380	96793257	15	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000206899
12	96920897	96921080	96920988	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000206899
12	97263238	97263686	97263446	49	64	4	15.24963491	9.53E-18		ENSG00000201296
12	97315284	97315757	97315578	17	24	3	7.331555246	2.13E-06		ENSG00000201296
12	97342829	97343019	97342908	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201296
12	97408991	97409366	97409155	10	16	6	2.848832895	0.00632407	TMPO	ENSG00000120802
12	97421295	97421562	97421394	9	12	14	1.016642327	0.486402	TMPO	ENSG00000120802
12	97421579	97421914	97421746	11	17	9	2.111487911	0.0248715	TMPO	ENSG00000120802
12	97422089	97422272	97422220	9	10	9	1.290353723	0.279648	TMPO	ENSG00000120802
12	97433137	97433367	97433243	8	9	4	2.346097679	0.050148	TMPO	ENSG00000120802
12	97434403	97434591	97434458	9	9	7	1.466311049	0.20706	TMPO	ENSG00000120802
12	97511475	97511732	97511583	11	14	5	2.932622098	0.00829617	SLC25A3	ENSG00000075415
12	97562214	97562862	97562598	16	30	3	9.091128505	3.63E-08		ENSG00000166130
12	97616864	97617061	97616948	8	10	3	3.225884308	0.0139466	APAF1	ENSG00000120868
12	98765940	98766184	98766062	17	19	12	1.804690522	0.0452624	ANKS1B	ENSG00000185046
12	98902972	98903355	98903122	12	18	3	5.571981987	0.000108726	ANKS1B	ENSG00000185046
12	99041712	99042011	99041854	8	10	4	2.580707446	0.0306059	UHRF1BP1L	ENSG00000111647
12	99117747	99118070	99117912	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	ACTR6	ENSG00000075089
12	99118553	99118881	99118718	14	18	4	4.457585589	0.000353565	ACTR6	ENSG00000075089
12	99147160	99147462	99147311	16	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000206790
12	99147828	99148105	99147969	23	27	8	3.649485278	0.000102745		ENSG00000206790
12	99388256	99388519	99388394	11	11	3	3.519146518	0.00788869	NR1H4	ENSG00000012504
12	99491592	99491853	99491722	8	9	4	2.346097679	0.050148	GAS2L3	ENSG00000139354
12	99589973	99590225	99590099	9	9	4	2.346097679	0.050148	GAS2L3	ENSG00000139354
12	99844710	99844896	99844794	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ANO4	ENSG00000151572
12	100119827	100120022	100119881	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207414
12	100139232	100139574	100139403	11	15	4	3.753756286	0.0020497	SLC5A8	ENSG00000139357
12	100197894	100198205	100198049	9	14	4	3.519146518	0.00361132	UTP20	ENSG00000120800
12	100325722	100326076	100325899	12	18	8	2.476436439	0.00924552	ARL1	ENSG00000120805

12	100326096	100326295	100326188	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ARL1	ENSG00000120805
12	100377838	100378048	100377943	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000202249
12	100577128	100577374	100577251	10	11	3	3.519146518	0.00788869	CHPT1	ENSG00000111666
12	100691549	100691774	100691633	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000201168
12	100757881	100758060	100757984	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000209095
12	100773175	100773845	100773434	89	121	0	143.1119584	7.54E-42		ENSG00000211206
12	100794963	100795629	100795462	40	63	3	18.76878143	2.10E-18		ENSG00000136048
12	100812668	100813005	100812836	14	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000211214
12	100872646	100872857	100872720	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000211222
12	101037825	101038231	101037992	9	16	5	3.323638378	0.00288759	C12orf48	ENSG00000185480
12	101167045	101167262	101167175	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222513
12	101446385	101446622	101446469	9	10	2	4.301179077	0.00512919	IGF1	ENSG00000017427
12	101797134	101797354	101797217	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PAH	ENSG00000171759
12	101801082	101801285	101801183	12	12	8	1.694403879	0.107291	PAH	ENSG00000171759
12	101857826	101858005	101857884	8	8	2	3.519146518	0.017558	ASCL1	ENSG00000139352
12	102414158	102414518	102414372	9	13	3	4.105670938	0.00243034	C12orf42	ENSG00000179088
12	102441668	102442749	102441859	130	197	10	21.11487911	1.34E-53	C12orf42	ENSG00000179088
12	102452661	102452905	102452783	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C12orf42	ENSG00000179088
12	102466614	102466819	102466760	8	9	0	11.73048839	0.000425898	STAB2	ENSG00000136011
12	102493171	102493500	102493335	9	12	3	3.812408728	0.004404	STAB2	ENSG00000136011
12	102660482	102660695	102660588	12	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000211247
12	102795960	102796141	102796054	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000187809
12	102847809	102847997	102847897	9	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000214198
12	102848181	102848563	102848391	8	14	4	3.519146518	0.00361132	HSP90B1	ENSG00000166598
12	102875004	102875422	102875237	16	28	5	5.669736057	2.48E-06	C12orf73	ENSG00000204954
12	102883566	102883933	102883758	11	17	6	3.016411301	0.00381427	TDG	ENSG00000139372
12	102975669	102975914	102975810	9	11	2	4.692195357	0.00272444	HCFC2	ENSG00000111727
12	102979095	102979344	102979219	8	8	5	1.759573259	0.13508	HCFC2	ENSG00000111727
12	103055979	103056194	103056086	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NFYB	ENSG00000120837
12	103137417	103137809	103137700	11	17	5	3.519146518	0.00167472	RPL18AP3	ENSG00000218754
12	103137904	103138364	103138083	25	35	11	3.519146518	1.92E-05	RPL18AP3	ENSG00000218754
12	103165596	103165818	103165707	11	12	4	3.049926982	0.0108184	RPL18AP3	ENSG00000218754
12	103206510	103206843	103206676	16	20	14	1.642268375	0.06827	TXNRD1	ENSG00000198431
12	103213188	103213708	103213351	11	22	8	2.997791478	0.00137524	TXNRD1	ENSG00000198431



12	103375326	103375662	103375502	9	13	5	2.737113958	0.0137917	CHST11	ENSG00000171310
12	103385499	103385718	103385608	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CHST11	ENSG00000171310
12	103396790	103397090	103396940	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	CHST11	ENSG00000171310
12	103434894	103435074	103434984	8	8	2	3.519146518	0.017558	CHST11	ENSG00000171310
12	103464629	103464813	103464721	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CHST11	ENSG00000171310
12	103527497	103527693	103527595	8	8	2	3.519146518	0.017558	CHST11	ENSG00000171310
12	103530443	103530702	103530572	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CHST11	ENSG00000171310
12	103544610	103544955	103544782	11	15	2	6.256260476	0.000199274	CHST11	ENSG00000171310
12	103595681	103595927	103595804	15	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000211260
12	103710628	103710854	103710741	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000211260
12	103711113	103711437	103711291	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000211260
12	103875943	103876126	103876040	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000179821
12	103904008	103904461	103904165	11	20	6	3.519146518	0.000784044	C12orf45	ENSG00000151131
12	104132609	104133023	104132774	10	17	5	3.519146518	0.00167472	APPL2	ENSG00000136044
12	104378143	104378322	104378195	8	8	2	3.519146518	0.017558	APPL2	ENSG00000136044
12	104660055	104660240	104660092	9	9	3	2.932622098	0.0242899	NUAK1	ENSG00000074590
12	104873150	104873668	104873478	41	53	2	21.11487911	2.91E-16	NUAK1	ENSG00000074590
12	104903055	104903314	104903178	9	11	1	7.038293036	0.000674435	NUAK1	ENSG00000074590
12	104949044	104949224	104949104	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NUAK1	ENSG00000074590
12	105096527	105096719	105096623	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NUAK1	ENSG00000074590
12	105263696	105263967	105263804	16	17	4	4.222975822	0.000640773	POLR3B	ENSG00000013503
12	105275475	105275883	105275623	17	21	7	3.225884308	0.00106152	POLR3B	ENSG00000013503
12	105691797	105692237	105692058	10	18	4	4.457585589	0.000353565	RIC8B	ENSG00000111785
12	105692425	105692606	105692537	8	9	4	2.346097679	0.050148	RIC8B	ENSG00000111785
12	105905888	105906141	105906053	8	11	4	2.815317214	0.0183428	MTERFD3	ENSG00000120832
12	106009973	106010274	106010140	13	16	2	6.647276756	0.000101928	CRY1	ENSG00000008405
12	106022705	106022884	106022794	8	8	2	3.519146518	0.017558	CRY1	ENSG00000008405
12	106236150	106236406	106236288	8	11	2	4.692195357	0.00272444	BTBD11	ENSG00000151136
12	106236590	106236992	106236802	10	18	5	3.714654658	0.000961539	BTBD11	ENSG00000151136
12	106298195	106298525	106298368	18	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000200897
12	106320316	106320571	106320443	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000200897
12	106366220	106366462	106366290	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000211282
12	106403761	106404080	106403922	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000211282
12	106436933	106437326	106437149	27	34	3	10.26417734	2.27E-09		ENSG00000211282

12	106437795	106438095	106437928	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000211282
12	106511712	106511920	106511816	9	9	2	3.910162798	0.00955088	BTBD11	ENSG00000151136
12	106691463	106691876	106691679	51	62	2	24.63402563	3.62E-19	ASCL4	ENSG00000187855
12	106706682	106706898	106706790	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ASCL4	ENSG00000187855
12	106908291	106908520	106908427	9	9	3	2.932622098	0.0242899	WSCD2	ENSG00000075035
12	107074729	107075089	107074928	9	13	3	4.105670938	0.00243034	WSCD2	ENSG00000075035
12	107271550	107271872	107271711	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	CMKLR1	ENSG00000174600
12	107401512	107401740	107401604	13	14	3	4.398933147	0.00132748	FICD	ENSG00000198855
12	107417876	107418088	107417982	9	9	2	3.910162798	0.00955088	FICD	ENSG00000198855
12	107480326	107481127	107480854	25	47	7	7.038293036	2.04E-10	ISCU	ENSG00000136003
12	107481431	107481723	107481577	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	ISCU	ENSG00000136003
12	107483956	107484164	107484060	10	10	4	2.580707446	0.0306059	ISCU	ENSG00000136003
12	107582744	107583029	107582886	9	11	3	3.519146518	0.00788869	SELPLG	ENSG00000110876
12	107609344	107610043	107609701	10	27	5	5.474227917	4.62E-06	CORO1C	ENSG00000110880
12	107649536	107650031	107649868	10	19	4	4.692195357	0.000193572	CORO1C	ENSG00000110880
12	107674403	107674636	107674519	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000200060
12	107675834	107676073	107675953	15	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000200060
12	107716363	107716611	107716487	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SSH1	ENSG00000084112
12	107776250	107776510	107776380	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	SSH1	ENSG00000084112
12	107825626	107825968	107825802	13	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000201324
12	107829895	107830118	107829965	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000201324
12	107857501	107857775	107857650	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SVOP	ENSG00000166111
12	107917806	107918078	107917962	9	10	0	12.90353723	0.000195991	USP30	ENSG00000135093
12	107942948	107943273	107943110	15	19	4	4.692195357	0.000193572	USP30	ENSG00000135093
12	107974564	107974859	107974730	16	18	5	3.714654658	0.000961539	USP30	ENSG00000135093
12	107975763	107975989	107975831	9	11	2	4.692195357	0.00272444	USP30	ENSG00000135093
12	108015553	108015907	108015730	21	27	8	3.649485278	0.000102745	ALKBH2	ENSG00000189046
12	108034143	108034335	108034284	8	9	1	5.865244197	0.00272497	UNG	ENSG00000076248
12	108038617	108038896	108038736	16	19	10	2.132816071	0.01835	UNG	ENSG00000076248
12	108038907	108039108	108038951	8	9	2	3.910162798	0.00955088	UNG	ENSG00000076248
12	108056447	108056681	108056553	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ACACB	ENSG00000076555
12	108077154	108077561	108077322	9	16	4	3.988366054	0.00115141	ACACB	ENSG00000076555
12	108122344	108122591	108122467	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	ACACB	ENSG00000076555
12	108233349	108233534	108233441	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FOXN4	ENSG00000139445

12	108234057	108234435	108234236	9	16	11	1.661819189	0.0853913	FOXN4	ENSG00000139445
12	108315961	108316222	108316091	8	11	1	7.038293036	0.000674435	MYO1H	ENSG00000174527
12	108355084	108355274	108355179	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MYO1H	ENSG00000174527
12	108399600	108400004	108399779	10	18	9	2.228792795	0.0164363	UBE3B	ENSG00000151148
12	108441052	108441296	108441174	9	10	4	2.580707446	0.0306059	UBE3B	ENSG00000151148
12	108495363	108495571	108495473	10	11	2	4.692195357	0.00272444	MMAB	ENSG00000139428
12	108535042	108535461	108535373	11	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000211344
12	108635683	108635970	108635826	12	12	4	3.049926982	0.0108184	C12orf34	ENSG00000139438
12	108699836	108700104	108699996	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000211357
12	108727509	108727785	108727646	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000211357
12	108741264	108741475	108741338	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	TRPV4	ENSG00000111199
12	108743076	108743743	108743333	74	111	1	65.690735	1.09E-36	TRPV4	ENSG00000111199
12	108763694	108763879	108763852	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TRPV4	ENSG00000111199
12	108767462	108767850	108767744	11	17	6	3.016411301	0.00381427	TRPV4	ENSG00000111199
12	108787207	108787479	108787343	23	25	3	7.624817456	1.09E-06		ENSG00000211363
12	108797730	108798132	108797892	17	22	5	4.496687217	9.59E-05	GLTP	ENSG00000139433
12	108822188	108822557	108822401	13	19	1	11.73048839	2.14E-06	TCHP	ENSG00000139437
12	108837353	108837719	108837503	18	22	6	3.854303329	0.000260696	TCHP	ENSG00000139437
12	108921170	108921557	108921388	10	16	5	3.323638378	0.00288759	ANKRD13A	ENSG00000076513
12	108970515	108971003	108970855	10	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000174456
12	109108683	109108862	109108772	8	8	2	3.519146518	0.017558	IFT81	ENSG00000122970
12	109262997	109263365	109263196	16	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000223337
12	109390374	109390903	109390759	8	19	10	2.132816071	0.01835	C12orf24	ENSG00000204856
12	109391412	109391603	109391522	10	10	3	3.225884308	0.0139466	C12orf24	ENSG00000204856
12	109424106	109424528	109424375	8	14	9	1.759573259	0.0786014	RAD9B	ENSG00000151164
12	109748898	109749105	109749001	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CCDC63	ENSG00000173093
12	109816607	109816879	109816743	9	12	1	7.624817456	0.000332769	MYL2	ENSG00000111245
12	109887026	109887245	109887135	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000185847
12	109914932	109915154	109915043	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CUX2	ENSG00000111249
12	110056912	110057302	110057127	29	36	6	6.200401008	5.86E-08	CUX2	ENSG00000111249
12	110078571	110078868	110078732	10	13	3	4.105670938	0.00243034	CUX2	ENSG00000111249
12	110319225	110319479	110319352	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SH2B3	ENSG00000111252
12	110680318	110680978	110680684	37	68	5	13.49006165	4.34E-18	ALDH2	ENSG00000111275
12	110764052	110764307	110764179	11	14	6	2.513676084	0.016726	MAPKAPK5	ENSG00000089022

12	111030949	111031266	111031131	9	14	4	3.519146518	0.00361132	C12orf30	ENSG00000111300
12	111233557	111233829	111233677	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	C12orf51	ENSG00000173064
12	111293363	111293542	111293442	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RPL6	ENSG00000089009
12	111860463	111860650	111860584	8	8	2	3.519146518	0.017558	OAS3	ENSG00000111331
12	111914989	111915216	111915102	9	10	1	6.451768616	0.00135978	OAS2	ENSG00000111335
12	112020732	112020959	112020832	9	10	4	2.580707446	0.0306059	RASAL1	ENSG00000111344
12	112038437	112039005	112038710	189	233	0	274.4934284	1.34E-79	RASAL1	ENSG00000111344
12	112059064	112059357	112059210	9	12	1	7.624817456	0.000332769	RASAL1	ENSG00000111344
12	112082231	112082608	112082419	23	31	2	12.51252095	2.82E-09		ENSG00000199899
12	112107074	112107339	112107230	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DDX54	ENSG00000123064
12	112107628	112107895	112107761	10	11	4	2.815317214	0.0183428	DDX54	ENSG00000123064
12	112156727	112156906	112156762	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000186815
12	112168006	112168933	112168288	31	61	8	8.081003115	9.63E-14		ENSG00000186815
12	112220637	112220816	112220726	8	8	2	3.519146518	0.017558	TPCN1	ENSG00000219344
12	112762438	112762804	112762611	24	30	0	36.36451402	3.56E-11		ENSG00000211425
12	112888408	112888866	112888585	10	16	4	3.988366054	0.00115141	RBM19	ENSG00000122965
12	113191359	113191776	113191563	46	61	2	24.24300935	7.63E-19	TBX5	ENSG00000089225
12	113254765	113254999	113254873	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	TBX5	ENSG00000089225
12	113430733	113430987	113430856	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000223160
12	113522135	113522317	113522226	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199220
12	113558124	113558428	113558251	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000199220
12	113606483	113606827	113606616	12	16	10	1.812893661	0.0578656	TBX3	ENSG00000135111
12	113703119	113703413	113703266	21	24	2	9.775406994	4.09E-07		ENSG00000209253
12	114307448	114307650	114307612	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222458
12	114320473	114320817	114320648	21	26	6	4.524616952	2.63E-05		ENSG00000222458
12	114397193	114397622	114397469	9	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000222458
12	114416187	114416379	114416283	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000222458
12	114464924	114465181	114465039	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000222458
12	114795198	114795632	114795369	17	28	6	4.859773763	8.07E-06		ENSG00000200112
12	115044893	115045072	115045057	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207967
12	115048391	115048778	115048635	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207967
12	115312191	115312535	115312363	11	15	4	3.753756286	0.0020497	MED13L	ENSG00000123066
12	115312588	115313227	115312767	16	31	5	6.256260476	3.74E-07	MED13L	ENSG00000123066
12	115328765	115329076	115328928	15	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000196668

12	115348642	115349028	115348821	11	18	2	7.429309316	2.63E-05	ENSG00000196668
12	115417503	115417747	115417625	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000196668
12	115451401	115451645	115451521	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000196668
12	115620347	115620623	115620495	16	18	8	2.476436439	0.00924552	C12orf49 ENSG00000111412
12	115625464	115625678	115625605	8	9	0	11.73048839	0.000425898	C12orf49 ENSG00000111412
12	116417276	116417504	116417427	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	NOS1 ENSG00000089250
12	116778873	116779278	116779217	9	16	2	6.647276756	0.000101928	KSR2 ENSG00000171435
12	116779281	116779579	116779438	10	14	2	5.865244197	0.000387308	KSR2 ENSG00000171435
12	116779852	116780178	116779999	14	14	4	3.519146518	0.00361132	KSR2 ENSG00000171435
12	116891584	116891785	116891684	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RFC5 ENSG00000111445
12	116978566	116978783	116978674	8	10	1	6.451768616	0.00135978	WSB2 ENSG00000176871
12	117058271	117058463	117058347	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PEBP1 ENSG00000089220
12	117194045	117194313	117194179	14	17	3	5.278719777	0.000205462	TAOK3 ENSG00000135090
12	117252587	117252818	117252721	11	11	5	2.346097679	0.0364013	TAOK3 ENSG00000135090
12	117298337	117298718	117298497	11	15	6	2.68125449	0.0103552	SUDS3 ENSG00000111707
12	117465592	117465917	117465754	15	19	1	11.73048839	2.14E-06	SUDS3 ENSG00000111707
12	118091502	118091737	118091604	10	11	3	3.519146518	0.00788869	HSPB8 ENSG00000152137
12	118093472	118093708	118093608	14	15	2	6.256260476	0.000199274	HSPB8 ENSG00000152137
12	118101836	118102184	118102025	8	12	4	3.049926982	0.0108184	HSPB8 ENSG00000152137
12	118292080	118292594	118292259	55	76	2	30.10825354	1.02E-23	CCDC60 ENSG00000183273
12	118310157	118310722	118310392	35	58	4	13.8419763	6.95E-16	CCDC60 ENSG00000183273
12	118401508	118401970	118401686	24	31	7	4.692195357	4.07E-06	ENSG00000222647
12	118590023	118590430	118590202	19	27	1	16.42268375	5.88E-09	PRKAB1 ENSG00000111725
12	118863130	118863320	118863225	8	8	2	3.519146518	0.017558	CCDC64 ENSG00000135127
12	119001684	119001928	119001759	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	RAB35 ENSG00000111737
12	119123110	119123591	119123237	16	29	8	3.910162798	3.45E-05	RPLP0 ENSG00000089157
12	119151131	119151395	119151236	10	11	2	4.692195357	0.00272444	PXN ENSG00000089159
12	119153870	119154273	119154049	10	18	8	2.476436439	0.00924552	PXN ENSG00000089159
12	119156975	119157195	119157064	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PXN ENSG00000089159
12	119213477	119214340	119213770	31	74	35	2.443851749	2.24E-06	RNU4-1B ENSG00000202538
12	119214969	119215661	119215148	21	49	22	2.550106172	5.01E-05	ENSG00000200795
12	119224279	119224496	119224387	13	14	7	2.199466574	0.0303778	SIRT4 ENSG00000089163
12	119224517	119224894	119224678	11	17	4	4.222975822	0.000640773	SIRT4 ENSG00000089163
12	119239522	119239887	119239708	15	21	7	3.225884308	0.00106152	PLA2G1B ENSG00000170890

12	119247709	119248082	119247884	13	19	13	1.675784056	0.0660887	PLA2G1B	ENSG00000170890
12	119316784	119317169	119317000	15	22	10	2.452738482	0.00515848	MSI1	ENSG00000135097
12	119348009	119348189	119348104	8	8	1	5.278719777	0.00542188	COX6A1	ENSG00000111775
12	119359956	119360331	119360120	11	18	5	3.714654658	0.000961539	COX6A1	ENSG00000111775
12	119361888	119362126	119362007	10	10	0	12.90353723	0.000195991	COX6A1	ENSG00000111775
12	119368069	119368802	119368532	179	252	5	49.46355939	2.25E-77	TRIAP1	ENSG00000170855
12	119396754	119397091	119396916	33	37	7	5.571981987	1.11E-07	DYNLL1	ENSG00000088986
12	119503705	119503972	119503850	10	11	2	4.692195357	0.00272444	POP5	ENSG00000167272
12	119552767	119553063	119552944	10	12	6	2.178519273	0.0416567	CABP1	ENSG00000157782
12	119847939	119848556	119848220	43	68	3	20.23509248	5.38E-20		ENSG00000174074
12	120018038	120018311	120018174	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000201945
12	120106631	120106875	120106753	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	P2RX4	ENSG00000135124
12	120149394	120149840	120149661	11	19	7	2.932622098	0.00293566	P2RX4	ENSG00000135124
12	120217810	120218066	120217938	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CAMKK2	ENSG00000110931
12	120274436	120274837	120274695	13	23	4	5.630634429	1.63E-05	ANAPC5	ENSG00000089053
12	120321900	120322336	120322053	13	24	10	2.666020089	0.00209276	RNF34	ENSG00000170633
12	120716606	120716797	120716706	9	9	4	2.346097679	0.050148	RHOF	ENSG00000139725
12	120717139	120717458	120717298	11	13	1	8.211341875	0.000163445	RHOF	ENSG00000139725
12	120723297	120723476	120723388	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000212694
12	120810717	120811176	120810876	15	24	5	4.887703497	2.90E-05	PSMD9	ENSG00000110801
12	120923716	120924162	120923895	32	42	2	16.81370003	9.62E-13	BCL7A	ENSG00000110987
12	121161611	121161873	121161742	15	15	4	3.753756286	0.0020497	MLXIP	ENSG00000175727
12	121316892	121317146	121317019	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	VPS33A	ENSG00000139719
12	121450907	121451234	121451063	9	14	2	5.865244197	0.000387308	CLIP1	ENSG00000130779
12	121577385	121577844	121577614	14	24	6	4.18946014	8.40E-05	RSRC2	ENSG00000111011
12	121803057	121803351	121803162	8	12	3	3.812408728	0.004404	DENR	ENSG00000139726
12	121938971	121939201	121939103	8	9	3	2.932622098	0.0242899	VPS37B	ENSG00000139722
12	121958967	121959174	121959070	8	8	0	10.55743955	0.000925496	VPS37B	ENSG00000139722
12	121997291	121997656	121997477	30	37	2	14.85861863	3.69E-11	ABCB9	ENSG00000150967
12	122016770	122016970	122016857	9	9	4	2.346097679	0.050148	ABCB9	ENSG00000150967
12	122025074	122025265	122025114	9	9	2	3.910162798	0.00955088	OGFOD2	ENSG00000111325
12	122126309	122126685	122126488	9	17	8	2.346097679	0.0144542	PITPNM2	ENSG00000090975
12	122415786	122415995	122415921	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SBNO1	ENSG00000139697
12	122434292	122434519	122434405	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SETD8	ENSG00000183955

12	122434548	122434733	122434640	8	8	4	2.111487911	0.0804809	SETD8	ENSG00000183955
12	122456591	122456794	122456703	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SETD8	ENSG00000183955
12	122496405	122496765	122496518	10	14	10	1.599612054	0.114822	RILPL2	ENSG00000150977
12	122508594	122508838	122508735	13	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000184209
12	122563743	122563993	122563861	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	RILPL1	ENSG00000188026
12	122569748	122570027	122569887	10	13	1	8.211341875	0.000163445	RILPL1	ENSG00000188026
12	122634771	122635078	122634924	8	13	3	4.105670938	0.00243034	TMED2	ENSG00000086598
12	122684117	122684374	122684207	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	EIF2B1	ENSG00000111361
12	123107129	123107313	123107221	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF664	ENSG00000179195
12	123181160	123181511	123181335	16	22	4	5.396024661	3.05E-05	ZNF664	ENSG00000179195
12	123193118	123193452	123193284	9	13	2	5.474227917	0.000747844	FAM101A	ENSG00000178882
12	123239038	123239240	123239175	8	10	1	6.451768616	0.00135978	FAM101A	ENSG00000178882
12	123324109	123324579	123324296	67	84	1	49.85457567	1.05E-27	FAM101A	ENSG00000178882
12	123410136	123410474	123410305	18	22	7	3.372515413	0.000629223	FAM101A	ENSG00000178882
12	123443529	123444037	123443708	9	20	4	4.926805125	0.00010522	FAM101A	ENSG00000178882
12	123531452	123531715	123531583	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	NCOR2	ENSG00000196498
12	123567783	123568030	123567954	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	NCOR2	ENSG00000196498
12	123609982	123610284	123610133	10	14	6	2.513676084	0.016726	NCOR2	ENSG00000196498
12	123622628	123622960	123622794	26	27	2	10.94845583	4.90E-08	NCOR2	ENSG00000196498
12	123628421	123628874	123628695	23	32	1	19.35530585	1.42E-10	NCOR2	ENSG00000196498
12	123659552	123659935	123659749	17	26	6	4.524616952	2.63E-05	NCOR2	ENSG00000196498
12	123736556	123736763	123736636	10	10	4	2.580707446	0.0306059	SCARB1	ENSG00000073060
12	123740082	123740314	123740208	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	SCARB1	ENSG00000073060
12	123854667	123854959	123854813	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SCARB1	ENSG00000073060
12	123888662	123889058	123888841	9	16	3	4.985457567	0.000385643	SCARB1	ENSG00000073060
12	123933896	123934075	123933985	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209201
12	123965160	123965467	123965315	16	18	8	2.476436439	0.00924552	UBC	ENSG00000150991
12	123966899	123967106	123967022	8	10	4	2.580707446	0.0306059	UBC	ENSG00000150991
12	123967614	123968172	123967792	16	32	9	3.87106117	1.67E-05	UBC	ENSG00000150991
12	123972157	123972376	123972238	10	11	5	2.346097679	0.0364013	UBC	ENSG00000150991
12	123978145	123978489	123978293	8	12	8	1.694403879	0.107291	UBC	ENSG00000150991
12	123988744	123989007	123988847	8	11	1	7.038293036	0.000674435	UBC	ENSG00000150991
12	123989039	123990819	123989268	185	345	25	15.61057302	2.47E-85	UBC	ENSG00000150991
12	123991103	123991368	123991236	8	10	8	1.433726359	0.209175	UBC	ENSG00000150991

12	124099994	124100267	124100091	8	12	11	1.270802909	0.274822	AACS	ENSG00000081760
12	124278980	124279275	124279127	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000222916
12	124734338	124734561	124734402	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TMEM132B	ENSG00000139364
12	125946715	125946932	125946864	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000189238
12	126216406	126216598	126216502	13	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000208959
12	126216758	126217088	126216923	46	46	35	1.531480429	0.0262294		ENSG00000208959
12	127874451	127874723	127874587	10	13	1	8.211341875	0.000163445	SLC15A4	ENSG00000139370
12	129077086	129077327	129077187	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214039
12	129148431	129148870	129148691	11	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000214039
12	129889900	129890096	129890043	8	9	2	3.910162798	0.00955088	STX2	ENSG00000111450
12	130073618	130073801	130073648	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000187909
12	130280427	130280693	130280591	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000204603
12	130315312	130315613	130315465	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000212251
12	130333337	130333710	130333531	16	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000212251
12	130505316	130505506	130505368	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000212251
12	130734329	130734661	130734486	18	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000212154
12	130761348	130761763	130761504	9	16	7	2.492728784	0.0124193	SFRS8	ENSG00000061936
12	130771390	130771738	130771614	16	20	0	24.63402563	8.35E-08	SFRS8	ENSG00000061936
12	130834562	130834859	130834628	9	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000200516
12	131134404	131134592	131134520	8	10	4	2.580707446	0.0306059	EP400NL	ENSG00000185684
12	131209226	131209758	131209579	34	48	0	57.47939313	3.05E-17	NOC4L	ENSG00000184967
12	131229499	131229684	131229591	8	8	2	3.519146518	0.017558	GALNT9	ENSG00000182870
12	131361765	131361955	131361832	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000204589
12	131443455	131443634	131443567	8	8	3	2.639359888	0.0415794	GALNT9	ENSG00000182870
12	131564165	131564514	131564339	16	22	5	4.496687217	9.59E-05	MUC8	ENSG00000214034
12	131580990	131581209	131581099	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000204586
12	131611076	131611365	131611232	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000204586
12	131701609	131701858	131701744	8	10	7	1.612942154	0.147335	P2RX2	ENSG00000187848
12	131974479	131974668	131974537	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CHFR	ENSG00000072609
12	131995009	131995337	131995173	9	14	4	3.519146518	0.00361132	CHFR	ENSG00000072609
12	132072949	132073158	132073053	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ZNF26	ENSG00000198393
13	18821209	18821440	18821324	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000219123
13	19059910	19060142	19060058	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000218831
13	19105641	19105901	19105748	10	11	1	7.038293036	0.000674435	MPHOSPH8	ENSG00000196199



13	19145716	19145967	19145841	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000203615
13	19254072	19254269	19254170	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PSPC1	ENSG00000121390
13	19266704	19267104	19266925	23	30	6	5.194930574	2.42E-06	PSPC1	ENSG00000121390
13	19290416	19290682	19290549	12	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000220367
13	19335618	19335808	19335713	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ZMYM5	ENSG00000132950
13	19493627	19493859	19493760	12	12	7	1.906204364	0.0695918	ZMYM2	ENSG00000121741
13	19494104	19494297	19494219	8	9	9	1.173048839	0.362316	ZMYM2	ENSG00000121741
13	19565816	19566004	19565910	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217735
13	19592772	19592970	19592820	9	10	0	12.90353723	0.000195991	GJA3	ENSG00000121743
13	19635653	19635891	19635756	9	11	4	2.815317214	0.0183428	GJA3	ENSG00000121743
13	19643559	19643951	19643764	11	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000217490
13	19654497	19654706	19654601	12	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000217490
13	19746639	19746904	19746771	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GJB6	ENSG00000121742
13	19834671	19835272	19835002	89	140	5	27.56664772	7.25E-41	GJB6	ENSG00000121742
13	19863687	19863916	19863811	11	12	3	3.812408728	0.004404	CRYL1	ENSG00000165475
13	19880444	19880627	19880535	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CRYL1	ENSG00000165475
13	19998302	19998620	19998461	11	15	4	3.753756286	0.0020497	CRYL1	ENSG00000165475
13	20039005	20039241	20039123	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	IFT88	ENSG00000032742
13	20245806	20246023	20245914	8	10	6	1.843362462	0.0964212	N6AMT2	ENSG00000150456
13	20396958	20397178	20397068	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000218382
13	20411952	20412148	20412096	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000219009
13	20415802	20416004	20415903	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000219009
13	20486786	20486997	20486891	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000201821
13	20533871	20534065	20533968	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LATS2	ENSG00000150457
13	20548259	20548572	20548407	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	LATS2	ENSG00000150457
13	20612507	20612805	20612647	11	15	2	6.256260476	0.000199274	SAP18	ENSG00000150459
13	20705188	20705684	20705488	50	71	5	14.07658607	5.17E-19		ENSG00000215572
13	20770044	20770515	20770209	10	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000218629
13	20949286	20949526	20949406	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000217248
13	21023064	21023356	21023210	9	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000207518
13	21110539	21110767	21110683	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000218366
13	21110878	21111239	21111057	22	29	1	17.59573259	1.33E-09		ENSG00000218366
13	21142776	21143015	21142895	9	9	7	1.466311049	0.20706	FGF9	ENSG00000102678
13	21226212	21226391	21226286	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222286

13	21486767	21487033	21486879	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000217355
13	21580471	21580698	21580584	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000219046
13	21798165	21798374	21798269	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000219046
13	22398568	22398841	22398740	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000220711
13	22451276	22451885	22451527	22	37	13	3.183989707	3.37E-05		ENSG00000223116
13	22492440	22492619	22492529	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000223116
13	22631428	22631679	22631544	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000207157
13	22632903	22633103	22633003	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207157
13	22684722	22685187	22685011	16	23	3	7.038293036	4.15E-06		ENSG00000219054
13	22797524	22797758	22797645	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	SACS	ENSG00000151835
13	22865106	22865411	22865258	8	10	0	12.90353723	0.000195991	SACS	ENSG00000151835
13	22871359	22871901	22871631	31	53	0	63.34463732	6.28E-19	SACS	ENSG00000151835
13	22960730	22960956	22960835	9	11	1	7.038293036	0.000674435	SACS	ENSG00000151835
13	23101702	23101920	23101854	13	13	4	3.28453675	0.00629037	TNFRSF19	ENSG00000127863
13	23126284	23126501	23126392	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TNFRSF19	ENSG00000127863
13	23188071	23188332	23188201	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MIPEP	ENSG00000027001
13	23223656	23223871	23223772	11	13	4	3.28453675	0.00629037	MIPEP	ENSG00000027001
13	23261019	23261278	23261115	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217247
13	23599376	23599842	23599746	9	18	6	3.183989707	0.00227432		ENSG00000218467
13	23621054	23621275	23621153	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000215564
13	23701060	23701368	23701214	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SPATA13	ENSG00000182957
13	23779424	23779645	23779545	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C1QTNF9	ENSG00000205850
13	23983605	23983990	23983815	14	19	0	23.46097679	1.81E-07	PARP4	ENSG00000102699
13	24099355	24099610	24099482	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000211508
13	24120018	24120268	24120194	8	11	3	3.519146518	0.00788869	ATP12A	ENSG00000075673
13	24121395	24122110	24121796	50	88	4	20.88026934	2.58E-25	ATP12A	ENSG00000075673
13	24123979	24124240	24124109	17	19	4	4.692195357	0.000193572	ATP12A	ENSG00000075673
13	24131434	24131627	24131530	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ATP12A	ENSG00000075673
13	24132200	24132491	24132348	15	16	0	19.94183027	1.86E-06	ATP12A	ENSG00000075673
13	24143168	24143425	24143266	8	9	7	1.466311049	0.20706	ATP12A	ENSG00000075673
13	24200189	24200472	24200333	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000218470
13	24347085	24347493	24347325	14	20	1	12.31701281	1.03E-06	RNF17	ENSG00000132972
13	24386470	24386649	24386563	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CENPJ	ENSG00000151849
13	24394895	24395256	24395038	8	13	6	2.346097679	0.0266147	CENPJ	ENSG00000151849

13	24473583	24473796	24473684	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000217654
13	24474500	24474766	24474633	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217654
13	24557394	24557584	24557453	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PABPC3	ENSG00000151846
13	24586363	24586576	24586475	8	9	6	1.675784056	0.141978	PABPC3	ENSG00000151846
13	24694361	24694668	24694511	22	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000220865
13	24705101	24705379	24705243	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000221324
13	24759546	24759831	24759688	10	13	2	5.474227917	0.000747844	MTMR6	ENSG00000139505
13	24773792	24773989	24773890	8	8	2	3.519146518	0.017558	NUPL1	ENSG00000139496
13	24863575	24863772	24863658	8	8	2	3.519146518	0.017558	ATP8A2	ENSG00000132932
13	25046639	25046832	25046752	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000199767
13	25092083	25092363	25092223	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000199767
13	25131201	25131697	25131539	11	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000199767
13	25453263	25453535	25453423	8	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000223158
13	25658574	25658939	25658804	14	19	4	4.692195357	0.000193572	RNF6	ENSG00000127870
13	25694306	25694696	25694474	16	24	4	5.865244197	8.64E-06	RNF6	ENSG00000127870
13	25971461	25971652	25971552	8	9	5	1.955081399	0.0892323	WASF3	ENSG00000132970
13	26170933	26171134	26171047	8	9	6	1.675784056	0.141978	GPR12	ENSG00000132975
13	26344828	26345177	26345002	9	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000218019
13	26386906	26387443	26387114	32	48	3	14.36984828	1.11E-13		ENSG00000218019
13	26395587	26395901	26395743	10	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000218019
13	26444360	26444652	26444506	13	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000218572
13	26457550	26457777	26457669	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000218572
13	26723342	26723865	26723686	13	30	13	2.597465287	0.000910385	RPL21	ENSG00000122026
13	26742917	26743187	26743039	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	RASL11A	ENSG00000122035
13	26756364	26756547	26756455	8	8	5	1.759573259	0.13508	RASL11A	ENSG00000122035
13	26807570	26807934	26807749	26	33	3	9.970915134	4.56E-09		ENSG00000209438
13	26831438	26831677	26831610	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000209438
13	26834059	26834355	26834217	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000209438
13	26846897	26847105	26846976	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000201242
13	26852141	26852417	26852288	11	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000201242
13	26895908	26896114	26896015	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GTF3A	ENSG00000122034
13	26897942	26898290	26898127	9	13	6	2.346097679	0.0266147	GTF3A	ENSG00000122034
13	26922640	26922927	26922783	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	MTIF3	ENSG00000122033
13	26931591	26932111	26931751	26	46	46	1.173048839	0.220277	MTIF3	ENSG00000122033

13	27005320	27005602	27005462	9	10	3	3.225884308	0.0139466	MTIF3	ENSG00000122033
13	27049552	27049740	27049646	9	9	1	5.865244197	0.00272497	LNX2	ENSG00000139517
13	27091522	27091701	27091648	8	8	8	1.173048839	0.36929	LNX2	ENSG00000139517
13	27243056	27243460	27243222	40	48	2	19.15979771	1.17E-14	GSX1	ENSG00000169840
13	27298752	27298997	27298847	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000207330
13	27611459	27611641	27611550	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PAN3	ENSG00000152520
13	27785738	27785993	27785828	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000200840
13	28036255	28036649	28036421	17	23	3	7.038293036	4.15E-06		ENSG00000216743
13	28131146	28131409	28131277	9	12	5	2.541605819	0.0225912	POMP	ENSG00000132963
13	28225704	28225939	28225821	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220482
13	28328705	28328903	28328804	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000220482
13	28506542	28506756	28506618	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KIAA0774	ENSG00000132938
13	28826638	28826872	28826710	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000220322
13	28980406	28980734	28980618	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000179141
13	29066770	29066995	29066882	9	10	0	12.90353723	0.000195991	SLC7A1	ENSG00000139514
13	29186052	29186276	29186155	8	8	0	10.55743955	0.000925496	UBL3	ENSG00000122042
13	29205326	29205925	29205754	9	20	3	6.158506406	2.99E-05	UBL3	ENSG00000122042
13	29313670	29314111	29313890	13	22	8	2.997791478	0.00137524	UBL3	ENSG00000122042
13	29322474	29322706	29322582	8	9	4	2.346097679	0.050148	UBL3	ENSG00000122042
13	29378014	29378201	29378107	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000122043
13	29382483	29382668	29382543	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000122043
13	29390969	29391212	29391078	10	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000122043
13	29396183	29396639	29396468	22	35	13	3.016411301	8.94E-05		ENSG00000122043
13	29494884	29495242	29495125	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000122043
13	29544555	29544998	29544715	13	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000122043
13	29551335	29551772	29551514	11	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000122043
13	29584860	29585045	29584974	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000209486
13	29585213	29585456	29585328	11	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000209486
13	29597791	29597991	29597891	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000209486
13	29614861	29615127	29615060	8	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000209486
13	29814340	29814611	29814475	10	12	8	1.694403879	0.107291	KATNAL1	ENSG00000102781
13	29953499	29953705	29953602	8	8	6	1.508205651	0.203852	HMGB1	ENSG00000189403
13	29958649	29959041	29958828	13	21	8	2.867452718	0.00225035	HMGB1	ENSG00000189403
13	29977768	29977955	29977861	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000216481

13	30089302	30090176	30089999	26	58	12	5.32383704	1.22E-10	USPL1	ENSG00000132952
13	30215761	30215998	30215879	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30275014	30275325	30275178	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30337529	30337796	30337686	11	11	6	2.010940867	0.0640214	C13orf33	ENSG00000102802
13	30504602	30504938	30504767	23	26	6	4.524616952	2.63E-05		ENSG00000218269
13	30566898	30567106	30567002	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218269
13	30634306	30634637	30634471	9	14	8	1.955081399	0.0506438	HSPH1	ENSG00000120694
13	30896422	30896734	30896578	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000219235
13	31636782	31637126	31636954	9	14	9	1.759573259	0.0786014	FRY	ENSG00000073910
13	31637874	31638259	31638053	26	34	1	20.52835469	3.17E-11	FRY	ENSG00000073910
13	31718573	31718802	31718705	8	9	8	1.303387599	0.281715	FRY	ENSG00000073910
13	31740050	31740446	31740338	10	17	5	3.519146518	0.00167472	FRY	ENSG00000073910
13	31787347	31787958	31787652	9	24	5	4.887703497	2.90E-05	BRCA2	ENSG00000139618
13	31788065	31788244	31788169	8	8	2	3.519146518	0.017558	BRCA2	ENSG00000139618
13	31905000	31905284	31905142	12	13	2	5.474227917	0.000747844	N4BP2L1	ENSG00000139597
13	32010860	32011264	32011115	9	18	11	1.857327329	0.0427732	N4BP2L2	ENSG00000139617
13	32302052	32302289	32302173	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207325
13	32457005	32457458	32457231	16	24	11	2.443851749	0.00386428		ENSG00000218413
13	32466180	32466383	32466281	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KL	ENSG00000133116
13	32529780	32529976	32529841	8	8	4	2.111487911	0.0804809	KL	ENSG00000133116
13	32588772	32589077	32588913	9	13	3	4.105670938	0.00243034	STARD13	ENSG00000133121
13	32592005	32592739	32592470	34	64	14	5.083211637	3.32E-11	STARD13	ENSG00000133121
13	32757655	32757900	32757809	9	11	3	3.519146518	0.00788869	STARD13	ENSG00000133121
13	32817911	32818428	32818090	13	26	10	2.879301697	0.000816629	STARD13	ENSG00000133121
13	32822515	32822759	32822672	9	9	1	5.865244197	0.00272497	STARD13	ENSG00000133121
13	32917649	32917890	32917804	8	10	2	4.301179077	0.00512919	STARD13	ENSG00000133121
13	32919278	32919629	32919453	23	29	1	17.59573259	1.33E-09	STARD13	ENSG00000133121
13	33014399	33015313	33014922	14	42	7	6.305137511	4.93E-09	STARD13	ENSG00000133121
13	33114786	33115128	33114955	15	19	4	4.692195357	0.000193572	RFC3	ENSG00000133119
13	33169217	33169535	33169376	12	18	6	3.183989707	0.00227432	RFC3	ENSG00000133119
13	33196016	33196299	33196159	9	12	3	3.812408728	0.004404	RFC3	ENSG00000133119
13	33290040	33290488	33290224	13	22	5	4.496687217	9.59E-05	RFC3	ENSG00000133119
13	33412967	33413484	33413210	57	84	2	33.23638378	2.48E-26		ENSG00000222132
13	33627989	33628293	33628141	11	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000199196

13	34405630	34405902	34405766	11	12	1	7.624817456	0.000332769	NBEA	ENSG00000172915
13	35071442	35071847	35071668	19	30	3	9.091128505	3.63E-08	NBEA	ENSG00000172915
13	35102857	35103196	35103032	15	17	2	7.038293036	5.19E-05	NBEA	ENSG00000172915
13	35186447	35186650	35186577	8	9	3	2.932622098	0.0242899	NBEA	ENSG00000172915
13	35478528	35478751	35478703	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000209518
13	35556250	35556595	35556422	9	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000209518
13	35602667	35602896	35602806	11	12	3	3.812408728	0.004404	DCLK1	ENSG00000133083
13	35818794	35819078	35818936	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000120664
13	36208272	36208554	36208402	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000220531
13	36472721	36473077	36472867	13	17	11	1.759573259	0.0609179	EXOSC8	ENSG00000120699
13	37387138	37387542	37387325	35	44	4	10.55743955	1.32E-11	TRPC4	ENSG00000133107
13	37428777	37428966	37428871	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000217350
13	37662267	37662503	37662385	10	10	2	4.301179077	0.00512919	UFM1	ENSG00000120686
13	37818895	37819230	37819063	32	35	0	42.22975822	7.34E-13	UFM1	ENSG00000120686
13	37821741	37821946	37821914	8	11	3	3.519146518	0.00788869	UFM1	ENSG00000120686
13	37821958	37822187	37822084	10	11	6	2.010940867	0.0640214	UFM1	ENSG00000120686
13	37990530	37990709	37990619	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000216558
13	38007289	38007528	38007418	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000216558
13	38109003	38109223	38109113	9	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000216558
13	38128857	38129065	38128986	9	10	2	4.301179077	0.00512919	FREM2	ENSG00000150893
13	38156861	38157172	38157014	19	21	6	3.686724924	0.000453999	FREM2	ENSG00000150893
13	38158157	38158495	38158326	17	20	12	1.894925048	0.0317253	FREM2	ENSG00000150893
13	38207832	38208110	38207971	8	11	10	1.279689643	0.277323	FREM2	ENSG00000150893
13	38235983	38236198	38236090	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000212049
13	38393166	38393650	38393485	27	39	3	11.73048839	6.80E-11		ENSG00000217780
13	38509971	38510651	38510115	16	36	7	5.425350882	2.04E-07	C13orf23	ENSG00000120685
13	38984812	38985202	38984984	19	25	5	5.083211637	1.58E-05		ENSG00000209537
13	39184869	39185053	39184961	9	10	0	12.90353723	0.000195991	COG6	ENSG00000133103
13	39632794	39633047	39632920	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207458
13	39644407	39644717	39644553	11	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000207458
13	39705823	39706013	39705985	14	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000207458
13	39712387	39712713	39712550	17	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000207458
13	39805407	39805743	39805554	29	33	0	39.88366054	3.46E-12		ENSG00000207458
13	39857631	39858117	39857810	18	29	2	11.73048839	1.18E-08		ENSG00000215483

13	40132343	40132547	40132406	8	10	1	6.451768616	0.00135978	FOXO1	ENSG00000150907
13	40243209	40243522	40243362	18	22	9	2.69801233	0.00276236	MRPS31	ENSG00000102738
13	40393813	40394121	40393967	9	14	4	3.519146518	0.00361132	SUGT1L1	ENSG00000168852
13	40466134	40466508	40466329	17	24	8	3.258468998	0.000499412		ENSG00000220844
13	40533261	40533665	40533546	13	23	6	4.021881735	0.000148535	WBP4	ENSG00000120688
13	40604690	40605160	40605021	15	21	5	4.301179077	0.000172642	KBTBD6	ENSG00000165572
13	40617604	40618036	40617857	41	52	3	15.54289712	6.25E-15	KBTBD6	ENSG00000165572
13	40666594	40666858	40666692	9	11	8	1.564065119	0.151515	KBTBD7	ENSG00000120696
13	40735588	40735820	40735765	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	MTRF1	ENSG00000120662
13	40874679	40875111	40874848	43	53	4	12.66892746	2.41E-14		ENSG00000218901
13	40886361	40886572	40886425	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000205240
13	40931179	40931376	40931277	8	10	4	2.580707446	0.0306059	C13orf15	ENSG00000102760
13	41140377	41140570	41140449	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221194
13	41275138	41275532	41275353	38	47	1	28.15317214	1.78E-15		ENSG00000223066
13	41433485	41433740	41433593	9	12	3	3.812408728	0.004404	KIAA0564	ENSG00000102763
13	41743706	41743890	41743830	8	8	4	2.111487911	0.0804809	AKAP11	ENSG0000023516
13	41806450	41806636	41806543	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000174104
13	42356081	42356266	42356146	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217498
13	42475176	42475428	42475322	9	10	0	12.90353723	0.000195991	EPSTI1	ENSG00000133106
13	42495669	42496026	42495847	9	15	2	6.256260476	0.000199274	DNAJC15	ENSG00000120675
13	43259104	43259354	43259229	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ENOX1	ENSG00000120658
13	43352038	43352252	43352164	10	10	3	3.225884308	0.0139466	C13orf31	ENSG00000179630
13	43613945	43614250	43614096	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000139656
13	43809150	43809379	43809259	10	11	1	7.038293036	0.000674435	SERP2	ENSG00000151778
13	43875550	43876139	43875697	18	30	14	2.424300935	0.00163956	SERP2	ENSG00000151778
13	43907361	43907744	43907512	13	20	4	4.926805125	0.00010522	TSC22D1	ENSG00000102804
13	43908715	43908943	43908857	9	10	6	1.843362462	0.0964212	TSC22D1	ENSG00000102804
13	43909190	43909470	43909321	11	13	4	3.28453675	0.00629037	TSC22D1	ENSG00000102804
13	44231012	44231439	44231211	10	19	0	23.46097679	1.81E-07		ENSG00000209569
13	44231742	44232095	44232012	8	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000209569
13	44232232	44232411	44232321	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000209569
13	44232621	44232804	44232710	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209569
13	44290710	44290898	44290760	8	8	5	1.759573259	0.13508	NUFIP1	ENSG00000083635
13	44325828	44326020	44325910	8	8	2	3.519146518	0.017558	NUFIP1	ENSG00000083635

13	44389827	44390550	44390058	18	41	25	1.894925048	0.00446278	NUFIP1	ENSG00000083635
13	44461525	44461799	44461633	20	22	6	3.854303329	0.000260696	KIAA1704	ENSG00000133114
13	44592263	44592589	44592426	12	17	0	21.11487911	8.57E-07	GTF2F2	ENSG00000188342
13	44608886	44609165	44609025	10	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000201061
13	44640464	44640702	44640596	10	11	5	2.346097679	0.0364013	KCTD4	ENSG00000180332
13	44781624	44781826	44781743	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000221163
13	44783193	44783461	44783282	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000221163
13	44813540	44813893	44813716	14	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000170919
13	44890637	44890865	44890751	10	11	1	7.038293036	0.000674435	SLC25A30	ENSG00000174032
13	44936713	44937030	44936877	15	20	5	4.105670938	0.000308509	COG3	ENSG00000136152
13	44983809	44984049	44983929	14	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000200709
13	44999956	45000146	45000051	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000200709
13	45201030	45201224	45201153	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209627
13	45245343	45245622	45245476	12	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000209627
13	45284112	45284374	45284217	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000215475
13	45324905	45325154	45325033	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000215475
13	45524742	45525167	45524921	24	32	14	2.580707446	0.000690197	ZC3H13	ENSG00000123200
13	45592206	45592588	45592385	21	28	15	2.126151021	0.00621236	CPB2	ENSG00000080618
13	45593816	45594241	45594062	15	23	12	2.165628626	0.0100985	CPB2	ENSG00000080618
13	45598744	45598988	45598851	11	13	4	3.28453675	0.00629037	CPB2	ENSG00000080618
13	45607258	45607680	45607507	24	33	13	2.848832895	0.000231281	CPB2	ENSG00000080618
13	45615347	45615608	45615477	15	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000209631
13	45632697	45633033	45632865	9	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000209631
13	45654603	45654906	45654736	11	14	4	3.519146518	0.00361132	LCP1	ENSG00000136167
13	45656585	45656828	45656705	10	12	2	5.083211637	0.00143337	LCP1	ENSG00000136167
13	46018685	46018864	46018774	8	9	11	0.977540699	0.526123	LRCH1	ENSG00000136141
13	46023654	46024063	46023872	19	28	14	2.267894423	0.00376222	LRCH1	ENSG00000136141
13	46024908	46025391	46025161	14	25	15	1.906204364	0.0188347	LRCH1	ENSG00000136141
13	46026669	46027054	46026875	8	16	9	1.994183027	0.0370915	LRCH1	ENSG00000136141
13	46087564	46088438	46087941	28	70	8	9.254051955	2.43E-16	LRCH1	ENSG00000136141
13	46120425	46120710	46120532	14	17	6	3.016411301	0.00381427	LRCH1	ENSG00000136141
13	46131960	46132260	46132130	19	21	11	2.150589539	0.0135908	LRCH1	ENSG00000136141
13	46144878	46145088	46144987	9	9	7	1.466311049	0.20706	LRCH1	ENSG00000136141
13	46160043	46160253	46160148	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ESD	ENSG00000139684



13	46177715	46177894	46177804	8	8	6	1.508205651	0.203852	ESD	ENSG00000139684
13	46189137	46189413	46189275	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ESD	ENSG00000139684
13	46189533	46189745	46189641	10	10	8	1.433726359	0.209175	ESD	ENSG00000139684
13	46193530	46193813	46193688	8	11	13	1.005470434	0.498567	ESD	ENSG00000139684
13	46203770	46204072	46203912	12	12	5	2.541605819	0.0225912	ESD	ENSG00000139684
13	46204903	46205099	46205001	9	10	7	1.612942154	0.147335	ESD	ENSG00000139684
13	46213946	46214125	46214057	8	8	2	3.519146518	0.017558	ESD	ENSG00000139684
13	46233393	46233693	46233543	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ESD	ENSG00000139684
13	46236274	46236528	46236353	9	11	15	0.879786629	0.637414	ESD	ENSG00000139684
13	46268262	46268642	46268392	8	13	11	1.368556979	0.211388	ESD	ENSG00000139684
13	46268739	46269264	46268931	11	25	6	4.357038546	4.72E-05	ESD	ENSG00000139684
13	46269313	46269569	46269446	13	15	7	2.346097679	0.0195693	ESD	ENSG00000139684
13	46269649	46269873	46269727	8	8	8	1.173048839	0.36929	ESD	ENSG00000139684
13	46271862	46272083	46271972	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ESD	ENSG00000139684
13	46319034	46319213	46319154	8	10	3	3.225884308	0.0139466	HTR2A	ENSG00000102468
13	46322612	46322944	46322779	9	13	5	2.737113958	0.0137917	HTR2A	ENSG00000102468
13	46327409	46327683	46327546	8	10	4	2.580707446	0.0306059	HTR2A	ENSG00000102468
13	46338330	46338698	46338502	12	17	8	2.346097679	0.0144542	HTR2A	ENSG00000102468
13	46366230	46366501	46366338	11	13	8	1.824742639	0.0744168	HTR2A	ENSG00000102468
13	46446032	46446338	46446168	9	12	12	1.173048839	0.343543		ENSG00000209653
13	46464515	46464933	46464754	12	19	9	2.346097679	0.0107159		ENSG00000209653
13	46534683	46534894	46534737	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000209653
13	47538519	47539170	47538882	74	112	0	132.5545188	8.15E-39	MED4	ENSG00000136146
13	47544386	47544820	47544591	56	72	0	85.63256527	2.48E-25	MED4	ENSG00000136146
13	47567046	47567384	47567215	9	14	3	4.398933147	0.00132748	MED4	ENSG00000136146
13	47603720	47603900	47603836	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214488
13	47628617	47628965	47628791	18	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000214488
13	48916430	48916669	48916533	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SETDB2	ENSG00000136169
13	49141980	49142191	49142125	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000203547
13	49685453	49686049	49685870	18	36	3	10.85070176	5.62E-10		ENSG00000220558
13	49733767	49734050	49733943	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000220558
13	49829982	49830205	49830093	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000217189
13	49900452	49900663	49900557	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000221198
13	50001406	50001940	50001676	111	150	2	59.04345825	4.34E-48		ENSG00000221198

13	50116545	50116732	50116638	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200711
13	50203584	50203888	50203731	24	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000200711
13	51055942	51056199	51056110	10	13	1	8.211341875	0.000163445	WDFY2	ENSG00000139668
13	51068965	51069191	51069100	14	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000213991
13	51298772	51299069	51298925	15	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000180358
13	51498670	51499116	51498778	12	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000214320
13	51666462	51666673	51666615	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000220040
13	51683480	51683866	51683719	38	45	1	26.9801233	8.07E-15		ENSG00000220040
13	52185981	52186160	52186070	8	8	3	2.639359888	0.0415794	LECT1	ENSG00000136110
13	52689432	52689632	52689532	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000218221
13	54219381	54219761	54219583	9	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000136149
13	59801836	59802029	59801932	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000216750
13	59869104	59869442	59869273	8	12	1	7.624817456	0.000332769	TDRD3	ENSG00000083544
13	64236336	64236515	64236430	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214269
13	64736305	64736581	64736428	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000214266
13	64890234	64890424	64890304	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214266
13	65399196	65399393	65399303	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221685
13	67770257	67770496	67770376	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000220172
13	68399568	68399872	68399720	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000219035
13	71569721	71570099	71569881	33	39	1	23.46097679	7.43E-13		ENSG00000200037
13	72538141	72538355	72538248	9	9	2	3.910162798	0.00955088	KLF5	ENSG00000102554
13	72759194	72759439	72759316	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000206697
13	72871494	72871707	72871604	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000218304
13	72985832	72986297	72986093	49	62	0	73.90207688	5.82E-22		ENSG00000218304
13	73075793	73076155	73075988	38	44	0	52.78719777	6.79E-16		ENSG00000218304
13	73508685	73508900	73508797	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KLF12	ENSG00000118922
13	75044005	75044243	75044124	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000200880
13	75177101	75177284	75177203	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000217049
13	75994187	75994561	75994382	15	22	4	5.396024661	3.05E-05	KCTD12	ENSG00000178695
13	76615652	76615931	76615806	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FBXL3	ENSG00000005812
13	76799263	76799456	76799359	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MYCBP2	ENSG00000005810
13	80614820	80615037	80614944	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222486
13	81764536	81764795	81764665	8	9	8	1.303387599	0.281715		
13	81777797	81777990	81777954	8	8	2	3.519146518	0.017558		

13	83413768	83414223	83413982	71	82	3	24.34076342	1.75E-24		ENSG00000220449
13	84580526	84580949	84580705	31	40	0	48.09500241	1.51E-14		ENSG00000207012
13	87855968	87856270	87856121	16	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000218326
13	88688765	88689090	88688925	18	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000216336
13	90042209	90042521	90042369	14	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000209120
13	93795666	93795966	93795814	28	30	2	12.12150467	5.77E-09		ENSG00000212057
13	93999856	94000214	94000035	8	13	4	3.28453675	0.00629037	TGDS	ENSG00000088451
13	94046276	94046627	94046451	13	18	1	11.14396397	4.44E-06	TGDS	ENSG00000088451
13	94383575	94383839	94383707	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000216894
13	94561480	94561697	94561604	14	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000210254
13	94928847	94929072	94929006	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	CLDN10	ENSG00000134873
13	95554898	95555083	95554990	9	9	0	11.73048839	0.000425898	HS6ST3	ENSG00000185352
13	96560180	96560422	96560309	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000210327
13	96584315	96584721	96584446	9	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000210327
13	96591911	96592205	96592058	14	17	10	1.919534464	0.0400548	MBNL2	ENSG00000139793
13	96625415	96625599	96625554	9	9	3	2.932622098	0.0242899	MBNL2	ENSG00000139793
13	96882906	96883246	96883082	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	RAP2A	ENSG00000125249
13	96883772	96883986	96883879	12	12	4	3.049926982	0.0108184	RAP2A	ENSG00000125249
13	97866637	97867011	97866797	10	17	5	3.519146518	0.00167472	STK24	ENSG00000102572
13	98109825	98110206	98110035	18	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000223127
13	98284993	98285244	98285114	16	17	0	21.11487911	8.57E-07	DOCK9	ENSG00000088387
13	98948716	98949103	98948895	8	15	3	4.692195357	0.000718455	TM9SF2	ENSG00000125304
13	98951223	98951837	98951400	12	29	7	4.398933147	1.30E-05	TM9SF2	ENSG00000125304
13	98966656	98966835	98966702	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TM9SF2	ENSG00000125304
13	99500637	99500983	99500810	22	27	2	10.94845583	4.90E-08		ENSG00000220223
13	99709168	99709431	99709329	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PCCA	ENSG00000175198
13	102047210	102047459	102047349	8	11	3	3.519146518	0.00788869	TPP2	ENSG00000134900
13	102137901	102138203	102138052	16	19	1	11.73048839	2.14E-06	C13orf39	ENSG00000139780
13	102295953	102296192	102296080	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ERCC5	ENSG00000134899
13	103153114	103153324	103153241	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000219505
13	106150868	106151127	106151006	11	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000179360
13	106309867	106310232	106310053	12	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000174408
13	106311395	106311906	106311650	9	19	0	23.46097679	1.81E-07		ENSG00000174408
13	106519798	106520045	106519872	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221316

13	107668552	107668834	107668689	9	12	5	2.541605819	0.0225912	LIG4	ENSG00000174405
13	107855300	107855492	107855357	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000217251
13	108150911	108151117	108151021	10	10	4	2.580707446	0.0306059	MYO16	ENSG00000041515
13	108362323	108362650	108362477	8	9	4	2.346097679	0.050148	MYO16	ENSG00000041515
13	108369460	108369742	108369571	10	13	11	1.368556979	0.211388	MYO16	ENSG00000041515
13	108369931	108370198	108370036	8	11	6	2.010940867	0.0640214	MYO16	ENSG00000041515
13	108585432	108585631	108585575	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000222110
13	109188666	109188885	109188752	12	12	3	3.812408728	0.004404	IRS2	ENSG00000185950
13	109449033	109449469	109449196	15	24	3	7.331555246	2.13E-06		ENSG00000201161
13	109450652	109450831	109450738	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000201161
13	109573250	109573609	109573430	18	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000222584
13	110047774	110048031	110047883	10	11	4	2.815317214	0.0183428	CARKD	ENSG00000213995
13	110394754	110394949	110394851	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000220095
13	111892398	111892593	111892495	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SOX1	ENSG00000182968
13	112418138	112418317	112418241	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ATP11A	ENSG00000068650
13	112633802	112634093	112633939	10	11	2	4.692195357	0.00272444	MCF2L	ENSG00000126217
13	112703836	112704087	112703961	8	10	4	2.580707446	0.0306059	MCF2L	ENSG00000126217
13	112715798	112716115	112715954	14	17	6	3.016411301	0.00381427	MCF2L	ENSG00000126217
13	113151567	113151771	113151626	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ADPRHL1	ENSG00000153531
13	113241061	113241310	113241221	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TFDP1	ENSG00000198176
13	113573015	113574113	113573538	121	200	0	235.7828167	1.77E-68	GAS6	ENSG00000183087
13	113815787	113816038	113815912	10	10	0	12.90353723	0.000195991	RASA3	ENSG00000185989
13	113819343	113819785	113819513	16	25	3	7.624817456	1.09E-06	RASA3	ENSG00000185989
13	113848957	113849163	113849060	9	9	2	3.910162798	0.00955088	RASA3	ENSG00000185989
13	113995217	113995405	113995308	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CDC16	ENSG00000130177
13	114018278	114018467	114018332	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CDC16	ENSG00000130177
13	114127673	114127925	114127825	21	22	0	26.9801233	1.77E-08	ZNF828	ENSG00000198824
14	19843866	19844080	19843950	9	12	2	5.083211637	0.00143337	TTC5	ENSG00000136319
14	19951191	19951752	19951468	9	17	3	5.278719777	0.000205462	TEP1	ENSG00000129566
14	20147353	20147610	20147481	9	9	5	1.955081399	0.0892323	RNASE12	ENSG00000206171
14	20151184	20151480	20151324	11	13	6	2.346097679	0.0266147	RNASE12	ENSG00000206171
14	20151607	20151900	20151766	8	12	4	3.049926982	0.0108184	RNASE12	ENSG00000206171
14	20289933	20290399	20290157	56	78	0	92.67085831	2.35E-27	FAM12A	ENSG00000181562
14	20358327	20358802	20358564	27	41	0	49.26805125	6.97E-15	RNASE1	ENSG00000129538

14	20578145	20578352	20578232	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RNASE7	ENSG00000165799
14	20580138	20580336	20580207	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RNASE7	ENSG00000165799
14	20582375	20582588	20582481	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RNASE7	ENSG00000165799
14	20635161	20635631	20635353	21	36	5	7.233801176	1.48E-08	ZNF219	ENSG00000165804
14	20636676	20636946	20636814	18	19	5	3.910162798	0.000546977	ZNF219	ENSG00000165804
14	20884634	20884911	20884772	9	9	1	5.865244197	0.00272497	RPGRIP1	ENSG00000092200
14	20922018	20922360	20922185	9	14	3	4.398933147	0.00132748	SUPT16H	ENSG00000092201
14	20994067	20994481	20994237	14	23	6	4.021881735	0.000148535	TOX4	ENSG00000092203
14	21095590	21095803	21095733	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000215307
14	21309809	21310038	21309906	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000211780
14	21585295	21585483	21585428	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000211801
14	21595875	21596075	21595972	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000211801
14	21638362	21638605	21638517	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000211804
14	21872281	21872581	21872437	14	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000211820
14	22011980	22012181	22012131	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000211831
14	22058196	22058531	22058358	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000211865
14	22075583	22076165	22075929	46	65	8	8.602358155	6.85E-15		ENSG00000211882
14	22305422	22305812	22305633	10	18	5	3.714654658	0.000961539	OXA1L	ENSG00000155463
14	22378206	22378547	22378381	18	22	0	26.9801233	1.77E-08	MMP14	ENSG00000157227
14	22392148	22392515	22392289	8	14	11	1.466311049	0.15926		ENSG00000212335
14	22410240	22410968	22410580	10	27	3	8.211341875	2.82E-07	LRP10	ENSG00000197324
14	22468529	22468772	22468650	8	10	7	1.612942154	0.147335	PRMT5	ENSG00000100462
14	22469451	22469677	22469564	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PRMT5	ENSG00000100462
14	22521684	22522038	22521861	13	18	2	7.429309316	2.63E-05	JUB	ENSG00000129474
14	22545969	22546174	22546119	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C14orf93	ENSG00000100802
14	22573904	22574124	22574014	9	12	9	1.524963491	0.154777	PSMB5	ENSG00000100804
14	22597141	22597423	22597282	12	15	3	4.692195357	0.000718455	CDH24	ENSG00000139880
14	22607899	22608348	22608012	8	15	7	2.346097679	0.0195693	ACIN1	ENSG00000100813
14	22659968	22660181	22660074	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CEBPE	ENSG00000092067
14	23128119	23128372	23128245	8	11	2	4.692195357	0.00272444	JPH4	ENSG00000092051
14	23170808	23171385	23171101	37	60	2	23.85199307	1.61E-18	DHRS2	ENSG00000100867
14	23209531	23209978	23209781	39	53	1	31.67231866	1.89E-17	DHRS2	ENSG00000100867
14	23679971	23680300	23680135	9	13	3	4.105670938	0.00243034	FAM158A	ENSG00000100908
14	23727874	23728090	23727982	8	9	4	2.346097679	0.050148	IPO4	ENSG00000196497

14	23752387	23752719	23752590	9	13	3	4.105670938	0.00243034	CHMP4A	ENSG00000100931
14	23755040	23755266	23755162	13	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000213920
14	23810165	23810539	23810360	19	26	2	10.55743955	9.97E-08	RABGGTA	ENSG00000100949
14	23906268	23906496	23906345	8	8	2	3.519146518	0.017558	NFATC4	ENSG00000100968
14	23935194	23935712	23935537	57	77	2	30.49926982	4.81E-24	KIAA1305	ENSG00000205978
14	23951252	23951451	23951351	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000092028
14	24218050	24218323	24218228	9	11	3	3.519146518	0.00788869	GZMB	ENSG00000100453
14	29261164	29261400	29261265	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000209485
14	29762389	29762585	29762490	8	8	5	1.759573259	0.13508	PRKD1	ENSG00000184304
14	29791951	29792315	29792163	20	25	0	30.49926982	1.72E-09	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29809527	29809864	29809695	10	15	3	4.692195357	0.000718455	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29822892	29823109	29823000	8	8	4	2.111487911	0.0804809	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29834946	29835236	29835078	19	19	2	7.820325595	1.32E-05	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29914319	29914546	29914432	9	12	2	5.083211637	0.00143337	KIAA1333	ENSG00000092140
14	30097818	30098211	30098032	10	17	3	5.278719777	0.000205462	KIAA1333	ENSG00000092140
14	30161169	30161486	30161327	9	13	6	2.346097679	0.0266147	SCFD1	ENSG00000092108
14	30611978	30612229	30612103	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	HECTD1	ENSG00000092148
14	30746914	30747200	30747033	10	13	5	2.737113958	0.0137917	HECTD1	ENSG00000092148
14	30959634	30959842	30959740	9	9	3	2.932622098	0.0242899	HEATR5A	ENSG00000129493
14	30988982	30989262	30989122	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	C14orf126	ENSG00000129480
14	30995995	30996400	30996261	12	18	5	3.714654658	0.000961539	C14orf126	ENSG00000129480
14	31100226	31100564	31100395	10	15	8	2.085420159	0.0338693	NUBPL	ENSG00000151413
14	31358339	31358528	31358433	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000207412
14	31473678	31473900	31473789	8	10	6	1.843362462	0.0964212	C14orf128	ENSG00000176127
14	31559925	31560295	31560055	24	30	2	12.12150467	5.77E-09	C14orf128	ENSG00000176127
14	31612627	31612894	31612745	8	9	7	1.466311049	0.20706	C14orf128	ENSG00000176127
14	31615155	31615752	31615460	16	31	5	6.256260476	3.74E-07	C14orf128	ENSG00000176127
14	31625090	31625290	31625131	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ARHGAP5	ENSG00000100852
14	31742048	31742472	31742227	13	22	8	2.997791478	0.00137524		ENSG00000202337
14	31798698	31799062	31798877	14	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000202337
14	31846830	31847186	31847008	12	17	9	2.111487911	0.0248715	AKAP6	ENSG00000151320
14	31883029	31883376	31883202	22	26	3	7.918079665	5.55E-07	AKAP6	ENSG00000151320
14	31884190	31884885	31884464	154	202	7	29.7661143	1.67E-58	AKAP6	ENSG00000151320
14	32099135	32099478	32099313	21	25	4	6.099853964	4.56E-06		ENSG00000209554

14	32284528	32284821	32284672	18	20	1	12.31701281	1.03E-06	NPAS3	ENSG00000151322
14	32532844	32533141	32532992	13	18	1	11.14396397	4.44E-06	NPAS3	ENSG00000151322
14	32798600	32798873	32798736	11	14	4	3.519146518	0.00361132	NPAS3	ENSG00000151322
14	33052849	33053032	33052940	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NPAS3	ENSG00000151322
14	33215035	33215418	33215226	11	19	6	3.351568112	0.00134187	EGLN3	ENSG00000129521
14	33248782	33248964	33248840	10	11	7	1.759573259	0.102361	EGLN3	ENSG00000129521
14	33266940	33267213	33267076	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	EGLN3	ENSG00000129521
14	33316427	33316810	33316662	9	14	4	3.519146518	0.00361132	EGLN3	ENSG00000129521
14	33320323	33320699	33320520	17	24	5	4.887703497	2.90E-05	EGLN3	ENSG00000129521
14	33489863	33490316	33490232	11	20	1	12.31701281	1.03E-06	EGLN3	ENSG00000129521
14	33617083	33617367	33617239	13	16	2	6.647276756	0.000101928	EGLN3	ENSG00000129521
14	33652180	33652365	33652272	8	9	2	3.910162798	0.00955088	EGLN3	ENSG00000129521
14	33666168	33666347	33666257	9	9	3	2.932622098	0.0242899	EGLN3	ENSG00000129521
14	33718724	33719014	33718869	9	13	7	2.052835469	0.046392	EGLN3	ENSG00000129521
14	33836555	33837209	33836914	198	260	4	61.23314941	1.83E-81	C14orf147	ENSG00000165389
14	33837234	33837464	33837364	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	C14orf147	ENSG00000165389
14	33870717	33871349	33870896	13	31	13	2.68125449	0.000581082	C14orf147	ENSG00000165389
14	33894598	33894872	33894735	13	14	3	4.398933147	0.00132748	C14orf147	ENSG00000165389
14	33907192	33907395	33907293	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C14orf147	ENSG00000165389
14	33907622	33907911	33907766	10	13	8	1.824742639	0.0744168	C14orf147	ENSG00000165389
14	34019956	34020192	34020097	11	13	3	4.105670938	0.00243034	C14orf147	ENSG00000165389
14	34078287	34078767	34078578	12	21	0	25.80707446	3.84E-08	EAPP	ENSG00000129518
14	34382130	34382360	34382245	12	13	3	4.105670938	0.00243034	BAZ1A	ENSG00000198604
14	34414052	34414454	34414295	14	19	7	2.932622098	0.00293566	BAZ1A	ENSG00000198604
14	34660605	34661024	34660845	11	20	7	3.079253203	0.00177418	PPP2R3C	ENSG00000092020
14	34753358	34753675	34753512	19	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000203598
14	34871040	34871293	34871157	10	11	4	2.815317214	0.0183428	PSMA6	ENSG00000100902
14	34875738	34876234	34875968	21	35	15	2.639359888	0.000336887	PSMA6	ENSG00000100902
14	34879908	34880101	34880004	9	9	7	1.466311049	0.20706	PSMA6	ENSG00000100902
14	34880481	34880891	34880712	10	18	6	3.183989707	0.00227432	PSMA6	ENSG00000100902
14	34880926	34881112	34880950	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PSMA6	ENSG00000100902
14	34881429	34881678	34881553	12	13	2	5.474227917	0.000747844	PSMA6	ENSG00000100902
14	34892818	34893097	34892962	13	14	2	5.865244197	0.000387308	NFKBIA	ENSG00000100906
14	34913551	34913735	34913636	9	9	1	5.865244197	0.00272497	NFKBIA	ENSG00000100906

14	34924626	34924856	34924746	8	11	4	2.815317214	0.0183428	NFKBIA	ENSG00000100906
14	34932865	34933158	34932992	8	12	4	3.049926982	0.0108184	NFKBIA	ENSG00000100906
14	34937153	34937409	34937281	9	11	9	1.407658607	0.210479	NFKBIA	ENSG00000100906
14	34942620	34942883	34942729	9	12	2	5.083211637	0.00143337	NFKBIA	ENSG00000100906
14	34943648	34943873	34943757	11	11	4	2.815317214	0.0183428	NFKBIA	ENSG00000100906
14	35034157	35034370	35034282	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000214927
14	35208842	35209281	35209029	15	24	7	3.665777623	0.000215502		ENSG00000209579
14	35359040	35359219	35359146	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BRMS1L	ENSG00000100916
14	35365200	35366117	35365871	17	41	11	4.105670938	7.64E-07	BRMS1L	ENSG00000100916
14	35423042	35423258	35423150	8	11	1	7.038293036	0.000674435	BRMS1L	ENSG00000100916
14	35559175	35559388	35559281	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212071
14	35596645	35596916	35596785	14	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000212071
14	35609459	35609674	35609566	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000212071
14	35789176	35789414	35789295	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209588
14	35859417	35859781	35859665	9	15	5	3.128130238	0.00492422	MBIP	ENSG00000151332
14	35913046	35913285	35913151	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000188831
14	36144067	36144259	36144163	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000201395
14	36200502	36201096	36200924	11	25	11	2.541605819	0.00248721	PAX9	ENSG00000198807
14	36310306	36310485	36310389	8	8	2	3.519146518	0.017558	PAX9	ENSG00000198807
14	36359913	36360384	36360103	66	82	3	24.34076342	1.75E-24	PAX9	ENSG00000198807
14	36394926	36395757	36395265	11	34	6	5.865244197	2.06E-07	PAX9	ENSG00000198807
14	36483678	36483973	36483825	8	11	5	2.346097679	0.0364013	SLC25A21	ENSG00000183032
14	36710986	36711466	36711169	18	28	4	6.803683268	6.55E-07	SLC25A21	ENSG00000183032
14	36975521	36975833	36975677	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000207046
14	36987163	36987408	36987252	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207046
14	37105635	37105931	37105783	12	15	4	3.753756286	0.0020497	FOXA1	ENSG00000129514
14	37105955	37106371	37106134	25	35	9	4.222975822	3.17E-06	FOXA1	ENSG00000129514
14	37122641	37122860	37122778	11	13	3	4.105670938	0.00243034	FOXA1	ENSG00000129514
14	37123055	37123348	37123200	9	13	6	2.346097679	0.0266147	FOXA1	ENSG00000129514
14	37127197	37127447	37127330	9	11	5	2.346097679	0.0364013	FOXA1	ENSG00000129514
14	37128440	37128619	37128499	8	9	6	1.675784056	0.141978	FOXA1	ENSG00000129514
14	37133104	37133646	37133283	25	44	17	2.932622098	2.03E-05	FOXA1	ENSG00000129514
14	37134393	37135552	37135136	36	104	45	2.677611481	2.48E-09	FOXA1	ENSG00000129514
14	37138340	37138670	37138505	10	13	11	1.368556979	0.211388	FOXA1	ENSG00000129514



14	37138800	37139224	37139045	13	21	5	4.301179077	0.000172642	FOXA1	ENSG00000129514
14	37140082	37140346	37140170	8	9	6	1.675784056	0.141978	FOXA1	ENSG00000129514
14	37155790	37156193	37156004	60	76	5	15.05412677	1.47E-20	FOXA1	ENSG00000129514
14	37162601	37162864	37162755	12	15	18	0.987830602	0.518173	FOXA1	ENSG00000129514
14	37180070	37180439	37180277	19	24	26	1.086156333	0.384927	FOXA1	ENSG00000129514
14	37189206	37190079	37189562	25	56	34	1.910393824	0.00104911	FOXA1	ENSG00000129514
14	37259186	37259641	37259357	9	19	0	23.46097679	1.81E-07		ENSG00000200385
14	37384563	37384783	37384662	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000201431
14	37413514	37413923	37413817	8	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000201431
14	37478665	37478849	37478770	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000201431
14	37524854	37525073	37524963	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000201431
14	37644109	37644365	37644252	12	15	7	2.346097679	0.0195693	SSTR1	ENSG00000139874
14	38201842	38202140	38201991	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000199285
14	38255824	38256156	38255990	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000199285
14	38260902	38261207	38261037	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000199285
14	38562553	38563387	38562965	25	62	1	36.95103844	2.04E-20		ENSG00000199285
14	38641585	38641779	38641632	8	8	7	1.319679944	0.283403	SEC23A	ENSG00000100934
14	38642085	38642405	38642245	11	14	3	4.398933147	0.00132748	SEC23A	ENSG00000100934
14	38709022	38709569	38709195	11	26	4	6.334463732	2.40E-06	TRAPPC6B	ENSG00000182400
14	38713934	38714387	38714097	14	20	10	2.239456875	0.0121685	PNN	ENSG00000100941
14	38727090	38727412	38727239	34	36	2	14.46760235	7.62E-11	PNN	ENSG00000100941
14	38805651	38806300	38805985	13	28	13	2.429886881	0.00217891	CTAGE5	ENSG00000150527
14	38806346	38806541	38806448	9	9	9	1.173048839	0.362316	CTAGE5	ENSG00000150527
14	38907410	38907640	38907563	12	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000205900
14	38971596	38971834	38971715	9	10	5	2.150589539	0.0575848	FBXO33	ENSG00000165355
14	39207230	39207529	39207379	19	23	1	14.07658607	1.14E-07	FBXO33	ENSG00000165355
14	39423399	39423605	39423447	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FBXO33	ENSG00000165355
14	39752713	39752928	39752775	10	10	9	1.290353723	0.279648		
14	39760437	39760704	39760570	9	12	5	2.541605819	0.0225912		
14	39907384	39907661	39907540	10	11	8	1.564065119	0.151515		
14	39986047	39986333	39986183	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		
14	40609486	40609683	40609544	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221695
14	40676742	40677049	40676893	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000221695
14	41148813	41149052	41148932	9	11	5	2.346097679	0.0364013	LRFN5	ENSG00000165379

14	41174420	41174620	41174520	8	8	2	3.519146518	0.017558	LRFN5	ENSG00000165379
14	41175739	41175978	41175815	13	15	2	6.256260476	0.000199274	LRFN5	ENSG00000165379
14	43042634	43042838	43042715	8	8	2	3.519146518	0.017558		
14	43080147	43080370	43080231	8	10	1	6.451768616	0.00135978		
14	43160217	43160569	43160393	16	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000205898
14	43319556	43319901	43319728	9	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000205898
14	43647531	43647896	43647710	32	39	1	23.46097679	7.43E-13		ENSG00000205898
14	43855936	43856217	43856054	9	11	2	4.692195357	0.00272444	FSCB	ENSG00000189139
14	44452613	44452939	44452762	13	15	5	3.128130238	0.00492422	C14orf28	ENSG00000179476
14	44500160	44500459	44500309	9	12	2	5.083211637	0.00143337	KLHL28	ENSG00000179454
14	44623031	44623218	44623205	9	10	5	2.150589539	0.0575848	PRPF39	ENSG00000185246
14	44672973	44673152	44673062	8	8	8	1.173048839	0.36929	FKBP3	ENSG00000100442
14	44674630	44675051	44674840	9	17	8	2.346097679	0.0144542	FANCM	ENSG00000187790
14	44792032	44792312	44792172	12	14	5	2.932622098	0.00829617	C14orf106	ENSG00000129534
14	44894661	44894958	44894793	16	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000199739
14	45254305	45254617	45254463	19	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000199739
14	45323968	45324727	45324504	165	230	2	90.32476063	1.09E-74		
14	45332007	45332465	45332219	119	156	1	92.08433389	1.03E-51		
14	45430927	45431132	45431062	9	9	2	3.910162798	0.00955088		
14	45459062	45459357	45459209	8	12	2	5.083211637	0.00143337		
14	45736711	45737062	45736826	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	RPL10L	ENSG00000165496
14	45883339	45883606	45883453	10	10	1	6.451768616	0.00135978	RPL10L	ENSG00000165496
14	49015769	49016301	49016122	15	27	4	6.5690735	1.26E-06		ENSG00000209067
14	49034258	49034481	49034369	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000209067
14	49064647	49064834	49064740	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000209067
14	49123514	49123695	49123582	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222639
14	49135223	49135426	49135330	9	11	2	4.692195357	0.00272444	PPIL5	ENSG00000165501
14	49157247	49157427	49157338	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MGAT2	ENSG00000168282
14	49170617	49171060	49170881	9	17	7	2.639359888	0.00777415	C14orf104	ENSG00000165506
14	49304851	49305084	49304967	8	9	0	11.73048839	0.000425898	KLHDC2	ENSG00000165516
14	49389262	49389783	49389428	16	26	6	4.524616952	2.63E-05	SDCCAG1	ENSG00000165525
14	49390353	49390548	49390455	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222136
14	49398564	49398878	49398711	18	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000222619
14	49399339	49399691	49399515	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000222619

14	49429261	49429501	49429327	8	11	5	2.346097679	0.0364013	ARF6	ENSG00000165527
14	49434525	49434826	49434675	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ARF6	ENSG00000165527
14	49487130	49487679	49487487	57	73	2	28.9352047	9.68E-23		ENSG00000175860
14	49502768	49503004	49502924	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000175860
14	49535729	49536011	49535884	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000175860
14	49537427	49537801	49537602	15	22	10	2.452738482	0.00515848		ENSG00000175860
14	49539946	49540139	49540059	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000175860
14	49583763	49583982	49583872	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000201358
14	49618127	49618365	49618246	12	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000168260
14	49652805	49653258	49652977	10	21	1	12.90353723	4.95E-07	C14orf138	ENSG00000100483
14	49769829	49770089	49769961	9	11	5	2.346097679	0.0364013	SOS2	ENSG00000100485
14	49779115	49779319	49779222	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SOS2	ENSG00000100485
14	49857694	49857936	49857765	10	10	5	2.150589539	0.0575848	ATP5S	ENSG00000125375
14	50069057	50069348	50069202	11	12	5	2.541605819	0.0225912	MAP4K5	ENSG0000012983
14	50069654	50069857	50069755	8	9	4	2.346097679	0.050148	MAP4K5	ENSG0000012983
14	50136483	50137619	50136836	172	264	8	34.53977138	2.42E-77		ENSG00000223050
14	50204862	50205101	50204979	9	11	6	2.010940867	0.0640214	SAV1	ENSG00000151748
14	50205163	50205368	50205265	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SAV1	ENSG00000151748
14	50299830	50300369	50300156	8	20	11	2.052835469	0.0201852	NIN	ENSG00000100503
14	50310183	50310386	50310276	9	9	1	5.865244197	0.00272497	NIN	ENSG00000100503
14	50481164	50481356	50481332	8	10	7	1.612942154	0.147335	PYGL	ENSG00000100504
14	50491789	50492508	50492125	14	35	9	4.222975822	3.17E-06	PYGL	ENSG00000100504
14	50501250	50501456	50501362	12	13	3	4.105670938	0.00243034	PYGL	ENSG00000100504
14	50659924	50660318	50660091	25	32	1	19.35530585	1.42E-10	TRIM9	ENSG00000100505
14	50873930	50874231	50874073	15	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000201820
14	50931340	50931549	50931444	12	12	5	2.541605819	0.0225912	FRMD6	ENSG00000139926
14	50931761	50932194	50932017	25	36	2	14.46760235	7.62E-11	FRMD6	ENSG00000139926
14	51069697	51069960	51069828	10	14	2	5.865244197	0.000387308	FRMD6	ENSG00000139926
14	51071152	51071541	51071362	15	25	4	6.099853964	4.56E-06	FRMD6	ENSG00000139926
14	51081413	51081626	51081519	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000223144
14	51101014	51101224	51101143	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000223144
14	51101475	51101964	51101654	17	30	4	7.272902804	1.76E-07		ENSG00000223144
14	51789991	51790258	51790135	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PTGDR	ENSG00000168229
14	51808907	51809112	51809009	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PTGDR	ENSG00000168229

14	51906705	51906914	51906809	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PTGER2	ENSG00000125384
14	52088826	52089143	52088984	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	TXNDC16	ENSG00000087301
14	52243372	52243690	52243531	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	PSMC6	ENSG00000100519
14	52327912	52328094	52328003	8	8	3	2.639359888	0.0415794	GNPNAT1	ENSG00000100522
14	52437223	52437508	52437365	14	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000214855
14	52497574	52497879	52497716	13	15	9	1.876878143	0.0544542	FERMT2	ENSG00000073712
14	52949305	52949622	52949465	17	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000219652
14	53028130	53028382	53028261	11	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000219652
14	53091006	53091354	53091180	18	24	6	4.18946014	8.40E-05		ENSG00000219652
14	53479460	53479976	53479639	11	25	13	2.178519273	0.00752428	BMP4	ENSG00000125378
14	53493054	53493453	53493230	17	25	5	5.083211637	1.58E-05	BMP4	ENSG00000125378
14	53500158	53500396	53500293	13	14	5	2.932622098	0.00829617	BMP4	ENSG00000125378
14	53711767	53712100	53711933	12	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000219778
14	53848608	53848925	53848762	14	18	6	3.183989707	0.00227432	CDKN3	ENSG00000100526
14	53977972	53978173	53978020	9	10	8	1.433726359	0.209175	CNIH	ENSG00000100528
14	54025379	54025612	54025495	8	10	2	4.301179077	0.00512919	GMFB	ENSG00000197045
14	54025619	54025821	54025720	9	10	5	2.150589539	0.0575848	GMFB	ENSG00000197045
14	54045971	54046453	54046293	14	23	7	3.519146518	0.000369739	CGRRF1	ENSG00000100532
14	54046583	54046775	54046678	8	8	5	1.759573259	0.13508	CGRRF1	ENSG00000100532
14	54210873	54211052	54210987	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SAMD4A	ENSG0000020577
14	54309651	54310217	54309975	8	20	12	1.894925048	0.0317253	SAMD4A	ENSG0000020577
14	54355185	54355403	54355294	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000209792
14	54429741	54429987	54429864	9	10	4	2.580707446	0.0306059	GCH1	ENSG00000131979
14	54439060	54439339	54439182	12	14	3	4.398933147	0.00132748	GCH1	ENSG00000131979
14	54563344	54564075	54563668	19	36	18	2.284358266	0.00119913	SOCS4	ENSG00000180008
14	54587891	54588159	54588025	12	15	4	3.753756286	0.0020497	MAPK1IP1L	ENSG00000168175
14	54728022	54728299	54728184	11	15	3	4.692195357	0.000718455	DLGAP5	ENSG00000126787
14	54749126	54749511	54749333	10	16	2	6.647276756	0.000101928	UBE2L7P	ENSG00000131982
14	54807522	54807871	54807696	19	23	3	7.038293036	4.15E-06	FBXO34	ENSG00000178974
14	54853149	54853405	54853310	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000209119
14	54872703	54872973	54872815	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000209119
14	54948090	54948402	54948246	14	18	6	3.183989707	0.00227432	KIAA0831	ENSG00000126775
14	54948408	54948754	54948584	9	12	7	1.906204364	0.0695918	KIAA0831	ENSG00000126775
14	54964830	54965041	54964911	8	8	2	3.519146518	0.017558	TBPL2	ENSG00000182521

14	54966716	54966966	54966831	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TBPL2	ENSG00000182521
14	54974679	54974932	54974816	9	9	9	1.173048839	0.362316	TBPL2	ENSG00000182521
14	55093621	55093981	55093861	14	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000213641
14	55113782	55114043	55113935	9	11	3	3.519146518	0.00788869	C14orf33	ENSG00000186615
14	55116224	55116554	55116390	8	10	4	2.580707446	0.0306059	C14orf33	ENSG00000186615
14	55135829	55136055	55135942	9	13	10	1.49297125	0.157311	KTN1	ENSG00000126777
14	55242085	55242517	55242310	15	25	6	4.357038546	4.72E-05		ENSG00000200742
14	55623964	55624299	55624131	9	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000221254
14	56115846	56116409	56116075	12	25	7	3.812408728	0.00012465	C14orf101	ENSG00000070269
14	56167302	56167554	56167439	10	11	3	3.519146518	0.00788869	C14orf101	ENSG00000070269
14	56202561	56203262	56202940	76	107	3	31.67231866	1.41E-32	C14orf101	ENSG00000070269
14	56252536	56252748	56252609	12	13	2	5.474227917	0.000747844	OTX2	ENSG00000165588
14	56423055	56423280	56423202	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000200818
14	56463557	56463835	56463700	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000213618
14	56586482	56586661	56586571	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213618
14	56622579	56622822	56622644	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000213618
14	56677342	56677629	56677463	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000212928
14	56704800	56705046	56704923	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000212928
14	56769390	56769617	56769525	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000212928
14	56804773	56804990	56804881	8	10	4	2.580707446	0.0306059	EXOC5	ENSG00000070367
14	56805251	56805773	56805594	11	24	12	2.255863153	0.00673318	C14orf108	ENSG00000053770
14	56853780	56854008	56853891	8	11	1	7.038293036	0.000674435	C14orf108	ENSG00000053770
14	56926901	56927119	56927010	10	10	6	1.843362462	0.0964212	NAT12	ENSG00000139977
14	56951070	56951279	56951195	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NAT12	ENSG00000139977
14	57014794	57015028	57014882	10	11	5	2.346097679	0.0364013	C14orf105	ENSG00000100557
14	57037614	57037953	57037783	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	C14orf105	ENSG00000100557
14	57073647	57073983	57073812	11	16	3	4.985457567	0.000385643	C14orf105	ENSG00000100557
14	57644519	57644732	57644625	12	12	6	2.178519273	0.0416567	C14orf37	ENSG00000139971
14	57682984	57683239	57683095	17	17	8	2.346097679	0.0144542	C14orf37	ENSG00000139971
14	57702914	57703151	57703044	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000223002
14	57776213	57776504	57776368	14	17	13	1.508205651	0.12204	PSMA3	ENSG00000100567
14	57780897	57781140	57781059	10	11	8	1.564065119	0.151515	PSMA3	ENSG00000100567
14	57834267	57834670	57834491	10	16	8	2.215758919	0.0222902	ARID4A	ENSG00000032219
14	57932764	57933008	57932870	9	10	4	2.580707446	0.0306059	TOMM20L	ENSG00000196860

14	57963694	57964312	57964030	8	22	29	0.899337443	0.653223	TIMM9	ENSG00000100575
14	57992418	57992631	57992524	14	14	4	3.519146518	0.00361132	KIAA0586	ENSG00000100578
14	58176397	58176665	58176531	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	DACT1	ENSG00000165617
14	58276702	58276935	58276818	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000221427
14	58401368	58401690	58401538	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000213597
14	58416954	58417161	58417046	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000213597
14	58565152	58565356	58565281	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000214813
14	58724698	58725425	58725164	10	31	6	5.36250898	1.31E-06	DAAM1	ENSG00000100592
14	58730453	58730704	58730578	10	12	2	5.083211637	0.00143337	DAAM1	ENSG00000100592
14	58750541	58750774	58750657	9	10	4	2.580707446	0.0306059	DAAM1	ENSG00000100592
14	58781036	58781385	58781210	22	28	1	17.00920817	2.80E-09	DAAM1	ENSG00000100592
14	58790877	58791292	58791113	10	19	6	3.351568112	0.00134187	DAAM1	ENSG00000100592
14	58848077	58848381	58848226	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	DAAM1	ENSG00000100592
14	58897697	58898263	58898065	15	35	6	6.032822602	1.10E-07	DAAM1	ENSG00000100592
14	58954783	58955068	58954925	10	12	2	5.083211637	0.00143337	GPR135	ENSG00000181619
14	58958746	58958980	58958863	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GPR135	ENSG00000181619
14	58980751	58980986	58980868	10	11	1	7.038293036	0.000674435	GPR135	ENSG00000181619
14	59020463	59021180	59020642	12	30	9	3.636451402	4.92E-05	C14orf149	ENSG00000126790
14	59043960	59044169	59044095	8	9	5	1.955081399	0.0892323	C14orf100	ENSG00000050130
14	59224210	59224470	59224371	8	11	3	3.519146518	0.00788869	RTN1	ENSG00000139970
14	59407214	59407552	59407383	8	12	1	7.624817456	0.000332769	RTN1	ENSG00000139970
14	59472055	59472345	59472200	18	22	1	13.49006165	2.37E-07	LRRC9	ENSG00000131951
14	59627989	59628666	59628285	20	42	10	4.585554554	1.62E-07	C14orf135	ENSG00000126773
14	59759179	59759625	59759449	13	24	17	1.629234499	0.0548227	PPM1A	ENSG00000100614
14	59784322	59784683	59784513	11	16	9	1.994183027	0.0370915	PPM1A	ENSG00000100614
14	59785312	59785531	59785450	9	10	8	1.433726359	0.209175	PPM1A	ENSG00000100614
14	59867651	59867939	59867782	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	PPM1A	ENSG00000100614
14	60112634	60112818	60112755	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000209837
14	60153158	60153432	60153295	17	19	11	1.955081399	0.0295891	SIX1	ENSG00000126778
14	60154675	60154945	60154810	8	11	3	3.519146518	0.00788869	SIX1	ENSG00000126778
14	60178006	60178269	60178137	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SIX1	ENSG00000126778
14	60186549	60186782	60186630	9	11	1	7.038293036	0.000674435	SIX1	ENSG00000126778
14	60193769	60193976	60193872	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SIX1	ENSG00000126778
14	60258236	60258547	60258391	9	14	6	2.513676084	0.016726	SIX4	ENSG00000100625

14	60260570	60260788	60260663	11	11	4	2.815317214	0.0183428	SIX4	ENSG00000100625
14	60271044	60271370	60271201	21	25	4	6.099853964	4.56E-06	MNAT1	ENSG00000020426
14	60281560	60281846	60281688	8	10	2	4.301179077	0.00512919	MNAT1	ENSG00000020426
14	60398846	60399157	60399001	24	27	2	10.94845583	4.90E-08		ENSG00000214775
14	60415611	60416099	60415766	25	34	5	6.842784896	5.43E-08		ENSG00000214775
14	60416209	60416452	60416308	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214775
14	60517323	60517880	60517626	17	30	5	6.060752336	7.05E-07	SLC38A6	ENSG00000139974
14	60517888	60518095	60517965	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SLC38A6	ENSG00000139974
14	60561747	60561951	60561851	10	10	3	3.225884308	0.0139466	SLC38A6	ENSG00000139974
14	60661785	60662631	60662438	85	128	5	25.22055005	5.21E-37	SLC38A6	ENSG00000139974
14	60758446	60758743	60758595	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TMEM30B	ENSG00000182107
14	60764700	60764945	60764806	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TMEM30B	ENSG00000182107
14	60789314	60789555	60789434	16	17	4	4.222975822	0.000640773	TMEM30B	ENSG00000182107
14	60857966	60858208	60858087	11	12	5	2.541605819	0.0225912	PRKCH	ENSG00000027075
14	60892346	60892662	60892504	20	23	5	4.692195357	5.29E-05	PRKCH	ENSG00000027075
14	60904931	60905146	60905038	8	9	8	1.303387599	0.281715	PRKCH	ENSG00000027075
14	60924734	60924936	60924824	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PRKCH	ENSG00000027075
14	60975231	60975788	60975547	14	27	10	2.9859425	0.000503424	PRKCH	ENSG00000027075
14	61060304	61060529	61060416	10	10	3	3.225884308	0.0139466	HIF1A	ENSG00000100644
14	61061684	61062128	61061949	13	22	2	8.993374435	1.66E-06	HIF1A	ENSG00000100644
14	61062930	61063199	61063048	13	16	5	3.323638378	0.00288759	HIF1A	ENSG00000100644
14	61123673	61123879	61123739	9	12	1	7.624817456	0.000332769	HIF1A	ENSG00000100644
14	61140838	61141136	61140961	8	13	3	4.105670938	0.00243034	HIF1A	ENSG00000100644
14	61231944	61232149	61232046	8	8	6	1.508205651	0.203852	HIF1A	ENSG00000100644
14	61248122	61248333	61248227	8	10	3	3.225884308	0.0139466	HIF1A	ENSG00000100644
14	61298432	61298651	61298525	8	10	6	1.843362462	0.0964212	SNAPC1	ENSG00000023608
14	61699516	61699727	61699621	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000186369
14	62228610	62229047	62228869	32	45	0	53.96024661	3.12E-16	KCNH5	ENSG00000140015
14	62271345	62271630	62271487	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	KCNH5	ENSG00000140015
14	62716033	62716244	62716147	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RHOJ	ENSG00000126785
14	62716878	62717057	62716999	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RHOJ	ENSG00000126785
14	62974505	62974741	62974613	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000221675
14	63041085	63041447	63041259	13	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000221675
14	63100128	63100418	63100294	18	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000205767

14	63100656	63101014	63100835	9	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000205767
14	63101869	63102254	63102075	47	54	0	64.51768616	2.89E-19		ENSG00000205767
14	63169477	63169691	63169613	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207172
14	63177909	63179018	63178295	16	61	16	4.27817812	1.43E-09	WDR89	ENSG00000140006
14	63210267	63210473	63210370	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000209942
14	63214353	63214829	63214572	31	54	13	4.608406154	3.72E-09		ENSG00000209942
14	63225619	63225898	63225758	14	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000209942
14	63306757	63307084	63306920	8	13	2	5.474227917	0.000747844	SGPP1	ENSG00000126821
14	63309953	63310395	63310182	118	141	5	27.76215586	3.45E-41	SGPP1	ENSG00000126821
14	63389754	63389947	63389850	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SYNE2	ENSG0000054654
14	63400826	63401129	63400971	11	14	6	2.513676084	0.016726	SYNE2	ENSG0000054654
14	63596945	63597378	63597123	39	54	5	10.75294769	7.83E-14	SYNE2	ENSG0000054654
14	63655445	63655678	63655604	11	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000221537
14	63750429	63750674	63750590	8	9	6	1.675784056	0.141978	ESR2	ENSG00000140009
14	63752410	63752727	63752568	10	12	1	7.624817456	0.000332769	ESR2	ENSG00000140009
14	63839825	63840181	63840061	11	16	4	3.988366054	0.00115141	ESR2	ENSG00000140009
14	63875265	63875492	63875378	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000214770
14	63924193	63924523	63924366	12	16	5	3.323638378	0.00288759	MTHFD1	ENSG00000100714
14	64038235	64038519	64038397	8	11	6	2.010940867	0.0640214	ZBTB25	ENSG00000089775
14	64076487	64077405	64076751	14	48	20	2.737113958	2.32E-05	HSPA2	ENSG00000126803
14	64147830	64148032	64147931	9	10	4	2.580707446	0.0306059	C14orf50	ENSG00000165807
14	64173237	64173441	64173339	11	12	3	3.812408728	0.004404	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64208109	64208445	64208277	11	16	5	3.323638378	0.00288759	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64216859	64217106	64216982	12	12	2	5.083211637	0.00143337	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64228688	64228927	64228819	12	14	2	5.865244197	0.000387308	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64239573	64239976	64239713	11	17	4	4.222975822	0.000640773	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64245620	64245803	64245733	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64298407	64298772	64298593	12	19	4	4.692195357	0.000193572	SPTB	ENSG00000070182
14	64301227	64301517	64301372	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SPTB	ENSG00000070182
14	64336554	64336797	64336684	10	11	1	7.038293036	0.000674435	SPTB	ENSG00000070182
14	64342976	64343189	64343082	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SPTB	ENSG00000070182
14	64353658	64353853	64353755	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SPTB	ENSG00000070182
14	64497310	64497735	64497510	19	27	11	2.737113958	0.00100133	RAB15	ENSG00000139998
14	64503539	64503818	64503678	23	26	4	6.334463732	2.40E-06	RAB15	ENSG00000139998



14	64523226	64523625	64523398	15	21	7	3.225884308	0.00106152	FNTB	ENSG00000125954
14	64541895	64542286	64542116	78	87	3	25.80707446	4.28E-26	FNTB	ENSG00000125954
14	64579552	64579762	64579657	8	9	8	1.303387599	0.281715	FNTB	ENSG00000125954
14	64606825	64607169	64606999	13	17	3	5.278719777	0.000205462	MAX	ENSG00000125952
14	64607272	64607559	64607423	8	12	4	3.049926982	0.0108184	MAX	ENSG00000125952
14	64632316	64632583	64632430	9	11	9	1.407658607	0.210479	MAX	ENSG00000125952
14	64638848	64639150	64638999	8	12	5	2.541605819	0.0225912	MAX	ENSG00000125952
14	64639289	64639666	64639487	15	22	7	3.372515413	0.000629223	MAX	ENSG00000125952
14	64716283	64716573	64716428	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000222985
14	64758897	64759186	64759014	8	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000214760
14	64763219	64763916	64763390	17	36	18	2.284358266	0.00119913		ENSG00000214760
14	64766321	64766506	64766465	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000214760
14	64780083	64780554	64780429	8	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000214760
14	64791739	64792907	64791940	17	68	19	4.047018496	5.21E-10		ENSG00000214760
14	64804465	64804679	64804572	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000214760
14	64823030	64823265	64823146	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000213511
14	64857977	64858195	64858046	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000213511
14	64871371	64871763	64871504	15	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000213511
14	64890908	64891104	64891006	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FUT8	ENSG00000033170
14	64893056	64893338	64893203	8	12	2	5.083211637	0.00143337	FUT8	ENSG00000033170
14	65127266	65127454	65127415	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FUT8	ENSG00000033170
14	65513133	65513358	65513244	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000197907
14	65550630	65551133	65550964	13	24	2	9.775406994	4.09E-07		ENSG00000197907
14	65551975	65552341	65552162	15	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000197907
14	65640937	65641315	65641110	19	24	2	9.775406994	4.09E-07		ENSG00000200860
14	65654144	65654425	65654320	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000200860
14	65896015	65896198	65896106	13	13	3	4.105670938	0.00243034	C14orf53	ENSG00000196553
14	66039959	66040339	66040169	60	66	1	39.29713612	9.69E-22	GPHN	ENSG00000171723
14	66043851	66044704	66044500	13	44	11	4.398933147	1.43E-07	GPHN	ENSG00000171723
14	66045808	66046003	66045905	8	10	3	3.225884308	0.0139466	GPHN	ENSG00000171723
14	66146679	66146914	66146820	10	12	5	2.541605819	0.0225912	GPHN	ENSG00000171723
14	66468619	66469533	66469274	360	459	5	89.93374435	7.28E-146	FAM71D	ENSG00000172717
14	66777121	66777569	66777406	13	21	12	1.985159574	0.021936	MPP5	ENSG00000072415
14	66777824	66778075	66777949	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MPP5	ENSG00000072415

14	66896103	66896966	66896686	10	35	11	3.519146518	1.92E-05	EIF2S1	ENSG00000134001
14	66963826	66964034	66963974	8	10	6	1.843362462	0.0964212	PLEK2	ENSG00000100558
14	66977036	66977517	66977339	13	25	6	4.357038546	4.72E-05	PLEK2	ENSG00000100558
14	66978900	66979230	66979076	14	17	10	1.919534464	0.0400548	PLEK2	ENSG00000100558
14	67013742	67014066	67013864	9	14	4	3.519146518	0.00361132	C14orf83	ENSG00000198133
14	67014094	67015408	67014669	162	286	25	12.9486545	2.16E-67	C14orf83	ENSG00000198133
14	67016492	67016852	67016671	29	37	16	2.62210917	0.000256502	C14orf83	ENSG00000198133
14	67039569	67039753	67039628	9	9	3	2.932622098	0.0242899	C14orf83	ENSG00000198133
14	67083734	67084012	67083897	14	17	4	4.222975822	0.000640773	PLEKHH1	ENSG00000054690
14	67211049	67211359	67211189	11	15	3	4.692195357	0.000718455	VTI1B	ENSG00000100568
14	67231958	67232354	67232163	9	17	4	4.222975822	0.000640773	RDH11	ENSG00000072042
14	67240930	67241214	67241065	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000222857
14	67352976	67353197	67353118	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ZFYVE26	ENSG00000072121
14	67356108	67356420	67356264	13	15	11	1.564065119	0.11768	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67470522	67470851	67470677	23	28	4	6.803683268	6.55E-07	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67501456	67501674	67501513	11	13	9	1.642268375	0.111397	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67641050	67641314	67641212	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000210045
14	67674162	67674697	67674442	13	28	7	4.252302043	2.31E-05		ENSG00000210045
14	67714491	67714720	67714641	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000210045
14	67792317	67792552	67792445	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210054
14	67843342	67843666	67843509	9	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000219350
14	67934328	67934681	67934504	14	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000213482
14	67995404	67996156	67995805	15	33	16	2.346097679	0.00141036		ENSG00000213482
14	68011300	68011554	68011470	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213482
14	68106385	68106656	68106529	10	14	11	1.466311049	0.15926		ENSG00000213482
14	68195556	68195791	68195656	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207089
14	68205800	68206003	68205901	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000207089
14	68212941	68213331	68213156	8	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000207089
14	68311250	68311579	68311414	9	13	5	2.737113958	0.0137917	ZFP36L1	ENSG00000185650
14	68328140	68328732	68328357	19	36	5	7.233801176	1.48E-08	ZFP36L1	ENSG00000185650
14	68329177	68329478	68329305	9	12	3	3.812408728	0.004404	ZFP36L1	ENSG00000185650
14	68331932	68332152	68332042	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C14orf181	ENSG00000221899
14	68332497	68332715	68332606	10	11	4	2.815317214	0.0183428	C14orf181	ENSG00000221899
14	68353189	68353430	68353307	8	11	6	2.010940867	0.0640214	C14orf181	ENSG00000221899

14	68361161	68361666	68361413	12	22	15	1.686257707	0.051516	C14orf181	ENSG00000221899
14	68376845	68377026	68376935	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214730
14	68380550	68380769	68380682	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000214730
14	68390047	68390674	68390360	18	34	0	41.05670938	1.59E-12		ENSG00000214730
14	68399707	68400071	68399882	10	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000214730
14	68414322	68414503	68414386	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000214730
14	68448100	68448424	68448271	15	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000214730
14	68474382	68474601	68474502	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ACTN1	ENSG00000072110
14	68503246	68503480	68503365	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ACTN1	ENSG00000072110
14	68514626	68514829	68514767	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ACTN1	ENSG00000072110
14	68524270	68525216	68524884	30	64	6	10.89259637	4.73E-16	ACTN1	ENSG00000072110
14	68538016	68538195	68538105	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ACTN1	ENSG00000072110
14	68593402	68593582	68593470	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ACTN1	ENSG00000072110
14	68642840	68643235	68643084	24	28	1	17.00920817	2.80E-09		ENSG00000206768
14	68643878	68644224	68644053	12	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000206768
14	68665708	68665978	68665810	8	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000206768
14	68688261	68688454	68688357	9	10	0	12.90353723	0.000195991	WDR22	ENSG00000139990
14	68727763	68728145	68727968	23	29	8	3.910162798	3.45E-05	EXDL2	ENSG00000081177
14	68728289	68728551	68728434	8	10	4	2.580707446	0.0306059	EXDL2	ENSG00000081177
14	68871946	68872334	68872018	11	17	9	2.111487911	0.0248715	ERH	ENSG00000100632
14	68879302	68879633	68879459	10	13	3	4.105670938	0.00243034	ERH	ENSG00000100632
14	68883170	68883353	68883298	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ERH	ENSG00000100632
14	68887546	68887785	68887676	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ERH	ENSG00000100632
14	68887836	68888194	68888034	20	25	0	30.49926982	1.72E-09	ERH	ENSG00000100632
14	68890979	68891240	68891115	9	10	7	1.612942154	0.147335	ERH	ENSG00000100632
14	68894041	68894413	68894217	27	34	12	3.158208414	7.02E-05	ERH	ENSG00000100632
14	68934514	68934961	68934693	11	20	9	2.463402563	0.00689886	ERH	ENSG00000100632
14	68935075	68935367	68935218	15	17	8	2.346097679	0.0144542	SLC39A9	ENSG00000029364
14	68964143	68964470	68964306	19	23	3	7.038293036	4.15E-06	SLC39A9	ENSG00000029364
14	68996571	68996869	68996720	14	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000175985
14	69040226	69040492	69040367	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000175985
14	69111175	69111354	69111265	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000214724
14	69140126	69140306	69140216	8	8	2	3.519146518	0.017558	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69149060	69149675	69149412	33	52	8	6.907954276	3.31E-11	KIAA0247	ENSG00000100647

14	69149722	69149995	69149858	8	11	6	2.010940867	0.0640214	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69156512	69156691	69156601	9	9	8	1.303387599	0.281715	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69194483	69194866	69194639	10	15	6	2.68125449	0.0103552	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69199434	69199681	69199592	9	11	10	1.279689643	0.277323	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69199711	69200018	69199888	13	17	9	2.111487911	0.0248715	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69219210	69219389	69219299	8	8	3	2.639359888	0.0415794	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69234860	69235101	69234948	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SFRS5	ENSG00000100650
14	69249089	69250322	69249789	77	141	16	9.798407952	2.58E-31	SFRS5	ENSG00000100650
14	69263483	69263669	69263590	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SFRS5	ENSG00000100650
14	69275949	69276370	69276191	15	23	1	14.07658607	1.14E-07	SFRS5	ENSG00000100650
14	69303362	69303774	69303568	17	27	14	2.189691167	0.00561952	SFRS5	ENSG00000100650
14	69304020	69304271	69304145	9	11	7	1.759573259	0.102361	SFRS5	ENSG00000100650
14	69335017	69335274	69335158	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SLC10A1	ENSG00000100652
14	69457362	69457646	69457504	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SMOC1	ENSG00000198732
14	69508194	69508477	69508330	10	10	6	1.843362462	0.0964212	SMOC1	ENSG00000198732
14	69534318	69534689	69534481	17	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000210090
14	69535536	69536319	69535985	49	77	7	11.43722618	3.64E-19		ENSG00000210090
14	69547405	69548025	69547755	121	168	4	39.64905077	3.39E-51		ENSG00000210090
14	69548062	69548288	69548234	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000210090
14	69549785	69549964	69549866	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000210090
14	69564346	69564577	69564434	12	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000210090
14	69582536	69582770	69582674	17	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000210090
14	69623622	69623869	69623782	11	11	3	3.519146518	0.00788869	SLC8A3	ENSG00000100678
14	69725039	69725346	69725192	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC8A3	ENSG00000100678
14	69895739	69896422	69896200	37	59	16	4.140172374	4.30E-09	COX16	ENSG00000133983
14	69953281	69953604	69953442	11	13	9	1.642268375	0.111397	SYNJ2BP	ENSG00000213463
14	69983700	69984077	69983879	29	36	0	43.40280705	3.38E-13		ENSG00000213462
14	69985179	69985448	69985319	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ADAM21P	ENSG00000139985
14	70064111	70064314	70064201	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ADAM20	ENSG00000134007
14	70104353	70104532	70104514	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214720
14	70177637	70177852	70177744	8	9	6	1.675784056	0.141978	TTC9	ENSG00000133985
14	70180089	70180288	70180188	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TTC9	ENSG00000133985
14	70201932	70202210	70202060	18	22	7	3.372515413	0.000629223	TTC9	ENSG00000133985
14	70228772	70229063	70228917	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	TTC9	ENSG00000133985

14	70250555	70250765	70250660	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TTC9	ENSG00000133985
14	70354195	70354506	70354350	12	16	8	2.215758919	0.0222902	MAP3K9	ENSG00000006432
14	70401512	70401865	70401689	35	40	1	24.04750121	3.50E-13	PCNX	ENSG00000100731
14	70443542	70443744	70443652	12	12	3	3.812408728	0.004404	PCNX	ENSG00000100731
14	70612706	70613599	70613154	96	156	6	26.30980968	7.30E-45	PCNX	ENSG00000100731
14	70703017	70703196	70703106	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000207444
14	70712145	70712381	70712263	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207444
14	70856445	70856917	70856524	11	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000207444
14	70858292	70858492	70858374	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207444
14	70924796	70925088	70924942	11	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000207444
14	71006171	71006350	71006297	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210153
14	71008107	71008780	71008286	15	30	13	2.597465287	0.000910385		ENSG00000210153
14	71096718	71096897	71096807	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71100376	71100727	71100554	15	20	6	3.519146518	0.000784044	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71175075	71175625	71175446	14	29	4	7.038293036	3.41E-07	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71183617	71183909	71183761	20	23	9	2.815317214	0.00172056	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71204133	71204351	71204219	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71257391	71257744	71257569	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71289532	71289864	71289706	11	15	10	1.706252857	0.0822346	RGS6	ENSG00000182732
14	71310163	71311054	71310656	102	164	3	48.38826462	3.00E-51	RGS6	ENSG00000182732
14	71340049	71340496	71340228	10	19	9	2.346097679	0.0107159	RGS6	ENSG00000182732
14	71340525	71340849	71340689	11	14	4	3.519146518	0.00361132	RGS6	ENSG00000182732
14	71468317	71468671	71468494	8	14	10	1.599612054	0.114822	RGS6	ENSG00000182732
14	71640439	71640767	71640603	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000200298
14	71735969	71736250	71736109	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000200298
14	71940596	71940978	71940799	24	31	4	7.507512572	9.10E-08	DPF3	ENSG00000205683
14	71957221	71957566	71957393	11	17	1	10.55743955	9.18E-06	DPF3	ENSG00000205683
14	71974211	71974581	71974371	15	21	2	8.602358155	3.33E-06	DPF3	ENSG00000205683
14	72022729	72022908	72022780	8	10	1	6.451768616	0.00135978	DPF3	ENSG00000205683
14	72032194	72032535	72032356	8	13	3	4.105670938	0.00243034	DPF3	ENSG00000205683
14	72036909	72037235	72037088	16	20	8	2.737113958	0.0036449	DPF3	ENSG00000205683
14	72050633	72050871	72050752	10	11	11	1.173048839	0.349489	DPF3	ENSG00000205683
14	72053429	72053645	72053537	12	13	9	1.642268375	0.111397	DPF3	ENSG00000205683
14	72097347	72097601	72097518	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	DPF3	ENSG00000205683

14	72144665	72144844	72144705	8	8	4	2.111487911	0.0804809	DPF3	ENSG00000205683
14	72188098	72188279	72188191	9	9	2	3.910162798	0.00955088	DPF3	ENSG00000205683
14	72203239	72203437	72203361	8	8	2	3.519146518	0.017558	DPF3	ENSG00000205683
14	72222529	72222761	72222629	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	DPF3	ENSG00000205683
14	72431165	72431450	72431276	9	14	3	4.398933147	0.00132748	DPF3	ENSG00000205683
14	72441500	72441744	72441621	10	13	3	4.105670938	0.00243034	DPF3	ENSG00000205683
14	72460723	72461226	72460902	22	38	4	9.149780947	8.17E-10	WDR21A	ENSG00000119599
14	72463315	72463527	72463432	9	10	4	2.580707446	0.0306059	WDR21A	ENSG00000119599
14	72463637	72463839	72463738	9	9	2	3.910162798	0.00955088	WDR21A	ENSG00000119599
14	72562778	72563037	72562882	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ZFYVE1	ENSG00000165861
14	72563402	72563670	72563536	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	ZFYVE1	ENSG00000165861
14	72594613	72595242	72594926	16	31	8	4.170840318	1.13E-05	RBM25	ENSG00000119707
14	72595664	72595889	72595776	10	12	3	3.812408728	0.004404	RBM25	ENSG00000119707
14	72641630	72641819	72641742	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PSEN1	ENSG00000080815
14	73008650	73008846	73008700	10	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000170468
14	73027173	73027412	73027292	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000170468
14	73036850	73037088	73036957	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000170468
14	73063086	73063405	73063245	16	19	8	2.606775198	0.00583935	ACOT1	ENSG00000184227
14	73169952	73170192	73170085	9	10	4	2.580707446	0.0306059	DNAL1	ENSG00000119661
14	73181078	73181519	73181407	11	21	6	3.686724924	0.000453999	DNAL1	ENSG00000119661
14	73198982	73199192	73199042	8	9	8	1.303387599	0.281715	DNAL1	ENSG00000119661
14	73247043	73247259	73247192	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PNMA1	ENSG00000176903
14	73250597	73250837	73250676	10	13	4	3.28453675	0.00629037	PNMA1	ENSG00000176903
14	73259150	73259466	73259308	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000183700
14	73260282	73260960	73260558	17	39	14	3.128130238	2.65E-05		ENSG00000183700
14	73265259	73265470	73265364	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000183700
14	73277332	73277620	73277472	11	13	6	2.346097679	0.0266147	C14orf43	ENSG00000156030
14	73289014	73289577	73289405	13	27	6	4.692195357	1.46E-05	C14orf43	ENSG00000156030
14	73293012	73293230	73293121	8	11	10	1.279689643	0.277323	C14orf43	ENSG00000156030
14	73294737	73295183	73295039	11	19	4	4.692195357	0.000193572	C14orf43	ENSG00000156030
14	73296486	73296713	73296566	10	11	5	2.346097679	0.0364013	C14orf43	ENSG00000156030
14	73299820	73300236	73299996	8	15	8	2.085420159	0.0338693	C14orf43	ENSG00000156030
14	73312000	73312182	73312065	9	10	4	2.580707446	0.0306059	C14orf43	ENSG00000156030
14	73313920	73314214	73314067	13	16	7	2.492728784	0.0124193	C14orf43	ENSG00000156030

14	73322202	73322698	73322460	18	29	3	8.797866295	7.21E-08	C14orf43	ENSG00000156030
14	73323041	73323349	73323195	9	11	9	1.407658607	0.210479	C14orf43	ENSG00000156030
14	73362104	73362358	73362231	12	12	8	1.694403879	0.107291	PTGR2	ENSG00000140043
14	73387912	73388477	73388140	18	29	5	5.865244197	1.33E-06	PTGR2	ENSG00000140043
14	73423007	73423462	73423224	15	28	10	3.092583304	0.000307818	ZNF410	ENSG00000119725
14	73424511	73424970	73424880	9	18	9	2.228792795	0.0164363	ZNF410	ENSG00000119725
14	73481237	73481464	73481350	9	9	6	1.675784056	0.141978	COQ6	ENSG00000119723
14	73486386	73486578	73486553	8	9	5	1.955081399	0.0892323	FAM161B	ENSG00000156050
14	73486592	73486901	73486746	8	12	10	1.386330446	0.21117	COQ6	ENSG00000119723
14	73620743	73621025	73620903	11	14	7	2.199466574	0.0303778	ALDH6A1	ENSG00000119711
14	73621106	73621603	73621354	8	18	11	1.857327329	0.0427732	LIN52	ENSG00000205659
14	73627184	73627392	73627282	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210257
14	73754135	73754321	73754282	9	10	4	2.580707446	0.0306059	VSX2	ENSG00000119614
14	73788049	73788249	73788140	12	13	7	2.052835469	0.046392	VSX2	ENSG00000119614
14	73839353	73839740	73839532	11	18	11	1.857327329	0.0427732	ABCD4	ENSG00000119688
14	73898810	73899043	73898926	10	12	5	2.541605819	0.0225912	C14orf115	ENSG00000133980
14	74029990	74030381	74030124	8	14	5	2.932622098	0.00829617	ISCA2	ENSG00000165898
14	74037757	74038033	74037895	10	10	4	2.580707446	0.0306059	ISCA2	ENSG00000165898
14	74067847	74068057	74067952	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ISCA2	ENSG00000165898
14	74106777	74106995	74106850	12	13	1	8.211341875	0.000163445	LTBP2	ENSG00000119681
14	74159460	74159686	74159573	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	LTBP2	ENSG00000119681
14	74199301	74199576	74199438	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000222604
14	74249443	74249790	74249616	17	23	12	2.165628626	0.0100985	FCF1	ENSG00000119616
14	74299567	74299749	74299698	9	9	3	2.932622098	0.0242899	YLPM1	ENSG00000119596
14	74330326	74330555	74330440	8	9	2	3.910162798	0.00955088	YLPM1	ENSG00000119596
14	74377979	74378191	74378051	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	PROX2	ENSG00000119608
14	74397353	74397598	74397500	12	13	8	1.824742639	0.0744168	PROX2	ENSG00000119608
14	74417807	74418489	74418168	10	29	11	2.932622098	0.000389335	DLSTP	ENSG00000119689
14	74448019	74448301	74448176	9	12	2	5.083211637	0.00143337	RPS6KL1	ENSG00000198208
14	74481567	74481748	74481708	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PGF	ENSG00000119630
14	74482173	74482473	74482323	11	15	3	4.692195357	0.000718455	PGF	ENSG00000119630
14	74482881	74483183	74483042	10	14	6	2.513676084	0.016726	PGF	ENSG00000119630
14	74489440	74489857	74489648	44	60	2	23.85199307	1.61E-18	PGF	ENSG00000119630
14	74516075	74516338	74516206	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	EIF2B2	ENSG00000119718

14	74539036	74539643	74539329	18	37	6	6.367979413	3.11E-08	EIF2B2	ENSG00000119718
14	74621090	74621396	74621243	8	11	3	3.519146518	0.00788869	FAM164C	ENSG00000119703
14	74625002	74625359	74625290	12	16	3	4.985457567	0.000385643	FAM164C	ENSG00000119703
14	74712769	74713052	74712900	12	14	9	1.759573259	0.0786014	TMED10	ENSG00000170348
14	74713219	74713537	74713378	8	12	11	1.270802909	0.274822	TMED10	ENSG00000170348
14	74719359	74719634	74719503	8	11	2	4.692195357	0.00272444	TMED10	ENSG00000170348
14	74736906	74737332	74737125	21	32	18	2.037400616	0.00555036		ENSG00000210276
14	74758284	74758673	74758423	11	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000210276
14	74791448	74791867	74791657	49	62	15	4.618879805	3.04E-10	FOS	ENSG00000170345
14	74795027	74795280	74795153	11	14	9	1.759573259	0.0786014	FOS	ENSG00000170345
14	74795362	74796057	74795795	12	34	9	4.105670938	5.54E-06	FOS	ENSG00000170345
14	74796408	74797013	74796631	30	57	12	5.233602514	2.21E-10	FOS	ENSG00000170345
14	74800543	74800850	74800696	13	17	11	1.759573259	0.0609179	FOS	ENSG00000170345
14	74811652	74811888	74811795	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FOS	ENSG00000170345
14	74813624	74813845	74813734	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FOS	ENSG00000170345
14	74814514	74815371	74814770	13	42	17	2.802283338	5.11E-05	FOS	ENSG00000170345
14	74832201	74832513	74832417	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000119660
14	74832518	74832858	74832692	10	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000119660
14	74840027	74840258	74840169	15	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000119660
14	74843429	74843629	74843529	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000119660
14	74955902	74956163	74956032	10	12	2	5.083211637	0.00143337	JDP2	ENSG00000140044
14	74989641	74990123	74989803	15	25	5	5.083211637	1.58E-05	JDP2	ENSG00000140044
14	75024919	75025191	75025086	11	12	8	1.694403879	0.107291	BATF	ENSG00000156127
14	75054849	75055155	75054997	13	16	5	3.323638378	0.00288759	BATF	ENSG00000156127
14	75056391	75056632	75056517	12	13	7	2.052835469	0.046392	BATF	ENSG00000156127
14	75057284	75057907	75057647	19	37	12	3.428911992	1.55E-05	BATF	ENSG00000156127
14	75058598	75058928	75058763	9	12	7	1.906204364	0.0695918	BATF	ENSG00000156127
14	75079085	75079313	75079182	10	11	1	7.038293036	0.000674435	BATF	ENSG00000156127
14	75090848	75091060	75090970	9	11	3	3.519146518	0.00788869	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75097085	75097433	75097261	11	16	7	2.492728784	0.0124193	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75113845	75114072	75113958	12	14	5	2.932622098	0.00829617	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75114941	75115200	75115070	12	16	7	2.492728784	0.0124193	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75170895	75171670	75171074	9	27	9	3.28453675	0.000236424	C14orf1	ENSG00000133935
14	75196901	75197550	75197282	17	34	6	5.865244197	2.06E-07	TTLL5	ENSG00000119685



14	75245385	75245655	75245520	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TTLL5	ENSG00000119685
14	75270028	75270207	75270168	8	8	2	3.519146518	0.017558	TTLL5	ENSG00000119685
14	75368169	75368480	75368373	8	12	2	5.083211637	0.00143337	TTLL5	ENSG00000119685
14	75517835	75518022	75517962	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TGFB3	ENSG00000119699
14	75521778	75522024	75521901	12	13	3	4.105670938	0.00243034	C14orf179	ENSG00000119650
14	75794447	75794912	75794777	8	16	7	2.492728784	0.0124193	C14orf118	ENSG00000089916
14	75803620	75804024	75803799	9	17	9	2.111487911	0.0248715	ESRRB	ENSG00000119715
14	75851814	75851993	75851957	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ESRRB	ENSG00000119715
14	75912558	75912806	75912653	10	12	5	2.541605819	0.0225912	ESRRB	ENSG00000119715
14	75914871	75915161	75915023	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ESRRB	ENSG00000119715
14	75923306	75923505	75923405	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ESRRB	ENSG00000119715
14	75929858	75930436	75929982	11	24	3	7.331555246	2.13E-06	ESRRB	ENSG00000119715
14	76083035	76083273	76083145	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000203517
14	76187715	76187959	76187837	8	9	9	1.173048839	0.362316	VASH1	ENSG00000071246
14	76190077	76190352	76190214	14	16	2	6.647276756	0.000101928	VASH1	ENSG00000071246
14	76226941	76227185	76227063	8	10	1	6.451768616	0.00135978	VASH1	ENSG00000071246
14	76320914	76321216	76321051	14	16	5	3.323638378	0.00288759	VASH1	ENSG00000071246
14	76347124	76347331	76347227	11	11	2	4.692195357	0.00272444	ANGEL1	ENSG00000013523
14	76348981	76349200	76349090	9	9	9	1.173048839	0.362316	ANGEL1	ENSG00000013523
14	76409011	76409221	76409116	8	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000213379
14	76412082	76412378	76412248	10	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000213379
14	76441035	76441342	76441188	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000210304
14	76449761	76450028	76449894	13	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000210304
14	76450745	76451378	76450924	26	45	8	5.995582957	2.73E-09		ENSG00000210304
14	76454783	76455111	76454936	13	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000210304
14	76455309	76455608	76455436	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000210304
14	76483287	76483477	76483382	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000214657
14	76483506	76483901	76483764	9	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000214657
14	76489437	76490089	76489932	14	34	13	2.932622098	0.000144323		ENSG00000214657
14	76490836	76491053	76490959	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214657
14	76492478	76493031	76492881	13	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000214657
14	76495251	76495795	76495552	54	71	6	12.0656452	3.68E-18		ENSG00000214657
14	76497685	76498244	76497780	14	26	13	2.262308476	0.00502778		ENSG00000214657
14	76543490	76543795	76543642	11	13	7	2.052835469	0.046392	C14orf4	ENSG00000119669

14	76543873	76544554	76544204	30	56	21	3.039262902	1.14E-06	C14orf4	ENSG00000119669
14	76545260	76545489	76545405	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C14orf4	ENSG00000119669
14	76563693	76564091	76563872	12	22	10	2.452738482	0.00515848	C14orf4	ENSG00000119669
14	76564808	76565159	76564983	11	17	13	1.508205651	0.12204	C14orf4	ENSG00000119669
14	76565345	76565693	76565545	14	19	1	11.73048839	2.14E-06	C14orf4	ENSG00000119669
14	76569012	76569745	76569491	23	53	18	3.33392828	5.42E-07	C14orf4	ENSG00000119669
14	76570143	76570607	76570376	16	31	12	2.887504835	0.000300358	C14orf4	ENSG00000119669
14	76576207	76576431	76576330	10	11	3	3.519146518	0.00788869	C14orf4	ENSG00000119669
14	76576437	76576667	76576557	12	16	8	2.215758919	0.0222902	C14orf4	ENSG00000119669
14	76576887	76577273	76577064	8	14	3	4.398933147	0.00132748	C14orf4	ENSG00000119669
14	76582720	76583236	76583066	17	30	9	3.636451402	4.92E-05	C14orf4	ENSG00000119669
14	76588677	76588862	76588782	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C14orf4	ENSG00000119669
14	76589308	76589616	76589474	11	15	4	3.753756286	0.0020497	C14orf4	ENSG00000119669
14	76608149	76608733	76608441	9	22	3	6.745030826	8.05E-06	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76624346	76624846	76624525	22	36	17	2.411267059	0.000703324	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76633927	76634395	76634148	15	25	12	2.346097679	0.00444113	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76634408	76634602	76634563	9	12	5	2.541605819	0.0225912	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76669895	76670195	76670045	10	13	3	4.105670938	0.00243034	ZDHHC22	ENSG00000177108
14	76687671	76687994	76687843	8	11	1	7.038293036	0.000674435	ZDHHC22	ENSG00000177108
14	76717669	76718025	76717925	8	13	2	5.474227917	0.000747844	TMEM63C	ENSG00000165548
14	76744868	76745208	76745038	9	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000201384
14	76852095	76852389	76852242	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	POMT2	ENSG00000009830
14	76857009	76857296	76857132	10	12	6	2.178519273	0.0416567	GSTZ1	ENSG00000100577
14	76864839	76865049	76865009	9	11	2	4.692195357	0.00272444	GSTZ1	ENSG00000100577
14	76878582	76878816	76878674	8	9	4	2.346097679	0.050148	GSTZ1	ENSG00000100577
14	76910496	76910751	76910615	11	12	1	7.624817456	0.000332769	TMED8	ENSG00000100580
14	76993605	76994094	76993756	13	25	4	6.099853964	4.56E-06	C14orf133	ENSG00000151445
14	76994358	76994587	76994513	8	12	3	3.812408728	0.004404	AHSA1	ENSG00000100591
14	76994676	76994936	76994806	8	12	2	5.083211637	0.00143337	AHSA1	ENSG00000100591
14	77140002	77140298	77140147	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SPTLC2	ENSG00000100596
14	77152615	77153111	77152885	13	22	11	2.248343609	0.0090389	SPTLC2	ENSG00000100596
14	77204177	77204399	77204282	10	10	8	1.433726359	0.209175	ALKBH1	ENSG00000100601
14	77235559	77235857	77235716	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	ALKBH1	ENSG00000100601
14	77243606	77243905	77243775	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ALKBH1	ENSG00000100601

14	77243985	77244388	77244209	12	18	8	2.476436439	0.00924552	C14orf156	ENSG00000119705
14	77296887	77297229	77297058	8	12	1	7.624817456	0.000332769	SNW1	ENSG00000100603
14	77336002	77336289	77336128	9	12	1	7.624817456	0.000332769	ADCK1	ENSG00000063761
14	77398365	77398735	77398603	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000199440
14	77692335	77692765	77692593	11	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000199454
14	77808041	77808295	77808134	8	9	4	2.346097679	0.050148	NRXN3	ENSG00000021645
14	77935517	77935700	77935608	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205585
14	77984542	77984823	77984687	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000205585
14	78102747	78103035	78102891	12	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000221178
14	78280843	78281056	78280937	10	11	1	7.038293036	0.000674435	NRXN3	ENSG00000021645
14	78428071	78428263	78428167	8	8	5	1.759573259	0.13508	NRXN3	ENSG00000021645
14	78495881	78496127	78495986	10	10	3	3.225884308	0.0139466	NRXN3	ENSG00000021645
14	78576809	78577201	78576973	21	28	3	8.504604085	1.43E-07	NRXN3	ENSG00000021645
14	78581321	78581633	78581499	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	NRXN3	ENSG00000021645
14	78613259	78613560	78613409	11	13	7	2.052835469	0.046392	NRXN3	ENSG00000021645
14	78695734	78696299	78695978	26	38	3	11.43722618	1.38E-10	NRXN3	ENSG00000021645
14	78697773	78698020	78697896	11	15	5	3.128130238	0.00492422	NRXN3	ENSG00000021645
14	78814820	78815052	78814901	8	11	3	3.519146518	0.00788869	NRXN3	ENSG00000021645
14	78878940	78879119	78879036	8	8	4	2.111487911	0.0804809	NRXN3	ENSG00000021645
14	78949726	78950009	78949886	9	12	2	5.083211637	0.00143337	NRXN3	ENSG00000021645
14	79066019	79066198	79066102	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NRXN3	ENSG00000021645
14	79080123	79080652	79080302	9	21	7	3.225884308	0.00106152	NRXN3	ENSG00000021645
14	79169971	79170222	79170138	9	9	0	11.73048839	0.000425898	NRXN3	ENSG00000021645
14	79349970	79350248	79350109	18	18	2	7.429309316	2.63E-05	DIO2	ENSG00000211448
14	79533915	79534281	79534108	10	16	10	1.812893661	0.0578656	DIO2	ENSG00000211448
14	79539260	79539484	79539364	10	10	7	1.612942154	0.147335	DIO2	ENSG00000211448
14	79926824	79927132	79926978	10	13	2	5.474227917	0.000747844	DIO2	ENSG00000211448
14	80249334	80249595	80249496	8	9	4	2.346097679	0.050148	C14orf145	ENSG00000100629
14	80477784	80478266	80477963	15	26	12	2.436332205	0.00289956	C14orf145	ENSG00000100629
14	80491097	80491309	80491203	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TSHR	ENSG00000165409
14	80700269	80700573	80700421	10	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000210351
14	80706453	80706811	80706632	13	19	9	2.346097679	0.0107159		ENSG00000210351
14	80755307	80755776	80755533	11	22	10	2.452738482	0.00515848	GTF2A1	ENSG00000165417
14	80835054	80835394	80835224	15	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000205579

14	80860059	80860568	80860327	18	29	9	3.519146518	8.36E-05	STON2	ENSG00000140022
14	80907869	80908228	80908037	30	36	7	5.425350882	2.04E-07	STON2	ENSG00000140022
14	80937031	80937213	80937116	8	8	0	10.55743955	0.000925496	STON2	ENSG00000140022
14	81016736	81017006	81016871	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SEL1L	ENSG00000071537
14	81195374	81195553	81195431	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222877
14	81474098	81474286	81474192	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222877
14	82300190	82300369	82300296	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000213346
14	85158300	85158486	85158393	8	10	2	4.301179077	0.00512919	FLRT2	ENSG00000185070
14	86586010	86586323	86586166	13	15	8	2.085420159	0.0338693		
14	86750545	86750805	86750686	9	11	2	4.692195357	0.00272444		
14	87307173	87307725	87307449	82	120	93	1.5099884	0.00128486	GALC	ENSG00000054983
14	87704631	87704887	87704771	9	11	4	2.815317214	0.0183428	KCNK10	ENSG00000100433
14	87725363	87725747	87725568	10	17	10	1.919534464	0.0400548	KCNK10	ENSG00000100433
14	87921403	87921961	87921659	11	21	8	2.867452718	0.00225035	SPATA7	ENSG00000042317
14	88005259	88005448	88005380	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222990
14	88024069	88024696	88024315	60	85	6	14.41174288	1.93E-22		ENSG00000222990
14	88028398	88028762	88028596	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000222990
14	88311676	88311859	88311795	8	8	3	2.639359888	0.0415794	EML5	ENSG00000165521
14	88360194	88360940	88360517	9	28	15	2.126151021	0.00621236	TTC8	ENSG00000165533
14	88404745	88404955	88404871	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TTC8	ENSG00000165533
14	88576510	88576756	88576608	12	13	7	2.052835469	0.046392	TTC8	ENSG00000165533
14	88750135	88750853	88750299	12	31	9	3.753756286	2.87E-05		ENSG00000214598
14	88751576	88751762	88751733	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214598
14	88752019	88752258	88752098	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214598
14	88944139	88944333	88944236	8	9	5	1.955081399	0.0892323	FOXN3	ENSG00000053254
14	88964755	88965775	88965114	92	155	1	91.49780947	2.23E-51	FOXN3	ENSG00000053254
14	89378034	89378258	89378188	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000210535
14	89451341	89451573	89451479	8	10	6	1.843362462	0.0964212	C14orf143	ENSG00000140025
14	89490611	89490860	89490735	8	12	1	7.624817456	0.000332769	C14orf143	ENSG00000140025
14	89491852	89492048	89491961	8	11	2	4.692195357	0.00272444	TDP1	ENSG00000042088
14	89596499	89596789	89596658	8	10	7	1.612942154	0.147335	KCNK13	ENSG00000152315
14	89771370	89771722	89771549	11	14	8	1.955081399	0.0506438	PSMC1	ENSG00000100764
14	89792467	89792778	89792637	12	16	6	2.848832895	0.00632407	PSMC1	ENSG00000100764
14	89867597	89868170	89867760	12	29	4	7.038293036	3.41E-07	C14orf102	ENSG00000119720

14	89868257	89868437	89868306	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C14orf102	ENSG00000119720
14	89911013	89911309	89911141	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CALM1	ENSG00000198668
14	89918963	89919739	89919367	10	31	10	3.412505714	6.73E-05	CALM1	ENSG00000198668
14	89932763	89933014	89932900	9	11	4	2.815317214	0.0183428	CALM1	ENSG00000198668
14	89933037	89933261	89933149	10	12	2	5.083211637	0.00143337	CALM1	ENSG00000198668
14	89934592	89934847	89934709	9	11	6	2.010940867	0.0640214	CALM1	ENSG00000198668
14	89935676	89935975	89935852	13	16	8	2.215758919	0.0222902	CALM1	ENSG00000198668
14	89937480	89937672	89937576	8	9	5	1.955081399	0.0892323	CALM1	ENSG00000198668
14	89990274	89990613	89990443	17	21	6	3.686724924	0.000453999	CALM1	ENSG00000198668
14	90031528	90031721	90031624	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CALM1	ENSG00000198668
14	90039718	90040047	90039877	14	18	6	3.183989707	0.00227432	CALM1	ENSG00000198668
14	90044992	90045482	90045175	20	36	9	4.340280705	1.80E-06	CALM1	ENSG00000198668
14	90049690	90050013	90049851	11	16	6	2.848832895	0.00632407	CALM1	ENSG00000198668
14	90105729	90106017	90105886	10	14	3	4.398933147	0.00132748	CALM1	ENSG00000198668
14	90127882	90128061	90127989	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213315
14	90262572	90262925	90262748	8	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000213315
14	90333660	90333964	90333821	12	16	0	19.94183027	1.86E-06	TTC7B	ENSG00000165914
14	90334012	90334430	90334191	9	18	8	2.476436439	0.00924552	TTC7B	ENSG00000165914
14	90356249	90356496	90356317	8	12	4	3.049926982	0.0108184	TTC7B	ENSG00000165914
14	90407172	90407376	90407274	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TTC7B	ENSG00000165914
14	90407796	90407998	90407942	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TTC7B	ENSG00000165914
14	90419839	90420341	90420063	15	24	4	5.865244197	8.64E-06	TTC7B	ENSG00000165914
14	90439357	90439610	90439483	8	10	5	2.150589539	0.0575848	TTC7B	ENSG00000165914
14	90596545	90596949	90596799	11	18	10	2.026175268	0.0273052	RPS6KA5	ENSG00000100784
14	90597067	90597318	90597176	8	10	7	1.612942154	0.147335	RPS6KA5	ENSG00000100784
14	90645499	90645753	90645620	10	13	8	1.824742639	0.0744168	C14orf159	ENSG00000133943
14	90652003	90652483	90652304	24	34	5	6.842784896	5.43E-08	C14orf159	ENSG00000133943
14	90663531	90664056	90663739	22	41	9	4.926805125	9.99E-08		ENSG00000221102
14	90674588	90674913	90674741	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000221102
14	90694044	90694594	90694361	29	47	7	7.038293036	2.04E-10		ENSG00000221102
14	90709242	90709478	90709342	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000221102
14	90713513	90713731	90713622	14	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000221102
14	90742995	90743174	90743063	8	9	5	1.955081399	0.0892323	GPR68	ENSG00000119714
14	90812293	90813013	90812642	15	36	12	3.338677466	2.58E-05	CCDC88C	ENSG00000015133

14	90816594	90816788	90816734	8	10	5	2.150589539	0.0575848	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90822537	90822843	90822677	15	17	11	1.759573259	0.0609179	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90862004	90862336	90862170	11	16	8	2.215758919	0.0222902	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90867408	90867621	90867514	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90906215	90906458	90906336	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90906675	90906935	90906805	9	11	7	1.759573259	0.102361	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90932027	90932715	90932316	50	74	7	10.99733287	2.89E-18	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90954599	90954962	90954760	8	13	9	1.642268375	0.111397	CCDC88C	ENSG00000015133
14	91045073	91045869	91045626	87	158	11	15.54289712	1.89E-40	SMEK1	ENSG00000100796
14	91046223	91046795	91046474	18	35	6	6.032822602	1.10E-07	SMEK1	ENSG00000100796
14	91109965	91110244	91110140	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000178069
14	91268715	91269003	91268869	8	9	5	1.955081399	0.0892323	CATSPERB	ENSG00000133962
14	91365651	91365892	91365771	13	16	4	3.988366054	0.00115141	TC2N	ENSG00000165929
14	91366960	91367176	91367081	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TC2N	ENSG00000165929
14	91408730	91409049	91408840	13	18	4	4.457585589	0.000353565	TC2N	ENSG00000165929
14	91575932	91576381	91576202	13	22	7	3.372515413	0.000629223	TRIP11	ENSG00000100815
14	91639494	91640001	91639684	64	82	3	24.34076342	1.75E-24	ATXN3	ENSG00000066427
14	91642130	91642361	91642303	9	12	4	3.049926982	0.0108184	ATXN3	ENSG00000066427
14	91657775	91658234	91657943	14	22	8	2.997791478	0.00137524	NDUFB1	ENSG00000183648
14	91712641	91712860	91712750	9	10	3	3.225884308	0.0139466	CPSF2	ENSG00000165934
14	91789592	91789809	91789700	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201097
14	91884187	91884616	91884348	10	17	6	3.016411301	0.00381427	SLC24A4	ENSG00000140090
14	91888611	91888947	91888777	8	12	5	2.541605819	0.0225912	SLC24A4	ENSG00000140090
14	92047152	92047345	92047202	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RIN3	ENSG00000100599
14	92134519	92134955	92134776	38	47	3	14.07658607	2.28E-13	RIN3	ENSG00000100599
14	92187021	92187266	92187129	8	11	3	3.519146518	0.00788869	LGMN	ENSG00000100600
14	92217281	92217525	92217421	8	10	11	1.075294769	0.434143	LGMN	ENSG00000100600
14	92223047	92223282	92223160	11	11	1	7.038293036	0.000674435	LGMN	ENSG00000100600
14	92226487	92226714	92226600	14	15	5	3.128130238	0.00492422	LGMN	ENSG00000100600
14	92259568	92259817	92259641	8	10	6	1.843362462	0.0964212	LGMN	ENSG00000100600
14	92330292	92330600	92330467	10	13	13	1.173048839	0.337862	GOLGA5	ENSG00000066455
14	92368044	92368226	92368135	10	10	3	3.225884308	0.0139466	GOLGA5	ENSG00000066455
14	92371275	92371454	92371364	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GOLGA5	ENSG00000066455
14	92416973	92417190	92417081	8	8	6	1.508205651	0.203852	CHGA	ENSG00000100604

14	92450281	92450535	92450424	8	10	5	2.150589539	0.0575848	CHGA	ENSG00000100604
14	92453449	92453727	92453580	13	17	5	3.519146518	0.00167472	CHGA	ENSG00000100604
14	92509318	92509646	92509476	10	15	7	2.346097679	0.0195693	CHGA	ENSG00000100604
14	92509791	92510558	92510128	19	42	15	3.152568756	1.28E-05	CHGA	ENSG00000100604
14	92547633	92548281	92547901	25	51	6	8.714077092	3.28E-12	CHGA	ENSG00000100604
14	92569185	92569447	92569316	12	15	2	6.256260476	0.000199274	ITPK1	ENSG00000100605
14	92573522	92573885	92573772	10	15	5	3.128130238	0.00492422	ITPK1	ENSG00000100605
14	92579557	92579962	92579690	13	21	10	2.346097679	0.00796926	ITPK1	ENSG00000100605
14	92596052	92596273	92596168	12	13	1	8.211341875	0.000163445	ITPK1	ENSG00000100605
14	92631326	92631615	92631470	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ITPK1	ENSG00000100605
14	92648868	92649290	92649047	10	19	13	1.675784056	0.0660887	ITPK1	ENSG00000100605
14	92649382	92649788	92649561	17	26	11	2.639359888	0.0015854	ITPK1	ENSG00000100605
14	92666613	92666911	92666762	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ITPK1	ENSG00000100605
14	92668602	92668839	92668733	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ITPK1	ENSG00000100605
14	92671564	92671943	92671764	19	27	13	2.346097679	0.00332578	ITPK1	ENSG00000100605
14	92672000	92672414	92672244	14	23	8	3.128130238	0.000832453	ITPK1	ENSG00000100605
14	92674452	92674631	92674541	8	8	2	3.519146518	0.017558	ITPK1	ENSG00000100605
14	92675332	92675634	92675479	24	26	9	3.167231866	0.000393236	ITPK1	ENSG00000100605
14	92696428	92696681	92696588	15	17	6	3.016411301	0.00381427	MOAP1	ENSG00000165943
14	92743047	92743586	92743315	11	25	13	2.178519273	0.00752428	C14orf142	ENSG00000170270
14	92755281	92755467	92755370	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000213263
14	92798574	92798762	92798668	9	10	8	1.433726359	0.209175	BTBD7	ENSG00000011114
14	93068121	93068330	93068188	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000202306
14	93184915	93185222	93185068	12	14	3	4.398933147	0.00132748	PRIMA1	ENSG00000175785
14	93284347	93284560	93284524	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PRIMA1	ENSG00000175785
14	93429171	93429353	93429276	8	8	2	3.519146518	0.017558	FAM181A	ENSG00000140067
14	93442905	93443144	93443024	11	13	8	1.824742639	0.0744168	FAM181A	ENSG00000140067
14	93535518	93535985	93535857	11	20	14	1.642268375	0.06827	C14orf48	ENSG00000175699
14	93537949	93538165	93537992	8	9	4	2.346097679	0.050148	C14orf48	ENSG00000175699
14	93703188	93703529	93703358	11	12	3	3.812408728	0.004404	PPP4R4	ENSG00000119698
14	93764134	93764418	93764288	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PPP4R4	ENSG00000119698
14	93856263	93856670	93856502	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	SERPINA6	ENSG00000170099
14	93870978	93871279	93871128	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	SERPINA6	ENSG00000170099
14	93959649	93959974	93959819	11	14	5	2.932622098	0.00829617	SERPINA11	ENSG00000186910

14	93962592	93962982	93962808	14	19	1	11.73048839	2.14E-06	SERPINA11	ENSG00000186910
14	93970110	93970351	93970230	8	10	7	1.612942154	0.147335	SERPINA11	ENSG00000186910
14	94001898	94002214	94002051	14	19	2	7.820325595	1.32E-05	SERPINA9	ENSG00000170054
14	94002788	94003157	94002958	15	20	7	3.079253203	0.00177418	SERPINA9	ENSG00000170054
14	94022332	94022606	94022469	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SERPINA9	ENSG00000170054
14	94085585	94085846	94085729	9	11	1	7.038293036	0.000674435	SERPINA4	ENSG00000100665
14	94238915	94239169	94239042	9	11	7	1.759573259	0.102361	SERPINA13	ENSG00000187483
14	94360173	94360352	94360262	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GSC	ENSG00000133937
14	94592553	94592979	94592728	18	26	5	5.278719777	8.57E-06	DICER1	ENSG00000100697
14	94635168	94635390	94635279	9	11	7	1.759573259	0.102361	DICER1	ENSG00000100697
14	94693691	94694094	94693865	10	15	7	2.346097679	0.0195693	DICER1	ENSG00000100697
14	94733628	94734073	94733863	24	35	2	14.07658607	1.57E-10		ENSG00000198411
14	94748555	94748901	94748728	8	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000198411
14	94777376	94777944	94777654	11	26	10	2.879301697	0.000816629		ENSG00000198411
14	94791693	94791999	94791832	10	14	6	2.513676084	0.016726	CLMN	ENSG00000165959
14	94801631	94802022	94801834	20	29	6	5.027352168	4.43E-06	CLMN	ENSG00000165959
14	94831362	94831565	94831463	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CLMN	ENSG00000165959
14	94839829	94840013	94839939	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CLMN	ENSG00000165959
14	94850744	94851124	94850945	15	22	8	2.997791478	0.00137524	CLMN	ENSG00000165959
14	94855384	94855628	94855481	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CLMN	ENSG00000165959
14	94860135	94860400	94860267	8	8	5	1.759573259	0.13508	CLMN	ENSG00000165959
14	94876321	94876704	94876549	12	16	10	1.812893661	0.0578656	CLMN	ENSG00000165959
14	94978724	94978903	94978813	8	8	8	1.173048839	0.36929	C14orf49	ENSG00000176438
14	95027132	95027459	95027295	8	12	6	2.178519273	0.0416567	C14orf49	ENSG00000176438
14	95070727	95070922	95070824	9	9	8	1.303387599	0.281715	GLRX5	ENSG00000182512
14	95097144	95097323	95097233	8	8	6	1.508205651	0.203852	GLRX5	ENSG00000182512
14	95148613	95148812	95148712	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TCL6	ENSG00000187621
14	95277072	95277668	95277459	20	36	13	3.100200504	5.51E-05	TCL1A	ENSG00000100721
14	95364859	95365125	95364992	14	16	2	6.647276756	0.000101928	TCL1A	ENSG00000100721
14	95575937	95576129	95576075	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95587968	95588166	95588036	8	10	2	4.301179077	0.00512919	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95590857	95591113	95590985	10	10	4	2.580707446	0.0306059	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95595673	95595862	95595767	8	8	8	1.173048839	0.36929	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95601612	95602204	95601834	25	47	11	4.692195357	2.58E-08	BDKRB2	ENSG00000168398



14	95619046	95619307	95619188	13	14	3	4.398933147	0.00132748	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95619716	95620226	95619956	21	35	7	5.278719777	3.74E-07	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95622261	95622460	95622360	10	11	3	3.519146518	0.00788869	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95631790	95632531	95632134	29	57	14	4.535788845	1.87E-09	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95633103	95633392	95633265	8	9	2	3.910162798	0.00955088	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95634773	95635188	95635048	13	20	8	2.737113958	0.0036449	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95636593	95637032	95636772	14	22	4	5.396024661	3.05E-05	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95653312	95653596	95653454	11	15	9	1.876878143	0.0544542	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95740669	95740940	95740798	17	17	4	4.222975822	0.000640773	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95752167	95752677	95752282	13	23	3	7.038293036	4.15E-06	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95900052	95900350	95900213	10	13	1	8.211341875	0.000163445	C14orf129	ENSG00000100744
14	95900560	95900806	95900647	8	10	6	1.843362462	0.0964212	C14orf129	ENSG00000100744
14	95959066	95959357	95959211	10	11	2	4.692195357	0.00272444	AK7	ENSG00000140057
14	95960467	95960693	95960580	12	12	1	7.624817456	0.000332769	AK7	ENSG00000140057
14	96016446	96016759	96016625	12	14	3	4.398933147	0.00132748	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96037689	96038163	96037984	16	28	6	4.859773763	8.07E-06	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96038361	96038622	96038486	11	14	5	2.932622098	0.00829617	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96038925	96039180	96039052	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96110892	96111229	96111060	10	14	4	3.519146518	0.00361132	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96277509	96277756	96277632	9	10	2	4.301179077	0.00512919	VRK1	ENSG00000100749
14	96333198	96333567	96333410	13	17	6	3.016411301	0.00381427	VRK1	ENSG00000100749
14	96512855	96513057	96512904	8	8	1	5.278719777	0.00542188	VRK1	ENSG00000100749
14	96613433	96613621	96613488	8	8	2	3.519146518	0.017558	VRK1	ENSG00000100749
14	96716540	96716741	96716640	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000210655
14	96838462	96838741	96838633	8	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000210655
14	96867633	96867950	96867755	10	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000210655
14	96868112	96868369	96868240	16	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000210655
14	97035899	97036732	97036315	32	61	13	5.194930574	6.39E-11		ENSG00000210655
14	97226198	97226473	97226312	12	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000197176
14	97313015	97313372	97313193	22	27	8	3.649485278	0.000102745		ENSG00000205477
14	97328053	97328288	97328170	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000205477
14	97345430	97345609	97345459	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000205477
14	97514531	97514762	97514625	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000205477
14	97613262	97613706	97613471	30	45	5	8.993374435	3.69E-11		ENSG00000222066

14	97674816	97675004	97674877	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000222066
14	97769828	97770490	97770007	23	48	0	57.47939313	3.05E-17		ENSG00000222066
14	98034505	98034832	98034682	19	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000210657
14	98344625	98345044	98344797	11	18	4	4.457585589	0.000353565	C14orf177	ENSG00000176605
14	98355612	98355992	98355813	12	20	7	3.079253203	0.00177418	C14orf177	ENSG00000176605
14	98421244	98421514	98421356	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000218496
14	98439525	98439951	98439772	11	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000218496
14	98439961	98440249	98440077	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000218496
14	98442633	98442854	98442742	11	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000218496
14	98445314	98445646	98445480	17	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000218496
14	98449891	98450243	98450067	33	38	1	22.87445237	1.58E-12		ENSG00000218496
14	98540288	98540621	98540454	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000220591
14	98604171	98604402	98604306	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000220591
14	98743551	98743861	98743706	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	BCL11B	ENSG00000127152
14	98802702	98803025	98802863	11	15	4	3.753756286	0.0020497	BCL11B	ENSG00000127152
14	98808279	98808564	98808421	16	18	4	4.457585589	0.000353565	BCL11B	ENSG00000127152
14	98810761	98811095	98810898	15	19	3	5.865244197	5.72E-05	BCL11B	ENSG00000127152
14	98868135	98868466	98868297	20	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000216173
14	98869061	98869567	98869388	18	30	0	36.36451402	3.56E-11		ENSG00000216173
14	98929183	98929467	98929335	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000216173
14	99011372	99011663	99011525	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SETD3	ENSG00000183576
14	99017134	99017444	99017300	11	15	6	2.68125449	0.0103552	CCNK	ENSG00000090061
14	99017501	99017854	99017642	10	15	5	3.128130238	0.00492422	CCNK	ENSG00000090061
14	99018103	99018308	99018224	8	10	3	3.225884308	0.0139466	CCNK	ENSG00000090061
14	99020289	99020578	99020420	18	20	0	24.63402563	8.35E-08	CCNK	ENSG00000090061
14	99054545	99054920	99054725	16	24	12	2.255863153	0.00673318	CCNK	ENSG00000090061
14	99055020	99055339	99055179	19	20	3	6.158506406	2.99E-05	CCNK	ENSG00000090061
14	99061003	99061271	99061109	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CCNK	ENSG00000090061
14	99102215	99102537	99102376	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000200506
14	99110306	99110687	99110508	13	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000200506
14	99115296	99115547	99115397	20	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000200506
14	99141041	99141389	99141216	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000205476
14	99141541	99141826	99141666	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000205476
14	99158109	99158414	99158261	28	33	5	6.647276756	1.04E-07		ENSG00000205476

14	99164868	99165262	99165083	12	19	6	3.351568112	0.00134187	HHIPL1	ENSG00000182218
14	99183056	99183260	99183170	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HHIPL1	ENSG00000182218
14	99190373	99190735	99190650	8	14	4	3.519146518	0.00361132	HHIPL1	ENSG00000182218
14	99190779	99191209	99190958	12	20	16	1.449060331	0.126098	HHIPL1	ENSG00000182218
14	99215525	99215715	99215639	9	9	14	0.78203256	0.734892	CYP46A1	ENSG00000036530
14	99218841	99219090	99218930	11	12	4	3.049926982	0.0108184	CYP46A1	ENSG00000036530
14	99219934	99220180	99220057	8	8	5	1.759573259	0.13508	CYP46A1	ENSG00000036530
14	99346094	99346293	99346193	9	9	3	2.932622098	0.0242899	EML1	ENSG00000066629
14	99478181	99478481	99478313	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000199836
14	99498337	99498689	99498513	17	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000213220
14	99502184	99502363	99502287	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000213220
14	99518510	99518789	99518632	8	9	7	1.466311049	0.20706	EVL	ENSG00000196405
14	99531912	99532159	99532035	11	13	4	3.28453675	0.00629037	EVL	ENSG00000196405
14	99560984	99561210	99561038	8	10	8	1.433726359	0.209175	EVL	ENSG00000196405
14	99561289	99561508	99561406	9	11	5	2.346097679	0.0364013	EVL	ENSG00000196405
14	99595557	99595941	99595769	25	32	7	4.838826462	2.26E-06	EVL	ENSG00000196405
14	99612351	99612602	99612496	10	13	4	3.28453675	0.00629037	EVL	ENSG00000196405
14	99632549	99632994	99632769	11	21	13	1.843362462	0.0337179		ENSG00000199082
14	99673335	99673560	99673447	8	8	10	0.959767232	0.541959	DEGS2	ENSG00000168350
14	99692117	99692364	99692257	12	13	7	2.052835469	0.046392	DEGS2	ENSG00000168350
14	99712822	99713098	99712960	11	12	6	2.178519273	0.0416567	DEGS2	ENSG00000168350
14	99728496	99728719	99728661	8	10	3	3.225884308	0.0139466	DEGS2	ENSG00000168350
14	99728747	99729438	99729262	13	37	9	4.457585589	1.02E-06	DEGS2	ENSG00000168350
14	99750311	99750596	99750470	10	13	4	3.28453675	0.00629037	YY1	ENSG00000100811
14	99782819	99783221	99783032	8	16	9	1.994183027	0.0370915	YY1	ENSG00000100811
14	99807448	99807715	99807581	10	13	5	2.737113958	0.0137917	YY1	ENSG00000100811
14	99838835	99839065	99838908	8	11	5	2.346097679	0.0364013	SLC25A29	ENSG00000197119
14	99839311	99839558	99839405	8	9	8	1.303387599	0.281715	SLC25A29	ENSG00000197119
14	99844189	99844537	99844358	15	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000198984
14	99856537	99856933	99856739	26	35	7	5.278719777	3.74E-07		ENSG00000223312
14	99861840	99862063	99861913	9	11	6	2.010940867	0.0640214	C14orf68	ENSG00000140107
14	99912255	99912488	99912404	13	14	7	2.199466574	0.0303778	WARS	ENSG00000140105
14	99913919	99914218	99914085	13	16	5	3.323638378	0.00288759	WDR25	ENSG00000176473
14	99934190	99934484	99934346	16	17	0	21.11487911	8.57E-07	WDR25	ENSG00000176473

14	99953645	99953940	99953764	11	15	4	3.753756286	0.0020497	WDR25	ENSG00000176473
14	99975457	99975720	99975559	13	16	2	6.647276756	0.000101928	WDR25	ENSG00000176473
14	99976269	99976560	99976414	14	17	6	3.016411301	0.00381427	WDR25	ENSG00000176473
14	100122602	100122895	100122780	11	14	2	5.865244197	0.000387308	BEGAIN	ENSG00000183092
14	100182058	100182277	100182209	13	13	4	3.28453675	0.00629037	C14orf70	ENSG00000196273
14	100199427	100199649	100199546	8	8	5	1.759573259	0.13508	C14orf70	ENSG00000196273
14	100214135	100214401	100214261	9	10	4	2.580707446	0.0306059	C14orf70	ENSG00000196273
14	100239961	100240221	100240091	14	18	0	22.28792795	3.94E-07	DLK1	ENSG00000185559
14	100244512	100244849	100244676	8	13	8	1.824742639	0.0744168	DLK1	ENSG00000185559
14	100248536	100248854	100248676	16	20	0	24.63402563	8.35E-08	DLK1	ENSG00000185559
14	100250771	100250969	100250867	8	10	0	12.90353723	0.000195991	DLK1	ENSG00000185559
14	100252036	100252250	100252185	11	11	2	4.692195357	0.00272444	DLK1	ENSG00000185559
14	100272344	100272596	100272461	8	9	7	1.466311049	0.20706	DLK1	ENSG00000185559
14	100318984	100319163	100319061	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000214548
14	100353352	100353588	100353470	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000214548
14	100370060	100370248	100370123	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214515
14	100387334	100387602	100387470	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000211574
14	100446938	100447189	100447048	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000199005
14	100609286	100609699	100609465	8	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000207959
14	100619955	100620263	100620119	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000207959
14	100684504	100684870	100684770	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000206761
14	100771368	100771690	100771546	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000206761
14	100938744	100938979	100938911	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000198348
14	101201616	101201877	101201746	9	12	4	3.049926982	0.0108184	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101274251	101274430	101274340	8	8	6	1.508205651	0.203852	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101346071	101346581	101346338	15	28	11	2.834868028	0.000626961	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101359791	101360000	101359895	9	10	4	2.580707446	0.0306059	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101376807	101377114	101376948	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101379800	101379983	101379834	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101484177	101484674	101484504	10	22	22	1.173048839	0.295277	DYNC1H1	ENSG00000197102
14	101500675	101500870	101500813	10	10	1	6.451768616	0.00135978	DYNC1H1	ENSG00000197102
14	101516786	101517113	101516929	19	23	3	7.038293036	4.15E-06	DYNC1H1	ENSG00000197102
14	101582541	101582936	101582712	13	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000211198
14	101599251	101599530	101599394	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000211198

14	101623025	101623204	101623114	8	8	2	3.519146518	0.017558	HSP90AA2	ENSG00000080824
14	101632772	101632955	101632867	8	9	3	2.932622098	0.0242899	HSP90AA2	ENSG00000080824
14	101633557	101634184	101633765	19	33	10	3.625787322	2.36E-05	HSP90AA2	ENSG00000080824
14	101675876	101676108	101675992	12	13	7	2.052835469	0.046392	WDR20	ENSG00000140153
14	101723872	101724079	101723975	8	9	3	2.932622098	0.0242899	RAGE	ENSG00000080823
14	101726724	101727139	101726903	19	27	0	32.8453675	3.65E-10	RAGE	ENSG00000080823
14	101815726	101816033	101815871	11	14	6	2.513676084	0.016726	RAGE	ENSG00000080823
14	101850343	101850593	101850456	9	11	12	1.082814313	0.424156	ZNF839	ENSG00000022976
14	101852847	101853427	101853137	15	31	11	3.128130238	0.000146711	ZNF839	ENSG00000022976
14	101854121	101854308	101854214	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ZNF839	ENSG00000022976
14	101855644	101855899	101855779	16	17	3	5.278719777	0.000205462	ZNF839	ENSG00000022976
14	101898781	101899137	101898959	9	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000100865
14	101974099	101974374	101974236	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000212330
14	102008996	102009355	102009129	9	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000212330
14	102017982	102018274	102018128	15	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000212330
14	102044508	102044855	102044681	8	14	3	4.398933147	0.00132748	ANKRD9	ENSG00000156381
14	102060618	102061353	102060783	13	36	14	2.89352047	0.000111563	ANKRD9	ENSG00000156381
14	102082013	102082217	102082083	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ANKRD9	ENSG00000156381
14	102227031	102227306	102227165	12	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000202459
14	102230666	102230919	102230778	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000202459
14	102262276	102262723	102262566	14	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000202459
14	102310867	102311127	102310997	8	9	7	1.466311049	0.20706	TRAF3	ENSG00000131323
14	102374366	102374771	102374464	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000206969
14	102522993	102523773	102523518	71	101	4	23.93019632	1.81E-29		ENSG00000213176
14	102553922	102554101	102553987	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000213176
14	102614410	102614665	102614537	14	14	5	2.932622098	0.00829617	CDC42BPB	ENSG00000198752
14	102641151	102641438	102641284	11	13	5	2.737113958	0.0137917	C14orf73	ENSG00000205436
14	102745329	102745618	102745473	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	TNFAIP2	ENSG00000185215
14	102779954	102780549	102780350	107	132	0	156.0154956	1.48E-45		ENSG00000199528
14	102868210	102868410	102868310	8	8	2	3.519146518	0.017558	EIF5	ENSG00000100664
14	102869875	102870157	102870015	9	14	5	2.932622098	0.00829617	EIF5	ENSG00000100664
14	102890953	102891219	102891073	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000213173
14	102894001	102894329	102894170	17	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000213173
14	103036117	103036592	103036413	12	20	6	3.519146518	0.000784044	CKB	ENSG00000166165

14	103057205	103057483	103057341	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CKB	ENSG00000166165
14	103163128	103163510	103163307	16	22	5	4.496687217	9.59E-05	KLC1	ENSG00000126214
14	103229512	103229915	103229747	17	22	1	13.49006165	2.37E-07	XRCC3	ENSG00000126215
14	103266206	103266417	103266311	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ZFYVE21	ENSG00000100711
14	103272448	103272696	103272572	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ZFYVE21	ENSG00000100711
14	103403625	103404006	103403827	8	13	1	8.211341875	0.000163445	PPP1R13B	ENSG00000088808
14	103416229	103416454	103416319	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PPP1R13B	ENSG00000088808
14	103427459	103427872	103427706	8	13	3	4.105670938	0.00243034	C14orf2	ENSG00000156411
14	103437215	103437563	103437389	12	15	4	3.753756286	0.0020497	C14orf2	ENSG00000156411
14	103446368	103446792	103446614	11	19	2	7.820325595	1.32E-05	C14orf2	ENSG00000156411
14	103457550	103457885	103457717	18	20	7	3.079253203	0.00177418	C14orf2	ENSG00000156411
14	103614092	103614423	103614257	15	19	14	1.564065119	0.0925887		ENSG00000166183
14	103636992	103637455	103637171	9	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000166183
14	103738375	103738573	103738474	8	8	4	2.111487911	0.0804809	KIF26A	ENSG00000066735
14	103879353	103879705	103879529	17	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000222761
14	103879741	103879938	103879829	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222761
14	103882269	103882501	103882366	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000222761
14	103882590	103882960	103882838	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000222761
14	103883583	103884070	103883849	12	23	7	3.519146518	0.000369739		ENSG00000222761
14	103972195	103972856	103972510	24	43	2	17.20471631	4.62E-13		ENSG00000213159
14	104086884	104087256	104087059	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	C14orf180	ENSG00000184601
14	104101462	104101682	104101516	10	11	4	2.815317214	0.0183428	C14orf180	ENSG00000184601
14	104177445	104177660	104177586	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000203486
14	104225154	104225576	104225284	9	19	3	5.865244197	5.72E-05	INF2	ENSG00000203485
14	104225964	104226281	104226105	10	12	3	3.812408728	0.004404	INF2	ENSG00000203485
14	104290036	104290564	104290176	11	20	7	3.079253203	0.00177418	SIVA1	ENSG00000184990
14	104311763	104312102	104311932	14	19	4	4.692195357	0.000193572	AKT1	ENSG00000142208
14	104338298	104338607	104338452	19	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000179627
14	104338760	104338980	104338855	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000179627
14	104342726	104342996	104342852	13	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000179627
14	104353276	104353675	104353473	12	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000179627
14	104358119	104358427	104358262	10	13	2	5.474227917	0.000747844	RPS2P4	ENSG00000196183
14	104401412	104401604	104401475	9	10	5	2.150589539	0.0575848	KIAA0284	ENSG00000099814
14	104403373	104403629	104403451	8	10	1	6.451768616	0.00135978	KIAA0284	ENSG00000099814

14	104423045	104423324	104423158	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KIAA0284	ENSG00000099814
14	104433813	104434008	104433962	9	9	1	5.865244197	0.00272497	KIAA0284	ENSG00000099814
14	104506328	104506639	104506495	9	13	4	3.28453675	0.00629037	AHNAK2	ENSG00000185567
14	104513593	104513814	104513655	11	13	8	1.824742639	0.0744168	AHNAK2	ENSG00000185567
14	104520153	104520668	104520326	29	40	2	16.03166747	4.15E-12	C14orf79	ENSG00000140104
14	104533186	104533383	104533324	8	10	1	6.451768616	0.00135978	C14orf79	ENSG00000140104
14	104558868	104559251	104559072	8	15	7	2.346097679	0.0195693	CDCA4	ENSG00000170779
14	104583214	104583443	104583311	14	15	2	6.256260476	0.000199274	GPR132	ENSG00000183484
14	104629001	104629277	104629156	13	15	4	3.753756286	0.0020497	GPR132	ENSG00000183484
14	104734670	104734870	104734738	8	9	1	5.865244197	0.00272497	NUDT14	ENSG00000183828
14	104740458	104740680	104740569	10	11	3	3.519146518	0.00788869	NUDT14	ENSG00000183828
14	104838472	104838935	104838756	9	19	8	2.606775198	0.00583935	BRF1	ENSG00000185024
14	104846592	104846932	104846788	12	17	7	2.639359888	0.00777415	PACS2	ENSG00000179364
14	104852757	104852999	104852878	10	11	4	2.815317214	0.0183428	PACS2	ENSG00000179364
14	104889672	104889861	104889766	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PACS2	ENSG00000179364
14	104891684	104891988	104891836	14	18	7	2.785990993	0.00480525	PACS2	ENSG00000179364
14	104908286	104908501	104908434	9	12	7	1.906204364	0.0695918	MTA1	ENSG00000182979
14	104935688	104935893	104935796	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MTA1	ENSG00000182979
14	104960025	104960409	104960240	10	16	14	1.329455351	0.210108	MTA1	ENSG00000182979
14	105004553	105004993	105004803	14	23	0	28.15317214	8.13E-09	CRIP2	ENSG00000182809
14	105006024	105006265	105006154	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CRIP2	ENSG00000182809
14	105011380	105011745	105011589	8	14	5	2.932622098	0.00829617	CRIP2	ENSG00000182809
14	105016963	105017156	105017059	8	9	8	1.303387599	0.281715	CRIP2	ENSG00000182809
14	105018275	105018691	105018454	20	31	2	12.51252095	2.82E-09		ENSG00000182351
14	105019245	105019842	105019576	10	25	3	7.624817456	1.09E-06		ENSG00000182351
14	105027087	105027553	105027385	9	17	7	2.639359888	0.00777415	C14orf80	ENSG00000185347
14	105028215	105028634	105028348	9	15	4	3.753756286	0.0020497	C14orf80	ENSG00000185347
14	105105665	105105864	105105744	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000219311
14	105215505	105215765	105215609	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213140
14	105225032	105225514	105225359	12	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000183545
14	105338592	105338904	105338737	10	15	3	4.692195357	0.000718455	IGHG3	ENSG00000211897
14	105481790	105482177	105482045	12	20	2	8.211341875	6.65E-06	IGHVII-1-1	ENSG00000217515
14	105560125	105560313	105560219	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000211937
14	105566756	105566984	105566871	11	13	3	4.105670938	0.00243034	IGHVIII-5-	ENSG00000219606

14	105738122	105738681	105738418	27	50	7	7.478186351	2.92E-11		ENSG00000211946
14	105795974	105796211	105796096	9	10	6	1.843362462	0.0964212	IGHV@	ENSG00000211949
14	105858658	105859086	105858914	14	21	5	4.301179077	0.000172642	IGHV3-29	ENSG00000218736
14	105864660	105864914	105864800	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000211953
14	105874614	105874816	105874715	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000211954
14	105944528	105944719	105944623	8	8	0	10.55743955	0.000925496	IGHVIII-38	ENSG00000220458
14	106032123	106032344	106032233	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000211961
14	106091141	106091381	106091257	13	14	5	2.932622098	0.00829617	IGHVII-49-	ENSG00000220648
14	106139027	106139665	106139339	35	63	6	10.72501796	9.41E-16	IGHV7-56	ENSG00000218845
14	106164775	106164985	106164880	8	8	7	1.319679944	0.283403	IGHVII-60-	ENSG00000217663
14	106179702	106180002	106179852	13	16	4	3.988366054	0.00115141	IGHV3-63	ENSG00000216414
14	106206653	106206917	106206785	8	8	4	2.111487911	0.0804809	IGHV1-67	ENSG00000216920
14	106269740	106269938	106269839	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000211975
14	106323231	106323571	106323392	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000211978
14	106324540	106324741	106324640	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000211978
14	106327628	106327828	106327728	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000211978
14	106339868	106340075	106340018	8	8	1	5.278719777	0.00542188	IGHVII-78-	ENSG00000218789
14	106352144	106352538	106352334	12	20	5	4.105670938	0.000308509	IGHV4-80	ENSG00000220689
14	106358508	106358757	106358632	8	9	7	1.466311049	0.20706	IGHVIII-82	ENSG00000218325
15	18277779	18277960	18277810	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000215409
15	19145919	19146185	19146034	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000187646
15	19179351	19179746	19179530	14	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000187646
15	19180716	19180981	19180838	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000187646
15	19254356	19254693	19254524	15	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000214319
15	19281982	19282299	19282140	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000214319
15	19988073	19988491	19988338	11	16	8	2.215758919	0.0222902	VSIG6	ENSG00000189039
15	20384804	20385029	20384960	9	11	2	4.692195357	0.00272444	TUBGCP5	ENSG00000153575
15	21328288	21328549	21328418	12	15	3	4.692195357	0.000718455	MKRN3	ENSG00000179455
15	23878665	23878905	23878749	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000212604
15	25613349	25613715	25613528	27	34	0	41.05670938	1.59E-12		ENSG00000210015
15	27770520	27770884	27770699	10	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000212769
15	27825848	27826102	27825975	15	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000212769
15	27891800	27892082	27891941	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	TJP1	ENSG00000104067
15	28015170	28015408	28015289	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000215315



15	29230160	29230580	29230373	61	73	0	86.80561411	1.14E-25	TRPM1	ENSG00000134160
15	29276923	29277228	29277075	9	12	2	5.083211637	0.00143337	TRPM1	ENSG00000134160
15	29477427	29477848	29477606	16	27	0	32.8453675	3.65E-10	KLF13	ENSG00000169926
15	31148169	31148509	31148339	12	16	2	6.647276756	0.000101928	FMN1	ENSG00000186031
15	31225043	31225478	31225238	63	81	1	48.09500241	1.04E-26		ENSG00000206125
15	31945650	31945843	31945746	9	10	4	2.580707446	0.0306059	CHRM5	ENSG00000184984
15	32422637	32422840	32422767	10	10	2	4.301179077	0.00512919	NOP10	ENSG00000182117
15	32811819	32812407	32812088	50	65	4	15.48424468	4.65E-18	GJD2	ENSG00000159248
15	33049234	33049418	33049326	8	8	3	2.639359888	0.0415794	AQR	ENSG00000021776
15	33067849	33068053	33067933	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ZNF770	ENSG00000198146
15	33336046	33336327	33336186	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000214149
15	33587867	33588090	33587966	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ATPBD4	ENSG00000134146
15	34085417	34085643	34085529	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ATPBD4	ENSG00000134146
15	36533480	36533705	36533590	10	12	3	3.812408728	0.004404	FAM98B	ENSG00000171262
15	37700701	37701038	37700828	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	THBS1	ENSG00000137801
15	37984238	37984455	37984346	10	10	2	4.301179077	0.00512919	GPR176	ENSG00000166073
15	38081888	38082260	38082107	12	16	2	6.647276756	0.000101928	SRP14	ENSG00000140319
15	38234755	38235072	38234913	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	BUB1B	ENSG00000156970
15	38557417	38557684	38557521	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000214089
15	38673611	38673796	38673703	8	9	4	2.346097679	0.050148	CASC5	ENSG00000137812
15	38945476	38945756	38945627	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	RHOV	ENSG00000104140
15	38971430	38971612	38971573	8	10	2	4.301179077	0.00512919	VPS18	ENSG00000104142
15	39098019	39098336	39098159	17	20	2	8.211341875	6.65E-06	CHAC1	ENSG00000128965
15	39490682	39490885	39490779	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RTF1	ENSG00000137815
15	39883955	39884134	39884064	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLA2G4B	ENSG00000168970
15	39917999	39918229	39918109	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLA2G4B	ENSG00000168970
15	40007619	40007843	40007731	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SPTBN5	ENSG00000137877
15	40110696	40111097	40110862	13	21	0	25.80707446	3.84E-08	PLA2G4E	ENSG00000188089
15	40174040	40174248	40174144	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PLA2G4D	ENSG00000159337
15	40174299	40174593	40174475	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	PLA2G4D	ENSG00000159337
15	40350718	40350897	40350807	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMEM87A	ENSG00000103978
15	40750889	40751367	40751088	29	40	0	48.09500241	1.51E-14	STARD9	ENSG00000166917
15	40938095	40938300	40938197	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	TTBK2	ENSG00000128881
15	41185483	41185662	41185572	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UBR1	ENSG00000159459

15	41298896	41299110	41299003	13	13	1	8.211341875	0.000163445	EPB42	ENSG00000166947
15	41856765	41857104	41856934	8	13	1	8.211341875	0.000163445	ELL3	ENSG00000128886
15	41903995	41904241	41904146	9	12	2	5.083211637	0.00143337	MFAP1	ENSG00000140259
15	42322736	42322934	42322835	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000203578
15	42506830	42507021	42506925	8	8	5	1.759573259	0.13508	CTDSPL2	ENSG00000137770
15	43162799	43163057	43162951	17	18	1	11.14396397	4.44E-06	DUOX2	ENSG00000140279
15	43277959	43278226	43278078	9	10	3	3.225884308	0.0139466	SHF	ENSG00000138606
15	43279706	43280054	43279877	9	14	7	2.199466574	0.0303778	SHF	ENSG00000138606
15	43666638	43666817	43666767	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLDN	ENSG00000104164
15	46947455	46947841	46947664	19	26	0	31.67231866	7.93E-10	SHC4	ENSG00000185634
15	47042935	47043120	47043060	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SHC4	ENSG00000185634
15	47112263	47112481	47112372	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000223176
15	47235147	47235396	47235288	17	19	1	11.73048839	2.14E-06	GALK2	ENSG00000156958
15	47345428	47345879	47345662	28	42	0	50.44110009	3.21E-15		ENSG00000210823
15	47539185	47539435	47539325	9	12	5	2.541605819	0.0225912	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47547940	47548548	47548244	14	27	16	1.932080441	0.0141162	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47585833	47586247	47586025	51	60	6	10.22228274	7.38E-15	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47600730	47601020	47600857	8	11	4	2.815317214	0.0183428	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47611097	47611284	47611190	8	8	6	1.508205651	0.203852	C15orf33	ENSG00000166262
15	47633813	47634068	47633964	8	10	3	3.225884308	0.0139466	C15orf33	ENSG00000166262
15	47639388	47639620	47639502	9	11	12	1.082814313	0.424156	C15orf33	ENSG00000166262
15	47645213	47645517	47645368	12	13	4	3.28453675	0.00629037	C15orf33	ENSG00000166262
15	47659638	47659889	47659763	8	8	7	1.319679944	0.283403	C15orf33	ENSG00000166262
15	47683924	47684103	47683937	8	8	2	3.519146518	0.017558	C15orf33	ENSG00000166262
15	47700087	47701135	47700498	75	149	42	4.092030835	9.03E-20	DTWD1	ENSG00000104047
15	47702740	47703082	47702907	8	12	6	2.178519273	0.0416567	DTWD1	ENSG00000104047
15	47703559	47703816	47703687	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	DTWD1	ENSG00000104047
15	47705014	47705614	47705356	360	445	8	58.13108693	1.43E-136	DTWD1	ENSG00000104047
15	47725542	47725904	47725651	9	14	9	1.759573259	0.0786014	DTWD1	ENSG00000104047
15	47726153	47726381	47726267	8	9	9	1.173048839	0.362316	DTWD1	ENSG00000104047
15	47743538	47743745	47743641	9	9	2	3.910162798	0.00955088	DTWD1	ENSG00000104047
15	47752766	47753033	47752899	9	13	6	2.346097679	0.0266147	DTWD1	ENSG00000104047
15	47754657	47755030	47754851	9	16	12	1.533986944	0.120062	DTWD1	ENSG00000104047
15	47764085	47764445	47764266	11	17	4	4.222975822	0.000640773	DTWD1	ENSG00000104047

15	47768834	47769211	47769132	14	19	19	1.173048839	0.308076	DTWD1	ENSG00000104047
15	47791799	47791988	47791906	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214966
15	47794823	47795037	47794930	14	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000214966
15	47795607	47795883	47795745	10	12	11	1.270802909	0.274822		ENSG00000214966
15	47810131	47810325	47810262	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000214966
15	47814340	47814555	47814418	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000214966
15	47828478	47829012	47828607	10	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000214966
15	47831935	47832243	47832104	9	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000214966
15	47854880	47855062	47854985	8	8	10	0.959767232	0.541959		ENSG00000214966
15	47881737	47882078	47881907	15	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000214966
15	47885984	47886481	47886310	10	19	16	1.380057458	0.163303		ENSG00000214966
15	47912095	47912390	47912251	11	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000214966
15	47932435	47932624	47932529	8	9	4	2.346097679	0.050148	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47932880	47933100	47932990	8	9	7	1.466311049	0.20706	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47945128	47945375	47945245	8	10	7	1.612942154	0.147335	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47945614	47946131	47945862	11	22	17	1.498895739	0.097269	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47950855	47951115	47950980	8	11	9	1.407658607	0.210479	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47955002	47955274	47955138	10	13	11	1.368556979	0.211388	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47956171	47956657	47956332	11	19	26	0.868925066	0.687875	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47965415	47965601	47965508	8	8	6	1.508205651	0.203852	ATP8B4	ENSG00000104043
15	47969687	47970109	47969865	8	14	14	1.173048839	0.332418	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48002717	48003154	48002975	9	18	7	2.785990993	0.00480525	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48005885	48006186	48006035	10	15	8	2.085420159	0.0338693	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48006870	48007366	48007188	16	27	17	1.824742639	0.0211436	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48064016	48064499	48064167	17	23	10	2.559379286	0.00330263		ENSG00000201086
15	48070495	48070771	48070638	12	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000201086
15	48076140	48076330	48076235	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000201086
15	48083056	48083977	48083350	42	79	30	3.027222811	1.22E-08		ENSG00000201086
15	48092638	48092893	48092765	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201086
15	48126521	48126725	48126611	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000201086
15	48127153	48127412	48127243	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000201086
15	48131378	48131593	48131462	11	13	11	1.368556979	0.211388	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48138501	48138791	48138648	10	13	10	1.49297125	0.157311	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48153669	48154024	48153846	15	20	3	6.158506406	2.99E-05	ATP8B4	ENSG00000104043

15	48154221	48154401	48154326	9	9	7	1.466311049	0.20706	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48154831	48155078	48154954	9	12	10	1.386330446	0.21117	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48188527	48188720	48188623	9	10	7	1.612942154	0.147335	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48188831	48189163	48189009	16	19	16	1.380057458	0.163303	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48190552	48190733	48190627	10	10	9	1.290353723	0.279648	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48192770	48192993	48192897	8	8	11	0.879786629	0.621301	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48196023	48196351	48196176	8	13	18	0.864351776	0.666373	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48198547	48198772	48198616	8	10	8	1.433726359	0.209175	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48201998	48202318	48202161	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48207415	48207714	48207564	13	16	14	1.329455351	0.210108	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48207828	48208060	48207947	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48208867	48209210	48209038	9	14	5	2.932622098	0.00829617	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48213876	48214089	48213982	8	8	8	1.173048839	0.36929	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48217414	48217593	48217503	8	8	10	0.959767232	0.541959	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48221879	48222188	48222033	11	14	12	1.353517892	0.211235	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48224779	48225148	48224993	12	19	11	1.955081399	0.0295891	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48227805	48228202	48228023	16	24	8	3.258468998	0.000499412	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48228679	48229044	48228887	19	25	11	2.541605819	0.00248721	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48261365	48261826	48261544	14	25	11	2.541605819	0.00248721	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48261910	48262344	48262016	11	18	5	3.714654658	0.000961539	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48262913	48263104	48263014	11	11	19	0.703829304	0.840485	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48266898	48267379	48267188	9	18	10	2.026175268	0.0273052	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48272447	48272958	48272626	24	44	22	2.295095555	0.000389587	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48284674	48285032	48284853	9	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000200605
15	48285275	48285568	48285370	16	20	12	1.894925048	0.0317253		ENSG00000200605
15	48287650	48287840	48287778	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000200605
15	48288595	48288970	48288744	10	16	6	2.848832895	0.00632407		ENSG00000200605
15	48289259	48289542	48289407	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000200605
15	48290133	48290312	48290222	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000200605
15	48299344	48299530	48299486	8	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000200605
15	48304099	48304344	48304221	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000200605
15	48306506	48307284	48306825	13	34	14	2.737113958	0.000281523		ENSG00000200605
15	48308140	48308912	48308660	14	41	40	1.201659787	0.201904		ENSG00000200605
15	48311961	48312140	48312099	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000200605

15	48314322	48314589	48314485	9	11	15	0.879786629	0.637414		ENSG00000210855
15	48325964	48326238	48326084	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000210855
15	48327349	48327726	48327533	20	28	15	2.126151021	0.00621236		ENSG00000210855
15	48329276	48329501	48329430	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000210855
15	48329647	48329840	48329699	9	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000210855
15	48330656	48330880	48330763	8	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000210855
15	48332426	48332704	48332591	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210855
15	48335626	48335956	48335768	8	12	20	0.726173091	0.825666	HDC	ENSG00000140287
15	48336034	48336244	48336139	12	16	14	1.329455351	0.210108	HDC	ENSG00000140287
15	48336330	48336549	48336381	8	10	14	0.860235815	0.65444	HDC	ENSG00000140287
15	48345249	48345428	48345321	8	8	10	0.959767232	0.541959	HDC	ENSG00000140287
15	48355463	48355645	48355554	10	11	5	2.346097679	0.0364013	HDC	ENSG00000140287
15	48393946	48394300	48394123	12	17	15	1.319679944	0.209239		ENSG00000207498
15	48410418	48410635	48410546	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000207498
15	48423546	48423732	48423617	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000207498
15	48433359	48433880	48433619	20	35	18	2.222618853	0.00178073	GABPB1	ENSG00000104064
15	48434174	48435519	48434844	33	111	32	3.981256667	6.72E-15	GABPB1	ENSG00000104064
15	48438268	48438662	48438483	15	23	13	2.010940867	0.0163115	GABPB1	ENSG00000104064
15	48441180	48441363	48441337	8	8	8	1.173048839	0.36929	GABPB1	ENSG00000104064
15	48444353	48444606	48444480	8	10	4	2.580707446	0.0306059	GABPB1	ENSG00000104064
15	48470296	48470780	48470601	23	38	16	2.691112043	0.000164514	USP8	ENSG00000138592
15	48503470	48504381	48503990	20	59	33	2.070086187	0.000251419	USP8	ENSG00000138592
15	48506135	48506410	48506272	8	11	8	1.564065119	0.151515	USP8	ENSG00000138592
15	48532359	48532544	48532433	8	8	6	1.508205651	0.203852	USP8	ENSG00000138592
15	48558741	48558937	48558803	8	10	3	3.225884308	0.0139466	USP8	ENSG00000138592
15	48607927	48608170	48608031	8	10	8	1.433726359	0.209175	USP50	ENSG00000170236
15	48642584	48642817	48642685	9	10	5	2.150589539	0.0575848	USP50	ENSG00000170236
15	48701803	48702032	48701926	8	9	9	1.173048839	0.362316	TRPM7	ENSG00000092439
15	48728158	48728466	48728312	11	15	8	2.085420159	0.0338693	TRPM7	ENSG00000092439
15	48757765	48757982	48757844	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TRPM7	ENSG00000092439
15	48765271	48766288	48766125	16	50	24	2.393019632	0.00010052	TRPM7	ENSG00000092439
15	48766390	48767009	48766581	16	30	18	1.91392179	0.0113254	TRPM7	ENSG00000092439
15	48798427	48798653	48798540	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000222751
15	48832685	48833026	48832855	18	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000138600

15	48843850	48844163	48844017	8	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000138600
15	48844337	48844901	48844722	14	29	21	1.599612054	0.0452774	ENSG00000138600
15	48844941	48845607	48845243	18	44	12	4.060553675	3.75E-07	ENSG00000138600
15	48846130	48846309	48846259	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ENSG00000138600
15	48854150	48854371	48854260	9	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000138600
15	48857621	48858063	48857819	35	50	14	3.988366054	9.04E-08	ENSG00000138600
15	48877321	48877847	48877611	253	303	15	22.28792795	6.73E-82	ENSG00000138600
15	48877972	48878575	48878318	19	36	9	4.340280705	1.80E-06	ENSG00000138600
15	48895493	48896057	48895849	61	83	37	2.593055329	1.68E-07	ENSG00000138600
15	48905321	48905502	48905414	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000138600
15	48908350	48908589	48908447	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000138600
15	48911134	48911399	48911248	10	10	7	1.612942154	0.147335	ENSG00000138600
15	48934042	48934514	48934263	27	43	26	1.911635146	0.00339404	AP4E1 ENSG00000081014
15	48934565	48934964	48934720	15	21	10	2.346097679	0.00796926	AP4E1 ENSG00000081014
15	48935071	48935295	48935183	9	10	13	0.921681231	0.585856	AP4E1 ENSG00000081014
15	48938985	48939164	48939074	8	8	2	3.519146518	0.017558	AP4E1 ENSG00000081014
15	48956218	48956819	48956570	32	50	34	1.709299737	0.00665899	AP4E1 ENSG00000081014
15	48965267	48965654	48965466	21	29	9	3.519146518	8.36E-05	AP4E1 ENSG00000081014
15	48987451	48987730	48987612	10	13	16	0.966040221	0.542489	AP4E1 ENSG00000081014
15	48987855	48988839	48988083	33	68	28	2.791047238	4.86E-07	AP4E1 ENSG00000081014
15	49017066	49017249	49017232	9	10	5	2.150589539	0.0575848	AP4E1 ENSG00000081014
15	49121865	49122044	49121907	8	9	6	1.675784056	0.141978	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49131264	49131503	49131402	10	11	11	1.173048839	0.349489	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49133253	49133493	49133350	10	10	4	2.580707446	0.0306059	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49159763	49160171	49159999	25	34	9	4.105670938	5.54E-06	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49160905	49161159	49161032	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49169329	49169616	49169472	9	13	4	3.28453675	0.00629037	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49177415	49177594	49177500	8	8	2	3.519146518	0.017558	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49180072	49180252	49180171	8	8	8	1.173048839	0.36929	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49191691	49191912	49191816	8	11	10	1.279689643	0.277323	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49212309	49212694	49212488	17	26	7	3.959039833	7.16E-05	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49212715	49212933	49212857	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49215068	49215296	49215182	9	11	1	7.038293036	0.000674435	TNFAIP8L3 ENSG00000183578
15	49237185	49237395	49237290	8	10	6	1.843362462	0.0964212	TNFAIP8L3 ENSG00000183578

15	49242390	49243098	49242605	15	37	20	2.122659804	0.00217107	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49270365	49270582	49270473	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49271995	49272708	49272330	19	40	26	1.781296386	0.00893439	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49291498	49291790	49291644	10	13	8	1.824742639	0.0744168	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49309386	49309609	49309497	8	10	9	1.290353723	0.279648	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49319314	49319532	49319423	8	11	3	3.519146518	0.00788869	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49319553	49319832	49319715	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49335322	49335616	49335469	9	12	4	3.049926982	0.0108184	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49338434	49338658	49338541	8	9	6	1.675784056	0.141978	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49353838	49354029	49353937	8	8	5	1.759573259	0.13508	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49360887	49361150	49361007	13	14	9	1.759573259	0.0786014	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49366455	49366783	49366619	9	11	10	1.279689643	0.277323	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49370319	49370642	49370480	10	13	9	1.642268375	0.111397	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49370855	49371034	49370944	8	8	6	1.508205651	0.203852	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49395009	49395263	49395136	9	11	7	1.759573259	0.102361	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49395538	49395839	49395688	16	19	2	7.820325595	1.32E-05	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49399073	49399252	49399162	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49399348	49399542	49399433	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49400835	49401238	49401014	9	18	13	1.591994853	0.0905191	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49403313	49403632	49403471	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49406948	49407196	49407072	9	10	6	1.843362462	0.0964212	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49415546	49415760	49415653	11	13	8	1.824742639	0.0744168	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49419689	49419902	49419795	9	10	8	1.433726359	0.209175	GLDN	ENSG00000186417
15	49419921	49420264	49420093	10	15	9	1.876878143	0.0544542	GLDN	ENSG00000186417
15	49422754	49423007	49422908	9	11	3	3.519146518	0.00788869	GLDN	ENSG00000186417
15	49423039	49423255	49423147	9	12	1	7.624817456	0.000332769	GLDN	ENSG00000186417
15	49423260	49423483	49423325	9	9	3	2.932622098	0.0242899	GLDN	ENSG00000186417
15	49438741	49438920	49438844	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GLDN	ENSG00000186417
15	49453636	49453849	49453808	8	10	5	2.150589539	0.0575848	GLDN	ENSG00000186417
15	49460651	49461045	49460866	25	35	20	2.010940867	0.0045186	GLDN	ENSG00000186417
15	49462290	49462626	49462458	16	21	10	2.346097679	0.00796926	GLDN	ENSG00000186417
15	49464178	49464455	49464332	8	10	6	1.843362462	0.0964212	GLDN	ENSG00000186417
15	49481492	49481744	49481642	12	14	6	2.513676084	0.016726	GLDN	ENSG00000186417
15	49482662	49483120	49482952	10	19	10	2.132816071	0.01835	GLDN	ENSG00000186417

15	49490298	49490608	49490461	9	12	8	1.694403879	0.107291	GLDN	ENSG00000186417
15	49504272	49504641	49504435	9	15	12	1.443752418	0.160732	GLDN	ENSG00000186417
15	49505221	49505529	49505398	16	18	7	2.785990993	0.00480525	GLDN	ENSG00000186417
15	49564838	49565032	49564933	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GLDN	ENSG00000186417
15	49574366	49574695	49574524	9	12	15	0.953102182	0.555895	GLDN	ENSG00000186417
15	49578866	49579488	49579036	23	43	18	2.716534154	6.16E-05	GLDN	ENSG00000186417
15	49605060	49605274	49605167	8	9	9	1.173048839	0.362316	DMXL2	ENSG00000104093
15	49616535	49616736	49616640	9	11	6	2.010940867	0.0640214	DMXL2	ENSG00000104093
15	49656195	49656840	49656517	9	24	15	1.832888811	0.0266638	DMXL2	ENSG00000104093
15	49669356	49669690	49669523	11	16	3	4.985457567	0.000385643	DMXL2	ENSG00000104093
15	49701421	49702484	49701586	11	43	25	1.985159574	0.00226191	DMXL2	ENSG00000104093
15	49702503	49702836	49702669	8	11	11	1.173048839	0.349489	DMXL2	ENSG00000104093
15	49726162	49726376	49726269	8	8	11	0.879786629	0.621301	DMXL2	ENSG00000104093
15	49729340	49729754	49729575	14	22	11	2.248343609	0.0090389	DMXL2	ENSG00000104093
15	49752940	49753146	49753063	8	8	5	1.759573259	0.13508	SCG3	ENSG00000104112
15	49767979	49768296	49768132	9	12	3	3.812408728	0.004404	SCG3	ENSG00000104112
15	49778338	49778570	49778426	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SCG3	ENSG00000104112
15	49787308	49787611	49787459	10	14	6	2.513676084	0.016726	SCG3	ENSG00000104112
15	49791741	49791949	49791856	9	9	5	1.955081399	0.0892323	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49799698	49800005	49799871	14	19	11	1.955081399	0.0295891	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49801707	49802047	49801870	10	14	3	4.398933147	0.00132748	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49805781	49806594	49806010	28	55	28	2.265197759	0.000108837	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49808513	49808828	49808672	12	14	13	1.256838042	0.269506	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49811192	49811428	49811349	9	9	12	0.902345261	0.602772	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49816341	49816698	49816519	11	15	11	1.564065119	0.11768	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49817401	49817690	49817551	13	16	4	3.988366054	0.00115141	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49818536	49818924	49818767	39	51	13	4.357038546	2.02E-08	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49830495	49831008	49830792	20	35	14	2.815317214	0.000177835	TMOD2	ENSG00000128872
15	49835960	49836284	49836126	12	13	11	1.368556979	0.211388	TMOD2	ENSG00000128872
15	49855568	49856014	49855747	12	21	22	1.122046716	0.351409	TMOD2	ENSG00000128872
15	49856202	49856840	49856695	22	35	11	3.519146518	1.92E-05	TMOD2	ENSG00000128872
15	49865819	49866129	49865974	11	12	9	1.524963491	0.154777	TMOD2	ENSG00000128872
15	49880925	49881168	49881063	10	11	14	0.938439071	0.570297	TMOD3	ENSG00000138594
15	49908828	49909387	49909193	17	30	19	1.818225701	0.0168067	TMOD3	ENSG00000138594



15	49909621	49910221	49909967	14	27	21	1.49297125	0.078146	TMOD3	ENSG00000138594
15	49910493	49910672	49910541	8	8	2	3.519146518	0.017558	TMOD3	ENSG00000138594
15	49935299	49935541	49935420	8	10	3	3.225884308	0.0139466	TMOD3	ENSG00000138594
15	49943648	49944543	49944175	82	139	14	10.94845583	3.31E-32		ENSG00000207484
15	49948679	49948894	49948769	13	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000207484
15	49967821	49968016	49967906	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000207484
15	49985385	49985652	49985526	13	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000202323
15	49987201	49987421	49987363	8	8	10	0.959767232	0.541959		ENSG00000202323
15	49997047	49997336	49997184	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000202323
15	50003562	50003797	50003693	10	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000202323
15	50049215	50049633	50049454	9	16	7	2.492728784	0.0124193	LEO1	ENSG00000166477
15	50050944	50051682	50051340	42	81	29	3.206333494	2.34E-09	LEO1	ENSG00000166477
15	50061572	50062004	50061786	13	25	12	2.346097679	0.00444113	LEO1	ENSG00000166477
15	50069531	50069757	50069644	9	12	4	3.049926982	0.0108184	LEO1	ENSG00000166477
15	50070754	50070991	50070870	14	15	3	4.692195357	0.000718455	LEO1	ENSG00000166477
15	50084327	50084655	50084491	15	19	10	2.132816071	0.01835	MAPK6	ENSG00000069956
15	50087776	50087955	50087790	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MAPK6	ENSG00000069956
15	50098417	50098912	50098595	13	29	10	3.199224107	0.000186763	MAPK6	ENSG00000069956
15	50099337	50100332	50099529	19	54	28	2.224747799	0.000159491	MAPK6	ENSG00000069956
15	50100630	50100914	50100772	15	19	6	3.351568112	0.00134187	MAPK6	ENSG00000069956
15	50147132	50147466	50147289	9	13	5	2.737113958	0.0137917	MAPK6	ENSG00000069956
15	50147500	50147736	50147635	8	10	8	1.433726359	0.209175	MAPK6	ENSG00000069956
15	50156567	50156796	50156681	8	9	6	1.675784056	0.141978	MAPK6	ENSG00000069956
15	50157946	50158127	50158036	9	9	6	1.675784056	0.141978	MAPK6	ENSG00000069956
15	50158251	50158711	50158430	13	22	18	1.42000649	0.127634	MAPK6	ENSG00000069956
15	50163343	50163736	50163514	8	14	6	2.513676084	0.016726	MAPK6	ENSG00000069956
15	50176851	50177149	50177000	9	12	6	2.178519273	0.0416567	BCL2L10	ENSG00000137875
15	50193843	50194056	50193944	8	8	8	1.173048839	0.36929	BCL2L10	ENSG00000137875
15	50219371	50219723	50219547	16	22	10	2.452738482	0.00515848		ENSG00000206995
15	50223939	50224150	50224004	9	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000206995
15	50228298	50228723	50228410	10	16	16	1.173048839	0.322157		ENSG00000206995
15	50257672	50259042	50258876	13	53	33	1.863077568	0.00189177	GNB5	ENSG00000069966
15	50259573	50259845	50259706	10	10	8	1.433726359	0.209175	GNB5	ENSG00000069966
15	50263066	50263381	50263221	10	14	18	0.926091189	0.59273	GNB5	ENSG00000069966

15	50264027	50264304	50264165	8	11	7	1.759573259	0.102361	GNB5	ENSG00000069966
15	50276488	50276783	50276649	15	17	5	3.519146518	0.00167472	GNB5	ENSG00000069966
15	50287857	50288232	50288039	16	24	15	1.832888811	0.0266638	GNB5	ENSG00000069966
15	50296552	50296921	50296771	11	16	14	1.329455351	0.210108	GNB5	ENSG00000069966
15	50300482	50300718	50300613	10	10	8	1.433726359	0.209175	GNB5	ENSG00000069966
15	50306987	50307421	50307144	15	22	10	2.452738482	0.00515848	GNB5	ENSG00000069966
15	50335725	50336197	50336008	19	30	14	2.424300935	0.00163956		ENSG00000221052
15	50367402	50368442	50367978	26	73	21	3.945709732	2.17E-10	MYO5C	ENSG00000128833
15	50373024	50373257	50373140	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MYO5C	ENSG00000128833
15	50373813	50374246	50374067	9	18	6	3.183989707	0.00227432	MYO5C	ENSG00000128833
15	50374274	50374686	50374511	8	14	9	1.759573259	0.0786014	MYO5C	ENSG00000128833
15	50375067	50375444	50375265	25	32	16	2.277094806	0.00211782	MYO5C	ENSG00000128833
15	50398661	50398909	50398797	11	13	7	2.052835469	0.046392	MYO5C	ENSG00000128833
15	50402774	50403000	50402928	9	10	5	2.150589539	0.0575848	MYO5C	ENSG00000128833
15	50410848	50411442	50411137	25	42	13	3.602935721	2.65E-06	MYO5A	ENSG00000197535
15	50414281	50414631	50414480	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	MYO5A	ENSG00000197535
15	50415912	50416325	50416160	15	19	9	2.346097679	0.0107159	MYO5A	ENSG00000197535
15	50419255	50419563	50419384	8	11	9	1.407658607	0.210479	MYO5A	ENSG00000197535
15	50419598	50420537	50420303	49	100	16	6.969290163	1.09E-19	MYO5A	ENSG00000197535
15	50420581	50420775	50420663	9	10	6	1.843362462	0.0964212	MYO5A	ENSG00000197535
15	50428685	50428895	50428755	9	12	13	1.089259637	0.414883	MYO5A	ENSG00000197535
15	50429970	50430315	50430142	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	MYO5A	ENSG00000197535
15	50437439	50437623	50437583	8	8	8	1.173048839	0.36929	MYO5A	ENSG00000197535
15	50440098	50440449	50440196	9	13	8	1.824742639	0.0744168	MYO5A	ENSG00000197535
15	50446635	50446935	50446769	8	12	9	1.524963491	0.154777	MYO5A	ENSG00000197535
15	50471787	50472193	50472014	13	23	15	1.759573259	0.0372968	MYO5A	ENSG00000197535
15	50473589	50473846	50473717	10	10	8	1.433726359	0.209175	MYO5A	ENSG00000197535
15	50515908	50516111	50516009	8	9	4	2.346097679	0.050148	MYO5A	ENSG00000197535
15	50565589	50566039	50565860	9	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000174057
15	50605232	50605454	50605298	8	9	4	2.346097679	0.050148	MYO5A	ENSG00000197535
15	50607831	50608169	50608000	9	14	4	3.519146518	0.00361132	MYO5A	ENSG00000197535
15	50609188	50609427	50609262	12	14	8	1.955081399	0.0506438	MYO5A	ENSG00000197535
15	50609725	50609960	50609839	8	9	11	0.977540699	0.526123	MYO5A	ENSG00000197535
15	50637587	50638220	50637863	31	49	15	3.665777623	3.70E-07		ENSG00000128989

15	50639179	50639358	50639268	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000128989
15	50643179	50643386	50643282	10	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000128989
15	50646788	50646999	50646922	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000128989
15	50647674	50648161	50647991	13	23	22	1.224050963	0.244738	ENSG00000128989
15	50648359	50648812	50648657	28	36	15	2.712675441	0.000215253	ENSG00000128989
15	50691025	50691204	50691129	8	9	6	1.675784056	0.141978	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50712645	50712966	50712800	10	13	8	1.824742639	0.0744168	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50716739	50717049	50716878	12	14	3	4.398933147	0.00132748	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50726993	50727210	50727104	8	11	14	0.938439071	0.570297	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50732676	50733048	50732869	16	23	14	1.876878143	0.0251753	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50733901	50734167	50734053	8	11	10	1.279689643	0.277323	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50735117	50735331	50735226	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50743006	50743680	50743258	106	158	8	20.72386283	2.43E-43	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50743780	50744048	50743966	8	12	8	1.694403879	0.107291	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50747546	50747725	50747679	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50757577	50758661	50757787	24	68	30	2.610979675	1.64E-06	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50758706	50759305	50759118	26	60	15	4.4722487	9.42E-10	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50774703	50775058	50774880	19	23	19	1.407658607	0.128138	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50775355	50775616	50775491	12	13	7	2.052835469	0.046392	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50779035	50779253	50779144	12	12	9	1.524963491	0.154777	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50788339	50788790	50788497	9	18	6	3.183989707	0.00227432	KIAA1370 ENSG00000047346
15	50789001	50789744	50789446	14	40	13	3.435357315	7.45E-06	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50791619	50792142	50791999	8	19	13	1.675784056	0.0660887	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50802736	50803166	50803001	11	19	9	2.346097679	0.0107159	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50807470	50807676	50807583	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50809639	50809963	50809801	9	12	8	1.694403879	0.107291	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50810227	50810431	50810345	8	8	8	1.173048839	0.36929	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50814905	50815307	50815143	15	21	14	1.720471631	0.0496182	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50839625	50839832	50839698	8	9	8	1.303387599	0.281715	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50841324	50841544	50841471	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50842740	50842956	50842848	9	10	9	1.290353723	0.279648	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50845356	50845558	50845451	9	10	7	1.612942154	0.147335	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50859355	50859769	50859573	14	24	7	3.665777623	0.000215502	ONECUT1 ENSG00000169856
15	50860022	50860334	50860178	14	17	18	1.111309427	0.376188	ONECUT1 ENSG00000169856

15	50866545	50866764	50866695	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50869325	50869620	50869475	12	15	2	6.256260476	0.000199274	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50882105	50882505	50882234	12	21	15	1.612942154	0.070218	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50882729	50882963	50882831	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50884474	50884675	50884584	8	9	6	1.675784056	0.141978	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50902803	50903025	50902914	9	11	5	2.346097679	0.0364013	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50935977	50936228	50936105	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000214896
15	50941362	50941602	50941487	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000214896
15	50969362	50969565	50969463	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214896
15	51002175	51002382	51002317	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221274
15	51002884	51003166	51003021	8	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000221274
15	51011823	51012231	51011999	9	15	15	1.173048839	0.32719		ENSG00000221274
15	51023390	51023570	51023480	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000221274
15	51039864	51040070	51040018	11	12	11	1.270802909	0.274822		ENSG00000221274
15	51081863	51082285	51082040	13	19	9	2.346097679	0.0107159		ENSG00000221274
15	51149464	51149760	51149588	9	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000221274
15	51150569	51150870	51150709	12	13	15	1.026417734	0.475096		ENSG00000221274
15	51151197	51152145	51151611	69	190	32	6.789464494	6.74E-35		ENSG00000221274
15	51155355	51155943	51155534	8	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000221274
15	51158836	51159138	51158987	28	32	13	2.765043693	0.00036798		ENSG00000221274
15	51159204	51159393	51159298	9	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000221274
15	51161179	51161386	51161282	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000221274
15	51162114	51162411	51162242	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000221274
15	51162789	51163155	51163007	12	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000221274
15	51226568	51226844	51226706	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221274
15	51234195	51234407	51234326	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221274
15	51258466	51258737	51258601	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000221274
15	51272672	51272957	51272818	15	17	12	1.62422147	0.088135		ENSG00000221274
15	51276353	51276823	51276511	9	18	11	1.857327329	0.0427732		ENSG00000221274
15	51276835	51277255	51276984	19	29	12	2.707035783	0.000762953		ENSG00000221274
15	51291490	51291763	51291626	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000221274
15	51377423	51377777	51377600	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000210932
15	51435957	51436201	51436079	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210932
15	51463947	51464285	51464205	11	15	12	1.443752418	0.160732		ENSG00000210932

15	51477534	51477864	51477648	14	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000210932
15	51539594	51539851	51539735	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000210932
15	51556167	51556506	51556336	8	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000210932
15	51598765	51598991	51598878	10	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000210932
15	51602468	51602669	51602610	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000210932
15	51615452	51615668	51615571	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000210932
15	51666325	51666668	51666496	16	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000210932
15	51714520	51714750	51714604	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000210932
15	51735064	51735272	51735167	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000210932
15	51755283	51755630	51755456	17	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000210932
15	51757896	51758083	51757989	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210932
15	51796489	51796726	51796607	8	10	9	1.290353723	0.279648	WDR72	ENSG00000166415
15	51802051	51802354	51802200	9	12	3	3.812408728	0.004404	WDR72	ENSG00000166415
15	51871617	51871888	51871730	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000206641
15	51916661	51917178	51916954	21	33	10	3.625787322	2.36E-05		ENSG00000206641
15	51989321	51990237	51989830	158	228	6	38.37545489	3.59E-68		ENSG00000206641
15	52030080	52030307	52030193	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000206641
15	52038534	52038752	52038598	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000206641
15	52042367	52042816	52042524	12	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000206641
15	52056364	52056558	52056461	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000206641
15	52150012	52150335	52150184	11	13	7	2.052835469	0.046392	UNC13C	ENSG00000137766
15	52162911	52163173	52163042	8	11	5	2.346097679	0.0364013	UNC13C	ENSG00000137766
15	52185313	52185630	52185483	9	12	2	5.083211637	0.00143337	UNC13C	ENSG00000137766
15	52291567	52291746	52291578	8	8	2	3.519146518	0.017558	UNC13C	ENSG00000137766
15	53121361	53121667	53121514	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	C15orf15	ENSG00000137876
15	53297193	53297440	53297304	10	11	5	2.346097679	0.0364013	C15orf15	ENSG00000137876
15	53398380	53398830	53398651	12	22	6	3.854303329	0.000260696	PIGB	ENSG00000069943
15	53606125	53606304	53606214	8	9	6	1.675784056	0.141978	DYX1C1	ENSG00000128845
15	53712185	53712394	53712289	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PYGO1	ENSG00000171016
15	53848406	53848622	53848489	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221218
15	53854845	53855082	53854988	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221218
15	53868588	53868809	53868698	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221218
15	54281845	54282057	54281951	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RFX7	ENSG00000181827
15	54284615	54285052	54284793	43	54	1	32.25884308	8.88E-18	RFX7	ENSG00000181827

15	54319903	54320283	54320093	39	48	1	28.73969656	8.36E-16	RFX7	ENSG00000181827
15	54325545	54325913	54325724	16	23	6	4.021881735	0.000148535	RFX7	ENSG00000181827
15	54341293	54341519	54341428	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000199784
15	54445661	54445872	54445802	10	11	5	2.346097679	0.0364013	TEX9	ENSG00000151575
15	54448903	54449164	54448992	12	14	3	4.398933147	0.00132748	TEX9	ENSG00000151575
15	54570704	54570922	54570761	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MNS1	ENSG00000138587
15	54709868	54710185	54710030	16	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000211017
15	54901357	54901536	54901439	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000140238
15	55147015	55147319	55147162	12	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000222586
15	55585420	55585623	55585521	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	GRINL1A	ENSG00000137878
15	55785945	55786212	55786078	13	15	3	4.692195357	0.000718455	GRINL1A	ENSG00000137878
15	56851428	56851622	56851525	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FAM63B	ENSG00000128923
15	57245169	57245810	57245398	62	87	1	51.61414893	1.06E-28		ENSG00000221096
15	57363542	57363723	57363619	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000199512
15	57535707	57535975	57535841	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	FAM81A	ENSG00000157470
15	57572396	57572575	57572465	8	8	2	3.519146518	0.017558	FAM81A	ENSG00000157470
15	57650911	57651228	57651068	14	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000201704
15	57698925	57699283	57699104	12	18	3	5.571981987	0.000108726	GCNT3	ENSG00000140297
15	58138641	58139043	58138842	33	41	1	24.63402563	1.65E-13	FOXB1	ENSG00000171956
15	58183869	58184071	58183970	9	10	0	12.90353723	0.000195991	FOXB1	ENSG00000171956
15	58283391	58283570	58283480	8	8	2	3.519146518	0.017558	ANXA2P2	ENSG00000182718
15	58396284	58396781	58396602	49	61	1	36.36451402	4.36E-20	ANXA2P2	ENSG00000182718
15	58454268	58454510	58454424	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ANXA2P2	ENSG00000182718
15	58472646	58472867	58472758	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ANXA2P2	ENSG00000182718
15	58558630	58558851	58558705	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	NARG2	ENSG00000128915
15	58988379	58988686	58988539	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000212625
15	58998142	58998390	58998266	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000212625
15	59112481	59112734	59112650	9	10	5	2.150589539	0.0575848	RORA	ENSG00000069667
15	59488427	59488855	59488692	24	32	3	9.677652924	9.12E-09	RORA	ENSG00000069667
15	59847895	59848093	59847994	8	8	1	5.278719777	0.00542188	VPS13C	ENSG00000129003
15	60155486	60155700	60155576	9	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM148A	ENSG00000198535
15	60341920	60342645	60342282	50	72	1	42.81628264	1.00E-23		ENSG00000166104
15	60649722	60649952	60649862	9	11	6	2.010940867	0.0640214	TLN2	ENSG00000171914
15	60861305	60861582	60861456	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000211137

15	60911498	60911825	60911658	12	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000211137
15	60922837	60923036	60922936	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000211137
15	60975805	60976839	60976378	16	42	12	3.880084622	1.11E-06		ENSG00000213712
15	61236036	61236987	61236557	361	597	5	116.9138677	8.17E-192	RPS27L	ENSG00000185088
15	61268319	61268600	61268459	10	12	4	3.049926982	0.0108184	RAB8B	ENSG00000166128
15	61458775	61459007	61458891	15	17	12	1.62422147	0.088135	CA12	ENSG00000074410
15	61469146	61469523	61469262	8	14	7	2.199466574	0.0303778	CA12	ENSG00000074410
15	61507607	61507851	61507755	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	CA12	ENSG00000074410
15	61529006	61529307	61529154	8	11	7	1.759573259	0.102361	USP3	ENSG00000140455
15	61566621	61566921	61566771	11	13	5	2.737113958	0.0137917	USP3	ENSG00000140455
15	61576278	61576499	61576339	9	11	4	2.815317214	0.0183428	USP3	ENSG00000140455
15	61582637	61582878	61582757	8	8	2	3.519146518	0.017558	USP3	ENSG00000140455
15	61583684	61583957	61583828	18	18	5	3.714654658	0.000961539	USP3	ENSG00000140455
15	61689404	61689682	61689543	10	12	2	5.083211637	0.00143337	FBXL22	ENSG00000197361
15	61913102	61913473	61913164	8	14	4	3.519146518	0.00361132	HERC1	ENSG00000103657
15	62172626	62173321	62173161	13	31	6	5.36250898	1.31E-06	FAM96A	ENSG00000166797
15	62232828	62233052	62232940	8	10	12	0.992579787	0.511743	SNX22	ENSG00000157734
15	62242452	62242817	62242646	15	21	8	2.867452718	0.00225035	PPIB	ENSG00000166794
15	62243110	62243328	62243248	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PPIB	ENSG00000166794
15	62434011	62434728	62434342	24	45	8	5.995582957	2.73E-09	CSNK1G1	ENSG00000169118
15	62435152	62435573	62435394	13	22	4	5.396024661	3.05E-05	CSNK1G1	ENSG00000169118
15	62466769	62467154	62466976	16	25	5	5.083211637	1.58E-05	TRIP4	ENSG00000103671
15	62539606	62539853	62539730	14	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000206781
15	62594493	62594767	62594622	8	11	1	7.038293036	0.000674435	ZNF609	ENSG00000180357
15	62651216	62651571	62651416	16	21	6	3.686724924	0.000453999	ZNF609	ENSG00000180357
15	62760747	62760963	62760826	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	OAZ2	ENSG00000180304
15	62846346	62846803	62846525	25	36	3	10.85070176	5.62E-10		ENSG00000221033
15	63069341	63069667	63069515	12	15	4	3.753756286	0.0020497	SPG21	ENSG00000090487
15	63133762	63133980	63133879	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000186198
15	63325686	63326162	63325858	15	26	3	7.918079665	5.55E-07		ENSG00000201709
15	63350437	63350629	63350526	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000206903
15	63375279	63375885	63375552	20	33	20	1.89922193	0.00909124		ENSG00000199568
15	63377156	63377422	63377254	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000199568
15	63383250	63383843	63383587	8	22	9	2.69801233	0.00276236	RNU5B-1	ENSG00000200156

15	63383994	63384863	63384325	20	52	30	2.005535112	0.000809045	RNU5B-1	ENSG00000200156
15	63444682	63445063	63444828	12	17	7	2.639359888	0.00777415	PUNC	ENSG00000174498
15	63447127	63447357	63447242	8	9	6	1.675784056	0.141978	PUNC	ENSG00000174498
15	63464197	63464640	63464461	12	21	3	6.451768616	1.56E-05	PUNC	ENSG00000174498
15	63464669	63464924	63464791	8	13	1	8.211341875	0.000163445	PUNC	ENSG00000174498
15	63597021	63597252	63597136	9	10	3	3.225884308	0.0139466	DPP8	ENSG00000074603
15	63690373	63690816	63690594	22	34	8	4.561856597	2.04E-06	C15orf44	ENSG00000138614
15	63718002	63718332	63718167	11	14	3	4.398933147	0.00132748	SLC24A1	ENSG00000074621
15	63911937	63912378	63912148	28	42	8	5.604566677	1.73E-08	RAB11A	ENSG00000103769
15	63936290	63936517	63936393	9	9	3	2.932622098	0.0242899	RAB11A	ENSG00000103769
15	63948360	63948630	63948513	10	13	7	2.052835469	0.046392	RAB11A	ENSG00000103769
15	63948742	63949031	63948881	10	12	5	2.541605819	0.0225912	RAB11A	ENSG00000103769
15	63949806	63950193	63949993	12	20	3	6.158506406	2.99E-05	RAB11A	ENSG00000103769
15	63981833	63982067	63981950	13	15	5	3.128130238	0.00492422	RAB11A	ENSG00000103769
15	63985816	63986004	63985910	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RAB11A	ENSG00000103769
15	64031978	64032232	64032122	9	10	8	1.433726359	0.209175	RAB11A	ENSG00000103769
15	64118178	64118432	64118292	8	10	4	2.580707446	0.0306059	RAB11A	ENSG00000103769
15	64194295	64194535	64194415	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	MEGF11	ENSG00000157890
15	64331164	64331359	64331258	8	10	7	1.612942154	0.147335	MEGF11	ENSG00000157890
15	64435922	64436304	64436081	11	15	3	4.692195357	0.000718455	TIPIN	ENSG00000075131
15	64442289	64442501	64442327	9	11	1	7.038293036	0.000674435	TIPIN	ENSG00000075131
15	64466029	64466244	64466136	10	12	3	3.812408728	0.004404	MAP2K1	ENSG00000169032
15	64577252	64577441	64577316	8	8	2	3.519146518	0.017558	SNAPC5	ENSG00000174446
15	64584020	64584453	64584306	8	15	7	2.346097679	0.0195693	RPL4	ENSG00000174444
15	64726625	64726804	64726742	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SMAD6	ENSG00000137834
15	64753135	64753336	64753235	10	10	4	2.580707446	0.0306059	SMAD6	ENSG00000137834
15	64768295	64768474	64768384	8	8	2	3.519146518	0.017558	SMAD6	ENSG00000137834
15	64780082	64780308	64780195	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SMAD6	ENSG00000137834
15	64781551	64781806	64781678	12	13	2	5.474227917	0.000747844	SMAD6	ENSG00000137834
15	64843081	64843329	64843205	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SMAD6	ENSG00000137834
15	64845224	64845445	64845396	8	10	5	2.150589539	0.0575848	SMAD6	ENSG00000137834
15	64930723	64930923	64930856	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SMAD6	ENSG00000137834
15	64983174	64983389	64983273	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000213670
15	65011035	65011614	65011353	8	20	9	2.463402563	0.00689886		ENSG00000213670



15	65103713	65104101	65103922	17	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000205438
15	65128048	65128469	65128227	34	43	3	12.90353723	3.99E-12		ENSG00000205438
15	65161652	65161962	65161800	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	SMAD3	ENSG00000166949
15	65204881	65205197	65205025	17	21	10	2.346097679	0.00796926	SMAD3	ENSG00000166949
15	65227619	65227943	65227783	13	17	5	3.519146518	0.00167472	SMAD3	ENSG00000166949
15	65245661	65245989	65245825	22	25	1	15.24963491	2.59E-08		ENSG00000103591
15	65333991	65334286	65334152	19	22	0	26.9801233	1.77E-08	IQCH	ENSG00000103599
15	65600744	65601079	65600911	10	14	2	5.865244197	0.000387308	C15orf61	ENSG00000189227
15	65825953	65826158	65826040	8	8	7	1.319679944	0.283403	LBXCOR1	ENSG00000188779
15	65918193	65918462	65918313	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000206625
15	65919257	65919458	65919325	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000206625
15	65994797	65995353	65995174	13	25	10	2.772660893	0.00131329		ENSG00000206625
15	66077997	66078323	66078160	10	14	4	3.519146518	0.00361132	PIAS1	ENSG00000033800
15	66122106	66122404	66122255	12	14	7	2.199466574	0.0303778	PIAS1	ENSG00000033800
15	66133350	66133553	66133449	9	10	4	2.580707446	0.0306059	PIAS1	ENSG00000033800
15	66218439	66218624	66218531	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CALML4	ENSG00000129007
15	66307824	66308140	66307974	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CLN6	ENSG00000128973
15	66332279	66332652	66332473	12	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000213656
15	66351288	66351703	66351467	11	21	1	12.90353723	4.95E-07	FEM1B	ENSG00000169018
15	66356878	66357327	66357162	13	21	8	2.867452718	0.00225035	FEM1B	ENSG00000169018
15	66386112	66386326	66386224	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FEM1B	ENSG00000169018
15	66424117	66424306	66424244	8	10	1	6.451768616	0.00135978	FEM1B	ENSG00000169018
15	66753473	66753672	66753551	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CORO2B	ENSG00000103647
15	66771151	66771431	66771262	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000214746
15	66809934	66810217	66810075	14	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000214746
15	66867261	66867480	66867319	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000214746
15	66892362	66892572	66892419	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ANP32A	ENSG00000140350
15	66900150	66900401	66900243	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ANP32A	ENSG00000140350
15	66901436	66901699	66901567	15	18	4	4.457585589	0.000353565	ANP32A	ENSG00000140350
15	66955303	66955542	66955422	9	9	1	5.865244197	0.00272497	NOX5	ENSG00000137808
15	67138573	67138841	67138722	12	14	5	2.932622098	0.00829617	TMEM84	ENSG00000212766
15	67154213	67154578	67154371	9	15	0	18.76878143	4.04E-06	TMEM84	ENSG00000212766
15	67239659	67239852	67239755	9	9	3	2.932622098	0.0242899	GLCE	ENSG00000138604
15	67408220	67408456	67408338	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000221376

15	67467597	67467911	67467754	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000207395
15	67494798	67495059	67494928	10	10	2	4.301179077	0.00512919	KIF23	ENSG00000137807
15	67532565	67532975	67532687	9	17	5	3.519146518	0.00167472	RPLP1	ENSG00000137818
15	67542081	67542577	67542251	15	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000207119
15	67545529	67545789	67545659	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000207119
15	67547090	67547391	67547251	16	20	12	1.894925048	0.0317253		ENSG00000207119
15	67555164	67555460	67555327	11	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000207119
15	67562073	67562663	67562314	20	35	13	3.016411301	8.94E-05		ENSG00000207119
15	67673679	67674590	67674134	12	43	9	5.161414893	3.05E-08		ENSG00000207119
15	67682996	67683245	67683104	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000207119
15	67683301	67683776	67683479	12	21	14	1.720471631	0.0496182		ENSG00000207119
15	67842200	67842393	67842331	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000215958
15	67927874	67928393	67928050	20	33	4	7.976732107	2.40E-08		ENSG00000215958
15	67962535	67962802	67962653	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000215958
15	68030974	68031214	68031081	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207965
15	68052604	68053007	68052741	9	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000207965
15	68067230	68067663	68067381	27	34	12	3.158208414	7.02E-05		ENSG00000207965
15	68088349	68088573	68088477	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000207965
15	68094853	68095043	68094949	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207965
15	68171393	68171661	68171507	9	10	8	1.433726359	0.209175	TLE3	ENSG00000140332
15	68171902	68172084	68171968	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TLE3	ENSG00000140332
15	68172873	68173376	68173197	17	29	9	3.519146518	8.36E-05	TLE3	ENSG00000140332
15	68173747	68173991	68173843	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TLE3	ENSG00000140332
15	68177077	68177288	68177176	8	10	3	3.225884308	0.0139466	TLE3	ENSG00000140332
15	68181076	68181367	68181219	10	15	6	2.68125449	0.0103552	TLE3	ENSG00000140332
15	68190772	68191012	68190874	13	15	4	3.753756286	0.0020497	TLE3	ENSG00000140332
15	68275810	68276268	68276089	22	35	8	4.692195357	1.14E-06		ENSG00000200216
15	68277264	68277576	68277420	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000200216
15	68320025	68320204	68320045	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000200216
15	68368793	68369257	68369121	22	33	10	3.625787322	2.36E-05		ENSG00000200216
15	68403318	68404029	68403766	22	44	19	2.639359888	7.33E-05		ENSG00000200216
15	68454541	68454857	68454678	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000200216
15	68457551	68457950	68457782	12	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000200216
15	68474920	68475137	68475030	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000200216

15	68506533	68506781	68506657	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	ENSG00000200216
15	68507105	68507472	68507303	12	19	9	2.346097679	0.0107159	ENSG00000200216
15	68539554	68540021	68539714	11	18	10	2.026175268	0.0273052 UACA	ENSG00000137831
15	68541887	68542904	68542062	16	53	12	4.872664409	2.32E-09 UACA	ENSG00000137831
15	68545214	68545642	68545358	12	18	7	2.785990993	0.00480525 UACA	ENSG00000137831
15	68567473	68567673	68567532	10	10	3	3.225884308	0.0139466 UACA	ENSG00000137831
15	68574413	68574618	68574524	9	9	2	3.910162798	0.00955088 UACA	ENSG00000137831
15	68587247	68587600	68587423	11	16	4	3.988366054	0.00115141 UACA	ENSG00000137831
15	68592254	68592477	68592365	8	9	5	1.955081399	0.0892323 UACA	ENSG00000137831
15	68605250	68605571	68605410	8	11	6	2.010940867	0.0640214 UACA	ENSG00000137831
15	68606042	68606300	68606171	10	11	2	4.692195357	0.00272444 UACA	ENSG00000137831
15	68648690	68648901	68648801	9	10	2	4.301179077	0.00512919 UACA	ENSG00000137831
15	68842001	68842180	68842090	9	9	3	2.932622098	0.0242899 UACA	ENSG00000137831
15	68842455	68842657	68842556	8	9	1	5.865244197	0.00272497 UACA	ENSG00000137831
15	68842771	68843155	68842898	9	16	4	3.988366054	0.00115141 UACA	ENSG00000137831
15	68892677	68892970	68892823	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	ENSG00000156577
15	68904457	68904946	68904801	10	19	2	7.820325595	1.32E-05	ENSG00000156577
15	68971773	68972187	68972016	11	18	8	2.476436439	0.00924552 LRRC49	ENSG00000137821
15	69101176	69101371	69101279	8	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000214727
15	69158757	69159091	69158924	10	15	3	4.692195357	0.000718455	ENSG00000214727
15	69159153	69159499	69159326	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	ENSG00000214727
15	69176118	69176436	69176286	23	27	10	2.9859425	0.000503424 THSD4	ENSG00000187720
15	69182393	69182838	69182572	39	53	3	15.83615933	3.03E-15 THSD4	ENSG00000187720
15	69183196	69183375	69183270	8	8	5	1.759573259	0.13508 THSD4	ENSG00000187720
15	69184127	69184447	69184280	16	16	4	3.988366054	0.00115141 THSD4	ENSG00000187720
15	69193603	69193965	69193805	10	15	3	4.692195357	0.000718455 THSD4	ENSG00000187720
15	69194194	69194381	69194266	8	8	4	2.111487911	0.0804809 THSD4	ENSG00000187720
15	69194460	69194857	69194598	9	14	5	2.932622098	0.00829617 THSD4	ENSG00000187720
15	69331459	69331837	69331658	12	18	16	1.311054585	0.208218	ENSG00000175333
15	69374771	69375010	69374890	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000175333
15	69416742	69417014	69416878	20	22	7	3.372515413	0.000629223	ENSG00000175333
15	69443450	69444099	69443705	41	63	6	10.72501796	9.41E-16	ENSG00000175333
15	69528164	69528392	69528276	8	10	0	12.90353723	0.000195991 THSD4	ENSG00000187720
15	69550987	69551199	69551093	8	10	0	12.90353723	0.000195991 THSD4	ENSG00000187720

15	69553948	69554174	69554061	10	10	2	4.301179077	0.00512919	THSD4	ENSG00000187720
15	69564572	69564846	69564709	9	10	3	3.225884308	0.0139466	THSD4	ENSG00000187720
15	69612454	69612682	69612568	10	11	4	2.815317214	0.0183428	THSD4	ENSG00000187720
15	69652242	69652446	69652344	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000203498
15	69680554	69680820	69680677	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000203497
15	69685331	69685519	69685425	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000203497
15	69689206	69689542	69689376	20	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000203497
15	69810060	69810239	69810160	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000203496
15	69827030	69827271	69827150	9	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000203496
15	69859904	69860105	69860020	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000203496
15	70054957	70055170	70055063	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000214713
15	70197566	70197961	70197782	14	21	4	5.161414893	5.68E-05	SENP8	ENSG00000166192
15	70234538	70234915	70234717	8	14	4	3.519146518	0.00361132	SENP8	ENSG00000166192
15	70254195	70254578	70254462	10	16	5	3.323638378	0.00288759	GRAMD2	ENSG00000175318
15	70257603	70257839	70257721	11	12	3	3.812408728	0.004404	GRAMD2	ENSG00000175318
15	70279157	70279433	70279295	12	15	3	4.692195357	0.000718455	GRAMD2	ENSG00000175318
15	70301743	70301932	70301849	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PKM2	ENSG00000067225
15	70306050	70306387	70306218	9	14	7	2.199466574	0.0303778	PKM2	ENSG00000067225
15	70310652	70310930	70310791	9	10	2	4.301179077	0.00512919	PKM2	ENSG00000067225
15	70438379	70438564	70438458	8	8	4	2.111487911	0.0804809	HEXA	ENSG00000213614
15	70455303	70455656	70455479	10	16	6	2.848832895	0.00632407	HEXA	ENSG00000213614
15	70539860	70540099	70540030	8	10	10	1.173048839	0.355733	ARIH1	ENSG00000166233
15	70553430	70553753	70553644	11	15	6	2.68125449	0.0103552	ARIH1	ENSG00000166233
15	70765555	70766035	70765729	11	23	7	3.519146518	0.000369739	BBS4	ENSG00000140463
15	70863810	70864056	70863913	9	11	9	1.407658607	0.210479	ADPGK	ENSG00000159322
15	70935962	70936304	70936133	13	19	1	11.73048839	2.14E-06	ADPGK	ENSG00000159322
15	71132530	71132796	71132647	11	11	3	3.519146518	0.00788869	NEO1	ENSG00000067141
15	71160847	71161046	71160901	8	9	4	2.346097679	0.050148	NEO1	ENSG00000067141
15	71244939	71245914	71245331	153	226	0	266.2820865	3.06E-77	NEO1	ENSG00000067141
15	71323805	71323985	71323895	8	8	5	1.759573259	0.13508	HCN4	ENSG00000138622
15	71345027	71345219	71345142	8	8	4	2.111487911	0.0804809	HCN4	ENSG00000138622
15	71411999	71412275	71412116	10	11	4	2.815317214	0.0183428	HCN4	ENSG00000138622
15	71426202	71426471	71426316	12	15	5	3.128130238	0.00492422	HCN4	ENSG00000138622
15	71454659	71454838	71454758	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HCN4	ENSG00000138622

15	71603355	71603601	71603510	9	10	3	3.225884308	0.0139466	C15orf60	ENSG00000183324
15	71681273	71681600	71681447	13	16	4	3.988366054	0.00115141	NPTN	ENSG00000156642
15	71726797	71726989	71726893	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NPTN	ENSG00000156642
15	71779587	71780007	71779759	10	16	5	3.323638378	0.00288759	CD276	ENSG00000103855
15	71789146	71789515	71789399	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	CD276	ENSG00000103855
15	71789556	71789902	71789729	18	23	10	2.559379286	0.00330263	CD276	ENSG00000103855
15	71791469	71791713	71791609	10	10	5	2.150589539	0.0575848	CD276	ENSG00000103855
15	71822216	71822422	71822333	8	9	4	2.346097679	0.050148	C15orf59	ENSG00000205363
15	71822532	71822893	71822749	9	13	8	1.824742639	0.0744168	C15orf59	ENSG00000205363
15	71824838	71825017	71824927	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C15orf59	ENSG00000205363
15	71833086	71833565	71833387	8	18	5	3.714654658	0.000961539	C15orf59	ENSG00000205363
15	71987860	71988071	71987955	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222064
15	72073906	72074193	72074055	8	13	6	2.346097679	0.0266147	PML	ENSG00000140464
15	72074451	72074897	72074730	10	16	3	4.985457567	0.000385643	PML	ENSG00000140464
15	72224924	72225235	72225062	14	17	0	21.11487911	8.57E-07	ISLR2	ENSG00000167178
15	72319325	72319665	72319495	14	20	12	1.894925048	0.0317253	CCDC33	ENSG00000140481
15	72319784	72320039	72319940	9	12	1	7.624817456	0.000332769	CCDC33	ENSG00000140481
15	72324730	72325004	72324905	10	14	2	5.865244197	0.000387308	CCDC33	ENSG00000140481
15	72344478	72344666	72344572	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CCDC33	ENSG00000140481
15	72376350	72376588	72376418	9	12	1	7.624817456	0.000332769	CCDC33	ENSG00000140481
15	72376766	72377183	72376936	15	24	3	7.331555246	2.13E-06	CCDC33	ENSG00000140481
15	72391386	72391575	72391480	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CCDC33	ENSG00000140481
15	72625450	72625850	72625702	13	18	4	4.457585589	0.000353565	ARID3B	ENSG00000179361
15	72677868	72678282	72678113	8	15	2	6.256260476	0.000199274	CLK3	ENSG00000179335
15	72700460	72700732	72700596	9	12	4	3.049926982	0.0108184	CLK3	ENSG00000179335
15	72711373	72711591	72711482	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000214697
15	72775181	72775474	72775359	11	13	3	4.105670938	0.00243034	EDC3	ENSG00000179151
15	72803350	72803619	72803484	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CYP1A1	ENSG00000140465
15	72812331	72812510	72812460	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CYP1A1	ENSG00000140465
15	72850505	72850753	72850629	17	18	7	2.785990993	0.00480525	CSK	ENSG00000103653
15	72867228	72867531	72867379	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	CSK	ENSG00000103653
15	72868872	72869180	72869015	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	CSK	ENSG00000103653
15	72879004	72879492	72879313	54	69	2	27.37113958	1.94E-21	LMAN1L	ENSG00000140506
15	72879572	72879852	72879712	12	13	4	3.28453675	0.00629037	LMAN1L	ENSG00000140506

15	72896566	72897102	72896924	23	33	4	7.976732107	2.40E-08	CPLX3	ENSG00000213578
15	72898038	72898358	72898191	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CPLX3	ENSG00000213578
15	72908492	72908682	72908551	9	9	13	0.837892028	0.672794	CPLX3	ENSG00000213578
15	72914670	72914866	72914768	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ULK3	ENSG00000140474
15	72922030	72922355	72922192	12	15	7	2.346097679	0.0195693	ULK3	ENSG00000140474
15	72952859	72953236	72953027	11	17	5	3.519146518	0.00167472	SCAMP2	ENSG00000140497
15	72971725	72971942	72971833	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MPI	ENSG00000178802
15	72981043	72981375	72981202	11	16	5	3.323638378	0.00288759	C15orf17	ENSG00000178761
15	73033856	73034045	73034023	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RPP25	ENSG00000178718
15	73074619	73074945	73074782	10	13	5	2.737113958	0.0137917	SCAMP5	ENSG00000198794
15	73108732	73109152	73108911	9	17	6	3.016411301	0.00381427	PPCDC	ENSG00000138621
15	73115664	73116034	73115769	11	16	4	3.988366054	0.00115141	PPCDC	ENSG00000138621
15	73184152	73184414	73184258	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000213573
15	73260263	73260546	73260389	10	14	5	2.932622098	0.00829617	C15orf39	ENSG00000167173
15	73284096	73284389	73284224	9	10	1	6.451768616	0.00135978	C15orf39	ENSG00000167173
15	73387457	73387662	73387562	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000217988
15	73447823	73448212	73448033	20	28	11	2.834868028	0.000626961	MAN2C1	ENSG00000140400
15	73531202	73531457	73531315	11	14	8	1.955081399	0.0506438	SIN3A	ENSG00000169375
15	73533242	73533531	73533393	12	14	5	2.932622098	0.00829617	SIN3A	ENSG00000169375
15	73717657	73717885	73717769	8	10	0	12.90353723	0.000195991	IMP3	ENSG00000177971
15	73719491	73719957	73719670	9	19	7	2.932622098	0.00293566	IMP3	ENSG00000177971
15	73728072	73728293	73728162	9	10	2	4.301179077	0.00512919	IMP3	ENSG00000177971
15	73752829	73753015	73752931	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000198165
15	73800566	73800756	73800641	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ODF3L1	ENSG00000182950
15	73889470	73889674	73889527	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000214677
15	73920220	73920458	73920339	8	11	5	2.346097679	0.0364013	UBE2Q2	ENSG00000140367
15	73983079	73984046	73983534	49	115	7	17.00920817	7.94E-31	FBXO22	ENSG00000167196
15	74218866	74219158	74218991	11	14	5	2.932622098	0.00829617	C15orf27	ENSG00000169758
15	74230294	74230565	74230427	9	11	3	3.519146518	0.00788869	C15orf27	ENSG00000169758
15	74342214	74342403	74342352	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ETFA	ENSG00000140374
15	74364704	74364883	74364777	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ETFA	ENSG00000140374
15	74390643	74390913	74390740	12	14	2	5.865244197	0.000387308	ETFA	ENSG00000140374
15	74392190	74392509	74392349	18	22	2	8.993374435	1.66E-06	ETFA	ENSG00000140374
15	74409808	74410004	74409906	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ISL2	ENSG00000159556

15	74920387	74920576	74920485	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SCAPER	ENSG00000140386
15	75146812	75147045	75146897	10	11	3	3.519146518	0.00788869	TSPAN3	ENSG00000140391
15	75240590	75240869	75240705	11	14	2	5.865244197	0.000387308	TSPAN3	ENSG00000140391
15	75391993	75392390	75392214	27	34	3	10.26417734	2.27E-09		ENSG00000186690
15	75576418	75576964	75576795	12	27	11	2.737113958	0.00100133	HMG20A	ENSG00000140382
15	75580279	75580732	75580557	11	21	2	8.602358155	3.33E-06	HMG20A	ENSG00000140382
15	75582647	75582953	75582800	17	20	6	3.519146518	0.000784044	HMG20A	ENSG00000140382
15	75584943	75585402	75585137	35	52	5	10.36193141	3.11E-13	HMG20A	ENSG00000140382
15	75606567	75607040	75606746	12	21	8	2.867452718	0.00225035	LINGO1	ENSG00000169783
15	75622780	75623036	75622929	16	16	7	2.492728784	0.0124193	LINGO1	ENSG00000169783
15	75712899	75713146	75713022	11	11	3	3.519146518	0.00788869	LINGO1	ENSG00000169783
15	76083106	76083355	76083230	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221476
15	76118434	76118623	76118526	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221476
15	76136358	76136537	76136447	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000221476
15	76146789	76147139	76146964	12	18	3	5.571981987	0.000108726	TBC1D2B	ENSG00000167202
15	76180969	76181469	76181290	10	20	2	8.211341875	6.65E-06	SH2D7	ENSG00000183476
15	76226374	76226657	76226503	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	IDH3A	ENSG00000166411
15	76226666	76226850	76226756	8	8	1	5.278719777	0.00542188	IDH3A	ENSG00000166411
15	76275151	76275412	76275286	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ACSBG1	ENSG00000103740
15	76296133	76296593	76296363	17	28	4	6.803683268	6.55E-07	ACSBG1	ENSG00000103740
15	76357862	76358089	76358014	10	12	2	5.083211637	0.00143337	DNAJA4	ENSG00000140403
15	76371018	76371382	76371241	12	18	5	3.714654658	0.000961539	WDR61	ENSG00000140395
15	76378283	76378750	76378519	9	19	7	2.932622098	0.00293566	WDR61	ENSG00000140395
15	76517402	76517775	76517574	12	19	3	5.865244197	5.72E-05	IREB2	ENSG00000136381
15	76536564	76536800	76536682	10	10	7	1.612942154	0.147335	IREB2	ENSG00000136381
15	76586671	76587021	76586846	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000188266
15	76619790	76620009	76619900	8	10	7	1.612942154	0.147335	PSMA4	ENSG00000041357
15	76697061	76697378	76697211	20	22	1	13.49006165	2.37E-07	CHRNA3	ENSG00000080644
15	76764106	76764392	76764221	8	10	4	2.580707446	0.0306059	CHRNA4	ENSG00000117971
15	76939447	76939763	76939605	10	12	2	5.083211637	0.00143337	MORF4	ENSG00000185787
15	77009303	77009608	77009455	13	15	3	4.692195357	0.000718455	CTSH	ENSG00000103811
15	77010333	77010643	77010477	26	30	0	36.36451402	3.56E-11	CTSH	ENSG00000103811
15	77029041	77029312	77029162	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CTSH	ENSG00000103811
15	77031382	77031645	77031525	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	CTSH	ENSG00000103811

15	77059120	77059432	77059276	10	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000177699
15	77107855	77108078	77107967	8	8	8	1.173048839	0.36929	RASGRF1	ENSG00000058335
15	77169402	77169810	77169631	8	16	2	6.647276756	0.000101928	RASGRF1	ENSG00000058335
15	77181712	77181930	77181842	9	9	4	2.346097679	0.050148	RASGRF1	ENSG00000058335
15	77258567	77258849	77258708	18	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000207695
15	77301153	77301376	77301203	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000207695
15	77363043	77363266	77363154	12	14	5	2.932622098	0.00829617	TMED3	ENSG00000166557
15	77394238	77394497	77394367	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TMED3	ENSG00000166557
15	77396378	77396635	77396506	11	11	5	2.346097679	0.0364013	TMED3	ENSG00000166557
15	77412595	77412867	77412746	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TMED3	ENSG00000166557
15	77675505	77675710	77675602	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213527
15	77976656	77976835	77976745	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MTHFS	ENSG00000136371
15	78082513	78083005	78082750	95	142	0	167.745984	6.30E-49		ENSG00000180725
15	78138537	78138886	78138766	10	14	5	2.932622098	0.00829617	ZFAND6	ENSG00000086666
15	78247604	78248204	78247984	35	48	4	11.49587863	8.11E-13	FAH	ENSG00000103876
15	78320825	78321088	78320957	11	12	3	3.812408728	0.004404	FAH	ENSG00000103876
15	78564651	78565192	78564972	69	95	3	28.15317214	1.11E-28	ARNT2	ENSG00000172379
15	78592132	78592385	78592258	11	14	2	5.865244197	0.000387308	ARNT2	ENSG00000172379
15	78647109	78647346	78647227	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222139
15	78659693	78659891	78659814	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000222139
15	78713140	78713367	78713282	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222139
15	78758937	78759292	78759146	10	15	5	3.128130238	0.00492422	FAM108C1	ENSG00000136379
15	78822518	78822873	78822695	12	18	10	2.026175268	0.0273052	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78828869	78829367	78829197	23	36	13	3.100200504	5.51E-05	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78841167	78841452	78841309	15	17	3	5.278719777	0.000205462	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78883982	78884210	78884148	9	10	2	4.301179077	0.00512919	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78884450	78884941	78884762	19	31	6	5.36250898	1.31E-06	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78936450	78936842	78936629	10	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000208003
15	78959576	78959807	78959691	13	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000208003
15	78985213	78985456	78985300	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000208003
15	78985900	78986240	78986073	18	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000208003
15	79049510	79049726	79049618	13	13	1	8.211341875	0.000163445	MESDC2	ENSG00000117899
15	79056878	79057228	79057057	9	13	7	2.052835469	0.046392	MESDC2	ENSG00000117899
15	79080141	79080404	79080292	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MESDC1	ENSG00000140406



15	79112247	79112450	79112346	10	11	3	3.519146518	0.00788869	MESDC1	ENSG00000140406
15	79235093	79235330	79235211	12	13	6	2.346097679	0.0266147	C15orf26	ENSG00000156206
15	79360173	79360408	79360295	9	9	4	2.346097679	0.050148	IL16	ENSG00000172349
15	79361398	79361722	79361559	11	14	5	2.932622098	0.00829617	IL16	ENSG00000172349
15	79383176	79383741	79383576	13	25	8	3.388807758	0.000297109	IL16	ENSG00000172349
15	79512502	79512946	79512630	14	21	3	6.451768616	1.56E-05	TMC3	ENSG00000188869
15	79959736	79959959	79959847	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000222992
15	80101225	80101835	80101641	143	195	1	114.9587863	9.18E-65		ENSG00000222521
15	80118844	80119023	80118933	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222521
15	80120273	80120484	80120378	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000222521
15	80125467	80125656	80125549	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MEX3B	ENSG00000183496
15	80126597	80126820	80126708	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	MEX3B	ENSG00000183496
15	80170355	80170669	80170512	8	14	1	8.797866295	8.00E-05	MEX3B	ENSG00000183496
15	80187966	80188193	80188086	9	9	0	11.73048839	0.000425898	MEX3B	ENSG00000183496
15	81146083	81146568	81146389	8	14	10	1.599612054	0.114822	AP3B2	ENSG00000103723
15	81207766	81208417	81208052	45	76	2	30.10825354	1.02E-23		ENSG00000222483
15	81216073	81216478	81216331	11	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000222483
15	81275220	81275574	81275410	10	15	3	4.692195357	0.000718455	WHDC1	ENSG00000156232
15	81315447	81315700	81315584	10	11	9	1.407658607	0.210479	WHDC1	ENSG00000156232
15	81378890	81379219	81379044	14	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000214555
15	81402410	81402745	81402577	19	24	4	5.865244197	8.64E-06	HOMER2	ENSG00000103942
15	81410609	81410825	81410721	8	9	5	1.955081399	0.0892323	HOMER2	ENSG00000103942
15	81471193	81471742	81471372	11	24	8	3.258468998	0.000499412	C15orf40	ENSG00000169609
15	81527232	81527567	81527361	11	16	2	6.647276756	0.000101928	BTBD1	ENSG00000064726
15	81609580	81609909	81609744	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TM6SF1	ENSG00000136404
15	81670432	81670744	81670574	13	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000166503
15	81708254	81708437	81708291	8	9	2	3.910162798	0.00955088	BNC1	ENSG00000169594
15	81812605	81812861	81812733	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	BNC1	ENSG00000169594
15	81840307	81840704	81840525	24	31	2	12.51252095	2.82E-09	SH3GL3	ENSG00000140600
15	81898487	81898773	81898611	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SH3GL3	ENSG00000140600
15	82213717	82214206	82213923	10	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000212374
15	82414681	82414945	82414813	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221484
15	82571849	82572092	82571999	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000205242
15	82944725	82944957	82944869	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ZSCAN2	ENSG00000176371

15	82975749	82975985	82975867	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SCAND2	ENSG00000176700
15	82982396	82982589	82982492	9	9	6	1.675784056	0.141978	SCAND2	ENSG00000176700
15	82998161	82998343	82998295	9	10	13	0.921681231	0.585856	WDR73	ENSG00000177082
15	82999109	82999485	82999288	14	21	6	3.686724924	0.000453999	WDR73	ENSG00000177082
15	83002547	83002854	83002700	8	13	2	5.474227917	0.000747844	NMB	ENSG00000197696
15	83060144	83060905	83060323	18	43	15	3.225884308	7.82E-06	SEC11A	ENSG00000140612
15	83091732	83091961	83091809	12	13	3	4.105670938	0.00243034	SEC11A	ENSG00000140612
15	83199569	83199796	83199682	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000200991
15	83203476	83203712	83203594	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000200991
15	83222686	83223033	83222859	16	20	7	3.079253203	0.00177418	SLC28A1	ENSG00000156222
15	83234372	83234878	83234587	31	48	4	11.49587863	8.11E-13	SLC28A1	ENSG00000156222
15	83259119	83259614	83259353	13	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000207037
15	83272327	83272722	83272574	13	18	6	3.183989707	0.00227432		ENSG00000207037
15	83274236	83274754	83274415	20	30	5	6.060752336	7.05E-07		ENSG00000207037
15	83299619	83299868	83299743	10	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000212388
15	83307223	83307756	83307493	11	23	12	2.165628626	0.0100985	PDE8A	ENSG00000073417
15	83324478	83324925	83324652	11	21	16	1.518063204	0.0959332	PDE8A	ENSG00000073417
15	83325442	83325743	83325592	12	17	3	5.278719777	0.000205462	PDE8A	ENSG00000073417
15	83326894	83327156	83327050	8	11	7	1.759573259	0.102361	PDE8A	ENSG00000073417
15	83424862	83425081	83424934	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PDE8A	ENSG00000073417
15	83675314	83675628	83675459	14	17	5	3.519146518	0.00167472	AKAP13	ENSG00000170776
15	83887277	83887605	83887441	8	13	2	5.474227917	0.000747844	AKAP13	ENSG00000170776
15	84108214	84108488	84108355	12	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000221634
15	84133403	84133680	84133549	11	13	3	4.105670938	0.00243034	KLHL25	ENSG00000183655
15	84169982	84170261	84170115	9	12	8	1.694403879	0.107291	KLHL25	ENSG00000183655
15	84203031	84203262	84203146	8	10	2	4.301179077	0.00512919	KLHL25	ENSG00000183655
15	84625824	84626003	84625923	8	8	3	2.639359888	0.0415794	AGBL1	ENSG00000166748
15	84968887	84969123	84969005	10	11	5	2.346097679	0.0364013	AGBL1	ENSG00000166748
15	85208332	85208546	85208439	14	15	7	2.346097679	0.0195693		
15	85221462	85221842	85221720	9	15	8	2.085420159	0.0338693		
15	85389809	85390514	85390243	8	25	7	3.812408728	0.00012465		ENSG00000207150
15	85534639	85535008	85534804	10	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000207150
15	85556251	85556576	85556411	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207150
15	85557385	85557607	85557496	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207150

15	85631414	85631632	85631523	12	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000207150
15	85710205	85710523	85710364	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000207150
15	85754558	85754750	85754651	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207150
15	85815172	85815440	85815306	13	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000207150
15	85864935	85865227	85865073	9	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000207150
15	85867158	85867609	85867337	10	19	12	1.804690522	0.0452624		ENSG00000207150
15	85900822	85901012	85900913	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TMEM83	ENSG00000219654
15	85921555	85921822	85921704	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TMEM83	ENSG00000219654
15	86016747	86016930	86016834	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TMEM83	ENSG00000219654
15	86152303	86152529	86152416	9	10	3	3.225884308	0.0139466	TMEM83	ENSG00000219654
15	86422036	86422344	86422190	12	14	3	4.398933147	0.00132748	NTRK3	ENSG00000140538
15	86433243	86433575	86433440	10	14	2	5.865244197	0.000387308	NTRK3	ENSG00000140538
15	86434170	86434487	86434328	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	NTRK3	ENSG00000140538
15	86591038	86591381	86591215	11	16	3	4.985457567	0.000385643	NTRK3	ENSG00000140538
15	86618784	86619057	86618914	13	13	2	5.474227917	0.000747844	NTRK3	ENSG00000140538
15	86633247	86633470	86633306	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NTRK3	ENSG00000140538
15	86799266	86799523	86799352	10	12	8	1.694403879	0.107291	MRPL46	ENSG00000173867
15	86811472	86811917	86811648	10	18	10	2.026175268	0.0273052	MRPL46	ENSG00000173867
15	86890626	86891132	86890953	18	31	4	7.507512572	9.10E-08	DET1	ENSG00000140543
15	86958779	86958977	86958878	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000207703
15	86965199	86966090	86965528	236	324	6	54.46298183	1.24E-99	AEN	ENSG00000181026
15	86966306	86966542	86966460	9	12	2	5.083211637	0.00143337	AEN	ENSG00000181026
15	86982777	86983472	86982927	16	36	2	14.46760235	7.62E-11	ISG20	ENSG00000172183
15	87001711	87002015	87001863	11	12	8	1.694403879	0.107291	ISG20	ENSG00000172183
15	87223015	87223360	87223187	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	HAPLN3	ENSG00000140511
15	87248918	87249301	87249122	10	16	6	2.848832895	0.00632407	MFGE8	ENSG00000140545
15	87257862	87258056	87257954	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MFGE8	ENSG00000140545
15	87361880	87362153	87362016	10	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000214448
15	87411526	87411780	87411653	19	21	5	4.301179077	0.000172642	ABHD2	ENSG00000140526
15	87432521	87432721	87432573	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ABHD2	ENSG00000140526
15	87452343	87452545	87452458	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ABHD2	ENSG00000140526
15	87465618	87466012	87465795	17	25	5	5.083211637	1.58E-05	ABHD2	ENSG00000140526
15	87483880	87484139	87484013	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ABHD2	ENSG00000140526
15	87587739	87588279	87588135	14	22	9	2.69801233	0.00276236	FANCI	ENSG00000140525

15	87588458	87588658	87588589	10	10	3	3.225884308	0.0139466	FANCI	ENSG00000140525
15	87678829	87679790	87679281	25	58	23	2.883745063	1.75E-06	POLG	ENSG00000140521
15	87702831	87703090	87702945	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000207819
15	87722804	87723036	87722876	15	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000207819
15	87723636	87724037	87723894	12	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000207819
15	87724084	87724427	87724261	21	25	5	5.083211637	1.58E-05		ENSG00000207819
15	87727858	87728058	87727959	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000207819
15	87755647	87756139	87755927	42	59	6	10.05470434	1.46E-14		ENSG00000207819
15	87760440	87760763	87760605	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000207819
15	87774995	87775248	87775133	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207819
15	87817088	87817312	87817200	10	10	9	1.290353723	0.279648	RHCG	ENSG00000140519
15	87840498	87840745	87840621	8	10	1	6.451768616	0.00135978	RHCG	ENSG00000140519
15	87847485	87847667	87847578	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RHCG	ENSG00000140519
15	87857546	87857875	87857710	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	RHCG	ENSG00000140519
15	87919182	87919553	87919351	8	13	7	2.052835469	0.046392	C15orf42	ENSG00000140534
15	88084382	88084682	88084547	13	15	2	6.256260476	0.000199274	MESP1	ENSG00000166823
15	88099123	88099345	88099234	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MESP1	ENSG00000166823
15	88238134	88238459	88238283	17	19	9	2.346097679	0.0107159	AP3S2	ENSG00000157823
15	88238692	88238871	88238781	8	9	7	1.466311049	0.20706	AP3S2	ENSG00000157823
15	88242928	88243135	88243031	9	9	1	5.865244197	0.00272497	AP3S2	ENSG00000157823
15	88250244	88250977	88250702	23	47	11	4.692195357	2.58E-08		ENSG00000214445
15	88261172	88261372	88261265	9	10	4	2.580707446	0.0306059	C15orf38	ENSG00000214446
15	88302219	88302696	88302473	46	63	7	9.384390715	5.23E-15	ZNF710	ENSG00000140548
15	88379861	88380082	88379947	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ZNF710	ENSG00000140548
15	88391118	88391414	88391266	18	19	3	5.865244197	5.72E-05	ZNF710	ENSG00000140548
15	88439704	88440293	88440118	19	37	10	4.052350536	2.71E-06	IDH2	ENSG00000182054
15	88445319	88445542	88445430	9	11	5	2.346097679	0.0364013	IDH2	ENSG00000182054
15	88448755	88449142	88449002	13	19	6	3.351568112	0.00134187	IDH2	ENSG00000182054
15	88487552	88487754	88487655	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222141
15	88509871	88510318	88510139	11	21	8	2.867452718	0.00225035		ENSG00000208939
15	88609711	88610004	88609857	8	12	8	1.694403879	0.107291	NGRN	ENSG00000182768
15	88610157	88610397	88610320	10	11	6	2.010940867	0.0640214	NGRN	ENSG00000182768
15	88660417	88660731	88660573	14	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000221309
15	88664291	88664545	88664418	19	19	9	2.346097679	0.0107159		ENSG00000221309

15	88678605	88678916	88678760	22	24	2	9.775406994	4.09E-07	ENSG00000173683
15	88680994	88681236	88681072	10	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000173683
15	88684619	88684913	88684766	12	14	6	2.513676084	0.016726	ENSG00000173683
15	88706365	88706653	88706526	10	12	10	1.386330446	0.21117 ZNF774	ENSG00000196391
15	88776589	88776768	88776682	8	8	1	5.278719777	0.00542188 IQGAP1	ENSG00000140575
15	88823441	88823687	88823550	10	11	5	2.346097679	0.0364013 CRT3	ENSG00000140577
15	88823994	88824263	88824128	20	20	7	3.079253203	0.00177418 CRT3	ENSG00000140577
15	88826651	88826879	88826802	8	9	4	2.346097679	0.050148 CRT3	ENSG00000140577
15	88833729	88834585	88833957	51	81	17	5.343889157	4.29E-14 CRT3	ENSG00000140577
15	89050757	89051026	89050891	9	11	7	1.759573259	0.102361 BLM	ENSG00000197299
15	89275964	89276252	89276108	9	13	2	5.474227917	0.000747844 HDDC3	ENSG00000184508
15	89276349	89276985	89276811	14	30	4	7.272902804	1.76E-07 HDDC3	ENSG00000184508
15	89278543	89278862	89278705	10	14	4	3.519146518	0.00361132 UNC45A	ENSG00000140553
15	89300739	89301014	89300876	9	13	3	4.105670938	0.00243034 RCCD1	ENSG00000166965
15	89338756	89339033	89338929	9	13	3	4.105670938	0.00243034 PRC1	ENSG00000198901
15	89366579	89366980	89366732	10	17	0	21.11487911	8.57E-07 VPS33B	ENSG00000184056
15	89389136	89389338	89389237	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000208919
15	89633643	89633881	89633762	9	10	3	3.225884308	0.0139466 SV2B	ENSG00000185518
15	89775547	89775939	89775740	14	22	3	6.745030826	8.05E-06 SV2B	ENSG00000185518
15	89789976	89790271	89790123	11	13	4	3.28453675	0.00629037 SV2B	ENSG00000185518
15	89835353	89835690	89835521	16	20	1	12.31701281	1.03E-06 SV2B	ENSG00000185518
15	89866918	89867116	89867066	9	10	2	4.301179077	0.00512919 SV2B	ENSG00000185518
15	89875089	89875547	89875412	11	19	4	4.692195357	0.000193572 SV2B	ENSG00000185518
15	90200238	90200487	90200376	9	11	3	3.519146518	0.00788869 SLCO3A1	ENSG00000176463
15	90441950	90442129	90442048	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000221154
15	90532223	90532746	90532573	17	25	6	4.357038546	4.72E-05	ENSG00000213443
15	90735986	90736181	90736083	10	10	3	3.225884308	0.0139466 ST8SIA2	ENSG00000140557
15	90982589	90982829	90982681	8	11	4	2.815317214	0.0183428 FAM174B	ENSG00000185442
15	90988471	90988690	90988569	9	12	11	1.270802909	0.274822 FAM174B	ENSG00000185442
15	90989229	90989553	90989396	15	19	7	2.932622098	0.00293566 FAM174B	ENSG00000185442
15	90989600	90990073	90989771	14	29	7	4.398933147	1.30E-05 FAM174B	ENSG00000185442
15	91011477	91011665	91011562	8	9	6	1.675784056	0.141978 FAM174B	ENSG00000185442
15	91040456	91040652	91040554	12	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000157576
15	91095821	91096006	91095888	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000213440

15	91146534	91146965	91146730	20	28	2	11.33947211	2.41E-08		ENSG00000213440
15	91153231	91153469	91153301	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000213440
15	91153567	91153794	91153672	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000213440
15	91153888	91154108	91153998	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000213440
15	91164767	91165323	91164923	11	23	5	4.692195357	5.29E-05	CHD2	ENSG00000173575
15	91213545	91213852	91213718	11	15	5	3.128130238	0.00492422	CHD2	ENSG00000173575
15	91248627	91248832	91248713	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CHD2	ENSG00000173575
15	91262126	91262463	91262295	8	13	1	8.211341875	0.000163445	CHD2	ENSG00000173575
15	91293958	91294541	91294345	121	158	2	62.17158848	9.66E-51	CHD2	ENSG00000173575
15	91374954	91375255	91375119	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000213438
15	91432018	91432703	91432342	12	35	10	3.839068929	8.08E-06	RGMA	ENSG00000182175
15	92373736	92373999	92373875	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000212022
15	92455095	92455274	92455184	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000212022
15	92464181	92464457	92464319	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000212022
15	92886597	92886776	92886634	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MCTP2	ENSG00000140563
15	93036998	93037259	93037138	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000176070
15	93136426	93136716	93136571	11	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000176070
15	93571091	93571480	93571353	14	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000176070
15	93591386	93591698	93591527	21	24	5	4.887703497	2.90E-05		ENSG00000176070
15	94033749	94034094	94033921	21	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000222076
15	94195140	94195338	94195247	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208900
15	94219687	94219913	94219800	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000208900
15	94238668	94238914	94238797	11	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000208900
15	94239778	94240088	94239933	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000208900
15	94255979	94256231	94256105	8	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000208900
15	94670269	94670593	94670431	15	18	7	2.785990993	0.00480525	NR2F2	ENSG00000185551
15	94671533	94671771	94671684	11	15	5	3.128130238	0.00492422	NR2F2	ENSG00000185551
15	96306488	96306745	96306648	10	11	6	2.010940867	0.0640214	ARRDC4	ENSG00000140450
15	96396133	96396336	96396269	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222361
15	96538789	96539064	96538942	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000222361
15	96782376	96782641	96782514	8	10	4	2.580707446	0.0306059	FAM169B	ENSG00000185087
15	97106852	97107047	97106946	10	11	2	4.692195357	0.00272444	IGF1R	ENSG00000140443
15	97109898	97110221	97110055	8	10	1	6.451768616	0.00135978	IGF1R	ENSG00000140443
15	97110373	97110667	97110520	10	12	2	5.083211637	0.00143337	IGF1R	ENSG00000140443

15	97140436	97140750	97140593	9	13	5	2.737113958	0.0137917	IGF1R	ENSG00000140443
15	97211717	97212059	97211888	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000183571
15	97213107	97213372	97213239	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000183571
15	97213825	97214248	97214004	13	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000183571
15	97229206	97229618	97229335	17	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000183571
15	97257739	97258050	97257873	17	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000183571
15	97265255	97265580	97265417	14	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000183571
15	97375522	97375760	97375641	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000183571
15	97437528	97437890	97437707	10	17	4	4.222975822	0.000640773	SYNM	ENSG00000182253
15	97481673	97481896	97481727	9	12	3	3.812408728	0.004404	SYNM	ENSG00000182253
15	97495016	97495297	97495174	9	10	0	12.90353723	0.000195991	SYNM	ENSG00000182253
15	97535498	97535739	97535618	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	TTC23	ENSG00000103852
15	97608693	97608875	97608736	9	9	5	1.955081399	0.0892323	TTC23	ENSG00000103852
15	97608957	97609157	97609056	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TTC23	ENSG00000103852
15	97609201	97609391	97609296	8	9	2	3.910162798	0.00955088	LRRC28	ENSG00000168904
15	97621965	97622295	97622135	20	24	4	5.865244197	8.64E-06	HSP90B2P	ENSG00000205141
15	97628358	97628717	97628545	12	17	1	10.55743955	9.18E-06	HSP90B2P	ENSG00000205141
15	97834287	97834513	97834400	10	10	2	4.301179077	0.00512919	MEF2A	ENSG00000068305
15	97923446	97923737	97923601	8	10	4	2.580707446	0.0306059	MEF2A	ENSG00000068305
15	98066254	98066488	98066371	10	11	2	4.692195357	0.00272444	LYSMD4	ENSG00000183060
15	98325509	98325938	98325731	29	43	2	17.20471631	4.62E-13		ENSG00000208876
15	98400791	98401076	98400933	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000208876
15	98604957	98605326	98605117	9	14	5	2.932622098	0.00829617	ADAMTS17	ENSG00000140470
15	98821322	98821673	98821497	11	17	6	3.016411301	0.00381427	LASS3	ENSG00000154227
15	98959725	98959959	98959842	10	12	4	3.049926982	0.0108184	LINS1	ENSG00000140471
15	98960080	98960322	98960190	8	10	9	1.290353723	0.279648	ASB7	ENSG00000183475
15	99051296	99051482	99051373	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212306
15	99079582	99079991	99079726	10	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000212306
15	99094500	99094688	99094579	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000212306
15	99117525	99117724	99117624	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ALDH1A3	ENSG00000184254
15	99230851	99231081	99231014	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ALDH1A3	ENSG00000184254
15	99235145	99235594	99235342	44	59	2	23.46097679	3.38E-18	ALDH1A3	ENSG00000184254
15	99286688	99287022	99286855	14	19	9	2.346097679	0.0107159	LRRK1	ENSG00000154237
15	99364645	99364893	99364790	10	12	6	2.178519273	0.0416567	LRRK1	ENSG00000154237

15	99366193	99366447	99366330	12	14	6	2.513676084	0.016726	LRRK1	ENSG00000154237
15	99525540	99525828	99525686	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	CHSY1	ENSG00000131873
15	99606027	99606306	99606166	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CHSY1	ENSG00000131873
15	100010158	100010340	100010284	8	8	6	1.508205651	0.203852	TM2D3	ENSG00000184277
16	61439	61727	61596	9	13	4	3.28453675	0.00629037	RHBDF1	ENSG00000007384
16	86968	87227	87097	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	MPG	ENSG00000103152
16	307225	307502	307363	9	13	1	8.211341875	0.000163445	PDIA2	ENSG00000185615
16	314420	314646	314534	9	9	5	1.955081399	0.0892323	AXIN1	ENSG00000103126
16	342995	343197	343094	8	8	1	5.278719777	0.00542188	AXIN1	ENSG00000103126
16	360538	360751	360644	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	MRPL28	ENSG00000086504
16	415386	415582	415484	8	9	4	2.346097679	0.050148	RAB11FIP3	ENSG00000090565
16	577945	578141	578012	8	10	0	12.90353723	0.000195991	RAB40C	ENSG00000197562
16	583488	583800	583644	15	19	0	23.46097679	1.81E-07	RAB40C	ENSG00000197562
16	626329	626652	626476	12	15	4	3.753756286	0.0020497	C16orf13	ENSG00000130731
16	650611	650979	650811	13	18	0	22.28792795	3.94E-07	WDR90	ENSG00000161996
16	658030	658218	658162	9	9	0	11.73048839	0.000425898	RHOT2	ENSG00000140983
16	663193	663431	663275	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	RHBDL1	ENSG00000103269
16	674601	674847	674733	8	9	0	11.73048839	0.000425898	JMJD8	ENSG00000161999
16	680274	680587	680446	11	12	5	2.541605819	0.0225912	WDR24	ENSG00000127580
16	702744	703009	702876	8	11	2	4.692195357	0.00272444	METRN	ENSG00000103260
16	730937	731519	731162	8	22	4	5.396024661	3.05E-05	NARFL	ENSG00000103245
16	785604	785963	785741	12	16	5	3.323638378	0.00288759	GNG13	ENSG00000127588
16	786876	787068	787006	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GNG13	ENSG00000127588
16	1073099	1073391	1073242	17	20	0	24.63402563	8.35E-08	SSTR5	ENSG00000162009
16	1287027	1287212	1287120	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UBE2I	ENSG00000103275
16	1289447	1289796	1289621	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	UBE2I	ENSG00000103275
16	1353429	1353760	1353594	10	14	2	5.865244197	0.000387308	UNKL	ENSG00000059145
16	1483407	1483713	1483575	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	TELO2	ENSG00000100726
16	1601934	1602173	1602053	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CRAMP1L	ENSG00000007545
16	1635959	1636576	1636138	18	31	12	2.887504835	0.000300358	CRAMP1L	ENSG00000007545
16	1691424	1691846	1691634	30	39	9	4.692195357	3.22E-07	MAPK8IP3	ENSG00000138834
16	1763008	1763270	1763102	10	10	1	6.451768616	0.00135978	MRPS34	ENSG00000074071
16	1817124	1817448	1817291	14	19	10	2.132816071	0.01835	FAHD1	ENSG00000180185
16	1824185	1824402	1824230	10	11	6	2.010940867	0.0640214	FAHD1	ENSG00000180185



16	1900396	1900575	1900485	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HS3ST6	ENSG00000162040
16	1903208	1903687	1903447	20	33	1	19.94183027	6.71E-11	HS3ST6	ENSG00000162040
16	1949110	1949386	1949248	9	10	2	4.301179077	0.00512919	NDUFB10	ENSG00000140990
16	1954698	1954909	1954794	11	11	2	4.692195357	0.00272444	RPS2	ENSG00000140988
16	1973210	1973465	1973337	8	11	1	7.038293036	0.000674435	GFER	ENSG00000127554
16	1993949	1994132	1994040	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF598	ENSG00000167962
16	1999944	2000128	1999986	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ZNF598	ENSG00000167962
16	2143490	2143760	2143622	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000206630
16	2145367	2145593	2145502	9	11	5	2.346097679	0.0364013	TRAF7	ENSG00000131653
16	2188269	2188831	2188448	9	22	5	4.496687217	9.59E-05	CASKIN1	ENSG00000167971
16	2195509	2195693	2195565	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000167965
16	2213280	2213667	2213459	9	16	5	3.323638378	0.00288759	E4F1	ENSG00000167967
16	2258033	2258314	2258157	9	12	3	3.812408728	0.004404	RNPS1	ENSG00000205937
16	2672370	2672616	2672493	15	15	5	3.128130238	0.00492422	KCTD5	ENSG00000167977
16	2730105	2730469	2730316	17	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000205913
16	2820032	2820247	2820139	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000162078
16	2828945	2829293	2829118	11	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000172460
16	2858087	2858299	2858161	9	9	4	2.346097679	0.050148	PRSS22	ENSG00000005001
16	2894201	2894553	2894377	11	17	8	2.346097679	0.0144542	FLYWCH1	ENSG00000059122
16	2895286	2895602	2895431	11	15	2	6.256260476	0.000199274	FLYWCH1	ENSG00000059122
16	2901737	2901961	2901849	10	11	1	7.038293036	0.000674435	FLYWCH1	ENSG00000059122
16	2906087	2906363	2906231	10	13	1	8.211341875	0.000163445	FLYWCH1	ENSG00000059122
16	2951729	2951966	2951864	8	9	1	5.865244197	0.00272497	KREMEN2	ENSG00000131650
16	2954975	2955182	2955078	9	11	3	3.519146518	0.00788869	KREMEN2	ENSG00000131650
16	2999693	3000255	3000007	16	34	12	3.158208414	7.02E-05	CLDN9	ENSG00000213937
16	3014056	3014413	3014234	10	15	6	2.68125449	0.0103552	HCFC1R1	ENSG00000103145
16	3090245	3090600	3090422	18	22	2	8.993374435	1.66E-06	ZSCAN10	ENSG00000130182
16	3102384	3102681	3102513	12	15	4	3.753756286	0.0020497	ZNF205	ENSG00000122386
16	3108200	3108404	3108302	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF205	ENSG00000122386
16	3114642	3114896	3114769	11	13	5	2.737113958	0.0137917	ZNF213	ENSG00000085644
16	3140498	3141102	3140673	17	32	6	5.530087385	7.11E-07		ENSG00000209495
16	3142816	3143177	3142986	14	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000209495
16	3147286	3147534	3147410	11	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000209495
16	3148690	3149094	3148918	10	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000209495

16	3165600	3165860	3165691	9	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000209496
16	3181770	3182056	3181910	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000209499
16	3225249	3225449	3225349	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZNF200 ENSG00000010539
16	3256996	3257213	3257104	8	8	6	1.508205651	0.203852	MEFV ENSG00000103313
16	3273326	3273560	3273443	8	9	4	2.346097679	0.050148	ZNF263 ENSG00000006194
16	3490789	3491024	3490886	12	15	2	6.256260476	0.000199274	CLUAP1 ENSG00000103351
16	3503863	3504473	3504164	23	45	5	8.993374435	3.69E-11	CLUAP1 ENSG00000103351
16	3636294	3636685	3636506	15	24	6	4.18946014	8.40E-05	DNASE1 ENSG00000213918
16	3644371	3644557	3644464	10	10	3	3.225884308	0.0139466	DNASE1 ENSG00000213918
16	3686945	3687136	3687040	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TRAP1 ENSG00000126602
16	3732994	3733173	3733083	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TRAP1 ENSG00000126602
16	3761586	3761765	3761675	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TRAP1 ENSG00000126602
16	3762442	3762643	3762542	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TRAP1 ENSG00000126602
16	3810174	3810400	3810275	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CREBBP ENSG00000005339
16	3973140	3973364	3973252	8	8	2	3.519146518	0.017558	CREBBP ENSG00000005339
16	4011132	4011417	4011274	16	17	3	5.278719777	0.000205462	ADCY9 ENSG00000162104
16	4130473	4131438	4130875	252	304	1	178.889948	2.59E-101	ADCY9 ENSG00000162104
16	4132230	4132719	4132540	15	25	6	4.357038546	4.72E-05	ADCY9 ENSG00000162104
16	4142174	4142756	4142472	28	42	3	12.61027502	8.12E-12	ADCY9 ENSG00000162104
16	4190273	4190686	4190582	10	16	4	3.988366054	0.00115141	SRL ENSG00000185739
16	4243894	4244296	4244179	11	18	7	2.785990993	0.00480525	SRL ENSG00000185739
16	4278415	4278638	4278526	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TFAP4 ENSG00000090447
16	4283930	4284124	4284017	9	11	2	4.692195357	0.00272444	GLIS2 ENSG00000126603
16	4365046	4365251	4365148	8	9	2	3.910162798	0.00955088	VASN ENSG00000168140
16	4464637	4464846	4464685	8	9	1	5.865244197	0.00272497	NMRAL1 ENSG00000153406
16	4603159	4603378	4603268	8	8	5	1.759573259	0.13508	FAM100A ENSG00000153443
16	4604876	4605057	4604927	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FAM100A ENSG00000153443
16	4615856	4616212	4616034	33	39	1	23.46097679	7.43E-13	MGRN1 ENSG00000102858
16	4758740	4759032	4758886	8	11	7	1.759573259	0.102361	ZNF500 ENSG00000103199
16	4792008	4792222	4792080	8	9	4	2.346097679	0.050148	ROGDI ENSG00000067836
16	4840391	4840581	4840539	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UBN1 ENSG00000118900
16	4887402	4887660	4887523	14	14	2	5.865244197	0.000387308	PPL ENSG00000118898
16	4935551	4935896	4935723	8	13	1	8.211341875	0.000163445	ENSG00000200980
16	5321328	5321643	5321469	15	20	1	12.31701281	1.03E-06	ENSG00000215086

16	5395706	5396435	5395968	41	60	2	23.85199307	1.61E-18		ENSG00000215086
16	8557752	8558050	8557901	14	14	2	5.865244197	0.000387308	C16orf68	ENSG00000067365
16	8680662	8680929	8680795	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000222538
16	8869971	8870182	8870091	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CARHSP1	ENSG00000153048
16	8913221	8913451	8913351	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	USP7	ENSG00000187555
16	9049014	9049409	9049190	21	29	2	11.73048839	1.18E-08		ENSG00000209566
16	9092415	9092658	9092543	11	11	2	4.692195357	0.00272444	C16orf72	ENSG00000182831
16	9161572	9161913	9161656	8	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000220793
16	9276861	9277040	9276950	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000220793
16	9366767	9367002	9366887	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000200468
16	10370369	10370744	10370548	21	29	4	7.038293036	3.41E-07	ATF7IP2	ENSG00000166669
16	10387349	10387531	10387440	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ATF7IP2	ENSG00000166669
16	10580113	10580335	10580224	8	9	4	2.346097679	0.050148	EMP2	ENSG00000213853
16	10595815	10596474	10596161	52	80	11	7.918079665	3.42E-17	EMP2	ENSG00000213853
16	10617747	10617970	10617809	8	11	5	2.346097679	0.0364013	EMP2	ENSG00000213853
16	10618575	10618963	10618754	15	24	5	4.887703497	2.90E-05	EMP2	ENSG00000213853
16	10629511	10629905	10629688	12	17	3	5.278719777	0.000205462	EMP2	ENSG00000213853
16	10825917	10826193	10826055	12	13	3	4.105670938	0.00243034	FAM18A	ENSG00000166676
16	10835649	10835956	10835805	20	21	1	12.90353723	4.95E-07	FAM18A	ENSG00000166676
16	10945700	10946078	10945875	9	14	3	4.398933147	0.00132748	CLEC16A	ENSG00000038532
16	10972910	10973196	10973060	12	13	6	2.346097679	0.0266147	CLEC16A	ENSG00000038532
16	11156780	11156988	11156884	8	11	2	4.692195357	0.00272444	CLEC16A	ENSG00000038532
16	11294683	11294956	11294810	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000209625
16	11297998	11298194	11298118	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000209625
16	11298208	11298521	11298364	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000209625
16	11360797	11361190	11361011	15	23	3	7.038293036	4.15E-06	C16orf75	ENSG00000175643
16	11498635	11499218	11498913	43	59	7	8.797866295	7.67E-14		ENSG00000188897
16	11563749	11564244	11563971	22	34	2	13.68556979	3.24E-10		ENSG00000209636
16	11566896	11567220	11567052	10	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000209636
16	11585451	11585637	11585544	8	9	4	2.346097679	0.050148	LITAF	ENSG00000189067
16	11678273	11678545	11678384	10	11	2	4.692195357	0.00272444	SNN	ENSG00000184602
16	11917331	11917578	11917502	9	11	3	3.519146518	0.00788869	GSPT1	ENSG00000103342
16	11918076	11918288	11918124	8	10	5	2.150589539	0.0575848	GSPT1	ENSG00000103342
16	11995924	11996120	11996006	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RUNDC2A	ENSG00000140660

16	12196772	12196954	12196863	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205782
16	12290651	12290867	12290759	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000205782
16	12341918	12342116	12342030	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000205782
16	12539758	12540309	12540060	41	58	0	69.20988152	1.30E-20	SNX29	ENSG00000048471
16	12804782	12805201	12805027	8	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000103381
16	12805232	12805484	12805358	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000103381
16	12900890	12901275	12901096	14	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000199474
16	12941516	12941802	12941659	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000199474
16	13187340	13187535	13187437	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000199474
16	13454453	13455193	13454896	79	106	0	125.5162258	8.58E-37	ERCC4	ENSG00000175595
16	13455299	13455554	13455417	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ERCC4	ENSG00000175595
16	13709747	13710043	13709895	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ERCC4	ENSG00000175595
16	13958757	13959175	13958966	9	17	1	10.55743955	9.18E-06	ERCC4	ENSG00000175595
16	13959214	13959512	13959367	12	14	5	2.932622098	0.00829617	ERCC4	ENSG00000175595
16	14098654	14098841	14098738	9	9	5	1.955081399	0.0892323	MKL2	ENSG00000186260
16	14308215	14308554	14308384	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000199130
16	14310723	14311215	14310995	17	27	5	5.474227917	4.62E-06		ENSG00000199130
16	14371695	14371922	14371808	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000199130
16	14401895	14402155	14402024	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000198388
16	14488234	14488633	14488413	26	42	46	1.073214896	0.370487		ENSG00000212739
16	15057547	15057763	15057655	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NTAN1	ENSG00000157045
16	15483728	15483918	15483823	10	10	1	6.451768616	0.00135978	C16orf45	ENSG00000166780
16	15592229	15592456	15592382	8	10	4	2.580707446	0.0306059	KIAA0430	ENSG00000166783
16	15645560	15645915	15645738	15	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000202641
16	15880436	15880652	15880544	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000206778
16	16084535	16084714	16084669	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ABCC6	ENSG00000091262
16	16150171	16150357	16150264	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ABCC6	ENSG00000091262
16	16196323	16196633	16196488	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	ABCC6	ENSG00000091262
16	16862854	16863460	16863187	53	83	4	19.7072205	1.00E-23		ENSG00000205748
16	17236556	17236801	17236646	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000205748
16	17256807	17257042	17256875	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000205748
16	17305870	17306094	17305984	9	11	7	1.759573259	0.102361	XYLT1	ENSG00000103489
16	17314357	17314560	17314503	8	10	3	3.225884308	0.0139466	XYLT1	ENSG00000103489
16	17317268	17317594	17317434	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	XYLT1	ENSG00000103489

16	17329043	17329227	17329147	8	8	3	2.639359888	0.0415794	XYLT1	ENSG00000103489
16	17557919	17558261	17558055	9	14	7	2.199466574	0.0303778	XYLT1	ENSG00000103489
16	17634440	17634915	17634641	23	34	7	5.132088672	6.85E-07	XYLT1	ENSG00000103489
16	17785518	17785760	17785599	16	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000221687
16	18011008	18011333	18011170	18	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000221687
16	18708971	18709400	18709255	9	16	2	6.647276756	0.000101928	RPS15A	ENSG00000134419
16	18719247	18719551	18719399	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ARL6IP1	ENSG00000170540
16	18720319	18720908	18720670	18	33	5	6.647276756	1.04E-07	ARL6IP1	ENSG00000170540
16	18864961	18865202	18865135	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000157106
16	18902581	18902847	18902705	11	13	1	8.211341875	0.000163445	TMC7	ENSG00000170537
16	18917645	18917879	18917762	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000207167
16	18991240	18991480	18991346	8	8	7	1.319679944	0.283403	COQ7	ENSG00000167186
16	19005445	19005860	19005652	16	24	5	4.887703497	2.90E-05	COQ7	ENSG00000167186
16	19029712	19030137	19029968	15	21	3	6.451768616	1.56E-05	ITPRIPL2	ENSG00000205730
16	19032454	19032832	19032576	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	ITPRIPL2	ENSG00000205730
16	19035592	19035880	19035736	12	14	5	2.932622098	0.00829617	ITPRIPL2	ENSG00000205730
16	19054733	19055333	19055191	12	26	7	3.959039833	7.16E-05	SYT17	ENSG00000103528
16	19096026	19096227	19096067	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SYT17	ENSG00000103528
16	19098812	19099017	19098891	9	11	3	3.519146518	0.00788869	SYT17	ENSG00000103528
16	19185874	19186164	19186007	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000188477
16	19329312	19329620	19329453	10	12	5	2.541605819	0.0225912	TMC5	ENSG00000103534
16	19365186	19365394	19365302	9	10	0	12.90353723	0.000195991	TMC5	ENSG00000103534
16	19382662	19382861	19382761	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMC5	ENSG00000103534
16	19421525	19421772	19421633	14	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000222750
16	19444088	19444313	19444194	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000103540
16	19635081	19635426	19635253	19	24	9	2.932622098	0.00106136	IQCK	ENSG00000174628
16	19637087	19637342	19637214	9	12	1	7.624817456	0.000332769	C16orf88	ENSG00000103550
16	19805206	19805516	19805358	13	17	8	2.346097679	0.0144542	GPRC5B	ENSG00000167191
16	19968708	19969008	19968858	15	19	8	2.606775198	0.00583935	GPR139	ENSG00000180269
16	19995294	19995532	19995448	9	9	1	5.865244197	0.00272497	GPR139	ENSG00000180269
16	20003500	20003785	20003642	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	GPR139	ENSG00000180269
16	20102702	20102995	20102823	23	26	2	10.55743955	9.97E-08	GPR139	ENSG00000180269
16	20219288	20219530	20219405	10	11	2	4.692195357	0.00272444	GP2	ENSG00000169347
16	20594479	20594762	20594649	8	11	6	2.010940867	0.0640214	ACSM1	ENSG00000166743

16	20725132	20725436	20725284	12	17	4	4.222975822	0.000640773	EXOD1	ENSG00000196678
16	20784437	20785160	20784747	89	133	1	78.59427223	4.99E-44	DCUN1D3	ENSG00000188215
16	20793741	20793959	20793818	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DCUN1D3	ENSG00000188215
16	21091397	21091576	21091486	8	8	2	3.519146518	0.017558	DNAH3	ENSG00000158486
16	21135395	21135840	21135661	10	18	1	11.14396397	4.44E-06	ZP2	ENSG00000103310
16	21219285	21219801	21219507	13	30	13	2.597465287	0.000910385		ENSG00000189149
16	21220082	21220367	21220240	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000189149
16	21473742	21474034	21473885	14	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000214873
16	21871871	21872281	21872105	8	15	6	2.68125449	0.0103552	UQCRC2	ENSG00000140740
16	21984053	21984368	21984191	11	15	2	6.256260476	0.000199274	VWA3A	ENSG00000175267
16	21989416	21989624	21989489	8	9	3	2.932622098	0.0242899	VWA3A	ENSG00000175267
16	22109320	22109622	22109458	8	9	4	2.346097679	0.050148	EEF2K	ENSG00000103319
16	22124766	22124995	22124873	11	11	4	2.815317214	0.0183428	EEF2K	ENSG00000103319
16	22151544	22151896	22151720	17	22	3	6.745030826	8.05E-06	EEF2K	ENSG00000103319
16	22215773	22216242	22216056	19	34	8	4.561856597	2.04E-06	POLR3E	ENSG00000058600
16	22217115	22217561	22217332	17	30	7	4.545564252	7.31E-06	POLR3E	ENSG00000058600
16	22240266	22240453	22240370	8	8	6	1.508205651	0.203852	POLR3E	ENSG00000058600
16	22287387	22287724	22287558	9	12	2	5.083211637	0.00143337	CDR2	ENSG00000140743
16	22293634	22293818	22293726	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CDR2	ENSG00000140743
16	22599516	22599907	22599711	14	22	11	2.248343609	0.0090389	HS3ST2	ENSG00000122254
16	22817714	22818035	22817881	9	13	8	1.824742639	0.0744168	HS3ST2	ENSG00000122254
16	22998450	22998648	22998567	8	9	5	1.955081399	0.0892323	USP31	ENSG00000103404
16	23001074	23001420	23001247	24	29	5	5.865244197	1.33E-06	USP31	ENSG00000103404
16	23056831	23057018	23056897	8	9	1	5.865244197	0.00272497	USP31	ENSG00000103404
16	23068308	23068700	23068548	18	26	3	7.918079665	5.55E-07	USP31	ENSG00000103404
16	23068702	23068912	23068813	12	14	3	4.398933147	0.00132748	USP31	ENSG00000103404
16	23071640	23071954	23071797	9	13	7	2.052835469	0.046392	USP31	ENSG00000103404
16	23203385	23203849	23203691	13	22	7	3.372515413	0.000629223	SCNN1B	ENSG00000168447
16	23342314	23342643	23342479	15	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000209795
16	23343403	23343789	23343574	10	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000209795
16	23354276	23354602	23354429	12	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000209795
16	23405463	23405722	23405592	11	13	3	4.105670938	0.00243034	GGA2	ENSG00000103365
16	23560119	23560521	23560298	11	18	2	7.429309316	2.63E-05	DCTN5	ENSG00000166847
16	23597407	23597639	23597545	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	PLK1	ENSG00000166851

16	23628398	23628644	23628507	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	ERN2	ENSG00000134398
16	23915435	23915799	23915596	9	14	6	2.513676084	0.016726	PRKCB	ENSG00000166501
16	23924956	23925194	23925039	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PRKCB	ENSG00000166501
16	23929378	23929565	23929494	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PRKCB	ENSG00000166501
16	23960970	23961183	23961076	14	14	2	5.865244197	0.000387308	PRKCB	ENSG00000166501
16	23976434	23976658	23976581	8	9	3	2.932622098	0.0242899	CACNG3	ENSG00000006116
16	24300529	24301136	24300832	36	59	5	11.73048839	2.43E-15		ENSG00000201541
16	24458434	24458645	24458539	8	10	5	2.150589539	0.0575848	RBBP6	ENSG00000122257
16	24648021	24648506	24648286	14	23	5	4.692195357	5.29E-05	TNRC6A	ENSG00000090905
16	24753420	24753599	24753509	8	8	6	1.508205651	0.203852	SLC5A11	ENSG00000158865
16	24763378	24763588	24763519	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC5A11	ENSG00000158865
16	24772737	24773118	24772882	10	15	12	1.443752418	0.160732	SLC5A11	ENSG00000158865
16	24863123	24863403	24863263	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ARHGAP17	ENSG00000140750
16	24959529	24959711	24959680	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ARHGAP17	ENSG00000140750
16	25025669	25026115	25025892	13	22	6	3.854303329	0.000260696	LCMT1	ENSG00000205629
16	25038465	25038751	25038574	14	18	7	2.785990993	0.00480525	LCMT1	ENSG00000205629
16	25152691	25152925	25152808	11	11	5	2.346097679	0.0364013	AQP8	ENSG00000103375
16	25176180	25176380	25176294	9	10	7	1.612942154	0.147335	ZKSCAN2	ENSG00000155592
16	25176851	25177411	25177104	13	26	5	5.278719777	8.57E-06	ZKSCAN2	ENSG00000155592
16	25472356	25472983	25472786	108	139	5	27.37113958	1.52E-40	HS3ST4	ENSG00000182601
16	25487790	25488290	25488040	43	59	2	23.46097679	3.38E-18	HS3ST4	ENSG00000182601
16	26941897	26942260	26942062	26	33	0	39.88366054	3.46E-12		ENSG00000213704
16	27098464	27098643	27098553	8	8	1	5.278719777	0.00542188	JMJD5	ENSG00000155666
16	27122190	27122588	27122377	15	24	8	3.258468998	0.000499412	JMJD5	ENSG00000155666
16	27283599	27283842	27283720	8	11	5	2.346097679	0.0364013	IL4R	ENSG00000077238
16	27327610	27327909	27327759	26	28	2	11.33947211	2.41E-08	IL21R	ENSG00000103522
16	27333658	27333840	27333749	8	8	1	5.278719777	0.00542188	IL21R	ENSG00000103522
16	27524440	27524619	27524529	8	8	0	10.55743955	0.000925496	KIAA0556	ENSG00000047578
16	27558581	27558922	27558744	9	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000221528
16	27642419	27643308	27642978	70	141	5	27.76215586	3.45E-41		ENSG00000201371
16	27714854	27715196	27715025	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000212382
16	27715709	27715969	27715839	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000212382
16	27816767	27817097	27816935	20	25	4	6.099853964	4.56E-06	GSG1L	ENSG00000169181
16	27839334	27839827	27839559	12	24	8	3.258468998	0.000499412	GSG1L	ENSG00000169181

16	27841410	27841611	27841510	10	10	2	4.301179077	0.00512919	GSG1L	ENSG00000169181
16	27912205	27912813	27912562	44	77	6	13.07111564	5.49E-20		ENSG00000207266
16	28011770	28012012	28011855	9	9	8	1.303387599	0.281715	GSG1L	ENSG00000169181
16	28410761	28411063	28410912	11	14	8	1.955081399	0.0506438	CLN3	ENSG00000188603
16	28423983	28424182	28424082	9	10	1	6.451768616	0.00135978	IL27	ENSG00000197272
16	28455934	28456527	28456156	46	67	5	13.29455351	8.80E-18		ENSG00000176046
16	28472557	28473047	28472898	15	25	4	6.099853964	4.56E-06	CCDC101	ENSG00000176476
16	28473111	28473301	28473206	8	9	3	2.932622098	0.0242899	CCDC101	ENSG00000176476
16	28742967	28743180	28743077	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ATXN2L	ENSG00000168488
16	28764461	28764640	28764550	8	8	5	1.759573259	0.13508	TUFM	ENSG00000178952
16	28765108	28765448	28765278	15	20	2	8.211341875	6.65E-06	TUFM	ENSG00000178952
16	28782063	28782369	28782216	17	20	3	6.158506406	2.99E-05	SH2B1	ENSG00000178188
16	28798255	28798437	28798317	8	9	8	1.303387599	0.281715	ATP2A1	ENSG00000196296
16	28818818	28819186	28818997	12	19	0	23.46097679	1.81E-07	ATP2A1	ENSG00000196296
16	28819322	28819600	28819461	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ATP2A1	ENSG00000196296
16	28864364	28864762	28864543	9	16	11	1.661819189	0.0853913	NFATC2IP	ENSG00000176953
16	28869639	28869845	28869742	8	10	4	2.580707446	0.0306059	NFATC2IP	ENSG00000176953
16	28893470	28893719	28893585	10	13	5	2.737113958	0.0137917	SPNS1	ENSG00000169682
16	29562167	29562435	29562301	13	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000217794
16	29597671	29598191	29597860	9	19	8	2.606775198	0.00583935	QPRT	ENSG00000103485
16	29637850	29638093	29637971	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000222375
16	29648147	29648391	29648269	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000222375
16	29657412	29657751	29657605	21	25	6	4.357038546	4.72E-05	C16orf54	ENSG00000185905
16	29709158	29709646	29709389	11	21	10	2.346097679	0.00796926	KIF22	ENSG00000079616
16	29723892	29724523	29724360	15	29	15	2.199466574	0.00420562	MAZ	ENSG00000103495
16	29734650	29734976	29734813	15	20	5	4.105670938	0.000308509	C16orf53	ENSG00000185928
16	29782182	29782617	29782422	12	24	13	2.09473007	0.011141		ENSG00000214725
16	29845132	29845365	29845215	11	13	6	2.346097679	0.0266147	KCTD13	ENSG00000174943
16	29892064	29892664	29892533	11	25	7	3.812408728	0.00012465	TAOK2	ENSG00000149930
16	29914201	29914461	29914301	8	11	4	2.815317214	0.0183428	HIRIP3	ENSG00000149929
16	29914754	29915231	29915052	11	20	8	2.737113958	0.0036449	INO80E	ENSG00000169592
16	29923688	29923950	29923823	8	8	5	1.759573259	0.13508	DOC2A	ENSG00000149927
16	29940107	29940707	29940532	10	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000167194
16	29965179	29965375	29965287	9	11	8	1.564065119	0.151515	ALDOA	ENSG00000149925



16	29971755	29972046	29971914	10	13	9	1.642268375	0.111397	ALDOA	ENSG00000149925
16	29979889	29980098	29979993	10	11	8	1.564065119	0.151515	ALDOA	ENSG00000149925
16	29983939	29984736	29984217	12	31	14	2.502504191	0.00106817	ALDOA	ENSG00000149925
16	29994633	29994946	29994789	8	13	1	8.211341875	0.000163445	PPP4C	ENSG00000149923
16	30008690	30008958	30008806	9	9	3	2.932622098	0.0242899	TBX6	ENSG00000149922
16	30009982	30010183	30010082	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TBX6	ENSG00000149922
16	30010592	30010845	30010718	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TBX6	ENSG00000149922
16	30023350	30023633	30023491	16	18	4	4.457585589	0.000353565	YPEL3	ENSG00000090238
16	30103916	30104095	30103956	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CORO1A	ENSG00000102879
16	30273959	30274356	30274066	9	15	11	1.564065119	0.11768	CD2BP2	ENSG00000169217
16	30278663	30278909	30278786	9	12	2	5.083211637	0.00143337	TBC1D10B	ENSG00000169221
16	30347964	30348210	30348097	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000179958
16	30348899	30349293	30349120	10	16	13	1.424416448	0.161813		ENSG00000179958
16	30356286	30356465	30356347	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000179958
16	30364490	30364980	30364820	14	23	9	2.815317214	0.00172056	SEPHS2	ENSG00000179918
16	30446189	30446581	30446402	8	16	8	2.215758919	0.0222902	ZNF768	ENSG00000169957
16	30446611	30446947	30446785	14	19	4	4.692195357	0.000193572	ZNF768	ENSG00000169957
16	30453561	30453894	30453719	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	ZNF747	ENSG00000169955
16	30477103	30477450	30477276	11	17	8	2.346097679	0.0144542	ZNF764	ENSG00000169951
16	30490652	30491223	30490903	10	23	10	2.559379286	0.00330263	ZNF785	ENSG00000197162
16	30504412	30504733	30504572	11	15	9	1.876878143	0.0544542	ZNF785	ENSG00000197162
16	30529117	30529468	30529292	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	ZNF689	ENSG00000156853
16	30547605	30547906	30547755	8	9	8	1.303387599	0.281715	ZNF689	ENSG00000156853
16	30553101	30553347	30553244	11	13	3	4.105670938	0.00243034	PRR14	ENSG00000156858
16	30569317	30569796	30569584	9	18	8	2.476436439	0.00924552	PRR14	ENSG00000156858
16	30576826	30577193	30576991	8	13	9	1.642268375	0.111397	FBRS	ENSG00000156860
16	30577361	30577964	30577580	13	28	9	3.401841634	0.000141067	FBRS	ENSG00000156860
16	30659161	30659495	30659338	19	22	8	2.997791478	0.00137524	PHKG2	ENSG00000156873
16	30680785	30680965	30680870	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000196118
16	30694238	30694455	30694346	12	14	5	2.932622098	0.00829617	ZNF629	ENSG00000102870
16	30724216	30724530	30724373	12	16	11	1.661819189	0.0853913		ENSG00000183355
16	30732958	30733212	30733118	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000183355
16	30775611	30775953	30775778	11	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000183355
16	30793642	30793892	30793723	10	13	4	3.28453675	0.00629037	CTF1	ENSG00000150281

16	30794112	30794420	30794266	8	12	6	2.178519273	0.0416567	CTF1	ENSG00000150281
16	30813692	30813883	30813787	9	9	7	1.466311049	0.20706	BCL7C	ENSG00000099385
16	30840500	30840925	30840679	10	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000212972
16	30841198	30841628	30841449	18	29	12	2.707035783	0.000762953		ENSG00000212972
16	30841849	30842042	30841945	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000212972
16	30842129	30842427	30842265	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000212972
16	30868710	30869372	30869134	35	56	11	5.571981987	1.27E-10	ORAI3	ENSG00000175938
16	30876066	30876455	30876234	11	18	3	5.571981987	0.000108726	SETD1A	ENSG00000099381
16	30904300	30904648	30904474	12	15	3	4.692195357	0.000718455	HSD3B7	ENSG00000099377
16	30921069	30921431	30921241	11	16	6	2.848832895	0.00632407	STX1B	ENSG00000099365
16	30992978	30993343	30993164	23	30	15	2.272782126	0.00282041	ZNF646	ENSG00000167395
16	31036383	31036617	31036500	8	10	3	3.225884308	0.0139466	MYST1	ENSG00000103510
16	31036875	31037176	31037028	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	MYST1	ENSG00000103510
16	31049763	31050029	31049899	11	13	4	3.28453675	0.00629037	PRSS8	ENSG00000052344
16	31061061	31061490	31061320	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	PRSS8	ENSG00000052344
16	31189155	31189484	31189350	11	15	0	18.76878143	4.04E-06	ITGAM	ENSG00000169896
16	31189676	31189881	31189778	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ITGAM	ENSG00000169896
16	31192148	31192348	31192249	11	12	2	5.083211637	0.00143337	ITGAM	ENSG00000169896
16	31192449	31193033	31192763	71	98	3	29.03295877	1.18E-29	ITGAM	ENSG00000169896
16	31193868	31194050	31193924	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ITGAM	ENSG00000169896
16	31301799	31301990	31301945	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ITGAD	ENSG00000156886
16	31361871	31362182	31362026	17	19	5	3.910162798	0.000546977	ZNF843	ENSG00000176723
16	31370477	31370861	31370696	17	22	5	4.496687217	9.59E-05	ARMC5	ENSG00000140691
16	31395631	31395905	31395749	8	9	6	1.675784056	0.141978	TGFB1I1	ENSG00000140682
16	31411874	31412103	31411988	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	SLC5A2	ENSG00000140675
16	31632091	31632309	31632161	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF720	ENSG00000197302
16	32440672	32440853	32440699	9	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000197605
16	32784232	32784462	32784347	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	IGHV2OR1C	ENSG00000214618
16	33526511	33526735	33526668	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000185520
16	33796734	33797066	33796900	30	31	49	0.750751257	0.901516		ENSG00000207986
16	33842763	33842954	33842858	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000207986
16	33857576	33858008	33857836	24	31	36	1.014528726	0.478595		ENSG00000207986
16	33858575	33858803	33858689	12	13	19	0.821134188	0.720637		ENSG00000207986
16	33860101	33860316	33860265	8	9	12	0.902345261	0.602772		ENSG00000207986

16	33860422	33860911	33860727	38	57	65	1.030861101	0.434628	ENSG00000207986
16	33863279	33863503	33863338	10	11	15	0.879786629	0.637414	ENSG00000207986
16	33863753	33864273	33864042	23	45	15	3.372515413	2.88E-06	ENSG00000207986
16	33864454	33865103	33864778	43	74	92	0.946007128	0.641693	ENSG00000207986
16	33866565	33867145	33866744	26	48	57	0.991024019	0.520661	ENSG00000207986
16	33868617	33868826	33868768	29	31	20	1.787502993	0.0176346	ENSG00000207986
16	33869913	33871756	33870864	134	611	435	1.646573141	4.87E-16	ENSG00000200002
16	33872299	33872618	33872458	22	22	21	1.226369241	0.247426	ENSG00000200434
16	33872805	33873289	33872984	48	62	26	2.737113958	1.98E-06	ENSG00000200434
16	33881683	33881963	33881833	13	14	14	1.173048839	0.332418	ENSG00000200434
16	33930061	33930395	33930228	36	36	61	0.700045275	0.960051	ENSG00000200434
16	34400509	34400818	34400663	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	ENSG00000221532
16	34618087	34618356	34618221	8	13	2	5.474227917	0.000747844	ENSG00000213543
16	34651941	34652172	34652037	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000213543
16	44944132	44944335	44944161	10	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000199448
16	44946020	44946200	44946059	8	10	14	0.860235815	0.65444	ENSG00000199448
16	44949111	44949540	44949361	17	24	21	1.333010045	0.162162	ENSG00000199448
16	44951930	44952124	44951961	12	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000199448
16	44985014	44985273	44985110	8	9	25	0.451172631	0.988793	ENSG00000199448
16	46096076	46096416	46096246	27	30	17	2.020250779	0.0073882	ENSG00000210173
16	46096669	46096856	46096705	9	9	7	1.466311049	0.20706	ENSG00000210177
16	46646583	46646830	46646706	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ABCC12 ENSG00000140798
16	46756797	46757130	46756966	10	15	4	3.753756286	0.0020497	ABCC12 ENSG00000140798
16	46975349	46975579	46975464	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SIAH1 ENSG00000196470
16	48856697	48856895	48856721	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ADCY7 ENSG00000121281
16	49260001	49260293	49260147	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SNX20 ENSG00000167208
16	49546901	49547155	49547050	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ENSG00000199771
16	49595302	49595548	49595425	16	16	1	9.970915134	1.89E-05	ENSG00000199771
16	49904652	49904902	49904767	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	SALL1 ENSG00000103449
16	51633012	51633449	51633230	21	33	3	9.970915134	4.56E-09	CHD9 ENSG00000177200
16	51643897	51644430	51644067	43	59	0	70.38293036	5.97E-21	CHD9 ENSG00000177200
16	51646327	51646654	51646490	8	13	2	5.474227917	0.000747844	CHD9 ENSG00000177200
16	51691000	51691340	51691170	12	17	9	2.111487911	0.0248715	CHD9 ENSG00000177200
16	51969190	51969449	51969319	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000202193

16	51969551	51969968	51969730	31	41	0	49.26805125	6.97E-15		ENSG00000202193
16	52024996	52025393	52025161	16	21	0	25.80707446	3.84E-08	RBL2	ENSG00000103479
16	52041148	52041596	52041396	45	58	0	69.20988152	1.30E-20	RBL2	ENSG00000103479
16	52323901	52324274	52324019	11	16	6	2.848832895	0.00632407	FTO	ENSG00000140718
16	52364616	52364801	52364708	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FTO	ENSG00000140718
16	52367592	52367872	52367732	9	11	3	3.519146518	0.00788869	FTO	ENSG00000140718
16	52540929	52541171	52541036	11	11	3	3.519146518	0.00788869	FTO	ENSG00000140718
16	52544729	52544952	52544840	8	9	0	11.73048839	0.000425898	FTO	ENSG00000140718
16	52763481	52763856	52763658	14	21	8	2.867452718	0.00225035	FTO	ENSG00000140718
16	52930541	52930889	52930715	11	15	2	6.256260476	0.000199274	IRX3	ENSG00000177508
16	52999136	52999380	52999251	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	IRX3	ENSG00000177508
16	53014073	53014334	53014203	9	11	1	7.038293036	0.000674435	IRX3	ENSG00000177508
16	53080858	53081086	53080956	8	8	0	10.55743955	0.000925496	IRX3	ENSG00000177508
16	54962386	54962584	54962464	9	9	4	2.346097679	0.050148	AMFR	ENSG00000159461
16	54963675	54963913	54963802	9	12	2	5.083211637	0.00143337	AMFR	ENSG00000159461
16	54964385	54964596	54964463	8	8	1	5.278719777	0.00542188	AMFR	ENSG00000159461
16	55241303	55241514	55241390	9	9	0	11.73048839	0.000425898	MT1CP	ENSG00000205360
16	55452614	55452807	55452731	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207649
16	56009413	56009692	56009552	10	12	2	5.083211637	0.00143337	CCL17	ENSG00000102970
16	56038754	56038950	56038867	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CIAPIN1	ENSG00000005194
16	56075507	56075698	56075602	10	10	1	6.451768616	0.00135978	DOK4	ENSG00000125170
16	56210982	56211175	56211078	9	9	3	2.932622098	0.0242899	GPR56	ENSG00000205336
16	56720859	56721283	56721038	8	16	1	9.970915134	1.89E-05	C16orf80	ENSG00000070761
16	57244201	57244509	57244355	10	14	4	3.519146518	0.00361132	CNOT1	ENSG00000125107
16	57252707	57252912	57252809	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC38A7	ENSG00000103042
16	57325629	57325898	57325759	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	GOT2	ENSG00000125166
16	58580078	58580440	58580237	14	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000200911
16	61445418	61445678	61445548	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000223123
16	63029126	63029316	63029221	8	8	0	10.55743955	0.000925496		
16	63691044	63691298	63691171	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	CDH11	ENSG00000140937
16	64347775	64348014	64347894	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		
16	64360445	64360884	64360699	62	80	0	95.01695598	4.98E-28		
16	64362268	64362678	64362402	18	23	0	28.15317214	8.13E-09		
16	64779491	64779684	64779587	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201999

16	64918295	64918577	64918465	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	ENSG00000201999	
16	65099573	65099762	65099667	10	11	2	4.692195357	0.00272444	ENSG00000166546	
16	65519086	65519710	65519488	40	62	4	14.78041538	4.00E-17	RRAD	ENSG00000166592
16	65996159	65996406	65996282	16	18	1	11.14396397	4.44E-06	TPPP3	ENSG00000159713
16	66000791	66001235	66000926	13	19	1	11.73048839	2.14E-06	ZDHC1	ENSG00000159714
16	66019650	66019871	66019781	8	9	4	2.346097679	0.050148	HSD11B2	ENSG00000176387
16	66072401	66072714	66072557	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000214430
16	66112560	66112749	66112689	8	9	2	3.910162798	0.00955088	FAM65A	ENSG00000039523
16	66135856	66136190	66136023	16	20	0	24.63402563	8.35E-08	FAM65A	ENSG00000039523
16	66267960	66268274	66268117	14	18	0	22.28792795	3.94E-07	C16orf86	ENSG00000159761
16	66310885	66311064	66310974	8	8	4	2.111487911	0.0804809	GFOD2	ENSG00000141098
16	66397961	66398243	66398092	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	RANBP10	ENSG00000141084
16	66407908	66408329	66408150	11	19	5	3.910162798	0.000546977	TSNAXIP1	ENSG00000102904
16	66438122	66438357	66438204	8	10	1	6.451768616	0.00135978	NUTF2	ENSG00000102898
16	66464321	66464541	66464431	10	10	1	6.451768616	0.00135978	EDC4	ENSG00000038358
16	66539579	66539860	66539719	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	LCAT	ENSG00000213398
16	66552874	66553532	66553222	14	33	3	9.970915134	4.56E-09	SLC12A4	ENSG00000124067
16	66557508	66558176	66557733	69	93	3	27.56664772	4.93E-28	SLC12A4	ENSG00000124067
16	66614434	66614782	66614608	14	18	2	7.429309316	2.63E-05	DUS2L	ENSG00000167264
16	66656173	66656371	66656272	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000221789
16	66683035	66683481	66683239	58	70	6	11.8980668	7.38E-18		ENSG00000201850
16	66825450	66825984	66825699	16	30	6	5.194930574	2.42E-06	RBM35B	ENSG00000103067
16	66829014	66829432	66829193	8	15	6	2.68125449	0.0103552	RBM35B	ENSG00000103067
16	66836412	66836882	66836591	12	20	1	12.31701281	1.03E-06	PLA2G15	ENSG00000103066
16	66867108	66867422	66867259	19	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000210531
16	66879422	66879601	66879511	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210531
16	66920067	66920325	66920179	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000222177
16	66969157	66969423	66969290	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000214388
16	66973722	66974042	66973864	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000214388
16	66984778	66985101	66984948	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000214388
16	67007871	67008070	67007970	8	9	6	1.675784056	0.141978	SMPD3	ENSG00000103056
16	67112074	67112472	67112205	9	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000201164
16	67120077	67120438	67120266	16	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000201164
16	67149648	67149980	67149836	12	16	3	4.985457567	0.000385643	ZFP90	ENSG00000184939

16	67170658	67170850	67170761	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZFP90	ENSG00000184939
16	67236351	67236569	67236502	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CDH3	ENSG00000062038
16	67249614	67249982	67249803	10	15	4	3.753756286	0.0020497	CDH3	ENSG00000062038
16	67295778	67296029	67295903	8	10	3	3.225884308	0.0139466	CDH1	ENSG00000039068
16	67323583	67323794	67323652	8	9	4	2.346097679	0.050148	CDH1	ENSG00000039068
16	67329893	67330072	67329972	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CDH1	ENSG00000039068
16	67336199	67336493	67336331	22	24	9	2.932622098	0.00106136		ENSG00000200558
16	67390033	67390221	67390127	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TMCO7	ENSG00000103047
16	67391834	67392051	67391942	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TMCO7	ENSG00000103047
16	67493958	67494151	67494018	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199979
16	67528055	67528678	67528365	85	136	4	32.1415382	9.11E-41		ENSG00000203389
16	67550526	67550739	67550632	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000203389
16	67741631	67741810	67741720	8	8	5	1.759573259	0.13508	CIRH1A	ENSG00000141076
16	67778298	67778623	67778460	9	13	7	2.052835469	0.046392	SNTB2	ENSG00000168807
16	67779479	67779699	67779589	11	11	1	7.038293036	0.000674435	SNTB2	ENSG00000168807
16	68086428	68086621	68086524	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NFAT5	ENSG00000102908
16	68300881	68301116	68300998	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000210650
16	68880871	68881092	68881010	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	AARS	ENSG00000090861
16	68972207	68972499	68972353	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ST3GAL2	ENSG00000157350
16	69030616	69030974	69030795	9	15	2	6.256260476	0.000199274	ST3GAL2	ENSG00000157350
16	69153080	69153352	69153214	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000221066
16	69288277	69288826	69288569	14	29	7	4.398933147	1.30E-05		ENSG00000177242
16	69298564	69298827	69298731	12	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000177242
16	69305183	69305464	69305323	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000177242
16	69306530	69306884	69306707	17	23	3	7.038293036	4.15E-06		ENSG00000177242
16	69370436	69370720	69370547	11	14	7	2.199466574	0.0303778	VAC14	ENSG00000103043
16	69467960	69468209	69468071	11	11	14	0.938439071	0.570297		ENSG00000223316
16	69530887	69531095	69530991	9	10	7	1.612942154	0.147335	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69550978	69551181	69551079	9	11	5	2.346097679	0.0364013	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69559568	69559830	69559699	11	12	9	1.524963491	0.154777	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69581252	69581459	69581355	9	10	4	2.580707446	0.0306059	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69591146	69591491	69591318	14	20	26	0.912371319	0.627883	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69610455	69610931	69610634	20	34	23	1.710696224	0.0199099	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69616043	69616308	69616175	8	11	9	1.407658607	0.210479	HYDIN2	ENSG00000157423

16	69620595	69620802	69620666	8	8	2	3.519146518	0.017558	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69629310	69629739	69629560	10	20	14	1.642268375	0.06827	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69636349	69636626	69636458	9	12	6	2.178519273	0.0416567	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69637687	69637919	69637837	8	8	6	1.508205651	0.203852	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69659868	69660086	69659977	8	9	4	2.346097679	0.050148	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69725906	69726547	69726085	26	45	16	3.174132153	6.18E-06	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69734440	69734704	69734575	10	12	3	3.812408728	0.004404	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69757052	69757644	69757465	20	39	10	4.265632143	8.90E-07	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69757757	69758004	69757851	12	13	4	3.28453675	0.00629037	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69881091	69881365	69881228	9	10	3	3.225884308	0.0139466	FTSJD1	ENSG00000180917
16	69903018	69903258	69903153	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000221237
16	70003568	70003750	70003656	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZNF23	ENSG00000167377
16	70053398	70053723	70053560	11	15	4	3.753756286	0.0020497	ZNF23	ENSG00000167377
16	70059240	70059437	70059338	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF23	ENSG00000167377
16	70129142	70129378	70129260	14	14	10	1.599612054	0.114822	CHST4	ENSG00000140835
16	70156849	70157274	70157123	8	16	7	2.492728784	0.0124193	TAT	ENSG00000198650
16	70185626	70185810	70185718	8	8	2	3.519146518	0.017558	TAT	ENSG00000198650
16	70202414	70202660	70202549	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70203013	70203234	70203123	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70217498	70217701	70217669	10	11	1	7.038293036	0.000674435	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70222169	70222505	70222338	13	17	3	5.278719777	0.000205462	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70235237	70235449	70235391	11	13	4	3.28453675	0.00629037	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70237017	70237203	70237110	8	8	5	1.759573259	0.13508	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70400283	70400624	70400478	12	16	13	1.424416448	0.161813	AP1G1	ENSG00000166747
16	70437162	70437454	70437287	14	18	6	3.183989707	0.00227432	AP1G1	ENSG00000166747
16	70486537	70487090	70486708	13	24	6	4.18946014	8.40E-05	KIAA0174	ENSG00000182149
16	70487328	70487542	70487421	9	10	4	2.580707446	0.0306059	KIAA0174	ENSG00000182149
16	70520482	70520761	70520621	12	12	5	2.541605819	0.0225912	KIAA0174	ENSG00000182149
16	70552933	70553119	70553024	10	10	7	1.612942154	0.147335	PKD1L3	ENSG00000187008
16	70599812	70600106	70599931	8	13	2	5.474227917	0.000747844	DHODH	ENSG00000102967
16	70600232	70600469	70600359	8	9	2	3.910162798	0.00955088	DHODH	ENSG00000102967
16	70684840	70685406	70685301	11	21	10	2.346097679	0.00796926	DHX38	ENSG00000140829
16	70685457	70685703	70685580	8	11	6	2.010940867	0.0640214	DHX38	ENSG00000140829
16	70716425	70716617	70716521	8	8	3	2.639359888	0.0415794	DHX38	ENSG00000140829

16	71058632	71058824	71058728	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000207514
16	71226608	71226800	71226704	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000221286
16	71256562	71256891	71256736	8	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000221286
16	71362604	71362796	71362681	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221286
16	71423987	71424295	71424107	10	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000221799
16	71440099	71440278	71440221	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000221799
16	71520945	71521209	71521062	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221799
16	71544345	71544919	71544714	11	25	10	2.772660893	0.00131329		ENSG00000221799
16	71575409	71575704	71575556	22	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000221799
16	71578934	71579370	71579195	16	25	4	6.099853964	4.56E-06		ENSG00000221799
16	71584710	71584893	71584789	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221799
16	71588097	71588325	71588211	12	14	11	1.466311049	0.15926		ENSG00000221799
16	71588401	71588980	71588628	23	40	14	3.206333494	1.62E-05		ENSG00000221799
16	71590756	71590971	71590863	13	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000221799
16	71607033	71607293	71607149	16	18	6	3.183989707	0.00227432		ENSG00000221799
16	71631387	71631983	71631823	17	31	2	12.51252095	2.82E-09	ZFH3	ENSG00000140836
16	71638994	71639181	71639087	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZFH3	ENSG00000140836
16	71645107	71645452	71645283	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ZFH3	ENSG00000140836
16	71646161	71646932	71646605	15	34	4	8.211341875	1.23E-08	ZFH3	ENSG00000140836
16	71661793	71662318	71662139	10	22	6	3.854303329	0.000260696	ZFH3	ENSG00000140836
16	71762258	71762500	71762379	9	10	8	1.433726359	0.209175	C16orf47	ENSG00000197445
16	71788147	71788329	71788274	9	9	2	3.910162798	0.00955088	C16orf47	ENSG00000197445
16	72107438	72107621	72107529	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C16orf47	ENSG00000197445
16	72156783	72156986	72156883	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000184543
16	72157304	72157594	72157449	12	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000184543
16	72305639	72305840	72305802	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000184543
16	72699083	72699289	72699222	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000222127
16	72824431	72824666	72824548	9	11	4	2.815317214	0.0183428	PSMD7	ENSG00000103035
16	72887914	72888183	72888078	8	10	4	2.580707446	0.0306059	PSMD7	ENSG00000103035
16	72889699	72889888	72889741	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PSMD7	ENSG00000103035
16	73022672	73023406	73022916	87	131	7	19.35530585	7.66E-36		ENSG00000140839
16	73071570	73071812	73071727	10	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000207525
16	73077395	73077757	73077562	13	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000207525
16	73258224	73258445	73258340	11	12	3	3.812408728	0.004404	RFWD3	ENSG00000168411



16	73320902	73321099	73321000	8	8	2	3.519146518	0.017558	MLKL	ENSG00000168404
16	73321289	73322138	73321547	44	98	6	16.59026216	1.79E-26	MLKL	ENSG00000168404
16	73330810	73331353	73331076	20	33	0	39.88366054	3.46E-12	FA2H	ENSG00000103089
16	73335049	73335335	73335163	8	11	5	2.346097679	0.0364013	FA2H	ENSG00000103089
16	73404481	73404894	73404660	14	24	12	2.255863153	0.00673318	FA2H	ENSG00000103089
16	73409314	73409522	73409378	10	10	4	2.580707446	0.0306059	FA2H	ENSG00000103089
16	73428488	73428825	73428656	9	13	5	2.737113958	0.0137917	FA2H	ENSG00000103089
16	73454079	73454531	73454376	16	25	3	7.624817456	1.09E-06	FA2H	ENSG00000103089
16	73459150	73459474	73459296	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	FA2H	ENSG00000103089
16	73476126	73476305	73476201	9	9	2	3.910162798	0.00955088	WDR59	ENSG00000103091
16	73590132	73590398	73590248	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73591310	73591642	73591472	10	15	8	2.085420159	0.0338693	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73591816	73592111	73591951	9	13	6	2.346097679	0.0266147	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73594873	73595139	73595006	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73603610	73603905	73603767	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73621179	73621531	73621327	15	20	4	4.926805125	0.00010522	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73636394	73636781	73636604	32	40	15	3.005937651	3.36E-05	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73645587	73645920	73645743	11	16	6	2.848832895	0.00632407	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73650863	73651172	73651020	12	16	11	1.661819189	0.0853913	LDHD	ENSG00000166816
16	73655934	73656195	73656064	10	13	4	3.28453675	0.00629037	LDHD	ENSG00000166816
16	73656247	73656560	73656408	10	11	4	2.815317214	0.0183428	LDHD	ENSG00000166816
16	73661925	73662300	73662104	11	17	5	3.519146518	0.00167472	LDHD	ENSG00000166816
16	73678498	73679092	73678785	46	77	10	8.317982679	5.43E-17	LDHD	ENSG00000166816
16	73687087	73687308	73687197	10	11	5	2.346097679	0.0364013	LDHD	ENSG00000166816
16	73688143	73688416	73688279	33	36	14	2.89352047	0.000111563	LDHD	ENSG00000166816
16	73701986	73702238	73702112	9	10	7	1.612942154	0.147335	LDHD	ENSG00000166816
16	73702400	73702957	73702770	17	36	11	3.616900588	1.14E-05	LDHD	ENSG00000166816
16	73707442	73707659	73707550	9	10	1	6.451768616	0.00135978	LDHD	ENSG00000166816
16	73707731	73708182	73708003	9	17	5	3.519146518	0.00167472	LDHD	ENSG00000166816
16	73739922	73740145	73740014	12	14	3	4.398933147	0.00132748	ZFP1	ENSG00000184517
16	73780098	73780799	73780432	14	31	6	5.36250898	1.31E-06		ENSG00000213318
16	73843228	73843509	73843358	8	12	12	1.173048839	0.343543	BCAR1	ENSG00000050820
16	73859253	73859717	73859489	16	26	9	3.167231866	0.000393236	BCAR1	ENSG00000050820
16	73871598	73871889	73871743	8	11	8	1.564065119	0.151515	BCAR1	ENSG00000050820

16	73896693	73897186	73896926	36	56	16	3.933163755	2.18E-08	BCAR1	ENSG00000050820
16	74024228	74024461	74024344	9	10	9	1.290353723	0.279648	CFDP1	ENSG00000153774
16	74025030	74025743	74025386	10	30	15	2.272782126	0.00282041	CFDP1	ENSG00000153774
16	74049725	74049951	74049847	11	11	3	3.519146518	0.00788869	TMEM170A	ENSG00000166822
16	74056084	74056425	74056247	20	25	10	2.772660893	0.00131329	TMEM170A	ENSG00000166822
16	74063257	74063538	74063430	11	12	8	1.694403879	0.107291	TMEM170A	ENSG00000166822
16	74074632	74074892	74074750	8	10	3	3.225884308	0.0139466	CHST6	ENSG00000183196
16	74077353	74077805	74077588	37	50	3	14.9563727	2.64E-14	CHST6	ENSG00000183196
16	74083421	74083741	74083566	25	28	9	3.401841634	0.000141067	CHST6	ENSG00000183196
16	74108457	74108672	74108567	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CHST5	ENSG00000135702
16	74108786	74109064	74108925	13	16	12	1.533986944	0.120062	CHST5	ENSG00000135702
16	74111363	74111695	74111529	11	15	2	6.256260476	0.000199274	CHST5	ENSG00000135702
16	74112762	74113036	74112890	14	14	9	1.759573259	0.0786014	CHST5	ENSG00000135702
16	74141772	74142078	74141925	8	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000205084
16	74146642	74147002	74146847	13	17	11	1.759573259	0.0609179		ENSG00000205084
16	74156347	74156723	74156593	12	18	5	3.714654658	0.000961539	GABARAPL2	ENSG00000034713
16	74157372	74157666	74157532	11	14	5	2.932622098	0.00829617	GABARAPL2	ENSG00000034713
16	74214117	74214302	74214209	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ADAT1	ENSG00000065457
16	74214494	74214850	74214672	13	18	4	4.457585589	0.000353565	ADAT1	ENSG00000065457
16	74238801	74239358	74239075	15	26	19	1.583615933	0.0575614	KARS	ENSG00000065427
16	74239749	74240275	74239872	9	20	9	2.463402563	0.00689886	TERF2IP	ENSG00000166848
16	74259912	74260206	74260033	14	18	5	3.714654658	0.000961539	TERF2IP	ENSG00000166848
16	74286757	74287030	74286852	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000210774
16	74355625	74355932	74355782	8	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000213308
16	74361292	74361566	74361429	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000213308
16	74494841	74495384	74495090	15	27	5	5.474227917	4.62E-06		ENSG00000199299
16	75781965	75782244	75782104	12	14	4	3.519146518	0.00361132	MON1B	ENSG00000103111
16	75827487	75827778	75827632	20	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000205078
16	75965860	75966154	75966007	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ADAMTS18	ENSG00000140873
16	75979301	75979480	75979390	8	8	7	1.319679944	0.283403	ADAMTS18	ENSG00000140873
16	76177472	76177710	76177591	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000221226
16	76278015	76278207	76278173	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221226
16	76374143	76374437	76374290	9	11	6	2.010940867	0.0640214	VAT1L	ENSG00000171724
16	76379711	76379925	76379832	8	9	5	1.955081399	0.0892323	VAT1L	ENSG00000171724

16	76485733	76485998	76485865	9	9	0	11.73048839	0.000425898	VAT1L	ENSG00000171724
16	76496668	76497283	76497144	14	34	6	5.865244197	2.06E-07	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76562915	76563347	76563080	11	17	6	3.016411301	0.00381427	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76569930	76570280	76570105	11	16	3	4.985457567	0.000385643	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76578924	76579392	76579213	8	19	7	2.932622098	0.00293566	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76582975	76583557	76583228	136	178	4	41.99514845	1.81E-54	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76584698	76584926	76584812	9	11	3	3.519146518	0.00788869	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76587196	76587749	76587392	98	120	9	14.19389096	1.50E-30	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76594301	76594731	76594552	15	23	6	4.021881735	0.000148535	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76637396	76637677	76637559	14	18	2	7.429309316	2.63E-05	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76642206	76642431	76642366	8	11	5	2.346097679	0.0364013	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76690670	76691275	76691008	24	45	9	5.396024661	9.20E-09	WVOX	ENSG00000186153
16	76696949	76697178	76697063	10	11	3	3.519146518	0.00788869	WVOX	ENSG00000186153
16	76728651	76728936	76728776	8	10	5	2.150589539	0.0575848	WVOX	ENSG00000186153
16	76789426	76789721	76789573	8	8	1	5.278719777	0.00542188	WVOX	ENSG00000186153
16	76899436	76899857	76899576	9	17	1	10.55743955	9.18E-06	WVOX	ENSG00000186153
16	77196608	77196857	77196705	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	WVOX	ENSG00000186153
16	77254999	77255178	77255088	8	8	2	3.519146518	0.017558	WVOX	ENSG00000186153
16	77339731	77340113	77339938	8	15	2	6.256260476	0.000199274	WVOX	ENSG00000186153
16	77457746	77457993	77457918	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222244
16	77629509	77629998	77629672	13	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000222244
16	77638713	77638944	77638841	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000222244
16	77641624	77641919	77641771	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000222244
16	77853032	77853212	77853078	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222244
16	78122181	78122439	78122309	10	12	5	2.541605819	0.0225912	MAF	ENSG00000178573
16	78151657	78151856	78151761	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MAF	ENSG00000178573
16	78192057	78192516	78192372	9	17	2	7.038293036	5.19E-05	MAF	ENSG00000178573
16	78193661	78193874	78193798	8	10	2	4.301179077	0.00512919	MAF	ENSG00000178573
16	78223835	78224014	78223892	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MAF	ENSG00000178573
16	78231230	78231543	78231386	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000221330
16	78361764	78362008	78361918	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000221330
16	78362162	78362420	78362292	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221330
16	78380443	78380711	78380607	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000221330
16	78491473	78491675	78491578	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221330

16	78590154	78590333	78590243	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221330
16	78615426	78615688	78615578	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000221330
16	78618342	78618848	78618613	31	50	5	9.970915134	1.23E-12		ENSG00000221330
16	78890750	78890997	78890896	10	13	8	1.824742639	0.0744168	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79118791	79119034	79118913	11	13	6	2.346097679	0.0266147	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79132020	79132558	79132199	10	23	15	1.759573259	0.0372968	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79205275	79205808	79205529	36	61	14	4.848601869	1.90E-10	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79207187	79207533	79207360	16	21	14	1.720471631	0.0496182	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79211280	79211733	79211491	11	22	10	2.452738482	0.00515848	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79309707	79310369	79310075	25	52	8	6.907954276	3.31E-11	CDYL2	ENSG00000166446
16	79342708	79342964	79342797	13	15	5	3.128130238	0.00492422	CDYL2	ENSG00000166446
16	79394720	79394927	79394844	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CDYL2	ENSG00000166446
16	79396328	79396578	79396485	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CDYL2	ENSG00000166446
16	79429058	79429480	79429228	16	24	7	3.665777623	0.000215502	CDYL2	ENSG00000166446
16	79540278	79540653	79540521	8	14	2	5.865244197	0.000387308	CENPN	ENSG00000166451
16	79598591	79598869	79598730	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CENPN	ENSG00000166451
16	79668203	79668598	79668425	12	20	5	4.105670938	0.000308509	C16orf46	ENSG00000166455
16	79687585	79687800	79687725	9	10	6	1.843362462	0.0964212	GCSH	ENSG00000140905
16	79868747	79869140	79868966	15	21	6	3.686724924	0.000453999	GAN	ENSG00000127688
16	80090690	80091217	80090950	59	87	6	14.74689969	4.65E-23		ENSG00000213288
16	80122618	80122915	80122752	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000213288
16	80214502	80214753	80214670	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000153815
16	80288464	80288788	80288632	8	12	2	5.083211637	0.00143337	PLCG2	ENSG00000197943
16	80329062	80329434	80329178	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	PLCG2	ENSG00000197943
16	80337282	80337582	80337449	15	16	2	6.647276756	0.000101928	PLCG2	ENSG00000197943
16	80402042	80402415	80402221	14	23	2	9.384390715	8.25E-07	PLCG2	ENSG00000197943
16	80481504	80481735	80481633	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000200543
16	80488143	80488365	80488246	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000200543
16	80520261	80520502	80520381	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000200543
16	80729639	80729961	80729800	10	16	10	1.812893661	0.0578656		ENSG00000210850
16	80743665	80744156	80743977	17	29	3	8.797866295	7.21E-08	MPHOSPH6	ENSG00000135698
16	80822633	80822822	80822738	10	10	4	2.580707446	0.0306059	MPHOSPH6	ENSG00000135698
16	80920943	80921331	80921122	11	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000210858
16	80949830	80950012	80949931	9	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000210858

16	80959108	80959392	80959250	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	ENSG00000210858	
16	81717422	81717681	81717547	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000210864	
16	82065069	82065248	82065224	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000222299	
16	82145303	82145577	82145440	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ENSG00000222299	
16	82227964	82228474	82228201	23	38	1	22.87445237	1.58E-12	HSBP1	ENSG00000166530
16	82393295	82393609	82393452	14	19	5	3.910162798	0.000546977	HSBP1	ENSG00000166530
16	82398956	82399270	82399113	12	14	2	5.865244197	0.000387308	HSBP1	ENSG00000166530
16	82438741	82439155	82438920	47	58	8	7.689986836	6.87E-13	HSBP1	ENSG00000166530
16	82469961	82470242	82470101	12	14	5	2.932622098	0.00829617	MLYCD	ENSG00000103150
16	82517853	82518132	82517992	10	13	3	4.105670938	0.00243034	OSGIN1	ENSG00000140961
16	82518146	82518408	82518300	10	12	8	1.694403879	0.107291	OSGIN1	ENSG00000140961
16	82544232	82544487	82544342	18	20	5	4.105670938	0.000308509	OSGIN1	ENSG00000140961
16	82547905	82548129	82548017	8	10	7	1.612942154	0.147335	OSGIN1	ENSG00000140961
16	82605429	82605681	82605555	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000199350
16	82605697	82605934	82605815	9	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000199350
16	82653837	82654140	82653990	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	SLC38A8	ENSG00000166558
16	82675961	82676207	82676084	10	12	2	5.083211637	0.00143337	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82687722	82688002	82687862	11	15	4	3.753756286	0.0020497	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82694729	82695132	82694953	13	23	4	5.630634429	1.63E-05	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82697460	82697728	82697586	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82707864	82708345	82708006	12	22	5	4.496687217	9.59E-05	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82710663	82710944	82710793	8	13	6	2.346097679	0.0266147	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82768234	82768530	82768382	13	13	2	5.474227917	0.000747844	TAF1C	ENSG00000103168
16	82777838	82778451	82778144	9	22	11	2.248343609	0.0090389	TAF1C	ENSG00000103168
16	82868394	82868573	82868454	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000201361
16	82961022	82961235	82961128	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ATP2C2	ENSG00000064270
16	82971174	82971408	82971317	10	12	1	7.624817456	0.000332769	ATP2C2	ENSG00000064270
16	82998867	82999206	82999028	13	18	4	4.457585589	0.000353565	ATP2C2	ENSG00000064270
16	83075779	83075999	83075895	8	9	8	1.303387599	0.281715	KIAA1609	ENSG00000140950
16	83095535	83095753	83095684	12	13	6	2.346097679	0.0266147	KIAA1609	ENSG00000140950
16	83263487	83263748	83263585	9	12	6	2.178519273	0.0416567	KLHL36	ENSG00000135686
16	83321537	83321862	83321685	12	17	5	3.519146518	0.00167472	USP10	ENSG00000103194
16	83323805	83324012	83323874	8	8	1	5.278719777	0.00542188	USP10	ENSG00000103194
16	83324105	83324345	83324254	13	13	2	5.474227917	0.000747844	USP10	ENSG00000103194

16	83329526	83329867	83329696	11	16	7	2.492728784	0.0124193	USP10	ENSG00000103194
16	83345583	83345808	83345731	12	12	4	3.049926982	0.0108184	USP10	ENSG00000103194
16	83397683	83398018	83397850	10	14	2	5.865244197	0.000387308	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83433168	83433396	83433279	10	11	5	2.346097679	0.0364013	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83442373	83442720	83442546	13	19	2	7.820325595	1.32E-05	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83475709	83476044	83475876	12	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000213275
16	83497327	83497520	83497382	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213275
16	83516411	83516651	83516531	11	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000213275
16	83543326	83543505	83543465	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000213275
16	83561691	83562009	83561850	8	12	5	2.541605819	0.0225912	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83585326	83585572	83585449	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83585982	83586217	83586099	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83590282	83590522	83590420	8	10	9	1.290353723	0.279648	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83592096	83592388	83592231	14	18	8	2.476436439	0.00924552	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83602689	83602939	83602848	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83606964	83607244	83607135	10	13	2	5.474227917	0.000747844	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83620676	83620917	83620796	10	11	2	4.692195357	0.00272444	KIAA0513	ENSG00000135709
16	83729843	83730113	83729978	10	12	3	3.812408728	0.004404	FAM92B	ENSG00000153789
16	83735072	83735678	83735289	24	52	8	6.907954276	3.31E-11	FAM92B	ENSG00000153789
16	83738418	83738953	83738597	15	28	8	3.779824038	5.98E-05	FAM92B	ENSG00000153789
16	83742764	83743178	83742882	13	22	5	4.496687217	9.59E-05	FAM92B	ENSG00000153789
16	83743771	83744134	83743955	25	32	1	19.35530585	1.42E-10	FAM92B	ENSG00000153789
16	83763664	83764015	83763839	12	18	4	4.457585589	0.000353565	FAM92B	ENSG00000153789
16	83811589	83811928	83811764	18	23	6	4.021881735	0.000148535	TMEM148	ENSG00000179219
16	83866661	83866939	83866772	8	10	8	1.433726359	0.209175	TMEM148	ENSG00000179219
16	83886431	83886619	83886457	10	11	5	2.346097679	0.0364013	TMEM148	ENSG00000179219
16	83893089	83893268	83893092	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000220991
16	83897283	83897578	83897440	17	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000220991
16	83907593	83907895	83907742	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000220991
16	83921912	83922220	83922069	9	12	13	1.089259637	0.414883		ENSG00000220991
16	83940391	83940688	83940539	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000220991
16	83940740	83941014	83940861	11	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000220991
16	83941882	83942519	83942303	38	57	15	4.252302043	5.01E-09		ENSG00000220991
16	83944847	83945448	83945154	29	47	11	4.692195357	2.58E-08		ENSG00000220991

16	83951720	83951945	83951832	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000220991
16	83956425	83956756	83956590	51	54	5	10.75294769	7.83E-14		ENSG00000220991
16	83975630	83976444	83976174	48	91	6	15.41721332	2.69E-24		ENSG00000220991
16	83984721	83985051	83984886	8	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000220991
16	83986601	83986784	83986630	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000220991
16	84007512	84007898	84007732	9	16	11	1.661819189	0.0853913		ENSG00000220991
16	84012011	84012240	84012125	12	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000220991
16	84028465	84029112	84028644	9	23	15	1.759573259	0.0372968		ENSG00000220991
16	84049999	84050301	84050149	14	17	9	2.111487911	0.0248715		ENSG00000220991
16	84050324	84050658	84050479	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000220991
16	84053066	84053419	84053242	10	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000220991
16	84053453	84053751	84053622	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000220991
16	84057049	84057460	84057222	21	26	10	2.879301697	0.000816629	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84063080	84063310	84063195	14	17	11	1.759573259	0.0609179	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84063316	84063554	84063458	8	9	6	1.675784056	0.141978	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84083097	84083487	84083293	20	29	7	4.398933147	1.30E-05	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84105717	84106428	84105960	12	31	10	3.412505714	6.73E-05	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84111954	84112360	84112131	22	31	16	2.208091933	0.00315316	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84149316	84149660	84149545	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84150425	84150998	84150663	13	29	6	5.027352168	4.43E-06	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84155577	84155911	84155774	8	12	7	1.906204364	0.0695918	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84161501	84161967	84161748	19	31	6	5.36250898	1.31E-06	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84201552	84201981	84201726	17	29	5	5.865244197	1.33E-06	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84202107	84202348	84202231	9	10	7	1.612942154	0.147335	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84202862	84203316	84203137	27	36	3	10.85070176	5.62E-10	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84204174	84204435	84204306	12	14	5	2.932622098	0.00829617	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84236243	84236725	84236540	15	31	8	4.170840318	1.13E-05		ENSG00000222516
16	84279892	84280081	84280024	9	10	1	6.451768616	0.00135978	GINS2	ENSG00000131153
16	84336350	84336533	84336441	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222190
16	84337463	84337660	84337578	9	9	6	1.675784056	0.141978	C16orf74	ENSG00000154102
16	84341367	84341553	84341454	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C16orf74	ENSG00000154102
16	84344267	84344500	84344323	11	14	3	4.398933147	0.00132748	C16orf74	ENSG00000154102
16	84344504	84344822	84344663	9	12	5	2.541605819	0.0225912	C16orf74	ENSG00000154102
16	84350979	84351201	84351090	12	13	1	8.211341875	0.000163445	C16orf74	ENSG00000154102

16	84369041	84369396	84369218	14	19	4	4.692195357	0.000193572	COX4NB	ENSG00000131148
16	84390534	84390948	84390732	8	17	2	7.038293036	5.19E-05	COX4I1	ENSG00000131143
16	84412528	84412886	84412695	13	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000214259
16	84480600	84480779	84480727	8	9	1	5.865244197	0.00272497	IRF8	ENSG00000140968
16	84482527	84483004	84482706	20	30	4	7.272902804	1.76E-07	IRF8	ENSG00000140968
16	84485502	84485867	84485689	11	17	15	1.319679944	0.209239	IRF8	ENSG00000140968
16	84607431	84607830	84607723	12	18	3	5.571981987	0.000108726	IRF8	ENSG00000140968
16	84710311	84710588	84710488	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000199949
16	84716464	84716794	84716629	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000199949
16	84814083	84814309	84814213	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000199949
16	85093331	85093891	85093676	57	76	5	15.05412677	1.47E-20	FOXF1	ENSG00000103241
16	85100585	85100813	85100702	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FOXF1	ENSG00000103241
16	85154857	85155457	85155124	17	36	13	3.100200504	5.51E-05	MTHFSD	ENSG00000103248
16	85216097	85216637	85216384	27	46	7	6.891661931	3.87E-10	FOXL1	ENSG00000176678
16	85267294	85267621	85267459	13	17	1	10.55743955	9.18E-06	FOXL1	ENSG00000176678
16	85384674	85384855	85384763	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FOXL1	ENSG00000176678
16	85397941	85398202	85398072	8	10	5	2.150589539	0.0575848	FOXL1	ENSG00000176678
16	85435872	85436417	85436051	25	37	7	5.571981987	1.11E-07	FOXL1	ENSG00000176678
16	85456861	85457228	85457034	15	21	6	3.686724924	0.000453999	FOXL1	ENSG00000176678
16	85483890	85484154	85484040	8	10	4	2.580707446	0.0306059	FOXL1	ENSG00000176678
16	85492483	85493409	85492912	13	49	14	3.910162798	1.55E-07	FOXL1	ENSG00000176678
16	85629151	85629330	85629240	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210934
16	85706716	85706988	85706852	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210934
16	85794267	85794606	85794436	11	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000210934
16	85824872	85825089	85824971	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210934
16	85831968	85832350	85832095	16	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000210934
16	85858386	85858665	85858557	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000210934
16	85867538	85867905	85867808	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210934
16	85869645	85869959	85869802	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210934
16	85908507	85908804	85908655	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000131152
16	85975004	85975288	85975145	11	13	10	1.49297125	0.157311	FBXO31	ENSG00000103264
16	85979271	85979890	85979493	11	25	7	3.812408728	0.00012465	MAP1LC3B	ENSG00000140941
16	85985570	85985854	85985704	10	13	4	3.28453675	0.00629037	MAP1LC3B	ENSG00000140941
16	86052530	86052942	86052763	8	16	7	2.492728784	0.0124193	ZCCHC14	ENSG00000140948



16	86226631	86226913	86226772	8	10	2	4.301179077	0.00512919	JPH3	ENSG00000154118
16	86297635	86297839	86297737	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000205047
16	86319589	86319775	86319682	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000205047
16	86336336	86336553	86336484	12	13	4	3.28453675	0.00629037	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86356933	86357350	86357154	22	34	3	10.26417734	2.27E-09	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86369017	86369488	86369267	8	17	8	2.346097679	0.0144542	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86370257	86370642	86370436	13	20	5	4.105670938	0.000308509	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86380656	86382083	86381234	37	126	22	6.477269678	2.64E-23	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86397859	86398424	86398246	12	25	13	2.178519273	0.00752428	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86425591	86425985	86425764	13	20	8	2.737113958	0.0036449	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86442975	86443219	86443118	8	10	6	1.843362462	0.0964212	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86444328	86445064	86444755	49	72	17	4.757364737	8.05E-12	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86445397	86445615	86445515	13	15	4	3.753756286	0.0020497	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86462677	86462958	86462851	12	15	10	1.706252857	0.0822346	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86536533	86537212	86536977	24	53	6	9.049233903	8.57E-13	BANP	ENSG00000172530
16	86541895	86542413	86542061	20	31	13	2.68125449	0.000581082	BANP	ENSG00000172530
16	86543588	86543772	86543738	8	10	6	1.843362462	0.0964212	BANP	ENSG00000172530
16	86856039	86856300	86856202	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000205037
16	86976337	86976662	86976499	17	20	4	4.926805125	0.00010522	ZFPM1	ENSG00000179588
16	87031300	87031540	87031420	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ZFPM1	ENSG00000179588
16	87036922	87037283	87037136	8	13	11	1.368556979	0.211388	ZFPM1	ENSG00000179588
16	87048983	87049252	87049117	11	12	2	5.083211637	0.00143337	ZFPM1	ENSG00000179588
16	87104192	87104563	87104427	11	17	3	5.278719777	0.000205462	ZFPM1	ENSG00000179588
16	87152996	87153265	87153105	9	10	5	2.150589539	0.0575848	C16orf85	ENSG00000205036
16	87256840	87257190	87257015	10	16	3	4.985457567	0.000385643	MVD	ENSG00000167508
16	87281992	87282359	87282160	15	19	3	5.865244197	5.72E-05	SNAI3	ENSG00000185669
16	87292083	87292264	87292184	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RNF166	ENSG00000158717
16	87331314	87331590	87331452	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000197539
16	87332996	87333377	87333168	11	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000197539
16	87341829	87342104	87341926	9	12	11	1.270802909	0.274822		ENSG00000182376
16	87358945	87359154	87359049	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000182376
16	87364700	87365238	87365063	20	32	6	5.530087385	7.11E-07		ENSG00000182376
16	87403137	87403335	87403261	8	9	5	1.955081399	0.0892323	APRT	ENSG00000198931
16	87450923	87451332	87451102	9	17	3	5.278719777	0.000205462	TRAPPC2L	ENSG00000167515

16	87451635	87451914	87451780	9	13	10	1.49297125	0.157311	TRAPPC2L	ENSG00000167515
16	87501704	87501913	87501830	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000205018
16	87519014	87519479	87519193	9	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000205018
16	87519491	87519782	87519628	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000205018
16	87520819	87521188	87520949	12	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000205018
16	87522334	87522635	87522475	12	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000205018
16	87603887	87604068	87603977	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CBFA2T3	ENSG00000129993
16	87631547	87631797	87631685	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ACSF3	ENSG00000176715
16	87646728	87646910	87646819	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ACSF3	ENSG00000176715
16	87678593	87678828	87678722	8	9	4	2.346097679	0.050148	ACSF3	ENSG00000176715
16	87699598	87699877	87699743	13	15	2	6.256260476	0.000199274	ACSF3	ENSG00000176715
16	87716184	87716732	87716362	27	43	5	8.602358155	1.42E-10	ACSF3	ENSG00000176715
16	87744051	87744380	87744218	20	23	2	9.384390715	8.25E-07	C16orf81	ENSG00000180422
16	87747876	87748235	87748055	13	19	4	4.692195357	0.000193572	C16orf81	ENSG00000180422
16	87761388	87761748	87761595	11	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000205015
16	87810452	87810725	87810620	12	15	10	1.706252857	0.0822346	ZNF778	ENSG00000170100
16	87811219	87811398	87811308	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ZNF778	ENSG00000170100
16	87834723	87835269	87835090	8	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000205014
16	87883478	87883668	87883573	8	8	8	1.173048839	0.36929	ANKRD11	ENSG00000167522
16	87912747	87913005	87912898	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ANKRD11	ENSG00000167522
16	87913122	87913392	87913226	11	13	6	2.346097679	0.0266147	ANKRD11	ENSG00000167522
16	87913930	87914144	87913988	9	11	9	1.407658607	0.210479	ANKRD11	ENSG00000167522
16	87914261	87914610	87914370	12	17	8	2.346097679	0.0144542	ANKRD11	ENSG00000167522
16	87964073	87964443	87964264	9	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000210946
16	87976992	87977177	87977084	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210946
16	87989092	87989357	87989225	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000210946
16	87998414	87998754	87998581	14	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000210946
16	88004808	88004996	88004880	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210946
16	88035841	88036591	88036136	66	95	7	14.07658607	1.23E-24	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88037295	88037696	88037495	10	18	5	3.714654658	0.000961539	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88052327	88053003	88052581	178	236	2	92.67085831	1.09E-76	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88053017	88053280	88053148	9	13	6	2.346097679	0.0266147	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88084770	88084950	88084848	8	8	6	1.508205651	0.203852	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88154254	88154757	88154582	17	28	5	5.669736057	2.48E-06	RPL13	ENSG00000167526

16	88159563	88159876	88159700	16	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000200084
16	88193345	88193581	88193483	10	10	6	1.843362462	0.0964212	DPEP1	ENSG00000015413
16	88194390	88194608	88194513	13	14	5	2.932622098	0.00829617	DPEP1	ENSG00000015413
16	88226935	88227196	88227065	13	13	2	5.474227917	0.000747844	DPEP1	ENSG00000015413
16	88293980	88294481	88294323	12	23	9	2.815317214	0.00172056	SPATA2L	ENSG00000158792
16	88296083	88296303	88296136	8	9	8	1.303387599	0.281715	SPATA2L	ENSG00000158792
16	88299898	88300199	88300052	21	23	1	14.07658607	1.14E-07	SPATA2L	ENSG00000158792
16	88306141	88306320	88306230	8	8	5	1.759573259	0.13508	C16orf7	ENSG00000075399
16	88316160	88316396	88316261	8	9	8	1.303387599	0.281715	ZNF276	ENSG00000158805
16	88427686	88427980	88427827	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	SPIRE2	ENSG00000204991
16	88436603	88436992	88436758	8	13	7	2.052835469	0.046392	SPIRE2	ENSG00000204991
16	88466926	88467139	88467034	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TCF25	ENSG00000141002
16	88467528	88467892	88467632	9	14	3	4.398933147	0.00132748	TCF25	ENSG00000141002
16	88468011	88468248	88468162	8	11	1	7.038293036	0.000674435	TCF25	ENSG00000141002
16	88511770	88512014	88511924	10	13	6	2.346097679	0.0266147	MC1R	ENSG00000198211
16	88512206	88512489	88512347	9	12	1	7.624817456	0.000332769	MC1R	ENSG00000198211
16	88512632	88512870	88512757	8	9	7	1.466311049	0.20706	MC1R	ENSG00000198211
16	88520315	88520660	88520483	8	12	1	7.624817456	0.000332769	MC1R	ENSG00000198211
16	88616300	88616553	88616403	10	12	5	2.541605819	0.0225912	GAS8	ENSG00000141013
16	88617207	88617386	88617234	8	8	8	1.173048839	0.36929	GAS8	ENSG00000141013
16	88671223	88671658	88671500	11	19	9	2.346097679	0.0107159	PRDM7	ENSG00000126856
16	88675833	88676215	88676036	19	27	6	4.692195357	1.46E-05	PRDM7	ENSG00000126856
17	729627	729926	729771	9	13	5	2.737113958	0.0137917	NXN	ENSG00000167693
17	846793	847085	846956	9	12	3	3.812408728	0.004404	TIMM22	ENSG00000177370
17	851606	851907	851773	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TIMM22	ENSG00000177370
17	937683	937966	937824	11	14	10	1.599612054	0.114822	ABR	ENSG00000159842
17	973154	973382	973278	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ABR	ENSG00000159842
17	1037310	1037541	1037416	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	ABR	ENSG00000159842
17	1053769	1053978	1053873	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ABR	ENSG00000159842
17	1215579	1215789	1215641	9	10	5	2.150589539	0.0575848	YWHAE	ENSG00000108953
17	1250155	1250418	1250250	11	14	3	4.398933147	0.00132748	YWHAE	ENSG00000108953
17	1478907	1479132	1479031	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC43A2	ENSG00000167703
17	1563822	1564170	1563996	9	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000199060
17	1567304	1567671	1567483	14	21	5	4.301179077	0.000172642	WDR81	ENSG00000167716

17	1620133	1620559	1620383	16	23	3	7.038293036	4.15E-06	SERPINF1	ENSG00000132386
17	1847362	1847751	1847572	56	68	2	26.9801233	4.10E-21	DPH1	ENSG00000108963
17	1861487	1862126	1861723	17	36	11	3.616900588	1.14E-05	DPH1	ENSG00000108963
17	1875362	1875616	1875488	10	12	1	7.624817456	0.000332769	DPH1	ENSG00000108963
17	1876105	1876331	1876190	10	11	2	4.692195357	0.00272444	DPH1	ENSG00000108963
17	1880706	1880987	1880846	10	13	2	5.474227917	0.000747844	DPH1	ENSG00000108963
17	2094800	2095033	2094911	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	SMG6	ENSG00000070366
17	2196508	2196786	2196647	9	13	4	3.28453675	0.00629037	SGSM2	ENSG00000141258
17	2211463	2211645	2211565	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SGSM2	ENSG00000141258
17	2224907	2225136	2225021	9	10	11	1.075294769	0.434143	SGSM2	ENSG00000141258
17	2251004	2251223	2251090	11	11	1	7.038293036	0.000674435	MNT	ENSG00000070444
17	2251560	2251826	2251705	15	17	11	1.759573259	0.0609179	MNT	ENSG00000070444
17	2266199	2266398	2266298	12	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000205821
17	2561873	2562136	2562004	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KIAA0664	ENSG00000132361
17	2636389	2636604	2636488	11	12	2	5.083211637	0.00143337	GARNL4	ENSG00000132359
17	2775983	2776457	2776219	27	36	0	43.40280705	3.38E-13		ENSG00000203592
17	2810297	2810477	2810387	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000203592
17	2825480	2825723	2825594	14	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000203592
17	2854322	2854598	2854460	14	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000203592
17	3809462	3809656	3809598	10	10	2	4.301179077	0.00512919	ATP2A3	ENSG00000074370
17	3924949	3925225	3925087	14	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000209497
17	4011110	4012032	4011746	18	43	6	7.373449847	6.53E-10	CYB5D2	ENSG00000167740
17	4037196	4037486	4037341	13	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000207390
17	4069271	4069670	4069461	45	55	1	32.8453675	4.16E-18		ENSG00000207390
17	4080274	4080482	4080341	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ANKFY1	ENSG00000185722
17	4247077	4247260	4247168	8	8	2	3.519146518	0.017558	UBE2G1	ENSG00000132388
17	4365695	4366032	4365865	13	17	1	10.55743955	9.18E-06	SPNS2	ENSG00000183018
17	4410563	4410902	4410732	15	19	1	11.73048839	2.14E-06	GGT6	ENSG00000167741
17	4429754	4430030	4429896	16	17	2	7.038293036	5.19E-05	SMTNL2	ENSG00000188176
17	4581577	4581923	4581750	8	14	7	2.199466574	0.0303778	MED11	ENSG00000161920
17	4646117	4646452	4646284	12	18	3	5.571981987	0.000108726	PSMB6	ENSG00000142507
17	4683294	4683508	4683400	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000216765
17	4703811	4704160	4703958	19	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000216765
17	4708407	4708617	4708516	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000216765

17	4733164	4733467	4733311	8	11	4	2.815317214	0.0183428	MINK1	ENSG00000141503
17	4753153	4753485	4753319	8	12	8	1.694403879	0.107291	CHRNE	ENSG00000108556
17	4810533	4810936	4810705	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SPAG7	ENSG00000091640
17	4811770	4812100	4811873	8	13	5	2.737113958	0.0137917	SPAG7	ENSG00000091640
17	4879334	4879518	4879426	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GPR172B	ENSG00000132517
17	5099296	5099566	5099442	9	10	5	2.150589539	0.0575848	C17orf87	ENSG00000161929
17	5104774	5105003	5104890	9	10	1	6.451768616	0.00135978	RABEP1	ENSG00000029725
17	5144505	5144684	5144594	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RABEP1	ENSG00000029725
17	5313030	5313219	5313124	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DHX33	ENSG00000005100
17	5672100	5672386	5672243	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	WSCD1	ENSG00000179314
17	5681103	5681306	5681204	8	8	3	2.639359888	0.0415794	WSCD1	ENSG00000179314
17	5912985	5913165	5913127	8	8	4	2.111487911	0.0804809	WSCD1	ENSG00000179314
17	6037024	6037380	6037199	14	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000206618
17	6221241	6221448	6221325	8	9	5	1.955081399	0.0892323	AIPL1	ENSG00000129221
17	6411630	6411935	6411782	12	16	4	3.988366054	0.00115141	PITPNM3	ENSG00000091622
17	6484806	6485218	6485039	9	19	8	2.606775198	0.00583935	KIAA0753	ENSG00000198920
17	6495473	6495709	6495578	11	11	3	3.519146518	0.00788869	MED31	ENSG00000108590
17	6499183	6499475	6499325	9	13	2	5.474227917	0.000747844	C17orf100	ENSG00000212734
17	6856224	6856492	6856328	8	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000215067
17	6858523	6858843	6858683	11	15	4	3.753756286	0.0020497	C17orf49	ENSG00000161939
17	6863936	6864168	6864052	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207791
17	6879524	6879778	6879651	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SLC16A13	ENSG00000174327
17	6890253	6890530	6890424	8	11	2	4.692195357	0.00272444	SLC16A11	ENSG00000174326
17	7078620	7078799	7078751	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DVL2	ENSG00000004975
17	7083629	7084030	7083874	8	16	6	2.848832895	0.00632407	PHF23	ENSG00000040633
17	7096281	7096478	7096431	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C17orf81	ENSG00000170291
17	7106250	7106567	7106408	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CLDN7	ENSG00000181885
17	7127206	7127437	7127320	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC2A4	ENSG00000181856
17	7150870	7151117	7151021	8	9	4	2.346097679	0.050148	EIF5A11	ENSG00000132507
17	7173443	7173824	7173633	13	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000215041
17	7196092	7196331	7196257	10	13	1	8.211341875	0.000163445	KCTD11	ENSG00000213859
17	7196398	7196606	7196469	8	9	0	11.73048839	0.000425898	KCTD11	ENSG00000213859
17	7198389	7198584	7198484	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TMEM95	ENSG00000182896
17	7328260	7328945	7328556	11	33	15	2.492728784	0.000807271	POLR2A	ENSG00000181222

17	7402043	7402559	7402216	14	23	6	4.021881735	0.000148535	TNFSF12	ENSG00000161955
17	7405299	7405507	7405451	8	9	6	1.675784056	0.141978	SENP3	ENSG00000161956
17	7416378	7416573	7416478	8	10	11	1.075294769	0.434143	EIF4A1	ENSG00000161960
17	7427574	7427915	7427744	10	15	4	3.753756286	0.0020497	MPDU1	ENSG00000129255
17	7427917	7428165	7428080	11	13	2	5.474227917	0.000747844	MPDU1	ENSG00000129255
17	7529938	7530142	7530085	9	10	4	2.580707446	0.0306059	TP53	ENSG00000141510
17	7561165	7561584	7561307	12	20	3	6.158506406	2.99E-05	DNAH2	ENSG00000183914
17	7680822	7681171	7680996	9	14	10	1.599612054	0.114822	JMJD3	ENSG00000132510
17	7700987	7701189	7701088	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	LSMD1	ENSG00000183011
17	7711841	7712064	7711952	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000205498
17	7731347	7732049	7731873	10	25	11	2.541605819	0.00248721	CHD3	ENSG00000170004
17	7732365	7732571	7732468	10	10	6	1.843362462	0.0964212	CHD3	ENSG00000170004
17	7733267	7733531	7733399	10	13	6	2.346097679	0.0266147	CHD3	ENSG00000170004
17	7759473	7759725	7759592	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000179859
17	7900494	7900818	7900598	8	12	2	5.083211637	0.00143337	ALOX15B	ENSG00000179593
17	7964086	7964505	7964346	9	14	6	2.513676084	0.016726	ALOXE3	ENSG00000179148
17	7982662	7983065	7982908	19	26	7	3.959039833	7.16E-05	PER1	ENSG00000179094
17	7983335	7983591	7983464	8	11	2	4.692195357	0.00272444	PER1	ENSG00000179094
17	8017223	8017791	8017465	14	31	16	2.208091933	0.00315316		ENSG00000200463
17	8030316	8030541	8030377	12	13	6	2.346097679	0.0266147	C17orf59	ENSG00000196544
17	8030890	8031194	8031026	9	12	11	1.270802909	0.274822	C17orf59	ENSG00000196544
17	8031673	8031965	8031842	15	18	9	2.228792795	0.0164363	C17orf59	ENSG00000196544
17	8065511	8065720	8065615	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C17orf44	ENSG00000178977
17	8066204	8066444	8066299	13	14	8	1.955081399	0.0506438	C17orf44	ENSG00000178977
17	8070339	8070539	8070439	8	9	12	0.902345261	0.602772	C17orf44	ENSG00000178977
17	8070976	8071304	8071135	8	12	10	1.386330446	0.21117	C17orf44	ENSG00000178977
17	8081208	8081583	8081422	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	C17orf68	ENSG00000178971
17	8144775	8145033	8144867	11	13	3	4.105670938	0.00243034	SLC25A35	ENSG00000125434
17	8227122	8227530	8227301	11	18	5	3.714654658	0.000961539	RPL26	ENSG00000161970
17	8254473	8254679	8254576	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000189051
17	8279555	8279846	8279700	8	12	2	5.083211637	0.00143337	NDEL1	ENSG00000166579
17	8425359	8425673	8425514	15	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000223093
17	8449117	8449346	8449231	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	MYH10	ENSG00000133026
17	8664924	8665103	8665073	9	9	2	3.910162798	0.00955088	MFSD6L	ENSG00000185156

17	8977218	8977419	8977322	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000216007
17	9040476	9040784	9040639	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000216007
17	9488479	9488844	9488787	13	19	4	4.692195357	0.000193572	USP43	ENSG00000154914
17	9963829	9964128	9963990	14	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000221486
17	10049612	10050053	10049784	42	54	0	64.51768616	2.89E-19	GAS7	ENSG00000007237
17	10054298	10054586	10054469	10	13	5	2.737113958	0.0137917	GAS7	ENSG00000007237
17	10141137	10141542	10141337	34	43	0	51.61414893	1.48E-15	MYH13	ENSG00000006788
17	10195713	10196044	10195878	11	15	0	18.76878143	4.04E-06	MYH13	ENSG00000006788
17	10541404	10541746	10541575	8	12	1	7.624817456	0.000332769	SCO1	ENSG00000133028
17	10581255	10581496	10581347	8	9	4	2.346097679	0.050148	TMEM220	ENSG00000187824
17	10659540	10659775	10659681	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000205351
17	12746798	12746994	12746896	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000006740
17	12868515	12868694	12868632	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ELAC2	ENSG00000006744
17	13019238	13019521	13019373	12	13	1	8.211341875	0.000163445	ELAC2	ENSG00000006744
17	14050066	14050354	14050224	14	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000217974
17	14463869	14464186	14464013	28	31	0	37.53756286	1.64E-11		ENSG00000217265
17	14657830	14658036	14657933	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000205325
17	15807757	15808218	15807998	50	64	3	19.06204364	1.01E-18	ADORA2B	ENSG00000170425
17	16015715	16015950	16015832	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222695
17	16061045	16061363	16061204	11	17	5	3.519146518	0.00167472	PIGL	ENSG00000108474
17	16224873	16225180	16225026	10	14	3	4.398933147	0.00132748	UBB	ENSG00000170315
17	16282950	16283281	16283118	8	12	7	1.906204364	0.0695918	C17orf45	ENSG00000175061
17	16360685	16360911	16360799	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C17orf76	ENSG00000181350
17	16380823	16381060	16380911	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ZNF287	ENSG00000141040
17	16428344	16428732	16428472	14	20	6	3.519146518	0.000784044	ZNF287	ENSG00000141040
17	16433325	16433635	16433480	10	12	3	3.812408728	0.004404	ZNF287	ENSG00000141040
17	16862715	16863023	16862869	22	25	2	10.16642327	2.02E-07	MPRIP	ENSG00000133030
17	16864158	16864488	16864323	20	25	0	30.49926982	1.72E-09	MPRIP	ENSG00000133030
17	16922481	16922843	16922660	9	13	8	1.824742639	0.0744168	MPRIP	ENSG00000133030
17	17030143	17030351	17030240	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209051
17	17033627	17033995	17033806	47	56	1	33.43189192	1.95E-18		ENSG00000209051
17	17140474	17140680	17140577	10	10	2	4.301179077	0.00512919	NT5M	ENSG00000205309
17	17200135	17200499	17200320	9	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000220296
17	17435503	17435938	17435831	10	18	3	5.571981987	0.000108726	PEMT	ENSG00000133027

17	17521422	17521658	17521584	10	12	1	7.624817456	0.000332769	RAI1	ENSG00000108557
17	17555031	17555256	17555108	8	9	3	2.932622098	0.0242899	RAI1	ENSG00000108557
17	17683930	17684145	17684011	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SREBF1	ENSG00000072310
17	17757938	17758248	17758093	12	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000212937
17	17931793	17932027	17931910	11	11	6	2.010940867	0.0640214	DRG2	ENSG00000108591
17	18038914	18039112	18039013	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ALKBH5	ENSG00000091542
17	18218330	18218554	18218479	9	10	0	12.90353723	0.000195991	EVPLL	ENSG00000214860
17	19091932	19092348	19092225	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	EPN2	ENSG00000072134
17	19231892	19232262	19232107	15	20	1	12.31701281	1.03E-06	MFAP4	ENSG00000166482
17	19351970	19352243	19352079	8	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000220507
17	19596953	19597456	19597220	82	108	4	25.5724647	1.03E-31		ENSG00000219014
17	19597782	19598084	19597937	19	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000219014
17	19666970	19667211	19667086	11	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000217843
17	19711019	19711207	19711113	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ULK2	ENSG00000083290
17	19802106	19802402	19802256	9	11	3	3.519146518	0.00788869	AKAP10	ENSG00000108599
17	19830727	19831117	19830904	27	35	0	42.22975822	7.34E-13	AKAP10	ENSG00000108599
17	19852948	19853281	19853115	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	SPECC1	ENSG00000128487
17	19939308	19939541	19939420	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SPECC1	ENSG00000128487
17	20067736	20067993	20067864	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	SPECC1	ENSG00000128487
17	20752674	20753049	20752853	8	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000205212
17	20836792	20837125	20836961	14	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000218004
17	21240081	21240591	21240361	25	43	6	7.373449847	6.53E-10	KCNJ12	ENSG00000184185
17	21254924	21255189	21255071	9	10	2	4.301179077	0.00512919	KCNJ12	ENSG00000184185
17	21301017	21301302	21301153	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000214799
17	21944679	21945026	21944852	53	53	85	0.73656555	0.96314		ENSG00000209244
17	22289152	22289414	22289252	13	15	11	1.564065119	0.11768		ENSG00000210006
17	22592821	22593062	22592941	10	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000213664
17	22598675	22598859	22598741	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000213664
17	22682269	22682832	22682527	66	95	0	112.6126886	4.38E-33	WSB1	ENSG00000109046
17	22683678	22683918	22683839	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	WSB1	ENSG00000109046
17	22683946	22684246	22684096	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	WSB1	ENSG00000109046
17	23005862	23006064	23005963	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000168937
17	23224911	23225415	23225086	14	22	8	2.997791478	0.00137524		ENSG00000205191
17	23602550	23603061	23602811	13	27	7	4.105670938	4.08E-05		ENSG00000203479



17	23633732	23634157	23633983	28	39	1	23.46097679	7.43E-13		ENSG00000203478
17	23686482	23686865	23686661	11	19	6	3.351568112	0.00134187	IFT20	ENSG00000109083
17	23759218	23759402	23759318	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SLC46A1	ENSG00000076351
17	23774591	23774818	23774768	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000203468
17	23849115	23849337	23849226	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000203466
17	23849543	23849734	23849620	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000203466
17	23879042	23879344	23879199	10	13	2	5.474227917	0.000747844	FOXN1	ENSG00000109101
17	23887988	23888246	23888117	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000205180
17	23899349	23899530	23899419	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UNC119	ENSG00000109103
17	23985580	23985872	23985726	15	18	7	2.785990993	0.00480525	KIAA0100	ENSG00000007202
17	24078111	24078416	24078263	11	15	5	3.128130238	0.00492422	TLCD1	ENSG00000160606
17	24080031	24080407	24080268	9	14	7	2.199466574	0.0303778	NEK8	ENSG00000160602
17	24094086	24095083	24094340	157	226	4	53.2564173	3.05E-70	TRAF4	ENSG00000076604
17	24097531	24097747	24097581	8	11	2	4.692195357	0.00272444	TRAF4	ENSG00000076604
17	24097993	24098239	24098117	10	12	6	2.178519273	0.0416567	TRAF4	ENSG00000076604
17	24101283	24101561	24101422	13	16	7	2.492728784	0.0124193	TRAF4	ENSG00000076604
17	24303550	24303877	24303714	10	14	15	1.099733287	0.398076	PHF12	ENSG00000109118
17	24347369	24347673	24347498	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SEZ6	ENSG00000063015
17	24741288	24741657	24741478	8	15	10	1.706252857	0.0822346	TAOK1	ENSG00000160551
17	24931550	24931793	24931680	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TP53I13	ENSG00000167543
17	24938237	24938515	24938376	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	GIT1	ENSG00000108262
17	24942918	24943191	24943054	13	15	3	4.692195357	0.000718455	ANKRD13B	ENSG00000198720
17	24969158	24969337	24969247	8	8	2	3.519146518	0.017558	CORO6	ENSG00000167549
17	25095965	25096189	25096077	12	12	6	2.178519273	0.0416567	SSH2	ENSG00000141298
17	25355117	25355519	25355326	33	44	3	13.19679944	1.95E-12		ENSG00000207011
17	25391786	25392199	25392063	13	19	0	23.46097679	1.81E-07		ENSG00000207011
17	25578091	25578296	25578139	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SLC6A4	ENSG00000108576
17	25588063	25588257	25588160	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC6A4	ENSG00000108576
17	25823631	25824002	25823824	22	28	1	17.00920817	2.80E-09	GOSR1	ENSG00000108587
17	25828374	25828634	25828504	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	GOSR1	ENSG00000108587
17	26257316	26257555	26257442	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	C17orf42	ENSG00000172171
17	26423341	26423719	26423503	37	44	2	17.59573259	2.22E-13	NF1	ENSG00000196712
17	26625354	26625701	26625527	25	29	2	11.73048839	1.18E-08		ENSG00000210267
17	26901057	26901405	26901231	15	20	12	1.894925048	0.0317253		ENSG00000207614

17	26917777	26918016	26917896	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221038
17	27252645	27252834	27252750	8	8	5	1.759573259	0.13508	UTP6	ENSG00000108651
17	27508333	27508613	27508496	10	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000214708
17	27693225	27693433	27693317	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	C17orf75	ENSG00000108666
17	28173588	28174143	28173968	32	43	20	2.457816616	0.000201157		ENSG00000201178
17	28934528	28935002	28934823	33	41	2	16.42268375	2.00E-12	ACCN1	ENSG00000108684
17	29130348	29130597	29130478	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221699
17	29551138	29551380	29551215	8	9	8	1.303387599	0.281715	ACCN1	ENSG00000108684
17	29557761	29558147	29557954	25	34	1	20.52835469	3.17E-11	CCL2	ENSG00000108691
17	29752394	29752705	29752549	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000210356
17	29961303	29961541	29961445	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TMEM132E	ENSG00000181291
17	30268585	30268811	30268698	10	11	5	2.346097679	0.0364013	CCT6B	ENSG00000132141
17	30350856	30351059	30350957	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	LIG3	ENSG00000005156
17	30502096	30502616	30502273	106	163	101	1.886078526	1.52E-07	UNC45B	ENSG00000141161
17	30510800	30511072	30510903	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	UNC45B	ENSG00000141161
17	30608482	30608730	30608594	10	11	2	4.692195357	0.00272444	SLFN5	ENSG00000166750
17	30724022	30724278	30724134	10	13	3	4.105670938	0.00243034	SLFN11	ENSG00000172716
17	30929644	30929841	30929691	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PEX12	ENSG00000108733
17	31381564	31381902	31381724	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	CCL23	ENSG00000167236
17	32161655	32161904	32161833	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000223276
17	32162395	32162591	32162493	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000223276
17	32470611	32470941	32470771	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	AATF	ENSG00000108270
17	32608261	32608577	32608433	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	ACACA	ENSG00000132142
17	32925394	32925742	32925568	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	DUSP14	ENSG00000161326
17	33135670	33135941	33135804	11	11	1	7.038293036	0.000674435	HNF1B	ENSG00000108753
17	33151327	33151551	33151395	9	10	2	4.301179077	0.00512919	HNF1B	ENSG00000108753
17	33761020	33761204	33761108	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SOCS7	ENSG00000174111
17	33919249	33919440	33919296	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ARHGAP23	ENSG00000167433
17	33968093	33968283	33968161	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000017373
17	34008386	34008625	34008521	13	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000017373
17	34113516	34113915	34113782	14	21	2	8.602358155	3.33E-06	MLLT6	ENSG00000108292
17	34159437	34159823	34159647	14	19	2	7.820325595	1.32E-05	PCGF2	ENSG00000056661
17	34162181	34162564	34162385	12	19	6	3.351568112	0.00134187	PSMB3	ENSG00000108294
17	34263297	34263830	34263563	9	20	10	2.239456875	0.0121685	RPL23	ENSG00000125691

17	34456204	34457056	34456663	208	264	5	51.80965707	2.55E-81	ENSG00000214553
17	34502139	34502379	34502272	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000222494
17	34562698	34562901	34562767	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PLXDC1 ENSG00000161381
17	34562944	34563123	34563033	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PLXDC1 ENSG00000161381
17	34563951	34564385	34564119	10	17	7	2.639359888	0.00777415	PLXDC1 ENSG00000161381
17	34576343	34576552	34576403	11	11	1	7.038293036	0.000674435	ARL5C ENSG00000141748
17	34609740	34609955	34609850	8	10	5	2.150589539	0.0575848	RPL19 ENSG00000108298
17	34860941	34861242	34861085	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	MED1 ENSG00000125686
17	35031863	35032089	35032021	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ENSG00000214546
17	35115598	35115881	35115739	12	15	4	3.753756286	0.0020497	ERBB2 ENSG00000141736
17	35147611	35147969	35147790	11	14	5	2.932622098	0.00829617	GRB7 ENSG00000141738
17	35159773	35160329	35159988	54	80	3	23.754239	7.70E-24	GRB7 ENSG00000141738
17	35179711	35180036	35179835	14	19	3	5.865244197	5.72E-05	GRB7 ENSG00000141738
17	35282608	35282879	35282743	13	14	7	2.199466574	0.0303778	ZBP2 ENSG00000186075
17	35390258	35390650	35390473	12	20	6	3.519146518	0.000784044	PSMD3 ENSG00000108344
17	35604121	35604435	35604266	18	20	0	24.63402563	8.35E-08	RAPGEFL1 ENSG00000108352
17	35716791	35717192	35716970	10	17	2	7.038293036	5.19E-05	RARA ENSG00000131759
17	35724029	35724721	35724190	20	44	1	26.39359888	1.72E-14	RARA ENSG00000131759
17	35726363	35726644	35726541	9	13	3	4.105670938	0.00243034	RARA ENSG00000131759
17	35732112	35732379	35732245	10	12	4	3.049926982	0.0108184	RARA ENSG00000131759
17	35768353	35768560	35768408	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GJD3 ENSG00000183153
17	35827757	35828036	35827896	9	13	4	3.28453675	0.00629037	TOP2A ENSG00000131747
17	35850882	35851069	35850947	9	10	1	6.451768616	0.00135978	IGFBP4 ENSG00000141753
17	35858525	35858726	35858631	8	8	5	1.759573259	0.13508	IGFBP4 ENSG00000141753
17	35881123	35881529	35881283	9	16	1	9.970915134	1.89E-05	TNS4 ENSG00000131746
17	35947786	35948288	35947965	25	40	1	24.04750121	3.50E-13	CCR7 ENSG00000126353
17	35957278	35957658	35957436	42	50	2	19.94183027	2.68E-15	CCR7 ENSG00000126353
17	35970066	35970322	35970194	17	18	2	7.429309316	2.63E-05	CCR7 ENSG00000126353
17	35992061	35992445	35992254	54	63	2	25.02504191	1.72E-19	CCR7 ENSG00000126353
17	36028747	36029025	36028886	10	13	2	5.474227917	0.000747844	ENSG00000180193
17	36095948	36096300	36096124	12	17	3	5.278719777	0.000205462	ENSG00000220264
17	36104476	36104677	36104569	11	12	6	2.178519273	0.0416567	ENSG00000220264
17	36213339	36213598	36213460	9	10	1	6.451768616	0.00135978	KRT28 ENSG00000173908
17	36313385	36313600	36313513	8	9	4	2.346097679	0.050148	KRT20 ENSG00000171431

17	36319139	36319347	36319204	8	10	1	6.451768616	0.00135978	KRT20	ENSG00000171431
17	36320083	36320543	36320364	13	20	9	2.463402563	0.00689886	KRT20	ENSG00000171431
17	36367897	36368146	36368021	8	10	6	1.843362462	0.0964212	KRT39	ENSG00000196859
17	36419245	36419425	36419328	9	9	4	2.346097679	0.050148	KRTAP3-1	ENSG00000213418
17	36758059	36758365	36758194	8	11	1	7.038293036	0.000674435	KRT33A	ENSG00000006059
17	36929294	36929951	36929459	21	37	8	4.952872877	3.52E-07	KRT15	ENSG00000171346
17	36931081	36931274	36931177	8	9	4	2.346097679	0.050148	KRT15	ENSG00000171346
17	36935005	36935252	36935091	8	11	1	7.038293036	0.000674435	KRT15	ENSG00000171346
17	36937910	36938206	36938058	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	KRT19	ENSG00000171345
17	36939446	36939652	36939549	11	11	2	4.692195357	0.00272444	KRT19	ENSG00000171345
17	36945705	36946113	36945955	27	35	3	10.55743955	1.13E-09	KRT19	ENSG00000171345
17	36946949	36947186	36947051	8	9	1	5.865244197	0.00272497	KRT19	ENSG00000171345
17	36949072	36949286	36949173	11	12	5	2.541605819	0.0225912	KRT19	ENSG00000171345
17	36958293	36958615	36958454	10	15	5	3.128130238	0.00492422	KRT19	ENSG00000171345
17	36958716	36958978	36958847	13	15	5	3.128130238	0.00492422	KRT19	ENSG00000171345
17	36959025	36959269	36959135	9	10	2	4.301179077	0.00512919	KRT19	ENSG00000171345
17	37058519	37058768	37058655	9	12	3	3.812408728	0.004404	KRT42P	ENSG00000214514
17	37075593	37075959	37075772	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	EIF1	ENSG00000173812
17	37147731	37148093	37147910	9	16	12	1.533986944	0.120062	HAP1	ENSG00000173805
17	37182061	37182341	37182201	18	21	4	5.161414893	5.68E-05	JUP	ENSG00000173801
17	37187302	37187693	37187481	16	23	13	2.010940867	0.0163115	JUP	ENSG00000173801
17	37194087	37194310	37194198	9	12	2	5.083211637	0.00143337	JUP	ENSG00000173801
17	37195759	37195997	37195898	8	9	1	5.865244197	0.00272497	JUP	ENSG00000173801
17	37196807	37197059	37196933	8	10	7	1.612942154	0.147335	JUP	ENSG00000173801
17	37205815	37206127	37205966	11	13	6	2.346097679	0.0266147	JUP	ENSG00000173801
17	37430526	37430715	37430620	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ZNF385C	ENSG00000187595
17	37456998	37457387	37457177	12	20	1	12.31701281	1.03E-06	ZNF385C	ENSG00000187595
17	37599902	37600125	37599965	10	11	3	3.519146518	0.00788869	GHDC	ENSG00000167925
17	37728356	37728624	37728521	15	16	4	3.988366054	0.00115141	STAT5A	ENSG00000126561
17	37794122	37794505	37794341	18	25	6	4.357038546	4.72E-05	STAT3	ENSG00000168610
17	37953775	37953964	37953857	8	9	0	11.73048839	0.000425898	HSD17B1	ENSG00000108786
17	37968019	37968210	37968114	8	8	3	2.639359888	0.0415794	COASY	ENSG00000068120
17	37983979	37984196	37984109	10	11	2	4.692195357	0.00272444	PSMC3IP	ENSG00000131470
17	38081464	38081711	38081576	10	10	1	6.451768616	0.00135978	PLEKHH3	ENSG00000068137

17	38178688	38179095	38178833	11	18	8	2.476436439	0.00924552	VPS25	ENSG00000131475
17	38225576	38225819	38225687	9	9	3	2.932622098	0.0242899	BECN1	ENSG00000126581
17	38403652	38404047	38403818	19	26	5	5.278719777	8.57E-06	RPL27	ENSG00000131469
17	38575874	38576101	38575996	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000188554
17	38577041	38577220	38577113	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000188554
17	38719132	38719313	38719222	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38737126	38737838	38737600	27	66	43	1.78623346	0.00119904	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38742668	38743066	38742847	15	21	7	3.225884308	0.00106152	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38748694	38749060	38748873	11	18	27	0.795997427	0.784443	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38755559	38756716	38756037	19	68	91	0.879786629	0.791814	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38793682	38794363	38794054	23	44	17	2.932622098	2.03E-05		ENSG00000210609
17	38800659	38801142	38800886	14	28	11	2.834868028	0.000626961		ENSG00000210609
17	38821214	38822063	38821715	20	47	28	1.941598079	0.00196509		ENSG00000204733
17	38827032	38827243	38827135	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000210627
17	38916489	38916979	38916811	9	17	7	2.639359888	0.00777415	DHX8	ENSG00000067596
17	38945652	38945899	38945756	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DHX8	ENSG00000067596
17	38963767	38963976	38963871	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ETV4	ENSG00000175832
17	38980792	38981180	38981001	17	25	0	30.49926982	1.72E-09	ETV4	ENSG00000175832
17	39193267	39193607	39193437	13	18	5	3.714654658	0.000961539	SOST	ENSG00000167941
17	39272785	39273079	39272908	15	18	4	4.457585589	0.000353565	MPP3	ENSG00000161647
17	39275008	39275199	39275118	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CD300LG	ENSG00000161649
17	39305129	39305581	39305374	84	97	1	57.47939313	5.00E-32	CD300LG	ENSG00000161649
17	39330743	39331017	39330880	8	9	3	2.932622098	0.0242899	MPP2	ENSG00000108852
17	39376906	39377168	39377015	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PPY	ENSG00000108849
17	39447753	39448156	39447931	14	20	4	4.926805125	0.00010522	TMEM101	ENSG00000091947
17	39503475	39503738	39503589	9	13	4	3.28453675	0.00629037	G6PC3	ENSG00000141349
17	39556625	39556947	39556781	12	15	3	4.692195357	0.000718455	HDAC5	ENSG00000108840
17	39574543	39574835	39574689	16	17	4	4.222975822	0.000640773	C17orf53	ENSG00000125319
17	39585747	39586214	39585991	84	106	0	125.5162258	8.58E-37	C17orf53	ENSG00000125319
17	39619577	39619963	39619743	12	18	3	5.571981987	0.000108726	C17orf65	ENSG00000168597
17	39626485	39626844	39626659	13	18	6	3.183989707	0.00227432	ATXN7L3	ENSG00000087152
17	39655611	39655883	39655738	11	14	7	2.199466574	0.0303778	UBTF	ENSG00000108312
17	39741375	39741580	39741496	8	11	4	2.815317214	0.0183428	RUNDC3A	ENSG00000108309
17	39777735	39778263	39777981	12	25	4	6.099853964	4.56E-06	GRN	ENSG00000030582

17	39783732	39783956	39783844	8	10	0	12.90353723	0.000195991	GRN	ENSG00000030582
17	39989852	39990042	39989947	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FZD2	ENSG00000180340
17	40122724	40122974	40122887	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CCDC43	ENSG00000180329
17	40141395	40141754	40141595	8	14	1	8.797866295	8.00E-05	DBF4B	ENSG00000161692
17	40207711	40207955	40207861	8	9	4	2.346097679	0.050148	ADAM11	ENSG00000073670
17	40380633	40380982	40380807	12	17	3	5.278719777	0.000205462	KIF18B	ENSG00000186185
17	40476244	40476553	40476419	9	13	3	4.105670938	0.00243034	DCAKD	ENSG00000172992
17	40480172	40480433	40480302	29	30	2	12.12150467	5.77E-09	DCAKD	ENSG00000172992
17	40483351	40483566	40483444	9	10	4	2.580707446	0.0306059	DCAKD	ENSG00000172992
17	40494234	40494519	40494352	9	12	1	7.624817456	0.000332769	NMT1	ENSG00000136448
17	40560372	40560880	40560551	40	63	1	37.53756286	9.51E-21	PLCD3	ENSG00000161714
17	40568205	40568591	40568343	9	15	7	2.346097679	0.0195693	ACBD4	ENSG00000181513
17	40580771	40581140	40580920	14	19	5	3.910162798	0.000546977	HEXIM1	ENSG00000186834
17	40581254	40582028	40581747	15	40	4	9.619000482	2.08E-10	HEXIM1	ENSG00000186834
17	40582332	40582596	40582467	11	12	8	1.694403879	0.107291	HEXIM1	ENSG00000186834
17	40594727	40594920	40594863	8	11	5	2.346097679	0.0364013	HEXIM2	ENSG00000168517
17	40604541	40604720	40604636	8	8	3	2.639359888	0.0415794	HEXIM2	ENSG00000168517
17	40631067	40631269	40631168	10	11	6	2.010940867	0.0640214	FMNL1	ENSG00000184922
17	40710478	40710675	40710565	9	9	2	3.910162798	0.00955088	MAP3K14	ENSG00000006062
17	40717369	40717579	40717482	12	12	3	3.812408728	0.004404	MAP3K14	ENSG00000006062
17	40751958	40752434	40752135	9	17	3	5.278719777	0.000205462	MAP3K14	ENSG00000006062
17	40754141	40754394	40754240	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	MAP3K14	ENSG00000006062
17	40818794	40818995	40818894	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ARHGAP27	ENSG00000185602
17	40901626	40901898	40901793	10	13	2	5.474227917	0.000747844	PLEKHM1	ENSG00000141342
17	41073611	41073792	41073701	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C17orf69	ENSG00000167159
17	41133919	41134154	41134036	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	C17orf69	ENSG00000167159
17	41136001	41136196	41136077	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C17orf69	ENSG00000167159
17	41265326	41265531	41265428	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000185294
17	41336287	41336509	41336334	8	10	2	4.301179077	0.00512919	MAPT	ENSG00000186868
17	41627226	41627428	41627327	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000214401
17	42191228	42191535	42191381	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000213326
17	42308840	42309136	42308988	14	16	3	4.985457567	0.000385643	WNT9B	ENSG00000158955
17	42333058	42333291	42333224	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000210709
17	42355271	42355554	42355426	13	16	7	2.492728784	0.0124193	GOSR2	ENSG00000108433

17	42411817	42412000	42411901	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RPRML	ENSG00000179673
17	42567792	42568317	42568146	16	27	32	0.995314167	0.51007		ENSG00000221016
17	42568628	42569150	42568807	28	44	84	0.621025856	0.99598		ENSG00000221016
17	42569388	42569858	42569565	35	40	67	0.707279447	0.962853		ENSG00000221016
17	42574217	42574427	42574275	10	10	27	0.460840615	0.98972		ENSG00000221016
17	42576110	42576431	42576270	11	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000221016
17	42590435	42590809	42590600	11	15	24	0.750751257	0.821554	CDC27	ENSG00000004897
17	42613805	42613985	42613895	8	8	24	0.422297582	0.991496	CDC27	ENSG00000004897
17	42621385	42621784	42621551	16	23	12	2.165628626	0.0100985	CDC27	ENSG00000004897
17	42621888	42622130	42621983	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CDC27	ENSG00000004897
17	42755722	42756040	42755883	9	11	4	2.815317214	0.0183428	C17orf57	ENSG00000178852
17	43253756	43254000	43253878	8	8	2	3.519146518	0.017558	OSBPL7	ENSG00000006025
17	43254104	43254350	43254182	8	10	1	6.451768616	0.00135978	OSBPL7	ENSG00000006025
17	43263764	43264279	43263877	9	19	3	5.865244197	5.72E-05	MRPL10	ENSG00000159111
17	43273532	43273885	43273708	9	15	6	2.68125449	0.0103552	SCRN2	ENSG00000141295
17	43337518	43337889	43337710	12	18	4	4.457585589	0.000353565	SP2	ENSG00000167182
17	43373843	43374093	43373979	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PNPO	ENSG00000108439
17	43379299	43379568	43379412	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PNPO	ENSG00000108439
17	43389997	43390539	43390176	13	24	5	4.887703497	2.90E-05	ATAD4	ENSG00000167183
17	43458877	43459076	43458981	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000207947
17	43479986	43480465	43480286	8	19	5	3.910162798	0.000546977	NFE2L1	ENSG00000082641
17	43593038	43593262	43593170	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000221739
17	44026247	44026628	44026410	14	18	3	5.571981987	0.000108726	HOXB5	ENSG00000120075
17	44051042	44051278	44051218	9	11	2	4.692195357	0.00272444	HOXB8	ENSG00000120068
17	44110844	44111255	44111031	37	50	2	19.94183027	2.68E-15	C17orf92	ENSG00000159182
17	44111260	44111469	44111364	9	10	1	6.451768616	0.00135978	C17orf92	ENSG00000159182
17	44324634	44324813	44324717	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ATP5G1	ENSG00000159199
17	44325149	44325354	44325251	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ATP5G1	ENSG00000159199
17	44464595	44464833	44464714	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000207346
17	44533436	44533903	44533724	14	23	1	14.07658607	1.14E-07	B4GALNT2	ENSG00000167080
17	44534064	44534246	44534188	8	8	1	5.278719777	0.00542188	B4GALNT2	ENSG00000167080
17	44624804	44625220	44624983	14	23	8	3.128130238	0.000832453	GNGT2	ENSG00000167083
17	44658269	44658595	44658432	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	PHOSPHO1	ENSG00000173868
17	44840382	44840739	44840480	9	13	4	3.28453675	0.00629037	PHB	ENSG00000167085

17	44847223	44847511	44847367	10	13	4	3.28453675	0.00629037	PHB	ENSG00000167085
17	44847517	44847736	44847626	9	10	2	4.301179077	0.00512919	PHB	ENSG00000167085
17	44940648	44941129	44940956	15	26	11	2.639359888	0.0015854	NGFR	ENSG00000064300
17	44980937	44981235	44981086	10	13	9	1.642268375	0.111397	NXPH3	ENSG00000182575
17	45002492	45002707	45002546	8	11	4	2.815317214	0.0183428	NXPH3	ENSG00000182575
17	45220775	45221013	45220894	13	16	4	3.988366054	0.00115141	MYST2	ENSG00000136504
17	45293559	45293804	45293681	12	13	6	2.346097679	0.0266147	TAC4	ENSG00000176358
17	45319472	45319961	45319774	23	35	2	14.07658607	1.57E-10	TAC4	ENSG00000176358
17	45408273	45408491	45408325	8	9	4	2.346097679	0.050148	DLX4	ENSG00000108813
17	45427545	45427841	45427693	8	11	5	2.346097679	0.0364013	DLX3	ENSG00000064195
17	45487299	45487712	45487599	11	16	3	4.985457567	0.000385643	ITGA3	ENSG00000005884
17	45487899	45488498	45488248	10	22	8	2.997791478	0.00137524	ITGA3	ENSG00000005884
17	45494803	45495265	45495007	44	58	6	9.887125931	2.89E-14	ITGA3	ENSG00000005884
17	45526621	45526845	45526733	10	12	2	5.083211637	0.00143337	PDK2	ENSG00000005882
17	45572099	45572438	45572273	8	13	3	4.105670938	0.00243034	SAMD14	ENSG00000167100
17	45584401	45584669	45584527	12	14	4	3.519146518	0.00361132	PPP1R9B	ENSG00000108819
17	45610760	45610983	45610870	9	10	4	2.580707446	0.0306059	HILS1	ENSG00000188662
17	45699117	45699309	45699217	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TMEM92	ENSG00000167105
17	45729786	45730026	45729902	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TMEM92	ENSG00000167105
17	45748517	45748752	45748634	8	9	0	11.73048839	0.000425898	XYLT2	ENSG00000015532
17	45749548	45749993	45749770	9	18	6	3.183989707	0.00227432	XYLT2	ENSG00000015532
17	45803856	45804434	45804108	95	136	8	17.85641011	2.00E-36	MRPL27	ENSG00000108826
17	45805273	45805697	45805372	14	20	8	2.737113958	0.0036449	MRPL27	ENSG00000108826
17	45829829	45830021	45829925	10	10	4	2.580707446	0.0306059	LRRC59	ENSG00000108829
17	45911407	45911600	45911450	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RSAD1	ENSG00000136444
17	45964771	45965202	45965037	19	25	3	7.624817456	1.09E-06	EPN3	ENSG00000049283
17	45966726	45967274	45966962	10	22	1	13.49006165	2.37E-07	EPN3	ENSG00000049283
17	45979245	45979536	45979390	9	11	6	2.010940867	0.0640214	SPATA20	ENSG00000006282
17	46062998	46063311	46063155	9	13	2	5.474227917	0.000747844	ABCC3	ENSG00000108846
17	46071552	46072024	46071715	16	25	3	7.624817456	1.09E-06	ABCC3	ENSG00000108846
17	46113689	46113934	46113845	11	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000201340
17	46140190	46140557	46140345	11	15	8	2.085420159	0.0338693	ANKRD40	ENSG00000154945
17	46219433	46219816	46219593	17	22	2	8.993374435	1.66E-06	C17orf73	ENSG00000167117
17	46238136	46238544	46238315	24	31	0	37.53756286	1.64E-11	WFIKKN2	ENSG00000173714



17	46298945	46299188	46299066	12	14	9	1.759573259	0.0786014	TOB1	ENSG00000141232
17	46299388	46300336	46300171	16	47	8	6.256260476	7.85E-10	TOB1	ENSG00000141232
17	46336687	46337574	46337037	19	56	12	5.143367988	4.00E-10	TOB1	ENSG00000141232
17	46337771	46338117	46337944	9	15	12	1.443752418	0.160732	TOB1	ENSG00000141232
17	46340761	46340954	46340862	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TOB1	ENSG00000141232
17	46352412	46352666	46352588	8	10	3	3.225884308	0.0139466	TOB1	ENSG00000141232
17	46376735	46377204	46377090	10	19	2	7.820325595	1.32E-05	TOB1	ENSG00000141232
17	46380629	46380831	46380754	9	10	2	4.301179077	0.00512919	TOB1	ENSG00000141232
17	46381477	46382234	46382061	59	80	5	15.83615933	8.38E-22	TOB1	ENSG00000141232
17	46382726	46382976	46382819	8	11	3	3.519146518	0.00788869	TOB1	ENSG00000141232
17	46386447	46387210	46386778	117	164	5	32.25884308	1.27E-48	TOB1	ENSG00000141232
17	46389179	46389413	46389293	10	11	4	2.815317214	0.0183428	SPAG9	ENSG00000008294
17	46553364	46553604	46553486	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SPAG9	ENSG00000008294
17	46585530	46586405	46585849	24	58	14	4.613992101	1.06E-09	NME2	ENSG00000011052
17	46692551	46692861	46692706	8	13	3	4.105670938	0.00243034	UTP18	ENSG00000011260
17	46839889	46840198	46840067	13	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000187504
17	47046326	47046685	47046505	14	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000187504
17	47135966	47136291	47136104	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000187504
17	47139626	47139874	47139764	18	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000187504
17	47196816	47197058	47196915	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000187504
17	47552895	47553160	47553032	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	CA10	ENSG00000154975
17	50400982	50401243	50401112	8	11	4	2.815317214	0.0183428	STXBP4	ENSG00000166263
17	50741176	50741403	50741289	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000204772
17	50776910	50777110	50777010	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000204772
17	50865574	50865946	50865729	13	18	6	3.183989707	0.00227432	MMD	ENSG00000108960
17	51976183	51976405	51976276	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NOG	ENSG00000183691
17	52131497	52131972	52131810	8	18	8	2.476436439	0.00924552	NOG	ENSG00000183691
17	52148304	52148673	52148480	9	14	5	2.932622098	0.00829617	C17orf67	ENSG00000214226
17	52149586	52150502	52150044	63	91	5	17.98674887	3.02E-25	C17orf67	ENSG00000214226
17	52265552	52265747	52265649	8	9	4	2.346097679	0.050148	C17orf67	ENSG00000214226
17	52393286	52393533	52393396	9	12	3	3.812408728	0.004404	COIL	ENSG00000121058
17	52435299	52435534	52435430	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	SCPEP1	ENSG00000121064
17	52465681	52465962	52465838	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000185036
17	52517133	52517409	52517289	10	11	5	2.346097679	0.0364013	AKAP1	ENSG00000121057

17	52559051	52559253	52559202	8	8	4	2.111487911	0.0804809	AKAP1	ENSG00000121057
17	52563133	52563350	52563190	9	10	6	1.843362462	0.0964212	AKAP1	ENSG00000121057
17	52563427	52563747	52563598	8	11	7	1.759573259	0.102361	AKAP1	ENSG00000121057
17	52599106	52599332	52599219	11	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000210853
17	52628502	52628882	52628703	21	30	1	18.18225701	6.30E-10		ENSG00000210853
17	52647687	52647929	52647805	11	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000210853
17	52669290	52669616	52669450	15	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000210853
17	52675514	52675828	52675678	11	14	3	4.398933147	0.00132748	MSI2	ENSG00000153944
17	52690668	52690848	52690757	8	9	7	1.466311049	0.20706	MSI2	ENSG00000153944
17	52719137	52719344	52719244	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000197862
17	52772977	52773522	52773184	12	24	8	3.258468998	0.000499412		ENSG00000197862
17	52775261	52775485	52775374	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000197862
17	52787913	52788191	52788052	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000197862
17	52789921	52790176	52790052	14	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000197862
17	52790440	52790788	52790617	24	29	11	2.932622098	0.000389335		ENSG00000197862
17	52802409	52802881	52802629	26	35	5	7.038293036	2.84E-08		ENSG00000197862
17	52804505	52804796	52804650	17	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000197862
17	52808153	52808708	52808421	27	44	9	5.278719777	1.68E-08		ENSG00000197862
17	52811023	52811264	52811143	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000197862
17	52840003	52840494	52840330	10	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000197862
17	52877406	52877661	52877507	16	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000197862
17	52955013	52955194	52955100	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210857
17	52956267	52956924	52956501	300	385	2	150.932284	1.71E-126		ENSG00000210857
17	53005219	53005569	53005418	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000210857
17	53010523	53010870	53010696	8	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000210857
17	53015290	53015551	53015412	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210857
17	53030138	53030478	53030308	8	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000210857
17	53038048	53038268	53038160	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210857
17	53104280	53104497	53104388	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210857
17	53215626	53215841	53215691	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000222976
17	53265824	53266084	53265954	9	12	7	1.906204364	0.0695918	MRPS23	ENSG00000181610
17	53282309	53283024	53282515	19	43	22	2.244093432	0.000576277	MRPS23	ENSG00000181610
17	53300360	53300780	53300598	41	51	3	15.24963491	1.29E-14	MRPS23	ENSG00000181610
17	53332054	53332558	53332379	22	31	11	3.128130238	0.000146711	CUEDC1	ENSG00000180891

17	53333575	53334364	53333939	90	134	8	17.59573259	8.44E-36	CUEDC1	ENSG00000180891
17	53350803	53351005	53350904	10	10	5	2.150589539	0.0575848	CUEDC1	ENSG00000180891
17	53427806	53428063	53427932	13	15	3	4.692195357	0.000718455	VEZF1	ENSG00000136451
17	53439389	53439767	53439615	11	17	7	2.639359888	0.00777415	SFRS1	ENSG00000136450
17	53439775	53440250	53439951	10	20	5	4.105670938	0.000308509	SFRS1	ENSG00000136450
17	53455387	53455821	53455547	20	29	11	2.932622098	0.000389335	SFRS1	ENSG00000136450
17	53525347	53525727	53525510	29	35	3	10.55743955	1.13E-09	DYNLL2	ENSG00000121083
17	53569081	53569380	53569235	9	12	8	1.694403879	0.107291	OR4D1	ENSG00000141194
17	53632412	53632673	53632542	8	9	2	3.910162798	0.00955088	EPX	ENSG00000121053
17	53651662	53651920	53651784	8	9	4	2.346097679	0.050148	MKS1	ENSG00000011143
17	53784004	53785237	53784708	10	48	18	3.025231217	6.15E-06	SUPT4H1	ENSG00000213246
17	53809743	53809963	53809853	11	11	4	2.815317214	0.0183428	SUPT4H1	ENSG00000213246
17	53820153	53820503	53820328	23	29	9	3.519146518	8.36E-05	RNF43	ENSG00000108375
17	53821082	53821385	53821235	14	15	9	1.876878143	0.0544542	RNF43	ENSG00000108375
17	53823814	53824240	53824066	20	30	9	3.636451402	4.92E-05	RNF43	ENSG00000108375
17	53849778	53850231	53850038	24	32	16	2.277094806	0.00211782	RNF43	ENSG00000108375
17	53865585	53865846	53865726	11	11	2	4.692195357	0.00272444	RNF43	ENSG00000108375
17	53879937	53880174	53880111	11	14	7	2.199466574	0.0303778	RNF43	ENSG00000108375
17	53950549	53950823	53950707	11	14	9	1.759573259	0.0786014	MTMR4	ENSG00000108389
17	53950988	53951425	53951143	12	20	9	2.463402563	0.00689886	MTMR4	ENSG00000108389
17	53997313	53997566	53997461	9	11	10	1.279689643	0.277323	C17orf47	ENSG00000181013
17	53998152	53998502	53998326	14	18	17	1.238218219	0.258417	C17orf47	ENSG00000181013
17	53999719	54000303	54000124	10	23	21	1.279689643	0.201655	C17orf47	ENSG00000181013
17	54000677	54001230	54000941	10	21	18	1.358267077	0.163254	C17orf47	ENSG00000181013
17	54006946	54007333	54007185	10	14	13	1.256838042	0.269506	C17orf47	ENSG00000181013
17	54007947	54008387	54008137	12	23	21	1.279689643	0.201655	C17orf47	ENSG00000181013
17	54009883	54010612	54010247	20	40	22	2.091087061	0.00178999	C17orf47	ENSG00000181013
17	54011067	54011352	54011209	13	16	6	2.848832895	0.00632407	C17orf47	ENSG00000181013
17	54011933	54012155	54012019	9	11	15	0.879786629	0.637414	C17orf47	ENSG00000181013
17	54012245	54012486	54012365	9	10	11	1.075294769	0.434143	C17orf47	ENSG00000181013
17	54019920	54020395	54020233	26	34	20	1.955081399	0.00643758	C17orf47	ENSG00000181013
17	54023381	54023638	54023509	10	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000212195
17	54027666	54028182	54027841	11	20	21	1.119728438	0.357221		ENSG00000212195
17	54031682	54031872	54031772	8	8	11	0.879786629	0.621301		ENSG00000212195

17	54039664	54040017	54039840	11	17	6	3.016411301	0.00381427	ENSG00000212195
17	54041021	54041244	54041103	9	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000212195
17	54041997	54042187	54042096	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ENSG00000212195
17	54043981	54044278	54044129	9	13	27	0.58652442	0.955084	ENSG00000212195
17	54044358	54044664	54044511	11	15	10	1.706252857	0.0822346	ENSG00000212195
17	54047395	54047575	54047495	8	9	7	1.466311049	0.20706	ENSG00000212195
17	54051262	54051524	54051393	10	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000212195
17	54057130	54057546	54057298	8	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000212195
17	54059298	54059801	54059533	10	21	22	1.122046716	0.351409	ENSG00000212195
17	54061269	54061575	54061414	11	15	11	1.564065119	0.11768	ENSG00000212195
17	54062756	54063052	54062904	14	17	20	1.005470434	0.496566	ENSG00000212195
17	54063069	54063357	54063213	9	12	10	1.386330446	0.21117	ENSG00000212195
17	54063380	54065219	54064117	131	314	206	1.785074321	2.59E-11	ENSG00000212195
17	54065249	54065563	54065406	9	13	22	0.714029728	0.84749	ENSG00000212195
17	54066802	54067153	54066977	16	21	26	0.955817573	0.566095	ENSG00000212195
17	54069870	54070072	54069983	8	9	15	0.733155525	0.788527	ENSG00000212195
17	54072003	54072493	54072225	56	76	43	2.052835469	4.78E-05	ENSG00000212195
17	54072520	54073550	54072854	21	75	50	1.74807278	0.000878808	ENSG00000212195
17	54074440	54074987	54074591	11	22	28	0.930349079	0.605811	ENSG00000212195
17	54075491	54076024	54075772	17	31	23	1.564065119	0.0471936	ENSG00000212195
17	54076391	54076703	54076547	12	15	19	0.938439071	0.579569	ENSG00000212195
17	54078606	54078793	54078702	8	8	11	0.879786629	0.621301	ENSG00000202077
17	54080480	54080959	54080780	12	22	24	1.079204932	0.398105	ENSG00000202077
17	54083142	54083361	54083282	10	11	17	0.78203256	0.752912	ENSG00000202077
17	54083437	54083942	54083763	18	28	21	1.546291652	0.0598186	ENSG00000202077
17	54084219	54084490	54084361	8	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000202077
17	54088007	54088196	54088060	8	8	10	0.959767232	0.541959	ENSG00000202077
17	54089688	54090027	54089857	10	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000202077
17	54090976	54092274	54091562	149	313	149	2.455582237	2.56E-21	ENSG00000202077
17	54092883	54093154	54093018	10	13	16	0.966040221	0.542489	ENSG00000202077
17	54093233	54093579	54093406	8	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000202077
17	54093633	54093931	54093766	11	13	11	1.368556979	0.211388	ENSG00000202077
17	54094197	54094427	54094337	8	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000202077
17	54096453	54096659	54096586	9	10	17	0.71686318	0.816679	ENSG00000199426

17	54097318	54098011	54097665	21	51	19	3.049926982	2.99E-06		ENSG00000199426
17	54098802	54099051	54098920	10	12	18	0.802612364	0.736387		ENSG00000199426
17	54099295	54099905	54099730	16	35	23	1.759573259	0.0146505		ENSG00000199426
17	54100119	54100668	54100489	11	26	13	2.262308476	0.00502778		ENSG00000199426
17	54100694	54101338	54100883	12	30	24	1.454580561	0.0803614		ENSG00000199426
17	54101645	54101916	54101770	11	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000199426
17	54102227	54102529	54102378	8	14	18	0.926091189	0.59273		ENSG00000199426
17	54103611	54104105	54103926	15	25	19	1.524963491	0.0761063		ENSG00000199426
17	54107969	54108344	54108111	9	15	12	1.443752418	0.160732		ENSG00000206917
17	54109567	54109971	54109743	13	21	22	1.122046716	0.351409		ENSG00000206917
17	54111485	54112730	54111973	39	136	96	1.656780319	6.07E-05		ENSG00000200997
17	54114956	54115366	54115187	11	19	19	1.173048839	0.308076		ENSG00000200997
17	54117187	54117412	54117299	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000200997
17	54117797	54118101	54117953	10	14	15	1.099733287	0.398076		ENSG00000200997
17	54118475	54118751	54118613	8	12	22	0.663027605	0.890045	TEX14	ENSG00000121101
17	54119399	54119803	54119560	14	20	19	1.231701281	0.25288	TEX14	ENSG00000121101
17	54123156	54123361	54123258	8	11	12	1.082814313	0.424156	TEX14	ENSG00000121101
17	54123946	54126520	54125778	168	528	159	3.878392725	2.15E-61	RAD51C	ENSG00000108384
17	54126819	54127002	54126955	8	10	12	0.992579787	0.511743	RAD51C	ENSG00000108384
17	54128963	54129535	54129358	12	25	39	0.762481746	0.864096	RAD51C	ENSG00000108384
17	54134425	54134621	54134510	8	11	15	0.879786629	0.637414	RAD51C	ENSG00000108384
17	54136809	54137069	54136943	16	17	21	0.959767232	0.55532	RAD51C	ENSG00000108384
17	54139310	54139565	54139455	12	13	13	1.173048839	0.337862	RAD51C	ENSG00000108384
17	54140254	54140617	54140433	8	16	14	1.329455351	0.210108	RAD51C	ENSG00000108384
17	54142933	54143660	54143498	20	40	34	1.374142926	0.082956	RAD51C	ENSG00000108384
17	54157315	54157755	54157425	10	17	18	1.111309427	0.376188	PPM1E	ENSG00000175175
17	54166348	54166689	54166510	9	13	16	0.966040221	0.542489	PPM1E	ENSG00000175175
17	54173426	54173727	54173563	19	23	18	1.481745902	0.0984143	PPM1E	ENSG00000175175
17	54173735	54174006	54173842	11	13	17	0.912371319	0.606688	PPM1E	ENSG00000175175
17	54178935	54179114	54179024	8	8	2	3.519146518	0.017558	PPM1E	ENSG00000175175
17	54179261	54179512	54179386	8	12	12	1.173048839	0.343543	PPM1E	ENSG00000175175
17	54180049	54180275	54180162	8	9	12	0.902345261	0.602772	PPM1E	ENSG00000175175
17	54183355	54183788	54183511	8	17	19	1.055743955	0.436418	PPM1E	ENSG00000175175
17	54187382	54188190	54188015	18	48	22	2.499104049	7.64E-05	PPM1E	ENSG00000175175

17	54188211	54188651	54188375	19	28	12	2.616801257	0.00120123	PPM1E	ENSG00000175175
17	54188767	54189692	54189229	18	54	36	1.743721248	0.00399079	PPM1E	ENSG00000175175
17	54189706	54189994	54189862	10	12	11	1.270802909	0.274822	PPM1E	ENSG00000175175
17	54195527	54196314	54195861	34	54	33	1.897579005	0.00137124	PPM1E	ENSG00000175175
17	54198759	54198938	54198894	8	8	6	1.508205651	0.203852	PPM1E	ENSG00000175175
17	54204889	54205147	54205044	8	11	4	2.815317214	0.0183428	PPM1E	ENSG00000175175
17	54209352	54209715	54209498	9	14	10	1.599612054	0.114822	PPM1E	ENSG00000175175
17	54218028	54218288	54218190	8	10	12	0.992579787	0.511743	PPM1E	ENSG00000175175
17	54219303	54219574	54219422	11	13	13	1.173048839	0.337862	PPM1E	ENSG00000175175
17	54222780	54222960	54222916	8	8	10	0.959767232	0.541959	PPM1E	ENSG00000175175
17	54230017	54230313	54230165	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000210940
17	54241103	54241284	54241193	8	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000210940
17	54242387	54242589	54242479	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000210940
17	54247066	54247339	54247162	10	11	13	1.005470434	0.498567		ENSG00000210940
17	54264200	54264512	54264353	9	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000210940
17	54291036	54291389	54291212	13	18	21	1.013087634	0.486601		ENSG00000210940
17	54293583	54293896	54293719	15	16	6	2.848832895	0.00632407		ENSG00000210940
17	54301828	54302121	54301974	12	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000210940
17	54302895	54303209	54303031	12	16	20	0.949610965	0.567123		ENSG00000210940
17	54306091	54306331	54306197	9	10	12	0.992579787	0.511743		ENSG00000210940
17	54309122	54309359	54309240	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000210940
17	54314466	54314670	54314554	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210940
17	54315930	54316202	54316100	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000210940
17	54316654	54316837	54316727	8	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000210940
17	54319730	54320061	54319906	9	14	13	1.256838042	0.269506		ENSG00000210940
17	54335231	54335684	54335410	11	20	29	0.821134188	0.760976		ENSG00000210952
17	54344045	54344554	54344345	42	63	11	6.256260476	1.73E-12		ENSG00000210952
17	54349665	54349995	54349830	8	11	12	1.082814313	0.424156		ENSG00000210952
17	54363870	54364158	54364032	9	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000210952
17	54379859	54380226	54380067	9	13	17	0.912371319	0.606688		ENSG00000210961
17	54392064	54392781	54392464	52	100	32	3.590240387	1.99E-12		ENSG00000210961
17	54394709	54394954	54394816	10	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000210961
17	54396172	54396432	54396302	8	9	20	0.558594685	0.944249		ENSG00000210961
17	54396559	54396824	54396692	9	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000210961

17	54397477	54398049	54397723	8	22	35	0.74944787	0.865446	ENSG00000210961
17	54400377	54400825	54400674	16	23	18	1.481745902	0.0984143	ENSG00000210961
17	54401660	54401892	54401754	11	12	13	1.089259637	0.414883	ENSG00000210961
17	54402950	54403138	54403044	8	8	7	1.319679944	0.283403	ENSG00000216168
17	54404900	54405079	54404973	9	10	14	0.860235815	0.65444	ENSG00000216168
17	54407373	54407633	54407503	8	12	10	1.386330446	0.21117	ENSG00000216168
17	54407669	54408413	54407848	14	36	47	0.904225147	0.680533	ENSG00000216168
17	54408473	54408717	54408647	12	13	22	0.714029728	0.84749	ENSG00000216168
17	54408721	54409042	54408881	11	17	12	1.62422147	0.088135	ENSG00000216168
17	54409724	54409982	54409829	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000216168
17	54411259	54411449	54411335	8	8	9	1.055743955	0.456865	ENSG00000216168
17	54412028	54412252	54412104	9	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000216168
17	54412277	54412456	54412342	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000216168
17	54413409	54413736	54413565	14	18	17	1.238218219	0.258417	ENSG00000216168
17	54414178	54414394	54414255	9	10	15	0.806471077	0.716145	ENSG00000216168
17	54416281	54416689	54416510	10	18	13	1.591994853	0.0905191	ENSG00000216168
17	54417411	54418213	54417818	14	43	53	0.955817573	0.59057	ENSG00000216168
17	54419108	54419554	54419281	8	15	18	0.987830602	0.518173	ENSG00000216168
17	54421800	54422172	54421941	10	15	19	0.938439071	0.579569	ENSG00000216168
17	54423717	54424102	54423888	13	19	22	1.020042469	0.477122	ENSG00000216168
17	54424900	54425134	54425052	9	11	13	1.005470434	0.498567	ENSG00000216168
17	54425551	54425730	54425684	8	9	20	0.558594685	0.944249	ENSG00000216168
17	54427854	54428089	54427946	8	8	10	0.959767232	0.541959	ENSG00000216168
17	54429278	54429629	54429453	8	13	23	0.68427849	0.878142	ENSG00000216168
17	54430070	54430411	54430240	8	13	21	0.746485625	0.811212	ENSG00000216168
17	54431078	54431355	54431194	9	12	20	0.726173091	0.825666	ENSG00000216168
17	54431435	54431923	54431674	8	19	17	1.303387599	0.207073	ENSG00000216168
17	54433465	54433858	54433689	8	15	19	0.938439071	0.579569	ENSG00000216168
17	54434614	54435151	54434742	10	21	31	0.806471077	0.786558	ENSG00000216168
17	54435426	54435660	54435538	9	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000216168
17	54436728	54437420	54437184	25	51	56	1.070149818	0.363326	ENSG00000216168
17	54437597	54437832	54437714	11	13	7	2.052835469	0.046392	ENSG00000216168
17	54439519	54439854	54439678	10	14	22	0.765031852	0.797133	ENSG00000216168
17	54439862	54440245	54440081	11	18	18	1.173048839	0.312613	ENSG00000216168

17	54440959	54441310	54441134	8	14	8	1.955081399	0.0506438	ENSG00000216168
17	54442062	54442733	54442407	10	23	25	1.082814313	0.391389	ENSG00000216168
17	54447675	54447974	54447853	8	11	15	0.879786629	0.637414	ENSG00000216168
17	54454309	54454810	54454488	8	18	15	1.392995497	0.16305	ENSG00000216168
17	54456899	54457197	54457024	10	12	18	0.802612364	0.736387	ENSG00000216168
17	54458249	54458467	54458358	8	10	18	0.679133539	0.855647	ENSG00000216168
17	54459607	54460433	54460159	17	37	30	1.437930835	0.0657032	ENSG00000216168
17	54460502	54460888	54460681	13	19	22	1.020042469	0.477122	ENSG00000216168
17	54467970	54468651	54468132	12	27	24	1.3138147	0.160245	ENSG00000216168
17	54475571	54475946	54475750	11	19	29	0.78203256	0.808559	ENSG00000216168
17	54479807	54480193	54480014	16	26	24	1.266892746	0.197079	TRIM37 ENSG00000108395
17	54480245	54480485	54480365	12	15	15	1.173048839	0.32719	TRIM37 ENSG00000108395
17	54481361	54481893	54481596	9	20	20	1.173048839	0.303681	TRIM37 ENSG00000108395
17	54482013	54482532	54482343	10	21	16	1.518063204	0.0959332	TRIM37 ENSG00000108395
17	54483932	54484115	54484023	8	10	12	0.992579787	0.511743	TRIM37 ENSG00000108395
17	54484385	54484765	54484586	9	16	17	1.107879459	0.383112	TRIM37 ENSG00000108395
17	54488349	54488545	54488447	9	10	8	1.433726359	0.209175	TRIM37 ENSG00000108395
17	54489936	54490124	54489992	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TRIM37 ENSG00000108395
17	54491938	54492478	54492117	9	22	35	0.74944787	0.865446	TRIM37 ENSG00000108395
17	54494362	54494641	54494501	11	14	14	1.173048839	0.332418	TRIM37 ENSG00000108395
17	54495509	54495819	54495758	8	12	3	3.812408728	0.004404	TRIM37 ENSG00000108395
17	54501649	54502027	54501825	9	15	11	1.564065119	0.11768	TRIM37 ENSG00000108395
17	54511420	54511633	54511491	8	8	11	0.879786629	0.621301	TRIM37 ENSG00000108395
17	54513189	54513498	54513351	13	16	9	1.994183027	0.0370915	TRIM37 ENSG00000108395
17	54513587	54513905	54513746	13	18	12	1.714455996	0.0636479	TRIM37 ENSG00000108395
17	54514546	54514835	54514690	12	15	11	1.564065119	0.11768	TRIM37 ENSG00000108395
17	54516992	54517179	54517069	8	8	7	1.319679944	0.283403	TRIM37 ENSG00000108395
17	54517944	54518180	54518073	8	9	9	1.173048839	0.362316	TRIM37 ENSG00000108395
17	54518910	54519135	54519020	8	10	12	0.992579787	0.511743	TRIM37 ENSG00000108395
17	54520990	54521493	54521169	12	20	11	2.052835469	0.0201852	TRIM37 ENSG00000108395
17	54525223	54526373	54525723	13	53	53	1.173048839	0.204123	TRIM37 ENSG00000108395
17	54526516	54527087	54526769	11	23	34	0.804376347	0.799304	TRIM37 ENSG00000108395
17	54527153	54527408	54527292	9	11	17	0.78203256	0.752912	TRIM37 ENSG00000108395
17	54527413	54527735	54527574	11	17	21	0.959767232	0.55532	TRIM37 ENSG00000108395



17	54532597	54532914	54532736	10	15	16	1.104045966	0.390393	TRIM37	ENSG00000108395
17	54536173	54536610	54536352	14	22	33	0.793533038	0.809383	TRIM37	ENSG00000108395
17	54536702	54536910	54536806	8	9	11	0.977540699	0.526123	TRIM37	ENSG00000108395
17	54537323	54537592	54537441	10	15	24	0.750751257	0.821554	TRIM37	ENSG00000108395
17	54537600	54537924	54537762	12	18	25	0.857227998	0.700223	TRIM37	ENSG00000108395
17	54537989	54539772	54538987	61	283	141	2.346097679	4.48E-18	TRIM37	ENSG00000108395
17	54540304	54541081	54540747	14	35	21	1.919534464	0.00687348	TRIM37	ENSG00000108395
17	54542540	54542787	54542663	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TRIM37	ENSG00000108395
17	54543695	54543933	54543814	9	12	9	1.524963491	0.154777	TRIM37	ENSG00000108395
17	54546694	54546960	54546826	11	12	19	0.762481746	0.784291	TRIM37	ENSG00000108395
17	54550990	54551245	54551117	14	14	26	0.6516938	0.91539	TRIM37	ENSG00000108395
17	54552777	54552996	54552893	8	9	11	0.977540699	0.526123	TRIM37	ENSG00000108395
17	54586962	54587809	54587348	14	37	21	2.026175268	0.00340881	FAM33A	ENSG00000182628
17	54641974	54642310	54642136	23	27	9	3.28453675	0.000236424	C17orf71	ENSG00000167447
17	54652487	54652686	54652593	10	11	4	2.815317214	0.0183428	GDPD1	ENSG00000153982
17	54653145	54653409	54653291	8	9	0	11.73048839	0.000425898	GDPD1	ENSG00000153982
17	54759694	54760070	54759858	8	14	2	5.865244197	0.000387308	YPEL2	ENSG00000175155
17	54761850	54762056	54761971	8	9	4	2.346097679	0.050148	YPEL2	ENSG00000175155
17	54798824	54799406	54799232	11	22	11	2.248343609	0.0090389	YPEL2	ENSG00000175155
17	54838956	54839274	54839115	8	14	10	1.599612054	0.114822	YPEL2	ENSG00000175155
17	54850931	54851232	54851081	17	20	9	2.463402563	0.00689886	YPEL2	ENSG00000175155
17	54872989	54873399	54873143	12	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000200889
17	54953702	54953939	54953813	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000200889
17	54997524	54997852	54997688	14	20	5	4.105670938	0.000308509	DHX40	ENSG00000108406
17	54998406	54998604	54998505	8	10	4	2.580707446	0.0306059	DHX40	ENSG00000108406
17	55047369	55047550	55047455	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CLTC	ENSG00000141367
17	55051091	55052159	55051931	18	54	17	3.584315898	1.47E-07	CLTC	ENSG00000141367
17	55139280	55139847	55139597	9	24	14	1.955081399	0.0175993		ENSG00000214225
17	55185720	55185922	55185827	8	8	2	3.519146518	0.017558	TMEM49	ENSG00000062716
17	55218704	55219025	55218864	12	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000199004
17	55261643	55262005	55261822	10	16	23	0.830909595	0.726247		ENSG00000199004
17	55262069	55262286	55262146	8	9	16	0.690028729	0.833766		ENSG00000199004
17	55263980	55264378	55264279	9	16	23	0.830909595	0.726247		ENSG00000199004
17	55264940	55265460	55265118	19	30	24	1.454580561	0.0803614		ENSG00000199004

17	55268561	55268956	55268777	23	29	15	2.199466574	0.00420562		ENSG00000199004
17	55269239	55271221	55269634	137	381	149	2.987364377	9.46E-34		ENSG00000199004
17	55271325	55271706	55271502	19	25	18	1.605224727	0.0562573		ENSG00000199004
17	55271844	55272529	55272023	16	35	58	0.715758614	0.946519		ENSG00000199004
17	55272592	55273108	55272768	10	21	33	0.759031602	0.848745		ENSG00000199004
17	55273374	55273795	55273605	8	17	20	1.005470434	0.496566		ENSG00000199004
17	55275267	55275792	55275446	35	51	32	1.848440595	0.00246854		ENSG00000199004
17	55275801	55276539	55276174	13	31	24	1.501502514	0.0624568		ENSG00000199004
17	55276723	55279392	55278615	67	402	208	2.261907571	2.66E-23		ENSG00000201524
17	55279591	55280363	55279983	47	86	58	1.729749983	0.000498152		ENSG00000201524
17	55281762	55282161	55281895	9	14	26	0.6516938	0.91539		ENSG00000201524
17	55283603	55283916	55283759	11	16	39	0.498545757	0.994224		ENSG00000201524
17	55283975	55284284	55284083	10	15	36	0.507264363	0.991368		ENSG00000201524
17	55284286	55284478	55284356	8	8	19	0.527871978	0.95364		ENSG00000201524
17	55285224	55286020	55285527	69	109	30	4.162431365	3.21E-15		ENSG00000201524
17	55287702	55288127	55287948	13	19	14	1.564065119	0.0925887		ENSG00000201524
17	55288925	55289961	55289653	41	117	89	1.537997367	0.000978929		ENSG00000201524
17	55290387	55290869	55290641	11	20	35	0.68427849	0.922019		ENSG00000201524
17	55290955	55291341	55291134	10	17	16	1.242051712	0.261202		ENSG00000201524
17	55291580	55292632	55291982	21	69	59	1.368556979	0.0368883		ENSG00000201524
17	55293546	55293792	55293663	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000201524
17	55301526	55301915	55301729	13	21	17	1.433726359	0.126962		ENSG00000201524
17	55301952	55302297	55302118	9	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000201524
17	55302465	55303064	55302785	19	32	30	1.24872941	0.187449	TUBD1	ENSG00000108423
17	55303078	55303462	55303257	11	17	14	1.407658607	0.162567	TUBD1	ENSG00000108423
17	55303558	55303885	55303721	17	22	18	1.42000649	0.127634	TUBD1	ENSG00000108423
17	55306550	55306889	55306719	15	18	21	1.013087634	0.486601	TUBD1	ENSG00000108423
17	55307833	55308012	55307971	8	8	7	1.319679944	0.283403	TUBD1	ENSG00000108423
17	55310163	55310625	55310342	10	22	31	0.843128853	0.73853	TUBD1	ENSG00000108423
17	55317561	55318107	55317812	9	21	28	0.889899119	0.664396	TUBD1	ENSG00000108423
17	55318208	55318628	55318377	12	21	31	0.806471077	0.786558	TUBD1	ENSG00000108423
17	55319596	55319969	55319775	9	15	22	0.816033975	0.739972	TUBD1	ENSG00000108423
17	55324292	55326470	55325296	51	215	185	1.362250265	0.000978208	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55326472	55326780	55326626	11	15	16	1.104045966	0.390393	RPS6KB1	ENSG00000108443

17	55328638	55328942	55328790	9	11	16	0.828034475	0.698553	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55332183	55332398	55332297	8	9	4	2.346097679	0.050148	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55334742	55334980	55334890	8	9	11	0.977540699	0.526123	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55337467	55337688	55337607	9	12	15	0.953102182	0.555895	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55343236	55343607	55343405	8	13	10	1.49297125	0.157311	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55345193	55345448	55345340	10	12	12	1.173048839	0.343543	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55346427	55346845	55346591	12	20	25	0.947462524	0.576741	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55348432	55348954	55348775	11	22	27	0.963575832	0.555868	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55350694	55350957	55350781	9	11	2	4.692195357	0.00272444	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55351906	55352238	55352072	8	13	12	1.263283365	0.272203	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55379456	55379636	55379546	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RNFT1	ENSG00000189050
17	55383921	55384197	55384054	11	13	20	0.78203256	0.76897	RNFT1	ENSG00000189050
17	55394909	55395406	55395179	11	20	21	1.119728438	0.357221	RNFT1	ENSG00000189050
17	55395571	55395818	55395694	10	11	18	0.740872951	0.800189	RNFT1	ENSG00000189050
17	55395924	55397476	55397114	43	182	89	2.385199307	1.27E-12	RNFT1	ENSG00000189050
17	55398320	55398784	55398613	9	17	5	3.519146518	0.00167472	RNFT1	ENSG00000189050
17	55400011	55400352	55400181	8	14	12	1.353517892	0.211235	RNFT1	ENSG00000189050
17	55466779	55466960	55466869	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000204471
17	55469001	55469855	55469410	60	121	57	2.467447559	1.88E-09		ENSG00000204471
17	55471186	55472729	55472078	16	82	75	1.281092811	0.059264		ENSG00000204471
17	55472865	55473114	55472988	8	10	17	0.71686318	0.816679		ENSG00000204471
17	55473530	55473978	55473679	18	25	23	1.270802909	0.198634		ENSG00000204471
17	55475237	55475464	55475350	10	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000204471
17	55478889	55479174	55479018	12	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000204471
17	55480625	55480838	55480749	8	11	16	0.828034475	0.698553		ENSG00000204471
17	55481525	55481824	55481678	12	13	14	1.094845583	0.406217	HEATR6	ENSG0000068097
17	55483029	55483298	55483150	11	12	17	0.84720194	0.681997	HEATR6	ENSG0000068097
17	55483366	55483707	55483528	11	16	8	2.215758919	0.0222902	HEATR6	ENSG0000068097
17	55484184	55484738	55484363	8	20	20	1.173048839	0.303681	HEATR6	ENSG0000068097
17	55485065	55485256	55485182	8	10	11	1.075294769	0.434143	HEATR6	ENSG0000068097
17	55485839	55486338	55486018	10	20	6	3.519146518	0.000784044	HEATR6	ENSG0000068097
17	55487685	55487943	55487821	8	9	8	1.303387599	0.281715	HEATR6	ENSG0000068097
17	55488091	55488286	55488142	8	8	18	0.555654713	0.936835	HEATR6	ENSG0000068097
17	55489120	55489409	55489246	10	14	18	0.926091189	0.59273	HEATR6	ENSG0000068097

17	55490439	55490680	55490587	8	10	20	0.614454154	0.913752	HEATR6	ENSG00000068097
17	55494496	55494850	55494673	14	19	25	0.902345261	0.639556	HEATR6	ENSG00000068097
17	55498724	55499075	55498899	10	16	15	1.246364392	0.263987	HEATR6	ENSG00000068097
17	55499468	55499906	55499617	13	19	19	1.173048839	0.308076	HEATR6	ENSG00000068097
17	55500000	55500812	55500226	10	32	29	1.290353723	0.155959	HEATR6	ENSG00000068097
17	55503288	55503481	55503384	8	8	10	0.959767232	0.541959	HEATR6	ENSG00000068097
17	55504732	55505043	55504877	10	11	15	0.879786629	0.637414	HEATR6	ENSG00000068097
17	55505430	55506089	55505867	17	33	41	0.949610965	0.591605	HEATR6	ENSG00000068097
17	55509142	55509378	55509204	9	11	22	0.612025481	0.924393	HEATR6	ENSG00000068097
17	55509437	55509889	55509584	9	19	28	0.8089992	0.772581	HEATR6	ENSG00000068097
17	55510018	55511316	55510901	31	106	68	1.819075736	4.13E-05	HEATR6	ENSG00000068097
17	55511509	55512405	55511679	31	70	61	1.343330122	0.0444403	HEATR6	ENSG00000068097
17	55514024	55514258	55514191	10	13	16	0.966040221	0.542489	HEATR6	ENSG00000068097
17	55514420	55514617	55514564	9	9	10	1.066408036	0.444985	HEATR6	ENSG00000068097
17	55515920	55516142	55516031	11	12	15	0.953102182	0.555895	HEATR6	ENSG00000068097
17	55516963	55517395	55517132	13	24	25	1.127931576	0.335219	HEATR6	ENSG00000068097
17	55517820	55518097	55517938	9	13	24	0.65690735	0.903651	HEATR6	ENSG00000068097
17	55519097	55519493	55519238	8	13	26	0.608247546	0.94153	HEATR6	ENSG00000068097
17	55520109	55520695	55520457	14	28	26	1.259941346	0.193908	HEATR6	ENSG00000068097
17	55521598	55522009	55521882	10	20	33	0.724530165	0.88296	HEATR6	ENSG00000068097
17	55522754	55523105	55522929	9	14	18	0.926091189	0.59273	HEATR6	ENSG00000068097
17	55526924	55527193	55527069	12	12	10	1.386330446	0.21117	HEATR6	ENSG00000068097
17	55534959	55535138	55535048	9	9	5	1.955081399	0.0892323	HEATR6	ENSG00000068097
17	55540078	55540257	55540162	8	8	9	1.055743955	0.456865	HEATR6	ENSG00000068097
17	55540839	55541051	55540981	9	10	13	0.921681231	0.585856	HEATR6	ENSG00000068097
17	55559702	55560190	55560011	13	24	17	1.629234499	0.0548227	CA4	ENSG00000167434
17	55560554	55561079	55560722	12	21	30	0.832486273	0.749627	CA4	ENSG00000167434
17	55561256	55561622	55561463	8	14	11	1.466311049	0.15926	CA4	ENSG00000167434
17	55564037	55564243	55564106	9	11	23	0.58652442	0.942313	CA4	ENSG00000167434
17	55564707	55564987	55564847	10	12	17	0.84720194	0.681997	CA4	ENSG00000167434
17	55566399	55566578	55566500	9	10	6	1.843362462	0.0964212	CA4	ENSG00000167434
17	55567051	55568333	55567884	32	102	81	1.473463786	0.00424214	CA4	ENSG00000167434
17	55568488	55568817	55568658	10	14	21	0.799806027	0.754204	CA4	ENSG00000167434
17	55569257	55569545	55569401	11	13	25	0.631641683	0.924582	CA4	ENSG00000167434

17	55569841	55570265	55569934	8	16	10	1.812893661	0.0578656	CA4	ENSG00000167434
17	55571216	55572461	55572090	41	86	52	1.925570736	6.26E-05	CA4	ENSG00000167434
17	55572506	55572795	55572651	11	12	12	1.173048839	0.343543	CA4	ENSG00000167434
17	55572939	55573118	55572981	8	8	8	1.173048839	0.36929	CA4	ENSG00000167434
17	55574355	55575701	55575190	50	135	100	1.579550912	0.000226371	CA4	ENSG00000167434
17	55577633	55578630	55578387	11	43	36	1.394976998	0.0670811	CA4	ENSG00000167434
17	55579349	55580428	55580114	15	51	65	0.924220298	0.667144	CA4	ENSG00000167434
17	55580442	55580778	55580610	12	16	19	0.997091513	0.507069	CA4	ENSG00000167434
17	55581218	55581728	55581397	14	25	34	0.871407709	0.706709	CA4	ENSG00000167434
17	55582774	55584234	55583028	17	77	76	1.18828324	0.141862	CA4	ENSG00000167434
17	55584484	55584864	55584646	11	17	17	1.173048839	0.317303	CA4	ENSG00000167434
17	55585657	55586095	55585916	11	22	14	1.798674887	0.0355729	CA4	ENSG00000167434
17	55586422	55587654	55586971	21	74	52	1.659974773	0.00215034	CA4	ENSG00000167434
17	55587957	55588204	55588099	12	15	14	1.251252095	0.26676	CA4	ENSG00000167434
17	55588819	55589111	55588965	9	14	11	1.466311049	0.15926		ENSG00000221779
17	55589160	55589345	55589252	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000221779
17	55589636	55589990	55589813	8	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000221779
17	55590385	55590752	55590573	9	15	14	1.251252095	0.26676		ENSG00000221779
17	55591682	55591945	55591813	10	11	12	1.082814313	0.424156		ENSG00000221779
17	55592291	55592518	55592404	8	9	14	0.78203256	0.734892		ENSG00000221779
17	55593558	55594481	55594144	24	62	41	1.759573259	0.00199911		ENSG00000221779
17	55595015	55596116	55595466	13	50	43	1.359670246	0.067187		ENSG00000221779
17	55596843	55597560	55597006	16	37	35	1.238218219	0.179382		ENSG00000221779
17	55597705	55597963	55597841	8	11	20	0.670313622	0.874201		ENSG00000221779
17	55598091	55598425	55598268	13	17	12	1.62422147	0.088135		ENSG00000221779
17	55598516	55598813	55598673	8	10	13	0.921681231	0.585856		ENSG00000221779
17	55599380	55600062	55599725	17	38	29	1.524963491	0.0399379		ENSG00000221779
17	55600094	55600320	55600226	10	12	12	1.173048839	0.343543		ENSG00000221779
17	55602889	55603897	55603718	12	44	49	1.055743955	0.397606		ENSG00000221779
17	55604143	55604466	55604304	8	13	18	0.864351776	0.666373		ENSG00000221779
17	55604474	55604737	55604634	12	15	16	1.104045966	0.390393		ENSG00000221779
17	55606847	55607271	55607017	11	19	13	1.675784056	0.0660887		ENSG00000221779
17	55625889	55626098	55626000	8	9	15	0.733155525	0.788527		ENSG00000221779
17	55656234	55656530	55656382	11	14	16	1.035043094	0.464533		ENSG00000222433

17	55661117	55661960	55661719	21	46	41	1.312697511	0.0997346	ENSG00000211027
17	55662728	55662925	55662868	8	8	15	0.659839972	0.851443	ENSG00000221009
17	55663357	55663755	55663532	23	30	44	0.808100312	0.823634	ENSG00000221009
17	55667993	55668372	55668221	12	18	17	1.238218219	0.258417	ENSG00000221009
17	55673529	55673793	55673661	10	13	16	0.966040221	0.542489	ENSG00000221009
17	55674820	55675287	55675125	8	14	13	1.256838042	0.269506	ENSG00000221009
17	55681220	55681525	55681352	8	12	26	0.564801293	0.961411	ENSG00000221009
17	55682766	55682957	55682899	8	8	12	0.812110735	0.692685	ENSG00000221009
17	55686497	55686837	55686667	10	16	8	2.215758919	0.0222902	ENSG00000221009
17	55689333	55689686	55689509	9	13	17	0.912371319	0.606688	ENSG00000212648
17	55690174	55690479	55690326	12	16	25	0.766993472	0.808934	ENSG00000212648
17	55691495	55691921	55691638	11	17	14	1.407658607	0.162567	ENSG00000212648
17	55694878	55695287	55695108	8	16	17	1.107879459	0.383112	ENSG00000212648
17	55701444	55701650	55701539	9	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000212648
17	55705225	55705572	55705394	13	17	11	1.759573259	0.0609179	ENSG00000212648
17	55706430	55706686	55706530	8	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000212648
17	55706991	55707266	55707137	10	11	13	1.005470434	0.498567	ENSG00000212648
17	55710032	55710366	55710192	8	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000212648
17	55710392	55710732	55710562	9	15	13	1.340627245	0.210788	ENSG00000212648
17	55713865	55714156	55714002	11	14	16	1.035043094	0.464533	ENSG00000212648
17	55714793	55715294	55715168	10	21	16	1.518063204	0.0959332	ENSG00000212648
17	55716896	55717155	55717033	9	12	27	0.544629818	0.970983	ENSG00000212648
17	55718299	55718800	55718471	11	21	17	1.433726359	0.126962	ENSG00000212648
17	55719642	55719822	55719732	8	9	18	0.617394126	0.901359	ENSG00000212648
17	55722032	55722479	55722340	9	17	12	1.62422147	0.088135	ENSG00000212648
17	55723216	55723410	55723280	8	9	13	0.837892028	0.672794	ENSG00000212648
17	55724941	55725262	55725117	10	14	14	1.173048839	0.332418	ENSG00000212648
17	55727606	55727839	55727722	10	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000212648
17	55728713	55729052	55728882	8	13	15	1.026417734	0.475096	ENSG00000212648
17	55730008	55730498	55730187	8	17	32	0.639844821	0.942101	ENSG00000212648
17	55732753	55733080	55732905	10	12	13	1.089259637	0.414883	ENSG00000212648
17	55733666	55733952	55733775	10	13	15	1.026417734	0.475096	ENSG00000212648
17	55735216	55735601	55735381	12	18	23	0.928663664	0.599426	ENSG00000212648
17	55735709	55736161	55735858	9	18	15	1.392995497	0.16305	ENSG00000212648

17	55736977	55737234	55737114	8	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000212648
17	55738312	55738606	55738455	10	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000212648
17	55740207	55740446	55740324	9	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000212648
17	55740978	55741157	55741083	8	8	8	1.173048839	0.36929	ENSG00000212648
17	55747592	55748196	55748043	20	33	27	1.424416448	0.0817823	ENSG00000212648
17	55748952	55749131	55749017	8	8	8	1.173048839	0.36929	ENSG00000212648
17	55750560	55750934	55750760	13	17	20	1.005470434	0.496566	ENSG00000212648
17	55751138	55751398	55751298	8	9	11	0.977540699	0.526123	ENSG00000212648
17	55752615	55752880	55752720	11	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000212648
17	55752963	55753190	55753076	8	10	17	0.71686318	0.816679	ENSG00000212648
17	55753253	55753604	55753492	8	13	27	0.58652442	0.955084	ENSG00000212648
17	55754423	55754743	55754583	8	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000212648
17	55755525	55755807	55755656	8	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000212648
17	55757515	55757815	55757665	9	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000212648
17	55761964	55762567	55762278	12	25	20	1.452346182	0.100215	ENSG00000212648
17	55764884	55765088	55764986	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000212648
17	55765175	55765421	55765271	8	9	12	0.902345261	0.602772	ENSG00000212648
17	55776866	55777865	55777553	36	86	41	2.429886881	4.45E-07	USP32 ENSG00000170832
17	55784649	55785573	55784984	26	60	55	1.277785343	0.0925873	USP32 ENSG00000170832
17	55785929	55786264	55786096	13	18	11	1.857327329	0.0427732	USP32 ENSG00000170832
17	55788047	55789407	55788250	43	120	88	1.594819209	0.000375385	USP32 ENSG00000170832
17	55789428	55789635	55789471	8	9	12	0.902345261	0.602772	USP32 ENSG00000170832
17	55789726	55790000	55789871	11	12	6	2.178519273	0.0416567	USP32 ENSG00000170832
17	55790105	55790296	55790221	8	8	2	3.519146518	0.017558	USP32 ENSG00000170832
17	55791217	55791415	55791347	8	10	20	0.614454154	0.913752	USP32 ENSG00000170832
17	55791656	55792089	55791835	10	17	15	1.319679944	0.209239	USP32 ENSG00000170832
17	55793291	55793495	55793362	8	8	7	1.319679944	0.283403	USP32 ENSG00000170832
17	55796303	55796818	55796476	10	19	22	1.020042469	0.477122	USP32 ENSG00000170832
17	55802795	55802987	55802891	10	11	3	3.519146518	0.00788869	USP32 ENSG00000170832
17	55804050	55804247	55804156	8	10	18	0.679133539	0.855647	USP32 ENSG00000170832
17	55804888	55805514	55805201	12	26	16	1.863077568	0.0200163	USP32 ENSG00000170832
17	55814028	55814770	55814330	21	51	31	1.906204364	0.00169307	USP32 ENSG00000170832
17	55816379	55816665	55816517	9	10	13	0.921681231	0.585856	USP32 ENSG00000170832
17	55818778	55819057	55818920	13	16	24	0.797673211	0.770106	USP32 ENSG00000170832

17	55820435	55820809	55820614	13	19	18	1.234788252	0.255641	USP32	ENSG00000170832
17	55821689	55821913	55821801	9	10	5	2.150589539	0.0575848	USP32	ENSG00000170832
17	55822346	55822718	55822565	18	23	14	1.876878143	0.0251753	USP32	ENSG00000170832
17	55823007	55825929	55824342	46	289	189	1.790442965	1.24E-10	USP32	ENSG00000170832
17	55826196	55826707	55826398	8	19	25	0.902345261	0.639556	USP32	ENSG00000170832
17	55827507	55828025	55827885	8	19	18	1.234788252	0.255641	USP32	ENSG00000170832
17	55829011	55829190	55829149	8	8	10	0.959767232	0.541959	USP32	ENSG00000170832
17	55831173	55831407	55831290	9	11	6	2.010940867	0.0640214	USP32	ENSG00000170832
17	55832712	55833167	55832891	8	15	16	1.104045966	0.390393	USP32	ENSG00000170832
17	55834741	55835120	55834881	11	16	20	0.949610965	0.567123	USP32	ENSG00000170832
17	55839050	55839513	55839322	11	21	26	0.955817573	0.566095	USP32	ENSG00000170832
17	55841549	55841765	55841666	8	9	9	1.173048839	0.362316	C17orf64	ENSG00000141371
17	55844815	55845000	55844911	8	8	15	0.659839972	0.851443	C17orf64	ENSG00000141371
17	55845335	55845609	55845462	10	13	22	0.714029728	0.84749	C17orf64	ENSG00000141371
17	55847225	55847784	55847610	11	24	25	1.127931576	0.335219	C17orf64	ENSG00000141371
17	55853141	55853405	55853239	11	15	12	1.443752418	0.160732	C17orf64	ENSG00000141371
17	55858248	55858698	55858427	9	18	26	0.825478813	0.744556	C17orf64	ENSG00000141371
17	55859193	55859592	55859413	13	20	15	1.539626602	0.0943825	C17orf64	ENSG00000141371
17	55860288	55860512	55860400	12	14	14	1.173048839	0.332418	C17orf64	ENSG00000141371
17	55861278	55861594	55861436	12	17	19	1.055743955	0.436418		ENSG00000213228
17	55863792	55864167	55863971	10	16	27	0.712208224	0.871901		ENSG00000213228
17	55865139	55865331	55865251	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000213228
17	55866446	55866780	55866607	12	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000213228
17	55867776	55868523	55868253	64	100	52	2.235432694	4.96E-07		ENSG00000213228
17	55870251	55870456	55870335	9	10	13	0.921681231	0.585856		ENSG00000213228
17	55870754	55871043	55870865	11	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000213228
17	55871496	55871871	55871664	9	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000213228
17	55873276	55873464	55873377	8	9	14	0.78203256	0.734892		ENSG00000213228
17	55874002	55874643	55874322	10	26	39	0.791807967	0.83043		ENSG00000213228
17	55874884	55875122	55875024	11	12	15	0.953102182	0.555895		ENSG00000213228
17	55876413	55876883	55876493	11	22	27	0.963575832	0.555868		ENSG00000213228
17	55877764	55878226	55878061	8	17	22	0.918038222	0.611544		ENSG00000213228
17	55880053	55880412	55880289	16	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000213228
17	55884176	55884485	55884331	11	13	20	0.78203256	0.76897		ENSG00000213228



17	55887566	55887820	55887647	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000213228
17	55890057	55890294	55890175	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000213228
17	55896416	55896719	55896567	9	12	11	1.270802909	0.274822		ENSG00000213228
17	55897130	55897438	55897285	9	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000213228
17	55898436	55898918	55898613	9	16	26	0.738586306	0.842793		ENSG00000213228
17	55900549	55900918	55900725	9	14	14	1.173048839	0.332418		ENSG00000213228
17	55901931	55902510	55902095	24	37	30	1.437930835	0.0657032		ENSG00000213228
17	55904685	55904937	55904783	8	10	14	0.860235815	0.65444		ENSG00000213228
17	55907953	55908187	55908070	8	10	20	0.614454154	0.913752		ENSG00000213228
17	55908900	55909150	55908992	9	12	15	0.953102182	0.555895		ENSG00000213228
17	55909170	55909376	55909248	10	11	15	0.879786629	0.637414		ENSG00000213228
17	55909838	55910057	55909947	10	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000213228
17	55910498	55910745	55910624	10	11	19	0.703829304	0.840485		ENSG00000213228
17	55911199	55911493	55911344	9	12	18	0.802612364	0.736387		ENSG00000213228
17	55911884	55912234	55912059	9	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000213228
17	55912816	55913132	55912954	12	16	24	0.797673211	0.770106	APPBP2	ENSG00000062725
17	55913138	55913446	55913289	17	20	37	0.648263832	0.949591	APPBP2	ENSG00000062725
17	55923882	55924201	55924041	11	15	10	1.706252857	0.0822346	APPBP2	ENSG00000062725
17	55931210	55931419	55931314	8	10	5	2.150589539	0.0575848	APPBP2	ENSG00000062725
17	55936406	55936640	55936497	9	12	9	1.524963491	0.154777	APPBP2	ENSG00000062725
17	55936929	55937147	55937041	12	12	11	1.270802909	0.274822	APPBP2	ENSG00000062725
17	55938447	55938717	55938570	11	13	15	1.026417734	0.475096	APPBP2	ENSG00000062725
17	55940429	55940892	55940643	8	18	26	0.825478813	0.744556	APPBP2	ENSG00000062725
17	55941462	55941796	55941631	8	12	8	1.694403879	0.107291	APPBP2	ENSG00000062725
17	55943844	55944080	55943913	8	10	10	1.173048839	0.355733	APPBP2	ENSG00000062725
17	55945089	55945407	55945252	11	14	14	1.173048839	0.332418	APPBP2	ENSG00000062725
17	55947569	55947956	55947666	11	17	21	0.959767232	0.55532	APPBP2	ENSG00000062725
17	55949333	55949648	55949583	9	13	12	1.263283365	0.272203	APPBP2	ENSG00000062725
17	55950069	55950475	55950222	8	14	8	1.955081399	0.0506438	APPBP2	ENSG00000062725
17	55954878	55955069	55955015	8	8	5	1.759573259	0.13508	APPBP2	ENSG00000062725
17	55955408	55955669	55955521	10	12	5	2.541605819	0.0225912	APPBP2	ENSG00000062725
17	55956640	55959206	55958390	87	334	149	2.619809074	5.70E-25	APPBP2	ENSG00000062725
17	55960068	55960537	55960302	17	30	17	2.020250779	0.0073882	APPBP2	ENSG00000062725
17	55960803	55962657	55962194	514	752	40	21.54404332	1.32E-197	APPBP2	ENSG00000062725

17	55966702	55966886	55966767	8	9	6	1.675784056	0.141978	APPBP2	ENSG00000062725
17	55967540	55968350	55967901	11	34	28	1.415748599	0.0821128	APPBP2	ENSG00000062725
17	55969371	55969629	55969494	19	21	8	2.867452718	0.00225035	APPBP2	ENSG00000062725
17	55970034	55970366	55970200	14	19	9	2.346097679	0.0107159	APPBP2	ENSG00000062725
17	55974429	55974654	55974565	8	11	7	1.759573259	0.102361	APPBP2	ENSG00000062725
17	55975768	55976035	55975901	8	11	8	1.564065119	0.151515	APPBP2	ENSG00000062725
17	55976631	55977566	55976810	25	62	21	3.359185313	6.24E-08	APPBP2	ENSG00000062725
17	55977838	55978135	55977986	9	14	25	0.676758946	0.893106	APPBP2	ENSG00000062725
17	55978254	55978873	55978547	8	23	22	1.224050963	0.244738	APPBP2	ENSG00000062725
17	55979696	55980008	55979861	8	13	12	1.263283365	0.272203	APPBP2	ENSG00000062725
17	55985155	55985364	55985221	8	11	19	0.703829304	0.840485	APPBP2	ENSG00000062725
17	55985381	55985560	55985470	8	8	16	0.621025856	0.886834	APPBP2	ENSG00000062725
17	55986401	55986682	55986538	9	11	17	0.78203256	0.752912	APPBP2	ENSG00000062725
17	55989438	55989852	55989617	10	20	33	0.724530165	0.88296	APPBP2	ENSG00000062725
17	55990005	55990349	55990177	12	16	10	1.812893661	0.0578656	APPBP2	ENSG00000062725
17	55990536	55990937	55990677	13	18	18	1.173048839	0.312613	APPBP2	ENSG00000062725
17	55991967	55992193	55992040	8	11	8	1.564065119	0.151515	APPBP2	ENSG00000062725
17	55994052	55994459	55994291	12	17	14	1.407658607	0.162567	APPBP2	ENSG00000062725
17	55995821	55996050	55995900	10	13	16	0.966040221	0.542489	PPM1D	ENSG00000170836
17	55996836	55997070	55996953	10	11	5	2.346097679	0.0364013	PPM1D	ENSG00000170836
17	55997478	55997787	55997613	16	17	5	3.519146518	0.00167472	PPM1D	ENSG00000170836
17	56000073	56000551	56000278	15	28	23	1.417434014	0.101931	PPM1D	ENSG00000170836
17	56000568	56000892	56000730	11	16	16	1.173048839	0.322157	PPM1D	ENSG00000170836
17	56001043	56001371	56001207	11	15	11	1.564065119	0.11768	PPM1D	ENSG00000170836
17	56001643	56002335	56002033	33	63	35	2.085420159	0.00014577	PPM1D	ENSG00000170836
17	56003399	56003982	56003656	13	29	34	1.005470434	0.493838	PPM1D	ENSG00000170836
17	56009392	56010135	56009711	15	42	46	1.073214896	0.370487	PPM1D	ENSG00000170836
17	56011328	56011683	56011505	8	12	10	1.386330446	0.21117	PPM1D	ENSG00000170836
17	56013181	56013447	56013292	9	11	10	1.279689643	0.277323	PPM1D	ENSG00000170836
17	56013705	56013906	56013805	8	10	11	1.075294769	0.434143	PPM1D	ENSG00000170836
17	56014914	56015437	56015128	8	19	5	3.910162798	0.000546977	PPM1D	ENSG00000170836
17	56016070	56016283	56016176	8	10	14	0.860235815	0.65444	PPM1D	ENSG00000170836
17	56018196	56019014	56018652	43	91	34	3.083442663	7.16E-10	PPM1D	ENSG00000170836
17	56019610	56019941	56019784	9	11	20	0.670313622	0.874201	PPM1D	ENSG00000170836

17	56022342	56022981	56022521	13	29	36	0.951120681	0.58393	PPM1D	ENSG00000170836
17	56023314	56024184	56023666	14	44	39	1.319679944	0.100549	PPM1D	ENSG00000170836
17	56025082	56025400	56025241	10	14	6	2.513676084	0.016726	PPM1D	ENSG00000170836
17	56026996	56027421	56027167	10	16	28	0.68764932	0.896593	PPM1D	ENSG00000170836
17	56029033	56029378	56029191	16	20	17	1.368556979	0.163361	PPM1D	ENSG00000170836
17	56030432	56030832	56030697	11	19	27	0.837892028	0.732314	PPM1D	ENSG00000170836
17	56031318	56033835	56032421	646	1234	185	7.788792024	2.27E-229	PPM1D	ENSG00000170836
17	56033976	56034820	56034145	16	49	61	0.946007128	0.617312	PPM1D	ENSG00000170836
17	56034835	56035462	56035024	13	29	37	0.926091189	0.626749	PPM1D	ENSG00000170836
17	56036624	56036960	56036792	11	16	18	1.049570014	0.445264	PPM1D	ENSG00000170836
17	56037212	56037483	56037347	14	17	23	0.879786629	0.664328	PPM1D	ENSG00000170836
17	56038247	56038529	56038388	10	13	12	1.263283365	0.272203	PPM1D	ENSG00000170836
17	56039057	56039284	56039171	8	9	9	1.173048839	0.362316	PPM1D	ENSG00000170836
17	56040405	56040612	56040506	9	9	4	2.346097679	0.050148	PPM1D	ENSG00000170836
17	56041455	56041683	56041588	8	8	7	1.319679944	0.283403	PPM1D	ENSG00000170836
17	56042410	56042634	56042522	9	11	18	0.740872951	0.800189	PPM1D	ENSG00000170836
17	56042653	56042838	56042765	8	8	18	0.555654713	0.936835	PPM1D	ENSG00000170836
17	56045036	56045258	56045147	9	11	11	1.173048839	0.349489	PPM1D	ENSG00000170836
17	56049626	56049899	56049744	9	14	14	1.173048839	0.332418	PPM1D	ENSG00000170836
17	56050170	56050866	56050687	11	28	24	1.360736654	0.128766	PPM1D	ENSG00000170836
17	56051162	56051445	56051298	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PPM1D	ENSG00000170836
17	56053216	56053507	56053361	8	8	5	1.759573259	0.13508	PPM1D	ENSG00000170836
17	56055635	56055876	56055749	8	12	14	1.016642327	0.486402	PPM1D	ENSG00000170836
17	56056107	56056351	56056238	9	12	5	2.541605819	0.0225912	PPM1D	ENSG00000170836
17	56061524	56061865	56061694	8	14	14	1.173048839	0.332418	PPM1D	ENSG00000170836
17	56062491	56062835	56062667	11	15	12	1.443752418	0.160732	PPM1D	ENSG00000170836
17	56063816	56064068	56063960	8	10	18	0.679133539	0.855647		ENSG00000200013
17	56067918	56068433	56068230	12	23	27	1.005470434	0.495068		ENSG00000200013
17	56069642	56069853	56069692	8	9	14	0.78203256	0.734892		ENSG00000200013
17	56069954	56070285	56070119	8	13	13	1.173048839	0.337862		ENSG00000200013
17	56070779	56071559	56071056	30	56	38	1.714455996	0.00428433		ENSG00000200013
17	56072504	56073057	56072812	16	28	16	2.001083314	0.00984958		ENSG00000200013
17	56073869	56074367	56074116	27	49	33	1.725071823	0.00643319		ENSG00000200013
17	56075708	56075967	56075827	11	13	19	0.821134188	0.720637		ENSG00000200013

17	56077095	56077286	56077190	8	9	13	0.837892028	0.672794	ENSG00000200013
17	56078169	56078689	56078499	9	22	32	0.817579494	0.775827	ENSG00000200013
17	56078768	56079275	56078992	11	24	31	0.916444406	0.631915	ENSG00000200013
17	56079785	56080292	56080113	11	22	21	1.226369241	0.247426	ENSG00000200013
17	56084961	56085336	56085159	12	18	14	1.485861863	0.123674	ENSG00000200013
17	56088644	56089137	56088798	13	22	27	0.963575832	0.555868	ENSG00000200013
17	56090345	56090528	56090436	8	8	7	1.319679944	0.283403	ENSG00000200013
17	56095494	56095712	56095603	9	9	14	0.78203256	0.734892	ENSG00000200013
17	56095734	56096023	56095878	10	14	17	0.977540699	0.52995	ENSG00000200013
17	56097639	56097836	56097718	8	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000200013
17	56097893	56098314	56098138	9	18	23	0.928663664	0.599426	ENSG00000200013
17	56099979	56100178	56100134	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000200013
17	56101778	56102249	56102070	9	17	11	1.759573259	0.0609179	ENSG00000200013
17	56102276	56102624	56102450	9	13	13	1.173048839	0.337862	BCAS3 ENSG00000141376
17	56103397	56104142	56103839	11	30	25	1.398635155	0.102563	BCAS3 ENSG00000141376
17	56106470	56106701	56106607	8	11	8	1.564065119	0.151515	BCAS3 ENSG00000141376
17	56109091	56110777	56109471	55	229	123	2.175816396	3.61E-13	BCAS3 ENSG00000141376
17	56111448	56111732	56111590	8	10	11	1.075294769	0.434143	BCAS3 ENSG00000141376
17	56114999	56115366	56115154	12	18	15	1.392995497	0.16305	BCAS3 ENSG00000141376
17	56117664	56117910	56117817	8	10	7	1.612942154	0.147335	BCAS3 ENSG00000141376
17	56118441	56118824	56118645	15	24	18	1.543485315	0.0748829	BCAS3 ENSG00000141376
17	56118830	56119122	56118976	12	15	6	2.68125449	0.0103552	BCAS3 ENSG00000141376
17	56121022	56121297	56121159	10	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000211041
17	56122101	56122349	56122215	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000211041
17	56128053	56128356	56128202	10	15	11	1.564065119	0.11768	ENSG00000211041
17	56128629	56128945	56128787	11	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000211041
17	56132381	56132702	56132535	10	15	18	0.987830602	0.518173	ENSG00000211041
17	56134376	56134620	56134523	8	9	14	0.78203256	0.734892	ENSG00000211041
17	56140164	56140343	56140201	9	9	12	0.902345261	0.602772	ENSG00000211041
17	56141702	56141987	56141847	9	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000211041
17	56145237	56145643	56145406	10	16	29	0.664727676	0.917277	ENSG00000175090
17	56151180	56151517	56151355	9	13	14	1.094845583	0.406217	ENSG00000175090
17	56151745	56152145	56151992	10	16	17	1.107879459	0.383112	ENSG00000175090
17	56152787	56153383	56153123	33	59	47	1.466311049	0.0234546	ENSG00000175090

17	56153586	56153880	56153745	8	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000175090
17	56162127	56162380	56162271	10	12	27	0.544629818	0.970983	ENSG00000175090
17	56162544	56162761	56162652	8	10	16	0.759031602	0.770272	ENSG00000175090
17	56165378	56165691	56165534	10	13	13	1.173048839	0.337862	ENSG00000175090
17	56170864	56171044	56170975	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000201988
17	56173238	56173529	56173383	8	10	15	0.806471077	0.716145	ENSG00000201988
17	56175971	56176340	56176161	26	34	31	1.283022168	0.15401	ENSG00000201988
17	56176710	56177127	56176960	15	22	19	1.349006165	0.163006	ENSG00000201988
17	56177834	56178090	56177961	11	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000201988
17	56179274	56179601	56179437	9	14	22	0.765031852	0.797133	ENSG00000201988
17	56179622	56180240	56179820	11	27	44	0.729897056	0.909171	ENSG00000201988
17	56180377	56180754	56180556	8	15	26	0.695140053	0.88251	ENSG00000201988
17	56181299	56181631	56181465	9	14	26	0.6516938	0.91539	ENSG00000201988
17	56182811	56183103	56182939	11	14	21	0.799806027	0.754204	ENSG00000201988
17	56186744	56186984	56186847	8	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000201988
17	56192700	56192963	56192831	8	10	20	0.614454154	0.913752	ENSG00000201988
17	56192978	56193178	56193082	9	9	17	0.6516938	0.871116	ENSG00000201988
17	56200052	56200365	56200192	12	16	21	0.90644683	0.624241	ENSG00000211058
17	56200736	56200937	56200900	10	10	20	0.614454154	0.913752	ENSG00000211058
17	56200952	56201235	56201060	10	14	21	0.799806027	0.754204	ENSG00000211058
17	56201443	56202001	56201826	10	22	24	1.079204932	0.398105	ENSG00000211058
17	56202199	56202427	56202288	10	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000211058
17	56203598	56203859	56203728	10	11	5	2.346097679	0.0364013	ENSG00000211058
17	56204973	56205326	56205149	12	18	18	1.173048839	0.312613	ENSG00000211058
17	56205504	56206183	56205859	9	26	25	1.218166102	0.236859	ENSG00000211058
17	56206908	56207378	56207055	9	17	17	1.173048839	0.317303	ENSG00000211058
17	56213448	56214051	56213627	33	54	7	8.06471077	2.12E-12	ENSG00000211058
17	56214141	56214415	56214280	13	16	8	2.215758919	0.0222902	ENSG00000211058
17	56222305	56222582	56222448	8	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000211058
17	56223688	56223880	56223735	10	11	14	0.938439071	0.570297	ENSG00000211058
17	56224270	56224491	56224431	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000211058
17	56231353	56231668	56231510	10	15	11	1.564065119	0.11768	ENSG00000214207
17	56277435	56278069	56277706	26	49	5	9.775406994	2.43E-12	ENSG00000211515
17	56404035	56404392	56404218	11	16	8	2.215758919	0.0222902	ENSG00000211066

17	56434385	56434698	56434553	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000211066
17	56633338	56633715	56633516	23	28	6	4.859773763	8.07E-06	ENSG00000213227
17	56642559	56644043	56643669	23	90	85	1.241249353	0.075428	ENSG00000213227
17	56644339	56644600	56644481	8	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000213227
17	56645820	56646095	56645924	9	12	23	0.635401455	0.914098	ENSG00000213227
17	56648123	56648739	56648583	10	23	25	1.082814313	0.391389	ENSG00000213227
17	56649482	56649804	56649630	12	16	21	0.90644683	0.624241	ENSG00000213227
17	56650083	56651132	56650290	19	71	90	0.928126554	0.684003	ENSG00000213227
17	56651143	56652226	56651717	89	165	92	2.093829111	2.45E-09	ENSG00000213227
17	56652632	56652927	56652779	9	14	26	0.6516938	0.91539	ENSG00000213227
17	56653299	56654104	56653506	12	32	52	0.7303889	0.925685	ENSG00000213227
17	56654334	56654690	56654512	12	17	20	1.005470434	0.496566	ENSG00000213227
17	56654733	56655351	56655042	18	39	36	1.268160907	0.14882	ENSG00000213227
17	56656495	56657739	56657368	17	71	78	1.069107803	0.342119	ENSG00000213227
17	56658845	56659553	56659156	16	34	48	0.837892028	0.791746	ENSG00000213227
17	56659650	56659953	56659784	13	15	35	0.52135504	0.988408	ENSG00000213227
17	56659981	56660361	56660154	13	19	40	0.572218946	0.983149	ENSG00000213227
17	56660583	56660982	56660762	8	15	23	0.78203256	0.783431	ENSG00000213227
17	56661701	56661996	56661837	13	17	18	1.111309427	0.376188	ENSG00000213227
17	56662877	56663966	56663607	39	128	80	1.868188892	3.65E-06	ENSG00000213227
17	56664426	56664848	56664627	12	23	28	0.970799039	0.54603	ENSG00000213227
17	56664963	56666119	56665909	20	73	98	0.876824385	0.806196	ENSG00000213227
17	56666252	56667118	56666694	28	69	61	1.32440998	0.0533216	ENSG00000213227
17	56667273	56668599	56668192	202	436	158	3.224039892	4.81E-42	ENSG00000213227
17	56668699	56670086	56669042	20	74	75	1.157613986	0.184901	ENSG00000213227
17	56670605	56671821	56670935	26	86	82	1.229581313	0.089136	ENSG00000213227
17	56671823	56672578	56672312	18	41	50	0.966040221	0.568354	ENSG00000213227
17	56673058	56673298	56673126	9	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000213227
17	56674645	56674831	56674738	8	9	28	0.4044996	0.99613	ENSG00000213227
17	56678013	56678314	56678137	9	13	17	0.912371319	0.606688	ENSG00000213227
17	56678650	56679176	56678822	11	25	22	1.32605521	0.161597	ENSG00000213227
17	56679571	56681001	56679770	18	77	103	0.879786629	0.806023	ENSG00000213227
17	56681382	56681735	56681615	9	13	32	0.497657083	0.989389	ENSG00000213227
17	56682102	56682754	56682575	20	40	45	1.045543531	0.419744	ENSG00000213227

17	56682791	56683080	56682907	15	20	25	0.947462524	0.576741	ENSG00000213227
17	56683124	56683442	56683284	9	14	9	1.759573259	0.0786014	ENSG00000213227
17	56683709	56683972	56683824	14	15	17	1.042710079	0.454615	ENSG00000213227
17	56684377	56685143	56684839	15	42	38	1.293361541	0.122166	ENSG00000213227
17	56685710	56685948	56685790	11	14	29	0.58652442	0.960286	ENSG00000213227
17	56686002	56686653	56686267	14	33	56	0.699713343	0.953744	ENSG00000213227
17	56687216	56687504	56687342	11	15	32	0.568750952	0.973063	ENSG00000213227
17	56687514	56688124	56687828	21	39	43	1.066408036	0.385991	ENSG00000213227
17	56688282	56688490	56688386	8	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000213227
17	56688662	56689354	56688962	12	28	35	0.944956009	0.592981	ENSG00000213227
17	56689966	56690367	56690145	9	17	31	0.659839972	0.927052	ENSG00000213227
17	56690379	56690596	56690466	8	10	21	0.58652442	0.934469	ENSG00000213227
17	56690622	56691333	56691170	10	29	47	0.733155525	0.91319	ENSG00000213227
17	56691362	56691946	56691767	14	34	40	1.001383156	0.500033	ENSG00000213227
17	56692473	56693107	56692700	14	29	41	0.837892028	0.774502	ENSG00000213227
17	56693149	56693587	56693380	11	21	19	1.290353723	0.204499	ENSG00000213227
17	56695306	56696220	56695593	16	45	48	1.101229523	0.320619	ENSG00000213227
17	56697599	56697826	56697751	8	11	26	0.52135504	0.975812	ENSG00000213227
17	56698130	56698736	56698475	12	27	31	1.026417734	0.462337 BCAS3	ENSG00000141376
17	56698811	56699089	56698920	8	11	16	0.828034475	0.698553 BCAS3	ENSG00000141376
17	56699990	56700600	56700221	15	30	37	0.956960895	0.575127 BCAS3	ENSG00000141376
17	56704148	56704395	56704271	12	14	11	1.466311049	0.15926 BCAS3	ENSG00000141376
17	56704893	56705289	56705012	11	18	24	0.891517118	0.651693 BCAS3	ENSG00000141376
17	56705670	56706007	56705858	12	17	20	1.005470434	0.496566 BCAS3	ENSG00000141376
17	56706818	56707324	56706997	15	26	29	1.055743955	0.421202 BCAS3	ENSG00000141376
17	56707355	56707550	56707459	8	8	9	1.055743955	0.456865 BCAS3	ENSG00000141376
17	56707620	56708071	56707892	9	20	35	0.68427849	0.922019 BCAS3	ENSG00000141376
17	56709104	56709376	56709266	8	13	15	1.026417734	0.475096 BCAS3	ENSG00000141376
17	56711514	56712762	56711976	25	95	78	1.425477071	0.00957373 BCAS3	ENSG00000141376
17	56712903	56713298	56713082	9	16	20	0.949610965	0.567123 BCAS3	ENSG00000141376
17	56713925	56714212	56714049	9	10	11	1.075294769	0.434143 BCAS3	ENSG00000141376
17	56714372	56714786	56714619	13	23	26	1.042710079	0.443237 BCAS3	ENSG00000141376
17	56716496	56718774	56717002	601	1024	131	9.108901972	2.96E-205 BCAS3	ENSG00000141376
17	56719452	56719771	56719600	11	15	10	1.706252857	0.0822346 BCAS3	ENSG00000141376

17	56719813	56720373	56720201	14	28	35	0.944956009	0.592981	BCAS3	ENSG00000141376
17	56720442	56722531	56722064	21	131	131	1.173048839	0.097706	BCAS3	ENSG00000141376
17	56722709	56722969	56722839	9	9	19	0.58652442	0.925417	BCAS3	ENSG00000141376
17	56723459	56724072	56723746	11	27	52	0.619723915	0.98246	BCAS3	ENSG00000141376
17	56724176	56724586	56724336	13	19	19	1.173048839	0.308076	BCAS3	ENSG00000141376
17	56724761	56725131	56724952	13	20	15	1.539626602	0.0943825	BCAS3	ENSG00000141376
17	56725221	56725585	56725400	15	21	28	0.889899119	0.664396	BCAS3	ENSG00000141376
17	56725671	56725956	56725799	9	12	20	0.726173091	0.825666	BCAS3	ENSG00000141376
17	56726287	56727757	56727080	17	74	63	1.374666609	0.0303975	BCAS3	ENSG00000141376
17	56728138	56728682	56728443	12	23	32	0.853126429	0.727681	BCAS3	ENSG00000141376
17	56728728	56728931	56728801	8	9	12	0.902345261	0.602772	BCAS3	ENSG00000141376
17	56728990	56729241	56729115	9	11	13	1.005470434	0.498567	BCAS3	ENSG00000141376
17	56729334	56729922	56729603	17	34	33	1.207550276	0.217308	BCAS3	ENSG00000141376
17	56730074	56730407	56730232	14	19	18	1.234788252	0.255641	BCAS3	ENSG00000141376
17	56730475	56730895	56730720	10	19	23	0.977540699	0.533404	BCAS3	ENSG00000141376
17	56731613	56731989	56731785	14	21	27	0.921681231	0.616644	BCAS3	ENSG00000141376
17	56732209	56732843	56732537	12	30	47	0.757594042	0.890211	BCAS3	ENSG00000141376
17	56732907	56733116	56733011	10	13	16	0.966040221	0.542489	BCAS3	ENSG00000141376
17	56733252	56733457	56733354	8	9	12	0.902345261	0.602772	BCAS3	ENSG00000141376
17	56733706	56734270	56734086	11	27	28	1.132598879	0.320597	BCAS3	ENSG00000141376
17	56734620	56735060	56734895	9	17	15	1.319679944	0.209239	BCAS3	ENSG00000141376
17	56735077	56735262	56735169	8	8	14	0.703829304	0.807737	BCAS3	ENSG00000141376
17	56735344	56735611	56735456	12	15	17	1.042710079	0.454615	BCAS3	ENSG00000141376
17	56735843	56736730	56736325	19	59	51	1.353517892	0.0546504	BCAS3	ENSG00000141376
17	56738004	56738307	56738137	8	12	14	1.016642327	0.486402	BCAS3	ENSG00000141376
17	56738380	56738814	56738635	11	20	17	1.368556979	0.163361	BCAS3	ENSG00000141376
17	56739229	56739441	56739368	10	13	19	0.821134188	0.720637	BCAS3	ENSG00000141376
17	56739977	56740769	56740353	20	42	38	1.293361541	0.122166	BCAS3	ENSG00000141376
17	56740779	56741048	56740916	10	14	13	1.256838042	0.269506	BCAS3	ENSG00000141376
17	56741057	56741383	56741236	15	20	21	1.119728438	0.357221	BCAS3	ENSG00000141376
17	56741559	56741930	56741788	9	15	30	0.605444562	0.95448	BCAS3	ENSG00000141376
17	56741975	56742359	56742210	9	15	24	0.750751257	0.821554	BCAS3	ENSG00000141376
17	56742713	56743280	56742934	20	34	31	1.283022168	0.15401	BCAS3	ENSG00000141376
17	56743461	56743735	56743582	13	14	15	1.099733287	0.398076	BCAS3	ENSG00000141376



17	56744237	56747368	56746789	490	992	261	4.445944647	3.24E-128	BCAS3	ENSG00000141376
17	56747438	56748130	56747776	14	30	27	1.298732644	0.157794	BCAS3	ENSG00000141376
17	56748900	56749186	56749043	12	15	12	1.443752418	0.160732	BCAS3	ENSG00000141376
17	56749286	56750547	56750152	18	68	65	1.226369241	0.118181	BCAS3	ENSG00000141376
17	56750589	56751574	56750751	13	45	39	1.349006165	0.082572	BCAS3	ENSG00000141376
17	56752353	56752567	56752460	9	11	16	0.828034475	0.698553	BCAS3	ENSG00000141376
17	56753425	56753831	56753604	12	20	24	0.985361025	0.523192	BCAS3	ENSG00000141376
17	56754384	56754628	56754545	9	11	15	0.879786629	0.637414	BCAS3	ENSG00000141376
17	56754740	56754947	56754837	9	9	18	0.617394126	0.901359	BCAS3	ENSG00000141376
17	56755231	56755706	56755397	12	22	37	0.710003245	0.907893	BCAS3	ENSG00000141376
17	56755972	56757027	56756241	13	49	77	0.751954384	0.944928	BCAS3	ENSG00000141376
17	56757485	56758102	56757852	12	28	40	0.829717472	0.783482	BCAS3	ENSG00000141376
17	56758280	56758965	56758622	10	29	47	0.733155525	0.91319	BCAS3	ENSG00000141376
17	56760800	56761011	56760905	8	8	4	2.111487911	0.0804809	BCAS3	ENSG00000141376
17	56761842	56762227	56762021	11	17	21	0.959767232	0.55532	BCAS3	ENSG00000141376
17	56762834	56764669	56764378	14	84	100	0.98721932	0.536457	BCAS3	ENSG00000141376
17	56764982	56765345	56765178	15	21	18	1.358267077	0.163254	BCAS3	ENSG00000141376
17	56765581	56765851	56765721	9	11	11	1.173048839	0.349489	BCAS3	ENSG00000141376
17	56766091	56766501	56766269	20	31	27	1.340627245	0.128083	BCAS3	ENSG00000141376
17	56766699	56767771	56767592	18	50	45	1.300554148	0.0979016	BCAS3	ENSG00000141376
17	56767971	56768941	56768291	57	104	69	1.759573259	0.000102575	BCAS3	ENSG00000141376
17	56769250	56769984	56769421	16	39	46	0.998339438	0.505379	BCAS3	ENSG00000141376
17	56770008	56770708	56770232	16	40	48	0.981530661	0.5375	BCAS3	ENSG00000141376
17	56770736	56771556	56771129	22	54	46	1.372716727	0.0548708	BCAS3	ENSG00000141376
17	56771827	56772083	56771955	9	12	11	1.270802909	0.274822	BCAS3	ENSG00000141376
17	56772640	56773119	56772830	12	25	36	0.82430459	0.779524	BCAS3	ENSG00000141376
17	56773239	56773685	56773518	10	18	24	0.891517118	0.651693	BCAS3	ENSG00000141376
17	56775660	56776093	56775918	8	17	27	0.754102825	0.831231	BCAS3	ENSG00000141376
17	56776096	56776353	56776224	16	20	17	1.368556979	0.163361	BCAS3	ENSG00000141376
17	56776510	56776862	56776667	12	17	26	0.78203256	0.796561	BCAS3	ENSG00000141376
17	56777043	56777979	56777461	9	34	57	0.7078743	0.950185	BCAS3	ENSG00000141376
17	56778077	56778948	56778538	15	48	55	1.026417734	0.448843	BCAS3	ENSG00000141376
17	56778952	56779273	56779172	11	16	11	1.661819189	0.0853913	BCAS3	ENSG00000141376
17	56779603	56780370	56779890	12	38	36	1.236456885	0.177787	BCAS3	ENSG00000141376

17	56780376	56780872	56780693	11	25	27	1.089259637	0.378702	BCAS3	ENSG00000141376
17	56781172	56782129	56781680	14	49	66	0.875409582	0.764723	BCAS3	ENSG00000141376
17	56782558	56782846	56782706	9	10	8	1.433726359	0.209175	BCAS3	ENSG00000141376
17	56783065	56785386	56784460	27	144	152	1.111712952	0.181069	BCAS3	ENSG00000141376
17	56785626	56786157	56785805	12	27	27	1.173048839	0.276183	BCAS3	ENSG00000141376
17	56786288	56787218	56786868	12	38	55	0.816944727	0.837526	BCAS3	ENSG00000141376
17	56787244	56787846	56787515	17	39	49	0.938439071	0.620532	BCAS3	ENSG00000141376
17	56788398	56789499	56789016	109	221	97	2.657314718	1.53E-17	BCAS3	ENSG00000141376
17	56790452	56790678	56790589	8	10	9	1.290353723	0.279648	BCAS3	ENSG00000141376
17	56790693	56791319	56791083	18	36	25	1.669338733	0.0212579	BCAS3	ENSG00000141376
17	56791377	56791622	56791499	8	11	19	0.703829304	0.840485	BCAS3	ENSG00000141376
17	56792387	56793125	56792634	12	35	36	1.141344817	0.287276	BCAS3	ENSG00000141376
17	56793248	56793624	56793446	14	20	14	1.642268375	0.06827	BCAS3	ENSG00000141376
17	56793758	56794895	56794143	16	61	59	1.212150467	0.144355	BCAS3	ENSG00000141376
17	56795054	56795588	56795409	12	25	54	0.554532179	0.994918	BCAS3	ENSG00000141376
17	56795727	56795983	56795844	8	11	27	0.502735217	0.982212	BCAS3	ENSG00000141376
17	56796003	56796573	56796304	14	28	22	1.47906158	0.0789867	BCAS3	ENSG00000141376
17	56796907	56797108	56797029	8	8	16	0.621025856	0.886834	BCAS3	ENSG00000141376
17	56797131	56797454	56797292	13	18	23	0.928663664	0.599426	BCAS3	ENSG00000141376
17	56798324	56799543	56798686	13	50	51	1.150490208	0.239308	BCAS3	ENSG00000141376
17	56800159	56800554	56800375	12	20	19	1.231701281	0.25288	BCAS3	ENSG00000141376
17	56800613	56801062	56800792	13	25	21	1.386330446	0.128722	BCAS3	ENSG00000141376
17	56801447	56801865	56801686	8	17	15	1.319679944	0.209239	BCAS3	ENSG00000141376
17	56802024	56802230	56802156	8	10	19	0.645176862	0.887754	BCAS3	ENSG00000141376
17	56802955	56803560	56803180	11	30	44	0.808100312	0.823634	BCAS3	ENSG00000141376
17	56803835	56805005	56804134	18	65	59	1.290353723	0.0763514	BCAS3	ENSG00000141376
17	56805522	56806084	56805728	52	73	9	8.680561411	1.62E-16	BCAS3	ENSG00000141376
17	56806571	56806976	56806813	12	19	18	1.234788252	0.255641	BCAS3	ENSG00000141376
17	56807092	56807776	56807356	13	33	29	1.329455351	0.127332	BCAS3	ENSG00000141376
17	56808177	56808466	56808333	14	19	27	0.837892028	0.732314	BCAS3	ENSG00000141376
17	56808475	56809040	56808639	12	24	30	0.946007128	0.585264	BCAS3	ENSG00000141376
17	56809057	56809982	56809410	12	41	36	1.331568953	0.101604	BCAS3	ENSG00000141376
17	56810143	56810915	56810556	12	39	31	1.466311049	0.0522376	BCAS3	ENSG00000141376
17	56811376	56811977	56811682	13	29	28	1.213498799	0.229275	BCAS3	ENSG00000141376

17	56812024	56812686	56812318	12	30	36	0.982824703	0.53112	BCAS3	ENSG00000141376
17	56812691	56813084	56812905	12	19	36	0.634080454	0.95473	BCAS3	ENSG00000141376
17	56813116	56814049	56813182	15	52	56	1.090729623	0.325826	BCAS3	ENSG00000141376
17	56815051	56815444	56815256	11	20	30	0.794645988	0.79747	BCAS3	ENSG00000141376
17	56815619	56815948	56815776	11	16	24	0.797673211	0.770106	BCAS3	ENSG00000141376
17	56816411	56817102	56816590	11	30	47	0.757594042	0.890211	BCAS3	ENSG00000141376
17	56817190	56817598	56817432	12	20	27	0.879786629	0.67594	BCAS3	ENSG00000141376
17	56817668	56818441	56817937	15	37	35	1.238218219	0.179382	BCAS3	ENSG00000141376
17	56818457	56818782	56818619	10	15	23	0.78203256	0.783431	BCAS3	ENSG00000141376
17	56819642	56820070	56819810	10	17	26	0.78203256	0.796561	BCAS3	ENSG00000141376
17	56820453	56820982	56820695	8	18	24	0.891517118	0.651693	BCAS3	ENSG00000141376
17	56820999	56821635	56821355	11	28	39	0.850460409	0.75086	BCAS3	ENSG00000141376
17	56821706	56822593	56822208	54	96	70	1.60261602	0.00115846	BCAS3	ENSG00000141376
17	56822704	56823227	56822871	12	27	25	1.263283365	0.195501	TBX2	ENSG00000121068
17	56823316	56823543	56823414	8	10	19	0.645176862	0.887754	TBX2	ENSG00000121068
17	56823804	56824005	56823977	8	10	13	0.921681231	0.585856	TBX2	ENSG00000121068
17	56824022	56826969	56825888	116	372	171	2.543879169	2.20E-26	TBX2	ENSG00000121068
17	56826972	56827964	56827151	18	52	62	0.986850611	0.530385	TBX2	ENSG00000121068
17	56827988	56828389	56828167	13	21	22	1.122046716	0.351409	TBX2	ENSG00000121068
17	56828717	56829151	56828974	10	16	22	0.867036099	0.677498	TBX2	ENSG00000121068
17	56829682	56830344	56829861	10	25	35	0.84720194	0.744739	TBX2	ENSG00000121068
17	56830356	56832136	56831961	59	221	108	2.389145342	5.77E-15	TBX2	ENSG00000121068
17	56832533	56834462	56832929	22	117	89	1.537997367	0.000978929	TBX2	ENSG00000121068
17	56834636	56835170	56834739	12	21	23	1.075294769	0.4051	TBX2	ENSG00000121068
17	56835228	56836142	56835673	19	58	38	1.774612347	0.00238579	TBX2	ENSG00000121068
17	56836261	56836894	56836565	15	36	26	1.607511372	0.0289951	TBX2	ENSG00000121068
17	56837046	56837300	56837211	8	11	13	1.005470434	0.498567	TBX2	ENSG00000121068
17	56837869	56838889	56838443	12	46	38	1.413674242	0.0542535	C17orf82	ENSG00000187013
17	56838898	56840197	56839673	28	80	63	1.484639937	0.00875262	C17orf82	ENSG00000187013
17	56840604	56841282	56840835	16	40	41	1.145119105	0.269579	C17orf82	ENSG00000187013
17	56841341	56841695	56841518	24	30	18	1.91392179	0.0113254	C17orf82	ENSG00000187013
17	56841820	56842384	56842187	14	28	28	1.173048839	0.272646	C17orf82	ENSG00000187013
17	56842544	56846082	56844476	307	963	228	4.93807459	1.76E-135	C17orf82	ENSG00000187013
17	56846309	56847268	56847090	15	46	45	1.198549901	0.191787	C17orf82	ENSG00000187013

17	56847349	56850331	56849186	84	286	179	1.870361205	1.07E-11	C17orf82	ENSG00000187013
17	56850604	56850996	56850732	9	15	15	1.173048839	0.32719	C17orf82	ENSG00000187013
17	56851004	56851513	56851357	8	19	32	0.71093869	0.891662	C17orf82	ENSG00000187013
17	56851520	56851921	56851700	8	16	29	0.664727676	0.917277	C17orf82	ENSG00000187013
17	56852033	56852352	56852175	11	13	13	1.173048839	0.337862	C17orf82	ENSG00000187013
17	56852418	56852784	56852553	8	12	13	1.089259637	0.414883	C17orf82	ENSG00000187013
17	56852956	56853352	56853128	13	22	29	0.899337443	0.653223	C17orf82	ENSG00000187013
17	56853506	56854281	56853964	15	37	35	1.238218219	0.179382	C17orf82	ENSG00000187013
17	56854345	56854668	56854502	8	12	18	0.802612364	0.736387	C17orf82	ENSG00000187013
17	56855416	56855606	56855511	11	11	7	1.759573259	0.102361	C17orf82	ENSG00000187013
17	56856100	56856909	56856402	24	55	49	1.3138147	0.0800746	C17orf82	ENSG00000187013
17	56856970	56858548	56858378	26	93	96	1.136768978	0.188568	C17orf82	ENSG00000187013
17	56858817	56859171	56858994	9	13	12	1.263283365	0.272203	C17orf82	ENSG00000187013
17	56859286	56859789	56859537	14	26	34	0.90492339	0.655516	C17orf82	ENSG00000187013
17	56862152	56862413	56862272	8	8	16	0.621025856	0.886834	C17orf82	ENSG00000187013
17	56863817	56864431	56863959	12	26	48	0.64637385	0.969227	C17orf82	ENSG00000187013
17	56866068	56866480	56866271	19	29	20	1.675784056	0.0328812	TBX4	ENSG00000121075
17	56866882	56867077	56866925	8	10	10	1.173048839	0.355733	TBX4	ENSG00000121075
17	56868485	56868689	56868567	10	11	15	0.879786629	0.637414	TBX4	ENSG00000121075
17	56869811	56870510	56869990	16	38	48	0.933651117	0.628369	TBX4	ENSG00000121075
17	56871754	56872930	56871933	19	76	92	0.971233985	0.576943	TBX4	ENSG00000121075
17	56873113	56873854	56873450	11	36	61	0.700045275	0.960051	TBX4	ENSG00000121075
17	56874201	56874410	56874267	8	11	20	0.670313622	0.874201	TBX4	ENSG00000121075
17	56874412	56875226	56874591	19	48	77	0.736915296	0.955593	TBX4	ENSG00000121075
17	56875317	56875624	56875482	12	16	24	0.797673211	0.770106	TBX4	ENSG00000121075
17	56875737	56876341	56875930	13	31	37	0.987830602	0.523017	TBX4	ENSG00000121075
17	56876508	56877505	56876805	17	55	72	0.899873082	0.726347	TBX4	ENSG00000121075
17	56877761	56878191	56877997	12	21	16	1.518063204	0.0959332	TBX4	ENSG00000121075
17	56879040	56880533	56879403	17	82	95	1.014198476	0.46403	TBX4	ENSG00000121075
17	56880610	56880801	56880634	8	10	23	0.537647385	0.963335	TBX4	ENSG00000121075
17	56881434	56883803	56882559	55	227	185	1.437930835	0.000112276	TBX4	ENSG00000121075
17	56883904	56884162	56883993	9	11	10	1.279689643	0.277323	TBX4	ENSG00000121075
17	56884570	56884774	56884724	8	10	11	1.075294769	0.434143	TBX4	ENSG00000121075
17	56885749	56886007	56885837	8	11	17	0.78203256	0.752912	TBX4	ENSG00000121075

17	56886055	56886318	56886230	12	15	11	1.564065119	0.11768	TBX4	ENSG00000121075
17	56886376	56886634	56886531	10	12	12	1.173048839	0.343543	TBX4	ENSG00000121075
17	56887197	56887506	56887351	15	19	18	1.234788252	0.255641	TBX4	ENSG00000121075
17	56887654	56888030	56887833	15	22	24	1.079204932	0.398105	TBX4	ENSG00000121075
17	56888136	56888686	56888313	15	29	24	1.407658607	0.102291	TBX4	ENSG00000121075
17	56888823	56889094	56888958	13	15	12	1.443752418	0.160732	TBX4	ENSG00000121075
17	56889437	56889686	56889561	10	12	21	0.693165223	0.860764	TBX4	ENSG00000121075
17	56889939	56890430	56890294	12	20	29	0.821134188	0.760976	TBX4	ENSG00000121075
17	56890537	56891912	56891224	20	79	81	1.144437892	0.196003	TBX4	ENSG00000121075
17	56891918	56892310	56892161	9	17	26	0.78203256	0.796561	TBX4	ENSG00000121075
17	56892388	56894603	56893250	22	132	132	1.173048839	0.0968625	TBX4	ENSG00000121075
17	56894624	56896287	56895676	14	76	82	1.088250128	0.297598	TBX4	ENSG00000121075
17	56896475	56898304	56897992	17	99	93	1.247924297	0.0616115	TBX4	ENSG00000121075
17	56898359	56898842	56898538	16	27	35	0.912371319	0.645679	TBX4	ENSG00000121075
17	56898930	56900980	56899797	62	167	149	1.3138147	0.00750037	TBX4	ENSG00000121075
17	56900999	56901222	56901063	9	12	20	0.726173091	0.825666	TBX4	ENSG00000121075
17	56902287	56903150	56902973	13	44	60	0.865363898	0.772282	TBX4	ENSG00000121075
17	56903171	56903477	56903324	14	18	24	0.891517118	0.651693	TBX4	ENSG00000121075
17	56904307	56904823	56904486	15	25	33	0.897037348	0.665614	TBX4	ENSG00000121075
17	56904871	56905540	56905050	17	32	44	0.860235815	0.748179	TBX4	ENSG00000121075
17	56905633	56906035	56905812	14	24	27	1.047365035	0.435612	TBX4	ENSG00000121075
17	56906052	56907516	56906655	17	87	78	1.306687315	0.042024	TBX4	ENSG00000121075
17	56907528	56908163	56907699	11	29	25	1.353517892	0.128607	TBX4	ENSG00000121075
17	56908176	56908692	56908520	10	21	40	0.629440841	0.964454	TBX4	ENSG00000121075
17	56908808	56909341	56909162	10	23	43	0.639844821	0.964845	TBX4	ENSG00000121075
17	56909345	56909624	56909460	9	11	15	0.879786629	0.637414	TBX4	ENSG00000121075
17	56910646	56911055	56910789	10	18	28	0.76854924	0.819816	TBX4	ENSG00000121075
17	56911434	56911986	56911651	12	25	20	1.452346182	0.100215	TBX4	ENSG00000121075
17	56912086	56913388	56912830	14	60	73	0.966972692	0.579065	TBX4	ENSG00000121075
17	56913467	56913840	56913646	10	18	18	1.173048839	0.312613	TBX4	ENSG00000121075
17	56914368	56914595	56914488	8	10	27	0.460840615	0.98972	TBX4	ENSG00000121075
17	56914597	56914861	56914722	8	12	22	0.663027605	0.890045	TBX4	ENSG00000121075
17	56914945	56915343	56915065	8	16	32	0.604297887	0.959754	TBX4	ENSG00000121075
17	56915735	56916898	56916685	15	57	64	1.046720503	0.401784	TBX4	ENSG00000121075

17	56917190	56917534	56917313	11	16	23	0.830909595	0.726247	TBX4	ENSG00000121075
17	56917562	56918664	56918260	17	73	58	1.471281595	0.0130748	TBX4	ENSG00000121075
17	56918805	56919201	56919030	14	21	31	0.806471077	0.786558	TBX4	ENSG00000121075
17	56919305	56920096	56919631	15	44	49	1.055743955	0.397606	TBX4	ENSG00000121075
17	56920127	56920488	56920309	9	16	22	0.867036099	0.677498	TBX4	ENSG00000121075
17	56920496	56921044	56920771	13	28	29	1.133947211	0.316017	TBX4	ENSG00000121075
17	56921551	56923257	56922262	15	83	97	1.005470434	0.486908	TBX4	ENSG00000121075
17	56924009	56924532	56924161	10	21	45	0.561023358	0.989682	TBX4	ENSG00000121075
17	56924600	56924958	56924779	9	15	24	0.750751257	0.821554	TBX4	ENSG00000121075
17	56924983	56926118	56925836	14	57	70	0.958265249	0.597356	TBX4	ENSG00000121075
17	56926276	56927106	56926770	14	39	42	1.091208223	0.347076	TBX4	ENSG00000121075
17	56927146	56927549	56927297	13	21	30	0.832486273	0.749627	TBX4	ENSG00000121075
17	56927657	56928040	56927862	15	22	24	1.079204932	0.398105	TBX4	ENSG00000121075
17	56928414	56928707	56928560	15	18	30	0.718965418	0.877492	TBX4	ENSG00000121075
17	56928719	56930044	56929538	15	66	85	0.913886886	0.712052	TBX4	ENSG00000121075
17	56930487	56931044	56930651	15	26	42	0.73656555	0.89825	TBX4	ENSG00000121075
17	56931238	56931536	56931387	11	16	15	1.246364392	0.263987	TBX4	ENSG00000121075
17	56931718	56932956	56932042	29	87	74	1.376377305	0.0207675	TBX4	ENSG00000121075
17	56933042	56933248	56933129	11	11	29	0.469219536	0.990608	TBX4	ENSG00000121075
17	56933863	56934820	56934151	24	59	75	0.926091189	0.67407	TBX4	ENSG00000121075
17	56935814	56937585	56937014	40	134	90	1.740237289	1.76E-05	TBX4	ENSG00000121075
17	56937963	56938537	56938288	16	31	33	1.104045966	0.345468	TBX4	ENSG00000121075
17	56938886	56939631	56939304	18	45	37	1.42000649	0.0540658	TBX4	ENSG00000121075
17	56939700	56940103	56939866	12	20	38	0.631641683	0.959905	TBX4	ENSG00000121075
17	56940301	56940677	56940476	15	21	27	0.921681231	0.616644	TBX4	ENSG00000121075
17	56940925	56941491	56941280	34	49	40	1.430547365	0.043889	TBX4	ENSG00000121075
17	56941867	56942904	56942383	19	56	77	0.857227998	0.814489	TBX4	ENSG00000121075
17	56943086	56944249	56943750	20	65	63	1.209706616	0.139244	TBX4	ENSG00000121075
17	56944676	56945124	56944956	14	23	23	1.173048839	0.291252	TBX4	ENSG00000121075
17	56945408	56945617	56945562	8	11	15	0.879786629	0.637414	TBX4	ENSG00000121075
17	56946336	56947035	56946783	24	46	37	1.450876196	0.0431771	TBX4	ENSG00000121075
17	56947522	56947882	56947665	12	17	16	1.242051712	0.261202	TBX4	ENSG00000121075
17	56948647	56948846	56948746	8	9	13	0.837892028	0.672794	TBX4	ENSG00000121075
17	56949380	56949732	56949556	16	22	23	1.124171804	0.345816	TBX4	ENSG00000121075

17	56950976	56951616	56951242	12	30	52	0.686122906	0.955769	TBX4	ENSG00000121075
17	56951719	56952109	56951937	11	18	16	1.311054585	0.208218	TBX4	ENSG00000121075
17	56952857	56953262	56953151	10	17	14	1.407658607	0.162567	TBX4	ENSG00000121075
17	56955323	56955528	56955422	9	9	21	0.533204018	0.958771	TBX4	ENSG00000121075
17	56955900	56956667	56956293	14	39	28	1.617998399	0.0230422	NACA2	ENSG00000196861
17	56956857	56958143	56957964	31	75	79	1.114396397	0.25039	NACA2	ENSG00000196861
17	56958239	56958561	56958391	12	16	36	0.538968386	0.986174	NACA2	ENSG00000196861
17	56958635	56959059	56958911	11	17	23	0.879786629	0.664328	NACA2	ENSG00000196861
17	56959941	56960192	56960066	9	9	10	1.066408036	0.444985	NACA2	ENSG00000196861
17	56960949	56961576	56961379	8	21	28	0.889899119	0.664396	NACA2	ENSG00000196861
17	56961589	56961875	56961701	8	12	13	1.089259637	0.414883	NACA2	ENSG00000196861
17	56961999	56962507	56962136	9	17	27	0.754102825	0.831231	NACA2	ENSG00000196861
17	56963926	56964136	56963988	8	9	19	0.58652442	0.925417	NACA2	ENSG00000196861
17	56964227	56964465	56964304	11	13	23	0.68427849	0.878142	NACA2	ENSG00000196861
17	56964758	56964981	56964870	14	15	29	0.625626048	0.94154	NACA2	ENSG00000196861
17	56964985	56965177	56965025	9	11	39	0.351914652	0.99974	NACA2	ENSG00000196861
17	56965333	56965763	56965548	16	26	30	1.021687699	0.47008	NACA2	ENSG00000196861
17	56965954	56966372	56966110	10	16	18	1.049570014	0.445264	NACA2	ENSG00000196861
17	56968790	56969136	56968963	10	16	18	1.049570014	0.445264	NACA2	ENSG00000196861
17	56969536	56970028	56969763	10	19	18	1.234788252	0.255641	NACA2	ENSG00000196861
17	56970614	56971137	56970844	8	17	18	1.111309427	0.376188	NACA2	ENSG00000196861
17	56971818	56972025	56971946	9	11	11	1.173048839	0.349489	NACA2	ENSG00000196861
17	56972714	56972983	56972848	11	11	12	1.082814313	0.424156	NACA2	ENSG00000196861
17	56976137	56976342	56976256	8	8	5	1.759573259	0.13508	NACA2	ENSG00000196861
17	56976617	56977248	56977043	10	25	28	1.051698959	0.428274	NACA2	ENSG00000196861
17	56980840	56981213	56981019	9	17	16	1.242051712	0.261202	NACA2	ENSG00000196861
17	56982164	56982410	56982287	9	11	18	0.740872951	0.800189	NACA2	ENSG00000196861
17	56982525	56982785	56982655	11	13	27	0.58652442	0.955084	NACA2	ENSG00000196861
17	56982877	56983169	56983025	9	12	17	0.84720194	0.681997	NACA2	ENSG00000196861
17	56983231	56983855	56983506	44	68	53	1.498895739	0.012506	NACA2	ENSG00000196861
17	56985343	56985762	56985501	9	18	31	0.696497748	0.900299	NACA2	ENSG00000196861
17	56986182	56986789	56986361	18	33	27	1.424416448	0.0817823	NACA2	ENSG00000196861
17	56986916	56987962	56987436	29	81	99	0.961900048	0.604669	NACA2	ENSG00000196861
17	56988353	56989131	56988807	35	74	62	1.396486713	0.0249697	NACA2	ENSG00000196861

17	56989560	56989747	56989640	8	9	11	0.977540699	0.526123	NACA2	ENSG00000196861
17	56989968	56990785	56990594	10	33	48	0.813952256	0.82584	NACA2	ENSG00000196861
17	56991222	56992003	56991594	13	37	29	1.485861863	0.0513049	NACA2	ENSG00000196861
17	56992379	56992936	56992557	11	24	30	0.946007128	0.585264	NACA2	ENSG00000196861
17	56993872	56994350	56994122	17	29	35	0.977540699	0.539462	NACA2	ENSG00000196861
17	56994371	56994904	56994568	12	28	27	1.214943441	0.231769	NACA2	ENSG00000196861
17	56995711	56995999	56995855	12	14	19	0.879786629	0.651591	NACA2	ENSG00000196861
17	56996881	56997423	56997244	14	27	34	0.938439071	0.602291	NACA2	ENSG00000196861
17	56997844	56998110	56997977	8	11	7	1.759573259	0.102361	NACA2	ENSG00000196861
17	56999793	57000238	57000027	10	20	23	1.026417734	0.468083	NACA2	ENSG00000196861
17	57000556	57001407	57000950	64	140	72	2.265751868	2.37E-09	NACA2	ENSG00000196861
17	57001554	57001873	57001707	10	15	13	1.340627245	0.210788	NACA2	ENSG00000196861
17	57002282	57002817	57002514	13	25	30	0.983847414	0.527416	NACA2	ENSG00000196861
17	57003240	57003502	57003371	9	12	21	0.693165223	0.860764	NACA2	ENSG00000196861
17	57004521	57004864	57004695	8	12	16	0.897037348	0.621544	NACA2	ENSG00000196861
17	57005012	57005500	57005191	18	30	21	1.652932455	0.0339016	NACA2	ENSG00000196861
17	57005926	57006153	57006023	9	11	20	0.670313622	0.874201	NACA2	ENSG00000196861
17	57006167	57006836	57006346	15	33	39	0.997091513	0.507485	NACA2	ENSG00000196861
17	57006850	57008014	57007244	85	155	92	1.967694827	6.68E-08	NACA2	ENSG00000196861
17	57008031	57008475	57008210	8	16	32	0.604297887	0.959754	NACA2	ENSG00000196861
17	57009633	57009935	57009780	10	12	15	0.953102182	0.555895	NACA2	ENSG00000196861
17	57010334	57010516	57010425	8	8	18	0.555654713	0.936835	NACA2	ENSG00000196861
17	57010622	57010801	57010711	8	8	19	0.527871978	0.95364	NACA2	ENSG00000196861
17	57011401	57012877	57011713	15	69	91	0.89253716	0.765628	NACA2	ENSG00000196861
17	57013069	57013611	57013441	10	24	39	0.733155525	0.893358	NACA2	ENSG00000196861
17	57013997	57014492	57014176	8	19	21	1.066408036	0.420026	NACA2	ENSG00000196861
17	57014996	57015988	57015568	30	71	63	1.319679944	0.0529552	NACA2	ENSG00000196861
17	57017074	57017441	57017253	11	18	26	0.825478813	0.744556	NACA2	ENSG00000196861
17	57018985	57019176	57019097	12	12	6	2.178519273	0.0416567	NACA2	ENSG00000196861
17	57019502	57020928	57020073	13	58	100	0.685246352	0.990596	NACA2	ENSG00000196861
17	57021427	57022563	57021604	16	64	83	0.907716364	0.723492	NACA2	ENSG00000196861
17	57023278	57023685	57023506	9	18	29	0.742930932	0.850763	NACA2	ENSG00000196861
17	57024098	57024957	57024668	14	37	51	0.857227998	0.768351	NACA2	ENSG00000196861
17	57025513	57025739	57025626	10	11	23	0.58652442	0.942313	NACA2	ENSG00000196861



17	57025850	57026124	57025987	9	11	26	0.52135504	0.975812	NACA2	ENSG00000196861
17	57027562	57028425	57027796	18	51	60	0.99997606	0.502052	NACA2	ENSG00000196861
17	57028524	57028932	57028753	14	20	40	0.600829893	0.975148	NACA2	ENSG00000196861
17	57029750	57030610	57030013	15	43	52	0.973851867	0.554069	NACA2	ENSG00000196861
17	57031054	57032213	57031280	15	61	68	1.054043885	0.38326	NACA2	ENSG00000196861
17	57032230	57033055	57032600	12	39	62	0.744792914	0.930883	NACA2	ENSG00000196861
17	57033716	57034007	57033861	10	13	15	1.026417734	0.475096	NACA2	ENSG00000196861
17	57034264	57034527	57034395	9	10	11	1.075294769	0.434143	NACA2	ENSG00000196861
17	57034934	57035509	57035214	16	30	43	0.826466228	0.796029	NACA2	ENSG00000196861
17	57035993	57036186	57036090	8	8	7	1.319679944	0.283403	NACA2	ENSG00000196861
17	57036556	57036735	57036632	8	9	8	1.303387599	0.281715	NACA2	ENSG00000196861
17	57038460	57038917	57038608	9	20	21	1.119728438	0.357221	NACA2	ENSG00000196861
17	57039038	57039322	57039180	11	13	18	0.864351776	0.666373	NACA2	ENSG00000196861
17	57040420	57040605	57040512	8	8	8	1.173048839	0.36929	NACA2	ENSG00000196861
17	57041184	57041474	57041306	8	10	12	0.992579787	0.511743	NACA2	ENSG00000196861
17	57043826	57044417	57044059	11	25	45	0.663027605	0.957117	NACA2	ENSG00000196861
17	57047423	57047682	57047552	10	12	6	2.178519273	0.0416567	NACA2	ENSG00000196861
17	57047955	57048161	57048058	10	12	17	0.84720194	0.681997	NACA2	ENSG00000196861
17	57048178	57048535	57048356	9	14	29	0.58652442	0.960286	NACA2	ENSG00000196861
17	57048831	57049143	57048970	8	12	13	1.089259637	0.414883	NACA2	ENSG00000196861
17	57049154	57049341	57049228	8	8	14	0.703829304	0.807737	NACA2	ENSG00000196861
17	57050158	57050393	57050251	12	13	9	1.642268375	0.111397	NACA2	ENSG00000196861
17	57051039	57051329	57051184	10	14	12	1.353517892	0.211235	NACA2	ENSG00000196861
17	57051742	57051977	57051892	10	13	12	1.263283365	0.272203	NACA2	ENSG00000196861
17	57053440	57053722	57053580	8	11	27	0.502735217	0.982212	NACA2	ENSG00000196861
17	57053743	57055336	57054676	42	112	75	1.744138406	7.26E-05	NACA2	ENSG00000196861
17	57057748	57058049	57057898	10	13	9	1.642268375	0.111397	NACA2	ENSG00000196861
17	57059914	57060290	57060067	16	21	20	1.228908308	0.250141	NACA2	ENSG00000196861
17	57061424	57061735	57061583	12	17	12	1.62422147	0.088135	NACA2	ENSG00000196861
17	57061923	57062166	57061991	11	14	13	1.256838042	0.269506	NACA2	ENSG00000196861
17	57062480	57062805	57062635	14	18	21	1.013087634	0.486601	NACA2	ENSG00000196861
17	57063007	57063305	57063173	9	13	16	0.966040221	0.542489	NACA2	ENSG00000196861
17	57067926	57068677	57068312	41	76	65	1.368556979	0.0303851	NACA2	ENSG00000196861
17	57068893	57069106	57069035	8	8	15	0.659839972	0.851443	NACA2	ENSG00000196861

17	57073109	57073356	57073232	13	13	7	2.052835469	0.046392	NACA2	ENSG00000196861
17	57074195	57074619	57074440	9	18	24	0.891517118	0.651693	NACA2	ENSG00000196861
17	57076245	57076454	57076338	9	10	16	0.759031602	0.770272	NACA2	ENSG00000196861
17	57077172	57077523	57077347	10	15	25	0.721876209	0.854481	NACA2	ENSG00000196861
17	57079873	57080217	57080045	8	13	10	1.49297125	0.157311	NACA2	ENSG00000196861
17	57081790	57082095	57081942	9	12	18	0.802612364	0.736387	NACA2	ENSG00000196861
17	57082863	57083564	57083202	12	35	53	0.78203256	0.877338	NACA2	ENSG00000196861
17	57083839	57084575	57084228	15	38	46	0.973380952	0.552102	NACA2	ENSG00000196861
17	57084718	57084915	57084816	11	11	22	0.612025481	0.924393	NACA2	ENSG00000196861
17	57086836	57087193	57087014	11	17	24	0.844595164	0.713005	NACA2	ENSG00000196861
17	57087566	57087763	57087664	8	10	15	0.806471077	0.716145	NACA2	ENSG00000196861
17	57089853	57090140	57089996	10	15	6	2.68125449	0.0103552	NACA2	ENSG00000196861
17	57091068	57091696	57091517	13	32	38	0.992579787	0.515143	NACA2	ENSG00000196861
17	57092699	57093452	57093159	12	32	53	0.71686318	0.937832	NACA2	ENSG00000196861
17	57093791	57094026	57093918	10	11	17	0.78203256	0.752912	NACA2	ENSG00000196861
17	57094041	57094836	57094702	17	44	38	1.353517892	0.0827086	NACA2	ENSG00000196861
17	57094972	57095303	57095132	9	13	11	1.368556979	0.211388	NACA2	ENSG00000196861
17	57095447	57095886	57095661	14	25	38	0.78203256	0.83915	NACA2	ENSG00000196861
17	57095916	57096099	57096013	8	9	18	0.617394126	0.901359	NACA2	ENSG00000196861
17	57100936	57101355	57101111	9	16	42	0.463763495	0.997714	NACA2	ENSG00000196861
17	57101877	57102245	57102047	14	20	18	1.296527665	0.205827	NACA2	ENSG00000196861
17	57102743	57103310	57103001	11	24	27	1.047365035	0.435612	NACA2	ENSG00000196861
17	57104320	57104672	57104496	9	13	30	0.529763992	0.980654	NACA2	ENSG00000196861
17	57110535	57110819	57110677	10	14	22	0.765031852	0.797133	NACA2	ENSG00000196861
17	57113445	57113747	57113623	8	11	21	0.639844821	0.901936	NACA2	ENSG00000196861
17	57113885	57114219	57114052	8	13	23	0.68427849	0.878142	NACA2	ENSG00000196861
17	57115647	57116346	57116192	15	34	47	0.855348112	0.762682	NACA2	ENSG00000196861
17	57116417	57116676	57116529	9	12	15	0.953102182	0.555895	NACA2	ENSG00000196861
17	57117148	57117455	57117291	8	12	20	0.726173091	0.825666	NACA2	ENSG00000196861
17	57117544	57117894	57117717	11	16	21	0.90644683	0.624241	NACA2	ENSG00000196861
17	57118637	57119033	57118870	10	16	22	0.867036099	0.677498	NACA2	ENSG00000196861
17	57119473	57120479	57119875	13	45	63	0.843128853	0.814573	NACA2	ENSG00000196861
17	57121377	57121701	57121539	8	14	21	0.799806027	0.754204	NACA2	ENSG00000196861
17	57122130	57122433	57122257	11	15	17	1.042710079	0.454615	NACA2	ENSG00000196861

17	57123799	57124294	57123959	9	16	20	0.949610965	0.567123	NACA2	ENSG00000196861
17	57124569	57124951	57124805	10	16	22	0.867036099	0.677498	NACA2	ENSG00000196861
17	57125263	57125676	57125437	10	19	22	1.020042469	0.477122	NACA2	ENSG00000196861
17	57126347	57126641	57126489	11	12	20	0.726173091	0.825666	NACA2	ENSG00000196861
17	57126698	57126955	57126835	11	13	15	1.026417734	0.475096	NACA2	ENSG00000196861
17	57127265	57127513	57127389	8	9	19	0.58652442	0.925417	NACA2	ENSG00000196861
17	57130428	57130694	57130561	11	14	14	1.173048839	0.332418	NACA2	ENSG00000196861
17	57131736	57132232	57132053	15	27	54	0.5971885	0.989	NACA2	ENSG00000196861
17	57132522	57133195	57133034	11	26	38	0.812110735	0.801731	NACA2	ENSG00000196861
17	57133575	57134507	57133867	18	54	37	1.697833846	0.00551563	NACA2	ENSG00000196861
17	57136206	57136419	57136353	8	11	8	1.564065119	0.151515	NACA2	ENSG00000196861
17	57138109	57138366	57138237	8	8	9	1.055743955	0.456865	NACA2	ENSG00000196861
17	57140558	57141485	57141017	12	40	45	1.045543531	0.419744	NACA2	ENSG00000196861
17	57142310	57142525	57142424	10	11	14	0.938439071	0.570297	NACA2	ENSG00000196861
17	57142628	57143027	57142827	9	18	13	1.591994853	0.0905191	NACA2	ENSG00000196861
17	57143045	57143335	57143206	12	14	17	0.977540699	0.52995	NACA2	ENSG00000196861
17	57148945	57149185	57149065	8	10	5	2.150589539	0.0575848	NACA2	ENSG00000196861
17	57149694	57149905	57149826	9	10	13	0.921681231	0.585856	NACA2	ENSG00000196861
17	57150025	57150690	57150471	20	40	41	1.145119105	0.269579	NACA2	ENSG00000196861
17	57151898	57152286	57152051	9	15	15	1.173048839	0.32719	NACA2	ENSG00000196861
17	57152621	57153058	57152894	12	18	20	1.061329902	0.42802	NACA2	ENSG00000196861
17	57153232	57153511	57153361	8	10	9	1.290353723	0.279648	NACA2	ENSG00000196861
17	57154404	57154658	57154520	8	11	16	0.828034475	0.698553	NACA2	ENSG00000196861
17	57155020	57156234	57155499	56	124	104	1.396486713	0.00569912	NACA2	ENSG00000196861
17	57156306	57156747	57156443	10	19	14	1.564065119	0.0925887	NACA2	ENSG00000196861
17	57156801	57157704	57157206	31	73	62	1.377866891	0.0303936	NACA2	ENSG00000196861
17	57157720	57158112	57157899	9	16	16	1.173048839	0.322157	NACA2	ENSG00000196861
17	57158466	57158794	57158630	14	18	25	0.857227998	0.700223	NACA2	ENSG00000196861
17	57159175	57159697	57159333	13	21	22	1.122046716	0.351409	NACA2	ENSG00000196861
17	57160506	57161166	57160871	19	45	51	1.03769705	0.429307	BRIP1	ENSG00000136492
17	57161573	57162225	57161997	17	36	37	1.142179133	0.283572	BRIP1	ENSG00000136492
17	57162464	57162783	57162635	12	17	26	0.78203256	0.796561	BRIP1	ENSG00000136492
17	57162985	57163892	57163650	15	50	72	0.819527271	0.865353	BRIP1	ENSG00000136492
17	57164289	57164901	57164649	9	22	20	1.284767776	0.203104	BRIP1	ENSG00000136492

17	57165222	57165549	57165385	11	17	16	1.242051712	0.261202	BRIP1	ENSG00000136492
17	57166370	57166950	57166725	11	23	30	0.908166843	0.642402	BRIP1	ENSG00000136492
17	57167128	57167820	57167489	12	34	32	1.244142708	0.184209	BRIP1	ENSG00000136492
17	57168221	57168515	57168348	8	12	11	1.270802909	0.274822	BRIP1	ENSG00000136492
17	57169122	57169430	57169286	8	12	13	1.089259637	0.414883	BRIP1	ENSG00000136492
17	57169854	57170490	57170166	40	65	39	1.935530585	0.000382859	BRIP1	ENSG00000136492
17	57170603	57170855	57170728	9	12	31	0.476551091	0.991445	BRIP1	ENSG00000136492
17	57171310	57171829	57171527	13	27	35	0.912371319	0.645679	BRIP1	ENSG00000136492
17	57171848	57172139	57171986	9	14	12	1.353517892	0.211235	BRIP1	ENSG00000136492
17	57172155	57172660	57172262	16	27	35	0.912371319	0.645679	BRIP1	ENSG00000136492
17	57173164	57173451	57173286	8	10	13	0.921681231	0.585856	BRIP1	ENSG00000136492
17	57174537	57174786	57174661	11	13	12	1.263283365	0.272203	BRIP1	ENSG00000136492
17	57174989	57175296	57175161	11	15	13	1.340627245	0.210788	BRIP1	ENSG00000136492
17	57176507	57177013	57176864	9	18	17	1.238218219	0.258417	BRIP1	ENSG00000136492
17	57177715	57177968	57177866	8	10	17	0.71686318	0.816679	BRIP1	ENSG00000136492
17	57179093	57179370	57179231	8	12	19	0.762481746	0.784291	BRIP1	ENSG00000136492
17	57182863	57183222	57183042	10	17	24	0.844595164	0.713005	BRIP1	ENSG00000136492
17	57183330	57183616	57183473	9	10	16	0.759031602	0.770272	BRIP1	ENSG00000136492
17	57184405	57184672	57184538	10	11	8	1.564065119	0.151515	BRIP1	ENSG00000136492
17	57184981	57185733	57185451	11	32	45	0.841535037	0.779206	BRIP1	ENSG00000136492
17	57185992	57186799	57186395	12	38	51	0.879786629	0.730619	BRIP1	ENSG00000136492
17	57187791	57188116	57187955	18	22	23	1.124171804	0.345816	BRIP1	ENSG00000136492
17	57188197	57188530	57188363	9	15	22	0.816033975	0.739972	BRIP1	ENSG00000136492
17	57188734	57189120	57188948	9	15	28	0.64719936	0.925559	BRIP1	ENSG00000136492
17	57189327	57189556	57189458	8	10	22	0.561023358	0.950736	BRIP1	ENSG00000136492
17	57196133	57196715	57196446	21	37	40	1.087215997	0.356783	BRIP1	ENSG00000136492
17	57197041	57197298	57197168	10	12	14	1.016642327	0.486402	BRIP1	ENSG00000136492
17	57198216	57199220	57198422	13	43	44	1.146981087	0.259856	BRIP1	ENSG00000136492
17	57199787	57200027	57199907	9	11	12	1.082814313	0.424156	BRIP1	ENSG00000136492
17	57201083	57201511	57201339	16	26	30	1.021687699	0.47008	BRIP1	ENSG00000136492
17	57201739	57202019	57201887	10	13	20	0.78203256	0.76897	BRIP1	ENSG00000136492
17	57202143	57202584	57202405	14	23	28	0.970799039	0.54603	BRIP1	ENSG00000136492
17	57202598	57202871	57202771	8	11	13	1.005470434	0.498567	BRIP1	ENSG00000136492
17	57204897	57205210	57205043	9	13	18	0.864351776	0.666373	BRIP1	ENSG00000136492

17	57206915	57207197	57207040	8	9	26	0.434462533	0.992078	BRIP1	ENSG00000136492
17	57208492	57209557	57208712	21	58	49	1.38419763	0.0448815	BRIP1	ENSG00000136492
17	57209838	57210338	57210190	10	23	20	1.340627245	0.162636	BRIP1	ENSG00000136492
17	57210419	57210694	57210548	8	11	9	1.407658607	0.210479	BRIP1	ENSG00000136492
17	57210817	57211134	57210975	15	17	13	1.508205651	0.12204	BRIP1	ENSG00000136492
17	57211743	57211971	57211903	8	11	13	1.005470434	0.498567	BRIP1	ENSG00000136492
17	57212019	57212476	57212333	13	23	28	0.970799039	0.54603	BRIP1	ENSG00000136492
17	57213123	57213460	57213283	10	15	27	0.670313622	0.906047	BRIP1	ENSG00000136492
17	57214414	57214617	57214515	9	9	9	1.173048839	0.362316	BRIP1	ENSG00000136492
17	57215020	57215258	57215130	12	12	16	0.897037348	0.621544	BRIP1	ENSG00000136492
17	57215356	57215761	57215495	11	16	14	1.329455351	0.210108	BRIP1	ENSG00000136492
17	57216528	57217135	57216967	11	27	31	1.026417734	0.462337	BRIP1	ENSG00000136492
17	57218182	57218392	57218287	8	9	19	0.58652442	0.925417	BRIP1	ENSG00000136492
17	57220026	57220258	57220142	13	14	9	1.759573259	0.0786014	BRIP1	ENSG00000136492
17	57220453	57220722	57220548	10	12	8	1.694403879	0.107291	BRIP1	ENSG00000136492
17	57221186	57221511	57221348	8	12	10	1.386330446	0.21117	BRIP1	ENSG00000136492
17	57222016	57222469	57222290	11	18	33	0.655527293	0.935584	BRIP1	ENSG00000136492
17	57222942	57223408	57223121	11	21	17	1.433726359	0.126962	BRIP1	ENSG00000136492
17	57223633	57223906	57223757	14	17	18	1.111309427	0.376188	BRIP1	ENSG00000136492
17	57224675	57224990	57224846	12	16	19	0.997091513	0.507069	BRIP1	ENSG00000136492
17	57225132	57225415	57225246	9	11	13	1.005470434	0.498567	BRIP1	ENSG00000136492
17	57228629	57228874	57228767	11	13	13	1.173048839	0.337862	BRIP1	ENSG00000136492
17	57229459	57229840	57229638	11	18	25	0.857227998	0.700223	BRIP1	ENSG00000136492
17	57230174	57230374	57230319	8	8	7	1.319679944	0.283403	BRIP1	ENSG00000136492
17	57230988	57231207	57231133	8	11	13	1.005470434	0.498567	BRIP1	ENSG00000136492
17	57231212	57231818	57231374	12	24	25	1.127931576	0.335219	BRIP1	ENSG00000136492
17	57232363	57232925	57232773	17	36	33	1.276553149	0.151977	BRIP1	ENSG00000136492
17	57233387	57233825	57233510	14	22	29	0.899337443	0.653223	BRIP1	ENSG00000136492
17	57233877	57234093	57233985	9	11	15	0.879786629	0.637414	BRIP1	ENSG00000136492
17	57234194	57234486	57234327	13	16	14	1.329455351	0.210108	BRIP1	ENSG00000136492
17	57235106	57235692	57235287	9	23	16	1.65606895	0.0532464	BRIP1	ENSG00000136492
17	57237514	57237995	57237676	10	19	27	0.837892028	0.732314	BRIP1	ENSG00000136492
17	57238120	57238772	57238299	16	35	40	1.029994103	0.450668	BRIP1	ENSG00000136492
17	57240547	57240880	57240713	11	17	21	0.959767232	0.55532	BRIP1	ENSG00000136492

17	57241171	57241396	57241315	9	9	17	0.6516938	0.871116	BRIP1	ENSG00000136492
17	57241795	57242377	57242277	15	30	41	0.865821762	0.732444	BRIP1	ENSG00000136492
17	57243172	57243550	57243351	8	15	13	1.340627245	0.210788	BRIP1	ENSG00000136492
17	57244495	57244784	57244609	8	11	15	0.879786629	0.637414	BRIP1	ENSG00000136492
17	57245266	57245485	57245433	8	10	11	1.075294769	0.434143	BRIP1	ENSG00000136492
17	57245683	57246053	57245875	8	14	14	1.173048839	0.332418	BRIP1	ENSG00000136492
17	57248062	57248496	57248223	11	21	42	0.600164522	0.977922	BRIP1	ENSG00000136492
17	57248558	57248760	57248681	9	11	21	0.639844821	0.901936	BRIP1	ENSG00000136492
17	57249983	57250395	57250203	12	21	22	1.122046716	0.351409	BRIP1	ENSG00000136492
17	57250489	57250872	57250701	9	16	16	1.173048839	0.322157	BRIP1	ENSG00000136492
17	57252216	57252410	57252346	9	9	12	0.902345261	0.602772	BRIP1	ENSG00000136492
17	57252559	57252742	57252647	8	9	17	0.6516938	0.871116	BRIP1	ENSG00000136492
17	57254500	57254977	57254663	11	21	30	0.832486273	0.749627	BRIP1	ENSG00000136492
17	57255110	57255340	57255195	10	10	16	0.759031602	0.770272	BRIP1	ENSG00000136492
17	57255447	57255685	57255550	9	10	12	0.992579787	0.511743	BRIP1	ENSG00000136492
17	57263270	57263521	57263405	8	9	12	0.902345261	0.602772	BRIP1	ENSG00000136492
17	57263845	57264039	57263987	8	9	11	0.977540699	0.526123	BRIP1	ENSG00000136492
17	57264725	57264929	57264778	11	13	16	0.966040221	0.542489	BRIP1	ENSG00000136492
17	57265146	57265664	57265375	10	21	28	0.889899119	0.664396	BRIP1	ENSG00000136492
17	57265701	57267201	57265893	49	115	72	1.864022813	1.11E-05	BRIP1	ENSG00000136492
17	57267560	57268129	57267966	12	25	26	1.129602586	0.330188	BRIP1	ENSG00000136492
17	57268504	57268905	57268736	8	15	12	1.443752418	0.160732	BRIP1	ENSG00000136492
17	57268961	57269734	57269538	40	74	63	1.374666609	0.0303975	BRIP1	ENSG00000136492
17	57269781	57270118	57269949	10	15	22	0.816033975	0.739972	BRIP1	ENSG00000136492
17	57272946	57273303	57273174	8	12	14	1.016642327	0.486402	BRIP1	ENSG00000136492
17	57273850	57274038	57273944	8	9	4	2.346097679	0.050148	BRIP1	ENSG00000136492
17	57275170	57275448	57275334	9	11	16	0.828034475	0.698553	BRIP1	ENSG00000136492
17	57275453	57275659	57275545	8	10	14	0.860235815	0.65444	BRIP1	ENSG00000136492
17	57276787	57276990	57276875	8	9	28	0.4044996	0.99613	BRIP1	ENSG00000136492
17	57277713	57277989	57277846	11	13	19	0.821134188	0.720637	BRIP1	ENSG00000136492
17	57278329	57278686	57278508	10	14	8	1.955081399	0.0506438	BRIP1	ENSG00000136492
17	57279009	57279426	57279186	11	18	31	0.696497748	0.900299	BRIP1	ENSG00000136492
17	57279873	57280179	57280010	9	12	15	0.953102182	0.555895	BRIP1	ENSG00000136492
17	57280201	57280485	57280380	12	16	15	1.246364392	0.263987	BRIP1	ENSG00000136492

17	57280494	57280760	57280627	10	14	14	1.173048839	0.332418	BRIP1	ENSG00000136492
17	57281074	57281333	57281203	15	15	7	2.346097679	0.0195693	BRIP1	ENSG00000136492
17	57281797	57282179	57281976	15	22	20	1.284767776	0.203104	BRIP1	ENSG00000136492
17	57283526	57283800	57283663	9	12	22	0.663027605	0.890045	BRIP1	ENSG00000136492
17	57283813	57284210	57284031	15	23	39	0.703829304	0.918198	BRIP1	ENSG00000136492
17	57285393	57285614	57285503	10	11	13	1.005470434	0.498567	BRIP1	ENSG00000136492
17	57286179	57286475	57286327	9	11	28	0.48539952	0.987025	BRIP1	ENSG00000136492
17	57287024	57287395	57287242	8	14	22	0.765031852	0.797133	BRIP1	ENSG00000136492
17	57287737	57288101	57287923	8	14	25	0.676758946	0.893106	BRIP1	ENSG00000136492
17	57289072	57289712	57289251	14	36	18	2.284358266	0.00119913	BRIP1	ENSG00000136492
17	57292414	57292649	57292531	12	13	12	1.263283365	0.272203	BRIP1	ENSG00000136492
17	57293636	57294891	57294267	14	66	88	0.88308171	0.78145	BRIP1	ENSG00000136492
17	57294897	57296906	57295847	59	279	163	2.002766311	2.69E-13	BRIP1	ENSG00000136492
17	57301621	57302191	57301989	21	35	31	1.319679944	0.126399		ENSG00000202361
17	57302376	57302810	57302631	21	30	28	1.253948759	0.190688		ENSG00000202361
17	57302906	57303113	57302962	11	12	13	1.089259637	0.414883		ENSG00000202361
17	57304438	57304678	57304558	8	11	17	0.78203256	0.752912		ENSG00000202361
17	57304792	57305036	57304884	11	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000202361
17	57306236	57306495	57306365	8	10	21	0.58652442	0.934469		ENSG00000202361
17	57308008	57308200	57308024	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000202361
17	57308781	57308985	57308882	8	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000202361
17	57309063	57309478	57309270	8	17	22	0.918038222	0.611544		ENSG00000202361
17	57309513	57309815	57309664	15	18	29	0.742930932	0.850763		ENSG00000202361
17	57309982	57310208	57310073	9	11	24	0.563063443	0.956421		ENSG00000202361
17	57311258	57311708	57311419	12	22	31	0.843128853	0.73853		ENSG00000202361
17	57312410	57312615	57312506	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000202361
17	57313248	57313576	57313421	14	19	20	1.117189371	0.363272		ENSG00000202361
17	57313696	57314162	57313957	11	25	21	1.386330446	0.128722		ENSG00000202361
17	57315259	57315601	57315432	12	16	21	0.90644683	0.624241		ENSG00000202361
17	57315927	57316491	57316349	9	22	21	1.226369241	0.247426		ENSG00000202361
17	57316908	57317480	57317345	10	22	47	0.562085902	0.990785		ENSG00000202361
17	57318366	57318866	57318523	15	26	25	1.218166102	0.236859		ENSG00000202361
17	57321945	57322380	57322201	11	19	48	0.478795445	0.998258		ENSG00000202361
17	57322392	57322589	57322457	9	11	11	1.173048839	0.349489		ENSG00000202361

17	57323617	57324003	57323824	12	19	19	1.173048839	0.308076		ENSG00000202361
17	57324379	57324673	57324548	10	14	19	0.879786629	0.651591		ENSG00000202361
17	57325906	57326236	57326071	8	14	19	0.879786629	0.651591		ENSG00000202361
17	57326546	57326736	57326694	8	8	9	1.055743955	0.456865		ENSG00000202361
17	57326798	57327040	57326944	9	11	16	0.828034475	0.698553		ENSG00000202361
17	57329466	57329804	57329635	10	16	21	0.90644683	0.624241		ENSG00000202361
17	57329809	57330230	57329994	10	18	28	0.76854924	0.819816		ENSG00000202361
17	57332135	57332478	57332286	12	17	36	0.570672408	0.978722		ENSG00000202361
17	57332504	57332922	57332683	9	17	26	0.78203256	0.796561	INTS2	ENSG00000108506
17	57333906	57334525	57334346	11	27	25	1.263283365	0.195501	INTS2	ENSG00000108506
17	57334534	57334886	57334731	9	14	23	0.733155525	0.834412	INTS2	ENSG00000108506
17	57335371	57335745	57335539	13	17	21	0.959767232	0.55532	INTS2	ENSG00000108506
17	57336296	57336482	57336389	11	11	13	1.005470434	0.498567	INTS2	ENSG00000108506
17	57339431	57339888	57339709	12	23	29	0.938439071	0.595359	INTS2	ENSG00000108506
17	57340563	57340829	57340651	13	16	18	1.049570014	0.445264	INTS2	ENSG00000108506
17	57340884	57341131	57341007	8	11	15	0.879786629	0.637414	INTS2	ENSG00000108506
17	57359817	57360231	57360028	17	26	9	3.167231866	0.000393236	INTS2	ENSG00000108506
17	57436631	57436874	57436778	9	13	22	0.714029728	0.84749		ENSG00000211085
17	57450021	57450582	57450388	11	24	16	1.725071823	0.0388966		ENSG00000221302
17	57498100	57498404	57498252	16	19	6	3.351568112	0.00134187	MED13	ENSG00000108510
17	57541520	57542003	57541774	16	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000207123
17	57542965	57543724	57543360	16	38	39	1.143722618	0.276418		ENSG00000207123
17	57543781	57544222	57544043	12	22	29	0.899337443	0.653223		ENSG00000207123
17	57544328	57544728	57544507	11	18	31	0.696497748	0.900299		ENSG00000207123
17	57545257	57545439	57545348	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000207123
17	57562623	57563573	57563113	15	44	41	1.256838042	0.143408		ENSG00000207123
17	57568185	57568572	57568411	10	16	20	0.949610965	0.567123		ENSG00000207123
17	57575730	57575992	57575840	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207123
17	57576179	57576670	57576358	77	85	0	100.8822002	1.03E-29		ENSG00000207123
17	57582647	57582891	57582769	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000207123
17	57595975	57596293	57596134	23	27	7	4.105670938	4.08E-05		ENSG00000207123
17	57600807	57601106	57600963	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207123
17	57854766	57855099	57854932	9	13	3	4.105670938	0.00243034	METTL2A	ENSG00000087995
17	57901866	57902123	57901994	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TLK2	ENSG00000146872



17	58056000	58056195	58056130	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MRC2	ENSG00000011028
17	58103500	58103788	58103635	14	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG000000207382
17	58135590	58135817	58135647	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG000000199697
17	58147700	58148208	58147942	65	91	6	15.41721332	2.69E-24		ENSG000000199697
17	58149271	58149919	58149731	11	31	16	2.208091933	0.00315316		ENSG000000199697
17	58157002	58157537	58157194	16	27	9	3.28453675	0.000236424		ENSG000000199697
17	58163343	58163721	58163522	62	69	3	20.52835469	2.58E-20		ENSG000000199697
17	58168883	58169076	58168979	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG000000199697
17	58231708	58232052	58231880	16	22	8	2.997791478	0.00137524	10-Mar	ENSG000000173838
17	58252301	58252575	58252433	11	14	11	1.466311049	0.15926	10-Mar	ENSG000000173838
17	58291852	58292342	58292163	27	40	22	2.091087061	0.00178999	10-Mar	ENSG000000173838
17	58381012	58381619	58381347	30	46	10	5.012117768	1.58E-08		ENSG000000207552
17	58394306	58394789	58394510	13	27	46	0.698837606	0.937621		ENSG000000207552
17	58394803	58395009	58394888	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG000000207552
17	58396228	58396499	58396321	12	15	14	1.251252095	0.26676		ENSG000000207552
17	58396507	58397179	58396686	14	34	28	1.415748599	0.0821128		ENSG000000207552
17	58399514	58399995	58399705	20	34	12	3.158208414	7.02E-05		ENSG000000207552
17	58433030	58433397	58433218	10	17	26	0.78203256	0.796561	TANC2	ENSG000000170921
17	58543991	58544236	58544075	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TANC2	ENSG000000170921
17	58557760	58557984	58557872	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TANC2	ENSG000000170921
17	58604437	58604629	58604536	8	8	5	1.759573259	0.13508	TANC2	ENSG000000170921
17	58613090	58613707	58613309	60	84	3	24.92728784	3.97E-25	TANC2	ENSG000000170921
17	58836827	58837056	58836989	10	11	3	3.519146518	0.00788869	CYB561	ENSG00000008283
17	58837863	58838097	58837980	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CYB561	ENSG00000008283
17	58856534	58856810	58856669	13	15	5	3.128130238	0.00492422	CYB561	ENSG00000008283
17	58864304	58864619	58864474	17	22	2	8.993374435	1.66E-06	CYB561	ENSG00000008283
17	58866476	58866670	58866573	8	10	6	1.843362462	0.0964212	CYB561	ENSG00000008283
17	58877772	58878054	58877922	11	14	2	5.865244197	0.000387308	CYB561	ENSG00000008283
17	58878145	58878595	58878306	10	17	10	1.919534464	0.0400548	CYB561	ENSG00000008283
17	58954176	58954366	58954271	8	8	2	3.519146518	0.017558	KCNH6	ENSG000000173826
17	58981180	58981404	58981334	9	11	4	2.815317214	0.0183428	WDR68	ENSG000000136485
17	58981545	58981778	58981687	10	13	14	1.094845583	0.406217	WDR68	ENSG000000136485
17	59031814	59032118	59031962	17	20	13	1.759573259	0.0475388	CCDC44	ENSG000000136463
17	59043443	59043725	59043571	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MAP3K3	ENSG000000198909

17	59052784	59053291	59053005	13	25	11	2.541605819	0.00248721	MAP3K3	ENSG00000198909
17	59172609	59173288	59172919	14	32	8	4.301179077	6.43E-06	STRADA	ENSG00000125695
17	59183864	59184120	59183992	19	19	6	3.351568112	0.00134187	STRADA	ENSG00000125695
17	59201334	59201657	59201495	14	19	7	2.932622098	0.00293566	CCDC47	ENSG00000108588
17	59204980	59205497	59205133	9	18	5	3.714654658	0.000961539	DDX42	ENSG00000198231
17	59223508	59223815	59223668	12	16	5	3.323638378	0.00288759	DDX42	ENSG00000198231
17	59258550	59258834	59258689	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PSMC5	ENSG00000087191
17	59260330	59260537	59260433	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PSMC5	ENSG00000087191
17	59269631	59270134	59269810	20	31	9	3.753756286	2.87E-05	SMARCD2	ENSG00000108604
17	59270437	59270633	59270525	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SMARCD2	ENSG00000108604
17	59272830	59273026	59272917	8	8	11	0.879786629	0.621301	SMARCD2	ENSG00000108604
17	59273737	59274114	59273909	37	43	10	4.692195357	9.10E-08	SMARCD2	ENSG00000108604
17	59513082	59513427	59513254	8	14	2	5.865244197	0.000387308	ERN1	ENSG00000178607
17	59576629	59577274	59577095	14	34	10	3.732428125	1.39E-05		ENSG00000199753
17	59578990	59579220	59579119	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000221462
17	59590599	59590805	59590716	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000221462
17	59641804	59642074	59641962	15	15	0	18.76878143	4.04E-06	TEX2	ENSG00000136478
17	59693257	59693436	59693366	8	8	6	1.508205651	0.203852	TEX2	ENSG00000136478
17	59694460	59694686	59694582	12	14	8	1.955081399	0.0506438	TEX2	ENSG00000136478
17	59738077	59738312	59738223	12	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000220588
17	59742159	59742372	59742265	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000220588
17	59743036	59743378	59743207	9	15	18	0.987830602	0.518173		ENSG00000220588
17	59743916	59744429	59744087	13	22	17	1.498895739	0.097269		ENSG00000220588
17	59746263	59746688	59746509	9	14	18	0.926091189	0.59273		ENSG00000220588
17	59748383	59748577	59748480	8	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000220588
17	59750434	59750834	59750604	8	14	15	1.099733287	0.398076		ENSG00000220588
17	59751805	59751989	59751897	8	8	21	0.479883616	0.975807		ENSG00000220588
17	59752061	59752549	59752359	36	61	46	1.547426128	0.0114581		ENSG00000220588
17	59754358	59754557	59754430	8	9	13	0.837892028	0.672794		ENSG00000220588
17	59758083	59758447	59758262	9	15	16	1.104045966	0.390393		ENSG00000220588
17	59759401	59759724	59759558	12	17	21	0.959767232	0.55532		ENSG00000220588
17	59760095	59760328	59760211	10	12	14	1.016642327	0.486402		ENSG00000220588
17	59762559	59762796	59762674	8	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000220588
17	59762799	59763068	59762889	12	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000220588

17	59763187	59763567	59763366	9	18	19	1.114396397	0.369586		ENSG00000220588
17	59765057	59765519	59765369	15	22	28	0.930349079	0.605811		ENSG00000220588
17	59766520	59766833	59766694	12	16	22	0.867036099	0.677498		ENSG00000220588
17	59767627	59767813	59767696	8	9	10	1.066408036	0.444985	PECAM1	ENSG00000198802
17	59768148	59769051	59768771	12	40	49	0.961900048	0.57571	PECAM1	ENSG00000198802
17	59770135	59770824	59770479	11	26	35	0.879786629	0.696575	PECAM1	ENSG00000198802
17	59771315	59771637	59771476	10	14	21	0.799806027	0.754204	PECAM1	ENSG00000198802
17	59771704	59771906	59771805	8	9	7	1.466311049	0.20706	PECAM1	ENSG00000198802
17	59774463	59774815	59774639	8	14	17	0.977540699	0.52995	PECAM1	ENSG00000198802
17	59774839	59775073	59774956	8	10	12	0.992579787	0.511743	PECAM1	ENSG00000198802
17	59775241	59775580	59775410	10	15	16	1.104045966	0.390393	PECAM1	ENSG00000198802
17	59775674	59776252	59775890	10	25	33	0.897037348	0.665614	PECAM1	ENSG00000198802
17	59893118	59893299	59893152	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000222478
17	59923529	59923932	59923730	11	19	10	2.132816071	0.01835	POLG2	ENSG00000136480
17	59932720	59933767	59933588	15	47	11	4.692195357	2.58E-08	DDX5	ENSG00000108654
17	59933898	59934132	59933982	12	15	5	3.128130238	0.00492422	DDX5	ENSG00000108654
17	59934257	59934472	59934349	10	12	3	3.812408728	0.004404	DDX5	ENSG00000108654
17	60075783	60076057	60075903	9	11	2	4.692195357	0.00272444	SMURF2	ENSG00000108854
17	60089184	60089445	60089314	8	11	3	3.519146518	0.00788869	SMURF2	ENSG00000108854
17	60201014	60201380	60201140	12	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000214176
17	60388529	60388708	60388618	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000204399
17	60401254	60402214	60401591	24	71	6	12.0656452	3.68E-18		ENSG00000204399
17	60411775	60412164	60411937	16	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000214174
17	60478182	60478361	60478291	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GNA13	ENSG00000120063
17	60485171	60485595	60485394	109	131	6	22.12034954	7.10E-37	GNA13	ENSG00000120063
17	60489235	60489480	60489341	8	8	2	3.519146518	0.017558	GNA13	ENSG00000120063
17	60490994	60491224	60491074	8	10	3	3.225884308	0.0139466	GNA13	ENSG00000120063
17	60501409	60501742	60501565	14	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000211170
17	60527138	60527377	60527289	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000211170
17	60549865	60550089	60549978	8	9	4	2.346097679	0.050148	RGS9	ENSG00000108370
17	60760229	60760414	60760321	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RGS9	ENSG00000108370
17	60856854	60857057	60856986	8	8	0	10.55743955	0.000925496	AXIN2	ENSG00000168646
17	60911990	60912203	60912090	9	10	4	2.580707446	0.0306059	AXIN2	ENSG00000168646
17	60969346	60969548	60969447	10	11	2	4.692195357	0.00272444	AXIN2	ENSG00000168646

17	60983688	60983953	60983816	9	10	4	2.580707446	0.0306059	AXIN2	ENSG00000168646
17	60996181	60996425	60996303	8	10	1	6.451768616	0.00135978	AXIN2	ENSG00000168646
17	61054778	61055128	61054953	18	23	5	4.692195357	5.29E-05	AXIN2	ENSG00000168646
17	61149949	61150166	61150069	9	10	3	3.225884308	0.0139466	CCDC46	ENSG00000154240
17	61414651	61414933	61414824	11	15	4	3.753756286	0.0020497	CCDC46	ENSG00000154240
17	61427213	61427532	61427421	9	13	5	2.737113958	0.0137917	CCDC46	ENSG00000154240
17	61467040	61467228	61467096	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CCDC46	ENSG00000154240
17	61627292	61627511	61627422	9	11	3	3.519146518	0.00788869	CCDC46	ENSG00000154240
17	61722897	61723153	61723025	15	17	4	4.222975822	0.000640773	PRKCA	ENSG00000154229
17	61778808	61779011	61778909	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000211174
17	61843987	61844297	61844142	13	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000211174
17	61887069	61887293	61887181	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000211174
17	61944326	61944508	61944417	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000211176
17	61993821	61994030	61993925	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000211176
17	62087719	62088021	62087870	13	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000211176
17	62088079	62088395	62088225	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000211176
17	62088503	62088828	62088665	8	12	14	1.016642327	0.486402		ENSG00000211176
17	62100549	62100909	62100757	16	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000211176
17	62102890	62103352	62103135	30	41	8	5.474227917	3.19E-08		ENSG00000211176
17	62113420	62113669	62113576	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000211176
17	62142406	62142670	62142538	12	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000207943
17	62154602	62154790	62154696	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000207943
17	62256148	62256447	62256297	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000207943
17	62341619	62342026	62341866	10	15	2	6.256260476	0.000199274	CACNG5	ENSG00000075429
17	62378250	62378429	62378339	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CACNG4	ENSG00000075461
17	62540256	62540467	62540361	8	9	6	1.675784056	0.141978	CACNG1	ENSG00000108878
17	62627435	62627621	62627551	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000213180
17	62639878	62640281	62640106	15	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000213180
17	62647759	62648080	62647908	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000213180
17	62671843	62672168	62672005	17	22	0	26.9801233	1.77E-08	HELZ	ENSG00000198265
17	62673218	62673544	62673381	12	16	5	3.323638378	0.00288759	HELZ	ENSG00000198265
17	62706875	62707060	62706967	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207410
17	62805304	62805500	62805390	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PITPNC1	ENSG00000154217
17	62894262	62894496	62894362	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207688

17	62934401	62934741	62934571	10	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000207688
17	63033062	63033668	63033353	11	22	6	3.854303329	0.000260696	NOL11	ENSG00000130935
17	63036678	63037018	63036848	10	14	10	1.599612054	0.114822	NOL11	ENSG00000130935
17	63056531	63056845	63056688	8	10	5	2.150589539	0.0575848	NOL11	ENSG00000130935
17	63064375	63064935	63064655	28	44	11	4.398933147	1.43E-07	NOL11	ENSG00000130935
17	63144106	63144685	63144373	23	42	22	2.193091308	0.000846736	NOL11	ENSG00000130935
17	63227095	63227274	63227193	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213179
17	63251976	63252177	63252049	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BPTF	ENSG00000171634
17	63446295	63446674	63446460	25	31	11	3.128130238	0.000146711	KPNA2	ENSG00000182481
17	63460756	63461020	63460922	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KPNA2	ENSG00000182481
17	63461824	63462049	63461954	9	10	1	6.451768616	0.00135978	KPNA2	ENSG00000182481
17	63705095	63705299	63705197	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000183600
17	63713163	63713376	63713271	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000183600
17	63755790	63756108	63755949	12	15	5	3.128130238	0.00492422	AMZ2	ENSG00000196704
17	63756195	63756664	63756374	12	22	4	5.396024661	3.05E-05	AMZ2	ENSG00000196704
17	63797717	63797919	63797818	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SLC16A6	ENSG00000108932
17	63804032	63804220	63804126	10	11	3	3.519146518	0.00788869	SLC16A6	ENSG00000108932
17	63836480	63836765	63836622	17	19	9	2.346097679	0.0107159	ARSG	ENSG00000141337
17	63886440	63886657	63886548	11	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000207561
17	63906804	63907174	63907012	13	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000207561
17	63970727	63971067	63970897	8	13	5	2.737113958	0.0137917	WIPI1	ENSG00000070540
17	63973808	63974158	63973983	9	13	4	3.28453675	0.00629037	WIPI1	ENSG00000070540
17	64019257	64019489	64019363	8	8	2	3.519146518	0.017558	PRKAR1A	ENSG00000108946
17	64020953	64021153	64021053	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PRKAR1A	ENSG00000108946
17	64041997	64042256	64042154	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FAM20A	ENSG00000108950
17	64047334	64047580	64047457	8	10	4	2.580707446	0.0306059	FAM20A	ENSG00000108950
17	64122635	64122843	64122739	10	11	4	2.815317214	0.0183428	FAM20A	ENSG00000108950
17	64205484	64206074	64205718	36	63	2	25.02504191	1.72E-19	FAM20A	ENSG00000108950
17	64267615	64267995	64267789	16	22	9	2.69801233	0.00276236	FAM20A	ENSG00000108950
17	64279672	64279997	64279837	10	13	2	5.474227917	0.000747844	FAM20A	ENSG00000108950
17	64357469	64357739	64357604	8	9	4	2.346097679	0.050148	ABCA8	ENSG00000141338
17	64743250	64743448	64743349	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ABCA10	ENSG00000154263
17	64835088	64835353	64835216	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ABCA5	ENSG00000154265
17	64866710	64866907	64866808	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000211230

17	64938149	64938562	64938368	69	83	3	24.63402563	8.34E-25	MAP2K6	ENSG00000108984
17	64974302	64974567	64974434	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65114825	65115706	65115100	537	621	6	104.2337683	4.57E-198	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65117318	65117603	65117445	14	16	6	2.848832895	0.00632407	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65635137	65635418	65635286	8	10	1	6.451768616	0.00135978	KCNJ16	ENSG00000153822
17	66966094	66966453	66966285	19	25	6	4.357038546	4.72E-05		ENSG00000211255
17	67391044	67391243	67391117	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000218389
17	67634245	67634531	67634362	9	11	4	2.815317214	0.0183428	SOX9	ENSG00000125398
17	67642322	67642600	67642461	12	15	7	2.346097679	0.0195693	SOX9	ENSG00000125398
17	67781423	67781755	67781589	18	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000211264
17	67859686	67860055	67859900	8	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000211264
17	67985461	67985647	67985554	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000211264
17	68064740	68065059	68064901	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000200783
17	68184448	68184627	68184455	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000200783
17	68191625	68192035	68191875	12	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000200783
17	68600329	68600613	68600468	10	12	2	5.083211637	0.00143337	SLC39A11	ENSG00000133195
17	68732502	68732831	68732662	10	15	3	4.692195357	0.000718455	FAM104A	ENSG00000133193
17	68763595	68763785	68763651	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CPSF4L	ENSG00000187959
17	68786035	68786295	68786157	9	10	4	2.580707446	0.0306059	CPSF4L	ENSG00000187959
17	68786467	68786688	68786577	8	10	4	2.580707446	0.0306059	CPSF4L	ENSG00000187959
17	68815984	68816372	68816143	14	20	6	3.519146518	0.000784044	CDC42EP4	ENSG00000179604
17	68818786	68819177	68819032	8	13	1	8.211341875	0.000163445	CDC42EP4	ENSG00000179604
17	68867828	68868058	68867895	9	12	2	5.083211637	0.00143337	SDK2	ENSG00000069188
17	69049540	69049800	69049670	11	13	1	8.211341875	0.000163445	SDK2	ENSG00000069188
17	69070725	69070945	69070835	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SDK2	ENSG00000069188
17	69094719	69094965	69094878	9	10	3	3.225884308	0.0139466	SDK2	ENSG00000069188
17	69121941	69122317	69122156	28	34	4	8.211341875	1.23E-08	SDK2	ENSG00000069188
17	69124050	69124501	69124213	10	16	2	6.647276756	0.000101928	SDK2	ENSG00000069188
17	69464375	69464599	69464472	8	9	4	2.346097679	0.050148	C17orf54	ENSG00000177338
17	69506453	69506691	69506572	9	11	2	4.692195357	0.00272444	C17orf54	ENSG00000177338
17	69553361	69553544	69553463	8	8	2	3.519146518	0.017558	RPL38	ENSG00000172809
17	69632950	69633491	69633129	9	20	2	8.211341875	6.65E-06	RPL38	ENSG00000172809
17	69684540	69684866	69684673	8	12	2	5.083211637	0.00143337	RPL38	ENSG00000172809
17	69700769	69701156	69700915	11	16	4	3.988366054	0.00115141	RPL38	ENSG00000172809

17	69711189	69711534	69711347	13	17	3	5.278719777	0.000205462	RPL38	ENSG00000172809
17	69902956	69903212	69903046	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000200021
17	70001140	70001370	70001221	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CD300A	ENSG00000167851
17	70110559	70110738	70110648	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CD300LD	ENSG00000204345
17	70179023	70179325	70179164	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	RAB37	ENSG00000172794
17	70246846	70247031	70246919	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RAB37	ENSG00000172794
17	70266085	70266941	70266571	14	41	10	4.47891375	2.87E-07	SLC9A3R1	ENSG00000109062
17	70267709	70267996	70267868	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	SLC9A3R1	ENSG00000109062
17	70268284	70268788	70268640	13	21	6	3.686724924	0.000453999	SLC9A3R1	ENSG00000109062
17	70277449	70278037	70277899	8	19	10	2.132816071	0.01835	NAT9	ENSG00000109065
17	70288778	70289021	70288945	9	12	1	7.624817456	0.000332769	TMEM104	ENSG00000109066
17	70380491	70380780	70380635	13	18	2	7.429309316	2.63E-05	FDXR	ENSG00000161513
17	70380879	70381364	70381033	8	16	5	3.323638378	0.00288759	FDXR	ENSG00000161513
17	70465724	70465961	70465888	10	10	2	4.301179077	0.00512919	C17orf28	ENSG00000167861
17	70469316	70469595	70469428	11	15	2	6.256260476	0.000199274	C17orf28	ENSG00000167861
17	70476299	70476495	70476350	8	8	9	1.055743955	0.456865	C17orf28	ENSG00000167861
17	70516949	70517235	70517115	9	12	1	7.624817456	0.000332769	ICT1	ENSG00000167862
17	70528139	70528325	70528232	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ICT1	ENSG00000167862
17	70541273	70541604	70541438	10	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000222347
17	70542642	70543081	70542870	15	26	3	7.918079665	5.55E-07		ENSG00000222347
17	70591599	70591778	70591704	8	8	6	1.508205651	0.203852	SLC16A5	ENSG00000170190
17	70613327	70613679	70613503	10	16	3	4.985457567	0.000385643	ARMC7	ENSG00000125449
17	70617401	70617790	70617528	9	13	1	8.211341875	0.000163445	ARMC7	ENSG00000125449
17	70713108	70713413	70713260	9	14	6	2.513676084	0.016726	NUP85	ENSG00000125450
17	70746355	70746670	70746522	12	14	6	2.513676084	0.016726	GGA3	ENSG00000125447
17	70769330	70769639	70769469	14	18	7	2.785990993	0.00480525	MRPS7	ENSG00000125445
17	70797714	70797993	70797878	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SLC25A19	ENSG00000125454
17	70901507	70901931	70901686	15	25	7	3.812408728	0.00012465	GRB2	ENSG00000177885
17	70912075	70912267	70912171	8	8	8	1.173048839	0.36929	GRB2	ENSG00000177885
17	70915576	70915764	70915670	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000223217
17	70963883	70964296	70964062	17	26	16	1.863077568	0.0200163	KIAA0195	ENSG00000177728
17	70967147	70967393	70967246	12	13	2	5.474227917	0.000747844	KIAA0195	ENSG00000177728
17	70979759	70979988	70979914	9	10	2	4.301179077	0.00512919	KIAA0195	ENSG00000177728
17	71023413	71023625	71023530	10	11	3	3.519146518	0.00788869	CASKIN2	ENSG00000177303

17	71023964	71024183	71024073	10	10	0	12.90353723	0.000195991	TSEN54	ENSG00000182173
17	71048122	71048422	71048250	16	19	2	7.820325595	1.32E-05	LLGL2	ENSG00000073350
17	71057008	71057229	71057142	12	14	5	2.932622098	0.00829617	LLGL2	ENSG00000073350
17	71065487	71065714	71065605	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000204326
17	71097276	71097516	71097395	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000204326
17	71140653	71141133	71140832	15	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000204323
17	71141582	71141774	71141678	13	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000204323
17	71153212	71153439	71153315	12	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000204323
17	71187675	71187883	71187779	8	8	5	1.759573259	0.13508	SAP30BP	ENSG00000161526
17	71291141	71291368	71291268	9	10	4	2.580707446	0.0306059	UNK	ENSG00000132478
17	71292147	71292431	71292315	8	10	7	1.612942154	0.147335	UNK	ENSG00000132478
17	71292742	71293416	71293264	15	38	6	6.535557819	1.65E-08	UNK	ENSG00000132478
17	71352479	71352777	71352628	10	13	5	2.737113958	0.0137917	UNC13D	ENSG00000092929
17	71412666	71412954	71412810	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	MRPL38	ENSG00000204316
17	71467207	71467400	71467303	9	11	2	4.692195357	0.00272444	FBF1	ENSG00000188878
17	71487367	71487577	71487436	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ACOX1	ENSG00000161533
17	71580149	71580360	71580278	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	SRP68	ENSG00000167881
17	71639886	71640634	71640084	32	66	2	26.19809074	1.83E-20	FOXJ1	ENSG00000129654
17	71861630	71861848	71861735	9	10	2	4.301179077	0.00512919	PRPSAP1	ENSG00000161542
17	72009183	72009425	72009302	8	8	5	1.759573259	0.13508	RHBDF2	ENSG00000129667
17	72048459	72048796	72048627	10	14	5	2.932622098	0.00829617	PRCD	ENSG00000214140
17	72058725	72059264	72058944	29	47	0	56.30634429	6.62E-17		ENSG00000204303
17	72065162	72065525	72065414	11	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000204303
17	72149268	72149562	72149415	12	16	5	3.323638378	0.00288759	ST6GALNA	ENSG00000070526
17	72179470	72179767	72179638	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000199735
17	72180091	72180344	72180217	9	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000199735
17	72244939	72245559	72245285	12	28	2	11.33947211	2.41E-08	MFSD11	ENSG00000092931
17	72426571	72426825	72426679	8	11	1	7.038293036	0.000674435	MGAT5B	ENSG00000167889
17	72596360	72596609	72596489	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000212386
17	72682603	72682865	72682758	15	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000211400
17	72777810	72778025	72777969	10	12	4	3.049926982	0.0108184	9-Sep	ENSG00000184640
17	72789395	72789592	72789493	8	8	0	10.55743955	0.000925496	9-Sep	ENSG00000184640
17	72793702	72794925	72793926	77	155	10	16.63596536	1.93E-40	9-Sep	ENSG00000184640
17	72795285	72795640	72795462	9	15	4	3.753756286	0.0020497	9-Sep	ENSG00000184640



17	72796418	72796790	72796676	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	9-Sep	ENSG00000184640
17	72985142	72985496	72985288	10	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000203307
17	73100256	73100451	73100343	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000203307
17	73434225	73434418	73434321	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000204283
17	73546640	73546865	73546808	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	TNRC6C	ENSG00000078687
17	73694942	73695296	73695120	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	AFMID	ENSG00000183077
17	73706627	73706994	73706782	9	13	1	8.211341875	0.000163445	AFMID	ENSG00000183077
17	73797530	73797740	73797623	13	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000204277
17	73815526	73815774	73815643	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000204277
17	73859428	73859645	73859536	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SOCS3	ENSG00000184557
17	73929756	73929950	73929828	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PGS1	ENSG00000087157
17	74299726	74300174	74299950	23	35	2	14.07658607	1.57E-10	CYTH1	ENSG00000108669
17	74348497	74348724	74348610	9	11	1	7.038293036	0.000674435	USP36	ENSG00000055483
17	74373429	74373709	74373578	10	13	5	2.737113958	0.0137917	USP36	ENSG00000055483
17	74513005	74513318	74513157	13	13	5	2.737113958	0.0137917	CANT1	ENSG00000171302
17	74622573	74622812	74622718	12	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000167280
17	74735869	74736406	74736039	17	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000167280
17	75247351	75247572	75247420	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214105
17	75253477	75253776	75253599	10	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000214105
17	75385241	75385690	75385420	11	20	3	6.158506406	2.99E-05	CBX8	ENSG00000141570
17	75403000	75403179	75403094	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CBX8	ENSG00000141570
17	75410258	75410451	75410354	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CBX4	ENSG00000141582
17	75480859	75481040	75480979	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000184247
17	75491958	75492205	75492093	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000184247
17	75594277	75594603	75594440	12	13	4	3.28453675	0.00629037	TBC1D16	ENSG00000167291
17	75619099	75619424	75619252	9	14	2	5.865244197	0.000387308	TBC1D16	ENSG00000167291
17	75758270	75758483	75758355	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CARD14	ENSG00000141527
17	75806305	75806523	75806414	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SGSH	ENSG00000181523
17	75843043	75843509	75843279	16	26	4	6.334463732	2.40E-06	KIAA1618	ENSG00000180843
17	76015307	76015562	76015425	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000173818
17	76036162	76036591	76036433	15	21	4	5.161414893	5.68E-05	NPTX1	ENSG00000171246
17	76133054	76133365	76133233	17	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000141564
17	76163810	76164031	76163920	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000216958
17	76282497	76283069	76282690	50	70	0	83.28646759	1.17E-24		ENSG00000216958

17	76623514	76623708	76623611	9	9	1	5.865244197	0.00272497	BAIAP2	ENSG00000175866
17	76625711	76626076	76625890	13	20	4	4.926805125	0.00010522	BAIAP2	ENSG00000175866
17	76645444	76645748	76645596	8	12	2	5.083211637	0.00143337	BAIAP2	ENSG00000175866
17	76690220	76690455	76690315	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000207736
17	76828064	76828520	76828257	40	54	2	21.50589539	1.39E-16	C17orf56	ENSG00000167302
17	76865707	76866058	76865882	13	19	2	7.820325595	1.32E-05	SLC38A10	ENSG00000157637
17	76894845	76895279	76895014	20	28	3	8.504604085	1.43E-07	C17orf55	ENSG00000185168
17	76897818	76898037	76897904	8	8	5	1.759573259	0.13508	C17orf55	ENSG00000185168
17	76917862	76918331	76918092	15	24	8	3.258468998	0.000499412	TMEM105	ENSG00000185332
17	76982338	76982765	76982500	22	31	9	3.753756286	2.87E-05		ENSG00000171282
17	76983693	76983911	76983830	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000171282
17	77144269	77144541	77144415	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000207021
17	77299581	77299958	77299792	17	23	2	9.384390715	8.25E-07	SLC25A10	ENSG00000183048
17	77301037	77301609	77301332	18	36	7	5.425350882	2.04E-07	SLC25A10	ENSG00000183048
17	77531281	77531578	77531446	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ASPSCR1	ENSG00000169696
17	77657404	77657783	77657625	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	FASN	ENSG00000169710
17	77757099	77757294	77757196	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CCDC57	ENSG00000176155
17	77767947	77768235	77768091	10	13	5	2.737113958	0.0137917	CCDC57	ENSG00000176155
17	77849423	77849608	77849524	9	9	2	3.910162798	0.00955088	CD7	ENSG00000173762
17	77935761	77936217	77935959	19	29	2	11.73048839	1.18E-08	UTS2R	ENSG00000181408
17	78045718	78046129	78045888	14	22	9	2.69801233	0.00276236	FOXK2	ENSG00000141568
17	78046842	78047442	78047217	71	98	6	16.59026216	1.79E-26	FOXK2	ENSG00000141568
17	78085496	78085743	78085580	9	12	3	3.812408728	0.004404	FOXK2	ENSG00000141568
17	78085779	78086089	78085932	18	21	1	12.90353723	4.95E-07	FOXK2	ENSG00000141568
17	78332935	78333284	78333109	20	26	2	10.55743955	9.97E-08	TBCD	ENSG00000141556
17	78390976	78391419	78391240	18	28	4	6.803683268	6.55E-07	ZNF750	ENSG00000141579
17	78391652	78391949	78391800	18	19	6	3.351568112	0.00134187	ZNF750	ENSG00000141579
17	78409520	78409841	78409680	18	23	8	3.128130238	0.000832453	ZNF750	ENSG00000141579
17	78426474	78426726	78426594	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ZNF750	ENSG00000141579
17	78427270	78427488	78427353	9	9	4	2.346097679	0.050148	ZNF750	ENSG00000141579
17	78440159	78440604	78440455	9	17	6	3.016411301	0.00381427	ZNF750	ENSG00000141579
17	78440643	78441010	78440805	13	19	10	2.132816071	0.01835	ZNF750	ENSG00000141579
17	78620726	78621062	78620887	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	METRNL	ENSG00000176845
17	78640512	78640755	78640609	13	14	6	2.513676084	0.016726	METRNL	ENSG00000176845

17	78648057	78648417	78648260	12	18	4	4.457585589	0.000353565	METRNL	ENSG00000176845
18	97615	97820	97719	8	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000215585
18	98070	98624	98389	46	74	76	1.142580038	0.206401		ENSG00000215585
18	98706	99662	99306	38	93	119	0.918888257	0.73236		ENSG00000215585
18	486895	487197	487054	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	COLEC12	ENSG00000158270
18	579398	579588	579492	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000222174
18	587032	587227	587129	10	12	3	3.812408728	0.004404	CLUL1	ENSG00000079101
18	594769	594987	594931	9	10	4	2.580707446	0.0306059	CLUL1	ENSG00000079101
18	647323	647656	647494	12	15	3	4.692195357	0.000718455	TYMS	ENSG00000176890
18	647958	648639	648298	100	135	8	17.72607135	4.11E-36	C18orf56	ENSG00000176912
18	802421	802636	802528	8	8	2	3.519146518	0.017558	YES1	ENSG00000176105
18	893767	893954	893860	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ADCYAP1	ENSG00000141433
18	995744	995944	995844	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ADCYAP1	ENSG00000141433
18	2503659	2503838	2503727	8	8	1	5.278719777	0.00542188	METTL4	ENSG00000101574
18	2561103	2561286	2561203	8	10	4	2.580707446	0.0306059	METTL4	ENSG00000101574
18	2561292	2561750	2561578	12	21	8	2.867452718	0.00225035	NDC80	ENSG00000080986
18	2645052	2645387	2645217	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000180715
18	2867008	2867254	2867131	16	18	3	5.571981987	0.000108726	EMILIN2	ENSG00000132205
18	2922233	2922412	2922325	8	8	1	5.278719777	0.00542188	LPIN2	ENSG00000101577
18	2984611	2984824	2984739	8	8	1	5.278719777	0.00542188	LPIN2	ENSG00000101577
18	3034600	3035687	3034952	47	99	4	23.46097679	7.93E-29	LPIN2	ENSG00000101577
18	3036319	3036498	3036402	8	8	2	3.519146518	0.017558	LPIN2	ENSG00000101577
18	3048402	3048731	3048568	15	19	5	3.910162798	0.000546977	LPIN2	ENSG00000101577
18	3063544	3063813	3063686	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	LPIN2	ENSG00000101577
18	3226417	3226761	3226583	20	25	13	2.178519273	0.00752428		ENSG00000101608
18	3235947	3236342	3236085	11	18	15	1.392995497	0.16305		ENSG00000101608
18	3236852	3237342	3237163	11	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000101608
18	3237519	3237836	3237678	20	23	11	2.346097679	0.00594236		ENSG00000101608
18	3238057	3238243	3238143	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000101608
18	3247427	3247625	3247546	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000118680
18	3251625	3251823	3251724	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000118680
18	3252126	3252543	3252244	9	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000118680
18	3252598	3253088	3252921	13	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000118680
18	3287285	3287661	3287525	20	26	9	3.167231866	0.000393236		ENSG00000118680

18	3320701	3321183	3320932	10	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000118680
18	3387025	3387488	3387204	17	30	10	3.305864911	0.000112487	TGIF1	ENSG00000177426
18	3437873	3438506	3438033	20	40	5	8.015833735	1.06E-09	TGIF1	ENSG00000177426
18	3440553	3440743	3440619	8	9	4	2.346097679	0.050148	TGIF1	ENSG00000177426
18	3502050	3502363	3502206	9	13	6	2.346097679	0.0266147	TGIF1	ENSG00000177426
18	3583206	3583490	3583353	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000177337
18	3583552	3584331	3583776	45	96	12	8.752749032	4.31E-21		ENSG00000177337
18	3584337	3584611	3584467	12	16	12	1.533986944	0.120062		ENSG00000177337
18	3593058	3593266	3593145	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000177337
18	3593547	3593829	3593688	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000177337
18	3656327	3656561	3656444	12	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000177337
18	3749706	3749885	3749795	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000209562
18	3761440	3761790	3761625	10	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000209562
18	6984105	6984309	6984190	9	9	0	11.73048839	0.000425898	LAMA1	ENSG00000101680
18	7024969	7025306	7025123	16	20	3	6.158506406	2.99E-05	LAMA1	ENSG00000101680
18	7718385	7718669	7718524	14	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000221631
18	7723721	7724037	7723888	14	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000221631
18	8306163	8306365	8306295	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212067
18	8890550	8890752	8890651	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000209617
18	9063751	9063930	9063860	8	8	2	3.519146518	0.017558	NDUFV2	ENSG00000178127
18	9126321	9126656	9126482	8	11	6	2.010940867	0.0640214	ANKRD12	ENSG00000101745
18	9280063	9280551	9280354	31	47	1	28.15317214	1.78E-15		ENSG00000209637
18	9356330	9356575	9356451	12	13	3	4.105670938	0.00243034	TWSG1	ENSG00000128791
18	9464883	9465107	9464995	8	10	5	2.150589539	0.0575848	RALBP1	ENSG00000017797
18	9465113	9465395	9465254	11	16	3	4.985457567	0.000385643	RALBP1	ENSG00000017797
18	9635959	9636151	9636035	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000212572
18	9733578	9733769	9733696	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RAB31	ENSG00000168461
18	9787154	9787399	9787274	9	11	11	1.173048839	0.349489	RAB31	ENSG00000168461
18	9839423	9839841	9839602	8	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000209655
18	9941362	9941580	9941495	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000223138
18	9961340	9961583	9961478	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000223138
18	10084375	10084606	10084501	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000223138
18	10199362	10199712	10199537	20	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000209662
18	10311423	10311602	10311443	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209662

18	10480770	10480968	10480842	8	9	5	1.955081399	0.0892323	NAPG	ENSG00000134265
18	10510137	10510359	10510223	9	11	7	1.759573259	0.102361	NAPG	ENSG00000134265
18	10515856	10516139	10516009	12	14	2	5.865244197	0.000387308	NAPG	ENSG00000134265
18	10548722	10548992	10548857	9	11	5	2.346097679	0.0364013	NAPG	ENSG00000134265
18	10677641	10677859	10677748	11	12	2	5.083211637	0.00143337	FAM38B	ENSG00000154864
18	11032192	11032439	11032315	10	11	2	4.692195357	0.00272444	C18orf58	ENSG00000168738
18	11040252	11040552	11040405	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	C18orf58	ENSG00000168738
18	11126341	11126653	11126497	10	14	3	4.398933147	0.00132748	C18orf58	ENSG00000168738
18	11186071	11186327	11186205	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C18orf58	ENSG00000168738
18	11377886	11378178	11378032	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000153081
18	11645328	11645600	11645451	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000153081
18	11679030	11679217	11679098	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GNAL	ENSG00000141404
18	11841248	11841489	11841385	8	11	5	2.346097679	0.0364013	MPPE1	ENSG00000154889
18	11971002	11971230	11971128	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	IMPA2	ENSG00000141401
18	11972236	11972445	11972340	11	11	2	4.692195357	0.00272444	IMPA2	ENSG00000141401
18	12028985	12029276	12029130	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000212712
18	12261610	12262092	12261913	11	20	3	6.158506406	2.99E-05	CIDEA	ENSG00000176194
18	12299545	12300268	12300052	33	55	5	10.94845583	3.92E-14	TUBB6	ENSG00000176014
18	12413989	12414173	12414080	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SLMO1	ENSG00000141391
18	12521855	12522087	12521929	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000209679
18	12635521	12635709	12635642	8	8	5	1.759573259	0.13508	SPIRE1	ENSG00000134278
18	12635760	12636050	12635914	10	13	7	2.052835469	0.046392	SPIRE1	ENSG00000134278
18	12648589	12648956	12648786	9	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000215527
18	12688332	12688512	12688422	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PSMG2	ENSG00000128789
18	12688515	12688700	12688596	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PSMG2	ENSG00000128789
18	12731347	12731687	12731517	23	27	4	6.5690735	1.26E-06		ENSG00000201466
18	12734125	12734389	12734257	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201466
18	12773160	12773620	12773372	17	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000201466
18	12845952	12846210	12846065	8	11	4	2.815317214	0.0183428	PTPN2	ENSG00000175354
18	12938161	12938388	12938274	10	10	3	3.225884308	0.0139466	SEH1L	ENSG00000085415
18	12980809	12981335	12981156	9	20	6	3.519146518	0.000784044	CEP192	ENSG00000101639
18	13103123	13103342	13103277	12	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000215235
18	13206186	13206510	13206341	10	13	5	2.737113958	0.0137917	C18orf1	ENSG00000168675
18	13243684	13243951	13243817	12	13	3	4.105670938	0.00243034	C18orf1	ENSG00000168675

18	13716477	13716685	13716581	9	9	2	3.910162798	0.00955088	C18orf19	ENSG00000177150
18	13791003	13791262	13791145	12	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000211528
18	13973524	13973757	13973633	10	12	2	5.083211637	0.00143337	MC2R	ENSG00000185231
18	14076683	14076893	14076788	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ZNF519	ENSG00000175322
18	16765512	16766511	16765691	37	88	113	0.915801287	0.73496		ENSG00000216205
18	16766804	16767533	16767048	43	64	119	0.635401455	0.998698		ENSG00000216205
18	16767616	16767797	16767641	9	9	18	0.617394126	0.901359		ENSG00000216205
18	16768027	16768357	16768192	11	12	13	1.089259637	0.414883		ENSG00000216205
18	16770000	16771055	16770179	28	59	131	0.533204018	0.999986		ENSG00000216205
18	16771307	16771566	16771436	8	8	22	0.459019111	0.982776		ENSG00000216205
18	16771778	16772422	16772134	66	86	134	0.755964808	0.980294		ENSG00000216205
18	16772555	16772737	16772640	10	12	15	0.953102182	0.555895		ENSG00000216205
18	16772749	16773141	16772967	28	37	56	0.78203256	0.883568		ENSG00000216205
18	16773689	16773946	16773841	17	19	23	0.977540699	0.533404		ENSG00000216205
18	16773992	16774448	16774273	42	51	80	0.753068391	0.94736		ENSG00000216205
18	17018396	17018669	17018533	12	16	13	1.424416448	0.161813	KIAA1772	ENSG00000141449
18	17238412	17238768	17238527	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000221139
18	17382637	17382874	17382745	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ESCO1	ENSG00000141446
18	17446080	17446345	17446212	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	SNRPD1	ENSG00000167088
18	17699800	17699993	17699899	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207694
18	18097330	18097556	18097443	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000209762
18	18212785	18212976	18212880	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CTAGE1	ENSG00000212710
18	18300547	18300918	18300641	11	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000181358
18	18747828	18748131	18747996	13	13	4	3.28453675	0.00629037	RBBP8	ENSG00000101773
18	18766990	18767239	18767111	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RBBP8	ENSG00000101773
18	18965718	18965914	18965877	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CABLES1	ENSG00000134508
18	19091707	19091911	19091850	8	9	6	1.675784056	0.141978	CABLES1	ENSG00000134508
18	19093767	19094034	19093881	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CABLES1	ENSG00000134508
18	19094337	19094771	19094500	10	18	5	3.714654658	0.000961539	CABLES1	ENSG00000134508
18	19111342	19112022	19111574	26	44	3	13.19679944	1.95E-12	CABLES1	ENSG00000134508
18	19116072	19116275	19116173	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CABLES1	ENSG00000134508
18	19147063	19147566	19147278	24	38	3	11.43722618	1.38E-10	C18orf45	ENSG00000134490
18	19165183	19165599	19165362	16	25	10	2.772660893	0.00131329	C18orf45	ENSG00000134490
18	19337051	19337276	19337163	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C18orf8	ENSG00000141452

18	19349875	19350164	19350036	12	15	3	4.692195357	0.000718455	C18orf8	ENSG00000141452
18	19364479	19364679	19364579	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C18orf8	ENSG00000141452
18	19420574	19420857	19420693	11	13	5	2.737113958	0.0137917	NPC1	ENSG00000141458
18	19537111	19537347	19537229	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000215051
18	19553718	19554132	19553897	10	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000215051
18	19717482	19717871	19717692	20	28	0	34.01841634	1.68E-10		ENSG00000221389
18	19828486	19828751	19828633	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TTC39C	ENSG00000168234
18	19857435	19857795	19857632	13	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000176309
18	19910262	19910506	19910384	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000215504
18	19972824	19973177	19973000	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	CABYR	ENSG00000154040
18	20106018	20106223	20106150	9	9	5	1.955081399	0.0892323	OSBPL1A	ENSG00000141447
18	20193761	20194037	20193875	8	9	1	5.865244197	0.00272497	OSBPL1A	ENSG00000141447
18	20196697	20197140	20196961	19	27	6	4.692195357	1.46E-05	OSBPL1A	ENSG00000141447
18	20231757	20232267	20231864	10	20	6	3.519146518	0.000784044	OSBPL1A	ENSG00000141447
18	20260388	20260567	20260477	8	8	2	3.519146518	0.017558	IMPACT	ENSG00000154059
18	20868089	20868379	20868229	19	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000216836
18	21185962	21186185	21186073	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ZNF521	ENSG00000198795
18	21337726	21337955	21337860	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ZNF521	ENSG00000198795
18	21367093	21367616	21367333	49	69	3	20.52835469	2.58E-20	ZNF521	ENSG00000198795
18	21730228	21730417	21730322	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209859
18	21751494	21751749	21751591	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000209859
18	21924983	21925247	21925142	9	12	8	1.694403879	0.107291	SS18	ENSG00000141380
18	21931458	21931864	21931661	31	40	4	9.619000482	2.08E-10	SS18	ENSG00000141380
18	21986727	21986912	21986819	9	9	0	11.73048839	0.000425898	DHFR	ENSG00000188985
18	22060040	22060340	22060190	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	TAF4B	ENSG00000141384
18	22141271	22141451	22141280	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000209863
18	22275477	22275728	22275602	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000207160
18	22294726	22295158	22294907	24	34	8	4.561856597	2.04E-06	KCTD1	ENSG00000134504
18	22338739	22338918	22338797	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KCTD1	ENSG00000134504
18	22382473	22382688	22382581	8	9	4	2.346097679	0.050148	KCTD1	ENSG00000134504
18	22383560	22384079	22383825	8	21	5	4.301179077	0.000172642	KCTD1	ENSG00000134504
18	22384237	22384677	22384464	24	38	4	9.149780947	8.17E-10	KCTD1	ENSG00000134504
18	22409396	22409575	22409485	9	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000214993
18	22455475	22455707	22455591	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KCTD1	ENSG00000134504

18	23381091	23381368	23381233	19	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000215499
18	23439227	23439452	23439339	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000215499
18	26261769	26262341	26262129	13	27	4	6.5690735	1.26E-06		
18	26991435	26991728	26991587	13	17	7	2.639359888	0.00777415	DSC1	ENSG00000134765
18	27075838	27076261	27076015	20	31	9	3.753756286	2.87E-05	DSG1	ENSG00000134760
18	27078690	27078884	27078771	9	9	0	11.73048839	0.000425898	DSG1	ENSG00000134760
18	27347609	27347819	27347695	8	8	2	3.519146518	0.017558	DSG2	ENSG00000046604
18	27547301	27547727	27547510	34	47	2	18.76878143	2.45E-14		ENSG00000200472
18	27776909	27777246	27777077	13	18	4	4.457585589	0.000353565	KIAA1012	ENSG00000153339
18	27992107	27992313	27992210	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000199373
18	28119011	28119333	28119172	22	24	0	29.32622098	3.74E-09		ENSG00000222395
18	28206527	28206899	28206666	9	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000215492
18	29394608	29395017	29394853	13	18	1	11.14396397	4.44E-06	ASXL3	ENSG00000141431
18	31013559	31013858	31013720	20	22	0	26.9801233	1.77E-08	ZNF397	ENSG00000186812
18	31123810	31124122	31123966	8	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000215490
18	31124136	31124423	31124275	9	14	4	3.519146518	0.00361132	ZNF271	ENSG00000118267
18	31177842	31178104	31177973	8	12	3	3.812408728	0.004404	ZNF24	ENSG00000172466
18	31189064	31189316	31189153	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ZNF24	ENSG00000172466
18	31331827	31332073	31331979	10	13	7	2.052835469	0.046392	INO80C	ENSG00000153391
18	31531504	31531691	31531635	9	9	1	5.865244197	0.00272497	GALNT1	ENSG00000141429
18	31580865	31581045	31581021	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GALNT1	ENSG00000141429
18	31695823	31696401	31696222	39	56	1	33.43189192	1.95E-18		ENSG00000207797
18	31806355	31806740	31806565	13	19	2	7.820325595	1.32E-05	C18orf21	ENSG00000141428
18	31933360	31933552	31933456	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC39A6	ENSG00000141424
18	31958934	31959242	31959090	11	13	1	8.211341875	0.000163445	SLC39A6	ENSG00000141424
18	31963076	31963385	31963217	12	16	3	4.985457567	0.000385643	SLC39A6	ENSG00000141424
18	31963390	31963826	31963647	13	21	4	5.161414893	5.68E-05	ELP2	ENSG00000134759
18	32021502	32021778	32021658	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	MOCOS	ENSG00000075643
18	32649552	32649865	32649730	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	C18orf10	ENSG00000134779
18	33116540	33116732	33116636	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BRUNOL4	ENSG00000101489
18	33133435	33133743	33133589	10	14	4	3.519146518	0.00361132	BRUNOL4	ENSG00000101489
18	34554277	34554519	34554398	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000222704
18	36049952	36050305	36050128	23	28	1	17.00920817	2.80E-09		
18	40565760	40565965	40565862	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SETBP1	ENSG00000152217



18	41193413	41193749	41193581	10	16	4	3.988366054	0.00115141	SLC14A2	ENSG00000132874
18	41525326	41525577	41525452	10	13	5	2.737113958	0.0137917	SLC14A1	ENSG00000141469
18	41544202	41544381	41544215	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SLC14A1	ENSG00000141469
18	41572613	41573045	41572799	9	17	5	3.519146518	0.00167472	SLC14A1	ENSG00000141469
18	41573205	41573459	41573332	10	13	8	1.824742639	0.0744168	SLC14A1	ENSG00000141469
18	41594520	41594895	41594703	16	24	7	3.665777623	0.000215502	SLC14A1	ENSG00000141469
18	41610421	41610645	41610477	8	9	8	1.303387599	0.281715	SIGLEC15	ENSG00000197046
18	41627015	41627678	41627419	22	41	18	2.593055329	0.000148738	SIGLEC15	ENSG00000197046
18	41635425	41635693	41635541	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	SIGLEC15	ENSG00000197046
18	41636479	41637355	41636846	35	62	21	3.359185313	6.24E-08	SIGLEC15	ENSG00000197046
18	41711457	41711727	41711592	8	9	6	1.675784056	0.141978	KIAA1632	ENSG00000152223
18	41713961	41714414	41714140	10	18	10	2.026175268	0.0273052	KIAA1632	ENSG00000152223
18	41801228	41801629	41801386	9	13	6	2.346097679	0.0266147	KIAA1632	ENSG00000152223
18	41867624	41867893	41867763	15	16	2	6.647276756	0.000101928	PSTPIP2	ENSG00000152229
18	41902773	41903095	41902948	13	17	1	10.55743955	9.18E-06	PSTPIP2	ENSG00000152229
18	41903537	41904152	41903710	36	54	8	7.168631796	9.17E-12	PSTPIP2	ENSG00000152229
18	41906055	41906276	41906165	9	10	0	12.90353723	0.000195991	PSTPIP2	ENSG00000152229
18	41907787	41908016	41907865	10	11	8	1.564065119	0.151515	PSTPIP2	ENSG00000152229
18	41932109	41932543	41932364	19	30	7	4.545564252	7.31E-06	ATP5A1	ENSG00000152234
18	41937917	41938531	41938087	11	22	6	3.854303329	0.000260696	ATP5A1	ENSG00000152234
18	41947697	41948061	41947876	12	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000200088
18	41992576	41992789	41992682	10	11	5	2.346097679	0.0364013	C18orf25	ENSG00000152242
18	42007303	42008229	42007940	16	48	22	2.499104049	7.64E-05	C18orf25	ENSG00000152242
18	42033574	42033919	42033742	13	18	2	7.429309316	2.63E-05	C18orf25	ENSG00000152242
18	42047395	42047588	42047475	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C18orf25	ENSG00000152242
18	42084357	42084731	42084536	18	25	4	6.099853964	4.56E-06	C18orf25	ENSG00000152242
18	42107852	42108129	42108002	12	16	12	1.533986944	0.120062	RNF165	ENSG00000141622
18	42115197	42115458	42115327	14	14	4	3.519146518	0.00361132	RNF165	ENSG00000141622
18	42127768	42127947	42127878	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RNF165	ENSG00000141622
18	42158508	42158861	42158684	8	12	3	3.812408728	0.004404	RNF165	ENSG00000141622
18	42246170	42246382	42246277	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RNF165	ENSG00000141622
18	42302440	42302762	42302587	27	32	2	12.90353723	1.37E-09	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42303391	42303886	42303710	24	36	19	2.170140353	0.00197388	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42308103	42308327	42308215	8	10	3	3.225884308	0.0139466	LOXHD1	ENSG00000167210

18	42312711	42313050	42312881	11	14	3	4.398933147	0.00132748	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42352389	42352633	42352520	9	10	1	6.451768616	0.00135978	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42376500	42376779	42376627	12	13	3	4.105670938	0.00243034	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42457397	42457726	42457557	18	23	3	7.038293036	4.15E-06	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42465687	42465894	42465832	8	8	5	1.759573259	0.13508	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42492188	42492465	42492337	9	13	8	1.824742639	0.0744168	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42511651	42511869	42511760	8	8	6	1.508205651	0.203852	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42569705	42569956	42569805	23	24	1	14.66311049	5.43E-08	ST8SIA5	ENSG00000101638
18	42615907	42616146	42616015	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ST8SIA5	ENSG00000101638
18	42702136	42702620	42702369	15	29	0	35.19146518	7.73E-11	PIAS2	ENSG00000078043
18	42707840	42708019	42707893	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PIAS2	ENSG00000078043
18	42711319	42711721	42711524	29	38	2	15.24963491	1.78E-11	PIAS2	ENSG00000078043
18	42953064	42953307	42953149	9	9	0	11.73048839	0.000425898	IER3IP1	ENSG00000134049
18	42955129	42955386	42955257	8	10	1	6.451768616	0.00135978	IER3IP1	ENSG00000134049
18	43047031	43047279	43047142	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000215474
18	43376224	43376546	43376373	12	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000184125
18	43553045	43553277	43553159	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000210133
18	43804134	43804436	43804300	20	23	6	4.021881735	0.000148535	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43809011	43809371	43809158	12	17	10	1.919534464	0.0400548	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43880559	43880771	43880665	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43887677	43887881	43887767	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000206944
18	43905898	43906162	43905998	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000206944
18	43913066	43913336	43913217	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000206944
18	43914045	43914473	43914294	24	35	16	2.484103424	0.000610563		ENSG00000206944
18	43938260	43938508	43938396	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000206944
18	44088486	44088700	44088593	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000206944
18	44110338	44110810	44110570	43	61	1	36.36451402	4.36E-20		ENSG00000200872
18	44110880	44111187	44111057	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000200872
18	44192779	44193053	44192914	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000200872
18	44227047	44227250	44227148	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000200872
18	44235260	44235521	44235390	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000200872
18	44328478	44328886	44328740	8	15	4	3.753756286	0.0020497	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44396380	44397188	44396559	22	46	6	7.876185064	9.12E-11	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44442803	44443016	44442909	9	9	1	5.865244197	0.00272497	KIAA0427	ENSG00000134030

18	44492277	44492568	44492435	8	11	7	1.759573259	0.102361	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44513082	44513494	44513315	18	26	3	7.918079665	5.55E-07	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44600585	44600764	44600674	8	8	2	3.519146518	0.017558	SMAD7	ENSG00000101665
18	44608516	44608746	44608607	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SMAD7	ENSG00000101665
18	44628871	44629426	44629209	32	48	5	9.579898854	4.82E-12	SMAD7	ENSG00000101665
18	44682405	44682606	44682505	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	SMAD7	ENSG00000101665
18	44728726	44729043	44728892	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SMAD7	ENSG00000101665
18	44763421	44763646	44763531	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SMAD7	ENSG00000101665
18	44771229	44771470	44771389	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SMAD7	ENSG00000101665
18	44777360	44777675	44777517	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	SMAD7	ENSG00000101665
18	44800886	44801124	44801005	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SMAD7	ENSG00000101665
18	44801925	44802584	44802094	15	33	10	3.625787322	2.36E-05	SMAD7	ENSG00000101665
18	45213932	45214266	45214097	11	12	2	5.083211637	0.00143337	DYM	ENSG00000141627
18	45267486	45267777	45267605	11	15	3	4.692195357	0.000718455	C18orf32	ENSG00000177576
18	45272628	45272999	45272807	8	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000206696
18	45390285	45390485	45390439	8	10	1	6.451768616	0.00135978	LIPG	ENSG00000101670
18	45427409	45427618	45427498	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LIPG	ENSG00000101670
18	45503968	45504174	45504071	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ACAA2	ENSG00000167315
18	45594440	45594639	45594581	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212352
18	45866911	45867218	45867064	8	12	1	7.624817456	0.000332769	MYO5B	ENSG00000167306
18	45892233	45892450	45892348	11	11	8	1.564065119	0.151515	MYO5B	ENSG00000167306
18	45939188	45939693	45939514	9	22	4	5.396024661	3.05E-05	MYO5B	ENSG00000167306
18	45943074	45943314	45943194	9	10	1	6.451768616	0.00135978	MYO5B	ENSG00000167306
18	45974163	45974342	45974246	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MYO5B	ENSG00000167306
18	46061531	46062124	46062011	9	21	5	4.301179077	0.000172642	MBD1	ENSG00000141644
18	46068196	46068376	46068290	8	8	2	3.519146518	0.017558	CXXC1	ENSG00000154832
18	46155099	46155646	46155384	9	22	5	4.496687217	9.59E-05	C18orf24	ENSG00000154839
18	46391825	46392115	46391980	14	16	4	3.988366054	0.00115141	MAPK4	ENSG00000141639
18	46409552	46410488	46409786	23	61	7	9.091128505	2.01E-14	MAPK4	ENSG00000141639
18	46425190	46425525	46425357	9	12	7	1.906204364	0.0695918	MAPK4	ENSG00000141639
18	50016364	50016543	50016453	8	8	2	3.519146518	0.017558	MBD2	ENSG00000134046
18	50027514	50027726	50027617	9	10	2	4.301179077	0.00512919	POLI	ENSG00000101751
18	51901839	51902019	51901984	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000201816
18	52469422	52469607	52469493	8	8	3	2.639359888	0.0415794	WDR7	ENSG00000091157

18	53068481	53068724	53068660	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000202240
18	53172174	53172354	53172241	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ST8SIA3	ENSG00000177511
18	53255828	53256361	53255966	8	17	3	5.278719777	0.000205462	ONECUT2	ENSG00000119547
18	53376146	53376353	53376249	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FECH	ENSG00000066926
18	53439935	53440341	53440114	11	18	4	4.457585589	0.000353565	NARS	ENSG00000134440
18	53448462	53448780	53448621	10	15	3	4.692195357	0.000718455	NARS	ENSG00000134440
18	53508490	53508716	53508603	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000209025
18	53590549	53590742	53590628	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000202159
18	53621374	53621658	53621518	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000141650
18	53777610	53777815	53777675	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000172186
18	53788716	53788933	53788790	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000172186
18	53798691	53799374	53799009	142	178	5	34.99595704	3.61E-53		ENSG00000172186
18	53861947	53862132	53862096	9	10	7	1.612942154	0.147335	NEDD4L	ENSG00000049759
18	53895741	53895939	53895788	8	10	0	12.90353723	0.000195991	NEDD4L	ENSG00000049759
18	53909639	53909826	53909732	10	11	3	3.519146518	0.00788869	NEDD4L	ENSG00000049759
18	54034332	54034615	54034449	8	10	2	4.301179077	0.00512919	NEDD4L	ENSG00000049759
18	54081252	54081630	54081366	11	16	4	3.988366054	0.00115141	NEDD4L	ENSG00000049759
18	54586630	54587263	54587019	16	35	4	8.445951643	6.26E-09		ENSG00000223035
18	55007218	55007602	55007394	9	15	0	18.76878143	4.04E-06	GRP	ENSG00000134443
18	55220646	55220980	55220813	9	14	4	3.519146518	0.00361132	LMAN1	ENSG00000074695
18	55515599	55515790	55515694	10	10	3	3.225884308	0.0139466	CCBE1	ENSG00000183287
18	55717715	55718339	55717908	20	35	3	10.55743955	1.13E-09	PMAIP1	ENSG00000141682
18	55736668	55736883	55736786	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PMAIP1	ENSG00000141682
18	55750942	55751121	55750994	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PMAIP1	ENSG00000141682
18	57359821	57360123	57359979	24	27	0	32.8453675	3.65E-10	CDH20	ENSG00000101542
18	57369803	57370019	57369911	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CDH20	ENSG00000101542
18	57458258	57458449	57458360	8	10	4	2.580707446	0.0306059	CDH20	ENSG00000101542
18	57470063	57470338	57470200	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	CDH20	ENSG00000101542
18	57617343	57617564	57617482	8	11	2	4.692195357	0.00272444	RNF152	ENSG00000176641
18	58243971	58244154	58244073	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000210475
18	58303903	58304297	58304034	13	18	5	3.714654658	0.000961539	ZCCHC2	ENSG00000141664
18	58340969	58341164	58341066	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZCCHC2	ENSG00000141664
18	58390675	58391059	58390880	42	52	3	15.54289712	6.25E-15	ZCCHC2	ENSG00000141664
18	58402607	58402809	58402708	8	9	6	1.675784056	0.141978	ZCCHC2	ENSG00000141664

18	58456635	58456946	58456772	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000210478
18	58481937	58482398	58482105	12	19	11	1.955081399	0.0295891		ENSG00000222223
18	58490925	58491104	58491021	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222223
18	58533128	58533584	58533405	14	24	10	2.666020089	0.00209276	PHLPP	ENSG00000081913
18	58797179	58797380	58797279	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PHLPP	ENSG00000081913
18	58882268	58882459	58882384	8	8	2	3.519146518	0.017558	PHLPP	ENSG00000081913
18	58891758	58891984	58891871	8	11	2	4.692195357	0.00272444	BCL2	ENSG00000171791
18	58893132	58893668	58893410	13	27	10	2.9859425	0.000503424	BCL2	ENSG00000171791
18	58946117	58946325	58946221	8	9	5	1.955081399	0.0892323	BCL2	ENSG00000171791
18	58949457	58949893	58949636	10	17	18	1.111309427	0.376188	BCL2	ENSG00000171791
18	58967766	58968008	58967857	8	8	4	2.111487911	0.0804809	BCL2	ENSG00000171791
18	58973497	58974034	58973659	14	30	15	2.272782126	0.00282041	BCL2	ENSG00000171791
18	58978865	58979062	58978942	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BCL2	ENSG00000171791
18	59020657	59020858	59020762	9	9	1	5.865244197	0.00272497	BCL2	ENSG00000171791
18	59055681	59055931	59055805	9	11	7	1.759573259	0.102361	BCL2	ENSG00000171791
18	59056256	59056612	59056426	16	21	1	12.90353723	4.95E-07	BCL2	ENSG00000171791
18	59059648	59059921	59059807	10	12	10	1.386330446	0.21117	BCL2	ENSG00000171791
18	59059998	59060178	59060149	8	9	12	0.902345261	0.602772	BCL2	ENSG00000171791
18	59072947	59073298	59073079	21	25	16	1.794074695	0.0280669	BCL2	ENSG00000171791
18	59075491	59075809	59075630	8	12	17	0.84720194	0.681997	BCL2	ENSG00000171791
18	59076084	59076383	59076233	10	14	10	1.599612054	0.114822	BCL2	ENSG00000171791
18	59131279	59131584	59131438	11	12	2	5.083211637	0.00143337	BCL2	ENSG00000171791
18	59140743	59141103	59140900	9	14	6	2.513676084	0.016726	BCL2	ENSG00000171791
18	59141237	59141515	59141401	16	18	10	2.026175268	0.0273052	BCL2	ENSG00000171791
18	59160498	59160742	59160628	11	12	6	2.178519273	0.0416567	BCL2	ENSG00000171791
18	59180105	59180434	59180269	23	25	4	6.099853964	4.56E-06	KDSR	ENSG00000119537
18	59185653	59186192	59185923	38	52	16	3.657152264	1.80E-07	KDSR	ENSG00000119537
18	59240593	59240958	59240785	10	16	10	1.812893661	0.0578656	VPS4B	ENSG00000119541
18	59294721	59295344	59294974	118	152	3	44.8691181	2.66E-47	SERPINB5	ENSG00000206075
18	59329505	59329932	59329806	9	17	10	1.919534464	0.0400548		ENSG00000214318
18	59396737	59396947	59396842	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SERPINB13	ENSG00000197641
18	59503115	59503308	59503235	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SERPINB11	ENSG00000206072
18	59572687	59572907	59572766	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SERPINB7	ENSG00000166396
18	59754401	59754648	59754493	8	8	2	3.519146518	0.017558	HMSD	ENSG00000221887

18	59788575	59788923	59788749	10	15	0	18.76878143	4.04E-06	SERPINB8	ENSG00000166401
18	59792911	59793128	59792990	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SERPINB8	ENSG00000166401
18	60441122	60441448	60441270	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000210488
18	61694637	61694832	61694732	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CDH7	ENSG00000081138
18	69593079	69593352	69593204	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000210546
18	69856025	69856264	69856116	9	10	0	12.90353723	0.000195991	FBXO15	ENSG00000141665
18	69967990	69968483	69968289	35	53	4	12.66892746	2.41E-14	C18orf55	ENSG00000075336
18	70061018	70061249	70061101	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000210553
18	70110244	70110493	70110338	9	11	3	3.519146518	0.00788869	CYB5A	ENSG00000166347
18	71972837	71973118	71973004	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	ZNF516	ENSG00000101493
18	72461351	72461577	72461464	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000220032
18	72684192	72684381	72684286	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ZNF236	ENSG00000130856
18	74403223	74403591	74403401	24	31	2	12.51252095	2.82E-09		ENSG00000201723
18	74814600	74814809	74814704	8	10	0	12.90353723	0.000195991	SALL3	ENSG00000151514
18	74819130	74819309	74819219	8	8	2	3.519146518	0.017558	SALL3	ENSG00000151514
18	75991068	75991441	75991239	13	19	5	3.910162798	0.000546977	ADNP2	ENSG00000101544
19	457823	458018	457918	8	8	5	1.759573259	0.13508	C19orf20	ENSG00000141933
19	461658	461874	461768	8	9	0	11.73048839	0.000425898	C19orf20	ENSG00000141933
19	522079	522357	522236	14	14	2	5.865244197	0.000387308	BSG	ENSG00000172270
19	751343	751565	751454	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PTBP1	ENSG00000011304
19	884381	884949	884597	21	41	0	49.26805125	6.97E-15	ARID3A	ENSG00000116017
19	913274	913479	913422	8	10	0	12.90353723	0.000195991	WDR18	ENSG00000065268
19	972359	972668	972510	9	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000207357
19	1132631	1133038	1132918	12	17	9	2.111487911	0.0248715	SBNO2	ENSG00000064932
19	1161345	1161672	1161508	11	17	0	21.11487911	8.57E-07	STK11	ENSG00000118046
19	1345504	1345892	1345756	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000176936
19	2009389	2009772	2009622	19	25	0	30.49926982	1.72E-09	MKNK2	ENSG00000099875
19	2012625	2012869	2012703	8	10	2	4.301179077	0.00512919	MKNK2	ENSG00000099875
19	2040183	2040470	2040352	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	C19orf36	ENSG00000099840
19	2102804	2102999	2102901	8	9	2	3.910162798	0.00955088	AP3D1	ENSG00000065000
19	2105586	2105813	2105701	9	10	3	3.225884308	0.0139466	AP3D1	ENSG00000065000
19	2279429	2279687	2279604	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000005206
19	2414085	2414348	2414219	8	10	5	2.150589539	0.0575848	LMNB2	ENSG00000176619
19	2458250	2458446	2458348	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209575

19	2479846	2480068	2479994	9	11	5	2.346097679	0.0364013	ENSG00000214571
19	2530433	2530845	2530625	22	32	5	6.451768616	1.97E-07 GNG7	ENSG00000213611
19	2553397	2553675	2553552	12	13	1	8.211341875	0.000163445 GNG7	ENSG00000213611
19	2599541	2599794	2599628	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ENSG00000176533
19	2691178	2691381	2691279	9	10	3	3.225884308	0.0139466 SLC39A3	ENSG00000141873
19	2904251	2904491	2904371	12	12	1	7.624817456	0.000332769 ZNF77	ENSG00000175691
19	3272334	3272539	3272464	8	8	0	10.55743955	0.000925496 NFIC	ENSG00000141905
19	3348592	3348792	3348692	10	10	3	3.225884308	0.0139466 NFIC	ENSG00000141905
19	3672535	3672716	3672625	8	8	3	2.639359888	0.0415794 TJP3	ENSG00000105289
19	3677048	3677402	3677160	9	13	0	16.42268375	1.91E-05 TJP3	ENSG00000105289
19	3712649	3712836	3712742	9	9	2	3.910162798	0.00955088 APBA3	ENSG00000011132
19	3936342	3936524	3936443	8	8	2	3.519146518	0.017558 EEF2	ENSG00000167658
19	3956747	3956964	3956855	8	8	7	1.319679944	0.283403 PIAS4	ENSG00000105229
19	3993746	3993981	3993864	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	ENSG00000188205
19	4091469	4091662	4091518	8	9	5	1.955081399	0.0892323 CREB3L3	ENSG00000060566
19	4197753	4198094	4197923	14	18	9	2.228792795	0.0164363 CCDC94	ENSG00000105248
19	4289869	4290052	4289923	8	8	2	3.519146518	0.017558 STAP2	ENSG00000178078
19	4293646	4293902	4293774	10	13	5	2.737113958	0.0137917 MPND	ENSG00000008382
19	4470914	4471236	4471075	13	16	1	9.970915134	1.89E-05 KIAA1881	ENSG00000167676
19	4487829	4488170	4488006	8	11	5	2.346097679	0.0364013	ENSG00000214456
19	4575780	4576161	4575970	36	45	1	26.9801233	8.07E-15 TNFAIP8L1	ENSG00000185361
19	4751877	4752158	4752017	14	16	2	6.647276756	0.000101928 FEM1A	ENSG00000141965
19	4923898	4924204	4924051	16	20	3	6.158506406	2.99E-05 JMJD2B	ENSG00000127663
19	4941344	4941576	4941446	10	12	3	3.812408728	0.004404 JMJD2B	ENSG00000127663
19	4942951	4943264	4943101	10	11	2	4.692195357	0.00272444 JMJD2B	ENSG00000127663
19	4997459	4997714	4997586	8	10	2	4.301179077	0.00512919 JMJD2B	ENSG00000127663
19	5355122	5355396	5355273	10	10	6	1.843362462	0.0964212 ZNRF4	ENSG00000105428
19	5421387	5421796	5421566	25	33	2	13.29455351	6.68E-10 ZNRF4	ENSG00000105428
19	5641149	5641472	5641305	11	14	4	3.519146518	0.00361132 RPL36	ENSG00000130255
19	5971616	5971817	5971716	8	8	1	5.278719777	0.00542188 RANBP3	ENSG00000031823
19	6187955	6188191	6188060	10	12	3	3.812408728	0.004404 MLLT1	ENSG00000130382
19	6284600	6284852	6284702	8	9	0	11.73048839	0.000425898 ASAH3	ENSG00000167769
19	6344123	6344331	6344245	8	9	1	5.865244197	0.00272497 GTF2F1	ENSG00000125651
19	6528279	6529040	6528630	163	222	1	130.7949456	8.27E-74	ENSG00000199223

19	6694849	6695197	6695023	44	48	2	19.15979771	1.17E-14	TRIP10	ENSG00000125733
19	6695983	6696289	6696138	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	TRIP10	ENSG00000125733
19	6717072	6717308	6717197	16	16	3	4.985457567	0.000385643	SH2D3A	ENSG00000125731
19	6814605	6814818	6814701	9	9	1	5.865244197	0.00272497	EMR1	ENSG00000174837
19	7049921	7050274	7050097	8	14	1	8.797866295	8.00E-05	ZNF557	ENSG00000130544
19	7089888	7090263	7090152	12	17	0	21.11487911	8.57E-07	ZNF557	ENSG00000130544
19	7386558	7386841	7386686	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ARHGEF18	ENSG00000104880
19	7392908	7393101	7392987	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ARHGEF18	ENSG00000104880
19	7561266	7561493	7561379	9	10	8	1.433726359	0.209175	KIAA1543	ENSG00000076826
19	7590082	7590308	7590195	8	9	4	2.346097679	0.050148	XAB2	ENSG00000076924
19	7719678	7719958	7719797	13	14	7	2.199466574	0.0303778	CD209	ENSG00000090659
19	7763219	7763447	7763333	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CLEC4GP1	ENSG00000205680
19	7914640	7915026	7914826	8	16	4	3.988366054	0.00115141	TIMM44	ENSG00000104980
19	8223910	8224145	8224027	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	LASS4	ENSG00000090661
19	8332984	8333217	8333104	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ANGPTL4	ENSG00000167772
19	9011426	9011742	9011573	39	43	1	25.80707446	3.65E-14	OR1M1	ENSG00000170929
19	9026474	9026828	9026653	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	OR1M1	ENSG00000170929
19	9047377	9047558	9047461	8	8	3	2.639359888	0.0415794	OR1M1	ENSG00000170929
19	9593473	9593923	9593714	46	58	0	69.20988152	1.30E-20	ZNF561	ENSG00000171469
19	9594245	9594619	9594420	28	35	0	42.22975822	7.34E-13	ZNF561	ENSG00000171469
19	9740275	9740471	9740376	10	10	3	3.225884308	0.0139466	ZNF846	ENSG00000196605
19	9885994	9886267	9886130	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	OLFM2	ENSG00000105088
19	9999293	9999513	9999403	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000167798
19	10084666	10084944	10084805	8	9	4	2.346097679	0.050148	P2RY11	ENSG00000221830
19	10091507	10091768	10091628	13	14	3	4.398933147	0.00132748	EIF3G	ENSG00000130811
19	10223639	10223854	10223746	9	10	5	2.150589539	0.0575848	MRPL4	ENSG00000105364
19	10241220	10241489	10241377	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ICAM1	ENSG00000090339
19	10257729	10258028	10257878	12	16	2	6.647276756	0.000101928	ICAM4	ENSG00000105371
19	10360607	10360808	10360707	9	9	6	1.675784056	0.141978	TYK2	ENSG00000105397
19	10389620	10389922	10389772	11	13	2	5.474227917	0.000747844	PDE4A	ENSG00000065989
19	10433091	10433678	10433384	8	21	4	5.161414893	5.68E-05	PDE4A	ENSG00000065989
19	10473737	10473928	10473832	9	9	1	5.865244197	0.00272497	KEAP1	ENSG00000079999
19	10481346	10481579	10481453	8	9	0	11.73048839	0.000425898	KEAP1	ENSG00000079999
19	10540689	10540999	10540867	9	13	7	2.052835469	0.046392	CDKN2D	ENSG00000129355



19	10552746	10553083	10552914	10	13	2	5.474227917	0.000747844	AP1M2	ENSG00000129354
19	10575128	10575341	10575234	12	12	2	5.083211637	0.00143337	AP1M2	ENSG00000129354
19	10673014	10673205	10673083	8	8	4	2.111487911	0.0804809	QTRT1	ENSG00000213339
19	10688948	10689246	10689097	11	13	12	1.263283365	0.272203	DNM2	ENSG00000079805
19	10720756	10720980	10720864	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207972
19	10807955	10808149	10807995	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TMED1	ENSG00000099203
19	10808207	10808393	10808312	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TMED1	ENSG00000099203
19	10900326	10900718	10900491	12	18	5	3.714654658	0.000961539	C19orf52	ENSG00000142444
19	10913805	10914025	10913888	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C19orf52	ENSG00000142444
19	10924483	10924884	10924705	14	21	7	3.225884308	0.00106152	SMARCA4	ENSG00000127616
19	11007532	11007761	11007656	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000209664
19	11109446	11109832	11109593	12	18	7	2.785990993	0.00480525	SPC24	ENSG00000161888
19	11114972	11115294	11115163	10	14	5	2.932622098	0.00829617	SPC24	ENSG00000161888
19	11237285	11237730	11237541	12	22	3	6.745030826	8.05E-06	DOCK6	ENSG00000130158
19	11265400	11265727	11265562	11	13	2	5.474227917	0.000747844	TSPAN16	ENSG00000130167
19	11295950	11296404	11296177	24	33	1	19.94183027	6.71E-11	RAB3D	ENSG00000105514
19	11316051	11316335	11316181	12	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000183401
19	11346335	11346697	11346508	10	16	3	4.985457567	0.000385643	C19orf39	ENSG00000173928
19	11406904	11407096	11406976	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CCDC151	ENSG00000198003
19	11454243	11454500	11454368	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ELAVL3	ENSG00000196361
19	11468348	11468527	11468432	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZNF653	ENSG00000161914
19	11530927	11531439	11531220	9	18	7	2.785990993	0.00480525	ELOF1	ENSG00000130165
19	11532432	11532623	11532515	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ELOF1	ENSG00000130165
19	11552997	11553258	11553172	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ACP5	ENSG00000102575
19	12007455	12007784	12007614	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	ZNF433	ENSG00000197647
19	12031445	12031656	12031550	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209113
19	12265671	12265869	12265720	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ZNF44	ENSG00000197857
19	12266679	12266886	12266772	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ZNF44	ENSG00000197857
19	12372821	12373133	12372959	10	14	2	5.865244197	0.000387308	ZNF799	ENSG00000196466
19	12467107	12467403	12467229	14	18	4	4.457585589	0.000353565	ZNF709	ENSG00000196826
19	12523351	12523696	12523523	11	15	4	3.753756286	0.0020497	ZNF564	ENSG00000220949
19	12641060	12641530	12641359	14	26	11	2.639359888	0.0015854	C19orf56	ENSG00000105583
19	12653501	12653862	12653706	14	20	7	3.079253203	0.00177418	DHPS	ENSG00000095059
19	12668301	12668648	12668474	13	18	25	0.857227998	0.700223	FBXW9	ENSG00000132004

19	12694267	12694809	12694565	12	26	7	3.959039833	7.16E-05	TNPO2	ENSG00000105576
19	12695319	12695529	12695424	8	10	3	3.225884308	0.0139466	TNPO2	ENSG00000105576
19	12706303	12706630	12706466	11	14	5	2.932622098	0.00829617	C19orf43	ENSG00000123144
19	12709161	12709395	12709230	8	11	6	2.010940867	0.0640214	ASNA1	ENSG00000198356
19	12729494	12729716	12729605	10	11	1	7.038293036	0.000674435	BEST2	ENSG00000039987
19	12732375	12732635	12732502	8	9	6	1.675784056	0.141978	BEST2	ENSG00000039987
19	12745361	12745673	12745517	10	13	6	2.346097679	0.0266147	HOOK2	ENSG00000095066
19	12746852	12747210	12747031	13	19	15	1.466311049	0.125014	HOOK2	ENSG00000095066
19	12747360	12747665	12747516	19	22	4	5.396024661	3.05E-05	HOOK2	ENSG00000095066
19	12749376	12749835	12749704	11	21	12	1.985159574	0.021936	HOOK2	ENSG00000095066
19	12753975	12754216	12754095	8	10	2	4.301179077	0.00512919	HOOK2	ENSG00000095066
19	12758402	12758700	12758551	13	16	4	3.988366054	0.00115141	JUNB	ENSG00000171223
19	12760367	12760826	12760546	10	19	16	1.380057458	0.163303	JUNB	ENSG00000171223
19	12761017	12761267	12761120	8	10	1	6.451768616	0.00135978	JUNB	ENSG00000171223
19	12761777	12762063	12761890	10	13	5	2.737113958	0.0137917	JUNB	ENSG00000171223
19	12762891	12763124	12763027	11	12	1	7.624817456	0.000332769	JUNB	ENSG00000171223
19	12763128	12763504	12763307	20	27	7	4.105670938	4.08E-05	JUNB	ENSG00000171223
19	12764364	12764745	12764566	9	16	6	2.848832895	0.00632407	JUNB	ENSG00000171223
19	12764768	12764953	12764856	8	8	7	1.319679944	0.283403	JUNB	ENSG00000171223
19	12765106	12765588	12765451	14	28	13	2.429886881	0.00217891	JUNB	ENSG00000171223
19	12765644	12765879	12765761	11	11	9	1.407658607	0.210479	JUNB	ENSG00000171223
19	12768402	12768602	12768492	8	9	8	1.303387599	0.281715	PRDX2	ENSG00000167815
19	12773435	12773634	12773543	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PRDX2	ENSG00000167815
19	12773908	12774249	12774086	11	15	6	2.68125449	0.0103552	PRDX2	ENSG00000167815
19	12804439	12804639	12804562	8	9	5	1.955081399	0.0892323	RTBDN	ENSG00000132026
19	12807925	12808352	12808104	12	19	9	2.346097679	0.0107159	RTBDN	ENSG00000132026
19	12853306	12853620	12853466	12	14	2	5.865244197	0.000387308	DNASE2	ENSG00000105612
19	12856814	12857153	12856983	16	21	1	12.90353723	4.95E-07	KLF1	ENSG00000105610
19	12905482	12905948	12905651	15	22	9	2.69801233	0.00276236	FARSA	ENSG00000179115
19	12909929	12910120	12910024	8	9	10	1.066408036	0.444985	CALR	ENSG00000179218
19	12910234	12910464	12910387	10	13	4	3.28453675	0.00629037	CALR	ENSG00000179218
19	12912227	12912583	12912448	10	14	2	5.865244197	0.000387308	CALR	ENSG00000179218
19	12917958	12918251	12918108	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RAD23A	ENSG00000179262
19	12928969	12929397	12929148	9	18	5	3.714654658	0.000961539	GADD45GII	ENSG00000179271

19	12936800	12937003	12936901	10	10	8	1.433726359	0.209175	DAND5	ENSG00000179284
19	12937222	12937472	12937347	8	11	6	2.010940867	0.0640214	DAND5	ENSG00000179284
19	12949712	12949929	12949872	9	11	3	3.519146518	0.00788869	DAND5	ENSG00000179284
19	13008111	13008502	13008290	9	16	1	9.970915134	1.89E-05	NFIX	ENSG00000008441
19	13023456	13023778	13023613	14	16	7	2.492728784	0.0124193	NFIX	ENSG00000008441
19	13065718	13065914	13065816	9	9	1	5.865244197	0.00272497	LYL1	ENSG00000104903
19	13088405	13088624	13088514	8	10	3	3.225884308	0.0139466	TRMT1	ENSG00000104907
19	13121825	13122395	13122216	18	31	4	7.507512572	9.10E-08	IER2	ENSG00000160888
19	13123386	13123631	13123465	8	9	8	1.303387599	0.281715	IER2	ENSG00000160888
19	13126707	13126942	13126795	14	15	5	3.128130238	0.00492422	IER2	ENSG00000160888
19	13134474	13134956	13134686	13	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000213253
19	13141689	13141884	13141766	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000213253
19	13400212	13400410	13400311	9	11	4	2.815317214	0.0183428	CACNA1A	ENSG00000141837
19	13561077	13561331	13561201	12	13	1	8.211341875	0.000163445	CACNA1A	ENSG00000141837
19	13625746	13626064	13625908	18	22	1	13.49006165	2.37E-07	CCDC130	ENSG00000104957
19	13642737	13642987	13642862	10	10	7	1.612942154	0.147335	CCDC130	ENSG00000104957
19	13737397	13737740	13737568	20	23	6	4.021881735	0.000148535		ENSG00000037757
19	13746072	13746354	13746213	8	12	3	3.812408728	0.004404	C19orf53	ENSG00000104979
19	13815419	13815762	13815590	17	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000205463
19	13834076	13834317	13834219	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000207613
19	13984404	13984646	13984477	8	10	0	12.90353723	0.000195991	RFX1	ENSG00000132005
19	13995436	13995653	13995566	8	8	5	1.759573259	0.13508	RLN3	ENSG00000171136
19	14043938	14044193	14044054	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000141854
19	14053086	14053564	14053409	8	16	15	1.246364392	0.263987	C19orf67	ENSG00000188032
19	14179135	14179438	14179286	8	10	1	6.451768616	0.00135978	LPHN1	ENSG00000072071
19	14389837	14390104	14389970	9	10	3	3.225884308	0.0139466	DDX39	ENSG00000123136
19	14497642	14497909	14497771	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207707
19	14543851	14544142	14543971	13	14	7	2.199466574	0.0303778	NDUFB7	ENSG00000099795
19	15021586	15021822	15021721	11	11	2	4.692195357	0.00272444	CASP14	ENSG00000105141
19	15108152	15108368	15108259	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209740
19	15167849	15168077	15167972	9	11	3	3.519146518	0.00788869	NOTCH3	ENSG00000074181
19	15352156	15352364	15352260	8	9	5	1.955081399	0.0892323	AKAP8	ENSG00000105127
19	15390524	15391256	15391058	12	31	9	3.753756286	2.87E-05	AKAP8L	ENSG00000011243
19	15451495	15451847	15451671	10	14	2	5.865244197	0.000387308	PGLYRP2	ENSG00000161031

19	15460287	15460891	15460601	17	32	7	4.838826462	2.26E-06	PGLYRP2	ENSG00000161031
19	15527480	15528011	15527659	9	21	5	4.301179077	0.000172642	CYP4F22	ENSG00000171954
19	15528246	15528542	15528394	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CYP4F22	ENSG00000171954
19	15535152	15535342	15535253	9	10	7	1.612942154	0.147335	CYP4F22	ENSG00000171954
19	15612054	15612318	15612206	9	10	4	2.580707446	0.0306059	CYP4F3	ENSG00000186529
19	15618414	15618766	15618590	24	29	2	11.73048839	1.18E-08	CYP4F3	ENSG00000186529
19	15731850	15732032	15731941	8	8	1	5.278719777	0.00542188	OR10H3	ENSG00000171936
19	15808735	15809141	15809035	9	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000214049
19	15864473	15864973	15864678	34	55	4	13.138147	5.86E-15	CYP4F2	ENSG00000186115
19	15947584	15947991	15947812	15	24	14	1.955081399	0.0175993	HSH2D	ENSG00000196684
19	16013388	16013609	16013448	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000167459
19	16115345	16115627	16115493	8	11	6	2.010940867	0.0640214	HSH2D	ENSG00000196684
19	16144826	16145122	16144974	15	19	7	2.932622098	0.00293566	CIB3	ENSG00000141977
19	16169445	16169666	16169556	9	10	1	6.451768616	0.00135978	AP1M1	ENSG00000072958
19	16225691	16226022	16225856	8	12	2	5.083211637	0.00143337	AP1M1	ENSG00000072958
19	16354987	16355250	16355162	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000209747
19	16435694	16436132	16435873	16	29	6	5.027352168	4.43E-06	EPS15L1	ENSG00000127527
19	16467949	16468245	16468076	8	12	3	3.812408728	0.004404	CALR3	ENSG00000141979
19	16536652	16536957	16536803	11	12	6	2.178519273	0.0416567	SLC35E1	ENSG00000127526
19	16544308	16544643	16544435	9	13	1	8.211341875	0.000163445	SLC35E1	ENSG00000127526
19	16631972	16632234	16632103	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C19orf42	ENSG00000214046
19	16928953	16929323	16929132	16	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000223132
19	17047131	17047503	17047336	8	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000131351
19	17186976	17187348	17187086	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	USE1	ENSG00000053501
19	17265691	17265898	17265804	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ABHD8	ENSG00000127220
19	17277231	17277458	17277344	10	11	4	2.815317214	0.0183428	MRPL34	ENSG00000130312
19	17306570	17306779	17306694	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ANO8	ENSG00000074855
19	17626774	17627235	17627004	15	26	5	5.278719777	8.57E-06	UNC13A	ENSG00000130477
19	17763132	17763311	17763221	8	8	1	5.278719777	0.00542188	B3GNT3	ENSG00000179913
19	17861471	17861728	17861599	12	13	2	5.474227917	0.000747844	SLC5A5	ENSG00000105641
19	17874540	17874810	17874675	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	SLC5A5	ENSG00000105641
19	17904335	17904584	17904459	12	13	8	1.824742639	0.0744168	CCDC124	ENSG00000007080
19	18001587	18001991	18001812	14	22	2	8.993374435	1.66E-06	ARRDC2	ENSG00000105643
19	18006729	18007187	18006976	52	62	2	24.63402563	3.62E-19	ARRDC2	ENSG00000105643

19	18016826	18017113	18016995	9	12	3	3.812408728	0.004404	ARRDC2	ENSG00000105643
19	18065228	18065675	18065496	9	19	2	7.820325595	1.32E-05	MAST3	ENSG00000099308
19	18084804	18085094	18084949	11	12	6	2.178519273	0.0416567	MAST3	ENSG00000099308
19	18128901	18129375	18129232	9	16	7	2.492728784	0.0124193	PIK3R2	ENSG00000105647
19	18145493	18145762	18145656	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	IFI30	ENSG00000216490
19	18195762	18196958	18196461	143	211	5	41.44772566	6.23E-64	PDE4C	ENSG00000105650
19	18244267	18244544	18244405	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KIAA1683	ENSG00000130518
19	18263688	18264101	18263924	8	13	5	2.737113958	0.0137917	JUND	ENSG00000130522
19	18294963	18295233	18295097	11	13	3	4.105670938	0.00243034	LSM4	ENSG00000130520
19	18321445	18321687	18321566	10	11	1	7.038293036	0.000674435	PGPEP1	ENSG00000130517
19	18328355	18328676	18328507	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	PGPEP1	ENSG00000130517
19	18336304	18337308	18336806	376	542	7	79.62068997	3.67E-170	GDF15	ENSG00000130513
19	18345327	18346260	18345767	285	392	2	153.669398	7.75E-129	GDF15	ENSG00000130513
19	18351903	18352386	18352054	17	29	2	11.73048839	1.18E-08	GDF15	ENSG00000130513
19	18357779	18358224	18358009	68	83	3	24.63402563	8.34E-25	GDF15	ENSG00000130513
19	18360317	18360558	18360437	9	10	1	6.451768616	0.00135978	GDF15	ENSG00000130513
19	18382464	18382643	18382564	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000221167
19	18410397	18410860	18410681	29	38	1	22.87445237	1.58E-12	ISYNA1	ENSG00000105655
19	18515687	18516010	18515852	8	12	6	2.178519273	0.0416567	FKBP8	ENSG00000105701
19	18523545	18523768	18523596	8	10	1	6.451768616	0.00135978	C19orf50	ENSG00000105700
19	18529278	18529546	18529417	11	13	4	3.28453675	0.00629037	C19orf50	ENSG00000105700
19	18530185	18530378	18530274	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C19orf50	ENSG00000105700
19	18649743	18650009	18649858	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	CRTC1	ENSG00000105662
19	18654881	18655095	18654988	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CRTC1	ENSG00000105662
19	18655454	18655672	18655563	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CRTC1	ENSG00000105662
19	18728717	18729198	18729011	38	54	1	32.25884308	8.88E-18	COMP	ENSG00000105664
19	18891370	18891701	18891535	10	14	4	3.519146518	0.00361132	DDX49	ENSG00000105671
19	18958644	18958840	18958778	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209787
19	19146877	19147090	19146956	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MEF2B	ENSG00000064489
19	19175016	19175318	19175157	9	13	4	3.28453675	0.00629037	NR2C2AP	ENSG00000184162
19	19338648	19338903	19338746	9	11	10	1.279689643	0.277323	KIAA0892	ENSG00000129933
19	19349627	19349896	19349761	12	13	3	4.105670938	0.00243034	GATAD2A	ENSG00000167491
19	19381147	19381370	19381268	12	12	3	3.812408728	0.004404	GATAD2A	ENSG00000167491
19	19462227	19462420	19462323	9	9	3	2.932622098	0.0242899	TSSK6	ENSG00000178093

19	19487906	19488242	19488050	10	15	9	1.876878143	0.0544542	NDUFA13	ENSG00000130288
19	19704981	19705235	19705132	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ZNF14	ENSG00000105708
19	19747895	19748164	19748029	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ZNF14	ENSG00000105708
19	19748182	19748792	19748447	101	142	8	18.63844267	2.64E-38	ZNF14	ENSG00000105708
19	20008602	20008791	20008683	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZNF682	ENSG00000197124
19	21457560	21457847	21457703	13	16	4	3.988366054	0.00115141	ZNF429	ENSG00000197013
19	21733120	21733299	21733208	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ZNF100	ENSG00000197020
19	21987049	21987230	21987170	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF208	ENSG00000160321
19	23262370	23262628	23262483	11	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000213971
19	23797377	23797683	23797484	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000205246
19	23974127	23974306	23974241	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000211551
19	23975337	23975716	23975537	26	34	12	3.158208414	7.02E-05		ENSG00000211551
19	23975782	23976120	23975951	24	27	21	1.49297125	0.078146		ENSG00000211551
19	23976481	23976982	23976660	22	35	12	3.24844294	4.27E-05		ENSG00000211551
19	23982035	23982214	23982124	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000201966
19	24317867	24318059	24318030	11	11	34	0.402188173	0.998318	ZNF254	ENSG00000213096
19	32423698	32424165	32423867	96	118	158	0.877942213	0.860319		
19	32424168	32424780	32424347	39	72	113	0.751162853	0.973449		
19	32425032	32425532	32425242	39	53	62	1.005470434	0.49019		
19	32425939	32426786	32426608	56	88	129	0.803087282	0.946307		
19	32426893	32427531	32427069	52	63	62	1.191668662	0.162027		
19	32427598	32427930	32427764	19	24	22	1.275053086	0.200162		
19	32428343	32428994	32428614	86	111	136	0.958988832	0.630387		
19	32429598	32429808	32429634	9	11	14	0.938439071	0.570297		
19	32430010	32430541	32430323	176	186	235	0.929492089	0.773717		
19	32431013	32431209	32431177	10	11	24	0.563063443	0.956421		
19	32449095	32449274	32449123	8	8	5	1.759573259	0.13508		
19	32494079	32494258	32494108	9	9	20	0.558594685	0.944249		
19	32561992	32562322	32562157	16	16	15	1.246364392	0.263987		
19	32571357	32571547	32571509	10	10	9	1.290353723	0.279648		
19	32574941	32575140	32575040	8	9	2	3.910162798	0.00955088		
19	32658823	32659152	32658987	15	15	37	0.493915301	0.993614		
19	33664832	33665250	33665072	40	52	2	20.72386283	6.10E-16		ENSG00000205243
19	34572172	34572703	34572529	16	32	8	4.301179077	6.43E-06	VSTM2B	ENSG00000187135

19	34770143	34770333	34770260	8	9	7	1.466311049	0.20706	POP4	ENSG00000105171
19	34788811	34789178	34788990	15	22	7	3.372515413	0.000629223	POP4	ENSG00000105171
19	34851124	34851367	34851284	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	PLEKHF1	ENSG00000166289
19	34851502	34851722	34851608	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PLEKHF1	ENSG00000166289
19	34854080	34854260	34854170	10	10	2	4.301179077	0.00512919	PLEKHF1	ENSG00000166289
19	34899286	34899576	34899437	9	10	2	4.301179077	0.00512919	C19orf12	ENSG00000131943
19	34975050	34975229	34975090	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CCNE1	ENSG00000105173
19	35500605	35500787	35500711	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZNF536	ENSG00000198597
19	35678155	35678564	35678334	13	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000223148
19	35852239	35852553	35852382	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000223148
19	35879225	35879573	35879399	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000223148
19	36000810	36001059	36000880	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000223148
19	36437096	36437284	36437190	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TSHZ3	ENSG00000121297
19	36561103	36561341	36561166	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	TSHZ3	ENSG00000121297
19	36738814	36739012	36738913	8	9	0	11.73048839	0.000425898	TSHZ3	ENSG00000121297
19	36755578	36755964	36755858	9	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000201894
19	37556542	37556932	37556713	13	20	2	8.211341875	6.65E-06	ZNF507	ENSG00000168813
19	38263715	38264117	38263874	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	GPATCH1	ENSG00000076650
19	38359758	38360124	38359890	11	16	9	1.994183027	0.0370915	LRP3	ENSG00000130881
19	38360163	38360352	38360257	8	10	1	6.451768616	0.00135978	LRP3	ENSG00000130881
19	38481262	38481624	38481441	24	31	3	9.384390715	1.82E-08	CEBPA	ENSG00000184771
19	38531512	38531704	38531615	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CEBPG	ENSG00000153879
19	38533227	38533520	38533311	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	CEBPG	ENSG00000153879
19	38557062	38557244	38557086	10	10	0	12.90353723	0.000195991	CEBPG	ENSG00000153879
19	38724601	38724816	38724683	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PEPD	ENSG00000124299
19	38786162	38786517	38786406	14	19	0	23.46097679	1.81E-07	CHST8	ENSG00000124302
19	38789358	38789537	38789459	8	9	3	2.932622098	0.0242899	CHST8	ENSG00000124302
19	38867011	38867246	38867120	9	11	4	2.815317214	0.0183428	CHST8	ENSG00000124302
19	39066961	39067140	39067049	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209919
19	39268168	39268485	39268324	10	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000186008
19	39316898	39317177	39317037	9	11	3	3.519146518	0.00788869	LSM14A	ENSG00000105216
19	39401026	39401333	39401179	9	13	2	5.474227917	0.000747844	KIAA0355	ENSG00000166398
19	39424282	39424616	39424449	11	16	5	3.323638378	0.00288759	KIAA0355	ENSG00000166398
19	39610862	39611229	39611041	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	UBA2	ENSG00000126261

19	39684382	39684576	39684479	9	9	8	1.303387599	0.281715	WTIP	ENSG00000142279
19	39916824	39917036	39916964	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ZNF181	ENSG00000197841
19	39955765	39956011	39955888	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ZNF599	ENSG00000153896
19	40109759	40109949	40109861	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ZNF30	ENSG00000168661
19	40155967	40156223	40156095	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ZNF792	ENSG00000180884
19	40195807	40195989	40195942	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GRAMD1A	ENSG00000089351
19	40231866	40232054	40231960	8	8	2	3.519146518	0.017558	HPN	ENSG00000105707
19	40249912	40250149	40250027	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000179066
19	40298855	40299108	40298993	9	11	5	2.346097679	0.0364013	FXVD3	ENSG00000089356
19	40307157	40307412	40307283	10	12	7	1.906204364	0.0695918	FXVD3	ENSG00000089356
19	40318325	40318509	40318414	8	8	2	3.519146518	0.017558	LGI4	ENSG00000153902
19	40399336	40399529	40399432	8	8	2	3.519146518	0.017558	FAM187B	ENSG00000177558
19	40431397	40431759	40431597	8	14	2	5.865244197	0.000387308	LSR	ENSG00000105699
19	40632360	40632846	40632539	9	17	6	3.016411301	0.00381427	FFAR2	ENSG00000126262
19	40651586	40651767	40651619	9	9	1	5.865244197	0.00272497	FFAR2	ENSG00000126262
19	40661760	40661947	40661874	8	9	4	2.346097679	0.050148	KRTDAP	ENSG00000188508
19	40668290	40668517	40668401	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	KRTDAP	ENSG00000188508
19	40758315	40758728	40758551	49	54	43	1.466311049	0.0285368		ENSG00000209925
19	40795358	40795540	40795501	8	9	1	5.865244197	0.00272497	KIAA0841	ENSG00000089336
19	40811636	40811848	40811717	9	10	2	4.301179077	0.00512919	RBM42	ENSG00000126254
19	40826223	40826716	40826597	11	19	5	3.910162798	0.000546977	ETV2	ENSG00000105672
19	40899703	40899931	40899820	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000105663
19	40931082	40931287	40931201	8	10	4	2.580707446	0.0306059	LIN37	ENSG00000188223
19	40940646	40941056	40940843	11	19	2	7.820325595	1.32E-05	C19orf55	ENSG00000167595
19	41011501	41011796	41011648	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	PRODH2	ENSG00000221873
19	41310578	41310958	41310726	10	15	5	3.128130238	0.00492422	CAPNS1	ENSG00000126247
19	41315315	41315499	41315407	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CAPNS1	ENSG00000126247
19	41319669	41320112	41319894	12	22	6	3.854303329	0.000260696	CAPNS1	ENSG00000126247
19	41397491	41397691	41397591	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF565	ENSG00000196357
19	41397740	41397965	41397863	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ZNF146	ENSG00000167635
19	41756015	41756194	41756089	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZNF529	ENSG00000186020
19	41849459	41849700	41849547	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ZNF461	ENSG00000197808
19	41870121	41870316	41870218	10	11	2	4.692195357	0.00272444	ZNF567	ENSG00000189042
19	42099046	42099249	42099147	8	9	4	2.346097679	0.050148	ZNF568	ENSG00000198453



19	42393061	42393261	42393161	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ZNF585B	ENSG00000197800
19	42400416	42400834	42400512	14	21	2	8.602358155	3.33E-06	ZNF383	ENSG00000188283
19	42400858	42401174	42401022	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	ZNF383	ENSG00000188283
19	42553525	42553919	42553650	12	17	3	5.278719777	0.000205462	ZNF527	ENSG00000189164
19	42650102	42650548	42650275	13	21	4	5.161414893	5.68E-05	ZNF569	ENSG00000196437
19	42652014	42652341	42652165	13	17	0	21.11487911	8.57E-07	ZNF570	ENSG00000171827
19	42688871	42689108	42688989	11	12	6	2.178519273	0.0416567	ZNF793	ENSG00000188227
19	42689394	42689827	42689648	12	20	7	3.079253203	0.00177418	ZNF793	ENSG00000188227
19	42961766	42962198	42962019	10	18	3	5.571981987	0.000108726	ZNF573	ENSG00000189144
19	43058604	43058862	43058781	8	11	2	4.692195357	0.00272444	WDR87	ENSG00000171804
19	43148531	43149044	43148841	31	45	2	17.98674887	1.07E-13	SIPA1L3	ENSG00000105738
19	43152108	43152489	43152311	16	25	3	7.624817456	1.09E-06	SIPA1L3	ENSG00000105738
19	43162182	43162663	43162398	19	32	0	38.7106117	7.53E-12	SIPA1L3	ENSG00000105738
19	43164457	43164844	43164704	13	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000221258
19	43183667	43183932	43183762	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221258
19	43473436	43473679	43473557	13	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000200209
19	43483102	43483566	43483387	8	17	0	21.11487911	8.57E-07	C19orf33	ENSG00000167644
19	43486629	43486855	43486729	9	10	2	4.301179077	0.00512919	C19orf33	ENSG00000167644
19	43525215	43525463	43525338	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C19orf15	ENSG00000099338
19	43556787	43557474	43556993	12	27	16	1.932080441	0.0141162	PSMD8	ENSG00000099341
19	43697518	43697862	43697690	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	RYR1	ENSG00000196218
19	43801519	43801738	43801628	10	10	7	1.612942154	0.147335	EIF3K	ENSG00000178982
19	43840508	43840689	43840670	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ACTN4	ENSG00000130402
19	43841166	43841398	43841222	11	14	4	3.519146518	0.00361132	ACTN4	ENSG00000130402
19	43844509	43844856	43844680	15	20	7	3.079253203	0.00177418	ACTN4	ENSG00000130402
19	43857438	43857736	43857571	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	ACTN4	ENSG00000130402
19	43881587	43881768	43881677	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CAPN12	ENSG00000182472
19	43957905	43958280	43958101	27	36	0	43.40280705	3.38E-13	LGALS7	ENSG00000205076
19	44014254	44014462	44014396	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ECH1	ENSG00000104823
19	44017932	44018147	44018049	13	13	1	8.211341875	0.000163445	ECH1	ENSG00000104823
19	44019425	44019803	44019624	33	42	2	16.81370003	9.62E-13	ECH1	ENSG00000104823
19	44020040	44020625	44020293	26	47	11	4.692195357	2.58E-08	ECH1	ENSG00000104823
19	44113420	44113621	44113520	12	12	3	3.812408728	0.004404	MRPS12	ENSG00000128626
19	44144656	44144952	44144787	11	14	4	3.519146518	0.00361132	FBXO17	ENSG00000161241

19	44171459	44171696	44171567	8	8	9	1.055743955	0.456865	FBXO17	ENSG00000161241
19	44213942	44214293	44214116	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	FBXO27	ENSG00000161243
19	44216065	44216295	44216180	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	FBXO27	ENSG00000161243
19	44307863	44308071	44307956	8	10	4	2.580707446	0.0306059	PAK4	ENSG00000130669
19	44337270	44337629	44337454	11	16	2	6.647276756	0.000101928	PAK4	ENSG00000130669
19	44342807	44343156	44343061	12	17	5	3.519146518	0.00167472	PAK4	ENSG00000130669
19	44349506	44349781	44349630	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	PAK4	ENSG00000130669
19	44350096	44350460	44350226	9	13	5	2.737113958	0.0137917	PAK4	ENSG00000130669
19	44420292	44420563	44420387	9	12	1	7.624817456	0.000332769	IL28B	ENSG00000197110
19	44478540	44478821	44478680	8	11	5	2.346097679	0.0364013	IL29	ENSG00000182393
19	44591842	44592082	44591985	10	11	9	1.407658607	0.210479	ZFP36	ENSG00000128016
19	44618293	44618576	44618434	8	11	3	3.519146518	0.00788869	RPS16	ENSG00000105193
19	44627824	44628165	44627987	14	18	8	2.476436439	0.00924552	SUPT5H	ENSG00000196235
19	44663056	44663313	44663165	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TIMM50	ENSG00000105197
19	44740304	44740600	44740473	11	14	7	2.199466574	0.0303778	EID2	ENSG00000176396
19	44781691	44781894	44781792	8	8	2	3.519146518	0.017558	LGALS13	ENSG00000105198
19	44975550	44975813	44975681	11	12	3	3.812408728	0.004404	LEUTX	ENSG00000213921
19	45049713	45049905	45049864	8	9	0	11.73048839	0.000425898	FBL	ENSG00000105202
19	45167009	45167301	45167173	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PSMC4	ENSG0000013275
19	45337766	45337959	45337821	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000210014
19	45483123	45483404	45483266	8	10	2	4.301179077	0.00512919	AKT2	ENSG00000105221
19	45500002	45500635	45500181	33	54	1	32.25884308	8.88E-18		ENSG00000206674
19	45503185	45503395	45503262	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000206674
19	45520656	45520848	45520722	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207281
19	45521528	45521747	45521637	13	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000207281
19	45528736	45529366	45529041	100	137	4	32.37614797	4.31E-41		ENSG00000207281
19	45546169	45546350	45546259	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C19orf47	ENSG00000160392
19	45590752	45590965	45590858	8	8	3	2.639359888	0.0415794	HIPK4	ENSG00000160396
19	45623470	45624223	45623909	57	88	10	9.491031518	3.62E-20	SERTAD1	ENSG00000197019
19	45624226	45624420	45624323	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SERTAD1	ENSG00000197019
19	45631365	45631727	45631557	11	17	5	3.519146518	0.00167472	SERTAD1	ENSG00000197019
19	45662240	45662656	45662419	12	19	1	11.73048839	2.14E-06	BLVRB	ENSG00000090013
19	45767842	45768054	45767965	10	10	0	12.90353723	0.000195991	SHKBP1	ENSG00000160410
19	45774542	45774781	45774621	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SHKBP1	ENSG00000160410

19	45832244	45832510	45832418	11	15	4	3.753756286	0.0020497	LTBP4	ENSG00000090006
19	45916566	45916860	45916713	12	14	3	4.398933147	0.00132748	ITPKC	ENSG00000086544
19	46143324	46143897	46143503	18	31	3	9.384390715	1.82E-08	CYP2B7P1	ENSG00000197573
19	46229643	46229943	46229794	12	15	2	6.256260476	0.000199274	CYP2A7P1	ENSG00000213908
19	46416273	46416622	46416447	16	22	3	6.745030826	8.05E-06	AXL	ENSG00000167601
19	46459678	46460391	46459935	27	58	5	11.53498025	4.87E-15	HNRNPUL1	ENSG00000105323
19	46461344	46461705	46461545	8	14	5	2.932622098	0.00829617	HNRNPUL1	ENSG00000105323
19	46461805	46462329	46462037	11	22	6	3.854303329	0.000260696	HNRNPUL1	ENSG00000105323
19	46507813	46508283	46507992	11	20	1	12.31701281	1.03E-06	CCDC97	ENSG00000142039
19	46607095	46607319	46607205	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BCKDHA	ENSG00000142046
19	46637439	46637819	46637632	8	16	3	4.985457567	0.000385643	ATP5SL	ENSG00000105341
19	46725931	46726145	46726010	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	CEACAM21	ENSG00000007129
19	46726155	46726983	46726547	146	204	0	240.4750121	7.96E-70	CEACAM21	ENSG00000007129
19	46793514	46793751	46793634	8	10	3	3.225884308	0.0139466	CEACAM21	ENSG00000007129
19	46942466	46942660	46942563	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CEACAM6	ENSG00000086548
19	46981392	46981727	46981552	10	14	2	5.865244197	0.000387308	CEACAM3	ENSG00000170956
19	47055262	47055789	47055641	21	34	8	4.561856597	2.04E-06	RPS19	ENSG00000105372
19	47055950	47056980	47056129	52	101	6	17.09299737	2.07E-27	RPS19	ENSG00000105372
19	47069123	47069456	47069289	9	13	5	2.737113958	0.0137917	CD79A	ENSG00000105369
19	47079872	47080388	47080188	19	27	13	2.346097679	0.00332578	ARHGEF1	ENSG00000076928
19	47153824	47154040	47153894	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RABAC1	ENSG00000105404
19	47416115	47416360	47416231	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ZNF526	ENSG00000167625
19	47439110	47439524	47439274	10	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000204957
19	47440695	47441113	47440934	9	19	10	2.132816071	0.01835		ENSG00000204957
19	47464615	47464844	47464712	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ERF	ENSG00000105722
19	47466772	47467023	47466897	8	10	0	12.90353723	0.000195991	CIC	ENSG00000079432
19	47487478	47487720	47487605	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CIC	ENSG00000079432
19	47521164	47521375	47521253	8	10	1	6.451768616	0.00135978	MEGF8	ENSG00000105429
19	47548031	47548535	47548371	14	23	2	9.384390715	8.25E-07	MEGF8	ENSG00000105429
19	47592984	47593419	47593240	8	17	1	10.55743955	9.18E-06	CNFN	ENSG00000105427
19	47616270	47616462	47616283	10	12	2	5.083211637	0.00143337	LIPE	ENSG00000079435
19	47629731	47629936	47629833	9	10	0	12.90353723	0.000195991	LIPE	ENSG00000079435
19	48325402	48325617	48325492	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CEACAMP9	ENSG00000219038
19	48651696	48652074	48651875	9	16	4	3.988366054	0.00115141	LYPD3	ENSG00000124466

19	48715525	48715728	48715666	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ETHE1	ENSG00000105755
19	48792329	48792613	48792453	17	19	6	3.351568112	0.00134187	ZNF576	ENSG00000124444
19	48878895	48879108	48879001	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLAUR	ENSG00000011422
19	48950644	48950908	48950737	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	C19orf61	ENSG00000105771
19	48978608	48979282	48978964	67	101	6	17.09299737	2.07E-27	KCNN4	ENSG00000104783
19	48980272	48980713	48980541	24	32	4	7.742122339	4.68E-08	KCNN4	ENSG00000104783
19	48981073	48981547	48981290	23	38	4	9.149780947	8.17E-10	KCNN4	ENSG00000104783
19	49023015	49023352	49023174	10	15	5	3.128130238	0.00492422	ZNF283	ENSG00000176232
19	49146916	49147239	49147077	8	12	2	5.083211637	0.00143337	ZNF221	ENSG00000018607
19	49309163	49309403	49309275	13	14	2	5.865244197	0.000387308	ZNF225	ENSG00000159904
19	49360765	49361170	49360944	12	19	5	3.910162798	0.000546977	ZNF226	ENSG00000167380
19	49455851	49456102	49456001	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	ZNF233	ENSG00000159915
19	49860775	49861049	49860912	15	16	6	2.848832895	0.00632407	CEACAM19	ENSG00000186567
19	49918991	49919242	49919077	11	14	5	2.932622098	0.00829617	CEACAM16	ENSG00000213892
19	49936652	49936837	49936744	8	9	4	2.346097679	0.050148	BCL3	ENSG00000069399
19	49937072	49937427	49937249	26	32	6	5.530087385	7.11E-07	BCL3	ENSG00000069399
19	49942404	49942713	49942552	10	14	5	2.932622098	0.00829617	BCL3	ENSG00000069399
19	49965837	49966174	49966012	26	30	6	5.194930574	2.42E-06		ENSG00000216919
19	50039911	50040212	50040045	9	13	7	2.052835469	0.046392	PVRL2	ENSG00000130202
19	50040814	50041057	50040935	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	PVRL2	ENSG00000130202
19	50272548	50272730	50272585	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF296	ENSG00000170684
19	50286469	50286669	50286569	9	11	6	2.010940867	0.0640214	LRRC68	ENSG00000104866
19	50286695	50287154	50286882	11	23	6	4.021881735	0.000148535	LRRC68	ENSG00000104866
19	50287858	50288257	50288079	9	16	5	3.323638378	0.00288759	LRRC68	ENSG00000104866
19	50308623	50308981	50308802	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000213043
19	50318478	50318921	50318623	13	22	8	2.997791478	0.00137524		ENSG00000213043
19	50331206	50331628	50331449	9	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000213043
19	50501230	50501598	50501408	18	23	4	5.630634429	1.63E-05	CKM	ENSG00000104879
19	50521592	50521771	50521671	8	8	2	3.519146518	0.017558	CKM	ENSG00000104879
19	50595362	50595644	50595501	18	21	2	8.602358155	3.33E-06	PPP1R13L	ENSG00000104881
19	50599350	50599655	50599502	11	14	8	1.955081399	0.0506438	PPP1R13L	ENSG00000104881
19	50599971	50600358	50600188	13	19	7	2.932622098	0.00293566	PPP1R13L	ENSG00000104881
19	50600776	50601160	50600982	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	CD3EAP	ENSG00000117877
19	50601469	50601716	50601619	13	14	13	1.256838042	0.269506	CD3EAP	ENSG00000117877

19	50618857	50619099	50618969	11	13	3	4.105670938	0.00243034	ERCC1	ENSG00000012061
19	50673441	50673965	50673620	8	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG000000213889
19	50680286	50680607	50680464	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG000000213889
19	50688333	50688572	50688397	10	13	1	8.211341875	0.000163445	RTN2	ENSG000000125744
19	50827315	50827891	50827717	67	84	6	14.24416448	3.92E-22		ENSG000000199066
19	50837389	50837581	50837459	8	8	3	2.639359888	0.0415794	EML2	ENSG000000125746
19	50863954	50864277	50864111	8	12	2	5.083211637	0.00143337	GIPR	ENSG00000010310
19	50925933	50926183	50926082	14	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG000000177051
19	51012332	51012589	51012460	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RSHL1	ENSG000000104941
19	51056004	51056262	51056133	8	11	5	2.346097679	0.0364013	SYMPK	ENSG000000125755
19	51078524	51078724	51078597	8	9	1	5.865244197	0.00272497	IRF2BP1	ENSG000000170604
19	51122865	51123129	51122995	8	10	5	2.150589539	0.0575848	NANOS2	ENSG000000188425
19	51147772	51147964	51147906	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NOVA2	ENSG000000104967
19	51224101	51224369	51224265	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PGLYRP1	ENSG00000008438
19	51236293	51236546	51236417	9	11	2	4.692195357	0.00272444	IGFL4	ENSG000000204869
19	51272676	51272863	51272763	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG000000203347
19	51328475	51329112	51328682	57	88	1	52.20067335	4.91E-29	IGFL3	ENSG000000188624
19	51354545	51354870	51354709	17	21	2	8.602358155	3.33E-06	IGFL3	ENSG000000188624
19	51401478	51401711	51401616	11	11	1	7.038293036	0.000674435	IGFL1	ENSG000000188293
19	51494102	51494281	51494191	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HIF3A	ENSG000000124440
19	51568767	51569191	51568979	9	19	2	7.820325595	1.32E-05	PPP5C	ENSG00000011485
19	51628834	51629017	51628904	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCDC8	ENSG000000169515
19	51683009	51683225	51683142	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG000000204850
19	51715620	51715803	51715699	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG000000204851
19	51737791	51738027	51737909	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG000000204851
19	51741633	51741813	51741723	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG000000204851
19	51796111	51796307	51796209	8	8	2	3.519146518	0.017558	CALM3	ENSG000000160014
19	51892526	51892812	51892669	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG000000210172
19	51961707	51961910	51961822	8	8	2	3.519146518	0.017558	STRN4	ENSG000000090372
19	51966073	51966256	51966187	8	8	2	3.519146518	0.017558	SLC1A5	ENSG000000105281
19	52045896	52046170	52046033	12	15	14	1.251252095	0.26676	AP2S1	ENSG000000042753
19	52051405	52051612	52051508	9	10	7	1.612942154	0.147335	AP2S1	ENSG000000042753
19	52054999	52055593	52055422	11	25	6	4.357038546	4.72E-05	AP2S1	ENSG000000042753
19	52061868	52062216	52062081	13	18	13	1.591994853	0.0905191	AP2S1	ENSG000000042753

19	52069515	52069695	52069565	8	9	2	3.910162798	0.00955088	AP2S1	ENSG00000042753
19	52097378	52097677	52097516	8	10	1	6.451768616	0.00135978	GRLF1	ENSG00000160007
19	52120393	52120586	52120495	8	11	5	2.346097679	0.0364013	GRLF1	ENSG00000160007
19	52186296	52186537	52186449	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NPAS1	ENSG00000130751
19	52227408	52227645	52227584	8	10	2	4.301179077	0.00512919	NPAS1	ENSG00000130751
19	52230579	52231293	52231016	15	37	13	3.183989707	3.37E-05	TMEM160	ENSG00000130748
19	52251817	52252157	52251987	23	27	1	16.42268375	5.88E-09	TMEM160	ENSG00000130748
19	52274581	52274837	52274686	11	12	1	7.624817456	0.000332769	TMEM160	ENSG00000130748
19	52291430	52291670	52291554	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ZC3H4	ENSG00000130749
19	52302490	52302981	52302659	10	16	3	4.985457567	0.000385643	ZC3H4	ENSG00000130749
19	52304812	52305290	52305051	10	21	4	5.161414893	5.68E-05	ZC3H4	ENSG00000130749
19	52307229	52307493	52307379	11	13	6	2.346097679	0.0266147	ZC3H4	ENSG00000130749
19	52308173	52308398	52308291	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ZC3H4	ENSG00000130749
19	52347357	52347689	52347523	18	23	3	7.038293036	4.15E-06	SAE1	ENSG00000142230
19	52347693	52348057	52347881	43	50	4	11.96509816	2.00E-13	SAE1	ENSG00000142230
19	52426312	52427062	52426480	128	178	2	69.99191408	2.21E-57	BBC3	ENSG00000105327
19	52427444	52427946	52427674	67	95	1	56.30634429	2.31E-31	BBC3	ENSG00000105327
19	52432217	52432535	52432376	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	BBC3	ENSG00000105327
19	52436116	52436527	52436295	18	27	4	6.5690735	1.26E-06	BBC3	ENSG00000105327
19	52439368	52439606	52439487	13	14	3	4.398933147	0.00132748	BBC3	ENSG00000105327
19	52452370	52452599	52452525	8	12	3	3.812408728	0.004404	CCDC9	ENSG00000105321
19	52452791	52452970	52452901	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CCDC9	ENSG00000105321
19	52484930	52485303	52485142	9	15	2	6.256260476	0.000199274	C5AR1	ENSG00000197405
19	52544156	52544494	52544318	8	11	6	2.010940867	0.0640214	DHX34	ENSG00000134815
19	52679241	52679509	52679375	9	12	3	3.812408728	0.004404	KPTN	ENSG00000118162
19	52710325	52710757	52710580	15	23	6	4.021881735	0.000148535	NAPA	ENSG00000105402
19	52819059	52819379	52819223	14	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000223326
19	52837210	52837460	52837335	10	12	1	7.624817456	0.000332769	GLTSCR1	ENSG00000063169
19	52843083	52843819	52843534	14	31	18	1.975661203	0.00796595	GLTSCR1	ENSG00000063169
19	52893276	52893464	52893356	8	8	5	1.759573259	0.13508	EHD2	ENSG00000024422
19	52940400	52940658	52940569	8	11	5	2.346097679	0.0364013	GLTSCR2	ENSG00000105373
19	52973495	52973714	52973651	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SEPW1	ENSG00000178980
19	53091810	53092289	53092116	33	41	0	49.26805125	6.97E-15		ENSG00000221072
19	53208212	53208487	53208302	12	16	2	6.647276756	0.000101928	ELSPBP1	ENSG00000169393

19	53359719	53359999	53359841	9	10	3	3.225884308	0.0139466	LIG1	ENSG00000105486
19	53364974	53365314	53365144	12	17	3	5.278719777	0.000205462	LIG1	ENSG00000105486
19	53398872	53399144	53399028	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000196223
19	53399167	53399369	53399200	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000196223
19	53465179	53465433	53465315	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ZNF114	ENSG00000178150
19	53486261	53486557	53486440	10	13	2	5.474227917	0.000747844	ZNF114	ENSG00000178150
19	53515135	53515380	53515257	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CCDC114	ENSG00000105479
19	53527619	53527984	53527805	14	21	6	3.686724924	0.000453999	EMP3	ENSG00000142227
19	53598766	53598947	53598856	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GRIN2D	ENSG00000105464
19	53622883	53623233	53623054	16	20	1	12.31701281	1.03E-06	GRWD1	ENSG00000105447
19	53663798	53663984	53663891	8	8	5	1.759573259	0.13508	CYTH2	ENSG00000105443
19	53683156	53683484	53683320	16	20	5	4.105670938	0.000308509	CYTH2	ENSG00000105443
19	53687976	53688280	53688106	8	11	1	7.038293036	0.000674435	LMTK3	ENSG00000142235
19	53708774	53709084	53708929	10	16	4	3.988366054	0.00115141	LMTK3	ENSG00000142235
19	53738290	53738537	53738413	8	11	2	4.692195357	0.00272444	SULT2B1	ENSG00000088002
19	53738559	53738784	53738665	12	12	5	2.541605819	0.0225912	SULT2B1	ENSG00000088002
19	53746996	53747397	53747234	12	17	3	5.278719777	0.000205462	SULT2B1	ENSG00000088002
19	53748833	53749034	53748979	9	10	9	1.290353723	0.279648	SULT2B1	ENSG00000088002
19	53803905	53804103	53803986	10	10	3	3.225884308	0.0139466	SPACA4	ENSG00000177202
19	53814026	53814593	53814357	20	35	10	3.839068929	8.08E-06	SPHK2	ENSG00000063176
19	53830455	53830638	53830546	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DBP	ENSG00000105516
19	53832547	53832742	53832644	8	10	0	12.90353723	0.000195991	DBP	ENSG00000105516
19	53915758	53915956	53915832	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000176909
19	53948101	53948381	53948250	9	12	6	2.178519273	0.0416567	FUT1	ENSG00000174951
19	53990515	53990793	53990662	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000206758
19	54007245	54007609	54007430	10	17	6	3.016411301	0.00381427	BCAT2	ENSG00000105552
19	54011118	54011333	54011225	8	9	5	1.955081399	0.0892323	BCAT2	ENSG00000105552
19	54095071	54095339	54095195	10	13	6	2.346097679	0.0266147	NUCB1	ENSG00000104805
19	54128783	54128984	54128895	9	10	0	12.90353723	0.000195991	DHDH	ENSG00000104808
19	54149562	54149958	54149801	13	19	1	11.73048839	2.14E-06	BAX	ENSG00000087088
19	54150064	54150490	54150277	81	99	1	58.65244197	1.08E-32	BAX	ENSG00000087088
19	54251056	54251360	54251208	18	22	3	6.745030826	8.05E-06	CGB7	ENSG00000196337
19	54292827	54293069	54292948	10	11	7	1.759573259	0.102361	SNRNP70	ENSG00000104852
19	54344653	54344875	54344826	9	10	0	12.90353723	0.000195991	HRC	ENSG00000130528

19	54345462	54345737	54345612	9	12	3	3.812408728	0.004404	HRC	ENSG00000130528
19	54346217	54346420	54346310	8	9	2	3.910162798	0.00955088	HRC	ENSG00000130528
19	54346908	54347193	54347039	8	11	3	3.519146518	0.00788869	HRC	ENSG00000130528
19	54467174	54467618	54467396	49	62	6	10.55743955	1.87E-15	SLC6A16	ENSG00000063127
19	54558526	54558956	54558777	10	17	3	5.278719777	0.000205462	DKKL1	ENSG00000104901
19	54587004	54587252	54587122	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CCDC155	ENSG00000161609
19	54638160	54638404	54638282	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC17A7	ENSG00000104888
19	54673944	54674349	54674021	9	17	2	7.038293036	5.19E-05	FLT3LG	ENSG00000090554
19	54691051	54691554	54691375	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	RPS11	ENSG00000142534
19	54741919	54742187	54742033	9	11	8	1.564065119	0.151515	RCN3	ENSG00000142552
19	54775580	54775829	54775704	18	19	3	5.865244197	5.72E-05	NOSIP	ENSG00000142546
19	54785288	54785607	54785447	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	PRR12	ENSG00000126464
19	54960535	54960866	54960700	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000206599
19	54961553	54961770	54961591	8	11	1	7.038293036	0.000674435	AP2A1	ENSG00000196961
19	55012347	55012666	55012489	8	11	9	1.407658607	0.210479	MED25	ENSG00000104973
19	55062308	55062576	55062461	11	12	3	3.812408728	0.004404	PNKP	ENSG00000039650
19	55124595	55124809	55124702	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	IL4I1	ENSG00000104951
19	55182167	55182721	55182427	18	35	8	4.692195357	1.14E-06		ENSG00000213863
19	55220431	55220706	55220577	13	16	4	3.988366054	0.00115141	VRK3	ENSG00000105053
19	55242027	55242261	55242131	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000204666
19	55246124	55247110	55246767	46	91	3	26.9801233	2.19E-27		ENSG00000204666
19	55410325	55410574	55410427	8	9	5	1.955081399	0.0892323	MYH14	ENSG00000105357
19	55571336	55571571	55571453	8	11	8	1.564065119	0.151515	NR1H2	ENSG00000131408
19	55656391	55656610	55656435	9	10	1	6.451768616	0.00135978	C19orf63	ENSG00000161671
19	55674249	55674432	55674340	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FAM71E1	ENSG00000142530
19	55706373	55706583	55706452	8	10	2	4.301179077	0.00512919	JOSD2	ENSG00000161677
19	55732862	55733078	55732970	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000204653
19	55999687	55999945	55999816	11	11	12	1.082814313	0.424156	C19orf48	ENSG00000167747
19	56091614	56091975	56091796	34	41	0	49.26805125	6.97E-15	KLKP1	ENSG00000197588
19	56266095	56266317	56266191	8	9	4	2.346097679	0.050148	KLK13	ENSG00000167759
19	56303374	56303669	56303541	12	16	2	6.647276756	0.000101928	ATPBD3	ENSG00000142544
19	56475433	56475733	56475583	15	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000179213
19	56562829	56563142	56562985	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CLDND2	ENSG00000160318
19	56603997	56604313	56604173	9	12	9	1.524963491	0.154777	SIGLEC10	ENSG00000142512



19	56617162	56617361	56617242	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SIGLEC10	ENSG00000142512
19	56803042	56803401	56803221	19	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000213818
19	56827295	56827559	56827395	10	13	7	2.052835469	0.046392	SIGLEC5	ENSG00000105501
19	56842021	56842240	56842125	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SIGLEC14	ENSG00000197865
19	56851978	56852268	56852123	10	13	1	8.211341875	0.000163445	SIGLEC14	ENSG00000197865
19	56897325	56897583	56897426	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000182310
19	56897682	56897888	56897739	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000182310
19	56900162	56900382	56900272	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000182310
19	56994547	56994726	56994636	8	9	3	2.932622098	0.0242899	FPR3	ENSG00000187474
19	57384075	57384262	57384153	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PPP2R1A	ENSG00000105568
19	57932926	57933350	57933109	14	24	2	9.775406994	4.09E-07		ENSG00000175885
19	58085075	58085377	58085226	9	13	2	5.474227917	0.000747844	ZNF320	ENSG00000182986
19	58157390	58157666	58157552	11	11	3	3.519146518	0.00788869	ZNF320	ENSG00000182986
19	58390433	58390681	58390543	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ZNF665	ENSG00000197497
19	58489992	58490561	58490351	98	127	4	30.03005029	7.55E-38	BIRC8	ENSG00000180152
19	58676083	58676412	58676247	23	27	3	8.211341875	2.82E-07	ZNF813	ENSG00000198346
19	58715756	58716256	58715924	11	20	9	2.463402563	0.00689886	ZNF331	ENSG00000130844
19	58817053	58817363	58817208	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000210416
19	58988134	58988322	58988228	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000199143
19	59064593	59064789	59064648	9	11	2	4.692195357	0.00272444	MYADM	ENSG00000179820
19	59175280	59175461	59175317	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000215998
19	59226251	59226440	59226345	8	9	1	5.865244197	0.00272497	VSTM1	ENSG00000189068
19	59297550	59297826	59297688	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	OSCAR	ENSG00000170909
19	59310342	59310668	59310505	9	14	2	5.865244197	0.000387308	TFPT	ENSG00000105619
19	59310739	59311024	59310881	10	13	2	5.474227917	0.000747844	TFPT	ENSG00000105619
19	59352548	59352848	59352698	14	16	4	3.988366054	0.00115141	LENG1	ENSG00000105617
19	59354750	59355016	59354883	8	8	3	2.639359888	0.0415794	LENG1	ENSG00000105617
19	59355460	59355763	59355611	9	12	1	7.624817456	0.000332769	LENG1	ENSG00000105617
19	59368140	59368596	59368417	14	21	7	3.225884308	0.00106152	TMC4	ENSG00000167608
19	59392736	59392959	59392847	9	9	0	11.73048839	0.000425898	RPS9	ENSG00000170889
19	59528319	59528554	59528443	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000217003
19	59634467	59634810	59634634	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	TTYH1	ENSG00000167614
19	60012330	60012521	60012384	8	9	2	3.910162798	0.00955088	KIR2DL4	ENSG00000189013
19	60076886	60077105	60076993	14	14	2	5.865244197	0.000387308	FCAR	ENSG00000186431

19	60370053	60370236	60370144	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000210696
19	60419687	60419942	60419814	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	PTPRH ENSG00000080031
19	60462352	60462774	60462521	17	24	2	9.775406994	4.09E-07	SAPS1 ENSG00000105063
19	60504906	60505204	60505075	8	11	3	3.519146518	0.00788869	BRSK1 ENSG00000160469
19	60541801	60542157	60541948	10	14	4	3.519146518	0.00361132	SUV420H2 ENSG00000133247
19	60542925	60543119	60543019	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SUV420H2 ENSG00000133247
19	60547671	60548184	60547926	46	66	4	15.71885445	2.26E-18	SUV420H2 ENSG00000133247
19	60588368	60588558	60588463	8	9	5	1.955081399	0.0892323	RPL28 ENSG00000108107
19	60588675	60588906	60588770	12	14	5	2.932622098	0.00829617	RPL28 ENSG00000108107
19	60589043	60589296	60589169	8	10	4	2.580707446	0.0306059	RPL28 ENSG00000108107
19	60592969	60593231	60593128	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RPL28 ENSG00000108107
19	60610991	60611262	60611126	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	UBE2S ENSG00000108106
19	60784011	60784279	60784145	16	17	3	5.278719777	0.000205462	ZNF579 ENSG00000218891
19	60802322	60802643	60802482	8	13	7	2.052835469	0.046392	FIZ1 ENSG00000179943
19	60802692	60802883	60802785	8	9	0	11.73048839	0.000425898	FIZ1 ENSG00000179943
19	60804083	60805060	60804598	55	105	10	11.30392518	3.47E-25	ZNF524 ENSG00000171443
19	60846644	60846911	60846806	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ZNF581 ENSG00000171425
19	60862994	60863175	60863084	10	10	3	3.225884308	0.0139466	U2AF2 ENSG00000063244
19	61104656	61104857	61104743	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NLRP13 ENSG00000173572
19	61344152	61344415	61344283	16	18	5	3.714654658	0.000961539	ZNF444 ENSG00000167685
19	62817272	62817517	62817380	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ZNF134 ENSG00000213762
19	63022794	63022973	63022883	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF552 ENSG00000178935
19	63590299	63590712	63590548	8	15	4	3.753756286	0.0020497	RPS5 ENSG00000083845
19	63722888	63723290	63723101	8	16	3	4.985457567	0.000385643	ZBTB45 ENSG00000119574
2	25847	26278	26007	15	23	5	4.692195357	5.29E-05	FAM110C ENSG00000184731
2	36921	37233	37089	10	10	2	4.301179077	0.00512919	FAM110C ENSG00000184731
2	132171	132389	132280	11	11	4	2.815317214	0.0183428	FAM110C ENSG00000184731
2	519465	519659	519562	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TMEM18 ENSG00000151353
2	545449	545724	545567	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TMEM18 ENSG00000151353
2	1471436	1472494	1471896	266	428	3	125.809488	5.27E-139	TPO ENSG00000115705
2	1608042	1608305	1608173	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PXDN ENSG00000130508
2	1687730	1688130	1687930	79	94	3	27.85990993	2.34E-28	PXDN ENSG00000130508
2	1957273	1957452	1957364	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000214874
2	2066226	2066405	2066270	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000214874

2	2974143	2974524	2974351	25	32	4	7.742122339	4.68E-08	TSSC1	ENSG00000032389
2	3338103	3338329	3338216	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TSSC1	ENSG00000032389
2	3406760	3406952	3406877	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210538
2	3426602	3426874	3426758	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000210538
2	3600534	3600907	3600693	15	20	10	2.239456875	0.0121685	RPS7	ENSG00000171863
2	3676471	3676731	3676620	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ALLC	ENSG00000151360
2	3684667	3684904	3684785	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	ALLC	ENSG00000151360
2	3830604	3830831	3830751	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214866
2	5500454	5500655	5500554	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000219497
2	5770804	5771000	5770943	12	13	2	5.474227917	0.000747844	SOX11	ENSG00000176887
2	5834780	5835012	5834887	10	10	4	2.580707446	0.0306059	SOX11	ENSG00000176887
2	7089286	7089667	7089488	8	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000223145
2	7095411	7095625	7095518	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000223145
2	7330115	7330333	7330165	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000213774
2	7435764	7435965	7435902	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213774
2	7803034	7803228	7803071	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220722
2	7806704	7806884	7806798	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220722
2	8284473	8284665	8284612	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000182367
2	8412807	8412994	8412921	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000182367
2	8597559	8597793	8597671	11	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000182367
2	8629653	8629945	8629771	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000182367
2	8631158	8631380	8631317	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000182367
2	8735410	8735803	8735589	11	19	3	5.865244197	5.72E-05	ID2	ENSG00000115738
2	8743567	8743796	8743628	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ID2	ENSG00000115738
2	8768589	8768822	8768731	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ID2	ENSG00000115738
2	9139784	9140064	9139926	15	18	0	22.28792795	3.94E-07	MBOAT2	ENSG00000143797
2	9391316	9391510	9391423	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000213772
2	9702223	9702573	9702398	12	18	5	3.714654658	0.000961539	YWHAQ	ENSG00000134308
2	9713220	9713444	9713330	8	8	2	3.519146518	0.017558	YWHAQ	ENSG00000134308
2	9866621	9866844	9866717	14	15	2	6.256260476	0.000199274	TAF1B	ENSG00000115750
2	9887980	9888232	9888106	16	17	6	3.016411301	0.00381427	TAF1B	ENSG00000115750
2	9900881	9901065	9901004	8	9	0	11.73048839	0.000425898	TAF1B	ENSG00000115750
2	10009331	10009519	10009413	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GRHL1	ENSG00000134317
2	10032797	10033144	10033043	9	14	3	4.398933147	0.00132748	GRHL1	ENSG00000134317

2	10153588	10153873	10153750	20	23	3	7.038293036	4.15E-06	ENSG00000212558	
2	10548411	10548628	10548519	11	12	3	3.812408728	0.004404	ENSG00000217258	
2	10655474	10655765	10655619	11	11	1	7.038293036	0.000674435	NOL10	ENSG00000115761
2	10809873	10810224	10810048	11	16	4	3.988366054	0.00115141	ATP6V1C2	ENSG00000143882
2	11174312	11174525	11174418	10	12	3	3.812408728	0.004404	ENSG00000145063	
2	11212397	11212669	11212545	10	12	1	7.624817456	0.000332769	PQLC3	ENSG00000162976
2	11403081	11403260	11403184	8	8	6	1.508205651	0.203852	ROCK2	ENSG00000134318
2	11504210	11504459	11504348	9	11	3	3.519146518	0.00788869	E2F6	ENSG00000169016
2	11523743	11523961	11523853	17	17	5	3.519146518	0.00167472	E2F6	ENSG00000169016
2	11556143	11556490	11556316	18	23	2	9.384390715	8.25E-07	ENSG00000201610	
2	11588502	11588949	11588700	24	35	3	10.55743955	1.13E-09	ENSG00000196208	
2	11589933	11590430	11590150	38	59	11	5.865244197	2.04E-11	ENSG00000196208	
2	11592082	11592273	11592176	8	8	5	1.759573259	0.13508	ENSG00000196208	
2	11596881	11597419	11597188	21	35	12	3.24844294	4.27E-05	ENSG00000196208	
2	11597525	11597741	11597633	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000196208	
2	11640302	11640500	11640401	8	8	7	1.319679944	0.283403	ENSG00000210722	
2	11689089	11689409	11689247	28	32	3	9.677652924	9.12E-09	ENSG00000196208	
2	11746022	11746276	11746149	13	13	1	8.211341875	0.000163445	NTSR2	ENSG00000169006
2	11750578	11750870	11750738	9	10	7	1.612942154	0.147335	NTSR2	ENSG00000169006
2	11801630	11802021	11801843	12	22	2	8.993374435	1.66E-06	LPIN1	ENSG00000134324
2	11804896	11805122	11804984	8	8	3	2.639359888	0.0415794	LPIN1	ENSG00000134324
2	11822027	11822218	11822156	10	10	4	2.580707446	0.0306059	LPIN1	ENSG00000134324
2	12021450	12021798	12021624	18	24	2	9.775406994	4.09E-07	LPIN1	ENSG00000134324
2	12233807	12234128	12233959	9	14	3	4.398933147	0.00132748	ENSG00000207183	
2	12566295	12566485	12566390	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000207183	
2	13754329	13754716	13754508	24	30	0	36.36451402	3.56E-11		
2	13897877	13898185	13898031	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ENSG00000210748	
2	14345605	14346141	14345784	96	118	1	69.79640594	5.05E-39	ENSG00000210748	
2	14686472	14686887	14686708	29	40	4	9.619000482	2.08E-10	FAM84A	ENSG00000162981
2	14693153	14693379	14693266	8	8	2	3.519146518	0.017558	FAM84A	ENSG00000162981
2	15159659	15159873	15159759	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ENSG00000151779	
2	15618725	15619032	15618853	12	15	3	4.692195357	0.000718455	ENSG00000151779	
2	15649261	15649529	15649383	15	16	5	3.323638378	0.00288759	DDX1	ENSG00000079785
2	15649775	15649970	15649870	8	9	1	5.865244197	0.00272497	DDX1	ENSG00000079785

2	15788001	15788305	15788159	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000202160
2	15895357	15895706	15895531	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000202160
2	15997402	15997703	15997573	8	9	4	2.346097679	0.050148	MYCN	ENSG00000134323
2	16665347	16665619	16665483	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	FAM49A	ENSG00000197872
2	16697575	16698027	16697873	17	24	2	9.775406994	4.09E-07	FAM49A	ENSG00000197872
2	16726103	16726303	16726205	8	8	4	2.111487911	0.0804809	FAM49A	ENSG00000197872
2	16945227	16945460	16945339	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000219877
2	17005828	17006061	17005904	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000219877
2	17859394	17859573	17859483	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MSGN1	ENSG00000151379
2	17860235	17860813	17860562	51	76	1	45.16238031	4.73E-25	MSGN1	ENSG00000151379
2	17875430	17875641	17875522	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MSGN1	ENSG00000151379
2	17945981	17946171	17946076	9	11	2	4.692195357	0.00272444	KCNS3	ENSG00000170745
2	18092630	18092897	18092802	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000212455
2	18869219	18869415	18869317	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NT5C1B	ENSG00000185013
2	19036760	19037003	19036879	11	11	6	2.010940867	0.0640214	OSR1	ENSG00000143867
2	19112110	19112330	19112220	9	10	4	2.580707446	0.0306059	OSR1	ENSG00000143867
2	19122228	19122594	19122439	16	21	3	6.451768616	1.56E-05	OSR1	ENSG00000143867
2	19136875	19137274	19137005	15	22	12	2.0753941	0.0149739	OSR1	ENSG00000143867
2	19195211	19195453	19195332	8	10	3	3.225884308	0.0139466	OSR1	ENSG00000143867
2	19204115	19204416	19204281	12	16	7	2.492728784	0.0124193	OSR1	ENSG00000143867
2	19291779	19292665	19292173	147	238	6	40.05123894	1.97E-71	OSR1	ENSG00000143867
2	19426008	19426220	19426114	8	11	5	2.346097679	0.0364013	OSR1	ENSG00000143867
2	19717931	19718325	19718114	23	37	0	44.57585589	1.55E-13	CISD1B	ENSG00000143880
2	19964978	19965380	19965209	12	19	5	3.910162798	0.000546977	TTC32	ENSG00000183891
2	20019160	20019360	20019260	9	11	4	2.815317214	0.0183428	WDR35	ENSG00000118965
2	20024139	20024404	20024254	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	WDR35	ENSG00000118965
2	20113926	20114166	20114047	10	12	2	5.083211637	0.00143337	LAPTM4A	ENSG00000068697
2	20134950	20135176	20135094	10	11	4	2.815317214	0.0183428	LAPTM4A	ENSG00000068697
2	20156908	20157102	20157027	12	12	3	3.812408728	0.004404	LAPTM4A	ENSG00000068697
2	20177344	20177663	20177513	8	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000213729
2	20259938	20260310	20260070	16	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000200763
2	20271497	20271706	20271601	8	8	5	1.759573259	0.13508	SDC1	ENSG00000115884
2	20276360	20276664	20276507	12	15	11	1.564065119	0.11768	SDC1	ENSG00000115884
2	20294805	20295157	20294994	9	14	4	3.519146518	0.00361132	SDC1	ENSG00000115884

2	20295726	20295909	20295878	8	8	5	1.759573259	0.13508	SDC1	ENSG00000115884
2	20510191	20510407	20510257	11	13	4	3.28453675	0.00629037	RHOB	ENSG00000143878
2	20521040	20521377	20521208	8	13	6	2.346097679	0.0266147	RHOB	ENSG00000143878
2	20529236	20529701	20529467	13	26	5	5.278719777	8.57E-06		ENSG00000200829
2	20529704	20529917	20529810	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000200829
2	20532176	20532460	20532307	13	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000200829
2	20535494	20535750	20535628	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000200829
2	20559602	20559878	20559641	8	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000200829
2	20647851	20648102	20648017	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000219263
2	20740711	20740924	20740817	8	9	0	11.73048839	0.000425898	GDF7	ENSG00000143869
2	21357338	21357590	21357475	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000218819
2	23731174	23731503	23731332	27	32	1	19.35530585	1.42E-10	KBTBD9	ENSG00000119771
2	24003563	24003818	24003717	8	11	4	2.815317214	0.0183428	UBXN2A	ENSG00000173960
2	24152671	24152913	24152792	14	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000115128
2	24153590	24153899	24153763	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000115128
2	24160532	24160964	24160711	29	39	3	11.73048839	6.80E-11	TP53I3	ENSG00000115129
2	24161096	24161283	24161194	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TP53I3	ENSG00000115129
2	24200377	24200575	24200476	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000186453
2	24220958	24221165	24220991	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000186453
2	24498119	24498307	24498213	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000211550
2	24869665	24869870	24869767	10	11	4	2.815317214	0.0183428	C2orf79	ENSG00000184924
2	24905037	24905374	24905261	12	16	3	4.985457567	0.000385643	ADCY3	ENSG00000138031
2	24961375	24961793	24961614	16	25	1	15.24963491	2.59E-08	ADCY3	ENSG00000138031
2	25242642	25242821	25242685	8	8	1	5.278719777	0.00542188	POMC	ENSG00000115138
2	25260910	25261124	25260974	9	10	3	3.225884308	0.0139466	POMC	ENSG00000115138
2	25305230	25305445	25305337	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DNMT3A	ENSG00000119772
2	25748121	25748405	25748264	10	13	4	3.28453675	0.00629037	DTNB	ENSG00000138101
2	25774569	25774769	25774692	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000201160
2	26043005	26043193	26043072	9	11	3	3.519146518	0.00788869	KIF3C	ENSG00000084731
2	26085217	26085477	26085340	11	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000220917
2	26088612	26088941	26088762	14	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000220917
2	26134938	26135180	26135066	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000199872
2	26221528	26221756	26221642	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000219820
2	26350534	26350869	26350698	11	16	6	2.848832895	0.00632407	HADHB	ENSG00000138029

2	26431876	26432145	26432013	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000138018
2	26449706	26449912	26449809	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000138018
2	26763792	26764023	26763929	10	12	1	7.624817456	0.000332769	KCNK3	ENSG00000171303
2	26885582	26885881	26885731	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217550
2	27093184	27093427	27093305	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	MAPRE3	ENSG00000084764
2	27126894	27127455	27127195	21	34	9	4.105670938	5.54E-06	AGBL5	ENSG00000084693
2	27157622	27157883	27157705	11	12	3	3.812408728	0.004404	EMILIN1	ENSG00000138080
2	27162862	27163105	27162981	11	12	2	5.083211637	0.00143337	KHK	ENSG00000138030
2	27175055	27175273	27175164	9	10	8	1.433726359	0.209175	CGREF1	ENSG00000138028
2	27241702	27242115	27241873	36	42	6	7.205871442	1.25E-09		ENSG00000216392
2	27286190	27286402	27286347	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC5A6	ENSG00000138074
2	27288424	27288739	27288567	11	14	3	4.398933147	0.00132748	SLC5A6	ENSG00000138074
2	27293498	27293690	27293554	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CAD	ENSG00000084774
2	27293745	27293973	27293896	10	11	2	4.692195357	0.00272444	CAD	ENSG00000084774
2	27369682	27370037	27369911	9	14	6	2.513676084	0.016726	TRIM54	ENSG00000138100
2	27397416	27397705	27397558	14	16	4	3.988366054	0.00115141	MPV17	ENSG00000115204
2	27399245	27399594	27399419	14	18	6	3.183989707	0.00227432	MPV17	ENSG00000115204
2	27433035	27433620	27433175	11	22	9	2.69801233	0.00276236	GTF3C2	ENSG00000115207
2	27446726	27446986	27446819	9	11	2	4.692195357	0.00272444	EIF2B4	ENSG00000115211
2	27471889	27472126	27472007	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	FTHL3P	ENSG00000213453
2	27565999	27566186	27566070	9	9	5	1.955081399	0.0892323	IFT172	ENSG00000138002
2	27739621	27739948	27739784	9	11	1	7.038293036	0.000674435	SLC4A1AP	ENSG00000163798
2	27740004	27740247	27740142	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	SUPT7L	ENSG00000119760
2	27782335	27782897	27782720	28	43	2	17.20471631	4.62E-13		ENSG00000205334
2	27782962	27783172	27783076	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000205334
2	27830571	27830794	27830682	9	11	3	3.519146518	0.00788869	MRPL33	ENSG00000163797
2	27847802	27848252	27848079	8	15	1	9.384390715	3.90E-05	MRPL33	ENSG00000163797
2	28248682	28249092	28248914	52	68	2	26.9801233	4.10E-21		ENSG00000197918
2	28359895	28360147	28359991	11	11	2	4.692195357	0.00272444	FOSL2	ENSG00000075426
2	28360310	28360795	28360469	17	25	3	7.624817456	1.09E-06	FOSL2	ENSG00000075426
2	28453896	28454299	28454075	8	15	1	9.384390715	3.90E-05	FOSL2	ENSG00000075426
2	28468060	28468436	28468211	8	14	3	4.398933147	0.00132748	FOSL2	ENSG00000075426
2	28469109	28469353	28469231	15	15	3	4.692195357	0.000718455	FOSL2	ENSG00000075426
2	28470964	28471187	28471013	9	9	1	5.865244197	0.00272497	FOSL2	ENSG00000075426

2	28848828	28849017	28848946	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PPP1CB	ENSG00000213639
2	28971567	28971902	28971742	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	WDR43	ENSG00000163811
2	29098627	29098806	29098716	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM179A	ENSG00000189350
2	29145003	29145202	29145051	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	C2orf71	ENSG00000179270
2	29273234	29273489	29273386	11	13	4	3.28453675	0.00629037	CLIP4	ENSG00000115295
2	29309837	29310216	29310003	11	18	6	3.183989707	0.00227432	CLIP4	ENSG00000115295
2	29540018	29540197	29540107	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000215990
2	29715109	29715403	29715258	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000222996
2	30042441	30043141	30042772	135	180	0	212.3218399	9.78E-62	ALK	ENSG00000171094
2	30294283	30294529	30294367	10	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000217617
2	30788038	30788303	30788170	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000219426
2	30790510	30790754	30790632	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000219426
2	30832328	30832826	30832666	10	21	8	2.867452718	0.00225035		ENSG00000219426
2	30848802	30849058	30848930	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000219426
2	31001799	31002000	31001899	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000216093
2	31066133	31066506	31066327	12	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000216093
2	31310210	31310417	31310362	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CAPN14	ENSG00000214711
2	31310427	31310659	31310541	8	9	3	2.932622098	0.0242899	EHD3	ENSG00000013016
2	32244182	32244438	32244310	10	12	8	1.694403879	0.107291	SLC30A6	ENSG00000152683
2	33010719	33010982	33010850	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000206951
2	33026439	33026672	33026552	8	8	2	3.519146518	0.017558	LTBP1	ENSG00000049323
2	33092958	33093254	33093106	20	24	0	29.32622098	3.74E-09		ENSG00000217182
2	33369981	33370234	33370078	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000212204
2	33490332	33490566	33490449	8	11	4	2.815317214	0.0183428	RASGRP3	ENSG00000152689
2	33554311	33554636	33554462	16	18	5	3.714654658	0.000961539	RASGRP3	ENSG00000152689
2	33677826	33678138	33677991	10	12	1	7.624817456	0.000332769	FAM98A	ENSG00000119812
2	34103847	34104069	34103958	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000219819
2	35375987	35376292	35376140	11	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000217899
2	35377107	35377354	35377270	12	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000217899
2	35507215	35507455	35507310	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207255
2	36782171	36782435	36782303	13	16	8	2.215758919	0.0222902	VIT	ENSG00000205221
2	37086274	37086456	37086358	9	9	1	5.865244197	0.00272497	STRN	ENSG00000115808
2	37277142	37277572	37277316	13	21	2	8.602358155	3.33E-06	SULT6B1	ENSG00000138068
2	37312101	37312341	37312221	9	11	8	1.564065119	0.151515	CEBPZ	ENSG00000115816



2	37442038	37442312	37442164	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	QPCT	ENSG00000115828
2	37734605	37735123	37734871	48	71	4	16.89190329	6.15E-20	CDC42EP3	ENSG00000163171
2	37867533	37868095	37867734	82	99	2	39.10162798	3.00E-31		ENSG00000213595
2	37971544	37971876	37971710	12	14	7	2.199466574	0.0303778	FAM82A1	ENSG00000115841
2	38005984	38006337	38006160	12	17	6	3.016411301	0.00381427	FAM82A1	ENSG00000115841
2	38107517	38108069	38107696	40	61	2	24.24300935	7.63E-19	CYP1B1	ENSG00000138061
2	38176891	38177188	38177059	13	16	4	3.988366054	0.00115141	CYP1B1	ENSG00000138061
2	38662398	38662586	38662492	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HNRPLL	ENSG00000143889
2	38683502	38683689	38683595	9	10	3	3.225884308	0.0139466	HNRPLL	ENSG00000143889
2	38697134	38697363	38697248	16	16	2	6.647276756	0.000101928	HNRPLL	ENSG00000143889
2	38765490	38765706	38765590	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GALM	ENSG00000143891
2	38771275	38771832	38771656	20	31	5	6.256260476	3.74E-07	GALM	ENSG00000143891
2	38831832	38832237	38832063	10	18	3	5.571981987	0.000108726	SFRS7	ENSG00000115875
2	38986844	38987135	38986987	19	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000214694
2	39149032	39149211	39149133	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000206985
2	39201642	39201902	39201787	10	11	4	2.815317214	0.0183428	SOS1	ENSG00000115904
2	39204920	39205215	39205059	11	14	5	2.932622098	0.00829617	SOS1	ENSG00000115904
2	39260942	39261252	39261108	13	15	2	6.256260476	0.000199274	CDKL4	ENSG00000205111
2	39485919	39486257	39486088	28	30	1	18.18225701	6.30E-10	MAP4K3	ENSG00000011566
2	39674531	39674749	39674688	9	9	5	1.955081399	0.0892323	TMEM178	ENSG00000152154
2	40117936	40118186	40118075	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000217059
2	40175757	40175998	40175864	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000217059
2	40412770	40412959	40412903	8	8	2	3.519146518	0.017558	SLC8A1	ENSG00000183023
2	41537658	41538037	41537858	11	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000221372
2	41803415	41803758	41803592	30	32	1	19.35530585	1.42E-10		ENSG00000213574
2	41803823	41804033	41803956	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000213574
2	41854743	41855121	41854942	11	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000213574
2	41872300	41872556	41872392	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000213574
2	41921396	41921624	41921510	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000218827
2	41962498	41962677	41962587	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214691
2	42135567	42135792	42135699	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000162878
2	42167186	42167478	42167325	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000162878
2	42187575	42187754	42187664	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000162878
2	42213647	42213959	42213803	16	18	6	3.183989707	0.00227432	EML4	ENSG00000143924

2	42381291	42381564	42381417	10	11	2	4.692195357	0.00272444	EML4	ENSG00000143924
2	42423209	42423388	42423298	8	8	6	1.508205651	0.203852	COX7A2L	ENSG00000115944
2	42441884	42442107	42441972	9	10	6	1.843362462	0.0964212	COX7A2L	ENSG00000115944
2	42465912	42466103	42465976	8	8	2	3.519146518	0.017558	COX7A2L	ENSG00000115944
2	42575500	42575745	42575624	9	11	16	0.828034475	0.698553	MTA3	ENSG00000057935
2	42626336	42626641	42626488	21	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000217380
2	42639577	42639960	42639755	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	MTA3	ENSG00000057935
2	42643192	42643491	42643336	10	12	7	1.906204364	0.0695918	MTA3	ENSG00000057935
2	42823879	42824122	42824000	9	10	1	6.451768616	0.00135978	OXER1	ENSG00000162881
2	42832928	42833114	42833011	8	9	2	3.910162798	0.00955088	OXER1	ENSG00000162881
2	42876620	42877385	42876846	87	131	0	154.8424468	3.21E-45		ENSG00000217155
2	42891102	42891546	42891313	16	27	10	2.9859425	0.000503424		ENSG00000217155
2	43259484	43259666	43259602	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ZFP36L2	ENSG00000152518
2	43259698	43259882	43259745	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZFP36L2	ENSG00000152518
2	43300467	43300777	43300622	11	16	6	2.848832895	0.00632407	ZFP36L2	ENSG00000152518
2	43310227	43310449	43310401	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000178006
2	43507095	43507378	43507238	13	14	12	1.353517892	0.211235		ENSG00000211259
2	43524091	43524286	43524188	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000211259
2	43553868	43554116	43553992	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000211259
2	43559260	43559447	43559321	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000211259
2	43677004	43677183	43677093	8	8	5	1.759573259	0.13508	THADA	ENSG00000115970
2	43978983	43979166	43979092	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000200924
2	44629827	44630012	44629911	8	10	1	6.451768616	0.00135978	C2orf34	ENSG00000143919
2	45036321	45036558	45036414	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	SIX3	ENSG00000138083
2	45090087	45090390	45090216	9	14	2	5.865244197	0.000387308	SIX2	ENSG00000170577
2	45339933	45340112	45340009	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205054
2	45731641	45731831	45731710	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PRKCE	ENSG00000171132
2	45756123	45756375	45756232	10	13	5	2.737113958	0.0137917	PRKCE	ENSG00000171132
2	45833225	45833632	45833343	8	15	7	2.346097679	0.0195693	PRKCE	ENSG00000171132
2	45846543	45846889	45846716	16	22	1	13.49006165	2.37E-07	PRKCE	ENSG00000171132
2	45930094	45930508	45930273	41	52	2	20.72386283	6.10E-16	PRKCE	ENSG00000171132
2	46017089	46017334	46017244	9	12	4	3.049926982	0.0108184	PRKCE	ENSG00000171132
2	46019199	46019829	46019504	11	30	14	2.424300935	0.00163956	PRKCE	ENSG00000171132
2	46089046	46089418	46089205	20	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000217939

2	46171363	46171564	46171509	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000217939
2	46215096	46215545	46215259	19	28	6	4.859773763	8.07E-06		ENSG00000217939
2	46215585	46215986	46215785	9	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000217939
2	46252206	46252478	46252327	8	9	1	5.865244197	0.00272497	EPAS1	ENSG00000116016
2	46252675	46253436	46253084	62	102	9	12.08240304	4.42E-25	EPAS1	ENSG00000116016
2	46416730	46416918	46416808	8	9	1	5.865244197	0.00272497	EPAS1	ENSG00000116016
2	46515680	46515999	46515839	11	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000211311
2	46580557	46580808	46580682	10	10	5	2.150589539	0.0575848	ATP6V1E2	ENSG00000171142
2	46725878	46726060	46725912	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000203445
2	46726278	46726732	46726505	20	35	2	14.07658607	1.57E-10		ENSG00000203445
2	46727711	46728094	46727933	24	33	2	13.29455351	6.68E-10		ENSG00000203445
2	46731344	46731558	46731409	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000203445
2	47048595	47048904	47048749	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	TTC7A	ENSG00000068724
2	47099909	47100088	47099998	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TTC7A	ENSG00000068724
2	47256879	47257062	47256970	8	9	6	1.675784056	0.141978	CALM2	ENSG00000143933
2	47420502	47420741	47420633	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TACSTD1	ENSG00000119888
2	47420819	47421091	47420934	15	17	9	2.111487911	0.0248715	TACSTD1	ENSG00000119888
2	47556994	47557202	47557127	10	10	2	4.301179077	0.00512919	MSH2	ENSG00000095002
2	47986984	47987171	47987077	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FBXO11	ENSG00000138081
2	47987405	47987805	47987584	12	19	3	5.865244197	5.72E-05	FBXO11	ENSG00000138081
2	48191895	48192365	48192074	11	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000201010
2	48394758	48395184	48395057	10	16	3	4.985457567	0.000385643	FOXN2	ENSG00000170802
2	48396131	48396342	48396189	9	10	2	4.301179077	0.00512919	FOXN2	ENSG00000170802
2	48682079	48682307	48682194	8	10	0	12.90353723	0.000195991	GTF2A1L	ENSG00000068781
2	48830383	48830635	48830512	9	12	6	2.178519273	0.0416567	LHCGR	ENSG00000138039
2	48849314	48849769	48849493	18	27	4	6.5690735	1.26E-06	TCEB2	ENSG00000217429
2	48859682	48859930	48859791	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TCEB2	ENSG00000217429
2	48921787	48922228	48921997	41	55	2	21.89691167	6.60E-17	TCEB2	ENSG00000217429
2	49027257	49027449	49027353	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000214602
2	49571481	49571667	49571530	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000206915
2	54205462	54205695	54205553	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ACYP2	ENSG00000170634
2	54660376	54660718	54660547	13	15	6	2.68125449	0.0103552	SPTBN1	ENSG00000115306
2	54700255	54700550	54700402	13	17	4	4.222975822	0.000640773	SPTBN1	ENSG00000115306
2	54700694	54701005	54700839	18	22	1	13.49006165	2.37E-07	SPTBN1	ENSG00000115306

2	54803868	54804456	54804183	8	21	2	8.602358155	3.33E-06	ENSG00000214595
2	54919230	54919486	54919358	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	ENSG00000143940
2	55033971	55034165	55034073	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ENSG00000143940
2	55079916	55080119	55080091	9	10	3	3.225884308	0.0139466 RTN4	ENSG00000115310
2	55090752	55090956	55090860	8	8	3	2.639359888	0.0415794 RTN4	ENSG00000115310
2	55093560	55093785	55093672	13	13	2	5.474227917	0.000747844	ENSG00000200086
2	55130158	55130340	55130236	8	9	3	2.932622098	0.0242899 RTN4	ENSG00000115310
2	55158864	55159168	55159016	20	21	1	12.90353723	4.95E-07 RTN4	ENSG00000115310
2	55312728	55313090	55312907	8	16	8	2.215758919	0.0222902 C2orf63	ENSG00000162994
2	55349756	55350039	55349911	17	20	1	12.31701281	1.03E-06 MTIF2	ENSG00000085760
2	55698123	55698711	55698286	16	28	12	2.616801257	0.00120123 SMEK2	ENSG00000138041
2	55860400	55860636	55860518	11	11	6	2.010940867	0.0640214 PNPT1	ENSG00000138035
2	55919818	55920225	55920046	11	19	4	4.692195357	0.000193572 EFEMP1	ENSG00000115380
2	56024121	56024439	56024280	16	19	2	7.820325595	1.32E-05	ENSG00000202344
2	56041952	56042257	56042086	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000202344
2	56459717	56460059	56459888	29	34	4	8.211341875	1.23E-08	ENSG00000199395
2	60580576	60580944	60580820	10	15	1	9.384390715	3.90E-05 BCL11A	ENSG00000119866
2	61095509	61095688	61095598	8	8	0	10.55743955	0.000925496 PUS10	ENSG00000162927
2	61097681	61098067	61097860	14	22	3	6.745030826	8.05E-06 PEX13	ENSG00000162928
2	61358430	61358855	61358609	15	25	0	30.49926982	1.72E-09 AHSA2	ENSG00000173209
2	61507051	61507250	61507096	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000206937
2	61552016	61552216	61552096	8	9	0	11.73048839	0.000425898 USP34	ENSG00000115464
2	61618758	61619215	61618990	14	25	7	3.812408728	0.00012465 XPO1	ENSG00000082898
2	61619285	61619500	61619401	9	10	1	6.451768616	0.00135978 XPO1	ENSG00000082898
2	61844468	61844648	61844558	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ENSG00000213486
2	61844962	61845199	61845022	8	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000213486
2	61969450	61969629	61969477	8	8	4	2.111487911	0.0804809 CCT4	ENSG00000115484
2	62040511	62041007	62040709	88	111	1	65.690735	1.09E-36	ENSG00000209229
2	62041890	62042305	62042097	51	65	1	38.7106117	2.08E-21	ENSG00000209229
2	62123625	62123846	62123735	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000220214
2	62387580	62388049	62387767	17	31	8	4.170840318	1.13E-05	ENSG00000209133
2	62586451	62586721	62586622	11	13	2	5.474227917	0.000747844 TMEM17	ENSG00000186889
2	62785687	62786347	62785902	9	27	9	3.28453675	0.000236424 EHBP1	ENSG00000115504
2	62806001	62806199	62806066	8	9	4	2.346097679	0.050148 EHBP1	ENSG00000115504

2	63669162	63669387	63669334	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000143951
2	63922791	63923110	63922941	12	13	2	5.474227917	0.000747844	UGP2	ENSG00000169764
2	64130396	64130655	64130525	8	10	4	2.580707446	0.0306059	VPS54	ENSG00000143952
2	64314838	64315121	64314966	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	PELI1	ENSG00000197329
2	64563829	64564008	64563964	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000119862
2	64568728	64568965	64568846	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000119862
2	64604636	64605025	64604783	11	17	4	4.222975822	0.000640773	AFTPH	ENSG00000119844
2	64687203	64687430	64687316	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000209305
2	64688464	64688695	64688579	13	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000209305
2	64725168	64725492	64725336	12	13	3	4.105670938	0.00243034	SERTAD2	ENSG00000179833
2	64802003	64802253	64802176	9	11	3	3.519146518	0.00788869	SERTAD2	ENSG00000179833
2	64816249	64816460	64816354	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209316
2	64832255	64832667	64832492	10	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000209316
2	64912369	64912730	64912562	16	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000199964
2	64929095	64929336	64929215	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000199964
2	64946073	64946322	64946197	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000199964
2	65121354	65121533	65121443	8	9	4	2.346097679	0.050148	CEP68	ENSG00000011523
2	65136867	65137061	65136952	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CEP68	ENSG00000011523
2	65149433	65149868	65149590	52	60	1	35.7779896	9.32E-20	CEP68	ENSG00000011523
2	65152098	65152436	65152315	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	CEP68	ENSG00000011523
2	65210586	65210784	65210693	8	11	4	2.815317214	0.0183428	RAB1A	ENSG00000138069
2	65308113	65308477	65308252	10	15	8	2.085420159	0.0338693	ACTR2	ENSG00000138071
2	65390302	65390701	65390522	13	20	5	4.105670938	0.000308509	ACTR2	ENSG00000138071
2	65431411	65431702	65431556	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	SPRED2	ENSG00000198369
2	65458346	65458547	65458499	9	10	9	1.290353723	0.279648	SPRED2	ENSG00000198369
2	65487301	65487542	65487421	12	15	2	6.256260476	0.000199274	SPRED2	ENSG00000198369
2	65513133	65513640	65513461	10	21	4	5.161414893	5.68E-05	SPRED2	ENSG00000198369
2	65618630	65619173	65618964	59	74	1	43.98933147	2.18E-24		ENSG00000208992
2	65721105	65721326	65721235	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000214533
2	65744507	65744687	65744565	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214533
2	66342922	66343145	66343079	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221107
2	67927140	67927346	67927243	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000219288
2	68332031	68332249	68332140	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PPP3R1	ENSG00000115953
2	68332966	68333150	68333058	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PPP3R1	ENSG00000115953

2	68545413	68545606	68545509	9	9	1	5.865244197	0.00272497	FBXO48	ENSG00000204923
2	68825098	68825529	68825270	16	27	1	16.42268375	5.88E-09	ARHGAP25	ENSG00000163219
2	69489926	69490196	69490061	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	GFPT1	ENSG00000198380
2	69728958	69729353	69729175	14	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000220011
2	69805459	69805698	69805566	8	9	4	2.346097679	0.050148	ANXA4	ENSG00000196975
2	69822545	69822816	69822680	13	14	4	3.519146518	0.00361132	ANXA4	ENSG00000196975
2	69843377	69843565	69843471	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ANXA4	ENSG00000196975
2	69910006	69910233	69910131	10	13	5	2.737113958	0.0137917	GMCL1L	ENSG00000087338
2	69974473	69974713	69974601	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	SNRNP27	ENSG00000124380
2	70013037	70013253	70013091	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MXD1	ENSG00000059728
2	70166704	70167067	70166876	9	15	6	2.68125449	0.0103552	PCBP1	ENSG00000169564
2	70204755	70205003	70204879	10	11	6	2.010940867	0.0640214	PCBP1	ENSG00000169564
2	70221705	70222166	70221935	17	28	2	11.33947211	2.41E-08	C2orf42	ENSG00000115998
2	70271591	70271859	70271725	8	10	0	12.90353723	0.000195991	C2orf42	ENSG00000115998
2	70329244	70329773	70329396	11	21	8	2.867452718	0.00225035	TIA1	ENSG00000116001
2	70374141	70374491	70374316	12	18	4	4.457585589	0.000353565	SNRPG	ENSG00000143977
2	70500747	70500951	70500864	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000215996
2	70677355	70678060	70677724	99	140	4	33.07997727	4.57E-42	TGFA	ENSG00000163235
2	70696984	70697183	70697043	11	12	6	2.178519273	0.0416567	TGFA	ENSG00000163235
2	70980950	70981144	70981047	8	9	5	1.955081399	0.0892323	VAX2	ENSG00000116035
2	71148789	71149073	71148931	8	12	8	1.694403879	0.107291	NAGK	ENSG00000124357
2	71149135	71149412	71149291	11	14	5	2.932622098	0.00829617	NAGK	ENSG00000124357
2	71210442	71210688	71210565	9	12	5	2.541605819	0.0225912	MCEE	ENSG00000124370
2	71211005	71211331	71211165	14	18	3	5.571981987	0.000108726	MPHOSPH1	ENSG00000124383
2	71412170	71412378	71412298	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ZNF638	ENSG00000075292
2	71499746	71499946	71499846	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF638	ENSG00000075292
2	71572866	71573075	71572970	8	9	1	5.865244197	0.00272497	DYSF	ENSG00000135636
2	71808235	71808712	71808533	19	29	3	8.797866295	7.21E-08	DYSF	ENSG00000135636
2	71827592	71827858	71827725	17	19	5	3.910162798	0.000546977	DYSF	ENSG00000135636
2	71828184	71828572	71828411	12	17	5	3.519146518	0.00167472	DYSF	ENSG00000135636
2	71961544	71961799	71961689	19	20	2	8.211341875	6.65E-06	CYP26B1	ENSG00000003137
2	72011348	72011528	72011438	8	9	5	1.955081399	0.0892323	CYP26B1	ENSG00000003137
2	72033338	72033580	72033459	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CYP26B1	ENSG00000003137
2	72075786	72076057	72075921	10	10	6	1.843362462	0.0964212	CYP26B1	ENSG00000003137

2	72196137	72196529	72196302	19	26	2	10.55743955	9.97E-08	CYP26B1	ENSG00000003137
2	72943239	72943513	72943406	9	11	4	2.815317214	0.0183428	SPR	ENSG00000116096
2	72968437	72968795	72968597	10	15	6	2.68125449	0.0103552	SPR	ENSG00000116096
2	72974464	72975077	72974641	14	33	0	39.88366054	3.46E-12	SPR	ENSG00000116096
2	72999120	72999457	72999281	8	13	1	8.211341875	0.000163445	EMX1	ENSG00000135638
2	73152322	73152555	73152465	9	12	5	2.541605819	0.0225912	SFXN5	ENSG00000144040
2	73257813	73258154	73257978	9	14	2	5.865244197	0.000387308	NOTO	ENSG00000214513
2	73284964	73285183	73285049	8	10	4	2.580707446	0.0306059	NOTO	ENSG00000214513
2	73293218	73293412	73293282	8	9	4	2.346097679	0.050148	SMYD5	ENSG00000135632
2	73294658	73294999	73294822	11	15	3	4.692195357	0.000718455	SMYD5	ENSG00000135632
2	73324739	73324923	73324831	9	9	4	2.346097679	0.050148	CCT7	ENSG00000135624
2	73324952	73325165	73325058	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	CCT7	ENSG00000135624
2	73375634	73375838	73375736	8	8	2	3.519146518	0.017558	EGR4	ENSG00000135625
2	73533165	73533422	73533292	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000221087
2	73817925	73818147	73818075	8	8	6	1.508205651	0.203852	TPRKB	ENSG00000144034
2	73837998	73838284	73838138	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TPRKB	ENSG00000144034
2	74001935	74002243	74002089	8	8	2	3.519146518	0.017558	DGUOK	ENSG00000114956
2	74007272	74007595	74007433	10	16	5	3.323638378	0.00288759	DGUOK	ENSG00000114956
2	74064230	74064653	74064409	31	41	10	4.47891375	2.87E-07		ENSG00000201876
2	74090927	74091264	74091091	30	33	5	6.647276756	1.04E-07	TET3	ENSG00000187605
2	74268915	74269234	74269076	19	22	2	8.993374435	1.66E-06	MOBKL1B	ENSG00000114978
2	74347751	74348013	74347896	9	12	3	3.812408728	0.004404	SLC4A5	ENSG00000188687
2	74472498	74472711	74472606	8	8	3	2.639359888	0.0415794	DCTN1	ENSG00000204843
2	74493724	74493925	74493764	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	C2orf81	ENSG00000159239
2	74535309	74535714	74535611	9	16	7	2.492728784	0.0124193	INO80B	ENSG00000221956
2	74553165	74553474	74553302	12	17	9	2.111487911	0.0248715	MRPL53	ENSG00000204822
2	74589304	74589491	74589371	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PCGF1	ENSG00000115289
2	74606701	74607233	74607104	16	32	4	7.742122339	4.68E-08	DQX1	ENSG00000144045
2	74915886	74916065	74915975	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HK2	ENSG00000159399
2	74926123	74926308	74926215	8	9	4	2.346097679	0.050148	HK2	ENSG00000159399
2	75460573	75460767	75460670	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000208916
2	75630190	75630627	75630369	12	21	7	3.225884308	0.00106152	FAM176A	ENSG00000115363
2	75689749	75689994	75689902	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000221638
2	75727181	75727476	75727329	14	15	4	3.753756286	0.0020497	MRPL19	ENSG00000115364

2	76062693	76062930	76062864	8	10	3	3.225884308	0.0139466	C2orf3	ENSG00000005436
2	83903748	83903991	83903877	13	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000199295
2	84136539	84136768	84136655	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000182814
2	84516651	84516869	84516731	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SUCLG1	ENSG00000163541
2	84540195	84540448	84540291	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SUCLG1	ENSG00000163541
2	84944718	84944949	84944793	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208827
2	84974662	84975100	84974921	24	33	12	3.067973887	0.000114749	TMSB10	ENSG00000034510
2	85006266	85006774	85006616	21	31	9	3.753756286	2.87E-05		ENSG00000213399
2	85007687	85007919	85007820	12	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000213399
2	85040504	85040806	85040642	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KCMF1	ENSG00000176407
2	85095304	85095737	85095523	47	57	2	22.67894423	1.50E-17	KCMF1	ENSG00000176407
2	85147515	85147759	85147650	10	12	3	3.812408728	0.004404	KCMF1	ENSG00000176407
2	85187348	85187581	85187475	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TCF7L1	ENSG00000152284
2	85187585	85187793	85187654	9	9	3	2.932622098	0.0242899	TCF7L1	ENSG00000152284
2	85336954	85337153	85337009	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000221579
2	85339873	85340215	85340044	18	23	7	3.519146518	0.000369739		ENSG00000221579
2	85408531	85408938	85408609	10	20	6	3.519146518	0.000784044	TGOLN2	ENSG00000152291
2	85435075	85435589	85435276	19	31	12	2.887504835	0.000300358	ELMOD3	ENSG00000115459
2	85441847	85442076	85441961	8	9	7	1.466311049	0.20706	ELMOD3	ENSG00000115459
2	85450297	85450611	85450499	9	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000208809
2	85471954	85472138	85472111	8	11	4	2.815317214	0.0183428	CAPG	ENSG00000042493
2	85477274	85477959	85477623	19	42	9	5.044110009	5.53E-08	CAPG	ENSG00000042493
2	85498759	85499029	85498894	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CAPG	ENSG00000042493
2	85501343	85501621	85501505	13	15	2	6.256260476	0.000199274	SH2D6	ENSG00000152292
2	85556897	85557330	85557053	10	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000199936
2	85597363	85597542	85597472	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MAT2A	ENSG00000168906
2	85604964	85605689	85605379	15	35	6	6.032822602	1.10E-07	MAT2A	ENSG00000168906
2	85618925	85619152	85619072	8	9	7	1.466311049	0.20706	MAT2A	ENSG00000168906
2	85619288	85619662	85619486	12	17	7	2.639359888	0.00777415	MAT2A	ENSG00000168906
2	85619827	85620086	85619927	12	13	7	2.052835469	0.046392	MAT2A	ENSG00000168906
2	85620834	85621109	85620968	11	12	3	3.812408728	0.004404	MAT2A	ENSG00000168906
2	85632767	85633000	85632883	11	11	3	3.519146518	0.00788869	GGCX	ENSG00000115486
2	85642041	85642323	85642182	13	16	4	3.988366054	0.00115141	GGCX	ENSG00000115486
2	85683674	85683881	85683768	9	9	7	1.466311049	0.20706	TMEM150	ENSG00000168890



2	85809676	85809889	85809782	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000199687
2	85823170	85823463	85823316	16	19	6	3.351568112	0.00134187	ATOH8	ENSG00000168874
2	86035560	86035945	86035766	9	17	4	4.222975822	0.000640773	ST3GAL5	ENSG00000115525
2	86037025	86037245	86037153	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ST3GAL5	ENSG00000115525
2	86153099	86153480	86153270	9	15	4	3.753756286	0.0020497	POLR1A	ENSG00000068654
2	86186175	86186775	86186607	9	23	10	2.559379286	0.00330263	POLR1A	ENSG00000068654
2	86279945	86280309	86280118	12	17	8	2.346097679	0.0144542	MRPL35	ENSG00000132313
2	86448951	86449281	86449116	12	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000202537
2	86506926	86507303	86507124	45	53	7	7.918079665	4.10E-12	JMJD1A	ENSG00000115548
2	86507418	86507725	86507571	9	13	10	1.49297125	0.157311	JMJD1A	ENSG00000115548
2	86521593	86521916	86521754	19	23	5	4.692195357	5.29E-05	JMJD1A	ENSG00000115548
2	86643261	86643471	86643366	8	10	3	3.225884308	0.0139466	VPS24	ENSG00000115561
2	86643504	86643859	86643681	9	15	6	2.68125449	0.0103552	VPS24	ENSG00000115561
2	86644031	86644427	86644192	17	22	6	3.854303329	0.000260696	VPS24	ENSG00000115561
2	86712609	86712935	86712772	12	18	6	3.183989707	0.00227432	VPS24	ENSG00000115561
2	86713429	86713623	86713526	9	9	2	3.910162798	0.00955088	VPS24	ENSG00000115561
2	86888030	86888297	86888158	12	14	3	4.398933147	0.00132748	CD8A	ENSG00000153563
2	86888802	86889314	86889067	10	23	12	2.165628626	0.0100985	CD8A	ENSG00000153563
2	88096740	88097024	88096882	8	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000222724
2	88097038	88097421	88097225	13	21	9	2.580707446	0.00438951		ENSG00000222724
2	88267810	88268059	88267938	8	11	2	4.692195357	0.00272444	THNSL2	ENSG00000144115
2	88272134	88272608	88272396	93	118	7	17.44910148	9.18E-32	THNSL2	ENSG00000144115
2	88431504	88431716	88431652	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000212133
2	88535456	88535661	88535603	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000214336
2	88584973	88585321	88585147	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	C2orf51	ENSG00000172073
2	88618879	88619547	88619097	77	111	0	131.38147	1.77E-38	C2orf51	ENSG00000172073
2	88620280	88620461	88620310	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C2orf51	ENSG00000172073
2	88707929	88708256	88708092	11	17	5	3.519146518	0.00167472	EIF2AK3	ENSG00000172071
2	88708531	88708772	88708643	13	16	5	3.323638378	0.00288759	EIF2AK3	ENSG00000172071
2	88739773	88740097	88739927	11	15	5	3.128130238	0.00492422	EIF2AK3	ENSG00000172071
2	88740188	88740600	88740366	22	29	15	2.199466574	0.00420562	RPIA	ENSG00000153574
2	88752468	88752739	88752603	13	14	8	1.955081399	0.0506438	RPIA	ENSG00000153574
2	88772168	88772506	88772337	10	15	3	4.692195357	0.000718455	RPIA	ENSG00000153574
2	88797395	88797715	88797555	8	11	1	7.038293036	0.000674435	RPIA	ENSG00000153574

2	89048562	89048864	89048733	26	29	4	7.038293036	3.41E-07	ENSG00000211601
2	91124285	91124490	91124402	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000213356
2	91163031	91163312	91163158	12	14	7	2.199466574	0.0303778	ENSG00000212975
2	91166957	91167136	91167046	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000212975
2	91167503	91167739	91167624	11	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000212975
2	91178315	91179116	91178946	30	52	16	3.657152264	1.80E-07	ENSG00000212975
2	91180141	91180846	91180616	20	48	36	1.553497112	0.0207027	ENSG00000212975
2	91180938	91181227	91181063	14	18	8	2.476436439	0.00924552	ENSG00000212975
2	91182302	91182674	91182480	18	25	8	3.388807758	0.000297109	ENSG00000212975
2	91636542	91636722	91636690	9	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000198710
2	91636857	91637186	91637021	8	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000198710
2	91639297	91639476	91639424	11	13	7	2.052835469	0.046392	ENSG00000198710
2	91639513	91639846	91639679	45	47	63	0.879786629	0.751804	ENSG00000198710
2	91639883	91640214	91640048	27	27	44	0.729897056	0.909171	ENSG00000198710
2	91644891	91645241	91645066	92	94	66	1.663278205	0.00063339	ENSG00000198710
2	91647909	91648239	91648074	22	22	23	1.124171804	0.345816	ENSG00000198710
2	91653969	91654443	91654265	116	150	148	1.188794461	0.0673223	ENSG00000198710
2	91654855	91655185	91655020	14	17	31	0.659839972	0.927052	ENSG00000198710
2	91660302	91660749	91660572	54	62	115	0.63708687	0.998388	ENSG00000198710
2	91667642	91667822	91667672	12	12	19	0.762481746	0.784291	ENSG00000198710
2	91669313	91669673	91669489	141	148	157	1.106229602	0.188991	ENSG00000198710
2	91669820	91670070	91669985	10	14	11	1.466311049	0.15926	ENSG00000198710
2	91681309	91681649	91681479	43	43	55	0.921681231	0.66001	ENSG00000198710
2	91685080	91685261	91685170	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000198710
2	91686986	91687467	91687165	53	58	89	0.768998684	0.943987	ENSG00000198710
2	94899435	94899622	94899528	8	8	2	3.519146518	0.017558	TEKT4 ENSG00000163060
2	95046585	95046835	95046710	8	9	3	2.932622098	0.0242899	MAL ENSG00000172005
2	95046893	95047084	95046988	9	9	3	2.932622098	0.0242899	MAL ENSG00000172005
2	95049867	95050144	95050005	11	14	4	3.519146518	0.00361132	MAL ENSG00000172005
2	95050564	95050813	95050660	12	14	2	5.865244197	0.000387308	MAL ENSG00000172005
2	95063707	95064047	95063877	10	14	2	5.865244197	0.000387308	MAL ENSG00000172005
2	95092299	95092491	95092393	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MAL ENSG00000172005
2	95144836	95145057	95144937	8	10	8	1.433726359	0.209175	MRPS5 ENSG00000144029
2	95195153	95195440	95195302	8	9	9	1.173048839	0.362316	ZNF2 ENSG00000163067

2	95236430	95236623	95236526	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ZNF2	ENSG00000163067
2	95236675	95237060	95236849	15	22	7	3.372515413	0.000629223	ZNF2	ENSG00000163067
2	95289488	95289765	95289616	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	PROM2	ENSG00000155066
2	95303208	95303688	95303434	10	20	2	8.211341875	6.65E-06	PROM2	ENSG00000155066
2	95303804	95304191	95303983	19	27	3	8.211341875	2.82E-07	PROM2	ENSG00000155066
2	95335881	95336060	95335973	8	8	0	10.55743955	0.000925496	KCNIP3	ENSG00000115041
2	95342954	95343243	95343110	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	KCNIP3	ENSG00000115041
2	95375007	95375399	95375183	9	13	4	3.28453675	0.00629037	KCNIP3	ENSG00000115041
2	95758467	95758707	95758587	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000204699
2	96129697	96130058	96129866	16	22	3	6.745030826	8.05E-06	ADRA2B	ENSG00000222040
2	96176533	96176796	96176664	14	15	4	3.753756286	0.0020497	DUSP2	ENSG00000158050
2	96238358	96238607	96238477	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000204685
2	96270135	96270468	96270294	15	19	5	3.910162798	0.000546977	TMEM127	ENSG00000135956
2	96289839	96290170	96290007	15	19	5	3.910162798	0.000546977	TMEM127	ENSG00000135956
2	96296644	96296896	96296784	9	12	1	7.624817456	0.000332769	CIAO1	ENSG00000144021
2	96436879	96437094	96436986	10	12	3	3.812408728	0.004404	NCAPH	ENSG00000121152
2	96538828	96539164	96538996	11	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000163121
2	96561533	96562013	96561711	8	15	8	2.085420159	0.0338693	ARID5A	ENSG00000196843
2	96631086	96631334	96631210	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KIAA1310	ENSG00000114982
2	96636736	96637036	96636887	8	11	5	2.346097679	0.0364013	KIAA1310	ENSG00000114982
2	96667705	96668002	96667853	18	22	5	4.496687217	9.59E-05	KIAA1310	ENSG00000114982
2	96709430	96709774	96709607	17	20	12	1.894925048	0.0317253	FER1L5	ENSG00000214272
2	96744009	96744290	96744157	8	12	4	3.049926982	0.0108184	FER1L5	ENSG00000214272
2	96801338	96801616	96801477	20	22	6	3.854303329	0.000260696	CNNM4	ENSG00000158158
2	96848549	96849121	96848833	12	28	13	2.429886881	0.00217891	CNNM3	ENSG00000168763
2	96853627	96853980	96853735	9	13	5	2.737113958	0.0137917	CNNM3	ENSG00000168763
2	96886628	96886841	96886686	8	9	4	2.346097679	0.050148	ANKRD39	ENSG00000213337
2	96887248	96887711	96887568	11	20	4	4.926805125	0.00010522	ANKRD39	ENSG00000213337
2	96893939	96894119	96894036	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96897207	96897437	96897322	8	11	2	4.692195357	0.00272444	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96899565	96900034	96899673	11	20	1	12.31701281	1.03E-06	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96900434	96900761	96900597	10	15	6	2.68125449	0.0103552	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96901951	96902150	96902033	9	9	5	1.955081399	0.0892323	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96902434	96902905	96902609	16	27	13	2.346097679	0.00332578	SEMA4C	ENSG00000168758

2	96912238	96912530	96912359	9	12	2	5.083211637	0.00143337	FAM178B	ENSG00000168754
2	96913832	96914163	96913997	9	14	2	5.865244197	0.000387308	FAM178B	ENSG00000168754
2	96915615	96916188	96916009	19	34	7	5.132088672	6.85E-07	FAM178B	ENSG00000168754
2	96917974	96918399	96918194	24	35	7	5.278719777	3.74E-07	FAM178B	ENSG00000168754
2	96927181	96927368	96927274	8	9	4	2.346097679	0.050148	FAM178B	ENSG00000168754
2	96960079	96960382	96960230	8	14	11	1.466311049	0.15926		ENSG00000208682
2	96962905	96963281	96963084	9	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000208682
2	96980035	96980377	96980206	8	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000208682
2	96980638	96980902	96980774	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000208682
2	96990609	96991004	96990825	14	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000208682
2	96994160	96994596	96994339	15	23	11	2.346097679	0.00594236	FAM178B	ENSG00000168754
2	97142955	97143287	97143121	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000204693
2	97628498	97629007	97628731	11	23	11	2.346097679	0.00594236	COX5B	ENSG00000135940
2	97646120	97646308	97646200	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ACTR1B	ENSG00000115073
2	97646955	97647366	97647126	18	29	7	4.398933147	1.30E-05	ACTR1B	ENSG00000115073
2	97831264	97831628	97831443	10	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000198875
2	97889335	97889736	97889535	10	18	1	11.14396397	4.44E-06	TMEM131	ENSG00000075568
2	97918908	97919087	97918988	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TMEM131	ENSG00000075568
2	97980719	97981025	97980872	12	14	2	5.865244197	0.000387308	TMEM131	ENSG00000075568
2	98238491	98238690	98238590	9	9	0	11.73048839	0.000425898	VWA3B	ENSG00000168658
2	98252063	98252242	98252188	8	8	2	3.519146518	0.017558	VWA3B	ENSG00000168658
2	98252646	98252885	98252765	9	10	2	4.301179077	0.00512919	VWA3B	ENSG00000168658
2	98272093	98272375	98272234	16	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000216112
2	98418651	98418942	98418818	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	INPP4A	ENSG00000040933
2	98427357	98427637	98427497	9	9	2	3.910162798	0.00955088	INPP4A	ENSG00000040933
2	98741082	98741306	98741194	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000201070
2	98776227	98776467	98776347	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000201070
2	98776970	98777591	98777321	16	29	6	5.027352168	4.43E-06		ENSG00000201070
2	98814680	98814929	98814790	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000201070
2	98852814	98853109	98852952	12	13	5	2.737113958	0.0137917	C2orf55	ENSG00000196872
2	99023589	99023979	99023802	32	37	0	44.57585589	1.55E-13	TSGA10	ENSG00000135951
2	99124040	99124224	99124174	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TSGA10	ENSG00000135951
2	99124629	99124926	99124777	9	13	5	2.737113958	0.0137917	C2orf15	ENSG00000170534
2	99137870	99138452	99138150	9	22	4	5.396024661	3.05E-05	MRPL30	ENSG00000185414

2	99163828	99164208	99164051	20	25	10	2.772660893	0.00131329	MRPL30	ENSG00000185414
2	99294460	99294734	99294599	10	11	1	7.038293036	0.000674435	LYG1	ENSG00000144214
2	99319966	99320326	99320151	8	14	12	1.353517892	0.211235	EIF5B	ENSG00000158417
2	99382032	99382325	99382178	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	TXNDC9	ENSG00000115514
2	99387316	99387657	99387491	12	17	9	2.111487911	0.0248715	TXNDC9	ENSG00000115514
2	99473056	99473518	99473339	10	21	7	3.225884308	0.00106152	REV1	ENSG00000135945
2	99514614	99514799	99514732	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000222274
2	99542124	99542334	99542260	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222274
2	99598723	99598918	99598804	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222274
2	99600696	99600919	99600830	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000222274
2	99619405	99619869	99619690	34	46	14	3.67555303	7.62E-07		ENSG00000222274
2	99639794	99640305	99639973	13	26	11	2.639359888	0.0015854		ENSG00000222274
2	99682560	99682804	99682682	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222274
2	99683485	99683773	99683629	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000222274
2	99691145	99691450	99691297	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000222274
2	99710088	99710363	99710240	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222274
2	99748903	99749235	99749069	25	30	3	9.091128505	3.63E-08		ENSG00000222274
2	99789704	99790019	99789855	16	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000222274
2	99794435	99794759	99794597	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222274
2	99960618	99961265	99960977	41	64	1	38.12408728	4.44E-21	AFF3	ENSG00000144218
2	100039590	100039869	100039761	8	11	2	4.692195357	0.00272444	AFF3	ENSG00000144218
2	100049744	100050185	100050006	13	24	11	2.443851749	0.00386428	AFF3	ENSG00000144218
2	100050726	100050948	100050868	8	11	6	2.010940867	0.0640214	AFF3	ENSG00000144218
2	100225896	100226082	100225989	8	9	5	1.955081399	0.0892323	LONRF2	ENSG00000170500
2	100232011	100232470	100232213	34	48	2	19.15979771	1.17E-14	LONRF2	ENSG00000170500
2	100250720	100251169	100250899	13	21	10	2.346097679	0.00796926	LONRF2	ENSG00000170500
2	100273933	100274293	100274122	18	24	5	4.887703497	2.90E-05	LONRF2	ENSG00000170500
2	100274911	100275302	100275123	17	25	6	4.357038546	4.72E-05	LONRF2	ENSG00000170500
2	100288404	100288595	100288431	8	8	1	5.278719777	0.00542188	LONRF2	ENSG00000170500
2	100364128	100364556	100364264	13	19	3	5.865244197	5.72E-05	CHST10	ENSG00000115526
2	100405322	100405531	100405413	9	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000204641
2	100545522	100545886	100545694	13	19	7	2.932622098	0.00293566	PDCL3	ENSG00000115539
2	100723060	100723313	100723214	11	11	2	4.692195357	0.00272444	NPAS2	ENSG00000170485
2	100769224	100769404	100769299	8	8	5	1.759573259	0.13508	NPAS2	ENSG00000170485

2	100870704	100871285	100870850	12	22	7	3.372515413	0.000629223	NPAS2	ENSG00000170485
2	100886834	100887069	100886951	8	10	4	2.580707446	0.0306059	NPAS2	ENSG00000170485
2	100984940	100985253	100985096	9	13	3	4.105670938	0.00243034	RPL31	ENSG00000071082
2	101093384	101093715	101093549	18	20	6	3.519146518	0.000784044	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101096181	101096695	101096360	47	64	3	19.06204364	1.01E-18	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101096913	101097100	101096969	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101103400	101103760	101103562	9	15	5	3.128130238	0.00492422	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101107829	101108237	101108031	13	22	8	2.997791478	0.00137524	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101118569	101118905	101118737	10	15	4	3.753756286	0.0020497	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101135756	101135995	101135875	11	11	3	3.519146518	0.00788869	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101142425	101142929	101142638	29	41	2	16.42268375	2.00E-12	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101168030	101168480	101168209	18	30	3	9.091128505	3.63E-08	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101234622	101235011	101234794	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	C2orf29	ENSG00000158435
2	101235271	101235853	101235798	10	25	2	10.16642327	2.02E-07	C2orf29	ENSG00000158435
2	101291738	101291941	101291839	9	10	4	2.580707446	0.0306059	RNF149	ENSG00000163162
2	101310659	101311065	101310822	28	37	8	4.952872877	3.52E-07	RNF149	ENSG00000163162
2	101549644	101550227	101549902	10	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000196460
2	101679484	101679715	101679567	8	11	3	3.519146518	0.00788869	MAP4K4	ENSG00000071054
2	101686867	101687411	101687119	192	229	2	89.93374435	2.34E-74	MAP4K4	ENSG00000071054
2	101806139	101806417	101806278	10	11	2	4.692195357	0.00272444	MAP4K4	ENSG00000071054
2	102139012	102139340	102139175	10	12	4	3.049926982	0.0108184	IL1R1	ENSG00000115594
2	102173134	102173314	102173262	8	8	3	2.639359888	0.0415794	IL1RL2	ENSG00000115598
2	102210782	102211085	102210955	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000205716
2	102254853	102255065	102254953	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000205716
2	102488284	102488558	102488407	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	SLC9A4	ENSG00000180251
2	102719536	102719750	102719573	10	11	4	2.815317214	0.0183428	MFSD9	ENSG00000135953
2	102719808	102720158	102719980	8	12	3	3.812408728	0.004404	TMEM182	ENSG00000170417
2	102918753	102918944	102918848	11	11	1	7.038293036	0.000674435	TMEM182	ENSG00000170417
2	102959009	102959245	102959136	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TMEM182	ENSG00000170417
2	102966663	102967066	102966872	46	56	2	22.28792795	3.14E-17	TMEM182	ENSG00000170417
2	103620653	103621096	103620912	43	56	0	66.86378384	6.12E-20		
2	104417330	104417704	104417605	12	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000199727
2	104464398	104464667	104464546	14	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000199727
2	104686376	104686849	104686652	45	60	4	14.31119584	1.67E-16		ENSG00000207249

2	104836045	104836241	104836152	8	10	2	4.301179077	0.00512919	POU3F3	ENSG00000198914
2	104836944	104837402	104837123	8	16	5	3.323638378	0.00288759	POU3F3	ENSG00000198914
2	104927446	104927705	104927566	8	10	3	3.225884308	0.0139466	POU3F3	ENSG00000198914
2	104988594	104988873	104988733	9	13	3	4.105670938	0.00243034	MRPS9	ENSG00000135972
2	105020530	105020729	105020629	10	11	2	4.692195357	0.00272444	MRPS9	ENSG00000135972
2	105021017	105021298	105021155	9	11	2	4.692195357	0.00272444	MRPS9	ENSG00000135972
2	105097492	105097696	105097594	9	9	5	1.955081399	0.0892323	MRPS9	ENSG00000135972
2	105170015	105170252	105170133	8	9	4	2.346097679	0.050148	GPR45	ENSG00000135973
2	105170536	105170756	105170606	9	11	2	4.692195357	0.00272444	GPR45	ENSG00000135973
2	105278931	105279126	105279028	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TGFBRAP1	ENSG00000135966
2	105311629	105311849	105311712	8	11	8	1.564065119	0.151515	TGFBRAP1	ENSG00000135966
2	105320028	105320364	105320196	12	17	5	3.519146518	0.00167472	C2orf49	ENSG00000135974
2	105352622	105352985	105352863	14	19	4	4.692195357	0.000193572	FHL2	ENSG00000115641
2	105387126	105387412	105387269	18	20	1	12.31701281	1.03E-06	FHL2	ENSG00000115641
2	105411727	105411920	105411769	9	10	0	12.90353723	0.000195991	FHL2	ENSG00000115641
2	105505597	105505867	105505732	11	13	6	2.346097679	0.0266147	FHL2	ENSG00000115641
2	105529434	105529818	105529684	13	19	6	3.351568112	0.00134187	FHL2	ENSG00000115641
2	105633345	105633613	105633468	17	18	4	4.457585589	0.000353565	NCK2	ENSG00000071051
2	105719227	105719544	105719385	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	NCK2	ENSG00000071051
2	105823824	105824156	105823990	18	23	2	9.384390715	8.25E-07	NCK2	ENSG00000071051
2	105836518	105836884	105836695	19	25	6	4.357038546	4.72E-05	NCK2	ENSG00000071051
2	106011924	106012144	106012047	9	9	1	5.865244197	0.00272497	C2orf40	ENSG00000119147
2	106068378	106068575	106068476	8	8	2	3.519146518	0.017558	C2orf40	ENSG00000119147
2	106126557	106126759	106126620	8	8	0	10.55743955	0.000925496	UXS1	ENSG00000115652
2	106559037	106559221	106559129	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CD8BP	ENSG00000169664
2	106562906	106563262	106563084	10	15	3	4.692195357	0.000718455	CD8BP	ENSG00000169664
2	106689143	106689516	106689303	10	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000214199
2	106822851	106823032	106822941	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ST6GAL2	ENSG00000144057
2	108347580	108347855	108347717	34	37	2	14.85861863	3.69E-11	SULT1C4	ENSG00000198075
2	108387716	108388051	108387883	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	SULT1C4	ENSG00000198075
2	108400236	108400440	108400306	9	9	5	1.955081399	0.0892323	GCC2	ENSG00000135968
2	108427932	108428523	108428282	45	68	1	40.47018496	2.11E-22	GCC2	ENSG00000135968
2	108431926	108432176	108432062	11	13	4	3.28453675	0.00629037	GCC2	ENSG00000135968
2	108516717	108517051	108516876	11	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000176120

2	108769244	108769532	108769396	12	17	3	5.278719777	0.000205462	CCDC138	ENSG00000163006
2	108832251	108832549	108832378	18	20	1	12.31701281	1.03E-06	CCDC138	ENSG00000163006
2	108852599	108852788	108852693	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CCDC138	ENSG00000163006
2	108888104	108888296	108888279	8	10	2	4.301179077	0.00512919	EDAR	ENSG00000135960
2	108965297	108965616	108965456	16	18	4	4.457585589	0.000353565	EDAR	ENSG00000135960
2	108984128	108984481	108984304	10	15	0	18.76878143	4.04E-06	EDAR	ENSG00000135960
2	109254179	109254397	109254288	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000172985
2	109379791	109380051	109379916	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000172985
2	109390652	109390951	109390798	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000172985
2	109432376	109432608	109432484	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000172985
2	109673467	109673666	109673563	8	10	2	4.301179077	0.00512919	10-Sep	ENSG00000186522
2	109759418	109759804	109759625	10	17	2	7.038293036	5.19E-05	ANKRD57	ENSG00000198142
2	109765040	109765291	109765148	10	11	2	4.692195357	0.00272444	ANKRD57	ENSG00000198142
2	109805712	109806039	109805861	17	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000183998
2	110186771	110187136	110186957	12	19	13	1.675784056	0.0660887	MALL	ENSG00000144063
2	110198633	110198842	110198745	9	11	8	1.564065119	0.151515	MALL	ENSG00000144063
2	110230646	110230867	110230756	12	14	2	5.865244197	0.000387308	MALL	ENSG00000144063
2	111152097	111152441	111152267	8	13	4	3.28453675	0.00629037	BUB1	ENSG00000169679
2	111362094	111362503	111362324	18	28	2	11.33947211	2.41E-08	ACOXL	ENSG00000153093
2	111542648	111542867	111542748	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000204581
2	111590987	111591877	111591413	10	34	9	4.105670938	5.54E-06	BCL2L11	ENSG00000153094
2	112420693	112420988	112420868	15	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000208643
2	112505945	112506350	112506171	20	31	4	7.507512572	9.10E-08	TMEM87B	ENSG00000153214
2	112529317	112529645	112529481	10	13	6	2.346097679	0.0266147	TMEM87B	ENSG00000153214
2	112703378	112703774	112703572	43	52	1	31.08579424	4.04E-17	ZC3H8	ENSG00000144161
2	112956491	112956737	112956632	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TTL	ENSG00000114999
2	113015973	113016221	113016097	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	POLR1B	ENSG00000125630
2	113058646	113058887	113058746	9	10	4	2.580707446	0.0306059	CHCHD5	ENSG00000125611
2	113119464	113119662	113119563	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC20A1	ENSG00000144136
2	113133225	113133470	113133343	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SLC20A1	ENSG00000144136
2	113136085	113136365	113136218	9	13	1	8.211341875	0.000163445	SLC20A1	ENSG00000144136
2	113165088	113165304	113165224	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000223139
2	113166551	113167119	113166777	53	74	4	17.59573259	7.00E-21		ENSG00000223139
2	113167161	113167368	113167253	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000223139



2	113200842	113201125	113201003	12	15	3	4.692195357	0.000718455	NT5DC4	ENSG00000144130
2	113269899	113270093	113269957	8	10	8	1.433726359	0.209175	IL1A	ENSG00000115008
2	113288297	113288802	113288554	47	73	7	10.85070176	5.75E-18	IL1B	ENSG00000125538
2	113342028	113342519	113342155	13	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000163098
2	113415903	113416119	113416011	10	10	4	2.580707446	0.0306059	IL1F7	ENSG00000125571
2	113553346	113553663	113553502	13	16	3	4.985457567	0.000385643	IL1F10	ENSG00000136697
2	113591607	113591838	113591722	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	IL1RN	ENSG00000136689
2	113612452	113612712	113612582	8	9	3	2.932622098	0.0242899	IL1RN	ENSG00000136689
2	113673186	113673429	113673326	8	11	6	2.010940867	0.0640214	PSD4	ENSG00000125637
2	113723150	113723467	113723303	10	14	5	2.932622098	0.00829617	PAX8	ENSG00000125618
2	113804193	113804401	113804297	9	10	0	12.90353723	0.000195991	PAX8	ENSG00000125618
2	114137887	114138066	114137955	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000175509
2	114280722	114280910	114280817	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000208621
2	114350582	114351145	114351016	10	22	9	2.69801233	0.00276236	ACTR3	ENSG00000115091
2	114363621	114364141	114363853	28	42	9	5.044110009	5.53E-08	ACTR3	ENSG00000115091
2	114370826	114371135	114370983	8	9	4	2.346097679	0.050148	ACTR3	ENSG00000115091
2	114439826	114440059	114439931	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000215984
2	115231778	115232016	115231928	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000208611
2	115411437	115411768	115411602	15	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000208611
2	118288406	118288846	118288631	20	29	8	3.910162798	3.45E-05	DDX18	ENSG00000088205
2	118432289	118432551	118432424	22	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000218814
2	118520791	118521035	118520946	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000208551
2	118562393	118562595	118562496	8	8	1	5.278719777	0.00542188	INSIG2	ENSG00000125629
2	118589608	118590210	118590018	57	77	6	13.07111564	5.49E-20	INSIG2	ENSG00000125629
2	119329635	119329929	119329787	9	13	1	8.211341875	0.000163445	EN1	ENSG00000163064
2	119355540	119355818	119355679	8	12	3	3.812408728	0.004404	EN1	ENSG00000163064
2	119356770	119357003	119356886	8	10	3	3.225884308	0.0139466	EN1	ENSG00000163064
2	119547970	119548258	119548106	15	19	4	4.692195357	0.000193572	C1QL2	ENSG00000144119
2	119580417	119580645	119580534	8	10	5	2.150589539	0.0575848	C1QL2	ENSG00000144119
2	119604099	119604314	119604210	8	9	5	1.955081399	0.0892323	C1QL2	ENSG00000144119
2	119641237	119641482	119641359	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000208545
2	119648567	119648787	119648681	14	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000208545
2	119691105	119691660	119691284	18	38	4	9.149780947	8.17E-10	STEAP3	ENSG00000115107
2	119691866	119692056	119691893	8	9	2	3.910162798	0.00955088	STEAP3	ENSG00000115107

2	119692116	119693157	119692563	294	416	14	32.61075773	3.59E-119	STEAP3	ENSG00000115107
2	119714369	119715191	119714733	65	117	3	34.60494076	7.79E-36	STEAP3	ENSG00000115107
2	119757820	119758045	119757961	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	STEAP3	ENSG00000115107
2	119764992	119765187	119765109	10	10	3	3.225884308	0.0139466	STEAP3	ENSG00000115107
2	119824303	119824768	119824463	9	17	3	5.278719777	0.000205462	C2orf76	ENSG00000186132
2	119840735	119841143	119840998	14	22	7	3.372515413	0.000629223	DBI	ENSG00000155368
2	119889802	119890100	119889951	12	15	7	2.346097679	0.0195693	TMEM37	ENSG00000171227
2	119950434	119950630	119950502	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000216097
2	119966343	119966544	119966443	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SCTR	ENSG00000080293
2	120152159	120152604	120152314	14	22	3	6.745030826	8.05E-06	TMEM177	ENSG00000144120
2	120233671	120234140	120233800	11	20	9	2.463402563	0.00689886	PTPN4	ENSG00000088179
2	120312141	120312322	120312297	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000208541
2	120312394	120312739	120312566	15	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000208541
2	120477720	120477950	120477835	8	10	2	4.301179077	0.00512919	EPB41L5	ENSG00000115109
2	120486779	120487088	120486920	9	11	3	3.519146518	0.00788869	EPB41L5	ENSG00000115109
2	120488638	120488849	120488743	9	9	1	5.865244197	0.00272497	EPB41L5	ENSG00000115109
2	120540869	120541545	120541140	15	36	9	4.340280705	1.80E-06	EPB41L5	ENSG00000115109
2	120582148	120582420	120582275	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000202046
2	120726559	120726916	120726737	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	RALB	ENSG00000144118
2	120765463	120765748	120765620	13	15	12	1.443752418	0.160732	RALB	ENSG00000144118
2	120877916	120878353	120878095	8	16	4	3.988366054	0.00115141	INHBB	ENSG00000163083
2	120896802	120896994	120896898	8	8	1	5.278719777	0.00542188	INHBB	ENSG00000163083
2	120944746	120944937	120944902	8	8	2	3.519146518	0.017558	INHBB	ENSG00000163083
2	120949251	120949563	120949407	8	10	2	4.301179077	0.00512919	INHBB	ENSG00000163083
2	121026883	121027409	121027081	12	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000201006
2	121094454	121094744	121094599	13	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000201006
2	121104228	121104857	121104407	10	25	7	3.812408728	0.00012465		ENSG00000201006
2	121149667	121149879	121149815	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000201006
2	121169750	121170065	121169924	10	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000201006
2	121510397	121510673	121510535	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000221321
2	121549508	121549692	121549547	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000201584
2	121551128	121551334	121551231	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000201584
2	121771590	121771848	121771735	9	12	5	2.541605819	0.0225912	TFCP2L1	ENSG00000115112
2	121832619	121832884	121832765	9	11	2	4.692195357	0.00272444	TFCP2L1	ENSG00000115112

2	121963370	121963591	121963479	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CLASP1	ENSG00000074054
2	122004263	122004598	122004422	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208506
2	122004796	122005309	122004975	20	31	15	2.346097679	0.00187452		ENSG00000208506
2	122062475	122062783	122062614	14	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000222467
2	122070276	122070480	122070435	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222467
2	122123562	122123879	122123720	8	13	3	4.105670938	0.00243034	CLASP1	ENSG00000074054
2	122123902	122124244	122124073	11	17	10	1.919534464	0.0400548	CLASP1	ENSG00000074054
2	122157897	122158241	122158069	14	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000213239
2	122210760	122210983	122210835	9	12	5	2.541605819	0.0225912	MKI67IP	ENSG00000155438
2	122251764	122251943	122251853	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TSN	ENSG00000211460
2	122362272	122362492	122362382	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TSN	ENSG00000211460
2	122473336	122473882	122473612	18	29	4	7.038293036	3.41E-07	TSN	ENSG00000211460
2	122518032	122518453	122518252	16	26	1	15.83615933	1.23E-08	TSN	ENSG00000211460
2	122710644	122710920	122710806	13	14	3	4.398933147	0.00132748	TSN	ENSG00000211460
2	122889058	122889266	122889143	9	9	4	2.346097679	0.050148		
2	122965154	122965537	122965333	8	13	6	2.346097679	0.0266147		
2	122993904	122994255	122994077	20	25	2	10.16642327	2.02E-07		
2	125925306	125925528	125925417	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000201853
2	127002224	127002416	127002320	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000213236
2	127251524	127251850	127251679	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000206963
2	127670916	127671233	127671064	10	13	6	2.346097679	0.0266147	CYP27C1	ENSG00000186684
2	127671930	127672154	127672039	9	11	3	3.519146518	0.00788869	CYP27C1	ENSG00000186684
2	127700572	127701042	127700863	17	26	12	2.436332205	0.00289956	CYP27C1	ENSG00000186684
2	127862165	127862439	127862302	11	12	4	3.049926982	0.0108184	MAP3K2	ENSG00000169967
2	127872323	127872653	127872473	18	23	11	2.346097679	0.00594236	MAP3K2	ENSG00000169967
2	128175182	128175661	128175447	9	20	7	3.079253203	0.00177418	SFT2D3	ENSG00000173349
2	128332267	128332555	128332415	8	12	3	3.812408728	0.004404	POLR2D	ENSG00000144231
2	128333768	128334098	128333933	10	15	4	3.753756286	0.0020497	POLR2D	ENSG00000144231
2	128502270	128502551	128502419	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SAP130	ENSG00000136715
2	128516851	128517206	128517075	16	21	0	25.80707446	3.84E-08	SAP130	ENSG00000136715
2	128517222	128517408	128517315	8	10	0	12.90353723	0.000195991	SAP130	ENSG00000136715
2	128565050	128565296	128565173	10	13	6	2.346097679	0.0266147	UGCGL1	ENSG00000136731
2	128779161	128779576	128779368	21	29	7	4.398933147	1.30E-05	HS6ST1	ENSG00000136720
2	128779926	128780146	128780036	9	10	4	2.580707446	0.0306059	HS6ST1	ENSG00000136720

2	128780371	128780750	128780572	8	15	0	18.76878143	4.04E-06	HS6ST1	ENSG00000136720
2	128790976	128791211	128791126	8	10	1	6.451768616	0.00135978	HS6ST1	ENSG00000136720
2	129045994	129046401	129046231	14	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000208433
2	129069183	129069427	129069305	12	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000208433
2	129498989	129499224	129499068	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000204460
2	129530214	129530636	129530425	31	43	4	10.32282979	2.63E-11		ENSG00000204460
2	129586607	129586839	129586692	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000204460
2	129800716	129801093	129800882	10	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000204460
2	129871271	129871466	129871395	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208427
2	129871488	129871667	129871551	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208427
2	130000946	130001227	130001086	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000208427
2	130222687	130223037	130222862	13	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000204459
2	130655596	130655865	130655726	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SMPD4	ENSG00000136699
2	130806514	130806953	130806686	10	17	8	2.346097679	0.0144542	CCDC115	ENSG00000136710
2	130811009	130811655	130811316	15	29	12	2.707035783	0.000762953	CCDC115	ENSG00000136710
2	130816114	130816309	130816237	9	11	4	2.815317214	0.0183428	CCDC115	ENSG00000136710
2	130865662	130865852	130865757	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PTPN18	ENSG00000072135
2	131201454	131201692	131201573	10	11	8	1.564065119	0.151515	GPR148	ENSG00000173302
2	131438543	131438871	131438707	10	14	3	4.398933147	0.00132748	ARHGEF4	ENSG00000136002
2	131567619	131567832	131567725	10	11	1	7.038293036	0.000674435	FAM168B	ENSG00000152102
2	131887277	131887470	131887363	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214077
2	131960715	131960946	131960775	9	10	2	4.301179077	0.00512919	FAM128A	ENSG00000173272
2	132142846	132143309	132143130	13	20	1	12.31701281	1.03E-06	ACTBL3	ENSG00000204434
2	132156474	132156766	132156602	9	10	3	3.225884308	0.0139466	C2orf27	ENSG00000197927
2	132712634	132713275	132712954	19	29	41	0.837892028	0.774502		ENSG00000202174
2	132719634	132719968	132719801	26	26	32	0.959767232	0.566062		ENSG00000202174
2	132728302	132728691	132728459	56	64	32	2.310550744	2.47E-05		ENSG00000202174
2	132728866	132730151	132729340	86	255	192	1.555961155	1.51E-06		ENSG00000200236
2	132731511	132731941	132731685	42	52	37	1.636094434	0.0096109		ENSG00000221288
2	132733030	132733432	132733253	22	30	55	0.649366322	0.976014		ENSG00000221288
2	132733464	132733897	132733718	14	24	28	1.011248999	0.486424		ENSG00000221288
2	132735100	132735692	132735399	28	42	54	0.917110911	0.667485		ENSG00000221288
2	132735904	132736770	132736575	19	57	80	0.839960897	0.847509		ENSG00000221288
2	132737364	132737734	132737542	12	18	28	0.76854924	0.819816		ENSG00000221288

2	132739514	132740058	132739691	15	27	42	0.763845756	0.871062	ENSG00000221288
2	132741486	132742480	132742272	32	94	118	0.936467561	0.685175	ENSG00000221288
2	132742696	132742932	132742861	11	14	10	1.599612054	0.114822	ENSG00000221288
2	132743019	132743674	132743218	29	54	95	0.672059231	0.991727	ENSG00000211547
2	132743813	132744144	132743978	14	14	31	0.549866643	0.977004	ENSG00000211547
2	132744740	132745079	132744909	37	39	59	0.78203256	0.88942	ENSG00000211547
2	132745583	132746535	132746144	48	107	111	1.131154238	0.181062	ENSG00000211547
2	132746589	132747882	132747064	39	118	182	0.762802251	0.989945	ENSG00000211547
2	132747989	132748320	132748154	17	22	33	0.793533038	0.809383	ENSG00000211547
2	132748981	132749316	132749144	16	18	27	0.795997427	0.784443	ENSG00000211547
2	132749369	132750199	132749855	21	54	52	1.217314833	0.153802	ENSG00000211547
2	132750610	132751386	132750938	38	72	92	0.920780272	0.703364	ENSG00000211547
2	132751906	132752510	132752331	14	31	27	1.340627245	0.128083	ENSG00000211547
2	132752913	132753170	132753019	8	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000211547
2	132753996	132754177	132754027	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ENSG00000211547
2	132754590	132754798	132754680	33	34	11	3.421392448	3.22E-05	ENSG00000211547
2	132755379	132755595	132755434	9	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000211547
2	132755606	132755789	132755635	10	10	11	1.075294769	0.434143	ENSG00000211547
2	132771863	132772123	132771993	15	16	0	19.94183027	1.86E-06	ENSG00000211547
2	132820797	132821018	132820907	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000199460
2	132821188	132821854	132821523	12	29	6	5.027352168	4.43E-06	ENSG00000199460
2	132890567	132890991	132890812	9	16	7	2.492728784	0.0124193	GPR39 ENSG00000183840
2	133017209	133017656	133017462	68	80	0	95.01695598	4.98E-28	ENSG00000221142
2	133018161	133018390	133018275	20	21	0	25.80707446	3.84E-08	ENSG00000221142
2	133144705	133144993	133144826	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LYPD1 ENSG00000150551
2	133190554	133190784	133190625	8	8	1	5.278719777	0.00542188	LYPD1 ENSG00000150551
2	133430587	133430930	133430774	14	19	0	23.46097679	1.81E-07	LYPD1 ENSG00000150551
2	133645588	133645818	133645714	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ENSG00000176771
2	133737037	133737278	133737113	12	15	6	2.68125449	0.0103552	ENSG00000176771
2	133737281	133737513	133737379	9	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000176771
2	133909412	133909680	133909520	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000208316
2	133978958	133979307	133979132	8	14	1	8.797866295	8.00E-05	ENSG00000176771
2	133979423	133979672	133979536	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ENSG00000176771
2	134115528	134115935	134115707	23	30	9	3.636451402	4.92E-05	ENSG00000200708

2	134273442	134273867	134273688	40	52	5	10.36193141	3.11E-13	ENSG00000200708
2	134318388	134318633	134318494	11	13	5	2.737113958	0.0137917	ENSG00000200708
2	134360713	134361057	134360859	10	15	7	2.346097679	0.0195693	MGAT5 ENSG00000152127
2	134374904	134375110	134375006	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MGAT5 ENSG00000152127
2	134397570	134397753	134397661	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MGAT5 ENSG00000152127
2	134592413	134592599	134592503	12	12	2	5.083211637	0.00143337	MGAT5 ENSG00000152127
2	134924971	134925327	134925132	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	MGAT5 ENSG00000152127
2	134965817	134966056	134965934	10	13	5	2.737113958	0.0137917	TMEM163 ENSG00000152128
2	135064772	135065256	135065014	55	74	0	87.97866295	5.25E-26	TMEM163 ENSG00000152128
2	135478388	135478746	135478556	10	14	5	2.932622098	0.00829617	YSK4 ENSG00000176601
2	135548265	135548610	135548438	8	11	1	7.038293036	0.000674435	RAB3GAP1 ENSG00000115839
2	135719299	135719484	135719405	9	9	4	2.346097679	0.050148	RAB3GAP1 ENSG00000115839
2	136004928	136005427	136005101	11	20	2	8.211341875	6.65E-06	ZRANB3 ENSG00000121988
2	136196069	136196248	136196158	8	8	4	2.111487911	0.0804809	UBXN4 ENSG00000144224
2	136215805	136215995	136215853	8	10	2	4.301179077	0.00512919	UBXN4 ENSG00000144224
2	136271676	136271855	136271754	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ENSG00000200664
2	136271982	136272241	136272099	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	ENSG00000200664
2	136459501	136459689	136459595	8	8	4	2.111487911	0.0804809	DARS ENSG00000115866
2	136650866	136651054	136650960	8	9	4	2.346097679	0.050148	CXCR4 ENSG00000121966
2	136801338	136801775	136801482	12	18	2	7.429309316	2.63E-05	CXCR4 ENSG00000121966
2	136849632	136850130	136849831	65	85	2	33.62740006	1.17E-26	ENSG00000216081
2	136852781	136853073	136852933	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ENSG00000216081
2	136858780	136859004	136858954	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000216081
2	137131430	137131871	137131609	17	29	0	35.19146518	7.73E-11	ENSG00000221762
2	137348316	137348527	137348424	8	8	5	1.759573259	0.13508	THSD7B ENSG00000144229
2	137505984	137506259	137506121	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	THSD7B ENSG00000144229
2	137642719	137642926	137642822	9	10	2	4.301179077	0.00512919	THSD7B ENSG00000144229
2	138138613	138138913	138138736	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000222394
2	138150097	138150282	138150180	11	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000222394
2	138449571	138449849	138449701	11	13	2	5.474227917	0.000747844	HNMT ENSG00000150540
2	138546339	138546656	138546513	20	22	2	8.993374435	1.66E-06	HNMT ENSG00000150540
2	138749246	138749472	138749366	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000181399
2	138765919	138766111	138765969	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000181399
2	138848057	138848299	138848173	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000181399

2	138895953	138896228	138896131	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SPOPL	ENSG00000144228
2	138909781	138910057	138909915	13	13	6	2.346097679	0.0266147	SPOPL	ENSG00000144228
2	138911757	138912103	138911931	16	19	0	23.46097679	1.81E-07	SPOPL	ENSG00000144228
2	138965296	138965485	138965430	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SPOPL	ENSG00000144228
2	138967615	138967838	138967715	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SPOPL	ENSG00000144228
2	139651156	139651362	139651260	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222826
2	140247834	140248042	140247986	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221074
2	140338893	140339190	140339052	12	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000221074
2	141551538	141551800	141551656	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201892
2	141929320	141929552	141929434	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000201892
2	142374815	142375071	142374943	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	LRP1B	ENSG00000168702
2	143331273	143331690	143331452	8	16	3	4.985457567	0.000385643	KYNU	ENSG00000115919
2	143448410	143448657	143448539	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000221169
2	143810870	143811201	143811035	16	19	7	2.932622098	0.00293566	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	143872249	143872485	143872412	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	143872515	143873119	143872940	42	59	5	11.73048839	2.43E-15	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	144576386	144576787	144576634	19	28	4	6.803683268	6.55E-07	GTDC1	ENSG00000121964
2	145137474	145137773	145137628	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	ZEB2	ENSG00000169554
2	147171200	147171705	147171489	26	40	3	12.0237506	3.35E-11	PABPCP2	ENSG00000198526
2	147856442	147856856	147856579	21	31	3	9.384390715	1.82E-08		ENSG00000207225
2	148286487	148286696	148286591	10	10	3	3.225884308	0.0139466	ACVR2A	ENSG00000121989
2	148494918	148495298	148495171	9	15	6	2.68125449	0.0103552	MBD5	ENSG00000204406
2	148730089	148730324	148730205	16	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000212181
2	148983506	148983775	148983640	11	13	5	2.737113958	0.0137917	MBD5	ENSG00000204406
2	149068191	149068559	149068380	11	18	3	5.571981987	0.000108726	EPC2	ENSG00000135999
2	149369745	149370032	149369875	23	24	3	7.331555246	2.13E-06		ENSG00000218198
2	149571889	149572366	149572098	54	64	6	10.89259637	4.73E-16	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149634078	149634423	149634256	10	14	2	5.865244197	0.000387308	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149690028	149690213	149690105	9	9	3	2.932622098	0.0242899	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149734487	149734749	149734618	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149893920	149894152	149894014	13	13	2	5.474227917	0.000747844	LYPD6	ENSG00000187123
2	149894622	149894848	149894739	8	11	2	4.692195357	0.00272444	LYPD6	ENSG00000187123
2	150152294	150152512	150152403	10	10	3	3.225884308	0.0139466	C2orf25	ENSG00000168288
2	150152610	150152846	150152717	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C2orf25	ENSG00000168288

2	150176035	150176305	150176178	12	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000207270
2	150554347	150554619	150554483	12	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000162947
2	150731182	150731449	150731344	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208244
2	150858375	150858955	150858755	24	37	2	14.85861863	3.69E-11		ENSG00000208244
2	151051753	151052010	151051881	12	15	2	6.256260476	0.000199274	RND3	ENSG00000115963
2	151052384	151052629	151052471	12	12	8	1.694403879	0.107291	RND3	ENSG00000115963
2	151117427	151117733	151117561	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	RND3	ENSG00000115963
2	151473782	151474210	151473961	20	31	2	12.51252095	2.82E-09		ENSG00000222031
2	152740503	152740897	152740736	10	16	5	3.323638378	0.00288759	STAM2	ENSG00000115145
2	152765378	152765615	152765511	10	10	4	2.580707446	0.0306059	STAM2	ENSG00000115145
2	153265921	153266427	153266140	34	47	0	56.30634429	6.62E-17	PRPF40A	ENSG00000196504
2	153282761	153282994	153282868	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PRPF40A	ENSG00000196504
2	153624484	153624757	153624620	17	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000214025
2	153793864	153794175	153794019	13	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000214025
2	153969971	153970280	153970125	13	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000214024
2	154335329	154335599	154335464	8	10	1	6.451768616	0.00135978	GALNT13	ENSG00000144278
2	155479420	155479768	155479594	10	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000219170
2	156746912	156747255	156747083	20	23	8	3.128130238	0.000832453	NR4A2	ENSG00000153234
2	156898049	156898251	156898150	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NR4A2	ENSG00000153234
2	156899461	156899736	156899557	8	13	1	8.211341875	0.000163445	NR4A2	ENSG00000153234
2	156900284	156900601	156900448	11	13	2	5.474227917	0.000747844	NR4A2	ENSG00000153234
2	157082224	157082460	157082342	8	10	1	6.451768616	0.00135978	GPD2	ENSG00000115159
2	157344145	157344497	157344321	17	22	9	2.69801233	0.00276236	GPD2	ENSG00000115159
2	157344697	157344878	157344729	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GPD2	ENSG00000115159
2	157441497	157441696	157441572	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000213194
2	157457030	157457570	157457386	50	65	6	11.06017477	2.37E-16		ENSG00000213194
2	157520947	157521171	157521059	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000213194
2	158390614	158390883	158390712	10	13	4	3.28453675	0.00629037	ACVR1	ENSG00000115170
2	158678648	158678932	158678790	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	UPP2	ENSG00000007001
2	158767332	158767526	158767452	8	9	3	2.932622098	0.0242899	UPP2	ENSG00000007001
2	158880331	158880516	158880423	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CCDC148	ENSG00000153237
2	158886099	158886444	158886271	17	22	0	26.9801233	1.77E-08	CCDC148	ENSG00000153237
2	158949637	158949816	158949769	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCDC148	ENSG00000153237
2	159288023	159288721	159288271	25	48	5	9.579898854	4.82E-12		ENSG00000204380



2	159288732	159289148	159288983	21	31	7	4.692195357	4.07E-06		ENSG00000204380
2	159457887	159458112	159458039	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000208221
2	159533498	159533910	159533640	12	19	1	11.73048839	2.14E-06	TANC1	ENSG00000115183
2	159850774	159851002	159850909	8	8	1	5.278719777	0.00542188	WDSUB1	ENSG00000196151
2	159964672	159965045	159964931	9	13	5	2.737113958	0.0137917	WDSUB1	ENSG00000196151
2	160280360	160280582	160280471	12	13	2	5.474227917	0.000747844	7-Mar	ENSG00000136536
2	160730780	160731074	160730920	8	11	5	2.346097679	0.0364013	ITGB6	ENSG00000115221
2	160770348	160770610	160770453	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ITGB6	ENSG00000115221
2	160788896	160789142	160789021	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	ITGB6	ENSG00000115221
2	160806607	160806898	160806761	10	13	9	1.642268375	0.111397	ITGB6	ENSG00000115221
2	160917306	160917553	160917429	19	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000208218
2	160998483	160998865	160998686	27	34	6	5.865244197	2.06E-07	RBMS1	ENSG00000153250
2	161126339	161126618	161126482	14	16	3	4.985457567	0.000385643	RBMS1	ENSG00000153250
2	161197317	161197518	161197433	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RBMS1	ENSG00000153250
2	161440890	161441097	161440989	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222605
2	161483697	161483947	161483818	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000208217
2	161559234	161559482	161559343	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000208217
2	161979155	161979388	161979239	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	TBR1	ENSG00000136535
2	162656133	162656380	162656269	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	DPP4	ENSG00000197635
2	162785858	162786064	162786015	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FAP	ENSG00000078098
2	162898716	162898962	162898828	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GCA	ENSG00000115271
2	163054762	163055151	163054976	47	53	0	63.34463732	6.28E-19		ENSG00000212312
2	163089079	163089294	163089170	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000212312
2	163147222	163147545	163147383	15	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000212312
2	163275178	163275414	163275311	8	9	4	2.346097679	0.050148	KCNH7	ENSG00000184611
2	164343127	164343342	164343236	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FIGN	ENSG00000182263
2	164518127	164518546	164518306	56	66	0	78.59427223	2.61E-23	FIGN	ENSG00000182263
2	165079434	165079672	165079531	16	17	1	10.55743955	9.18E-06	GRB14	ENSG00000115290
2	165322812	165323001	165322906	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208214
2	165391392	165391587	165391489	8	9	0	11.73048839	0.000425898	COBLL1	ENSG00000082438
2	165406859	165407260	165406960	13	19	4	4.692195357	0.000193572	COBLL1	ENSG00000082438
2	165556459	165556648	165556553	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SLC38A11	ENSG00000169507
2	165804008	165804207	165804133	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SCN2A	ENSG00000136531
2	166358913	166359136	166359024	9	12	6	2.178519273	0.0416567	GALNT3	ENSG00000115339

2	166369594	166369796	166369695	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221234
2	166518929	166519119	166519024	11	11	1	7.038293036	0.000674435	TTC21B	ENSG00000123607
2	168901675	168901855	168901796	8	8	2	3.519146518	0.017558	STK39	ENSG00000198648
2	169017411	169018038	169017710	117	155	2	60.99853964	9.55E-50		ENSG00000208206
2	169148520	169148809	169148688	13	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000199348
2	169172996	169173270	169173133	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000199348
2	169455214	169455395	169455304	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SPC25	ENSG00000152253
2	169526453	169526707	169526580	11	11	1	7.038293036	0.000674435	G6PC2	ENSG00000152254
2	169958018	169958408	169958197	16	25	10	2.772660893	0.00131329	LRP2	ENSG00000081479
2	170043979	170044185	170044100	8	9	1	5.865244197	0.00272497	BBS5	ENSG00000163093
2	170138317	170138723	170138544	11	18	5	3.714654658	0.000961539	FASTKD1	ENSG00000138399
2	170518717	170519094	170518915	12	19	1	11.73048839	2.14E-06	UBR3	ENSG00000144357
2	170786344	170787313	170786613	114	173	5	34.01841634	1.52E-51	MYO3B	ENSG00000071909
2	170803536	170803896	170803715	27	34	5	6.842784896	5.43E-08	MYO3B	ENSG00000071909
2	170886180	170886680	170886432	67	90	0	106.7474444	2.12E-31	MYO3B	ENSG00000071909
2	170889336	170889746	170889567	13	21	10	2.346097679	0.00796926	MYO3B	ENSG00000071909
2	171380470	171380749	171380586	11	14	3	4.398933147	0.00132748	GAD1	ENSG00000128683
2	171493640	171493845	171493718	10	10	2	4.301179077	0.00512919	GORASP2	ENSG00000115806
2	171719205	171719422	171719319	10	10	1	6.451768616	0.00135978	TLK1	ENSG00000198586
2	171836736	171836989	171836862	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000218900
2	171851771	171852409	171852139	38	61	9	7.272902804	4.16E-13		ENSG00000218900
2	171974903	171975140	171975066	12	13	4	3.28453675	0.00629037	METTL8	ENSG00000123600
2	171995810	171996111	171995938	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	METTL8	ENSG00000123600
2	172272541	172272834	172272667	19	22	0	26.9801233	1.77E-08	DYNC1I2	ENSG00000077380
2	172375996	172376184	172376090	11	12	2	5.083211637	0.00143337	SLC25A12	ENSG00000115840
2	172573015	172573322	172573168	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000172878
2	172658469	172658692	172658576	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DLX1	ENSG00000144355
2	172676941	172677150	172677072	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DLX2	ENSG00000115844
2	172981405	172981707	172981551	16	20	0	24.63402563	8.35E-08	ITGA6	ENSG00000091409
2	173009942	173010219	173010068	17	18	8	2.476436439	0.00924552	ITGA6	ENSG00000091409
2	173028174	173028367	173028270	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ITGA6	ENSG00000091409
2	173038764	173039122	173038947	13	18	7	2.785990993	0.00480525	ITGA6	ENSG00000091409
2	173363494	173363708	173363601	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RAPGEF4	ENSG00000091428
2	173527184	173527387	173527285	10	11	4	2.815317214	0.0183428	RAPGEF4	ENSG00000091428

2	173571572	173571751	173571661	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000091436
2	173697497	173697748	173697622	11	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000091436
2	173864450	173864738	173864622	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	CDCA7	ENSG00000144354
2	173975468	173975702	173975585	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000213148
2	174225760	174225999	174225879	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000170226
2	174253791	174254015	174253929	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000170226
2	174401872	174402096	174401984	11	12	2	5.083211637	0.00143337	SP3	ENSG00000172845
2	174424333	174424566	174424406	8	9	6	1.675784056	0.141978	SP3	ENSG00000172845
2	174445766	174446118	174445879	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SP3	ENSG00000172845
2	174536792	174537015	174536889	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SP3	ENSG00000172845
2	174537642	174537897	174537769	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SP3	ENSG00000172845
2	174538317	174538526	174538421	9	9	7	1.466311049	0.20706	SP3	ENSG00000172845
2	174538836	174539312	174539015	8	16	6	2.848832895	0.00632407	SP3	ENSG00000172845
2	174555883	174556485	174556190	91	125	2	49.26805125	8.12E-40	SP3	ENSG00000172845
2	174612935	174613315	174613107	10	16	6	2.848832895	0.00632407	SP3	ENSG00000172845
2	174636744	174637084	174636922	18	22	2	8.993374435	1.66E-06	SP3	ENSG00000172845
2	174739323	174739553	174739438	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208199
2	175060267	175060553	175060430	9	12	4	3.049926982	0.0108184	GPR155	ENSG00000163328
2	175083722	175084032	175083877	14	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000179997
2	175119949	175120261	175120117	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000206965
2	175699688	175699924	175699806	9	11	2	4.692195357	0.00272444	ATF2	ENSG00000115966
2	175754225	175754435	175754372	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ATP5G3	ENSG00000154518
2	175882871	175883057	175882947	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000221347
2	175885414	175885596	175885505	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221347
2	176659133	176659313	176659261	8	9	3	2.932622098	0.0242899	EVX2	ENSG00000174279
2	176670757	176670988	176670815	8	11	2	4.692195357	0.00272444	HOXD12	ENSG00000170178
2	176842412	176842817	176842638	8	17	0	21.11487911	8.57E-07	MTX2	ENSG00000128654
2	177104009	177104223	177104069	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000163364
2	177739089	177739269	177739179	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208195
2	177742964	177743766	177743338	216	278	11	27.27338551	2.68E-78		ENSG00000201102
2	177744420	177744638	177744472	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000201102
2	177815492	177815705	177815598	10	12	1	7.624817456	0.000332769	NFE2L2	ENSG00000222043
2	177836364	177836669	177836512	18	21	5	4.301179077	0.000172642	NFE2L2	ENSG00000222043
2	177886435	177886823	177886614	23	31	1	18.76878143	2.99E-10		ENSG00000208194

2	177967293	177967501	177967368	9	10	3	3.225884308	0.0139466	AGPS	ENSG00000018510
2	178685195	178685587	178685374	10	18	2	7.429309316	2.63E-05	RBM45	ENSG000000155636
2	179052072	179052376	179052232	11	15	5	3.128130238	0.00492422	FKBP7	ENSG00000079150
2	179792035	179792270	179792138	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SESTD1	ENSG000000187231
2	179841361	179841633	179841461	10	13	3	4.105670938	0.00243034	SESTD1	ENSG000000187231
2	179880298	179880534	179880416	15	15	4	3.753756286	0.0020497	SESTD1	ENSG000000187231
2	180147180	180147546	180147396	8	14	8	1.955081399	0.0506438	ZNF385B	ENSG000000144331
2	182148005	182148298	182148172	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG000000197819
2	183501121	183501469	183501295	13	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG000000207178
2	183651642	183651821	183651751	8	8	2	3.519146518	0.017558	DUSP19	ENSG000000162999
2	183652130	183652352	183652241	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	DUSP19	ENSG000000162999
2	184565772	184566087	184565929	20	24	5	4.887703497	2.90E-05		ENSG000000208184
2	185219248	185219567	185219407	15	17	0	21.11487911	8.57E-07	ZNF804A	ENSG000000170396
2	186140947	186141363	186141143	43	57	2	22.67894423	1.50E-17		ENSG000000212581
2	187162465	187163145	187163005	11	24	3	7.331555246	2.13E-06	ITGAV	ENSG000000138448
2	187344851	187345205	187345028	12	18	0	22.28792795	3.94E-07	ZSWIM2	ENSG000000163012
2	187353973	187354191	187354082	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ZSWIM2	ENSG000000163012
2	188073859	188074346	188074002	9	18	7	2.785990993	0.00480525	TFPI	ENSG000000003436
2	188150311	188150591	188150451	11	12	5	2.541605819	0.0225912	TFPI	ENSG000000003436
2	188449597	188449835	188449690	9	10	2	4.301179077	0.00512919	TFPI	ENSG000000003436
2	188864723	188864944	188864787	9	11	3	3.519146518	0.00788869	GULP1	ENSG000000144366
2	189153700	189153909	189153826	8	9	0	11.73048839	0.000425898	DIRC1	ENSG000000174325
2	189266192	189266385	189266288	8	9	2	3.910162798	0.00955088	DIRC1	ENSG000000174325
2	189299926	189300152	189300063	9	10	3	3.225884308	0.0139466	DIRC1	ENSG000000174325
2	189884422	189884601	189884438	8	8	0	10.55743955	0.000925496	WDR75	ENSG000000115368
2	190013909	190014107	190014002	9	10	9	1.290353723	0.279648	WDR75	ENSG000000115368
2	190014261	190014473	190014333	9	11	4	2.815317214	0.0183428	WDR75	ENSG000000115368
2	190129004	190129263	190129112	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC40A1	ENSG000000138449
2	190158379	190158719	190158545	28	31	1	18.76878143	2.99E-10	SLC40A1	ENSG000000138449
2	190234129	190234570	190234443	8	16	10	1.812893661	0.0578656	ASNSD1	ENSG000000138381
2	190357611	190357850	190357691	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PMS1	ENSG000000064933
2	190892662	190893145	190892968	20	32	6	5.530087385	7.11E-07	HIBCH	ENSG000000198130
2	191042063	191042458	191042298	10	15	6	2.68125449	0.0103552	MFSD6	ENSG000000151690
2	191201944	191202261	191202108	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	NAB1	ENSG000000138386

2	191217277	191217470	191217373	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NAB1	ENSG00000138386
2	191359498	191359770	191359654	11	14	3	4.398933147	0.00132748	GLS	ENSG00000115419
2	191553033	191553508	191553212	11	23	5	4.692195357	5.29E-05	STAT1	ENSG00000115415
2	191593145	191593442	191593293	13	16	3	4.985457567	0.000385643	STAT1	ENSG00000115415
2	191743337	191743552	191743434	9	9	0	11.73048839	0.000425898	STAT4	ENSG00000138378
2	191791335	191791642	191791480	9	12	2	5.083211637	0.00143337	MYO1B	ENSG00000128641
2	191875687	191875961	191875826	9	10	5	2.150589539	0.0575848	MYO1B	ENSG00000128641
2	191902730	191903180	191902955	22	33	4	7.976732107	2.40E-08		ENSG00000208171
2	191931285	191931634	191931459	10	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000208171
2	191955830	191956141	191955965	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000208171
2	192204865	192205044	192204955	8	8	4	2.111487911	0.0804809	OBFC2A	ENSG00000173559
2	192269254	192269454	192269376	8	8	0	10.55743955	0.000925496	OBFC2A	ENSG00000173559
2	192417778	192418366	192417972	26	41	6	7.038293036	2.39E-09	SDPR	ENSG00000168497
2	193046454	193046672	193046577	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TMEFF2	ENSG00000144339
2	193073945	193074174	193074049	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TMEFF2	ENSG00000144339
2	193117413	193118023	193117850	62	91	0	107.9204932	9.76E-32	TMEFF2	ENSG00000144339
2	193314961	193315183	193315123	8	9	4	2.346097679	0.050148		
2	193322709	193322956	193322804	8	9	6	1.675784056	0.141978		
2	193726611	193726802	193726706	8	8	0	10.55743955	0.000925496		
2	194916071	194916476	194916275	25	33	1	19.94183027	6.71E-11		ENSG00000208170
2	195418536	195418752	195418636	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000208170
2	195895441	195895692	195895589	11	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000202206
2	196229654	196230423	196229963	10	25	15	1.906204364	0.0188347	SLC39A10	ENSG00000196950
2	196744375	196744694	196744534	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	STK17B	ENSG00000081320
2	196806006	196806258	196806132	15	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000208167
2	196865416	196865649	196865541	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222866
2	197215189	197215368	197215301	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CCDC150	ENSG00000144395
2	197372507	197372780	197372643	11	13	4	3.28453675	0.00629037	GTF3C3	ENSG00000119041
2	197774840	197775309	197775106	21	34	1	20.52835469	3.17E-11	ANKRD44	ENSG00000065413
2	198008016	198008214	198008070	11	13	4	3.28453675	0.00629037	SF3B1	ENSG00000115524
2	198025923	198026275	198026158	11	15	5	3.128130238	0.00492422	COQ10B	ENSG00000115520
2	198072788	198073318	198073035	13	25	11	2.541605819	0.00248721	HSPE1	ENSG00000115541
2	198088762	198089095	198088928	17	22	7	3.372515413	0.000629223	MOBKL3	ENSG00000115540
2	198883474	198883674	198883574	9	9	0	11.73048839	0.000425898	PLCL1	ENSG00000115896

2	200424383	200424564	200424473	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000208157
2	200466440	200466619	200466524	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000208157
2	200484735	200485107	200484877	9	15	0	18.76878143	4.04E-06	C2orf69	ENSG00000178074
2	200757933	200758255	200758101	10	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000196141
2	200832538	200832783	200832621	11	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000196141
2	200851603	200852065	200851773	10	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000196141
2	200861755	200861992	200861868	14	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000196141
2	200873412	200874080	200873799	50	86	3	25.51381226	9.00E-26		ENSG00000196141
2	201082986	201083181	201083098	10	10	1	6.451768616	0.00135978	KCTD18	ENSG00000155729
2	201099148	201099327	201099232	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SGOL2	ENSG00000163535
2	201110770	201110971	201110870	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SGOL2	ENSG00000163535
2	201308738	201308976	201308849	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000201737
2	201462106	201462465	201462276	9	14	4	3.519146518	0.00361132	PPIL3	ENSG00000115934
2	201474619	201474907	201474767	10	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000203300
2	201478772	201478951	201478861	8	8	9	1.055743955	0.456865		ENSG00000203300
2	201536163	201536342	201536252	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ORC2L	ENSG00000115942
2	201536641	201536948	201536787	8	11	7	1.759573259	0.102361	ORC2L	ENSG00000115942
2	201644737	201644988	201644822	8	12	8	1.694403879	0.107291	NDUFB3	ENSG00000119013
2	201691417	201692111	201691764	30	55	4	13.138147	5.86E-15	CFLAR	ENSG00000003402
2	202013266	202013496	202013381	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TRAK2	ENSG00000115993
2	202215640	202215907	202215800	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	ALS2CR4	ENSG00000155755
2	202353861	202354368	202354025	13	22	5	4.496687217	9.59E-05	ALS2	ENSG00000003393
2	202354948	202355159	202355079	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ALS2	ENSG00000003393
2	202686590	202686836	202686717	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000222035
2	202838568	202838932	202838753	9	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000055044
2	202948696	202948972	202948842	13	14	3	4.398933147	0.00132748	BMPR2	ENSG00000204217
2	202981797	202982041	202981919	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	BMPR2	ENSG00000204217
2	203161695	203161898	203161751	10	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000208133
2	203207534	203207775	203207640	9	10	4	2.580707446	0.0306059	FAM117B	ENSG00000138439
2	203266550	203266752	203266653	8	9	0	11.73048839	0.000425898	FAM117B	ENSG00000138439
2	203484944	203485298	203485121	8	13	3	4.105670938	0.00243034	WDR12	ENSG00000138442
2	203587522	203587721	203587654	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ALS2CR16	ENSG00000163597
2	203811713	203811936	203811799	11	12	5	2.541605819	0.0225912	CYP20A1	ENSG00000119004
2	204152112	204152412	204152262	21	23	9	2.815317214	0.00172056	RAPH1	ENSG00000173166

2	204155485	204155681	204155623	8	10	4	2.580707446	0.0306059	RAPH1	ENSG00000173166
2	204599996	204600303	204600149	14	18	0	22.28792795	3.94E-07	ICOS	ENSG00000163600
2	204682599	204683022	204682843	15	22	4	5.396024661	3.05E-05	ICOS	ENSG00000163600
2	204898485	204898705	204898595	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PARD3B	ENSG00000116117
2	205021479	205021827	205021653	8	14	0	17.59573259	8.79E-06	PARD3B	ENSG00000116117
2	205056531	205056842	205056704	9	12	7	1.906204364	0.0695918	PARD3B	ENSG00000116117
2	205337209	205337603	205337388	23	33	0	39.88366054	3.46E-12	PARD3B	ENSG00000116117
2	205756628	205757051	205756904	11	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000208122
2	206243280	206243677	206243456	38	46	2	18.37776515	5.11E-14	NRP2	ENSG00000118257
2	206251805	206252067	206251946	9	11	1	7.038293036	0.000674435	NRP2	ENSG00000118257
2	206253038	206253246	206253143	9	9	7	1.466311049	0.20706	NRP2	ENSG00000118257
2	206803238	206803848	206803472	47	71	3	21.11487911	5.92E-21		ENSG00000222496
2	207338394	207338678	207338533	9	11	1	7.038293036	0.000674435	FASTKD2	ENSG00000118246
2	207739210	207739389	207739336	8	8	2	3.519146518	0.017558	KLF7	ENSG00000118263
2	207981466	207981688	207981558	11	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000215942
2	208102506	208102819	208102662	8	11	1	7.038293036	0.000674435	CREB1	ENSG00000118260
2	208303064	208303312	208303188	8	8	2	3.519146518	0.017558	CCNYL1	ENSG00000163249
2	208306657	208306895	208306738	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CCNYL1	ENSG00000163249
2	208402063	208402252	208402197	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000188519
2	208481629	208482069	208481861	12	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000220999
2	208598335	208598767	208598613	13	20	1	12.31701281	1.03E-06	PLEKHM3	ENSG00000178385
2	208685902	208686308	208686131	17	23	3	7.038293036	4.15E-06	CRYGD	ENSG00000118231
2	208748323	208748652	208748487	10	14	3	4.398933147	0.00132748	CRYGA	ENSG00000168582
2	208838876	208839209	208839038	16	19	7	2.932622098	0.00293566	PIP5K3	ENSG00000115020
2	208972347	208972725	208972508	12	16	2	6.647276756	0.000101928	PTH2R	ENSG00000144407
2	209340113	209340332	209340241	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000202164
2	209782231	209782422	209782340	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MAP2	ENSG00000078018
2	209941934	209942202	209942068	8	11	2	4.692195357	0.00272444	MAP2	ENSG00000078018
2	210761755	210762030	210761899	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	C2orf67	ENSG00000144445
2	210799244	210799486	210799319	12	15	2	6.256260476	0.000199274	ACADL	ENSG00000115361
2	211730948	211731155	211731051	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000199585
2	211821906	211822331	211822075	11	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000199585
2	211986936	211987172	211987060	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000199585
2	212339845	212340095	212339970	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000208105

2	212453452	212453665	212453558	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	ENSG00000208089
2	212474469	212474862	212474648	20	27	0	32.8453675	3.65E-10	ENSG00000208089
2	212500448	212500771	212500609	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	ENSG00000208089
2	212727370	212727707	212727538	25	29	2	11.73048839	1.18E-08	ENSG00000221782
2	213201695	213201883	213201760	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ERBB4 ENSG00000178568
2	213478925	213479178	213479089	12	14	10	1.599612054	0.114822	ENSG00000221388
2	213485486	213485680	213485586	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000221388
2	213529646	213529918	213529800	9	10	10	1.173048839	0.355733	IKZF2 ENSG00000030419
2	213548096	213548317	213548187	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	IKZF2 ENSG00000030419
2	213552785	213553082	213552933	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	IKZF2 ENSG00000030419
2	213725326	213725510	213725418	8	9	2	3.910162798	0.00955088	IKZF2 ENSG00000030419
2	214951507	214952095	214951952	13	28	6	4.859773763	8.07E-06	ENSG00000174453
2	215709922	215710265	215710129	14	18	7	2.785990993	0.00480525	ABCA12 ENSG00000144452
2	215710673	215711880	215710924	144	221	15	16.27605265	3.08E-56	ABCA12 ENSG00000144452
2	215789846	215790127	215789986	17	19	3	5.865244197	5.72E-05	ABCA12 ENSG00000144452
2	215791487	215791833	215791645	8	13	3	4.105670938	0.00243034	ABCA12 ENSG00000144452
2	215842815	215843097	215842920	11	14	3	4.398933147	0.00132748	ENSG00000208081
2	216071497	216071745	216071610	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	FN1 ENSG00000115414
2	216235719	216235908	216235813	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000216721
2	216504246	216504471	216504386	8	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000212055
2	216546272	216546844	216546459	14	31	3	9.384390715	1.82E-08	MREG ENSG00000118242
2	216552586	216553021	216552765	13	22	16	1.587066077	0.071956	MREG ENSG00000118242
2	216555495	216555879	216555700	19	26	7	3.959039833	7.16E-05	MREG ENSG00000118242
2	216586587	216586887	216586737	10	14	2	5.865244197	0.000387308	MREG ENSG00000118242
2	216682091	216682489	216682310	9	16	7	2.492728784	0.0124193	XRCC5 ENSG00000079246
2	216712950	216713133	216713019	8	8	4	2.111487911	0.0804809	XRCC5 ENSG00000079246
2	217112974	217113356	217113117	13	18	3	5.571981987	0.000108726	RPL37A ENSG00000197756
2	217124164	217124580	217124366	14	22	2	8.993374435	1.66E-06	RPL37A ENSG00000197756
2	217124649	217125082	217124876	55	74	3	21.99466574	6.49E-22	RPL37A ENSG00000197756
2	217125936	217126135	217126068	10	10	3	3.225884308	0.0139466	RPL37A ENSG00000197756
2	217265563	217265789	217265694	8	9	1	5.865244197	0.00272497	IGFBP5 ENSG00000115461
2	217268394	217268703	217268548	18	22	9	2.69801233	0.00276236	IGFBP5 ENSG00000115461
2	217271871	217272148	217272033	8	11	3	3.519146518	0.00788869	IGFBP5 ENSG00000115461
2	217286692	217286974	217286822	16	18	0	22.28792795	3.94E-07	IGFBP5 ENSG00000115461



2	217665590	217665812	217665701	8	10	4	2.580707446	0.0306059	TNP1	ENSG00000118245
2	217904469	217905007	217904756	13	25	2	10.16642327	2.02E-07	TNP1	ENSG00000118245
2	218258280	218258467	218258373	9	10	4	2.580707446	0.0306059	TNS1	ENSG00000079308
2	218280172	218280507	218280337	11	15	8	2.085420159	0.0338693	TNS1	ENSG00000079308
2	218560888	218561282	218561103	12	19	4	4.692195357	0.000193572	TNS1	ENSG00000079308
2	218791899	218792443	218792078	19	30	2	12.12150467	5.77E-09	ARPC2	ENSG00000163466
2	218867936	218868365	218868186	11	20	10	2.239456875	0.0121685	TMBIM1	ENSG00000135926
2	218907807	218908092	218907949	17	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000212106
2	218970765	218970995	218970880	13	14	9	1.759573259	0.0786014	CTDSP1	ENSG00000144579
2	218972688	218972877	218972782	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CTDSP1	ENSG00000144579
2	219017577	219018011	219017707	24	32	4	7.742122339	4.68E-08	VIL1	ENSG00000127831
2	219018388	219019021	219018686	11	27	6	4.692195357	1.46E-05	VIL1	ENSG00000127831
2	219022000	219022376	219022197	10	19	5	3.910162798	0.000546977	VIL1	ENSG00000127831
2	219141553	219141763	219141647	8	10	12	0.992579787	0.511743	RQCD1	ENSG00000144580
2	219481999	219482281	219482140	11	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000200029
2	219699452	219699757	219699622	12	16	11	1.661819189	0.0853913		ENSG00000223334
2	219790897	219791252	219791074	17	23	3	7.038293036	4.15E-06	ABCB6	ENSG00000115657
2	219791681	219792274	219791995	9	24	3	7.331555246	2.13E-06	ABCB6	ENSG00000115657
2	219802681	219802946	219802834	11	14	13	1.256838042	0.269506	ANKZF1	ENSG00000163516
2	219850655	219850923	219850828	11	15	4	3.753756286	0.0020497	DNAJB2	ENSG00000135924
2	219852191	219852441	219852313	11	13	1	8.211341875	0.000163445	DNAJB2	ENSG00000135924
2	219859461	219859763	219859612	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	DNAJB2	ENSG00000135924
2	219867917	219868122	219868019	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000207647
2	219971793	219972284	219972038	18	29	12	2.707035783	0.000762953	DNPEP	ENSG00000123992
2	219973156	219973544	219973301	12	16	5	3.323638378	0.00288759	DNPEP	ENSG00000123992
2	220110940	220111119	220111029	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CHPF	ENSG00000123989
2	220144509	220144693	220144601	8	10	1	6.451768616	0.00135978	OBSL1	ENSG00000124006
2	220215415	220215674	220215544	10	13	4	3.28453675	0.00629037	SLC4A3	ENSG00000114923
2	220257457	220258521	220257756	60	111	5	21.89691167	1.41E-31		ENSG00000216281
2	220306097	220306631	220306276	55	74	1	43.98933147	2.18E-24		ENSG00000216666
2	220382609	220382917	220382744	10	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000216666
2	220541816	220542147	220541987	14	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000221199
2	220752264	220752647	220752410	11	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000221199
2	220771947	220772337	220772158	33	43	0	51.61414893	1.48E-15		ENSG00000221199

2	220797947	220798500	220798292	14	26	4	6.334463732	2.40E-06	ENSG00000221199
2	220846074	220846269	220846171	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000221199
2	220848355	220848545	220848458	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000221199
2	220850451	220850905	220850606	11	22	9	2.69801233	0.00276236	ENSG00000221199
2	221003447	221003626	221003556	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ENSG00000222096
2	221051664	221051947	221051835	10	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000222096
2	221192534	221192820	221192677	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	ENSG00000222096
2	221255685	221255994	221255820	19	23	6	4.021881735	0.000148535	ENSG00000222096
2	221428229	221428484	221428366	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000208071
2	222103062	222103360	222103211	21	22	4	5.396024661	3.05E-05	ENSG00000221432
2	222661430	222661762	222661596	16	21	2	8.602358155	3.33E-06	ENSG00000208070
2	222732255	222732495	222732399	11	11	1	7.038293036	0.000674435	ENSG00000208070
2	223410644	223410936	223410773	9	11	2	4.692195357	0.00272444	ACSL3 ENSG00000123983
2	223760114	223760329	223760229	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	ENSG00000222485
2	223760349	223760631	223760525	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	ENSG00000222485
2	224112170	224112355	224112262	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SCG2 ENSG00000171951
2	224460181	224460458	224460319	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	AP1S3 ENSG00000152056
2	225094908	225095235	225095081	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	CUL3 ENSG00000036257
2	225111771	225112003	225111885	14	15	2	6.256260476	0.000199274	CUL3 ENSG00000036257
2	226187873	226188104	226187994	12	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000144460
2	226188476	226189019	226188709	110	134	1	79.18079665	2.31E-44	ENSG00000144460
2	226189215	226189698	226189449	70	90	0	106.7474444	2.12E-31	ENSG00000144460
2	226209700	226209894	226209797	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ENSG00000144460
2	226219751	226219936	226219843	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ENSG00000144460
2	226393827	226394121	226393984	8	11	1	7.038293036	0.000674435	ENSG00000144460
2	226697639	226697878	226697759	13	14	5	2.932622098	0.00829617	ENSG00000208062
2	226728218	226728399	226728320	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ENSG00000208062
2	227372543	227372747	227372645	9	10	2	4.301179077	0.00512919	IRS1 ENSG00000169047
2	228039188	228039460	228039324	10	13	2	5.474227917	0.000747844	AGFG1 ENSG00000173744
2	228039597	228040190	228039903	21	35	2	14.07658607	1.57E-10	AGFG1 ENSG00000173744
2	228044961	228045183	228045089	9	9	1	5.865244197	0.00272497	AGFG1 ENSG00000173744
2	229753581	229754011	229753832	99	136	72	2.201475219	1.02E-08	ENSG00000208058
2	231850252	231850460	231850356	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ARMC9 ENSG00000135931
2	232087067	232087290	232087178	8	11	1	7.038293036	0.000674435	C2orf52 ENSG00000181798

2	232185466	232185719	232185595	10	12	1	7.624817456	0.000332769	C2orf57	ENSG00000177673
2	232215660	232215895	232215777	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000208049
2	232235139	232235368	232235261	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000208049
2	232239371	232239697	232239538	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000208049
2	232280020	232280283	232280177	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PTMAP4	ENSG00000187514
2	232286817	232287170	232286993	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000200067
2	232359255	232359546	232359388	13	16	3	4.985457567	0.000385643	COPS7B	ENSG00000144524
2	232368542	232368771	232368655	9	10	2	4.301179077	0.00512919	COPS7B	ENSG00000144524
2	232968924	232969183	232969036	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ECEL1P2	ENSG00000204121
2	233196827	233197051	233196939	10	11	2	4.692195357	0.00272444	EFHD1	ENSG00000115468
2	233349376	233349580	233349478	8	9	0	11.73048839	0.000425898	KCNJ13	ENSG00000115474
2	233633452	233633656	233633554	8	8	2	3.519146518	0.017558	INPP5D	ENSG00000168918
2	233824926	233825289	233825142	9	14	2	5.865244197	0.000387308	ATG16L1	ENSG00000085978
2	233862218	233862414	233862316	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000212616
2	234066207	234066414	234066342	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	USP40	ENSG00000085982
2	234264765	234264965	234264873	9	10	3	3.225884308	0.0139466	UGT1A3	ENSG00000167165
2	234736314	234736618	234736458	14	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000220908
2	234940345	234940524	234940401	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220908
2	235037478	235037758	235037611	13	14	4	3.519146518	0.00361132	ARL4C	ENSG00000188042
2	235204216	235204433	235204325	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ARL4C	ENSG00000188042
2	235207227	235207696	235207406	16	23	3	7.038293036	4.15E-06	ARL4C	ENSG00000188042
2	235400739	235401000	235400904	8	10	0	12.90353723	0.000195991	SH3BP4	ENSG00000130147
2	235723956	235724182	235724069	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SH3BP4	ENSG00000130147
2	235898505	235898882	235898703	27	35	0	42.22975822	7.34E-13		ENSG00000216002
2	236116183	236116373	236116278	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000221704
2	236239799	236240125	236239962	13	17	5	3.519146518	0.00167472	AGAP1	ENSG00000157985
2	236274675	236275083	236274858	15	23	6	4.021881735	0.000148535	AGAP1	ENSG00000157985
2	236735411	236735736	236735573	17	21	0	25.80707446	3.84E-08	GBX2	ENSG00000168505
2	237022736	237023027	237022867	10	15	2	6.256260476	0.000199274	IQCA1	ENSG00000132321
2	237305428	237305693	237305553	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	CXCR7	ENSG00000144476
2	237448311	237448516	237448413	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000202341
2	238076013	238076278	238076167	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MLPH	ENSG00000115648
2	238132264	238132760	238132443	22	37	5	7.429309316	7.67E-09		ENSG00000208040
2	238145448	238145769	238145594	11	13	1	8.211341875	0.000163445	PRLH	ENSG00000071677

2	238513133	238513548	238513375	44	50	0	59.82549081	6.45E-18	UBE2F	ENSG00000184182
2	238513560	238513901	238513730	9	11	2	4.692195357	0.00272444	UBE2F	ENSG00000184182
2	238540219	238540426	238540322	11	11	1	7.038293036	0.000674435	UBE2F	ENSG00000184182
2	238829999	238830240	238830119	8	10	2	4.301179077	0.00512919	HES6	ENSG00000144485
2	238840746	238840960	238840852	11	12	1	7.624817456	0.000332769	PER2	ENSG00000132326
2	238963316	238964080	238963823	63	119	2	46.92195357	7.77E-38		ENSG00000202099
2	239258277	239258495	239258386	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000201897
2	242481781	242481973	242481906	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000216921
2	242486508	242486817	242486664	26	29	1	17.59573259	1.33E-09		ENSG00000216921
2	242487077	242487326	242487207	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000216921
20	164628	164863	164744	12	12	4	3.049926982	0.0108184	DEFB129	ENSG00000125903
20	668765	668988	668876	9	9	0	11.73048839	0.000425898	C20orf54	ENSG00000101276
20	831573	832291	831850	67	126	1	74.4886013	1.08E-41	ANGPT4	ENSG00000101280
20	1046969	1047257	1047122	14	16	4	3.988366054	0.00115141	PSMF1	ENSG00000125818
20	1428229	1428445	1428338	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	SIRPB2	ENSG00000196209
20	1429169	1429386	1429311	15	17	0	21.11487911	8.57E-07	SIRPB2	ENSG00000196209
20	2031047	2031265	2031215	9	9	2	3.910162798	0.00955088	STK35	ENSG00000125834
20	2399348	2399641	2399494	9	13	2	5.474227917	0.000747844	SNRPB	ENSG00000125835
20	2450402	2450607	2450545	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZNF343	ENSG00000088876
20	2592743	2593020	2592897	10	13	7	2.052835469	0.046392	IDH3B	ENSG00000101365
20	3336687	3336894	3336794	10	10	2	4.301179077	0.00512919	C20orf194	ENSG00000088854
20	3422837	3423274	3423016	44	56	2	22.28792795	3.14E-17	SF3A3P1	ENSG00000217305
20	3710049	3710396	3710222	14	19	9	2.346097679	0.0107159	SPEF1	ENSG00000101222
20	3724673	3724927	3724852	8	12	4	3.049926982	0.0108184	CDC25B	ENSG00000101224
20	3736121	3736486	3736332	18	24	3	7.331555246	2.13E-06	CDC25B	ENSG00000101224
20	3740165	3740854	3740513	21	42	10	4.585554554	1.62E-07	C20orf29	ENSG00000125843
20	3748708	3749050	3748879	8	14	4	3.519146518	0.00361132	C20orf29	ENSG00000125843
20	3822104	3822473	3822283	29	36	1	21.70140353	7.08E-12	PANK2	ENSG00000125779
20	4037398	4037594	4037496	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000205300
20	4380155	4380487	4380321	8	11	1	7.038293036	0.000674435	RPL7AL2	ENSG00000219900
20	4471113	4471297	4471184	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RPL7AL2	ENSG00000219900
20	4700344	4700710	4700519	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	RASSF2	ENSG00000101265
20	4708477	4708656	4708566	8	8	2	3.519146518	0.017558	RASSF2	ENSG00000101265
20	5048591	5049089	5048836	62	89	4	21.11487911	1.24E-25	PCNA	ENSG00000132646

20	6006113	6006329	6006221	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000198145
20	6362840	6363111	6362974	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000221449
20	6583512	6583946	6583683	8	15	1	9.384390715	3.90E-05	BMP2	ENSG00000125845
20	7264907	7265091	7265016	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000209691
20	7530111	7530392	7530244	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000209691
20	7595939	7596128	7596028	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221726
20	7640247	7640430	7640338	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221726
20	7700929	7701387	7701194	28	41	2	16.42268375	2.00E-12		ENSG00000215586
20	7787992	7788197	7788094	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000215586
20	8050460	8050643	8050556	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLCB1	ENSG00000182621
20	8785568	8785914	8785747	14	19	0	23.46097679	1.81E-07		ENSG00000201348
20	8831333	8831688	8831510	18	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000219276
20	8996286	8996697	8996572	10	18	5	3.714654658	0.000961539	PLCB4	ENSG00000101333
20	8998053	8998337	8998195	8	11	2	4.692195357	0.00272444	PLCB4	ENSG00000101333
20	9437984	9438163	9438073	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C20orf103	ENSG00000125869
20	9526233	9526466	9526367	15	16	1	9.970915134	1.89E-05	C20orf103	ENSG00000125869
20	9907146	9907351	9907209	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209705
20	10008664	10008955	10008805	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ANKRD5	ENSG00000132623
20	10047938	10048401	10048172	49	62	2	24.63402563	3.62E-19	ANKRD5	ENSG00000132623
20	10060244	10060513	10060378	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SNAP25	ENSG00000132639
20	10060719	10060993	10060819	11	14	3	4.398933147	0.00132748	SNAP25	ENSG00000132639
20	10317294	10317599	10317447	23	25	3	7.624817456	1.09E-06		ENSG00000218202
20	10481466	10481769	10481615	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000125881
20	10593258	10593437	10593360	8	8	0	10.55743955	0.000925496	JAG1	ENSG00000101384
20	10593816	10594228	10594026	24	36	1	21.70140353	7.08E-12	JAG1	ENSG00000101384
20	10661846	10662289	10662041	43	59	0	70.38293036	5.97E-21	JAG1	ENSG00000101384
20	12776483	12776782	12776632	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000223307
20	12853876	12854164	12854014	8	12	2	5.083211637	0.00143337	SPTLC3	ENSG00000172296
20	12937824	12938080	12937952	9	9	8	1.303387599	0.281715	SPTLC3	ENSG00000172296
20	12975333	12975512	12975422	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SPTLC3	ENSG00000172296
20	13213574	13214006	13213789	48	69	0	82.11341875	2.54E-24	C20orf82	ENSG00000101230
20	13215256	13215624	13215443	19	27	3	8.211341875	2.82E-07	C20orf82	ENSG00000101230
20	13713460	13713845	13713567	13	20	6	3.519146518	0.000784044	ESF1	ENSG00000089048
20	13729390	13729772	13729567	34	39	3	11.73048839	6.80E-11	C20orf7	ENSG00000101247

20	14266134	14266594	14266289	12	22	2	8.993374435	1.66E-06	FLRT3	ENSG00000125848
20	14520541	14520881	14520711	34	38	3	11.43722618	1.38E-10		ENSG00000216947
20	14693531	14693786	14693658	11	11	3	3.519146518	0.00788869	RPS10P2	ENSG00000220654
20	14704459	14704785	14704623	8	12	7	1.906204364	0.0695918	RPS10P2	ENSG00000220654
20	14774015	14774387	14774194	8	15	8	2.085420159	0.0338693	RPS10P2	ENSG00000220654
20	14848591	14848778	14848719	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000199803
20	14848848	14849059	14848953	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000199803
20	14990543	14990923	14990757	8	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000201180
20	15225202	15225399	15225300	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000222500
20	15225696	15225974	15225822	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000222500
20	15226718	15226994	15226856	8	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000222500
20	15233021	15233467	15233266	33	49	0	58.65244197	1.40E-17		ENSG00000222500
20	15582855	15583074	15582961	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000219216
20	15743648	15744089	15743918	11	17	7	2.639359888	0.00777415	MACROD2	ENSG00000172264
20	15936698	15936877	15936788	8	9	4	2.346097679	0.050148	MACROD2	ENSG00000172264
20	16054499	16054714	16054606	11	11	2	4.692195357	0.00272444	PPIAP17	ENSG00000218057
20	16362854	16363033	16362943	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221448
20	16447054	16447307	16447180	9	13	2	5.474227917	0.000747844	KIF16B	ENSG00000089177
20	16471153	16471585	16471437	10	19	5	3.910162798	0.000546977	KIF16B	ENSG00000089177
20	16658416	16658750	16658542	13	17	12	1.62422147	0.088135	SNRPB2	ENSG00000125870
20	16696975	16697231	16697096	9	11	1	7.038293036	0.000674435	OTOR	ENSG00000125879
20	16732709	16732892	16732800	9	9	0	11.73048839	0.000425898	OTOR	ENSG00000125879
20	16899770	16899949	16899863	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000212165
20	17100282	17100473	17100378	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000220540
20	17254293	17254650	17254462	25	30	1	18.18225701	6.30E-10	PCSK2	ENSG00000125851
20	17356264	17356662	17356443	12	19	3	5.865244197	5.72E-05	TCTE1P	ENSG00000216727
20	17360467	17360813	17360640	8	13	6	2.346097679	0.0266147	TCTE1P	ENSG00000216727
20	17433633	17433860	17433689	8	10	3	3.225884308	0.0139466	RPS27AP2	ENSG00000216375
20	17486346	17486575	17486460	13	15	3	4.692195357	0.000718455	BFSP1	ENSG00000125864
20	17497763	17498005	17497865	10	12	5	2.541605819	0.0225912	DSTN	ENSG00000125868
20	17498373	17498616	17498494	10	10	2	4.301179077	0.00512919	DSTN	ENSG00000125868
20	17499116	17499333	17499275	9	9	1	5.865244197	0.00272497	DSTN	ENSG00000125868
20	17499335	17499620	17499481	10	14	4	3.519146518	0.00361132	DSTN	ENSG00000125868
20	17500837	17501243	17500891	8	15	2	6.256260476	0.000199274	DSTN	ENSG00000125868

20	17523151	17523474	17523303	17	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000219283
20	17533988	17534410	17534167	10	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000219283
20	17778826	17779156	17778991	23	28	1	17.00920817	2.80E-09		ENSG00000221220
20	17897354	17897733	17897554	8	15	7	2.346097679	0.0195693	SNX5	ENSG00000089006
20	17897959	17898650	17898296	31	56	6	9.55196912	1.13E-13	C20orf72	ENSG00000125871
20	17986506	17986816	17986643	10	13	4	3.28453675	0.00629037	OVOL2	ENSG00000125850
20	17987530	17987742	17987681	8	10	0	12.90353723	0.000195991	OVOL2	ENSG00000125850
20	18216646	18217029	18216776	14	20	3	6.158506406	2.99E-05	ZNF133	ENSG00000125846
20	18395846	18396292	18395972	14	22	1	13.49006165	2.37E-07	POLR3F	ENSG00000132664
20	18425697	18426120	18425876	8	14	7	2.199466574	0.0303778	RBBP9	ENSG00000089050
20	18435989	18436576	18436205	9	24	9	2.932622098	0.00106136	SEC23B	ENSG00000101310
20	18560836	18561144	18561007	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217650
20	18573982	18574271	18574150	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000217650
20	18673715	18673894	18673866	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220165
20	18722466	18722787	18722626	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000179935
20	18781009	18781385	18781188	24	31	0	37.53756286	1.64E-11	C20orf78	ENSG00000149443
20	18918604	18918807	18918721	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C20orf78	ENSG00000149443
20	19336423	19336758	19336590	11	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000221748
20	19356243	19356504	19356373	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000221748
20	19420848	19421084	19420966	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000216017
20	19695836	19696018	19695927	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000125822
20	19704243	19704535	19704389	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000125822
20	19712738	19713044	19712874	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000125822
20	19731332	19731514	19731444	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000125822
20	19864415	19864837	19864702	14	22	4	5.396024661	3.05E-05	RIN2	ENSG00000132669
20	19886967	19887247	19887107	12	14	3	4.398933147	0.00132748	NAT5	ENSG00000173418
20	19921774	19922096	19921935	9	12	4	3.049926982	0.0108184	NAT5	ENSG00000173418
20	19945762	19946073	19945924	10	14	10	1.599612054	0.114822	NAT5	ENSG00000173418
20	20094301	20094493	20094397	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C20orf26	ENSG00000089101
20	20289113	20289462	20289290	23	26	6	4.524616952	2.63E-05	INSM1	ENSG00000173404
20	20532052	20532425	20532223	17	24	1	14.66311049	5.43E-08	C20orf74	ENSG00000188559
20	20788913	20789125	20789019	9	9	3	2.932622098	0.0242899	MRPS11P1	ENSG00000218888
20	20956359	20956619	20956476	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RPL24P2	ENSG00000217629
20	20977533	20977772	20977626	9	10	4	2.580707446	0.0306059	RPL24P2	ENSG00000217629

20	21024902	21025122	21025011	10	10	0	12.90353723	0.000195991	RPL24P2	ENSG00000217629
20	21054353	21054753	21054507	9	15	2	6.256260476	0.000199274	NCRNA001	ENSG00000088970
20	21164248	21164477	21164362	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217505
20	21164732	21164972	21164852	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000217505
20	21425115	21425464	21425289	27	32	2	12.90353723	1.37E-09	GSTM3P	ENSG00000220966
20	21572108	21572406	21572260	8	11	1	7.038293036	0.000674435	PAX1	ENSG00000125813
20	21590383	21590565	21590501	9	9	4	2.346097679	0.050148	PAX1	ENSG00000125813
20	21696336	21696528	21696487	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RPL41P1	ENSG00000219787
20	22308115	22308420	22308267	12	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000204684
20	22516208	22516441	22516324	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FOXA2	ENSG00000125798
20	22620458	22620699	22620560	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000215553
20	22731082	22731413	22731247	9	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000199583
20	22979527	22979755	22979641	10	11	3	3.519146518	0.00788869	THBD	ENSG00000178726
20	23028627	23028878	23028750	8	11	2	4.692195357	0.00272444	CD93	ENSG00000125810
20	23028937	23029459	23029245	143	181	4	42.69897775	1.88E-55	CD93	ENSG00000125810
20	23068165	23068501	23068333	11	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000201527
20	23083675	23084026	23083850	28	33	1	19.94183027	6.71E-11		ENSG00000201527
20	23174361	23174640	23174513	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000201527
20	23261156	23261349	23261210	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NXT1	ENSG00000132661
20	23278599	23278811	23278688	8	10	1	6.451768616	0.00135978	NXT1	ENSG00000132661
20	23286453	23286761	23286607	8	12	5	2.541605819	0.0225912	GZF1	ENSG00000125812
20	23963526	23963810	23963668	13	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000167390
20	24029428	24029618	24029523	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000167390
20	24054263	24054550	24054411	17	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000200231
20	24321993	24322231	24322130	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000217065
20	24388196	24388671	24388504	38	48	2	19.15979771	1.17E-14	C20orf39	ENSG00000101463
20	24558354	24558594	24558474	10	13	1	8.211341875	0.000163445	C20orf39	ENSG00000101463
20	24578605	24578810	24578704	8	9	5	1.955081399	0.0892323	C20orf39	ENSG00000101463
20	24623854	24624033	24623943	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C20orf39	ENSG00000101463
20	24681327	24681570	24681448	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CST7	ENSG00000077984
20	24697030	24697215	24697092	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CST7	ENSG00000077984
20	24800231	24800438	24800311	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CST7	ENSG00000077984
20	24801108	24801313	24801162	9	10	3	3.225884308	0.0139466	CST7	ENSG00000077984
20	24825766	24825979	24825919	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CST7	ENSG00000077984



20	24846964	24847300	24847132	10	14	3	4.398933147	0.00132748	CST7	ENSG00000077984
20	24859156	24859337	24859246	8	8	2	3.519146518	0.017558	CST7	ENSG00000077984
20	24881516	24881869	24881692	18	24	0	29.32622098	3.74E-09	CST7	ENSG00000077984
20	24921322	24921617	24921469	12	15	2	6.256260476	0.000199274	C20orf3	ENSG00000101474
20	24928944	24929268	24929106	12	14	10	1.599612054	0.114822	C20orf3	ENSG00000101474
20	24945955	24946344	24946230	15	22	5	4.496687217	9.59E-05	C20orf3	ENSG00000101474
20	24951967	24952173	24952090	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C20orf3	ENSG00000101474
20	24994449	24994744	24994596	9	14	6	2.513676084	0.016726	ACSS1	ENSG00000154930
20	25005429	25005698	25005581	9	11	4	2.815317214	0.0183428	VSX1	ENSG00000100987
20	25107866	25108105	25107960	9	11	2	4.692195357	0.00272444	ENTPD6	ENSG00000197586
20	25125177	25125446	25125311	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ENTPD6	ENSG00000197586
20	25175845	25176215	25176016	10	18	4	4.457585589	0.000353565	PYGB	ENSG00000100994
20	25208690	25209088	25208869	11	17	5	3.519146518	0.00167472	PYGB	ENSG00000100994
20	25270083	25270586	25270334	8	18	5	3.714654658	0.000961539	ABHD12	ENSG00000100997
20	25289344	25289567	25289455	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	PPIAP2	ENSG00000218176
20	25319569	25319779	25319683	10	10	3	3.225884308	0.0139466	ABHD12	ENSG00000100997
20	25336181	25336517	25336349	14	19	6	3.351568112	0.00134187	GINS1	ENSG00000101003
20	25482469	25482678	25482573	14	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000101004
20	25624531	25625078	25624769	25	40	9	4.809500241	1.80E-07	ZNF337	ENSG00000130684
20	26136566	26137616	26137038	64	175	98	2.085420159	1.01E-09		ENSG00000207985
20	26137642	26138646	26138030	143	224	119	2.199466574	3.56E-13		ENSG00000207985
20	26244364	26244543	26244393	8	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000207985
20	26264993	26265174	26265141	10	10	21	0.58652442	0.934469		ENSG00000207985
20	26266316	26266506	26266464	8	9	22	0.510021234	0.969818		ENSG00000207985
20	26267261	26267599	26267430	192	193	174	1.300408428	0.00583878		ENSG00000207985
20	28225383	28225693	28225560	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000215548
20	28251979	28252320	28252043	10	14	14	1.173048839	0.332418	MLLT10L	ENSG00000217081
20	28266891	28267224	28267057	8	11	4	2.815317214	0.0183428	MLLT10L	ENSG00000217081
20	29287455	29287784	29287608	16	16	14	1.329455351	0.210108	DEFB115	ENSG00000215547
20	29548222	29548414	29548358	8	9	10	1.066408036	0.444985	HM13	ENSG00000101294
20	29554560	29554790	29554675	8	9	2	3.910162798	0.00955088	HM13	ENSG00000101294
20	29598735	29598994	29598897	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000219431
20	29611490	29611759	29611643	12	14	12	1.353517892	0.211235		ENSG00000219431
20	29614296	29614661	29614475	11	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000219431

20	29621046	29621269	29621157	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000201770
20	29621279	29621458	29621335	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000201770
20	29624262	29624577	29624440	14	19	2	7.820325595	1.32E-05	ENSG00000201770
20	29644691	29645238	29644965	13	29	8	3.910162798	3.45E-05 ID1	ENSG00000125968
20	29655567	29656022	29655746	12	21	7	3.225884308	0.00106152 ID1	ENSG00000125968
20	29656634	29656956	29656795	10	14	9	1.759573259	0.0786014 ID1	ENSG00000125968
20	29659852	29660200	29660053	9	13	3	4.105670938	0.00243034 ID1	ENSG00000125968
20	29662258	29662547	29662403	14	15	5	3.128130238	0.00492422 ID1	ENSG00000125968
20	29664336	29664625	29664457	17	21	16	1.518063204	0.0959332 ID1	ENSG00000125968
20	29713148	29713953	29713603	11	29	8	3.910162798	3.45E-05 COX4I2	ENSG00000131055
20	29726376	29726555	29726532	8	8	1	5.278719777	0.00542188 COX4I2	ENSG00000131055
20	29729905	29730592	29730251	242	292	9	34.37033099	3.53E-85 COX4I2	ENSG00000131055
20	29731395	29732144	29731651	25	59	13	5.027352168	2.07E-10 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29750749	29751013	29750881	12	14	1	8.797866295	8.00E-05 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29760262	29760520	29760412	10	13	3	4.105670938	0.00243034 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29762031	29762427	29762207	21	28	10	3.092583304	0.000307818 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29770799	29771326	29771093	13	26	7	3.959039833	7.16E-05 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29774173	29774688	29774400	13	23	7	3.519146518	0.000369739 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29775048	29775711	29775562	10	23	6	4.021881735	0.000148535 BCL2L1	ENSG00000171552
20	29790103	29790311	29790207	9	11	6	2.010940867	0.0640214 TPX2	ENSG00000088325
20	29790470	29790756	29790623	14	18	9	2.228792795	0.0164363 TPX2	ENSG00000088325
20	29790774	29790956	29790892	8	10	4	2.580707446	0.0306059 TPX2	ENSG00000088325
20	29904286	29904520	29904403	9	10	3	3.225884308	0.0139466 DUSP15	ENSG00000149599
20	29931236	29931475	29931353	10	11	5	2.346097679	0.0364013 TTLL9	ENSG00000131044
20	29931511	29931862	29931686	15	20	3	6.158506406	2.99E-05 TTLL9	ENSG00000131044
20	29949274	29949474	29949323	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000199497
20	30003321	30003865	30003593	13	22	8	2.997791478	0.00137524 PDRG1	ENSG00000088356
20	30019886	30020199	30020043	13	14	4	3.519146518	0.00361132 XKR7	ENSG00000101321
20	30080404	30080734	30080570	11	15	1	9.384390715	3.90E-05 C20orf160	ENSG00000101331
20	30187578	30187918	30187744	11	16	8	2.215758919	0.0222902 TM9SF4	ENSG00000101337
20	30328901	30329123	30329012	9	10	2	4.301179077	0.00512919 KIF3B	ENSG00000101350
20	30377407	30377647	30377515	11	14	5	2.932622098	0.00829617 ASXL1	ENSG00000171456
20	30619832	30620017	30619949	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000204393
20	30725809	30726050	30725929	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000198179

20	30746671	30746928	30746781	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000198179
20	30841603	30841916	30841740	8	10	1	6.451768616	0.00135978	DNMT3B	ENSG00000088305
20	30945609	30945810	30945736	8	8	0	10.55743955	0.000925496	EFCAB8	ENSG00000215529
20	31023416	31023771	31023593	14	20	1	12.31701281	1.03E-06	SPAG4L	ENSG00000167098
20	31261235	31261558	31261396	11	14	2	5.865244197	0.000387308	C20orf71	ENSG00000131059
20	31263346	31263565	31263455	8	8	2	3.519146518	0.017558	C20orf71	ENSG00000131059
20	31314165	31314421	31314293	9	12	1	7.624817456	0.000332769	RPL12P3	ENSG00000217037
20	31350805	31351020	31350911	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C20orf114	ENSG00000125999
20	31361271	31361622	31361450	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000216386
20	31388676	31388889	31388813	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000125997
20	31411083	31411351	31411258	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000131062
20	31425491	31425670	31425617	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000131062
20	31452904	31453141	31453022	12	13	5	2.737113958	0.0137917	CDK5RAP1	ENSG00000101391
20	31508711	31508924	31508871	9	12	6	2.178519273	0.0416567	SNTA1	ENSG00000101400
20	31606458	31606857	31606589	8	14	3	4.398933147	0.00132748	CBFA2T2	ENSG00000078699
20	31608964	31609290	31609127	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CBFA2T2	ENSG00000078699
20	31702568	31702781	31702674	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C20orf144	ENSG00000149609
20	31718026	31718411	31718205	9	17	0	21.11487911	8.57E-07	C20orf134	ENSG00000182584
20	31784387	31784593	31784484	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF341	ENSG00000131061
20	31889567	31889974	31889770	17	25	3	7.624817456	1.09E-06	CHMP4B	ENSG00000101421
20	32354446	32354777	32354622	12	16	3	4.985457567	0.000385643	AHCY	ENSG00000101444
20	32366028	32366238	32366109	8	9	2	3.910162798	0.00955088	AHCY	ENSG00000101444
20	32387185	32387434	32387309	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000216910
20	32392082	32392555	32392220	9	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000216910
20	32574422	32574624	32574533	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000206582
20	32577372	32577782	32577626	18	23	7	3.519146518	0.000369739		ENSG00000206582
20	32754992	32755208	32755114	13	13	2	5.474227917	0.000747844	TP53INP2	ENSG00000078804
20	32925607	32925789	32925698	8	8	7	1.319679944	0.283403	ACSS2	ENSG00000131069
20	32959194	32959387	32959228	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ACSS2	ENSG00000131069
20	33006615	33007225	33007033	14	28	3	8.504604085	1.43E-07	GSS	ENSG00000100983
20	33144242	33144582	33144412	10	15	3	4.692195357	0.000718455	TRPC4AP	ENSG00000100991
20	33223172	33223475	33223323	17	20	1	12.31701281	1.03E-06	PROCR	ENSG00000101000
20	33359376	33359774	33359575	79	92	3	27.27338551	1.04E-27	FAM83C	ENSG00000125998
20	33463050	33463460	33463232	17	25	8	3.388807758	0.000297109	UQCC	ENSG00000101019

20	33502396	33502949	33502659	270	328	9	38.59330681	7.22E-97		ENSG00000221763
20	33506335	33506634	33506484	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	CEP250	ENSG00000126001
20	33678041	33678260	33678150	10	11	6	2.010940867	0.0640214	SPAG4	ENSG00000061656
20	33793354	33793928	33793724	23	44	11	4.398933147	1.43E-07	RBM39	ENSG00000131051
20	33904768	33905084	33904925	17	19	0	23.46097679	1.81E-07		ENSG00000199676
20	34005677	34006232	34005815	15	24	6	4.18946014	8.40E-05	SCAND1	ENSG00000171222
20	34046363	34046649	34046522	16	20	4	4.926805125	0.00010522	C20orf152	ENSG00000149646
20	34102196	34102422	34102309	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000220639
20	34137101	34137500	34137321	9	16	2	6.647276756	0.000101928	EPB41L1	ENSG00000088367
20	34173756	34173991	34173865	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210299
20	34287669	34287995	34287844	11	14	3	4.398933147	0.00132748	C20orf4	ENSG00000131043
20	34461540	34461813	34461661	11	12	1	7.624817456	0.000332769	DLGAP4	ENSG00000080845
20	34523506	34523768	34523646	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DLGAP4	ENSG00000080845
20	34535748	34536048	34535913	9	12	4	3.049926982	0.0108184	DLGAP4	ENSG00000080845
20	34618323	34618617	34618476	16	19	1	11.73048839	2.14E-06	MYL9	ENSG00000101335
20	34647245	34647611	34647477	18	24	7	3.665777623	0.000215502	TGIF2	ENSG00000118707
20	34649025	34649404	34649285	12	20	3	6.158506406	2.99E-05	TGIF2	ENSG00000118707
20	34660604	34660917	34660738	9	13	1	8.211341875	0.000163445	C20orf24	ENSG00000101084
20	34667283	34667498	34667409	10	11	1	7.038293036	0.000674435	C20orf24	ENSG00000101084
20	34708520	34708862	34708691	53	57	3	17.00920817	1.67E-16	SLA2	ENSG00000101082
20	34831026	34831236	34831131	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DSN1	ENSG00000149636
20	34835988	34836242	34836115	10	14	8	1.955081399	0.0506438	DSN1	ENSG00000149636
20	34875076	34875288	34875182	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DSN1	ENSG00000149636
20	34897113	34897755	34897350	50	77	7	11.43722618	3.64E-19	C20orf117	ENSG00000149639
20	34923857	34924189	34924015	18	22	0	26.9801233	1.77E-08	C20orf117	ENSG00000149639
20	35157794	35158003	35157898	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RBL1	ENSG00000080839
20	35240113	35240428	35240270	15	18	5	3.714654658	0.000961539	RPN2	ENSG00000118705
20	35254208	35254398	35254286	8	8	2	3.519146518	0.017558	C20orf132	ENSG00000101353
20	35257461	35257725	35257572	9	11	7	1.759573259	0.102361	C20orf132	ENSG00000101353
20	35351319	35351690	35351433	10	15	3	4.692195357	0.000718455	MANBAL	ENSG00000101363
20	35456558	35457256	35456846	206	263	1	154.8424468	1.48E-87	SRC	ENSG00000197122
20	35588235	35588433	35588299	9	9	1	5.865244197	0.00272497	BLCAP	ENSG00000166619
20	35596135	35596329	35596217	8	8	2	3.519146518	0.017558	PPIAP3	ENSG00000217329
20	35713732	35713920	35713847	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000204117

20	35755622	35755859	35755800	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	CTNNBL1	ENSG00000132792
20	35885178	35885441	35885309	10	10	2	4.301179077	0.00512919	CTNNBL1	ENSG00000132792
20	36066298	36066557	36066436	10	11	3	3.519146518	0.00788869	KIAA0406	ENSG00000101407
20	36075501	36075740	36075657	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KIAA0406	ENSG00000101407
20	36119405	36119584	36119517	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000199507
20	36497285	36497585	36497489	17	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000196756
20	36508406	36508895	36508659	11	21	2	8.602358155	3.33E-06	C20orf198	ENSG00000174365
20	36666995	36667320	36667157	11	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000213959
20	36990028	36990333	36990164	8	12	2	5.083211637	0.00143337	FAM83D	ENSG00000101447
20	37143244	37143450	37143347	8	8	2	3.519146518	0.017558	NPM1P19	ENSG00000219662
20	37172825	37173013	37172919	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NPM1P19	ENSG00000219662
20	37630208	37630387	37630297	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210455
20	37685714	37685922	37685818	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000210455
20	37874225	37874598	37874430	24	30	3	9.091128505	3.63E-08	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38337069	38337474	38337318	17	26	5	5.278719777	8.57E-06	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38348897	38349606	38349224	16	33	3	9.970915134	4.56E-09	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38421572	38421871	38421721	13	18	5	3.714654658	0.000961539	MAFB	ENSG00000204103
20	38459772	38460140	38459939	16	21	1	12.90353723	4.95E-07	MAFB	ENSG00000204103
20	38525364	38525688	38525526	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	MAFB	ENSG00000204103
20	38735573	38735779	38735635	9	9	7	1.466311049	0.20706	MAFB	ENSG00000204103
20	38918796	38919009	38918918	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000222612
20	38922792	38922987	38922908	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222612
20	38965501	38965763	38965632	17	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000222612
20	38968260	38968528	38968401	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000222612
20	39008004	39008318	39008154	15	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000222612
20	39020668	39021076	39020901	15	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000222612
20	39025097	39025320	39025208	12	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000222612
20	39025510	39025696	39025603	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222612
20	39028296	39028476	39028386	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000222612
20	39030830	39031182	39031006	10	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000222612
20	39040881	39041238	39041059	31	37	7	5.571981987	1.11E-07		ENSG00000222612
20	39052357	39052985	39052806	39	56	9	6.686378384	1.01E-11		ENSG00000222612
20	39053789	39053982	39053885	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222612
20	39065318	39065552	39065479	8	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000222612

20	39067587	39067834	39067710	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000222612
20	39079784	39080308	39079913	11	22	13	1.927151665	0.0235996	ENSG00000222612
20	39085991	39086313	39086152	9	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000222612
20	39090413	39090713	39090547	12	16	7	2.492728784	0.0124193	TOP1 ENSG00000198900
20	39113634	39113824	39113729	8	8	2	3.519146518	0.017558	TOP1 ENSG00000198900
20	39140516	39140895	39140645	15	19	13	1.675784056	0.0660887	TOP1 ENSG00000198900
20	39148939	39149564	39149254	20	38	11	3.812408728	3.92E-06	PLCG1 ENSG00000124181
20	39196909	39197201	39197055	11	12	8	1.694403879	0.107291	PLCG1 ENSG00000124181
20	39197353	39197624	39197513	13	16	6	2.848832895	0.00632407	PLCG1 ENSG00000124181
20	39198578	39198932	39198721	9	14	5	2.932622098	0.00829617	PLCG1 ENSG00000124181
20	39200300	39200516	39200452	8	9	8	1.303387599	0.281715	PLCG1 ENSG00000124181
20	39235281	39235565	39235444	11	13	5	2.737113958	0.0137917	ENSG00000216278
20	39236112	39236342	39236227	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000216278
20	39294938	39295223	39295116	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	ZHX3 ENSG00000174306
20	39379913	39380202	39380043	12	13	12	1.263283365	0.272203	ENSG00000218353
20	39401969	39402531	39402217	17	36	15	2.712675441	0.000215253	LPIN3 ENSG00000132793
20	39402796	39403029	39402941	11	12	6	2.178519273	0.0416567	LPIN3 ENSG00000132793
20	39406637	39406884	39406722	14	15	4	3.753756286	0.0020497	LPIN3 ENSG00000132793
20	39407021	39407210	39407115	9	9	3	2.932622098	0.0242899	LPIN3 ENSG00000132793
20	39455044	39455348	39455193	10	13	3	4.105670938	0.00243034	ENSG00000219721
20	39455459	39455750	39455608	17	19	6	3.351568112	0.00134187	ENSG00000219721
20	39455814	39456364	39456172	8	21	9	2.580707446	0.00438951	ENSG00000219721
20	39461633	39461883	39461758	10	13	11	1.368556979	0.211388	ENSG00000219721
20	39538039	39538571	39538397	19	31	11	3.128130238	0.000146711	ENSG00000217365
20	39616261	39616531	39616409	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	ENSG00000196775
20	39633983	39634291	39634137	8	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000196775
20	39662868	39663089	39662978	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CHD6 ENSG00000124177
20	39680321	39680653	39680487	21	24	6	4.18946014	8.40E-05	CHD6 ENSG00000124177
20	39681540	39681756	39681685	8	8	7	1.319679944	0.283403	CHD6 ENSG00000124177
20	39705708	39706010	39705869	8	9	4	2.346097679	0.050148	CHD6 ENSG00000124177
20	39711594	39711911	39711752	10	12	7	1.906204364	0.0695918	CHD6 ENSG00000124177
20	39712263	39712506	39712393	9	10	12	0.992579787	0.511743	CHD6 ENSG00000124177
20	39712611	39712938	39712774	20	26	18	1.66696414	0.0417523	CHD6 ENSG00000124177
20	39716924	39717158	39717041	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000210486

20	39722141	39722372	39722230	9	11	5	2.346097679	0.0364013	ENSG00000210486
20	39754925	39755297	39755065	10	16	10	1.812893661	0.0578656	ENSG00000199287
20	39755386	39755863	39755565	33	46	14	3.67555303	7.62E-07	ENSG00000199287
20	39759893	39760164	39760028	9	11	5	2.346097679	0.0364013	ENSG00000199287
20	39796521	39796804	39796627	8	11	5	2.346097679	0.0364013	ENSG00000212224
20	39800577	39801063	39800891	16	26	14	2.111487911	0.00831019	ENSG00000212224
20	39884685	39884924	39884830	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ENSG00000212224
20	39927982	39928435	39928221	49	66	5	13.09904537	1.78E-17	ENSG00000220309
20	39951268	39951708	39951444	10	18	13	1.591994853	0.0905191	ENSG00000220309
20	40018450	40018662	40018560	10	10	7	1.612942154	0.147335	ENSG00000220309
20	40018925	40019184	40019095	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000220309
20	40081163	40081346	40081255	10	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000220309
20	40086665	40086874	40086769	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000220309
20	40103181	40103428	40103304	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000220309
20	40253396	40253934	40253783	12	23	31	0.879786629	0.686638	ENSG00000220309
20	40254113	40254323	40254196	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000220309
20	40266247	40266899	40266573	20	37	17	2.476436439	0.000462122	ENSG00000220309
20	40432275	40432634	40432472	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	ENSG00000217390
20	40437098	40437419	40437258	8	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000217390
20	40442107	40442388	40442247	13	15	8	2.085420159	0.0338693	ENSG00000217390
20	40442405	40442613	40442509	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000217390
20	40444709	40444959	40444834	8	8	6	1.508205651	0.203852	ENSG00000217390
20	40449165	40449415	40449290	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000217390
20	40530872	40531173	40530998	17	21	2	8.602358155	3.33E-06	ENSG00000217390
20	40531443	40531839	40531622	23	32	3	9.677652924	9.12E-09	ENSG00000217390
20	40592949	40593244	40593096	12	16	7	2.492728784	0.0124193	ENSG00000217390
20	40740868	40741204	40741036	10	15	11	1.564065119	0.11768	ENSG00000217390
20	41519899	41520114	41519974	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SFRS6 ENSG00000124193
20	41554232	41554459	41554345	15	15	1	9.384390715	3.90E-05	ENSG00000201372
20	41591563	41591874	41591736	15	18	0	22.28792795	3.94E-07	L3MBTL ENSG00000185513
20	41600232	41600448	41600357	8	8	1	5.278719777	0.00542188	L3MBTL ENSG00000185513
20	41609559	41609865	41609709	8	11	2	4.692195357	0.00272444	SGK2 ENSG00000101049
20	41652746	41652976	41652861	8	11	4	2.815317214	0.0183428	IFT52 ENSG00000101052
20	41719426	41719770	41719598	11	17	4	4.222975822	0.000640773	ENSG00000215467

20	41790058	41790344	41790179	16	20	4	4.926805125	0.00010522	GTSF1L	ENSG00000124196
20	41911913	41912287	41912086	8	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000206801
20	41973256	41973473	41973364	9	9	0	11.73048839	0.000425898	TOX2	ENSG00000124191
20	42142871	42143152	42143011	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000222893
20	42152136	42152381	42152258	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000222893
20	42152810	42153136	42152973	10	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000222893
20	42167294	42167524	42167367	9	10	5	2.150589539	0.0575848	JPH2	ENSG00000149596
20	42178768	42179017	42178876	13	16	4	3.988366054	0.00115141	JPH2	ENSG00000149596
20	42219392	42219578	42219512	8	8	0	10.55743955	0.000925496	JPH2	ENSG00000149596
20	42235281	42235467	42235441	8	8	2	3.519146518	0.017558	JPH2	ENSG00000149596
20	42252358	42252696	42252535	15	18	8	2.476436439	0.00924552	JPH2	ENSG00000149596
20	42266187	42266443	42266315	12	13	5	2.737113958	0.0137917	C20orf111	ENSG00000132823
20	42272652	42273153	42272797	14	25	13	2.178519273	0.00752428	C20orf111	ENSG00000132823
20	42279459	42279657	42279503	9	9	3	2.932622098	0.0242899	C20orf111	ENSG00000132823
20	42290561	42290858	42290706	9	11	7	1.759573259	0.102361	C20orf111	ENSG00000132823
20	42364520	42364720	42364664	9	10	1	6.451768616	0.00135978	C20orf142	ENSG00000197296
20	42373162	42373534	42373341	9	17	6	3.016411301	0.00381427	C20orf142	ENSG00000197296
20	42392923	42393155	42393019	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	R3HDML	ENSG00000101074
20	42446496	42446928	42446675	8	15	9	1.876878143	0.0544542	HNF4A	ENSG00000101076
20	42450492	42450882	42450671	11	20	7	3.079253203	0.00177418	HNF4A	ENSG00000101076
20	42634898	42635084	42635040	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PKIG	ENSG00000168734
20	42686926	42687130	42687028	9	9	0	11.73048839	0.000425898	PKIG	ENSG00000168734
20	42703375	42703765	42703643	17	25	4	6.099853964	4.56E-06	ADA	ENSG00000196839
20	42740280	42740728	42740475	64	87	3	25.80707446	4.28E-26		ENSG00000132832
20	42740826	42741167	42741000	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000132832
20	42747318	42747566	42747443	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000132832
20	42776612	42776926	42776769	8	11	3	3.519146518	0.00788869	WISP2	ENSG00000064205
20	42778959	42779176	42779088	8	9	7	1.466311049	0.20706	WISP2	ENSG00000064205
20	42790784	42791160	42790981	11	17	9	2.111487911	0.0248715	WISP2	ENSG00000064205
20	42791167	42791618	42791341	14	23	6	4.021881735	0.000148535	WISP2	ENSG00000064205
20	42986678	42986973	42986807	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PABPC1L	ENSG00000101104
20	43028350	43028551	43028455	9	9	1	5.865244197	0.00272497	STK4	ENSG00000101109
20	43028553	43028741	43028629	8	9	0	11.73048839	0.000425898	STK4	ENSG00000101109
20	43061953	43062327	43062084	18	24	0	29.32622098	3.74E-09	STK4	ENSG00000101109



20	43179758	43179937	43179847	8	8	2	3.519146518	0.017558	WFDC5	ENSG00000175121
20	43200875	43201060	43200991	8	9	4	2.346097679	0.050148	WFDC12	ENSG00000168703
20	43383921	43384251	43384086	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000210619
20	43401250	43401581	43401420	26	30	1	18.18225701	6.30E-10	SDC4	ENSG00000124145
20	43406234	43406559	43406396	11	14	3	4.398933147	0.00132748	SDC4	ENSG00000124145
20	43407593	43408055	43407882	14	23	7	3.519146518	0.000369739	SDC4	ENSG00000124145
20	43435862	43436220	43436041	12	18	0	22.28792795	3.94E-07	TP53TG5	ENSG00000124251
20	43518843	43519022	43518912	8	8	5	1.759573259	0.13508	WFDC2	ENSG00000101443
20	43841051	43841310	43841182	13	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000210634
20	43884984	43885169	43885076	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TNNC2	ENSG00000101470
20	43934831	43935068	43934949	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ZSWIM1	ENSG00000168612
20	44033904	44034491	44034398	12	25	15	1.906204364	0.0188347	ZNF335	ENSG00000198026
20	44055502	44055913	44055681	10	19	5	3.910162798	0.000546977	MMP9	ENSG00000100985
20	44057533	44057943	44057766	21	29	7	4.398933147	1.30E-05	MMP9	ENSG00000100985
20	44075898	44076226	44076049	8	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000203346
20	44150671	44150958	44150814	11	14	3	4.398933147	0.00132748	NCOA5	ENSG00000124160
20	44272850	44273029	44272861	8	8	2	3.519146518	0.017558	CDH22	ENSG00000149654
20	44317518	44317857	44317681	16	19	1	11.73048839	2.14E-06	CDH22	ENSG00000149654
20	44675777	44676076	44675925	14	16	2	6.647276756	0.000101928	SLC13A3	ENSG00000158296
20	44761877	44762082	44761979	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SLC2A10	ENSG00000197496
20	44876696	44876973	44876835	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000222874
20	45187964	45188234	45188099	15	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000215450
20	45203424	45203746	45203577	8	11	16	0.828034475	0.698553		ENSG00000215450
20	45204175	45204564	45204391	10	19	16	1.380057458	0.163303		ENSG00000215450
20	45205020	45205245	45205164	8	10	20	0.614454154	0.913752		ENSG00000215450
20	45211969	45212565	45212234	14	31	25	1.443752418	0.0809131		ENSG00000215450
20	45218771	45219100	45218935	13	16	16	1.173048839	0.322157		ENSG00000215450
20	45220595	45220908	45220751	13	17	22	0.918038222	0.611544		ENSG00000215450
20	45221055	45221326	45221197	8	11	14	0.938439071	0.570297		ENSG00000215450
20	45221389	45221683	45221517	12	16	15	1.246364392	0.263987		ENSG00000215450
20	45230529	45230988	45230707	13	23	31	0.879786629	0.686638		ENSG00000215450
20	45231076	45231379	45231227	9	13	26	0.608247546	0.94153		ENSG00000215450
20	45232681	45233427	45232907	10	31	56	0.658553734	0.973631		ENSG00000215450
20	45233551	45233763	45233657	8	10	27	0.460840615	0.98972		ENSG00000215450

20	45235071	45235365	45235226	9	13	17	0.912371319	0.606688	ENSG00000215450
20	45235676	45236235	45236022	19	34	32	1.244142708	0.184209	ENSG00000215450
20	45236281	45237071	45236693	33	69	54	1.49297125	0.012631	ENSG00000215450
20	45237531	45238079	45237930	21	32	36	1.046232749	0.427232	ENSG00000215450
20	45238567	45238861	45238710	8	11	13	1.005470434	0.498567	ENSG00000215450
20	45239606	45240082	45239903	13	22	32	0.817579494	0.775827	ENSG00000215450
20	45240324	45240619	45240471	11	14	17	0.977540699	0.52995	ENSG00000215450
20	45242653	45243804	45243486	52	120	96	1.463287727	0.00250623	ENSG00000215450
20	45245855	45246303	45246034	17	27	32	0.995314167	0.51007	ENSG00000215450
20	45248170	45248394	45248282	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000215450
20	45248631	45248890	45248780	10	13	8	1.824742639	0.0744168	ENSG00000215450
20	45249473	45249690	45249642	8	10	17	0.71686318	0.816679	ENSG00000215450
20	45249923	45250274	45250098	9	15	16	1.104045966	0.390393	ENSG00000215450
20	45250397	45250704	45250550	9	14	32	0.533204018	0.982704	ENSG00000215450
20	45251362	45251812	45251537	11	21	21	1.173048839	0.299417	ENSG00000215450
20	45252019	45252464	45252241	9	17	21	0.959767232	0.55532	ENSG00000215450
20	45252516	45253168	45252863	12	29	37	0.926091189	0.626749	ENSG00000215450
20	45253240	45253912	45253404	11	25	43	0.693165223	0.935347	ENSG00000215450
20	45255911	45256291	45256090	9	17	11	1.759573259	0.0609179	ENSG00000215450
20	45256367	45256570	45256465	9	10	10	1.173048839	0.355733	ENSG00000215450
20	45256957	45257201	45257053	11	13	25	0.631641683	0.924582	ENSG00000215450
20	45257487	45257878	45257660	13	20	30	0.794645988	0.79747	ENSG00000215450
20	45257898	45258151	45257999	9	13	18	0.864351776	0.666373	ENSG00000215450
20	45258155	45258985	45258610	105	172	71	2.818575683	3.24E-15	ENSG00000215450
20	45259174	45259374	45259274	9	11	25	0.541407157	0.967387	ENSG00000215450
20	45260321	45260938	45260759	17	35	44	0.938439071	0.614808	ENSG00000215450
20	45262656	45262965	45262794	9	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000215450
20	45263242	45263538	45263390	12	16	21	0.90644683	0.624241	ENSG00000215450
20	45263541	45263811	45263654	10	13	19	0.821134188	0.720637	ENSG00000215450
20	45264048	45264257	45264152	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000215450
20	45264511	45265019	45264792	15	27	23	1.368556979	0.128845	ENSG00000215450
20	45265679	45265953	45265816	10	15	9	1.876878143	0.0544542	ENSG00000215450
20	45266174	45267054	45266592	50	99	52	2.213299697	7.16E-07	ENSG00000215450
20	45267372	45268483	45267854	52	125	71	2.052835469	3.08E-07	ENSG00000215450

20	45268871	45269186	45269028	11	15	24	0.750751257	0.821554	ENSG00000215450
20	45270678	45271068	45270889	9	16	14	1.329455351	0.210108	ENSG00000215450
20	45272887	45273384	45273205	12	21	39	0.645176862	0.955337	ENSG00000215450
20	45273402	45273649	45273525	11	11	24	0.563063443	0.956421	ENSG00000215450
20	45273777	45274193	45273934	12	19	24	0.938439071	0.587839	ENSG00000215450
20	45274437	45274638	45274537	10	10	18	0.679133539	0.855647	ENSG00000215450
20	45274934	45275446	45275268	12	23	23	1.173048839	0.291252	ENSG00000215450
20	45275820	45276140	45275980	11	16	23	0.830909595	0.726247	ENSG00000215450
20	45276200	45276551	45276375	11	17	31	0.659839972	0.927052	ENSG00000215450
20	45277719	45277976	45277847	9	11	13	1.005470434	0.498567	ENSG00000215450
20	45279140	45279424	45279282	9	12	31	0.476551091	0.991445	ENSG00000215450
20	45279626	45279837	45279731	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000215450
20	45279890	45280099	45280014	11	13	12	1.263283365	0.272203	ENSG00000215450
20	45280117	45280557	45280419	12	22	18	1.42000649	0.127634	ENSG00000215450
20	45280700	45281006	45280832	9	13	22	0.714029728	0.84749	ENSG00000215450
20	45281515	45282599	45282420	20	65	70	1.090439766	0.307477	ENSG00000215450
20	45284658	45285071	45284771	10	17	30	0.681125133	0.908846	ENSG00000215450
20	45288251	45288927	45288632	21	46	32	1.670705923	0.0110764	ENSG00000215450
20	45289340	45289725	45289456	9	16	29	0.664727676	0.917277	ENSG00000215450
20	45289745	45289999	45289918	9	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000215450
20	45290869	45291186	45291027	16	19	19	1.173048839	0.308076	ENSG00000215450
20	45291490	45292367	45291788	14	38	39	1.143722618	0.276418	ENSG00000215450
20	45292829	45293414	45293083	16	35	29	1.407658607	0.0823813	ENSG00000215450
20	45293437	45293650	45293543	9	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000215450
20	45294495	45294843	45294669	9	14	19	0.879786629	0.651591	ENSG00000215450
20	45295596	45295817	45295720	10	10	15	0.806471077	0.716145	ENSG00000215450
20	45296036	45296219	45296159	8	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000215450
20	45296659	45297088	45296909	8	17	20	1.005470434	0.496566	ENSG00000215450
20	45297935	45298800	45298443	12	38	36	1.236456885	0.177787	ENSG00000215450
20	45298942	45300472	45299427	48	150	60	2.903776635	5.08E-14	ENSG00000215450
20	45300789	45301159	45300933	12	18	18	1.173048839	0.312613	ENSG00000215450
20	45303485	45303804	45303644	17	21	36	0.697488499	0.915016	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45304366	45304976	45304818	23	46	36	1.490089066	0.0338948	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45305052	45305945	45305319	18	46	44	1.225184343	0.165397	ZMYND8 ENSG00000101040

20	45306017	45306568	45306133	8	18	25	0.857227998	0.700223	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45306578	45306944	45306765	12	18	14	1.485861863	0.123674	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45307893	45308382	45308030	10	21	26	0.955817573	0.566095	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45308471	45308735	45308616	8	11	20	0.670313622	0.874201	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45308989	45309622	45309302	17	33	27	1.424416448	0.0817823	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45310215	45310972	45310695	10	29	38	0.902345261	0.667504	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45311243	45311628	45311449	16	23	23	1.173048839	0.291252	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45312044	45312407	45312223	12	19	10	2.132816071	0.01835	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45312723	45313097	45312902	11	17	23	0.879786629	0.664328	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45313223	45313513	45313368	12	16	9	1.994183027	0.0370915	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45314396	45314808	45314557	16	23	22	1.224050963	0.244738	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45315902	45316272	45316142	9	15	30	0.605444562	0.95448	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45316276	45316895	45316455	18	35	38	1.082814313	0.36701	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45318155	45318406	45318272	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45318776	45319382	45319083	19	36	41	1.033400168	0.444158	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45320386	45320569	45320477	8	8	10	0.959767232	0.541959	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45320712	45321374	45321091	10	23	38	0.721876209	0.900668	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45321476	45321703	45321568	8	9	16	0.690028729	0.833766	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45321745	45322481	45321910	10	28	35	0.944956009	0.592981	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45322648	45323042	45322863	17	26	19	1.583615933	0.0575614	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45324209	45324549	45324379	10	16	26	0.738586306	0.842793	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45324770	45325177	45324956	12	21	22	1.122046716	0.351409	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45325295	45325554	45325426	8	12	14	1.016642327	0.486402	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45325664	45326070	45325843	9	17	23	0.879786629	0.664328	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45327996	45328189	45328091	8	8	15	0.659839972	0.851443	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45328576	45328794	45328670	10	12	12	1.173048839	0.343543	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45329125	45329334	45329206	8	10	18	0.679133539	0.855647	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45329776	45330474	45330103	11	30	18	1.91392179	0.0113254	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45331268	45331633	45331454	8	15	13	1.340627245	0.210788	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45331793	45332148	45331963	10	15	27	0.670313622	0.906047	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45332559	45332764	45332709	8	10	7	1.612942154	0.147335	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45333329	45333545	45333410	9	10	18	0.679133539	0.855647	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45334634	45335574	45335146	56	110	75	1.7132687	0.000126004	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45335778	45336333	45335982	12	24	20	1.396486713	0.128495	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45336494	45337013	45336763	16	30	42	0.845686373	0.765623	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45337068	45337248	45337158	8	8	22	0.459019111	0.982776	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45337969	45338247	45338108	12	14	16	1.035043094	0.464533	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45338631	45339211	45339032	11	24	28	1.011248999	0.486424	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45339268	45339811	45339447	12	28	34	0.971954753	0.548057	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45340154	45340680	45340274	10	22	31	0.843128853	0.73853	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45340711	45341398	45341251	19	43	34	1.474689969	0.0422167	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45341516	45341947	45341768	11	18	21	1.013087634	0.486601	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45342179	45342788	45342554	14	33	27	1.424416448	0.0817823	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45342855	45343337	45343181	12	22	22	1.173048839	0.295277	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45343605	45344140	45343967	13	28	39	0.850460409	0.75086	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45344188	45344582	45344403	9	18	28	0.76854924	0.819816	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45345228	45345709	45345532	8	17	41	0.502735217	0.99478	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45346807	45347075	45346924	8	9	27	0.418946014	0.994443	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45347303	45347631	45347467	12	16	26	0.738586306	0.842793	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45349039	45349888	45349532	11	34	60	0.673060809	0.971878	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45351262	45352009	45351795	13	34	27	1.466311049	0.0643683	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45352351	45352623	45352516	9	12	20	0.726173091	0.825666	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45353265	45354134	45353980	14	38	57	0.78877422	0.877776	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45354235	45354612	45354414	11	17	19	1.055743955	0.436418	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45355468	45355783	45355625	9	13	20	0.78203256	0.76897	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45357466	45357746	45357580	9	12	8	1.694403879	0.107291	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45357801	45358138	45357969	10	16	21	0.90644683	0.624241	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45358187	45359703	45359285	32	93	69	1.575237013	0.00185806	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45359923	45360129	45360026	9	10	12	0.992579787	0.511743	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45360432	45360815	45360664	8	17	31	0.659839972	0.927052	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45360838	45361750	45361247	8	33	35	1.107879459	0.335679	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45362115	45362505	45362243	12	19	22	1.020042469	0.477122	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45363215	45363434	45363324	10	10	4	2.580707446	0.0306059	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45363681	45363938	45363798	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45364740	45364997	45364830	8	13	33	0.48302011	0.992226	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45365006	45365511	45365254	11	20	46	0.524128205	0.994905	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45365695	45366906	45366543	20	76	73	1.220604873	0.110587	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45367006	45367285	45367126	10	14	20	0.837892028	0.705607	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45367953	45368422	45368158	11	23	13	2.010940867	0.0163115	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45368466	45368647	45368514	8	9	9	1.173048839	0.362316	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45368861	45369358	45369040	9	20	28	0.84944916	0.720413	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45370994	45371346	45371170	12	18	29	0.742930932	0.850763	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45371678	45372490	45372024	12	39	31	1.466311049	0.0522376	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45373043	45373322	45373182	8	13	17	0.912371319	0.606688	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45374047	45374561	45374382	15	30	37	0.956960895	0.575127	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45376108	45376322	45376215	8	10	17	0.71686318	0.816679	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45376619	45378124	45377062	26	105	103	1.195607471	0.0980363	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45378467	45378737	45378636	9	13	5	2.737113958	0.0137917	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45378984	45382547	45382123	110	370	251	1.726988569	6.35E-12	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45382738	45384058	45383771	32	99	76	1.523440051	0.00259979	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45384137	45384998	45384561	9	31	25	1.443752418	0.0809131	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45385240	45385475	45385357	10	13	15	1.026417734	0.475096	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45385545	45386050	45385910	16	30	30	1.173048839	0.265818	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45386666	45387110	45386931	15	22	27	0.963575832	0.555868	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45387391	45387859	45387570	13	23	38	0.721876209	0.900668	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45388551	45389516	45389107	28	65	43	1.759573259	0.00161092	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45389631	45390128	45389758	12	23	18	1.481745902	0.0984143	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45390175	45390649	45390432	21	34	35	1.140464149	0.29107	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45390840	45391545	45391367	17	44	43	1.19970904	0.19575	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45391854	45392329	45392088	18	31	27	1.340627245	0.128083	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45392525	45392718	45392601	11	12	6	2.178519273	0.0416567	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45392830	45393395	45393235	17	31	36	1.014528726	0.478595	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45393508	45393804	45393656	12	16	16	1.173048839	0.322157	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45395153	45395338	45395245	9	9	23	0.48877035	0.978114	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45396246	45396514	45396386	8	12	19	0.762481746	0.784291	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45396518	45396733	45396625	8	10	14	0.860235815	0.65444	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45397534	45397891	45397676	12	17	12	1.62422147	0.088135	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45397932	45399113	45398688	13	58	45	1.504562642	0.0182927	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45399693	45400126	45399964	10	17	18	1.111309427	0.376188	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45400233	45400415	45400282	8	10	13	0.921681231	0.585856	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45400431	45400940	45400730	14	27	27	1.173048839	0.276183	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45401079	45401261	45401135	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45402913	45403510	45403196	11	25	34	0.871407709	0.706709	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45405377	45405676	45405526	10	13	12	1.263283365	0.272203	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45406940	45407684	45407527	11	31	25	1.443752418	0.0809131	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45408193	45408573	45408408	10	17	20	1.005470434	0.496566	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45409311	45409830	45409534	17	31	32	1.137501905	0.303042	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45409912	45410382	45410090	20	31	39	0.938439071	0.608748	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45410390	45410590	45410490	9	9	16	0.690028729	0.833766	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45410699	45411391	45411152	10	28	37	0.895221483	0.676978	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45411481	45412519	45411773	10	39	59	0.78203256	0.88942	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45412876	45413135	45413005	9	10	24	0.516141489	0.97297	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45413216	45413672	45413395	9	16	40	0.486386104	0.995735	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45413722	45414429	45414250	18	42	58	0.8549339	0.78612	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45414451	45416870	45415048	19	148	131	1.324123311	0.00933821	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45417092	45417440	45417270	19	24	28	1.011248999	0.486424	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45417499	45418003	45417826	13	27	40	0.801106524	0.821751	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45418029	45418352	45418190	16	17	26	0.78203256	0.796561	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45418524	45420310	45419837	76	243	154	1.846605915	6.51E-10	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45420414	45424051	45422974	87	533	237	2.631966724	6.95E-39	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45424589	45425061	45424890	18	33	29	1.329455351	0.127332	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45427485	45427673	45427570	8	10	11	1.075294769	0.434143	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45429051	45429350	45429200	19	22	20	1.284767776	0.203104	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45431327	45431665	45431496	17	23	30	0.908166843	0.642402	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45432988	45433578	45433167	14	28	31	1.063075511	0.407785	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45434791	45435912	45435371	40	104	67	1.811325414	5.31E-05	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45437246	45437680	45437501	8	16	16	1.173048839	0.322157	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45438630	45440539	45439471	1028	1483	58	29.50516064	0	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45440759	45441406	45441082	12	32	33	1.138547403	0.298948	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45442098	45442410	45442239	11	15	23	0.78203256	0.783431	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45442822	45443032	45442927	9	9	15	0.733155525	0.788527	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45444497	45445502	45444814	15	46	47	1.148610322	0.25071	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45445659	45446036	45445838	9	16	18	1.049570014	0.445264	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45446044	45446754	45446375	103	164	75	2.54675077	9.79E-13	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45446786	45447426	45447318	12	27	33	0.966040221	0.556918	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45450195	45450754	45450374	13	25	29	1.016642327	0.478103	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45451847	45452608	45452417	72	121	38	3.669537395	6.23E-15	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45453002	45453308	45453155	11	12	8	1.694403879	0.107291	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45453449	45453758	45453599	8	12	11	1.270802909	0.274822	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45453963	45455367	45454460	22	86	75	1.342832224	0.0299893	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45455566	45456212	45455888	13	28	12	2.616801257	0.00120123	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45458434	45458798	45458603	10	14	22	0.765031852	0.797133	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45459227	45459613	45459390	15	19	19	1.173048839	0.308076	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45459732	45460027	45459879	8	11	12	1.082814313	0.424156	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45460076	45460460	45460255	12	20	27	0.879786629	0.67594	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45461078	45461539	45461208	8	16	22	0.867036099	0.677498	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45461757	45462198	45462020	22	31	10	3.412505714	6.73E-05	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45462944	45463230	45463087	17	21	26	0.955817573	0.566095	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45465992	45466256	45466082	11	13	18	0.864351776	0.666373	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45466468	45466844	45466647	10	18	8	2.476436439	0.00924552	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45468258	45468590	45468424	10	16	15	1.246364392	0.263987	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45469330	45469790	45469652	11	18	26	0.825478813	0.744556	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45470151	45470369	45470260	9	12	11	1.270802909	0.274822	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45470758	45471105	45470931	10	12	13	1.089259637	0.414883	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45472632	45472825	45472684	10	10	20	0.614454154	0.913752	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45473250	45473777	45473540	14	31	25	1.443752418	0.0809131	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45474962	45475898	45475152	24	55	42	1.527691512	0.0176394	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45477437	45477892	45477661	11	22	32	0.817579494	0.775827	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45478389	45478572	45478480	8	9	7	1.466311049	0.20706	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45478772	45479156	45478951	18	27	26	1.216495093	0.234297	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45479977	45480364	45480204	13	19	29	0.78203256	0.808559	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45480467	45480717	45480592	9	10	19	0.645176862	0.887754	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45481850	45482623	45482288	14	40	20	2.29023821	0.000682165	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45483069	45483392	45483230	11	15	14	1.251252095	0.26676	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45483403	45483732	45483579	9	13	10	1.49297125	0.157311	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45484793	45485468	45484960	13	28	57	0.58652442	0.992281	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45488418	45488682	45488564	11	12	9	1.524963491	0.154777	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45489126	45489582	45489403	13	24	22	1.275053086	0.200162	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45489877	45490130	45490003	13	16	19	0.997091513	0.507069	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45490246	45490851	45490570	11	27	26	1.216495093	0.234297	RPL35AP	ENSG00000217854



20	45492919	45493556	45493396	8	22	19	1.349006165	0.163006	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45494614	45494910	45494762	10	12	19	0.762481746	0.784291	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45495117	45495526	45495348	9	16	15	1.246364392	0.263987	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45495638	45495888	45495730	11	14	14	1.173048839	0.332418	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45496028	45496652	45496458	22	42	47	1.050856252	0.408415	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45496786	45497147	45496930	9	14	17	0.977540699	0.52995	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45497615	45498362	45497784	13	28	31	1.063075511	0.407785	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45500143	45500435	45500289	10	11	11	1.173048839	0.349489	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45500754	45501745	45500987	18	61	70	1.024352508	0.446623	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45502411	45502591	45502501	8	8	10	0.959767232	0.541959	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45503301	45503522	45503404	9	11	14	0.938439071	0.570297	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45504564	45504866	45504743	15	19	13	1.675784056	0.0660887	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45505181	45505379	45505280	10	10	7	1.612942154	0.147335	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45510595	45510820	45510707	9	10	20	0.614454154	0.913752	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45511655	45512018	45511814	12	19	6	3.351568112	0.00134187	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45513191	45513626	45513370	8	16	19	0.997091513	0.507069	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45513671	45513879	45513837	8	10	15	0.806471077	0.716145	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45513883	45514077	45513964	8	9	11	0.977540699	0.526123	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45514810	45515114	45514989	14	19	15	1.466311049	0.125014	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45515156	45515835	45515335	14	33	38	1.022657962	0.464235	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45516847	45518068	45517463	67	149	69	2.513676084	1.59E-11	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45518114	45518904	45518725	16	41	39	1.231701281	0.173058	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45519191	45519685	45519362	9	19	33	0.690028729	0.911874	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45519695	45519973	45519849	10	13	19	0.821134188	0.720637	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45520400	45520590	45520520	9	10	10	1.173048839	0.355733	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45521440	45522101	45521852	18	45	42	1.254889456	0.142316	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45522956	45523239	45523117	11	15	13	1.340627245	0.210788	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45523320	45523723	45523555	13	21	25	0.992579787	0.513422	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45524457	45524644	45524564	8	8	9	1.055743955	0.456865	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45524879	45525179	45525049	11	14	12	1.353517892	0.211235	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45525721	45526019	45525870	10	14	16	1.035043094	0.464533	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45526072	45527252	45526787	184	353	125	3.295708644	2.51E-35	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45527609	45527821	45527680	9	11	13	1.005470434	0.498567	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45527869	45528462	45528172	11	28	30	1.097368269	0.361281	RPL35AP	ENSG00000217854

20	45528472	45529089	45528780	12	27	30	1.059527984	0.414378	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45529568	45529771	45529666	8	8	7	1.319679944	0.283403	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45530182	45531421	45530804	72	190	46	4.767070815	7.38E-28	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45531869	45532293	45532012	12	19	26	0.868925066	0.687875	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45533040	45533399	45533180	8	12	15	0.953102182	0.555895	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45533665	45534222	45533936	10	22	30	0.870326558	0.697587	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45536764	45536951	45536857	8	8	6	1.508205651	0.203852	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45537759	45538012	45537885	11	14	9	1.759573259	0.0786014	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45538503	45539244	45538994	9	27	34	0.938439071	0.602291	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45540362	45540808	45540629	13	21	13	1.843362462	0.0337179	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45541256	45541668	45541489	9	18	21	1.013087634	0.486601	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45541737	45542198	45541916	15	26	33	0.931538784	0.611874	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45542308	45542614	45542444	10	12	7	1.906204364	0.0695918	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45543681	45544551	45544144	65	119	40	3.433313676	8.31E-14		ENSG00000202186
20	45545056	45545649	45545481	12	27	22	1.428059457	0.101472		ENSG00000202186
20	45546480	45547101	45546735	20	39	35	1.303387599	0.124126		ENSG00000202186
20	45547256	45547494	45547375	8	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000202186
20	45549136	45550178	45549852	29	69	62	1.303387599	0.063349		ENSG00000202186
20	45553007	45553292	45553143	8	12	16	0.897037348	0.621544		ENSG00000201742
20	45554370	45554736	45554596	8	14	23	0.733155525	0.834412		ENSG00000201742
20	45554993	45556439	45556191	83	283	109	3.028598822	4.83E-26		ENSG00000201742
20	45556737	45557072	45556944	8	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000201742
20	45557432	45557917	45557611	11	19	24	0.938439071	0.587839		ENSG00000201742
20	45558247	45558574	45558395	10	13	19	0.821134188	0.720637		ENSG00000201742
20	45559087	45559440	45559263	11	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000201742
20	45559581	45560014	45559930	8	15	18	0.987830602	0.518173	NCOA3	ENSG00000124151
20	45561371	45561626	45561487	9	13	12	1.263283365	0.272203	NCOA3	ENSG00000124151
20	45562455	45565638	45564069	92	413	241	2.006786031	7.28E-19	NCOA3	ENSG00000124151
20	45565651	45566222	45565830	9	21	46	0.549086691	0.992086	NCOA3	ENSG00000124151
20	45566408	45566735	45566558	10	12	17	0.84720194	0.681997	NCOA3	ENSG00000124151
20	45567461	45567771	45567616	12	15	23	0.78203256	0.783431	NCOA3	ENSG00000124151
20	45568137	45569211	45568752	105	165	108	1.786478049	9.05E-07	NCOA3	ENSG00000124151
20	45569440	45569828	45569581	12	17	24	0.844595164	0.713005	NCOA3	ENSG00000124151
20	45570415	45570696	45570564	8	11	16	0.828034475	0.698553	NCOA3	ENSG00000124151

20	45572601	45573535	45573157	11	41	43	1.119728438	0.301304	NCOA3	ENSG00000124151
20	45575790	45576036	45575926	9	11	13	1.005470434	0.498567	NCOA3	ENSG00000124151
20	45577926	45578200	45578070	8	10	9	1.290353723	0.279648	NCOA3	ENSG00000124151
20	45578317	45578507	45578438	8	9	14	0.78203256	0.734892	NCOA3	ENSG00000124151
20	45579920	45580148	45580060	8	12	14	1.016642327	0.486402	NCOA3	ENSG00000124151
20	45581465	45581874	45581644	8	14	14	1.173048839	0.332418	NCOA3	ENSG00000124151
20	45584875	45585070	45584949	8	8	8	1.173048839	0.36929	NCOA3	ENSG00000124151
20	45585455	45585752	45585620	11	15	7	2.346097679	0.0195693	NCOA3	ENSG00000124151
20	45586442	45586869	45586649	9	17	14	1.407658607	0.162567	NCOA3	ENSG00000124151
20	45592019	45592271	45592145	11	13	12	1.263283365	0.272203	NCOA3	ENSG00000124151
20	45593606	45593896	45593721	10	12	23	0.635401455	0.914098	NCOA3	ENSG00000124151
20	45593978	45594231	45594118	8	10	13	0.921681231	0.585856	NCOA3	ENSG00000124151
20	45594259	45594889	45594437	14	30	25	1.398635155	0.102563	NCOA3	ENSG00000124151
20	45595531	45595836	45595657	10	15	16	1.104045966	0.390393	NCOA3	ENSG00000124151
20	45596132	45596715	45596493	10	24	21	1.333010045	0.162162	NCOA3	ENSG00000124151
20	45597187	45597582	45597403	14	24	19	1.466311049	0.0993901	NCOA3	ENSG00000124151
20	45601454	45602455	45601942	14	52	48	1.268807928	0.114795		ENSG00000221294
20	45602586	45602821	45602688	8	11	13	1.005470434	0.498567		ENSG00000221294
20	45603109	45603491	45603341	20	25	18	1.605224727	0.0562573		ENSG00000221294
20	45604336	45604689	45604512	10	15	14	1.251252095	0.26676		ENSG00000221294
20	45604895	45605512	45605192	17	30	27	1.298732644	0.157794		ENSG00000221294
20	45606373	45606854	45606599	21	35	19	2.111487911	0.00288271		ENSG00000221294
20	45606944	45607370	45607251	12	19	17	1.303387599	0.207073		ENSG00000221294
20	45607627	45607878	45607753	8	10	16	0.759031602	0.770272		ENSG00000221294
20	45608152	45608785	45608556	28	47	21	2.559379286	6.58E-05		ENSG00000221294
20	45608898	45609193	45609065	13	16	17	1.107879459	0.383112		ENSG00000221294
20	45609269	45609487	45609411	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000221294
20	45610114	45610481	45610238	11	16	13	1.424416448	0.161813		ENSG00000221294
20	45611603	45611835	45611768	8	10	17	0.71686318	0.816679		ENSG00000221294
20	45613420	45613679	45613549	8	10	24	0.516141489	0.97297		ENSG00000221294
20	45614035	45614323	45614183	12	15	14	1.251252095	0.26676		ENSG00000221294
20	45614752	45615087	45614914	8	12	17	0.84720194	0.681997		ENSG00000221294
20	45615256	45615483	45615339	8	10	11	1.075294769	0.434143		ENSG00000221294
20	45617578	45617824	45617704	9	13	16	0.966040221	0.542489		ENSG00000221294

20	45619902	45620103	45619996	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000221294
20	45620801	45621343	45620966	11	25	39	0.762481746	0.864096	ENSG00000221294
20	45622475	45622725	45622600	9	9	9	1.173048839	0.362316	ENSG00000221294
20	45623612	45624088	45623982	8	16	16	1.173048839	0.322157	ENSG00000221294
20	45625068	45625375	45625205	10	13	17	0.912371319	0.606688	ENSG00000221294
20	45627733	45627942	45627823	9	9	17	0.6516938	0.871116	ENSG00000221294
20	45628386	45628642	45628554	8	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000221294
20	45630030	45630511	45630275	39	51	30	1.967694827	0.00113922	ENSG00000221294
20	45635670	45636459	45635950	20	48	53	1.064433206	0.377392	ENSG00000221294
20	45636788	45637465	45637296	20	37	22	1.938080691	0.00520068	ENSG00000221294
20	45638580	45639790	45638923	66	166	75	2.577620476	4.33E-13	ENSG00000221294
20	45640661	45641078	45640818	12	20	20	1.173048839	0.303681	ENSG00000221294
20	45641258	45641438	45641348	8	9	15	0.733155525	0.788527	ENSG00000221294
20	45641482	45641706	45641621	8	10	20	0.614454154	0.913752	ENSG00000221294
20	45641865	45642076	45642026	9	10	21	0.58652442	0.934469	ENSG00000221294
20	45642087	45642463	45642266	15	22	26	0.999263826	0.504058	ENSG00000221294
20	45642715	45643178	45642923	8	17	8	2.346097679	0.0144542	ENSG00000221294
20	45643451	45643771	45643622	10	14	16	1.035043094	0.464533	ENSG00000221294
20	45645298	45645727	45645567	10	19	24	0.938439071	0.587839	ENSG00000221294
20	45645825	45646073	45645949	8	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000221294
20	45647528	45647912	45647722	10	18	28	0.76854924	0.819816	ENSG00000221294
20	45648812	45649307	45648991	14	24	18	1.543485315	0.0748829	ENSG00000221294
20	45651177	45651422	45651329	8	10	11	1.075294769	0.434143	ENSG00000221294
20	45651442	45651662	45651508	8	9	9	1.173048839	0.362316	ENSG00000221294
20	45651956	45652222	45652107	9	11	14	0.938439071	0.570297	ENSG00000221294
20	45654990	45655191	45655082	8	8	6	1.508205651	0.203852	ENSG00000221294
20	45657509	45657781	45657645	16	17	9	2.111487911	0.0248715	ENSG00000221294
20	45658153	45658663	45658494	8	17	11	1.759573259	0.0609179	ENSG00000221294
20	45661860	45662134	45661960	8	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000221294
20	45664720	45664954	45664844	10	11	22	0.612025481	0.924393	ENSG00000218714
20	45666685	45666976	45666830	10	14	12	1.353517892	0.211235	ENSG00000218714
20	45667675	45668330	45668160	11	25	30	0.983847414	0.527416	ENSG00000218714
20	45668394	45668757	45668497	9	15	22	0.816033975	0.739972	ENSG00000218714
20	45670465	45670662	45670521	8	8	9	1.055743955	0.456865	ENSG00000218714

20	45670905	45671190	45671081	9	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000218714
20	45671935	45672219	45672077	11	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000218714
20	45672645	45673639	45672815	13	43	37	1.358267077	0.0828177	ENSG00000218714
20	45674746	45675212	45675033	13	24	14	1.955081399	0.0175993	ENSG00000218714
20	45676126	45676395	45676234	10	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000218714
20	45676423	45676802	45676602	8	15	20	0.893751497	0.63757	ENSG00000218714
20	45676818	45677189	45677010	14	21	23	1.075294769	0.4051	ENSG00000218714
20	45680713	45680934	45680829	12	13	6	2.346097679	0.0266147	ENSG00000218714
20	45682953	45683679	45683509	20	44	38	1.353517892	0.0827086	ENSG00000218714
20	45684344	45684555	45684442	8	9	13	0.837892028	0.672794	ENSG00000218714
20	45688602	45688959	45688780	10	15	23	0.78203256	0.783431	ENSG00000218714
20	45689661	45690046	45689973	9	16	26	0.738586306	0.842793	ENSG00000218714
20	45692051	45692383	45692213	16	20	23	1.026417734	0.468083	ENSG00000218714
20	45694226	45694413	45694319	10	10	18	0.679133539	0.855647	ENSG00000218714
20	45695319	45695507	45695413	8	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000218714
20	45695806	45695991	45695939	8	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000218714
20	45696034	45696443	45696342	9	17	18	1.111309427	0.376188	ENSG00000218714
20	45698133	45698895	45698660	11	31	40	0.915550314	0.649172	ENSG00000218714
20	45702240	45702572	45702406	9	15	18	0.987830602	0.518173	ENSG00000218714
20	45704039	45704266	45704142	10	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000218714
20	45704341	45704717	45704497	12	18	19	1.114396397	0.369586	ENSG00000218714
20	45704727	45705079	45704903	17	23	24	1.126126886	0.340424	ENSG00000218714
20	45706094	45706407	45706250	8	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000218714
20	45706616	45706935	45706766	9	12	12	1.173048839	0.343543	ENSG00000218714
20	45707141	45707538	45707339	10	20	19	1.231701281	0.25288	ENSG00000218714
20	45708391	45709124	45708855	16	36	34	1.240080202	0.180985	ENSG00000218714
20	45709311	45709701	45709490	13	20	19	1.231701281	0.25288	ENSG00000218714
20	45711349	45711605	45711444	11	12	10	1.386330446	0.21117	SULF2 ENSG00000196562
20	45711961	45712193	45712077	9	12	16	0.897037348	0.621544	SULF2 ENSG00000196562
20	45712271	45712501	45712386	8	10	9	1.290353723	0.279648	SULF2 ENSG00000196562
20	45713624	45713909	45713765	12	15	13	1.340627245	0.210788	SULF2 ENSG00000196562
20	45714239	45714740	45714457	13	24	26	1.086156333	0.384927	SULF2 ENSG00000196562
20	45715393	45716134	45715815	10	30	32	1.10195497	0.350579	SULF2 ENSG00000196562
20	45716378	45716836	45716708	12	23	23	1.173048839	0.291252	SULF2 ENSG00000196562

20	45717208	45717642	45717331	11	20	22	1.071044592	0.412397	SULF2	ENSG00000196562
20	45718489	45718712	45718596	10	10	13	0.921681231	0.585856	SULF2	ENSG00000196562
20	45719186	45719416	45719325	9	12	11	1.270802909	0.274822	SULF2	ENSG00000196562
20	45720012	45720693	45720328	12	32	34	1.106017477	0.340504	SULF2	ENSG00000196562
20	45720818	45721074	45720934	9	11	19	0.703829304	0.840485	SULF2	ENSG00000196562
20	45721110	45721309	45721209	8	9	10	1.066408036	0.444985	SULF2	ENSG00000196562
20	45721318	45721644	45721481	8	12	14	1.016642327	0.486402	SULF2	ENSG00000196562
20	45721957	45722384	45722136	11	20	26	0.912371319	0.627883	SULF2	ENSG00000196562
20	45722399	45722735	45722568	9	14	25	0.676758946	0.893106	SULF2	ENSG00000196562
20	45723398	45724649	45723818	19	78	49	1.853417166	0.000256056	SULF2	ENSG00000196562
20	45724767	45725257	45724945	15	26	22	1.377057333	0.128834	SULF2	ENSG00000196562
20	45725262	45725688	45725501	15	27	10	2.9859425	0.000503424	SULF2	ENSG00000196562
20	45725690	45728470	45727574	498	829	141	6.856553075	6.64E-145	SULF2	ENSG00000196562
20	45728664	45729839	45729192	12	54	74	0.860235815	0.804662	SULF2	ENSG00000196562
20	45729877	45730143	45730015	10	14	22	0.765031852	0.797133	SULF2	ENSG00000196562
20	45730378	45730583	45730511	8	11	13	1.005470434	0.498567	SULF2	ENSG00000196562
20	45730862	45731081	45730971	8	10	13	0.921681231	0.585856	SULF2	ENSG00000196562
20	45732175	45732374	45732277	9	10	16	0.759031602	0.770272	SULF2	ENSG00000196562
20	45733192	45733601	45733369	9	17	21	0.959767232	0.55532	SULF2	ENSG00000196562
20	45734330	45734576	45734467	9	11	15	0.879786629	0.637414	SULF2	ENSG00000196562
20	45735181	45735541	45735321	16	21	18	1.358267077	0.163254	SULF2	ENSG00000196562
20	45735592	45735829	45735692	10	12	9	1.524963491	0.154777	SULF2	ENSG00000196562
20	45735889	45736452	45736179	13	29	23	1.466311049	0.0797221	SULF2	ENSG00000196562
20	45736523	45736824	45736654	12	15	16	1.104045966	0.390393	SULF2	ENSG00000196562
20	45737078	45737366	45737175	8	12	19	0.762481746	0.784291	SULF2	ENSG00000196562
20	45738335	45739602	45738715	14	60	58	1.212813207	0.145665	SULF2	ENSG00000196562
20	45739756	45740764	45740189	48	110	87	1.47964115	0.00289853	SULF2	ENSG00000196562
20	45740790	45741094	45740944	13	15	12	1.443752418	0.160732	SULF2	ENSG00000196562
20	45741167	45741994	45741517	16	44	31	1.64959993	0.0142651	SULF2	ENSG00000196562
20	45742019	45742384	45742205	8	14	18	0.926091189	0.59273	SULF2	ENSG00000196562
20	45742724	45743460	45743097	15	37	22	1.938080691	0.00520068	SULF2	ENSG00000196562
20	45743567	45743933	45743649	11	17	7	2.639359888	0.00777415	SULF2	ENSG00000196562
20	45744093	45744640	45744272	13	26	26	1.173048839	0.279807	SULF2	ENSG00000196562
20	45744665	45745072	45744972	8	16	20	0.949610965	0.567123	SULF2	ENSG00000196562

20	45745203	45745434	45745316	11	11	14	0.938439071	0.570297	SULF2	ENSG00000196562
20	45745545	45745817	45745687	14	17	12	1.62422147	0.088135	SULF2	ENSG00000196562
20	45745823	45746182	45746002	10	17	20	1.005470434	0.496566	SULF2	ENSG00000196562
20	45746275	45746473	45746321	8	9	11	0.977540699	0.526123	SULF2	ENSG00000196562
20	45746486	45746707	45746616	8	10	17	0.71686318	0.816679	SULF2	ENSG00000196562
20	45747114	45747393	45747220	9	12	7	1.906204364	0.0695918	SULF2	ENSG00000196562
20	45747869	45748432	45748235	12	27	23	1.368556979	0.128845	SULF2	ENSG00000196562
20	45750218	45750621	45750397	10	18	19	1.114396397	0.369586	SULF2	ENSG00000196562
20	45750648	45750890	45750731	9	11	13	1.005470434	0.498567	SULF2	ENSG00000196562
20	45751069	45751412	45751240	9	15	21	0.853126429	0.691243	SULF2	ENSG00000196562
20	45751955	45752376	45752106	10	20	16	1.449060331	0.126098	SULF2	ENSG00000196562
20	45753401	45753933	45753754	14	24	34	0.837892028	0.754916	SULF2	ENSG00000196562
20	45754746	45755177	45754921	9	17	17	1.173048839	0.317303	SULF2	ENSG00000196562
20	45756349	45756703	45756600	8	13	16	0.966040221	0.542489	SULF2	ENSG00000196562
20	45756841	45757568	45757189	16	37	41	1.061329902	0.396992	SULF2	ENSG00000196562
20	45758103	45758439	45758300	12	17	22	0.918038222	0.611544	SULF2	ENSG00000196562
20	45760090	45760471	45760218	9	16	16	1.173048839	0.322157	SULF2	ENSG00000196562
20	45760641	45760872	45760756	8	11	11	1.173048839	0.349489	SULF2	ENSG00000196562
20	45761106	45761495	45761316	9	16	22	0.867036099	0.677498	SULF2	ENSG00000196562
20	45762099	45762746	45762277	12	28	38	0.872267086	0.715311	SULF2	ENSG00000196562
20	45763226	45763814	45763635	13	29	31	1.099733287	0.355847	SULF2	ENSG00000196562
20	45763835	45764152	45763947	9	14	21	0.799806027	0.754204	SULF2	ENSG00000196562
20	45765366	45765580	45765512	10	12	16	0.897037348	0.621544	SULF2	ENSG00000196562
20	45765616	45765821	45765757	8	10	13	0.921681231	0.585856	SULF2	ENSG00000196562
20	45765870	45766416	45766057	8	21	22	1.122046716	0.351409	SULF2	ENSG00000196562
20	45766693	45767722	45767557	14	49	31	1.832888811	0.00322084	SULF2	ENSG00000196562
20	45767736	45768079	45767907	8	12	5	2.541605819	0.0225912	SULF2	ENSG00000196562
20	45768271	45768623	45768447	8	14	12	1.353517892	0.211235	SULF2	ENSG00000196562
20	45768828	45769183	45769005	12	18	16	1.311054585	0.208218	SULF2	ENSG00000196562
20	45769829	45770239	45770004	8	15	15	1.173048839	0.32719	SULF2	ENSG00000196562
20	45770584	45771194	45771098	8	21	37	0.679133539	0.930927	SULF2	ENSG00000196562
20	45771302	45771527	45771462	12	14	10	1.599612054	0.114822	SULF2	ENSG00000196562
20	45772494	45772949	45772673	10	20	24	0.985361025	0.523192	SULF2	ENSG00000196562
20	45773795	45774129	45773962	14	19	14	1.564065119	0.0925887	SULF2	ENSG00000196562

20	45774242	45775037	45774749	29	62	45	1.606566889	0.00679509	SULF2	ENSG00000196562
20	45775214	45775643	45775393	10	17	18	1.111309427	0.376188	SULF2	ENSG00000196562
20	45775872	45776374	45776217	8	18	19	1.114396397	0.369586	SULF2	ENSG00000196562
20	45777301	45777625	45777463	9	12	12	1.173048839	0.343543	SULF2	ENSG00000196562
20	45779584	45779939	45779761	12	16	27	0.712208224	0.871901	SULF2	ENSG00000196562
20	45780425	45781050	45780749	17	34	31	1.283022168	0.15401	SULF2	ENSG00000196562
20	45781465	45781699	45781565	8	11	19	0.703829304	0.840485	SULF2	ENSG00000196562
20	45781707	45782104	45781940	12	18	17	1.238218219	0.258417	SULF2	ENSG00000196562
20	45782755	45783134	45782934	9	18	17	1.238218219	0.258417	SULF2	ENSG00000196562
20	45783497	45783717	45783607	8	10	12	0.992579787	0.511743	SULF2	ENSG00000196562
20	45783951	45784510	45784259	13	24	19	1.466311049	0.0993901	SULF2	ENSG00000196562
20	45785928	45786305	45786126	12	19	18	1.234788252	0.255641	SULF2	ENSG00000196562
20	45786468	45786678	45786573	8	10	22	0.561023358	0.950736	SULF2	ENSG00000196562
20	45786919	45788343	45787736	59	128	94	1.592876845	0.000258582	SULF2	ENSG00000196562
20	45788511	45788877	45788690	9	16	19	0.997091513	0.507069	SULF2	ENSG00000196562
20	45788917	45789316	45789212	10	17	14	1.407658607	0.162567	SULF2	ENSG00000196562
20	45790690	45790869	45790772	8	8	6	1.508205651	0.203852	SULF2	ENSG00000196562
20	45791417	45791766	45791591	10	16	23	0.830909595	0.726247	SULF2	ENSG00000196562
20	45791882	45792692	45792408	10	32	22	1.683070074	0.0259874	SULF2	ENSG00000196562
20	45796004	45796846	45796320	23	54	50	1.26505267	0.113244	SULF2	ENSG00000196562
20	45797093	45797887	45797569	11	33	33	1.173048839	0.256133	SULF2	ENSG00000196562
20	45798805	45799837	45799684	15	51	27	2.178519273	0.000306518	SULF2	ENSG00000196562
20	45800049	45800577	45800313	17	36	14	2.89352047	0.000111563	SULF2	ENSG00000196562
20	45801305	45801775	45801484	13	21	23	1.075294769	0.4051	SULF2	ENSG00000196562
20	45802152	45803440	45802763	14	63	69	1.072501796	0.344165	SULF2	ENSG00000196562
20	45803911	45804351	45804058	9	17	29	0.703829304	0.887065	SULF2	ENSG00000196562
20	45805206	45805554	45805385	8	12	11	1.270802909	0.274822	SULF2	ENSG00000196562
20	45805754	45806307	45805929	14	28	20	1.619924588	0.0441949	SULF2	ENSG00000196562
20	45806702	45806961	45806838	9	12	17	0.84720194	0.681997	SULF2	ENSG00000196562
20	45806969	45807214	45807085	9	11	22	0.612025481	0.924393	SULF2	ENSG00000196562
20	45807248	45807539	45807401	13	15	11	1.564065119	0.11768	SULF2	ENSG00000196562
20	45808029	45808676	45808376	11	29	22	1.530063703	0.0607898	SULF2	ENSG00000196562
20	45809267	45809793	45809436	17	29	22	1.530063703	0.0607898	SULF2	ENSG00000196562
20	45809924	45810192	45810044	13	14	8	1.955081399	0.0506438	SULF2	ENSG00000196562



20	45810301	45810500	45810329	8	8	18	0.555654713	0.936835	SULF2	ENSG00000196562
20	45810922	45811724	45811199	15	34	55	0.733155525	0.928893	SULF2	ENSG00000196562
20	45811774	45812096	45811921	11	15	16	1.104045966	0.390393	SULF2	ENSG00000196562
20	45812754	45812933	45812861	8	8	6	1.508205651	0.203852	SULF2	ENSG00000196562
20	45813602	45813792	45813721	8	9	7	1.466311049	0.20706	SULF2	ENSG00000196562
20	45814135	45814314	45814224	8	8	6	1.508205651	0.203852	SULF2	ENSG00000196562
20	45818444	45818708	45818576	9	11	14	0.938439071	0.570297	SULF2	ENSG00000196562
20	45825182	45825513	45825347	8	14	18	0.926091189	0.59273	SULF2	ENSG00000196562
20	45826308	45826529	45826424	9	10	14	0.860235815	0.65444	SULF2	ENSG00000196562
20	45826962	45827241	45827126	12	16	6	2.848832895	0.00632407	SULF2	ENSG00000196562
20	45827262	45827655	45827520	8	15	3	4.692195357	0.000718455	SULF2	ENSG00000196562
20	45827810	45828136	45827968	8	13	15	1.026417734	0.475096	SULF2	ENSG00000196562
20	45828328	45828817	45828507	9	19	8	2.606775198	0.00583935	SULF2	ENSG00000196562
20	45828920	45829244	45829094	8	13	6	2.346097679	0.0266147	SULF2	ENSG00000196562
20	45829258	45829541	45829381	14	19	5	3.910162798	0.000546977	SULF2	ENSG00000196562
20	45830055	45830651	45830334	9	23	18	1.481745902	0.0984143	SULF2	ENSG00000196562
20	45830730	45830959	45830843	8	10	15	0.806471077	0.716145	SULF2	ENSG00000196562
20	45833139	45833368	45833257	9	11	13	1.005470434	0.498567	SULF2	ENSG00000196562
20	45838006	45838199	45838090	8	9	7	1.466311049	0.20706	SULF2	ENSG00000196562
20	45844119	45844330	45844254	8	9	13	0.837892028	0.672794	SULF2	ENSG00000196562
20	45844798	45845287	45845108	13	24	14	1.955081399	0.0175993	SULF2	ENSG00000196562
20	45845352	45847306	45847051	186	349	57	7.078742996	1.51E-63	SULF2	ENSG00000196562
20	45848039	45849661	45848796	49	140	79	2.067498579	5.28E-08	SULF2	ENSG00000196562
20	45850358	45850639	45850534	8	12	11	1.270802909	0.274822	SULF2	ENSG00000196562
20	45850976	45851462	45851283	14	27	21	1.49297125	0.078146	SULF2	ENSG00000196562
20	45851470	45851938	45851759	10	19	27	0.837892028	0.732314	SULF2	ENSG00000196562
20	45852278	45852658	45852479	11	19	18	1.234788252	0.255641	SULF2	ENSG00000196562
20	45860557	45860788	45860633	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SULF2	ENSG00000196562
20	45862722	45863402	45862881	10	23	8	3.128130238	0.000832453	SULF2	ENSG00000196562
20	45863599	45863847	45863723	8	9	11	0.977540699	0.526123	SULF2	ENSG00000196562
20	45868646	45868861	45868780	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SULF2	ENSG00000196562
20	45868947	45869301	45869124	8	14	14	1.173048839	0.332418	SULF2	ENSG00000196562
20	45871824	45872137	45871961	13	17	9	2.111487911	0.0248715	SULF2	ENSG00000196562
20	45872538	45872899	45872717	11	19	10	2.132816071	0.01835	SULF2	ENSG00000196562

20	45873417	45873687	45873551	8	9	10	1.066408036	0.444985	SULF2	ENSG00000196562
20	45873829	45874106	45873967	8	11	18	0.740872951	0.800189	SULF2	ENSG00000196562
20	45876502	45877498	45877114	10	42	33	1.483561767	0.0418338	SULF2	ENSG00000196562
20	45877621	45877847	45877772	8	11	8	1.564065119	0.151515	SULF2	ENSG00000196562
20	45878641	45878821	45878731	8	8	9	1.055743955	0.456865	SULF2	ENSG00000196562
20	45879243	45879515	45879373	8	11	6	2.010940867	0.0640214	SULF2	ENSG00000196562
20	45879739	45880197	45879918	14	26	22	1.377057333	0.128834	SULF2	ENSG00000196562
20	45881602	45882100	45881840	9	21	10	2.346097679	0.00796926	SULF2	ENSG00000196562
20	45900396	45900595	45900456	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000215448
20	45914792	45915105	45914971	9	12	13	1.089259637	0.414883		ENSG00000215448
20	45916582	45916797	45916689	8	9	13	0.837892028	0.672794		ENSG00000215448
20	45916842	45917447	45917104	18	34	29	1.368556979	0.102922		ENSG00000215448
20	45917958	45918170	45918064	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000215448
20	45919234	45919916	45919413	11	30	15	2.272782126	0.00282041		ENSG00000215448
20	45920406	45920676	45920541	8	12	15	0.953102182	0.555895		ENSG00000215448
20	45922332	45922526	45922491	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000215448
20	45923044	45923282	45923163	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000215448
20	45924486	45925039	45924786	8	20	15	1.539626602	0.0943825		ENSG00000215448
20	45930483	45930755	45930626	9	13	16	0.966040221	0.542489		ENSG00000215448
20	45931544	45931945	45931720	10	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000215448
20	45935735	45935976	45935855	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000215448
20	45939375	45939602	45939488	11	13	13	1.173048839	0.337862		ENSG00000215448
20	45940044	45940271	45940177	8	9	15	0.733155525	0.788527		ENSG00000215448
20	45940400	45940650	45940525	9	10	12	0.992579787	0.511743		ENSG00000215448
20	45941748	45941987	45941860	11	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000215448
20	45956730	45956919	45956903	9	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000215448
20	45956924	45957553	45957103	17	40	30	1.551451691	0.0313513		ENSG00000215448
20	45957628	45958135	45957956	11	21	18	1.358267077	0.163254		ENSG00000215448
20	45977382	45977854	45977707	13	27	14	2.189691167	0.00561952		ENSG00000215448
20	45981418	45981620	45981519	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000215448
20	45981790	45982204	45982124	9	16	12	1.533986944	0.120062		ENSG00000215448
20	45984375	45984729	45984552	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000215448
20	45985918	45986256	45986087	8	11	15	0.879786629	0.637414		ENSG00000215448
20	45989848	45990270	45990017	8	15	26	0.695140053	0.88251		ENSG00000215448

20	45990474	45990847	45990668	8	15	17	1.042710079	0.454615	ENSG00000215448
20	45996750	45997008	45996869	8	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000215448
20	46002295	46002503	46002421	8	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000215448
20	46002609	46002791	46002736	8	10	7	1.612942154	0.147335	ENSG00000215448
20	46004048	46004440	46004274	9	15	15	1.173048839	0.32719	ENSG00000215448
20	46006745	46006980	46006845	13	14	8	1.955081399	0.0506438	ENSG00000215448
20	46007257	46007552	46007404	8	12	12	1.173048839	0.343543	ENSG00000215448
20	46007690	46007941	46007815	11	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000215448
20	46010017	46010277	46010127	10	13	12	1.263283365	0.272203	ENSG00000215448
20	46012051	46012266	46012158	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000215448
20	46013682	46013878	46013822	8	8	10	0.959767232	0.541959	ENSG00000215448
20	46014198	46014693	46014514	8	18	12	1.714455996	0.0636479	ENSG00000215448
20	46014843	46015209	46014918	8	14	10	1.599612054	0.114822	ENSG00000215448
20	46015512	46015769	46015638	9	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000215448
20	46015818	46016038	46015928	9	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000215448
20	46016948	46017177	46017062	12	14	14	1.173048839	0.332418	ENSG00000215448
20	46018059	46018323	46018191	13	16	9	1.994183027	0.0370915	ENSG00000215448
20	46018513	46018811	46018662	11	15	20	0.893751497	0.63757	ENSG00000215448
20	46018924	46019383	46019054	8	15	10	1.706252857	0.0822346	ENSG00000215448
20	46021756	46021952	46021891	8	8	12	0.812110735	0.692685	ENSG00000215448
20	46022705	46022929	46022804	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000215448
20	46023040	46023313	46023185	15	16	16	1.173048839	0.322157	ENSG00000215448
20	46024355	46024889	46024622	8	19	18	1.234788252	0.255641	ENSG00000215448
20	46027813	46028011	46027875	8	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000215448
20	46028737	46028921	46028838	10	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000215448
20	46031275	46031583	46031433	11	15	8	2.085420159	0.0338693	ENSG00000215448
20	46034249	46034656	46034486	14	24	12	2.255863153	0.00673318	ENSG00000215448
20	46036263	46036482	46036358	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000215448
20	46036876	46037324	46037145	12	19	9	2.346097679	0.0107159	ENSG00000215448
20	46039020	46039420	46039280	12	19	12	1.804690522	0.0452624	ENSG00000215448
20	46042056	46042259	46042205	9	10	11	1.075294769	0.434143	ENSG00000215448
20	46046098	46047120	46046563	11	41	27	1.759573259	0.00931814	ENSG00000215448
20	46047364	46047565	46047441	8	11	11	1.173048839	0.349489	ENSG00000215448
20	46050851	46051522	46051063	12	29	17	1.955081399	0.0105966	ENSG00000215448

20	46051962	46052727	46052226	29	70	30	2.686660245	6.94E-07	ENSG00000215448
20	46052773	46055844	46055403	486	863	104	9.652516164	9.94E-178	ENSG00000215448
20	46055855	46056650	46056102	10	31	19	1.876878143	0.0120343	ENSG00000215448
20	46065707	46066019	46065796	8	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000215448
20	46067982	46068288	46068141	10	14	7	2.199466574	0.0303778	ENSG00000215448
20	46069178	46069448	46069283	14	17	7	2.639359888	0.00777415	ENSG00000215448
20	46069582	46069778	46069680	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000215448
20	46069832	46070109	46069963	9	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000215448
20	46070488	46070919	46070777	15	22	8	2.997791478	0.00137524	ENSG00000215448
20	46074055	46075981	46074860	41	123	56	2.551895721	4.87E-10	ENSG00000215448
20	46076696	46077029	46076862	14	18	14	1.485861863	0.123674	ENSG00000215448
20	46078958	46079301	46079129	10	14	13	1.256838042	0.269506	ENSG00000215448
20	46081628	46082209	46081807	10	21	8	2.867452718	0.00225035	ENSG00000215448
20	46083255	46083434	46083344	8	8	6	1.508205651	0.203852	ENSG00000215448
20	46085854	46086332	46086153	8	19	17	1.303387599	0.207073	ENSG00000215448
20	46088922	46089383	46089217	11	20	22	1.071044592	0.412397	ENSG00000215448
20	46092100	46092419	46092268	13	16	4	3.988366054	0.00115141	ENSG00000215448
20	46092564	46093020	46092853	12	23	23	1.173048839	0.291252	ENSG00000215448
20	46093269	46093896	46093717	10	26	27	1.131154238	0.325317	ENSG00000215448
20	46093903	46094094	46093998	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000215448
20	46096923	46097252	46097077	10	14	16	1.035043094	0.464533	ENSG00000215448
20	46097641	46097948	46097776	10	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000215448
20	46098260	46098532	46098396	8	11	19	0.703829304	0.840485	ENSG00000215448
20	46099116	46099379	46099240	10	13	7	2.052835469	0.046392	ENSG00000215448
20	46099518	46099779	46099632	11	13	14	1.094845583	0.406217	ENSG00000215448
20	46100132	46100556	46100262	8	14	8	1.955081399	0.0506438	ENSG00000215448
20	46102200	46103000	46102550	12	35	40	1.029994103	0.450668	ENSG00000215448
20	46103097	46103293	46103195	10	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000215448
20	46103456	46103645	46103477	8	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000215448
20	46103819	46104172	46103995	9	15	15	1.173048839	0.32719	ENSG00000215448
20	46104390	46104605	46104493	9	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000215448
20	46105480	46105706	46105589	10	13	11	1.368556979	0.211388	ENSG00000215448
20	46107168	46107364	46107292	8	8	5	1.759573259	0.13508	ENSG00000215448
20	46108834	46109186	46108960	13	17	14	1.407658607	0.162567	ENSG00000215448

20	46109513	46109737	46109625	9	11	15	0.879786629	0.637414	ENSG00000215448
20	46111397	46111589	46111493	8	8	13	0.754102825	0.754933	ENSG00000215448
20	46113437	46115042	46114797	16	90	83	1.270802909	0.056568	ENSG00000215448
20	46116100	46116426	46116263	10	16	24	0.797673211	0.770106	ENSG00000215448
20	46117104	46117339	46117221	10	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000215448
20	46117454	46117947	46117633	11	22	20	1.284767776	0.203104	ENSG00000215448
20	46118255	46118779	46118434	8	19	32	0.71093869	0.891662	ENSG00000215448
20	46118816	46119295	46119118	13	24	16	1.725071823	0.0388966	ENSG00000215448
20	46120407	46120623	46120497	9	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000215448
20	46125411	46126177	46125802	12	35	31	1.319679944	0.126399	ENSG00000215448
20	46126223	46126519	46126378	9	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000215448
20	46126789	46127435	46127313	12	30	33	1.06954453	0.395234	ENSG00000215448
20	46128676	46128955	46128806	9	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000215448
20	46132642	46132917	46132809	8	12	13	1.089259637	0.414883	ENSG00000215448
20	46134547	46134832	46134708	14	16	13	1.424416448	0.161813	ENSG00000215448
20	46136036	46136404	46136225	8	14	17	0.977540699	0.52995	ENSG00000215448
20	46138065	46138535	46138249	9	20	18	1.296527665	0.205827	ENSG00000215448
20	46140101	46140385	46140270	13	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000215448
20	46141984	46142304	46142144	11	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000215448
20	46143616	46143852	46143775	8	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000215448
20	46148518	46148718	46148618	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000215448
20	46150302	46150562	46150404	8	10	10	1.173048839	0.355733	ENSG00000215448
20	46152506	46152905	46152741	9	16	12	1.533986944	0.120062	ENSG00000215448
20	46155464	46155766	46155615	9	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000215448
20	46156167	46156421	46156332	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000215448
20	46156566	46156801	46156675	9	9	11	0.977540699	0.526123	ENSG00000215448
20	46159404	46159767	46159504	10	15	8	2.085420159	0.0338693	ENSG00000215448
20	46160580	46160796	46160689	9	10	10	1.173048839	0.355733	ENSG00000215448
20	46161737	46161998	46161845	9	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000215448
20	46162508	46162746	46162658	8	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000215448
20	46164670	46164873	46164771	9	10	10	1.173048839	0.355733	ENSG00000215448
20	46166066	46166509	46166330	13	21	18	1.358267077	0.163254	ENSG00000215448
20	46168438	46169220	46168747	58	92	30	3.519146518	2.25E-11	ENSG00000215448
20	46172302	46172590	46172464	10	13	7	2.052835469	0.046392	ENSG00000215448

20	46172688	46173045	46172866	8	13	6	2.346097679	0.0266147	ENSG00000215448
20	46174591	46174898	46174744	13	18	15	1.392995497	0.16305	ENSG00000215448
20	46190671	46191020	46190845	9	15	5	3.128130238	0.00492422	ENSG00000215448
20	46191204	46191484	46191344	13	13	8	1.824742639	0.0744168	ENSG00000215448
20	46197463	46197754	46197624	11	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000215448
20	46204412	46204837	46204658	24	33	7	4.985457567	1.25E-06	ENSG00000215448
20	46229128	46229390	46229269	8	10	7	1.612942154	0.147335	ENSG00000215448
20	46238646	46238888	46238798	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000215448
20	46242891	46243087	46242961	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ENSG00000215448
20	46244259	46244485	46244315	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000215448
20	46251164	46251750	46251571	22	40	13	3.435357315	7.45E-06	ENSG00000215448
20	46252482	46252682	46252582	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000215448
20	46254620	46254859	46254716	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000215448
20	46262036	46262244	46262140	8	9	9	1.173048839	0.362316	ENSG00000215448
20	46267546	46268139	46267779	17	34	15	2.566044336	0.000523463	ENSG00000215448
20	46277486	46277926	46277665	8	17	11	1.759573259	0.0609179	ENSG00000215448
20	46297170	46297424	46297290	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000215448
20	46304924	46305129	46305018	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000215448
20	46308729	46309412	46308969	12	33	15	2.492728784	0.000807271	ENSG00000215448
20	46310220	46310497	46310333	8	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000215448
20	46310703	46310946	46310824	11	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000215448
20	46315390	46315572	46315481	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000215448
20	46318855	46319054	46318971	11	12	2	5.083211637	0.00143337	ENSG00000215448
20	46325488	46325738	46325582	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PREX1 ENSG00000124126
20	46337406	46337596	46337490	8	8	7	1.319679944	0.283403	PREX1 ENSG00000124126
20	46344937	46345165	46345050	8	8	7	1.319679944	0.283403	PREX1 ENSG00000124126
20	46345952	46346243	46346097	9	10	10	1.173048839	0.355733	PREX1 ENSG00000124126
20	46351130	46351438	46351288	10	13	5	2.737113958	0.0137917	PREX1 ENSG00000124126
20	46357617	46358177	46357856	18	33	17	2.215758919	0.00236789	PREX1 ENSG00000124126
20	46358229	46358443	46358370	8	10	7	1.612942154	0.147335	PREX1 ENSG00000124126
20	46359195	46359374	46359316	8	8	2	3.519146518	0.017558	PREX1 ENSG00000124126
20	46360494	46360753	46360618	14	17	6	3.016411301	0.00381427	PREX1 ENSG00000124126
20	46360835	46361709	46361456	19	63	35	2.085420159	0.00014577	PREX1 ENSG00000124126
20	46371691	46371940	46371815	8	9	6	1.675784056	0.141978	PREX1 ENSG00000124126

20	46375560	46375805	46375684	10	12	6	2.178519273	0.0416567	PREX1	ENSG00000124126
20	46378733	46379174	46379021	9	17	14	1.407658607	0.162567	PREX1	ENSG00000124126
20	46379275	46379771	46379470	9	20	5	4.105670938	0.000308509	PREX1	ENSG00000124126
20	46393691	46394636	46394457	14	44	31	1.64959993	0.0142651	PREX1	ENSG00000124126
20	46394655	46394986	46394820	11	16	16	1.173048839	0.322157	PREX1	ENSG00000124126
20	46395009	46395312	46395162	8	13	14	1.094845583	0.406217	PREX1	ENSG00000124126
20	46395527	46395853	46395691	9	12	7	1.906204364	0.0695918	PREX1	ENSG00000124126
20	46398817	46399159	46398988	13	18	13	1.591994853	0.0905191	PREX1	ENSG00000124126
20	46404308	46404565	46404436	9	12	7	1.906204364	0.0695918	PREX1	ENSG00000124126
20	46411990	46412169	46412075	10	10	6	1.843362462	0.0964212	PREX1	ENSG00000124126
20	46412282	46412489	46412436	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PREX1	ENSG00000124126
20	46414351	46414530	46414440	8	8	6	1.508205651	0.203852	PREX1	ENSG00000124126
20	46420454	46420634	46420544	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PREX1	ENSG00000124126
20	46432427	46432716	46432553	9	12	8	1.694403879	0.107291	PREX1	ENSG00000124126
20	46437650	46437906	46437810	8	10	6	1.843362462	0.0964212	PREX1	ENSG00000124126
20	46446180	46446436	46446308	10	10	4	2.580707446	0.0306059	PREX1	ENSG00000124126
20	46457579	46457913	46457746	10	14	3	4.398933147	0.00132748	PREX1	ENSG00000124126
20	46461256	46461523	46461374	10	13	8	1.824742639	0.0744168	PREX1	ENSG00000124126
20	46467371	46467626	46467536	8	10	4	2.580707446	0.0306059	PREX1	ENSG00000124126
20	46502862	46503078	46502962	9	10	5	2.150589539	0.0575848	PREX1	ENSG00000124126
20	46509754	46510090	46509940	9	14	11	1.466311049	0.15926	PREX1	ENSG00000124126
20	46511340	46511595	46511422	8	12	9	1.524963491	0.154777	PREX1	ENSG00000124126
20	46514217	46514524	46514370	9	12	9	1.524963491	0.154777	PREX1	ENSG00000124126
20	46517440	46517689	46517610	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PREX1	ENSG00000124126
20	46517700	46518011	46517869	11	15	10	1.706252857	0.0822346	PREX1	ENSG00000124126
20	46520148	46520512	46520327	14	21	15	1.612942154	0.070218	PREX1	ENSG00000124126
20	46522177	46522891	46522436	15	32	35	1.075294769	0.383446	PREX1	ENSG00000124126
20	46523087	46523595	46523266	11	25	11	2.541605819	0.00248721	PREX1	ENSG00000124126
20	46524305	46524501	46524403	11	12	7	1.906204364	0.0695918	PREX1	ENSG00000124126
20	46525059	46525422	46525237	8	13	7	2.052835469	0.046392	PREX1	ENSG00000124126
20	46525758	46525998	46525878	8	11	12	1.082814313	0.424156	PREX1	ENSG00000124126
20	46530086	46530511	46530265	8	16	11	1.661819189	0.0853913	PREX1	ENSG00000124126
20	46533454	46533670	46533598	9	9	4	2.346097679	0.050148	PREX1	ENSG00000124126
20	46533945	46534185	46534065	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PREX1	ENSG00000124126

20	46538306	46538770	46538473	9	16	5	3.323638378	0.00288759	PREX1	ENSG00000124126
20	46540980	46541319	46541138	9	14	12	1.353517892	0.211235	PREX1	ENSG00000124126
20	46547022	46547275	46547141	9	10	9	1.290353723	0.279648	PREX1	ENSG00000124126
20	46564503	46564701	46564602	9	11	9	1.407658607	0.210479	PREX1	ENSG00000124126
20	46565037	46566443	46565329	29	97	59	1.915979771	2.63E-05	PREX1	ENSG00000124126
20	46573107	46573486	46573273	31	37	16	2.62210917	0.000256502	PREX1	ENSG00000124126
20	46576799	46577131	46576965	11	15	4	3.753756286	0.0020497	PREX1	ENSG00000124126
20	46586150	46586468	46586315	16	18	13	1.591994853	0.0905191	PREX1	ENSG00000124126
20	46586731	46586917	46586824	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PREX1	ENSG00000124126
20	46588293	46588854	46588566	30	51	23	2.541605819	3.82E-05	PREX1	ENSG00000124126
20	46600514	46600767	46600616	8	10	8	1.433726359	0.209175	PREX1	ENSG00000124126
20	46615112	46615364	46615238	9	13	3	4.105670938	0.00243034	PREX1	ENSG00000124126
20	46617504	46617813	46617640	8	12	6	2.178519273	0.0416567	PREX1	ENSG00000124126
20	46617921	46618351	46618072	26	37	13	3.183989707	3.37E-05	PREX1	ENSG00000124126
20	46619769	46620219	46619948	10	21	8	2.867452718	0.00225035	PREX1	ENSG00000124126
20	46620434	46620729	46620581	10	13	2	5.474227917	0.000747844	PREX1	ENSG00000124126
20	46621300	46621492	46621396	10	10	8	1.433726359	0.209175	PREX1	ENSG00000124126
20	46622047	46622478	46622299	12	21	14	1.720471631	0.0496182	PREX1	ENSG00000124126
20	46623425	46623681	46623553	9	11	12	1.082814313	0.424156	PREX1	ENSG00000124126
20	46632231	46632468	46632341	8	8	2	3.519146518	0.017558	PREX1	ENSG00000124126
20	46633908	46634131	46634019	8	9	6	1.675784056	0.141978	PREX1	ENSG00000124126
20	46644688	46644940	46644814	8	12	15	0.953102182	0.555895	PREX1	ENSG00000124126
20	46647918	46648135	46648094	9	10	9	1.290353723	0.279648	PREX1	ENSG00000124126
20	46654265	46654501	46654408	10	12	12	1.173048839	0.343543	PREX1	ENSG00000124126
20	46655525	46655730	46655627	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PREX1	ENSG00000124126
20	46665724	46665928	46665802	8	10	7	1.612942154	0.147335	PREX1	ENSG00000124126
20	46667915	46668094	46667958	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PREX1	ENSG00000124126
20	46669465	46669910	46669701	13	22	12	2.0753941	0.0149739	PREX1	ENSG00000124126
20	46670320	46670819	46670627	25	38	16	2.691112043	0.000164514	PREX1	ENSG00000124126
20	46670872	46671672	46671051	30	56	20	3.183989707	5.58E-07	PREX1	ENSG00000124126
20	46672777	46672974	46672823	8	8	8	1.173048839	0.36929	PREX1	ENSG00000124126
20	46685750	46686309	46685979	22	37	10	4.052350536	2.71E-06	PREX1	ENSG00000124126
20	46698430	46698819	46698652	12	19	4	4.692195357	0.000193572	PREX1	ENSG00000124126
20	46701949	46702237	46702093	9	10	4	2.580707446	0.0306059	PREX1	ENSG00000124126



20	46705186	46705450	46705305	11	12	7	1.906204364	0.0695918	PREX1	ENSG00000124126
20	46707567	46708101	46707831	29	45	19	2.69801233	4.72E-05	PREX1	ENSG00000124126
20	46708496	46708827	46708658	14	16	5	3.323638378	0.00288759	PREX1	ENSG00000124126
20	46713493	46713721	46713618	10	11	7	1.759573259	0.102361	PREX1	ENSG00000124126
20	46713744	46714052	46713898	16	19	8	2.606775198	0.00583935	PREX1	ENSG00000124126
20	46720983	46721370	46721142	11	16	8	2.215758919	0.0222902	PREX1	ENSG00000124126
20	46729372	46729992	46729903	12	29	23	1.466311049	0.0797221	PREX1	ENSG00000124126
20	46730681	46731188	46730837	8	18	14	1.485861863	0.123674	PREX1	ENSG00000124126
20	46731969	46732279	46732110	8	12	8	1.694403879	0.107291	PREX1	ENSG00000124126
20	46734830	46735091	46734960	8	8	19	0.527871978	0.95364	PREX1	ENSG00000124126
20	46735965	46736736	46736314	24	61	15	4.545564252	5.36E-10	PREX1	ENSG00000124126
20	46741461	46741770	46741615	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000212716
20	46742367	46742713	46742490	8	13	12	1.263283365	0.272203		ENSG00000212716
20	46745127	46745368	46745247	10	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000212716
20	46745673	46745899	46745779	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000212716
20	46747655	46748267	46747968	25	40	28	1.658448359	0.0174052		ENSG00000212716
20	46748810	46749109	46748959	9	11	22	0.612025481	0.924393		ENSG00000212716
20	46750929	46751182	46751054	10	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000212716
20	46753610	46753834	46753722	9	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000212716
20	46755120	46755588	46755299	12	22	23	1.124171804	0.345816		ENSG00000212716
20	46755699	46756085	46755923	8	15	17	1.042710079	0.454615		ENSG00000212716
20	46760454	46760644	46760497	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000212716
20	46771350	46771536	46771443	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000212716
20	46772204	46772459	46772347	8	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000212716
20	46780455	46780673	46780564	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212716
20	46783162	46783397	46783318	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000212716
20	46786614	46786853	46786733	8	10	12	0.992579787	0.511743		ENSG00000212716
20	46789326	46789520	46789485	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000212716
20	46795711	46795905	46795862	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000212716
20	46799283	46799536	46799408	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000212716
20	46799919	46800132	46800025	9	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000212716
20	46805575	46805756	46805582	10	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000212716
20	46807496	46808241	46807868	8	26	15	1.979519916	0.0131534		ENSG00000212716
20	46819507	46819723	46819615	8	9	17	0.6516938	0.871116	PREX1	ENSG00000124126

20	46820024	46820445	46820203	9	16	7	2.492728784	0.0124193	PREX1	ENSG00000124126
20	46821222	46821415	46821373	8	9	8	1.303387599	0.281715	PREX1	ENSG00000124126
20	46825332	46825513	46825422	8	9	4	2.346097679	0.050148	PREX1	ENSG00000124126
20	46834533	46834724	46834628	9	10	2	4.301179077	0.00512919	PREX1	ENSG00000124126
20	46851146	46851473	46851309	9	14	7	2.199466574	0.0303778	PREX1	ENSG00000124126
20	46852460	46852640	46852550	8	9	4	2.346097679	0.050148	PREX1	ENSG00000124126
20	46855153	46855439	46855270	12	14	6	2.513676084	0.016726	PREX1	ENSG00000124126
20	46858159	46858492	46858318	18	23	9	2.815317214	0.00172056	PREX1	ENSG00000124126
20	46858587	46858934	46858760	9	15	10	1.706252857	0.0822346	PREX1	ENSG00000124126
20	46859458	46859737	46859610	9	11	6	2.010940867	0.0640214	PREX1	ENSG00000124126
20	46861990	46862227	46862162	8	11	4	2.815317214	0.0183428	PREX1	ENSG00000124126
20	46862563	46863104	46862833	15	27	14	2.189691167	0.00561952	PREX1	ENSG00000124126
20	46865477	46865812	46865644	12	16	4	3.988366054	0.00115141	PREX1	ENSG00000124126
20	46866025	46866467	46866204	8	15	18	0.987830602	0.518173	PREX1	ENSG00000124126
20	46866972	46867422	46867200	11	21	11	2.150589539	0.0135908	PREX1	ENSG00000124126
20	46867815	46868024	46867931	8	9	7	1.466311049	0.20706	PREX1	ENSG00000124126
20	46869835	46870024	46869902	9	10	9	1.290353723	0.279648	PREX1	ENSG00000124126
20	46870201	46870536	46870377	9	13	6	2.346097679	0.0266147	PREX1	ENSG00000124126
20	46873965	46874303	46874134	12	15	9	1.876878143	0.0544542	PREX1	ENSG00000124126
20	46875026	46875395	46875205	11	18	19	1.114396397	0.369586	PREX1	ENSG00000124126
20	46876866	46877377	46877095	15	29	10	3.199224107	0.000186763	PREX1	ENSG00000124126
20	46877490	46877677	46877574	8	8	2	3.519146518	0.017558	PREX1	ENSG00000124126
20	46878203	46879120	46878701	12	37	16	2.62210917	0.000256502	PREX1	ENSG00000124126
20	46884115	46884304	46884209	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PREX1	ENSG00000124126
20	46896429	46896629	46896529	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PREX1	ENSG00000124126
20	46902137	46902430	46902314	10	12	5	2.541605819	0.0225912	PREX1	ENSG00000124126
20	46904730	46904948	46904839	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PREX1	ENSG00000124126
20	46908132	46908430	46908281	10	13	13	1.173048839	0.337862	PREX1	ENSG00000124126
20	46911551	46911766	46911643	10	11	7	1.759573259	0.102361	PREX1	ENSG00000124126
20	46914333	46915048	46914843	26	45	42	1.254889456	0.142316	PREX1	ENSG00000124126
20	46920176	46920403	46920289	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PREX1	ENSG00000124126
20	46927365	46927671	46927520	9	11	11	1.173048839	0.349489	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46937005	46937184	46937089	8	8	8	1.173048839	0.36929	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46940401	46940759	46940580	10	15	8	2.085420159	0.0338693	ARFGEF2	ENSG00000124198

20	46942726	46943088	46942912	8	12	12	1.173048839	0.343543	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46952050	46952310	46952180	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46954640	46955521	46955120	28	60	31	2.23612435	6.98E-05	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46956387	46956802	46956665	12	19	11	1.955081399	0.0295891	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46958057	46958293	46958171	8	9	6	1.675784056	0.141978	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46961633	46961859	46961742	8	9	8	1.303387599	0.281715	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46971240	46971737	46971526	32	46	21	2.506058884	0.000100479	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46971763	46972707	46972082	28	69	23	3.421392448	9.04E-09	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46972957	46973193	46973107	11	12	13	1.089259637	0.414883	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46995866	46996260	46996038	22	29	6	5.027352168	4.43E-06	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	47093055	47093274	47093181	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CSE1L	ENSG00000124207
20	47238406	47238605	47238490	8	9	0	11.73048839	0.000425898	STAU1	ENSG00000124214
20	47328019	47328213	47328120	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C20orf199	ENSG00000177410
20	47338950	47339150	47339050	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000212304
20	47346455	47346679	47346626	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000212304
20	47425269	47425513	47425391	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212304
20	47534060	47534306	47534219	10	11	2	4.692195357	0.00272444	KCNB1	ENSG00000158445
20	47582696	47582915	47582764	10	10	5	2.150589539	0.0575848	PTGIS	ENSG00000124212
20	47591662	47592036	47591866	15	21	12	1.985159574	0.021936	PTGIS	ENSG00000124212
20	47654571	47654915	47654743	12	18	3	5.571981987	0.000108726	PTGIS	ENSG00000124212
20	47658897	47659123	47659004	10	11	5	2.346097679	0.0364013	PTGIS	ENSG00000124212
20	47682501	47682822	47682661	15	20	0	24.63402563	8.35E-08	PTGIS	ENSG00000124212
20	47820031	47820755	47820277	19	39	5	7.820325595	2.05E-09	SNRPPF1	ENSG00000217373
20	47862587	47863018	47862831	10	19	7	2.932622098	0.00293566	SLC9A8	ENSG00000197818
20	47884924	47885386	47885207	54	66	1	39.29713612	9.69E-22		ENSG00000220552
20	47909713	47910107	47909966	18	23	17	1.564065119	0.0735049		ENSG00000220552
20	47917454	47917646	47917526	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000220552
20	47965426	47965710	47965581	11	13	6	2.346097679	0.0266147	SPATA2	ENSG00000158480
20	47966413	47966742	47966573	10	14	7	2.199466574	0.0303778	SPATA2	ENSG00000158480
20	47978742	47979004	47978873	10	13	5	2.737113958	0.0137917	RNF114	ENSG00000124226
20	47986002	47986300	47986151	8	11	1	7.038293036	0.000674435	RNF114	ENSG00000124226
20	48032922	48033107	48033014	8	8	2	3.519146518	0.017558	SNAI1	ENSG00000124216
20	48069528	48069811	48069669	11	13	1	8.211341875	0.000163445	SNAI1	ENSG00000124216
20	48069884	48070222	48070053	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	SNAI1	ENSG00000124216

20	48088681	48088991	48088829	8	11	5	2.346097679	0.0364013	TMEM189	ENSG00000124208
20	48135351	48135654	48135524	10	12	7	1.906204364	0.0695918	TMEM189	ENSG00000124208
20	48163038	48163354	48163217	9	11	2	4.692195357	0.00272444	TMEM189	ENSG00000124208
20	48176631	48176981	48176806	14	19	5	3.910162798	0.000546977	TMEM189	ENSG00000124208
20	48201010	48201252	48201112	11	13	5	2.737113958	0.0137917	TMEM189	ENSG00000124208
20	48215786	48216244	48216095	17	25	6	4.357038546	4.72E-05	TMEM189	ENSG00000124208
20	48219288	48219563	48219425	12	14	8	1.955081399	0.0506438	TMEM189	ENSG00000124208
20	48410076	48410509	48410255	11	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000203999
20	48421928	48422395	48422200	43	57	3	17.00920817	1.67E-16		ENSG00000210745
20	48422704	48422960	48422833	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210745
20	48477837	48478416	48478056	20	37	6	6.367979413	3.11E-08		ENSG00000210745
20	48549514	48549778	48549643	8	9	4	2.346097679	0.050148	PTPN1	ENSG00000196396
20	48560262	48560526	48560394	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PTPN1	ENSG00000196396
20	48638150	48638376	48638288	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000208018
20	48674528	48674929	48674680	28	36	5	7.233801176	1.48E-08	RPL36P2	ENSG00000216679
20	48682421	48682677	48682560	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	FAM65C	ENSG00000042062
20	48685800	48686140	48685970	13	16	6	2.848832895	0.00632407	FAM65C	ENSG00000042062
20	48695626	48695818	48695716	8	9	2	3.910162798	0.00955088	FAM65C	ENSG00000042062
20	48720015	48721038	48720587	75	169	50	3.910162798	2.81E-21	FAM65C	ENSG00000042062
20	48721136	48721617	48721345	9	17	26	0.78203256	0.796561	FAM65C	ENSG00000042062
20	48721865	48722395	48722044	13	26	17	1.759573259	0.0293871	FAM65C	ENSG00000042062
20	48722483	48722662	48722572	8	8	13	0.754102825	0.754933	FAM65C	ENSG00000042062
20	48723327	48723619	48723473	9	13	10	1.49297125	0.157311	FAM65C	ENSG00000042062
20	48723764	48724516	48724134	11	33	40	0.972772208	0.550092	FAM65C	ENSG00000042062
20	48725041	48725310	48725199	10	12	15	0.953102182	0.555895	FAM65C	ENSG00000042062
20	48725341	48726378	48726241	11	42	45	1.096545654	0.333384	FAM65C	ENSG00000042062
20	48726866	48727278	48727035	12	20	23	1.026417734	0.468083	FAM65C	ENSG00000042062
20	48727923	48728789	48728097	19	65	50	1.518063204	0.0120951	FAM65C	ENSG00000042062
20	48729726	48730888	48730225	19	74	79	1.099733287	0.278136	FAM65C	ENSG00000042062
20	48731291	48732372	48731518	19	69	63	1.283022168	0.0746904	FAM65C	ENSG00000042062
20	48734116	48734669	48734379	11	22	35	0.74944787	0.865446	FAM65C	ENSG00000042062
20	48735636	48736063	48735894	11	18	20	1.061329902	0.42802	FAM65C	ENSG00000042062
20	48736666	48737424	48737264	15	38	36	1.236456885	0.177787	FAM65C	ENSG00000042062
20	48737943	48738215	48738079	8	10	10	1.173048839	0.355733	FAM65C	ENSG00000042062

20	48738388	48738924	48738631	9	20	31	0.769813301	0.829881	FAM65C	ENSG00000042062
20	48738979	48739171	48739075	8	9	13	0.837892028	0.672794	FAM65C	ENSG00000042062
20	48739400	48741274	48740112	24	132	109	1.418322688	0.00325406	FAM65C	ENSG00000042062
20	48741291	48741706	48741532	10	20	22	1.071044592	0.412397	FAM65C	ENSG00000042062
20	48741723	48742455	48742025	10	27	34	0.938439071	0.602291	FAM65C	ENSG00000042062
20	48742475	48742720	48742601	11	13	18	0.864351776	0.666373	FAM65C	ENSG00000042062
20	48745097	48745955	48745520	16	46	53	1.020986953	0.460483	FAM65C	ENSG00000042062
20	48746649	48747175	48746952	12	24	25	1.127931576	0.335219	FAM65C	ENSG00000042062
20	48747981	48748293	48748146	9	12	16	0.897037348	0.621544	FAM65C	ENSG00000042062
20	48748752	48749050	48748908	8	11	8	1.564065119	0.151515	FAM65C	ENSG00000042062
20	48749320	48750071	48749658	9	28	36	0.919416658	0.636093	FAM65C	ENSG00000042062
20	48750452	48750678	48750595	13	14	22	0.765031852	0.797133	FAM65C	ENSG00000042062
20	48751187	48751804	48751496	12	25	41	0.726173091	0.904993	FAM65C	ENSG00000042062
20	48752383	48752765	48752586	13	20	19	1.231701281	0.25288	FAM65C	ENSG00000042062
20	48753534	48753913	48753723	10	18	26	0.825478813	0.744556	FAM65C	ENSG00000042062
20	48754462	48755294	48754956	14	44	40	1.287492629	0.120774	FAM65C	ENSG00000042062
20	48756196	48756387	48756259	9	9	5	1.955081399	0.0892323	FAM65C	ENSG00000042062
20	48757637	48758191	48757837	11	28	28	1.173048839	0.272646	FAM65C	ENSG00000042062
20	48758882	48759607	48759021	15	36	32	1.315236577	0.125876	FAM65C	ENSG00000042062
20	48760210	48760539	48760374	9	15	12	1.443752418	0.160732	FAM65C	ENSG00000042062
20	48760581	48760920	48760750	8	14	16	1.035043094	0.464533	FAM65C	ENSG00000042062
20	48761014	48761601	48761341	50	85	51	1.940042311	5.90E-05	FAM65C	ENSG00000042062
20	48762046	48762398	48762222	8	14	30	0.567604277	0.969659	PARD6B	ENSG00000124171
20	48762502	48762984	48762823	8	17	28	0.72809928	0.86131	PARD6B	ENSG00000124171
20	48763443	48764057	48763805	23	42	50	0.989041178	0.523513	PARD6B	ENSG00000124171
20	48764792	48764982	48764906	8	8	9	1.055743955	0.456865	PARD6B	ENSG00000124171
20	48765068	48765301	48765197	9	12	19	0.762481746	0.784291	PARD6B	ENSG00000124171
20	48765634	48766146	48765842	17	29	25	1.353517892	0.128607	PARD6B	ENSG00000124171
20	48766280	48766812	48766485	15	32	30	1.24872941	0.187449	PARD6B	ENSG00000124171
20	48767585	48767852	48767736	9	9	9	1.173048839	0.362316	PARD6B	ENSG00000124171
20	48768020	48768397	48768208	15	24	38	0.751954384	0.872183	PARD6B	ENSG00000124171
20	48768446	48768968	48768692	15	26	40	0.772495577	0.855992	PARD6B	ENSG00000124171
20	48769749	48769959	48769917	8	10	18	0.679133539	0.855647	PARD6B	ENSG00000124171
20	48770435	48770800	48770598	9	14	17	0.977540699	0.52995	PARD6B	ENSG00000124171

20	48772389	48772748	48772568	11	18	25	0.857227998	0.700223	PARD6B	ENSG00000124171
20	48772752	48773497	48773300	19	42	43	1.146388638	0.26303	PARD6B	ENSG00000124171
20	48774427	48775411	48774995	50	114	77	1.729495084	7.78E-05	PARD6B	ENSG00000124171
20	48775430	48775622	48775486	8	10	17	0.71686318	0.816679	PARD6B	ENSG00000124171
20	48776567	48776869	48776760	17	21	24	1.032282979	0.459444	PARD6B	ENSG00000124171
20	48776892	48778281	48777550	41	147	126	1.367017545	0.00479325	PARD6B	ENSG00000124171
20	48778374	48778726	48778550	10	15	48	0.383036356	0.999839	PARD6B	ENSG00000124171
20	48778735	48782730	48779685	333	841	297	3.314453432	1.28E-81	PARD6B	ENSG00000124171
20	48782977	48783173	48783075	10	10	13	0.921681231	0.585856	PARD6B	ENSG00000124171
20	48783276	48783778	48783501	21	36	32	1.315236577	0.125876	PARD6B	ENSG00000124171
20	48783848	48784764	48783931	10	35	43	0.959767232	0.575258	PARD6B	ENSG00000124171
20	48785215	48786244	48785616	15	58	66	1.032983306	0.429537	PARD6B	ENSG00000124171
20	48786349	48786699	48786524	11	16	31	0.623182196	0.948409	PARD6B	ENSG00000124171
20	48787076	48787959	48787567	12	38	47	0.953102182	0.590871	PARD6B	ENSG00000124171
20	48788144	48788498	48788321	10	13	17	0.912371319	0.606688	PARD6B	ENSG00000124171
20	48788773	48789271	48788947	10	21	21	1.173048839	0.299417	PARD6B	ENSG00000124171
20	48789371	48790136	48789753	13	34	45	0.89253716	0.697288	PARD6B	ENSG00000124171
20	48790745	48791041	48790893	12	14	17	0.977540699	0.52995	PARD6B	ENSG00000124171
20	48791109	48791520	48791381	10	17	25	0.812110735	0.75715	PARD6B	ENSG00000124171
20	48791885	48792145	48792006	12	15	7	2.346097679	0.0195693	PARD6B	ENSG00000124171
20	48792464	48793540	48793342	26	73	57	1.496648519	0.0103607	PARD6B	ENSG00000124171
20	48794186	48795200	48794497	69	140	66	2.46865502	1.17E-10	PARD6B	ENSG00000124171
20	48795924	48796504	48796290	16	35	54	0.767813786	0.894997	PARD6B	ENSG00000124171
20	48796526	48796785	48796701	9	12	25	0.58652442	0.949135	PARD6B	ENSG00000124171
20	48797616	48798008	48797795	11	18	25	0.857227998	0.700223	PARD6B	ENSG00000124171
20	48798288	48798954	48798677	19	34	38	1.052736138	0.414626	PARD6B	ENSG00000124171
20	48799281	48799535	48799406	13	14	18	0.926091189	0.59273	PARD6B	ENSG00000124171
20	48799619	48800329	48799844	13	31	39	0.938439071	0.608748	PARD6B	ENSG00000124171
20	48800638	48800956	48800782	12	15	8	2.085420159	0.0338693	PARD6B	ENSG00000124171
20	48803156	48803408	48803312	8	10	14	0.860235815	0.65444	PARD6B	ENSG00000124171
20	48803715	48804112	48803883	9	17	10	1.919534464	0.0400548	PARD6B	ENSG00000124171
20	48804321	48804607	48804442	8	11	24	0.563063443	0.956421	PARD6B	ENSG00000124171
20	48805032	48805628	48805419	12	27	34	0.938439071	0.602291	PARD6B	ENSG00000124171
20	48806264	48806576	48806417	16	19	29	0.78203256	0.808559	PARD6B	ENSG00000124171

20	48806580	48806874	48806706	14	18	27	0.795997427	0.784443	PARD6B	ENSG00000124171
20	48807169	48807371	48807273	9	10	8	1.433726359	0.209175	PARD6B	ENSG00000124171
20	48808434	48809197	48809020	16	43	48	1.053349978	0.402948	PARD6B	ENSG00000124171
20	48809793	48810256	48810030	14	26	20	1.508205651	0.0771897	PARD6B	ENSG00000124171
20	48810511	48810822	48810665	16	18	21	1.013087634	0.486601	PARD6B	ENSG00000124171
20	48811197	48813346	48811770	185	551	194	3.320630561	2.23E-54	PARD6B	ENSG00000124171
20	48813555	48813765	48813660	8	9	12	0.902345261	0.602772	BCAS4	ENSG00000124243
20	48813941	48814810	48814270	119	204	75	3.164144896	2.37E-20	BCAS4	ENSG00000124243
20	48815341	48815545	48815444	8	8	9	1.055743955	0.456865	BCAS4	ENSG00000124243
20	48815828	48816088	48815947	8	10	15	0.806471077	0.716145	BCAS4	ENSG00000124243
20	48816186	48816697	48816450	20	32	21	1.759573259	0.0184275	BCAS4	ENSG00000124243
20	48816840	48817682	48817170	20	48	27	2.052835469	0.000915676	BCAS4	ENSG00000124243
20	48822407	48822692	48822549	11	15	17	1.042710079	0.454615	BCAS4	ENSG00000124243
20	48822716	48822970	48822849	10	11	10	1.279689643	0.277323	BCAS4	ENSG00000124243
20	48825028	48825403	48825232	11	17	14	1.407658607	0.162567	BCAS4	ENSG00000124243
20	48826293	48826864	48826472	13	29	25	1.353517892	0.128607	BCAS4	ENSG00000124243
20	48828839	48829084	48828961	8	11	5	2.346097679	0.0364013	BCAS4	ENSG00000124243
20	48829594	48829823	48829720	8	9	13	0.837892028	0.672794	BCAS4	ENSG00000124243
20	48830091	48830273	48830182	8	10	20	0.614454154	0.913752	BCAS4	ENSG00000124243
20	48831316	48832111	48831730	14	36	39	1.085070176	0.361828	BCAS4	ENSG00000124243
20	48832670	48832883	48832776	8	11	12	1.082814313	0.424156	BCAS4	ENSG00000124243
20	48833209	48833551	48833380	9	14	14	1.173048839	0.332418	BCAS4	ENSG00000124243
20	48833917	48834101	48834009	8	8	20	0.502735217	0.96634	BCAS4	ENSG00000124243
20	48834104	48834507	48834283	9	17	34	0.60328226	0.964376	BCAS4	ENSG00000124243
20	48837807	48839004	48838146	93	167	92	2.119055968	1.23E-09	BCAS4	ENSG00000124243
20	48839837	48841554	48840787	129	285	146	2.282258286	2.35E-17	BCAS4	ENSG00000124243
20	48842588	48843962	48843711	29	91	71	1.498895739	0.00483913	BCAS4	ENSG00000124243
20	48844360	48846116	48844729	37	160	107	1.748711696	2.66E-06	BCAS4	ENSG00000124243
20	48846941	48847317	48847096	16	22	33	0.793533038	0.809383	BCAS4	ENSG00000124243
20	48847323	48847550	48847451	8	12	22	0.663027605	0.890045	BCAS4	ENSG00000124243
20	48848329	48849805	48849202	13	66	61	1.267649552	0.0891542	BCAS4	ENSG00000124243
20	48849870	48850515	48850337	10	27	39	0.821134188	0.79256	BCAS4	ENSG00000124243
20	48850885	48851127	48851006	9	13	16	0.966040221	0.542489	BCAS4	ENSG00000124243
20	48851743	48852030	48851885	9	13	15	1.026417734	0.475096	BCAS4	ENSG00000124243

20	48853721	48854015	48853816	11	15	14	1.251252095	0.26676	BCAS4	ENSG00000124243
20	48854502	48854957	48854710	11	20	27	0.879786629	0.67594	BCAS4	ENSG00000124243
20	48855025	48855629	48855450	14	29	33	1.035043094	0.447618	BCAS4	ENSG00000124243
20	48856100	48856679	48856218	13	27	24	1.3138147	0.160245	BCAS4	ENSG00000124243
20	48860051	48860537	48860278	9	19	26	0.868925066	0.687875	BCAS4	ENSG00000124243
20	48860757	48861115	48860882	10	14	10	1.599612054	0.114822	BCAS4	ENSG00000124243
20	48868430	48868630	48868543	8	10	8	1.433726359	0.209175	TMSL6	ENSG00000189262
20	48889008	48889339	48889183	10	13	1	8.211341875	0.000163445	TMSL6	ENSG00000189262
20	48906179	48906366	48906277	11	11	3	3.519146518	0.00788869	TMSL6	ENSG00000189262
20	48979346	48979681	48979499	15	20	5	4.105670938	0.000308509	ADNP	ENSG00000101126
20	48981306	48981521	48981413	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ADNP	ENSG00000101126
20	49008516	49008855	49008685	8	12	4	3.049926982	0.0108184	MOCS3	ENSG00000124217
20	49042315	49042644	49042518	12	16	3	4.985457567	0.000385643	KCNG1	ENSG00000026559
20	49065113	49065398	49065255	11	12	5	2.541605819	0.0225912	KCNG1	ENSG00000026559
20	49165995	49166334	49166173	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000219218
20	49192451	49192740	49192583	12	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000219218
20	49210382	49210655	49210491	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000219218
20	49214071	49214250	49214140	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000219218
20	49356633	49356813	49356723	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219218
20	49422317	49422501	49422415	9	9	3	2.932622098	0.0242899	NFATC2	ENSG00000101096
20	49437491	49437879	49437654	12	17	7	2.639359888	0.00777415	NFATC2	ENSG00000101096
20	49496931	49497344	49497230	8	16	3	4.985457567	0.000385643	NFATC2	ENSG00000101096
20	49506340	49506948	49506785	15	31	4	7.507512572	9.10E-08	NFATC2	ENSG00000101096
20	49645008	49645305	49645139	11	13	4	3.28453675	0.00629037	NFATC2	ENSG00000101096
20	49689362	49689635	49689397	8	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000215444
20	49750777	49751136	49750893	11	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000215444
20	49775663	49775952	49775807	8	11	12	1.082814313	0.424156		ENSG00000215444
20	49785111	49785293	49785208	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000215444
20	49789590	49789839	49789756	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000215444
20	49794565	49794823	49794744	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000215444
20	49802125	49802486	49802285	8	13	3	4.105670938	0.00243034	ATP9A	ENSG00000054793
20	49816898	49817330	49817084	14	25	5	5.083211637	1.58E-05	ATP9A	ENSG00000054793
20	49850041	49850648	49850220	16	32	8	4.301179077	6.43E-06	SALL4	ENSG00000101115
20	49851413	49851737	49851568	9	12	9	1.524963491	0.154777	SALL4	ENSG00000101115



20	49853101	49853435	49853267	10	15	11	1.564065119	0.11768	SALL4	ENSG00000101115
20	49883322	49883919	49883497	20	34	15	2.566044336	0.000523463	SALL4	ENSG00000101115
20	49955929	49956259	49956080	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210768
20	49968064	49968382	49968223	11	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000210768
20	49968393	49968751	49968572	9	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000210768
20	50012162	50012576	50012421	9	14	18	0.926091189	0.59273		ENSG00000210768
20	50012606	50012849	50012728	10	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000210768
20	50016272	50016648	50016502	17	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000210768
20	50021036	50021519	50021162	15	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000210768
20	50027894	50028453	50028269	62	84	1	49.85457567	1.05E-27		ENSG00000210768
20	50111066	50111275	50111170	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ZFP64	ENSG00000020256
20	50178574	50178785	50178679	11	11	7	1.759573259	0.102361	ZFP64	ENSG00000020256
20	50363184	50363557	50363385	12	17	17	1.173048839	0.317303	ZFP64	ENSG00000020256
20	50423052	50423312	50423182	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221024
20	51124696	51124899	51124797	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000199218
20	51482978	51483157	51483081	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PPIAP10	ENSG00000216445
20	51516483	51516662	51516508	8	8	2	3.519146518	0.017558	PPIAP10	ENSG00000216445
20	51586345	51586679	51586512	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000206959
20	51615647	51616088	51615909	12	21	21	1.173048839	0.299417		ENSG00000197670
20	51617195	51618747	51618439	13	64	107	0.706001616	0.987911	ZNF217	ENSG00000171940
20	51618831	51619199	51619020	12	19	34	0.670313622	0.928882	ZNF217	ENSG00000171940
20	51620077	51621103	51620590	22	78	71	1.287095254	0.0605764	ZNF217	ENSG00000171940
20	51621532	51621917	51621711	13	19	21	1.066408036	0.420026	ZNF217	ENSG00000171940
20	51622376	51623038	51622626	13	27	66	0.490229366	0.999548	ZNF217	ENSG00000171940
20	51624055	51624477	51624203	16	25	33	0.897037348	0.665614	ZNF217	ENSG00000171940
20	51624735	51625072	51624903	20	26	24	1.266892746	0.197079	ZNF217	ENSG00000171940
20	51625243	51625785	51625616	14	29	34	1.005470434	0.493838	ZNF217	ENSG00000171940
20	51625998	51626333	51626155	10	13	20	0.78203256	0.76897	ZNF217	ENSG00000171940
20	51626371	51627250	51626787	18	56	63	1.044746623	0.406626	ZNF217	ENSG00000171940
20	51627959	51631345	51628839	131	341	289	1.383388631	2.30E-05	ZNF217	ENSG00000171940
20	51631361	51631965	51631842	19	38	55	0.816944727	0.837526	ZNF217	ENSG00000171940
20	51631971	51633214	51633022	20	74	90	0.966798494	0.587572	ZNF217	ENSG00000171940
20	51635637	51635995	51635816	8	14	12	1.353517892	0.211235	ZNF217	ENSG00000171940
20	51636027	51636376	51636201	11	15	13	1.340627245	0.210788	ZNF217	ENSG00000171940

20	51636447	51637084	51636707	21	37	39	1.114396397	0.317631	ZNF217	ENSG00000171940
20	51638595	51638818	51638679	9	12	14	1.016642327	0.486402	ZNF217	ENSG00000171940
20	51639272	51639604	51639438	9	12	11	1.270802909	0.274822	ZNF217	ENSG00000171940
20	51639739	51640268	51639935	15	27	24	1.3138147	0.160245	ZNF217	ENSG00000171940
20	51640723	51641018	51640883	11	13	15	1.026417734	0.475096	ZNF217	ENSG00000171940
20	51641339	51641518	51641428	8	8	15	0.659839972	0.851443	ZNF217	ENSG00000171940
20	51641931	51642403	51642231	13	25	26	1.129602586	0.330188	ZNF217	ENSG00000171940
20	51642441	51643580	51642674	22	72	38	2.195706802	2.18E-05	ZNF217	ENSG00000171940
20	51643838	51644320	51644146	15	28	5	5.669736057	2.48E-06	ZNF217	ENSG00000171940
20	51644507	51645462	51644780	47	100	57	2.042722979	4.49E-06	ZNF217	ENSG00000171940
20	51645564	51645943	51645764	9	18	10	2.026175268	0.0273052	ZNF217	ENSG00000171940
20	51646039	51646232	51646174	10	12	9	1.524963491	0.154777	ZNF217	ENSG00000171940
20	51646234	51646625	51646446	17	25	28	1.051698959	0.428274	ZNF217	ENSG00000171940
20	51646668	51651409	51647305	151	510	380	1.573301724	7.81E-12	ZNF217	ENSG00000171940
20	51653757	51654088	51653922	9	15	15	1.173048839	0.32719	ZNF217	ENSG00000171940
20	51656065	51657080	51656531	22	68	64	1.24523646	0.102338	ZNF217	ENSG00000171940
20	51657930	51659326	51658945	20	92	93	1.160569596	0.154833	ZNF217	ENSG00000171940
20	51659332	51660439	51660260	23	78	105	0.87425338	0.819315	ZNF217	ENSG00000171940
20	51660624	51660811	51660717	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ZNF217	ENSG00000171940
20	51661151	51662175	51661670	21	68	66	1.208065223	0.135545	ZNF217	ENSG00000171940
20	51662422	51662892	51662601	21	31	50	0.736030644	0.917048	ZNF217	ENSG00000171940
20	51662990	51664015	51663453	23	65	73	1.046232749	0.396231	ZNF217	ENSG00000171940
20	51665477	51666154	51665844	15	33	27	1.424416448	0.0817823	ZNF217	ENSG00000171940
20	51666444	51666629	51666575	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ZNF217	ENSG00000171940
20	51667220	51667584	51667399	12	19	18	1.234788252	0.255641	ZNF217	ENSG00000171940
20	51667692	51668298	51667990	10	25	29	1.016642327	0.478103	ZNF217	ENSG00000171940
20	51669323	51669977	51669619	15	32	42	0.900246784	0.678564	ZNF217	ENSG00000171940
20	51671249	51674582	51673562	84	569	446	1.49583409	7.51E-11	ZNF217	ENSG00000171940
20	51675320	51675551	51675396	9	11	13	1.005470434	0.498567	ZNF217	ENSG00000171940
20	51676404	51676885	51676576	15	26	29	1.055743955	0.421202	ZNF217	ENSG00000171940
20	51676890	51677189	51677017	8	9	8	1.303387599	0.281715	ZNF217	ENSG00000171940
20	51677695	51678383	51678114	21	37	32	1.350783512	0.102597	ZNF217	ENSG00000171940
20	51678804	51679108	51678956	10	13	19	0.821134188	0.720637	ZNF217	ENSG00000171940
20	51679474	51679987	51679812	12	23	28	0.970799039	0.54603	ZNF217	ENSG00000171940

20	51680079	51680335	51680170	9	11	15	0.879786629	0.637414	ZNF217	ENSG00000171940
20	51681474	51681788	51681627	13	15	17	1.042710079	0.454615	ZNF217	ENSG00000171940
20	51681859	51682483	51682034	21	46	52	1.040250858	0.423728	ZNF217	ENSG00000171940
20	51683894	51684611	51684344	19	50	78	0.757284694	0.941876	ZNF217	ENSG00000171940
20	51684799	51685689	51685419	21	60	68	1.037043177	0.419615	ZNF217	ENSG00000171940
20	51686040	51686627	51686448	25	44	35	1.466311049	0.0425671	ZNF217	ENSG00000171940
20	51686799	51687245	51687005	16	24	30	0.946007128	0.585264	ZNF217	ENSG00000171940
20	51687372	51687688	51687517	12	15	17	1.042710079	0.454615	ZNF217	ENSG00000171940
20	51687911	51688324	51688085	16	24	21	1.333010045	0.162162	ZNF217	ENSG00000171940
20	51688371	51690391	51689588	21	130	152	1.00437515	0.486612	ZNF217	ENSG00000171940
20	51690844	51691099	51690967	9	10	19	0.645176862	0.887754	ZNF217	ENSG00000171940
20	51691193	51691378	51691310	8	8	7	1.319679944	0.283403	ZNF217	ENSG00000171940
20	51692016	51692353	51692190	21	26	24	1.266892746	0.197079	ZNF217	ENSG00000171940
20	51692385	51693573	51692954	20	80	83	1.131154238	0.215145	ZNF217	ENSG00000171940
20	51693615	51694361	51693783	12	29	22	1.530063703	0.0607898	ZNF217	ENSG00000171940
20	51694614	51694862	51694739	9	11	12	1.082814313	0.424156	ZNF217	ENSG00000171940
20	51695246	51695973	51695425	14	34	52	0.774654894	0.883466	ZNF217	ENSG00000171940
20	51696708	51696901	51696804	9	10	15	0.806471077	0.716145	ZNF217	ENSG00000171940
20	51697060	51697402	51697231	13	19	15	1.466311049	0.125014	ZNF217	ENSG00000171940
20	51697474	51698395	51697773	23	55	45	1.428059457	0.0360517	ZNF217	ENSG00000171940
20	51699264	51699614	51699439	14	20	13	1.759573259	0.0475388	ZNF217	ENSG00000171940
20	51700832	51701172	51701002	8	14	7	2.199466574	0.0303778	ZNF217	ENSG00000171940
20	51701333	51701535	51701434	10	11	6	2.010940867	0.0640214	ZNF217	ENSG00000171940
20	51701666	51703657	51703325	20	119	147	0.951120681	0.6599	ZNF217	ENSG00000171940
20	51703958	51704150	51704054	8	8	10	0.959767232	0.541959	ZNF217	ENSG00000171940
20	51704281	51704753	51704430	14	26	25	1.218166102	0.236859	ZNF217	ENSG00000171940
20	51704770	51705724	51705050	63	128	93	1.609822343	0.000198866	ZNF217	ENSG00000171940
20	51705888	51709433	51706372	45	274	299	1.075294769	0.192857	ZNF217	ENSG00000171940
20	51709559	51710042	51709869	10	17	28	0.72809928	0.86131	ZNF217	ENSG00000171940
20	51710162	51710534	51710355	14	21	26	0.955817573	0.566095	ZNF217	ENSG00000171940
20	51710557	51712112	51711693	25	116	157	0.86865009	0.877607	ZNF217	ENSG00000171940
20	51712285	51712992	51712582	16	37	35	1.238218219	0.179382	ZNF217	ENSG00000171940
20	51713101	51713329	51713215	11	13	22	0.714029728	0.84749	ZNF217	ENSG00000171940
20	51713338	51713635	51713486	9	14	18	0.926091189	0.59273	ZNF217	ENSG00000171940

20	51713976	51714867	51714206	19	49	62	0.930991142	0.649675	ZNF217	ENSG00000171940
20	51714995	51715400	51715174	14	22	21	1.226369241	0.247426	ZNF217	ENSG00000171940
20	51716015	51716323	51716169	9	13	23	0.68427849	0.878142	ZNF217	ENSG00000171940
20	51716339	51716594	51716466	13	17	21	0.959767232	0.55532	ZNF217	ENSG00000171940
20	51716987	51717449	51717166	19	27	33	0.966040221	0.556918	ZNF217	ENSG00000171940
20	51717979	51718446	51718177	21	31	40	0.915550314	0.649172	ZNF217	ENSG00000171940
20	51718942	51719754	51719217	31	73	52	1.637841776	0.00280329	ZNF217	ENSG00000171940
20	51719909	51720228	51720068	11	14	13	1.256838042	0.269506	ZNF217	ENSG00000171940
20	51721172	51721838	51721486	19	40	43	1.093068237	0.342401	ZNF217	ENSG00000171940
20	51721986	51722408	51722142	10	18	15	1.392995497	0.16305	ZNF217	ENSG00000171940
20	51722416	51723054	51722875	24	42	43	1.146388638	0.26303	ZNF217	ENSG00000171940
20	51723280	51723816	51723549	18	31	27	1.340627245	0.128083	ZNF217	ENSG00000171940
20	51724579	51724842	51724710	8	13	21	0.746485625	0.811212	ZNF217	ENSG00000171940
20	51726423	51727222	51726714	14	36	60	0.711521427	0.95206	ZNF217	ENSG00000171940
20	51727247	51728630	51728128	25	99	137	0.850035391	0.893908	ZNF217	ENSG00000171940
20	51728704	51730393	51729845	53	181	181	1.173048839	0.0641682	ZNF217	ENSG00000171940
20	51730507	51731183	51730671	19	46	40	1.344714523	0.0824098	ZNF217	ENSG00000171940
20	51731207	51731537	51731372	13	17	25	0.812110735	0.75715	ZNF217	ENSG00000171940
20	51731792	51732388	51731971	16	29	26	1.303387599	0.158657	ZNF217	ENSG00000171940
20	51732463	51732995	51732846	11	23	33	0.828034475	0.765279	ZNF217	ENSG00000171940
20	51733529	51733969	51733706	17	30	49	0.72729028	0.92235	ZNF217	ENSG00000171940
20	51734753	51735436	51735133	19	47	49	1.126126886	0.279426	ZNF217	ENSG00000171940
20	51735451	51735686	51735572	13	16	28	0.68764932	0.896593	ZNF217	ENSG00000171940
20	51735769	51736411	51736121	27	50	62	0.949610965	0.610542	ZNF217	ENSG00000171940
20	51737086	51737317	51737179	8	10	16	0.759031602	0.770272	ZNF217	ENSG00000171940
20	51737443	51737754	51737604	16	19	25	0.902345261	0.639556	ZNF217	ENSG00000171940
20	51737906	51738545	51738270	13	35	40	1.029994103	0.450668	ZNF217	ENSG00000171940
20	51739098	51739289	51739135	9	9	11	0.977540699	0.526123	ZNF217	ENSG00000171940
20	51740251	51740807	51740480	12	26	31	0.989759958	0.518595	ZNF217	ENSG00000171940
20	51740903	51742290	51741684	87	234	156	1.755837435	1.58E-08	ZNF217	ENSG00000171940
20	51742333	51743613	51743099	18	83	81	1.201659787	0.118644	ZNF217	ENSG00000171940
20	51744483	51744964	51744650	22	31	26	1.390280106	0.102755	ZNF217	ENSG00000171940
20	51745103	51745383	51745220	12	15	4	3.753756286	0.0020497	ZNF217	ENSG00000171940
20	51745453	51746629	51746463	24	79	77	1.203127015	0.122903	ZNF217	ENSG00000171940

20	51746706	51747081	51746882	8	14	14	1.173048839	0.332418	ZNF217	ENSG00000171940
20	51747943	51748283	51748113	25	30	24	1.454580561	0.0803614	ZNF217	ENSG00000171940
20	51748498	51748809	51748653	18	22	22	1.173048839	0.295277	ZNF217	ENSG00000171940
20	51749101	51750307	51749638	14	57	90	0.747657502	0.960456	ZNF217	ENSG00000171940
20	51750860	51751204	51751032	19	24	24	1.173048839	0.287336	ZNF217	ENSG00000171940
20	51751229	51751934	51751755	12	29	43	0.799806027	0.831697	ZNF217	ENSG00000171940
20	51752426	51752697	51752561	9	12	16	0.897037348	0.621544	ZNF217	ENSG00000171940
20	51754769	51754974	51754876	9	9	22	0.510021234	0.969818	ZNF217	ENSG00000171940
20	51755852	51756075	51756005	8	9	11	0.977540699	0.526123	ZNF217	ENSG00000171940
20	51756081	51758928	51758471	30	204	260	0.921360199	0.811169	ZNF217	ENSG00000171940
20	51759793	51760202	51759948	11	17	20	1.005470434	0.496566	ZNF217	ENSG00000171940
20	51760327	51760520	51760423	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF217	ENSG00000171940
20	51761050	51763181	51762382	29	171	164	1.222814548	0.0325131	ZNF217	ENSG00000171940
20	51763256	51765074	51763794	18	110	122	1.05860505	0.332841	ZNF217	ENSG00000171940
20	51765174	51765771	51765401	29	57	44	1.511929615	0.0180861	ZNF217	ENSG00000171940
20	51766241	51766861	51766420	16	37	39	1.114396397	0.317631	ZNF217	ENSG00000171940
20	51767194	51767406	51767300	10	12	15	0.953102182	0.555895	ZNF217	ENSG00000171940
20	51767915	51769205	51768510	16	70	94	0.876699659	0.801632	ZNF217	ENSG00000171940
20	51769453	51769826	51769632	12	20	29	0.821134188	0.760976	ZNF217	ENSG00000171940
20	51770729	51771435	51771058	13	33	32	1.208595774	0.219635	ZNF217	ENSG00000171940
20	51771447	51771764	51771605	9	14	13	1.256838042	0.269506	ZNF217	ENSG00000171940
20	51772069	51772490	51772279	13	22	36	0.729192522	0.888257	ZNF217	ENSG00000171940
20	51772499	51773356	51772835	11	35	73	0.570672408	0.997824	ZNF217	ENSG00000171940
20	51773434	51774040	51773837	23	43	54	0.938439071	0.625965	ZNF217	ENSG00000171940
20	51774182	51774456	51774282	11	15	10	1.706252857	0.0822346	ZNF217	ENSG00000171940
20	51774936	51775543	51775315	29	59	41	1.675784056	0.00470562	ZNF217	ENSG00000171940
20	51775999	51776345	51776172	17	22	37	0.710003245	0.907893	ZNF217	ENSG00000171940
20	51776629	51776992	51776813	11	18	21	1.013087634	0.486601	ZNF217	ENSG00000171940
20	51777001	51777214	51777107	11	13	11	1.368556979	0.211388	ZNF217	ENSG00000171940
20	51777513	51778856	51778023	22	85	78	1.276989876	0.058261	ZNF217	ENSG00000171940
20	51779128	51779330	51779245	9	10	9	1.290353723	0.279648	ZNF217	ENSG00000171940
20	51779531	51779975	51779717	20	31	43	0.853126429	0.756848	ZNF217	ENSG00000171940
20	51780331	51780960	51780792	18	38	41	1.089259637	0.351868	ZNF217	ENSG00000171940
20	51781338	51781982	51781517	10	27	52	0.619723915	0.98246	ZNF217	ENSG00000171940

20	51782497	51782861	51782676	11	18	19	1.114396397	0.369586	ZNF217	ENSG00000171940
20	51782870	51783636	51783166	18	42	68	0.731030436	0.949539	ZNF217	ENSG00000171940
20	51783857	51784698	51784474	24	69	68	1.190049547	0.152967	ZNF217	ENSG00000171940
20	51785419	51786145	51785626	13	34	81	0.500691578	0.999827		ENSG00000149617
20	51786159	51786500	51786336	24	29	41	0.837892028	0.774502		ENSG00000149617
20	51786523	51791158	51788602	40	412	450	1.074211021	0.147062		ENSG00000149617
20	51791320	51791564	51791410	16	19	22	1.020042469	0.477122		ENSG00000149617
20	51791592	51792047	51791785	21	34	43	0.933107031	0.623126		ENSG00000149617
20	51792178	51793179	51792737	11	38	57	0.78877422	0.877776		ENSG00000149617
20	51793336	51793974	51793655	19	40	57	0.82922418	0.82418		ENSG00000149617
20	51794215	51795032	51794623	12	39	56	0.823192168	0.830853		ENSG00000149617
20	51795839	51796652	51796352	17	40	47	1.001979217	0.498529		ENSG00000149617
20	51796824	51797259	51797003	15	25	20	1.452346182	0.100215		ENSG00000149617
20	51797900	51800378	51798243	51	212	194	1.281330271	0.00616594		ENSG00000149617
20	51800490	51805353	51801017	80	491	437	1.317671299	1.31E-05		ENSG00000149617
20	51805632	51806976	51806299	22	89	93	1.123131867	0.216316		ENSG00000149617
20	51807406	51807699	51807552	11	15	17	1.042710079	0.454615		ENSG00000149617
20	51807704	51808135	51807883	12	20	33	0.724530165	0.88296		ENSG00000149617
20	51808484	51809075	51808771	20	37	54	0.810470107	0.844193		ENSG00000149617
20	51809800	51810692	51810372	19	57	60	1.115357913	0.276898		ENSG00000149617
20	51810795	51811136	51811002	12	16	24	0.797673211	0.770106		ENSG00000149617
20	51811186	51811693	51811397	16	29	30	1.135208554	0.31157		ENSG00000149617
20	51811797	51812517	51812028	14	32	41	0.921681231	0.640302		ENSG00000149617
20	51813087	51814731	51813684	26	121	177	0.803999766	0.969444		ENSG00000149617
20	51816008	51816748	51816282	20	54	38	1.654299645	0.00750849		ENSG00000149617
20	51816855	51819445	51818403	25	181	203	1.046543572	0.328618		ENSG00000149617
20	51820248	51820614	51820343	11	18	29	0.742930932	0.850763		ENSG00000149617
20	51820884	51821327	51821063	14	22	24	1.079204932	0.398105		ENSG00000149617
20	51821468	51822026	51821824	12	26	42	0.73656555	0.89825		ENSG00000149617
20	51822227	51822742	51822473	19	31	34	1.072501796	0.389251		ENSG00000149617
20	51822886	51823112	51822965	11	14	15	1.099733287	0.398076		ENSG00000149617
20	51823185	51825373	51823865	35	214	225	1.115953542	0.12521		ENSG00000149617
20	51825614	51826001	51825902	12	21	51	0.496289894	0.99806		ENSG00000149617
20	51826254	51826906	51826424	14	32	35	1.075294769	0.383446		ENSG00000149617

20	51827210	51827492	51827336	8	11	20	0.670313622	0.874201	ENSG00000149617
20	51827519	51829003	51828330	38	121	103	1.376076523	0.00824392	ENSG00000149617
20	51829253	51830314	51830135	20	62	55	1.319679944	0.0652059	ENSG00000149617
20	51830953	51831200	51831076	8	10	14	0.860235815	0.65444	ENSG00000149617
20	51831597	51831952	51831799	8	12	18	0.802612364	0.736387	ENSG00000149617
20	51832476	51833376	51832655	13	43	60	0.846133589	0.804198	ENSG00000149617
20	51833841	51834085	51833985	9	12	17	0.84720194	0.681997	ENSG00000149617
20	51834147	51835066	51834836	12	42	49	1.008822002	0.485288	ENSG00000149617
20	51835100	51838316	51836202	218	615	322	2.237145774	7.18E-34	ENSG00000149617
20	51839104	51839299	51839216	8	9	12	0.902345261	0.602772	ENSG00000149617
20	51839439	51841493	51841193	80	318	222	1.678038474	1.04E-09	ENSG00000149617
20	51841526	51841734	51841630	8	9	12	0.902345261	0.602772	ENSG00000149617
20	51841952	51842566	51842272	33	55	43	1.49297125	0.0226542	ENSG00000149617
20	51842667	51843577	51843160	24	71	85	0.9820874	0.546857	ENSG00000149617
20	51843582	51845046	51843921	292	489	117	4.871135011	2.77E-69	ENSG00000149617
20	51845169	51845496	51845319	16	21	16	1.518063204	0.0959332	ENSG00000149617
20	51845770	51846315	51846057	12	21	18	1.358267077	0.163254	ENSG00000149617
20	51846417	51846825	51846566	12	21	13	1.843362462	0.0337179	ENSG00000149617
20	51846840	51848137	51847251	20	74	79	1.099733287	0.278136	ENSG00000149617
20	51848198	51848414	51848328	10	10	20	0.614454154	0.913752	ENSG00000149617
20	51848487	51848688	51848615	9	12	29	0.508321164	0.983999	ENSG00000149617
20	51848766	51849331	51848963	21	43	42	1.200329045	0.197773	ENSG00000149617
20	51849550	51851717	51850680	23	160	179	1.049227017	0.329811	ENSG00000149617
20	51851838	51852600	51851992	13	33	37	1.049570014	0.420838	ENSG00000149617
20	51852679	51853409	51852903	26	58	55	1.235890741	0.12832	ENSG00000149617
20	51853585	51854293	51854098	12	33	38	1.022657962	0.464235	ENSG00000149617
20	51854576	51854817	51854748	9	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000149617
20	51854849	51856760	51855929	162	429	203	2.472602946	8.59E-29	ENSG00000149617
20	51856794	51857397	51856973	27	57	63	1.063075511	0.369367	ENSG00000149617
20	51857838	51858068	51857939	12	13	14	1.094845583	0.406217	ENSG00000149617
20	51858268	51858470	51858342	8	8	19	0.527871978	0.95364	ENSG00000149617
20	51858747	51859722	51859026	21	63	111	0.670313622	0.995367	ENSG00000149617
20	51859912	51861167	51860481	19	68	78	1.024561644	0.443045	ENSG00000149617
20	51861435	51862070	51861636	20	50	39	1.49563727	0.0275357	ENSG00000149617

20	51862655	51863029	51862839	11	20	18	1.296527665	0.205827	ENSG00000149617
20	51863050	51864314	51863352	23	79	99	0.938439071	0.666044	ENSG00000149617
20	51864488	51864667	51864638	8	8	12	0.812110735	0.692685	ENSG00000149617
20	51864695	51865356	51864874	20	43	55	0.921681231	0.66001	ENSG00000149617
20	51867308	51867490	51867414	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000149617
20	51868602	51868896	51868749	8	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000149617
20	51869093	51870915	51869759	74	248	73	3.947150824	1.68E-30	ENSG00000149617
20	51871160	51871377	51871224	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000149617
20	51871445	51872092	51871938	19	35	30	1.362250265	0.102862	ENSG00000149617
20	51872513	51873880	51873532	22	87	80	1.27442343	0.0575861	ENSG00000149617
20	51874335	51875041	51874700	11	35	63	0.659839972	0.979437	ENSG00000149617
20	51875173	51876579	51875814	25	92	111	0.974049483	0.575973	ENSG00000149617
20	51876582	51880246	51878819	38	344	341	1.183338741	0.0137478	ENSG00000149617
20	51880282	51880528	51880408	16	18	27	0.795997427	0.784443	ENSG00000149617
20	51880598	51880865	51880721	14	16	7	2.492728784	0.0124193	ENSG00000149617
20	51880979	51881460	51881158	10	20	15	1.539626602	0.0943825	ENSG00000149617
20	51881760	51882884	51882552	21	76	79	1.129059508	0.22435	ENSG00000149617
20	51883008	51884652	51883815	21	95	113	0.987830602	0.536754	ENSG00000149617
20	51884701	51885026	51884863	12	17	15	1.319679944	0.209239	ENSG00000149617
20	51885229	51885966	51885789	15	39	39	1.173048839	0.238487	ENSG00000149617
20	51886557	51887501	51886995	18	64	69	1.089259637	0.311015	ENSG00000149617
20	51888255	51888832	51888561	23	39	30	1.513611406	0.0404707	ENSG00000149617
20	51889235	51890234	51889681	17	59	66	1.050491498	0.392358	ENSG00000149617
20	51890360	51890757	51890539	17	27	27	1.173048839	0.276183	ENSG00000149617
20	51890783	51891070	51890926	9	13	21	0.746485625	0.811212	ENSG00000149617
20	51891923	51892296	51892132	9	16	18	1.049570014	0.445264	ENSG00000149617
20	51892386	51892984	51892782	9	26	46	0.67387912	0.953019	ENSG00000149617
20	51893494	51893968	51893839	9	20	22	1.071044592	0.412397	ENSG00000149617
20	51894108	51894721	51894331	15	33	31	1.246364392	0.185828	ENSG00000149617
20	51895121	51895357	51895239	9	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000149617
20	51895920	51897398	51896119	26	121	84	1.683670099	9.64E-05	ENSG00000149617
20	51897401	51898754	51898020	24	97	141	0.809568917	0.947803	ENSG00000149617
20	51899251	51900067	51899453	17	50	51	1.150490208	0.239308	ENSG00000149617
20	51900177	51900718	51900462	22	37	38	1.142970664	0.279954	ENSG00000149617



20	51901471	51902487	51901900	31	101	93	1.272882783	0.0456959	ENSG00000149617
20	51902579	51903525	51903346	25	68	69	1.156290999	0.196676	ENSG00000149617
20	51905178	51905456	51905300	9	10	15	0.806471077	0.716145	ENSG00000149617
20	51905855	51907183	51906548	18	76	139	0.645176862	0.999193	ENSG00000149617
20	51907432	51908338	51907874	21	66	88	0.88308171	0.78145	ENSG00000149617
20	51909101	51909387	51909244	10	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000149617
20	51909453	51911182	51910014	17	95	112	0.996572465	0.511358	ENSG00000149617
20	51911239	51911561	51911399	12	15	19	0.938439071	0.579569	ENSG00000149617
20	51911702	51912271	51911860	13	30	55	0.649366322	0.976014	ENSG00000149617
20	51912616	51918334	51916331	195	1379	759	2.130009735	2.15E-66	ENSG00000149617
20	51919295	51921069	51919876	127	284	178	1.867703459	1.37E-11	ENSG00000149617
20	51921278	51922176	51921670	20	50	72	0.819527271	0.865353	ENSG00000149617
20	51922179	51922829	51922424	14	37	64	0.685782398	0.970342	ENSG00000149617
20	51923125	51924029	51923483	22	60	50	1.403058416	0.0366273	ENSG00000149617
20	51924100	51924543	51924365	12	19	28	0.8089992	0.772581	ENSG00000149617
20	51924642	51925012	51924841	18	24	28	1.011248999	0.486424	ENSG00000149617
20	51925313	51926168	51925492	12	36	58	0.735640798	0.931974	ENSG00000149617
20	51926327	51926842	51926513	12	26	28	1.092148919	0.372696	ENSG00000149617
20	51927020	51927315	51927184	11	15	27	0.670313622	0.906047	ENSG00000149617
20	51927318	51927501	51927413	8	9	14	0.78203256	0.734892	ENSG00000149617
20	51927607	51928151	51927868	10	24	35	0.81461725	0.78935	ENSG00000149617
20	51928225	51929411	51928836	21	76	92	0.971233985	0.576943	ENSG00000149617
20	51929719	51930326	51930119	28	52	44	1.381590855	0.0548442	ENSG00000149617
20	51930349	51930634	51930490	11	13	19	0.821134188	0.720637	ENSG00000149617
20	51931214	51931760	51931482	21	41	24	1.97072205	0.00298351	ENSG00000149617
20	51933359	51933643	51933497	11	15	17	1.042710079	0.454615	ENSG00000149617
20	51933954	51935582	51934593	19	115	122	1.106289962	0.218332	ENSG00000149617
20	51935828	51936542	51936374	11	30	35	1.010125389	0.4861	ENSG00000149617
20	51936821	51937335	51937000	8	19	28	0.8089992	0.772581	ENSG00000149617
20	51937599	51938142	51937862	12	26	15	1.979519916	0.0131534	ENSG00000149617
20	51938645	51939361	51939003	9	29	58	0.596465512	0.991243	ENSG00000149617
20	51939459	51940076	51939716	15	34	42	0.954807195	0.583336	ENSG00000149617
20	51940436	51941086	51940615	19	44	47	1.099733287	0.324779	ENSG00000149617
20	51941232	51942394	51941867	14	61	83	0.865821762	0.8079	ENSG00000149617

20	51942802	51943588	51943221	18	50	42	1.391290484	0.0547394	ENSG00000149617
20	51944818	51946004	51945435	13	53	81	0.772495577	0.93232	ENSG00000149617
20	51946182	51946970	51946481	17	43	53	0.955817573	0.59057	ENSG00000149617
20	51947071	51947608	51947380	10	20	21	1.119728438	0.357221	ENSG00000149617
20	51947685	51950153	51948355	89	281	204	1.613657428	7.32E-08	ENSG00000149617
20	51950835	51951363	51951168	26	45	51	1.03769705	0.429307	ENSG00000149617
20	51951373	51952480	51951984	15	58	82	0.833853994	0.85981	ENSG00000149617
20	51953420	51954179	51953599	18	45	70	0.760003473	0.929532	ENSG00000149617
20	51954495	51954688	51954626	11	12	13	1.089259637	0.414883	ENSG00000149617
20	51954974	51955428	51955153	20	32	37	1.018700308	0.471311	ENSG00000149617
20	51955442	51955703	51955580	10	12	20	0.726173091	0.825666	ENSG00000149617
20	51955707	51956618	51956163	29	76	53	1.672680752	0.00168889	ENSG00000149617
20	51956789	51957394	51956995	13	30	44	0.808100312	0.823634	ENSG00000149617
20	51957728	51958338	51957921	16	33	51	0.766993472	0.889544	ENSG00000149617
20	51959221	51959670	51959440	12	21	28	0.889899119	0.664396	ENSG00000149617
20	51960302	51960978	51960721	12	33	44	0.886303567	0.70587	ENSG00000149617
20	51961181	51961565	51961327	10	16	32	0.604297887	0.959754	ENSG00000149617
20	51961573	51962744	51962035	19	58	85	0.804766064	0.903299	ENSG00000149617
20	51963283	51963645	51963478	9	14	22	0.765031852	0.797133	ENSG00000149617
20	51964084	51966463	51965870	110	363	245	1.735730803	6.83E-12	ENSG00000149617
20	51966782	51967440	51966961	16	40	52	0.907452876	0.682753	ENSG00000149617
20	51967455	51968391	51968067	19	57	66	1.015475115	0.467671	ENSG00000149617
20	51968660	51969230	51968991	28	45	40	1.316103576	0.100152	ENSG00000149617
20	51969605	51970019	51969807	14	23	23	1.173048839	0.291252	ENSG00000149617
20	51970033	51970501	51970212	13	22	45	0.58652442	0.984656	ENSG00000149617
20	51970613	51972081	51971565	22	102	94	1.271831899	0.04543	ENSG00000149617
20	51972148	51972618	51972327	9	17	17	1.173048839	0.317303	ENSG00000149617
20	51972839	51973396	51973183	14	30	34	1.038986115	0.44061	ENSG00000149617
20	51973427	51974360	51973781	17	54	87	0.733155525	0.966675	ENSG00000149617
20	51975167	51975762	51975479	11	25	39	0.762481746	0.864096	ENSG00000149617
20	51975765	51976405	51976085	10	28	38	0.872267086	0.715311	ENSG00000149617
20	51976484	51977135	51976638	14	32	53	0.71686318	0.937832	ENSG00000149617
20	51977507	51978255	51977938	14	36	53	0.803755686	0.85085	ENSG00000149617
20	51979212	51981318	51979391	22	132	173	0.896640779	0.829871	ENSG00000149617

20	51981588	51981958	51981767	20	27	15	2.052835469	0.00908649	ENSG00000149617
20	51982372	51982692	51982532	12	16	13	1.424416448	0.161813	ENSG00000149617
20	51983081	51983951	51983513	21	61	66	1.085507881	0.322005	ENSG00000149617
20	51983970	51984933	51984650	15	52	83	0.740137958	0.959238	ENSG00000149617
20	51985044	51986045	51985848	23	61	52	1.372245812	0.0449213	ENSG00000149617
20	51986095	51986437	51986325	8	13	13	1.173048839	0.337862	ENSG00000149617
20	51986712	51990888	51990009	121	453	351	1.512966401	2.29E-09	ENSG00000149617
20	51991128	51991788	51991307	15	35	54	0.767813786	0.894997	ENSG00000149617
20	51991823	51992836	51992636	19	55	83	0.78203256	0.925636	ENSG00000149617
20	51992858	51993379	51993200	13	26	35	0.879786629	0.696575	ENSG00000149617
20	51993525	51994416	51993919	38	98	104	1.106017477	0.23683	ENSG00000149617
20	51994565	51995198	51994844	16	40	61	0.775725845	0.899988	ENSG00000149617
20	51995519	51995953	51995634	12	18	30	0.718965418	0.877492	ENSG00000149617
20	51996121	51996381	51996251	13	15	26	0.695140053	0.88251	ENSG00000149617
20	51996993	52000928	51997517	23	213	227	1.101019525	0.156526	ENSG00000149617
20	52000957	52001246	52001101	11	14	15	1.099733287	0.398076	ENSG00000149617
20	52001348	52001978	52001718	13	30	38	0.932423436	0.617637	ENSG00000149617
20	52002049	52003494	52002294	19	87	105	0.973851867	0.574572	ENSG00000149617
20	52003512	52004106	52003629	11	28	49	0.680368327	0.954371	ENSG00000149617
20	52004134	52004425	52004288	13	18	28	0.76854924	0.819816	ENSG00000149617
20	52004515	52005682	52004842	17	64	97	0.778042598	0.943928	ENSG00000149617
20	52005960	52006598	52006345	18	35	46	0.898505494	0.688843	ENSG00000149617
20	52006802	52007190	52006879	15	23	44	0.625626048	0.97199	ENSG00000149617
20	52007275	52008457	52007951	29	85	89	1.120913335	0.225365	ENSG00000149617
20	52008520	52009019	52008867	15	25	33	0.897037348	0.665614	ENSG00000149617
20	52009604	52010468	52010289	19	52	86	0.71461596	0.975061	ENSG00000149617
20	52011392	52012011	52011674	16	34	35	1.140464149	0.29107	ENSG00000149617
20	52012015	52012272	52012141	10	13	15	1.026417734	0.475096	ENSG00000149617
20	52012552	52012764	52012642	9	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000149617
20	52013502	52014973	52013667	18	83	106	0.920898154	0.716088	ENSG00000149617
20	52015028	52015299	52015163	9	11	28	0.48539952	0.987025	ENSG00000149617
20	52015531	52015971	52015709	10	19	23	0.977540699	0.533404	ENSG00000149617
20	52016572	52018046	52017341	15	71	88	0.948983331	0.631455	ENSG00000149617
20	52018208	52018450	52018330	10	12	32	0.462110149	0.993811	ENSG00000149617

20	52018522	52019201	52019022	20	43	70	0.726959844	0.954567	ENSG00000149617
20	52019426	52020019	52019605	15	28	36	0.919416658	0.636093	ENSG00000149617
20	52020158	52021758	52021172	14	70	107	0.771170996	0.957447	ENSG00000149617
20	52022133	52022941	52022412	16	44	44	1.173048839	0.225251	ENSG00000149617
20	52023458	52023751	52023604	15	17	28	0.72809928	0.86131 BCAS1	ENSG00000064787
20	52024331	52024935	52024556	16	31	38	0.962501612	0.56656 BCAS1	ENSG00000064787
20	52024938	52025465	52025286	15	30	45	0.790532913	0.84847 BCAS1	ENSG00000064787
20	52025810	52026211	52026033	13	23	37	0.740872951	0.880242 BCAS1	ENSG00000064787
20	52026417	52026898	52026574	11	19	24	0.938439071	0.587839 BCAS1	ENSG00000064787
20	52027141	52027410	52027279	12	14	19	0.879786629	0.651591 BCAS1	ENSG00000064787
20	52028652	52029412	52028831	15	47	67	0.828034475	0.84479 BCAS1	ENSG00000064787
20	52029429	52029714	52029571	9	13	28	0.56629944	0.965798 BCAS1	ENSG00000064787
20	52029881	52030203	52030029	8	13	35	0.45618566	0.995909 BCAS1	ENSG00000064787
20	52030925	52031780	52031120	11	36	68	0.629026189	0.990208 BCAS1	ENSG00000064787
20	52031827	52032574	52032031	12	36	38	1.112892489	0.321968 BCAS1	ENSG00000064787
20	52032720	52033741	52033217	14	50	66	0.892917773	0.731709 BCAS1	ENSG00000064787
20	52034188	52035126	52034854	12	44	64	0.812110735	0.861774 BCAS1	ENSG00000064787
20	52035203	52035792	52035434	8	22	30	0.870326558	0.697587 BCAS1	ENSG00000064787
20	52035796	52036368	52035975	13	31	54	0.682501143	0.960526 BCAS1	ENSG00000064787
20	52036419	52036645	52036596	9	12	10	1.386330446	0.21117 BCAS1	ENSG00000064787
20	52036841	52037094	52036990	11	12	34	0.435703855	0.996825 BCAS1	ENSG00000064787
20	52037140	52038811	52037889	20	86	147	0.689562493	0.997422 BCAS1	ENSG00000064787
20	52039118	52039826	52039592	19	39	34	1.340627245	0.102169 BCAS1	ENSG00000064787
20	52040020	52040481	52040199	13	22	24	1.079204932	0.398105 BCAS1	ENSG00000064787
20	52040664	52041775	52041030	19	62	85	0.859326475	0.822345 BCAS1	ENSG00000064787
20	52041871	52042084	52041977	8	8	10	0.959767232	0.541959 BCAS1	ENSG00000064787
20	52042163	52044602	52043229	19	136	144	1.108328903	0.194687 BCAS1	ENSG00000064787
20	52044641	52045088	52044793	10	18	22	0.969040346	0.544098 BCAS1	ENSG00000064787
20	52045305	52045657	52045481	10	16	31	0.623182196	0.948409 BCAS1	ENSG00000064787
20	52045660	52046316	52045948	13	30	54	0.661172982	0.970431 BCAS1	ENSG00000064787
20	52046359	52047275	52046801	14	48	57	0.991024019	0.520661 BCAS1	ENSG00000064787
20	52047320	52047851	52047693	15	26	22	1.377057333	0.128834 BCAS1	ENSG00000064787
20	52047866	52048198	52048032	14	19	19	1.173048839	0.308076 BCAS1	ENSG00000064787
20	52049293	52049713	52049614	9	15	29	0.625626048	0.94154 BCAS1	ENSG00000064787

20	52049879	52050253	52050088	8	13	18	0.864351776	0.666373	BCAS1	ENSG00000064787
20	52050322	52050544	52050433	9	12	16	0.897037348	0.621544	BCAS1	ENSG00000064787
20	52051803	52052196	52052028	9	17	40	0.514997051	0.993	BCAS1	ENSG00000064787
20	52052223	52052567	52052395	11	17	34	0.60328226	0.964376	BCAS1	ENSG00000064787
20	52053372	52053686	52053538	9	13	31	0.513208867	0.98562	BCAS1	ENSG00000064787
20	52053880	52054113	52053992	10	11	27	0.502735217	0.982212	BCAS1	ENSG00000064787
20	52054182	52054409	52054271	9	9	11	0.977540699	0.526123	BCAS1	ENSG00000064787
20	52054436	52055202	52054593	13	36	28	1.496648519	0.0507654	BCAS1	ENSG00000064787
20	52055431	52055830	52055610	10	17	19	1.055743955	0.436418	BCAS1	ENSG00000064787
20	52055851	52056269	52056030	10	19	29	0.78203256	0.808559	BCAS1	ENSG00000064787
20	52056630	52056931	52056780	14	15	17	1.042710079	0.454615	BCAS1	ENSG00000064787
20	52056971	52057288	52057129	15	17	18	1.111309427	0.376188	BCAS1	ENSG00000064787
20	52057517	52057929	52057871	11	20	24	0.985361025	0.523192	BCAS1	ENSG00000064787
20	52057936	52058156	52057996	10	12	19	0.762481746	0.784291	BCAS1	ENSG00000064787
20	52060789	52061050	52060920	8	10	19	0.645176862	0.887754	BCAS1	ENSG00000064787
20	52061331	52061578	52061465	8	9	12	0.902345261	0.602772	BCAS1	ENSG00000064787
20	52061620	52061835	52061754	8	11	12	1.082814313	0.424156	BCAS1	ENSG00000064787
20	52061848	52062321	52062014	12	21	27	0.921681231	0.616644	BCAS1	ENSG00000064787
20	52062437	52063019	52062686	15	29	31	1.099733287	0.355847	BCAS1	ENSG00000064787
20	52063131	52063726	52063285	12	28	35	0.944956009	0.592981	BCAS1	ENSG00000064787
20	52063877	52064277	52064171	13	21	28	0.889899119	0.664396	BCAS1	ENSG00000064787
20	52064389	52066169	52065279	63	160	87	2.146146172	1.62E-09	BCAS1	ENSG00000064787
20	52066412	52067290	52066706	11	36	52	0.818920888	0.828269	BCAS1	ENSG00000064787
20	52067725	52068253	52067900	18	34	29	1.368556979	0.102922	BCAS1	ENSG00000064787
20	52068642	52068910	52068776	13	17	24	0.844595164	0.713005	BCAS1	ENSG00000064787
20	52070056	52070334	52070185	8	11	13	1.005470434	0.498567	BCAS1	ENSG00000064787
20	52071754	52072173	52071888	13	21	16	1.518063204	0.0959332	BCAS1	ENSG00000064787
20	52072479	52072710	52072559	8	10	11	1.075294769	0.434143	BCAS1	ENSG00000064787
20	52072760	52073112	52072936	16	22	23	1.124171804	0.345816	BCAS1	ENSG00000064787
20	52073211	52073898	52073726	11	29	46	0.748754578	0.896605	BCAS1	ENSG00000064787
20	52074384	52074900	52074588	11	21	34	0.737344985	0.874215	BCAS1	ENSG00000064787
20	52074988	52075265	52075122	10	11	17	0.78203256	0.752912	BCAS1	ENSG00000064787
20	52075572	52075868	52075721	8	12	15	0.953102182	0.555895	BCAS1	ENSG00000064787
20	52076246	52076670	52076343	9	16	19	0.997091513	0.507069	BCAS1	ENSG00000064787

20	52076807	52077029	52076960	8	10	13	0.921681231	0.585856	BCAS1	ENSG00000064787
20	52078855	52080059	52079404	13	58	48	1.412446562	0.0364407	BCAS1	ENSG00000064787
20	52080856	52081078	52081034	9	12	23	0.635401455	0.914098	BCAS1	ENSG00000064787
20	52081279	52081486	52081380	9	10	22	0.561023358	0.950736	BCAS1	ENSG00000064787
20	52081539	52081883	52081711	10	16	24	0.797673211	0.770106	BCAS1	ENSG00000064787
20	52086329	52086685	52086507	11	15	21	0.853126429	0.691243	BCAS1	ENSG00000064787
20	52087604	52087823	52087719	8	10	29	0.430117908	0.994811	BCAS1	ENSG00000064787
20	52088066	52088396	52088231	9	15	27	0.670313622	0.906047	BCAS1	ENSG00000064787
20	52088757	52089257	52088873	14	23	42	0.654724934	0.956152	BCAS1	ENSG00000064787
20	52089284	52089711	52089532	9	18	22	0.969040346	0.544098	BCAS1	ENSG00000064787
20	52091179	52091442	52091338	11	14	21	0.799806027	0.754204	BCAS1	ENSG00000064787
20	52092620	52092843	52092675	8	11	21	0.639844821	0.901936	BCAS1	ENSG00000064787
20	52093080	52093334	52093179	11	13	15	1.026417734	0.475096	BCAS1	ENSG00000064787
20	52093411	52093797	52093618	13	20	22	1.071044592	0.412397	BCAS1	ENSG00000064787
20	52093818	52094543	52094275	11	28	29	1.133947211	0.316017	BCAS1	ENSG00000064787
20	52095410	52095643	52095526	8	10	17	0.71686318	0.816679	BCAS1	ENSG00000064787
20	52096405	52096670	52096527	9	10	8	1.433726359	0.209175	BCAS1	ENSG00000064787
20	52096764	52097318	52096936	14	26	26	1.173048839	0.279807	BCAS1	ENSG00000064787
20	52097320	52097776	52097477	10	19	25	0.902345261	0.639556	BCAS1	ENSG00000064787
20	52098721	52099164	52098887	10	17	14	1.407658607	0.162567	BCAS1	ENSG00000064787
20	52099679	52100676	52099857	12	41	55	0.879786629	0.738024	BCAS1	ENSG00000064787
20	52101077	52101646	52101452	10	23	26	1.042710079	0.443237	BCAS1	ENSG00000064787
20	52102905	52103084	52102994	9	9	14	0.78203256	0.734892	BCAS1	ENSG00000064787
20	52103365	52103556	52103416	8	11	10	1.279689643	0.277323	BCAS1	ENSG00000064787
20	52103575	52103772	52103693	8	9	11	0.977540699	0.526123	BCAS1	ENSG00000064787
20	52106564	52107228	52106652	11	28	37	0.895221483	0.676978	BCAS1	ENSG00000064787
20	52107601	52108396	52108217	14	37	41	1.061329902	0.396992	BCAS1	ENSG00000064787
20	52109863	52110170	52110040	11	15	31	0.58652442	0.964845	BCAS1	ENSG00000064787
20	52111031	52111250	52111140	10	10	26	0.477908786	0.985694	BCAS1	ENSG00000064787
20	52111390	52111646	52111563	9	11	30	0.454083422	0.993251	BCAS1	ENSG00000064787
20	52112577	52113695	52112863	49	109	105	1.217314833	0.0744125	BCAS1	ENSG00000064787
20	52113969	52114159	52114064	8	8	25	0.406055367	0.994096	BCAS1	ENSG00000064787
20	52114260	52114934	52114758	19	42	35	1.401141669	0.0669496	BCAS1	ENSG00000064787
20	52115190	52116065	52115676	16	45	46	1.148090353	0.253698	BCAS1	ENSG00000064787

20	52116356	52116955	52116480	9	21	41	0.614454154	0.971896	BCAS1	ENSG00000064787
20	52117428	52119501	52117779	74	224	155	1.691897364	1.68E-07	BCAS1	ENSG00000064787
20	52119533	52121508	52120664	43	185	115	1.880923139	2.77E-08	BCAS1	ENSG00000064787
20	52121582	52121921	52121751	16	21	31	0.806471077	0.786558	BCAS1	ENSG00000064787
20	52123131	52123508	52123292	8	14	17	0.977540699	0.52995	BCAS1	ENSG00000064787
20	52123598	52124293	52123945	14	28	54	0.618516661	0.984374	BCAS1	ENSG00000064787
20	52124514	52125038	52124871	15	30	21	1.652932455	0.0339016	BCAS1	ENSG00000064787
20	52125131	52125725	52125456	13	30	42	0.845686373	0.765623	BCAS1	ENSG00000064787
20	52126071	52126589	52126411	29	50	44	1.329455351	0.0815422	BCAS1	ENSG00000064787
20	52126820	52127346	52127171	12	23	35	0.78203256	0.829742	BCAS1	ENSG00000064787
20	52128190	52128597	52128418	8	16	29	0.664727676	0.917277	BCAS1	ENSG00000064787
20	52128606	52128976	52128785	10	18	23	0.928663664	0.599426	BCAS1	ENSG00000064787
20	52128984	52129368	52129189	10	18	23	0.928663664	0.599426	BCAS1	ENSG00000064787
20	52129732	52130050	52129885	9	13	17	0.912371319	0.606688	BCAS1	ENSG00000064787
20	52130311	52131026	52130895	14	31	33	1.104045966	0.345468	BCAS1	ENSG00000064787
20	52131257	52131752	52131436	10	21	23	1.075294769	0.4051	BCAS1	ENSG00000064787
20	52132128	52132943	52132307	15	36	33	1.276553149	0.151977	BCAS1	ENSG00000064787
20	52133700	52133906	52133768	9	10	25	0.496289894	0.980252	BCAS1	ENSG00000064787
20	52134007	52136391	52135200	51	205	132	1.816902714	2.53E-08	BCAS1	ENSG00000064787
20	52136399	52136691	52136545	12	17	19	1.055743955	0.436418	BCAS1	ENSG00000064787
20	52136709	52137328	52137229	13	32	36	1.046232749	0.427232	BCAS1	ENSG00000064787
20	52137567	52138036	52137741	17	28	20	1.619924588	0.0441949	BCAS1	ENSG00000064787
20	52138053	52139011	52138463	12	41	53	0.912371319	0.675066	BCAS1	ENSG00000064787
20	52139022	52139284	52139157	11	14	10	1.599612054	0.114822	BCAS1	ENSG00000064787
20	52139286	52139642	52139464	14	20	15	1.539626602	0.0943825	BCAS1	ENSG00000064787
20	52139739	52140454	52140136	11	32	46	0.823630036	0.807606	BCAS1	ENSG00000064787
20	52140547	52141128	52140726	17	33	42	0.927526989	0.631622	BCAS1	ENSG00000064787
20	52141903	52142581	52142242	14	33	37	1.049570014	0.420838	BCAS1	ENSG00000064787
20	52143379	52143829	52143558	14	24	34	0.837892028	0.754916	BCAS1	ENSG00000064787
20	52144233	52144769	52144549	16	34	26	1.520618866	0.0495232	BCAS1	ENSG00000064787
20	52145775	52146387	52145954	9	23	40	0.686662735	0.933101	BCAS1	ENSG00000064787
20	52146391	52147745	52146851	43	114	80	1.66543971	0.00018996	BCAS1	ENSG00000064787
20	52147883	52148922	52148516	19	55	64	1.010626692	0.478737	BCAS1	ENSG00000064787
20	52148940	52150089	52149788	17	58	51	1.33095926	0.0660785	BCAS1	ENSG00000064787

20	52151733	52153101	52152944	16	72	80	1.057192164	0.366521	BCAS1	ENSG00000064787
20	52153225	52153758	52153535	71	102	58	2.047864923	3.44E-06	BCAS1	ENSG00000064787
20	52153765	52154327	52154115	13	30	30	1.173048839	0.265818	BCAS1	ENSG00000064787
20	52154388	52155066	52154727	9	28	45	0.73953079	0.902928	BCAS1	ENSG00000064787
20	52155177	52155482	52155329	8	13	21	0.746485625	0.811212	BCAS1	ENSG00000064787
20	52155559	52155932	52155736	8	15	25	0.721876209	0.854481	BCAS1	ENSG00000064787
20	52156153	52156419	52156280	14	16	13	1.424416448	0.161813	BCAS1	ENSG00000064787
20	52156645	52156988	52156816	10	13	21	0.746485625	0.811212	BCAS1	ENSG00000064787
20	52157035	52158198	52157314	38	109	80	1.593029288	0.000670839	BCAS1	ENSG00000064787
20	52159155	52159758	52159506	12	32	33	1.138547403	0.298948	BCAS1	ENSG00000064787
20	52159891	52161091	52160112	53	154	65	2.754887426	2.00E-13	BCAS1	ENSG00000064787
20	52161552	52162934	52162106	12	59	86	0.8089992	0.899416	BCAS1	ENSG00000064787
20	52163281	52163757	52163460	8	20	31	0.769813301	0.829881	BCAS1	ENSG00000064787
20	52163978	52164492	52164157	21	34	32	1.244142708	0.184209	BCAS1	ENSG00000064787
20	52164496	52165783	52164675	15	70	78	1.054259083	0.374678	BCAS1	ENSG00000064787
20	52166396	52166834	52166615	12	22	23	1.124171804	0.345816	BCAS1	ENSG00000064787
20	52166843	52167194	52167018	13	19	30	0.756805703	0.840281	BCAS1	ENSG00000064787
20	52167240	52167915	52167757	17	33	41	0.949610965	0.591605	BCAS1	ENSG00000064787
20	52167943	52168904	52168725	12	41	48	1.005470434	0.491834	BCAS1	ENSG00000064787
20	52169972	52170288	52170130	10	15	21	0.853126429	0.691243	BCAS1	ENSG00000064787
20	52171029	52171356	52171192	9	14	19	0.879786629	0.651591	BCAS1	ENSG00000064787
20	52171463	52172034	52171671	12	29	34	1.005470434	0.493838	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52172178	52172540	52172373	12	17	27	0.754102825	0.831231	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52172640	52174552	52173845	147	432	164	3.07836453	1.96E-39	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52174626	52174825	52174743	8	9	4	2.346097679	0.050148	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52174862	52175272	52175058	14	23	25	1.082814313	0.391389	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52175436	52175768	52175602	12	14	19	0.879786629	0.651591	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52176607	52178447	52177120	23	103	106	1.14015962	0.171018	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52178533	52178839	52178702	14	16	21	0.90644683	0.624241	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52178997	52179181	52179089	8	8	9	1.055743955	0.456865	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52179425	52179899	52179599	11	23	27	1.005470434	0.495068	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52180218	52180528	52180373	11	15	36	0.507264363	0.991368	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52180586	52180923	52180754	11	15	25	0.721876209	0.854481	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52181508	52181759	52181661	9	11	18	0.740872951	0.800189	CYP24A1	ENSG00000019186



20	52182037	52182224	52182121	9	9	21	0.533204018	0.958771	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52182535	52183871	52182900	31	104	95	1.283022168	0.0387161	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52183876	52185143	52184964	13	55	61	1.059527984	0.378399	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52185158	52185384	52185271	13	15	15	1.173048839	0.32719	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52186440	52186739	52186645	9	13	24	0.65690735	0.903651	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52186863	52187398	52187125	13	28	28	1.173048839	0.272646	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52187485	52187852	52187637	11	17	22	0.918038222	0.611544	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52188840	52189038	52188939	8	10	13	0.921681231	0.585856	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52189348	52189584	52189482	8	10	18	0.679133539	0.855647	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52189938	52190329	52190207	9	15	27	0.670313622	0.906047	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52190514	52190756	52190646	8	10	21	0.58652442	0.934469	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52190912	52191263	52191085	8	13	25	0.631641683	0.924582	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52191437	52191877	52191593	11	19	31	0.733155525	0.8679	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52193175	52193471	52193351	8	11	14	0.938439071	0.570297	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52193914	52194272	52194093	12	17	18	1.111309427	0.376188	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52194929	52195196	52195078	8	9	25	0.451172631	0.988793	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52195600	52196063	52195772	11	19	32	0.71093869	0.891662	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52196224	52196481	52196342	13	16	25	0.766993472	0.808934	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52196575	52197118	52196939	13	27	37	0.864351776	0.724938	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52197262	52197568	52197475	9	13	17	0.912371319	0.606688	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52198208	52198640	52198387	14	21	42	0.600164522	0.977922	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52198720	52200361	52199221	87	208	146	1.667804132	7.93E-07	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52200535	52200953	52200705	11	19	25	0.902345261	0.639556	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52201274	52201537	52201405	8	10	9	1.290353723	0.279648	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52201680	52203355	52202183	20	97	85	1.336730073	0.0245617	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52203829	52204164	52203996	10	15	22	0.816033975	0.739972	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52204175	52204709	52204530	9	20	53	0.45618566	0.999372	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52204954	52205483	52205307	12	23	41	0.670313622	0.94566	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52206055	52207859	52206566	24	94	87	1.266359542	0.055205	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52207941	52208498	52208393	14	27	31	1.026417734	0.462337	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52208601	52208830	52208705	9	11	22	0.612025481	0.924393	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52208847	52209315	52209136	9	19	25	0.902345261	0.639556	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52209483	52209677	52209602	8	8	8	1.173048839	0.36929	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52209963	52210359	52210126	13	21	29	0.860235815	0.708841	CYP24A1	ENSG00000019186

20	52210378	52210562	52210492	10	12	28	0.52584948	0.978365	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52210571	52210929	52210750	22	28	21	1.546291652	0.0598186	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52210931	52211619	52211444	15	32	41	0.921681231	0.640302	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52211629	52212952	52212137	14	63	79	0.938439071	0.64982	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52212977	52213246	52213129	11	13	23	0.68427849	0.878142	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52214169	52214413	52214280	9	12	20	0.726173091	0.825666	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52214421	52214766	52214593	20	26	22	1.377057333	0.128834	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52215619	52216650	52216058	13	40	59	0.801583374	0.866067	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52216977	52217410	52217156	10	18	26	0.825478813	0.744556	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52217745	52218570	52218161	13	41	35	1.368556979	0.0829439	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52219096	52219326	52219266	12	14	16	1.035043094	0.464533	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52219587	52220200	52219873	13	31	42	0.872966578	0.723447	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52220221	52220792	52220630	15	28	36	0.919416658	0.636093	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52220939	52222190	52221881	15	61	85	0.845686373	0.845495	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52222232	52223250	52222646	21	61	64	1.118908124	0.264408	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52223297	52225245	52224146	21	123	99	1.454580561	0.00255331	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52226431	52227117	52226706	17	31	34	1.072501796	0.389251	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52227336	52227737	52227502	15	23	32	0.853126429	0.727681	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52228536	52228851	52228693	10	13	25	0.631641683	0.924582	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52228940	52229156	52229048	8	10	18	0.679133539	0.855647	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52229170	52229433	52229301	12	15	13	1.340627245	0.210788	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52229865	52231014	52230577	13	57	57	1.173048839	0.195667	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52231329	52231973	52231587	21	45	59	0.899337443	0.708798	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52232383	52232728	52232555	11	17	18	1.111309427	0.376188	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52232738	52233109	52232917	13	20	24	0.985361025	0.523192	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52233577	52233866	52233754	11	14	11	1.466311049	0.15926	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52234004	52235296	52234947	27	88	77	1.338478804	0.0298558	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52235377	52236275	52235835	21	53	57	1.092148919	0.321854	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52236608	52237030	52236869	12	20	39	0.615850641	0.968328	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52237470	52237764	52237617	11	16	15	1.246364392	0.263987	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52238097	52238928	52238541	17	49	57	1.011248999	0.478845	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52239142	52239495	52239318	13	17	26	0.78203256	0.796561	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52239555	52240566	52240167	22	60	45	1.555564765	0.011282	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52241250	52241777	52241598	16	30	25	1.398635155	0.102563	PFDN4	ENSG000000101132

20	52241892	52242237	52242064	13	18	16	1.311054585	0.208218	PFDN4	ENSG00000101132
20	52242631	52244157	52242805	15	69	82	0.989318298	0.528174	PFDN4	ENSG00000101132
20	52244582	52246230	52245436	28	135	112	1.411810992	0.0032812	PFDN4	ENSG00000101132
20	52246250	52246520	52246402	12	16	18	1.049570014	0.445264	PFDN4	ENSG00000101132
20	52247047	52247495	52247271	19	30	39	0.90911285	0.658237	PFDN4	ENSG00000101132
20	52247606	52248724	52248132	29	67	54	1.450314929	0.0197064	PFDN4	ENSG00000101132
20	52248742	52248980	52248919	9	12	12	1.173048839	0.343543	PFDN4	ENSG00000101132
20	52248988	52251684	52251137	97	391	201	2.276411609	5.59E-23	PFDN4	ENSG00000101132
20	52251764	52252028	52251893	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PFDN4	ENSG00000101132
20	52254007	52254270	52254176	9	13	13	1.173048839	0.337862	PFDN4	ENSG00000101132
20	52254435	52255137	52254972	10	25	21	1.386330446	0.128722	PFDN4	ENSG00000101132
20	52256040	52256690	52256515	9	24	26	1.086156333	0.384927	PFDN4	ENSG00000101132
20	52257163	52259679	52257886	57	238	146	1.907201854	1.79E-10	PFDN4	ENSG00000101132
20	52259688	52259900	52259794	8	12	15	0.953102182	0.555895	PFDN4	ENSG00000101132
20	52259969	52260472	52260220	13	24	28	1.011248999	0.486424	PFDN4	ENSG00000101132
20	52261126	52261341	52261254	8	10	11	1.075294769	0.434143	PFDN4	ENSG00000101132
20	52262199	52262674	52262331	13	21	32	0.78203256	0.819578	PFDN4	ENSG00000101132
20	52262850	52263113	52263009	8	12	11	1.270802909	0.274822	PFDN4	ENSG00000101132
20	52263119	52263573	52263298	10	20	17	1.368556979	0.163361	PFDN4	ENSG00000101132
20	52264583	52264907	52264745	9	14	17	0.977540699	0.52995	PFDN4	ENSG00000101132
20	52265538	52265988	52265809	12	22	29	0.899337443	0.653223	PFDN4	ENSG00000101132
20	52266933	52267379	52267232	11	17	25	0.812110735	0.75715	PFDN4	ENSG00000101132
20	52267595	52268126	52267952	9	20	20	1.173048839	0.303681	PFDN4	ENSG00000101132
20	52268356	52268633	52268494	11	14	26	0.6516938	0.91539	PFDN4	ENSG00000101132
20	52269569	52270127	52269941	15	32	31	1.209706616	0.221995	PFDN4	ENSG00000101132
20	52270622	52271185	52270831	17	31	40	0.915550314	0.649172	PFDN4	ENSG00000101132
20	52271368	52271687	52271510	8	12	15	0.953102182	0.555895	PFDN4	ENSG00000101132
20	52272387	52272777	52272623	12	20	22	1.071044592	0.412397	PFDN4	ENSG00000101132
20	52272878	52273122	52273047	8	11	13	1.005470434	0.498567	PFDN4	ENSG00000101132
20	52273670	52274157	52273909	8	19	17	1.303387599	0.207073	PFDN4	ENSG00000101132
20	52274210	52274422	52274316	9	10	9	1.290353723	0.279648	PFDN4	ENSG00000101132
20	52274897	52275077	52274992	9	9	7	1.466311049	0.20706	PFDN4	ENSG00000101132
20	52276964	52277206	52277085	11	12	22	0.663027605	0.890045	PFDN4	ENSG00000101132
20	52278811	52279286	52278929	9	19	24	0.938439071	0.587839	PFDN4	ENSG00000101132

20	52279310	52279530	52279374	9	12	24	0.609985396	0.933574	PFDN4	ENSG00000101132
20	52279642	52280063	52279894	12	20	25	0.947462524	0.576741	PFDN4	ENSG00000101132
20	52280187	52280497	52280336	9	13	16	0.966040221	0.542489	PFDN4	ENSG00000101132
20	52281228	52281449	52281360	9	12	13	1.089259637	0.414883	PFDN4	ENSG00000101132
20	52281928	52282442	52282307	8	18	33	0.655527293	0.935584	PFDN4	ENSG00000101132
20	52285175	52285362	52285324	9	12	17	0.84720194	0.681997	PFDN4	ENSG00000101132
20	52286077	52286429	52286253	14	19	19	1.173048839	0.308076	PFDN4	ENSG00000101132
20	52286486	52286680	52286583	8	8	18	0.555654713	0.936835	PFDN4	ENSG00000101132
20	52287121	52287604	52287431	8	18	22	0.969040346	0.544098	PFDN4	ENSG00000101132
20	52288024	52288229	52288191	9	11	14	0.938439071	0.570297	PFDN4	ENSG00000101132
20	52288318	52288601	52288458	9	11	7	1.759573259	0.102361	PFDN4	ENSG00000101132
20	52288775	52289740	52289257	10	36	19	2.170140353	0.00197388	PFDN4	ENSG00000101132
20	52294587	52294768	52294725	8	8	11	0.879786629	0.621301	PFDN4	ENSG00000101132
20	52296576	52297051	52296907	9	17	14	1.407658607	0.162567	PFDN4	ENSG00000101132
20	52297099	52297333	52297232	9	12	8	1.694403879	0.107291	PFDN4	ENSG00000101132
20	52297475	52298281	52297678	16	41	44	1.094845583	0.337839	PFDN4	ENSG00000101132
20	52300709	52301462	52300965	20	45	39	1.349006165	0.082572	PFDN4	ENSG00000101132
20	52301655	52302141	52301881	11	22	23	1.124171804	0.345816	PFDN4	ENSG00000101132
20	52302281	52302562	52302437	9	11	16	0.828034475	0.698553	PFDN4	ENSG00000101132
20	52302614	52303051	52302793	10	20	29	0.821134188	0.760976	PFDN4	ENSG00000101132
20	52303514	52303693	52303603	11	11	6	2.010940867	0.0640214	PFDN4	ENSG00000101132
20	52304720	52304904	52304779	8	8	6	1.508205651	0.203852	PFDN4	ENSG00000101132
20	52305150	52305536	52305329	9	16	23	0.830909595	0.726247	PFDN4	ENSG00000101132
20	52305971	52306660	52306092	13	27	30	1.059527984	0.414378	PFDN4	ENSG00000101132
20	52306791	52307011	52306901	11	14	12	1.353517892	0.211235	PFDN4	ENSG00000101132
20	52307193	52307496	52307357	10	14	17	0.977540699	0.52995	PFDN4	ENSG00000101132
20	52308024	52308366	52308195	8	13	21	0.746485625	0.811212	PFDN4	ENSG00000101132
20	52308570	52308858	52308735	10	12	10	1.386330446	0.21117	PFDN4	ENSG00000101132
20	52311024	52311577	52311420	16	26	30	1.021687699	0.47008	PFDN4	ENSG00000101132
20	52312884	52313318	52313139	13	21	23	1.075294769	0.4051	PFDN4	ENSG00000101132
20	52314416	52314751	52314583	10	14	21	0.799806027	0.754204	PFDN4	ENSG00000101132
20	52315277	52315498	52315368	9	10	15	0.806471077	0.716145	PFDN4	ENSG00000101132
20	52316745	52318665	52317838	61	235	125	2.197139096	1.05E-13	PFDN4	ENSG00000101132
20	52318916	52319379	52319095	23	37	17	2.476436439	0.000462122	PFDN4	ENSG00000101132

20	52319926	52320408	52320263	14	22	27	0.963575832	0.555868	PFDN4	ENSG00000101132
20	52320521	52320700	52320610	8	8	5	1.759573259	0.13508	PFDN4	ENSG00000101132
20	52321401	52321841	52321554	13	20	23	1.026417734	0.468083	PFDN4	ENSG00000101132
20	52323120	52323503	52323299	10	19	26	0.868925066	0.687875	PFDN4	ENSG00000101132
20	52325148	52325701	52325379	10	21	27	0.921681231	0.616644	PFDN4	ENSG00000101132
20	52328675	52328861	52328768	9	9	14	0.78203256	0.734892	PFDN4	ENSG00000101132
20	52329388	52329738	52329563	9	14	24	0.703829304	0.866274	PFDN4	ENSG00000101132
20	52330097	52330486	52330236	11	16	16	1.173048839	0.322157	PFDN4	ENSG00000101132
20	52331915	52332344	52332094	10	18	19	1.114396397	0.369586	PFDN4	ENSG00000101132
20	52332511	52333110	52332596	11	25	32	0.924220298	0.621744	PFDN4	ENSG00000101132
20	52333125	52333654	52333302	9	21	28	0.889899119	0.664396	PFDN4	ENSG00000101132
20	52334799	52335086	52334930	9	12	12	1.173048839	0.343543	PFDN4	ENSG00000101132
20	52335391	52335996	52335570	12	29	42	0.818406167	0.804544	PFDN4	ENSG00000101132
20	52337741	52337941	52337848	8	10	13	0.921681231	0.585856	PFDN4	ENSG00000101132
20	52338906	52339890	52339085	14	42	40	1.230270734	0.171503	PFDN4	ENSG00000101132
20	52340003	52340369	52340161	9	14	21	0.799806027	0.754204	PFDN4	ENSG00000101132
20	52341574	52342727	52342436	10	45	56	0.946670993	0.61147	PFDN4	ENSG00000101132
20	52342844	52343291	52343112	15	28	17	1.889912019	0.0150469	PFDN4	ENSG00000101132
20	52343422	52343872	52343705	10	19	21	1.066408036	0.420026	PFDN4	ENSG00000101132
20	52344150	52344340	52344246	8	11	13	1.005470434	0.498567	PFDN4	ENSG00000101132
20	52344826	52345042	52344934	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PFDN4	ENSG00000101132
20	52345052	52345280	52345111	8	12	7	1.906204364	0.0695918	PFDN4	ENSG00000101132
20	52345476	52345787	52345616	8	11	12	1.082814313	0.424156	PFDN4	ENSG00000101132
20	52348230	52348694	52348401	9	17	24	0.844595164	0.713005	PFDN4	ENSG00000101132
20	52350072	52350261	52350233	9	9	11	0.977540699	0.526123	PFDN4	ENSG00000101132
20	52350311	52350689	52350510	9	16	21	0.90644683	0.624241	PFDN4	ENSG00000101132
20	52353300	52353639	52353469	14	17	16	1.242051712	0.261202	PFDN4	ENSG00000101132
20	52355435	52355656	52355545	9	11	13	1.005470434	0.498567	PFDN4	ENSG00000101132
20	52356425	52356728	52356576	9	12	15	0.953102182	0.555895	PFDN4	ENSG00000101132
20	52356885	52357425	52357274	10	22	19	1.349006165	0.163006	PFDN4	ENSG00000101132
20	52357971	52358237	52358104	11	15	5	3.128130238	0.00492422	PFDN4	ENSG00000101132
20	52358903	52359263	52359087	9	15	18	0.987830602	0.518173	PFDN4	ENSG00000101132
20	52361134	52361395	52361282	8	11	1	7.038293036	0.000674435	PFDN4	ENSG00000101132
20	52362638	52363101	52362813	14	21	16	1.518063204	0.0959332	PFDN4	ENSG00000101132

20	52364220	52365000	52364596	10	31	41	0.893751497	0.687492	PFDN4	ENSG00000101132
20	52365869	52366458	52366108	12	29	13	2.513676084	0.00141455	PFDN4	ENSG00000101132
20	52368040	52368261	52368182	11	12	14	1.016642327	0.486402	PFDN4	ENSG00000101132
20	52369970	52370391	52370136	14	23	30	0.908166843	0.642402	PFDN4	ENSG00000101132
20	52370809	52371025	52370871	10	11	15	0.879786629	0.637414	PFDN4	ENSG00000101132
20	52372574	52372989	52372859	13	19	16	1.380057458	0.163303	PFDN4	ENSG00000101132
20	52373128	52373593	52373414	9	18	22	0.969040346	0.544098	PFDN4	ENSG00000101132
20	52373774	52374080	52373906	11	16	13	1.424416448	0.161813	PFDN4	ENSG00000101132
20	52374947	52375150	52375001	9	11	8	1.564065119	0.151515	PFDN4	ENSG00000101132
20	52375201	52375439	52375320	9	12	19	0.762481746	0.784291	PFDN4	ENSG00000101132
20	52375609	52376032	52375853	9	16	26	0.738586306	0.842793	PFDN4	ENSG00000101132
20	52376588	52376782	52376677	8	9	11	0.977540699	0.526123	PFDN4	ENSG00000101132
20	52376844	52377173	52377008	14	18	22	0.969040346	0.544098	PFDN4	ENSG00000101132
20	52377492	52377743	52377659	9	11	15	0.879786629	0.637414	PFDN4	ENSG00000101132
20	52378166	52378375	52378226	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PFDN4	ENSG00000101132
20	52379947	52380133	52380061	9	9	4	2.346097679	0.050148	PFDN4	ENSG00000101132
20	52380544	52380811	52380685	8	9	7	1.466311049	0.20706	PFDN4	ENSG00000101132
20	52381954	52382273	52382113	11	15	26	0.695140053	0.88251	PFDN4	ENSG00000101132
20	52382521	52382774	52382647	8	11	15	0.879786629	0.637414	PFDN4	ENSG00000101132
20	52383052	52383462	52383231	11	17	13	1.508205651	0.12204	PFDN4	ENSG00000101132
20	52384756	52385001	52384878	9	14	16	1.035043094	0.464533	PFDN4	ENSG00000101132
20	52385070	52385292	52385153	10	13	16	0.966040221	0.542489	PFDN4	ENSG00000101132
20	52385421	52385635	52385485	8	9	12	0.902345261	0.602772	PFDN4	ENSG00000101132
20	52385794	52386064	52385932	8	10	14	0.860235815	0.65444	PFDN4	ENSG00000101132
20	52387754	52388059	52387908	8	13	13	1.173048839	0.337862	PFDN4	ENSG00000101132
20	52388482	52389151	52388661	9	25	30	0.983847414	0.527416	PFDN4	ENSG00000101132
20	52389277	52389795	52389512	16	27	17	1.824742639	0.0211436	PFDN4	ENSG00000101132
20	52390129	52391059	52390594	16	49	60	0.961515442	0.583825	PFDN4	ENSG00000101132
20	52392945	52393338	52393159	8	15	18	0.987830602	0.518173	DOK5	ENSG00000101134
20	52394021	52394261	52394129	8	9	10	1.066408036	0.444985	DOK5	ENSG00000101134
20	52395029	52395524	52395345	19	31	29	1.251252095	0.18907	DOK5	ENSG00000101134
20	52395754	52396174	52395995	18	28	20	1.619924588	0.0441949	DOK5	ENSG00000101134
20	52396202	52396502	52396359	14	16	17	1.107879459	0.383112	DOK5	ENSG00000101134
20	52400379	52400688	52400533	15	18	11	1.857327329	0.0427732	DOK5	ENSG00000101134

20	52401321	52402236	52401562	12	42	26	1.868188892	0.00472208	DOK5	ENSG00000101134
20	52403369	52403597	52403429	8	10	18	0.679133539	0.855647	DOK5	ENSG00000101134
20	52405527	52405972	52405695	13	23	28	0.970799039	0.54603	DOK5	ENSG00000101134
20	52406931	52407396	52407241	15	25	29	1.016642327	0.478103	DOK5	ENSG00000101134
20	52408176	52409062	52408787	11	38	40	1.115826945	0.313401	DOK5	ENSG00000101134
20	52411504	52411815	52411666	9	13	25	0.631641683	0.924582	DOK5	ENSG00000101134
20	52412202	52412573	52412309	11	17	20	1.005470434	0.496566	DOK5	ENSG00000101134
20	52412811	52413178	52412999	11	18	14	1.485861863	0.123674	DOK5	ENSG00000101134
20	52413866	52414282	52414103	9	16	9	1.994183027	0.0370915	DOK5	ENSG00000101134
20	52415376	52415959	52415682	9	23	22	1.224050963	0.244738	DOK5	ENSG00000101134
20	52415961	52416316	52416138	10	15	12	1.443752418	0.160732	DOK5	ENSG00000101134
20	52418206	52418993	52418594	11	37	62	0.707553268	0.957021	DOK5	ENSG00000101134
20	52419219	52419511	52419348	11	15	19	0.938439071	0.579569	DOK5	ENSG00000101134
20	52421998	52422295	52422146	8	11	14	0.938439071	0.570297	DOK5	ENSG00000101134
20	52422771	52423201	52423031	9	16	16	1.173048839	0.322157	DOK5	ENSG00000101134
20	52427230	52427443	52427388	8	9	10	1.066408036	0.444985	DOK5	ENSG00000101134
20	52427985	52428358	52428179	10	16	19	0.997091513	0.507069	DOK5	ENSG00000101134
20	52429848	52430154	52430001	16	20	19	1.231701281	0.25288	DOK5	ENSG00000101134
20	52430763	52431071	52430909	10	12	11	1.270802909	0.274822	DOK5	ENSG00000101134
20	52432272	52433002	52432623	41	72	49	1.712651305	0.00149682	DOK5	ENSG00000101134
20	52433017	52433390	52433196	13	19	15	1.466311049	0.125014	DOK5	ENSG00000101134
20	52433394	52433749	52433571	13	19	18	1.234788252	0.255641	DOK5	ENSG00000101134
20	52434491	52434853	52434724	14	20	24	0.985361025	0.523192	DOK5	ENSG00000101134
20	52435049	52435278	52435140	13	15	16	1.104045966	0.390393	DOK5	ENSG00000101134
20	52435870	52436190	52436035	12	16	16	1.173048839	0.322157	DOK5	ENSG00000101134
20	52436683	52436885	52436797	9	10	10	1.173048839	0.355733	DOK5	ENSG00000101134
20	52436962	52437172	52437067	8	10	7	1.612942154	0.147335	DOK5	ENSG00000101134
20	52437313	52437826	52437647	9	21	27	0.921681231	0.616644	DOK5	ENSG00000101134
20	52437839	52438633	52438276	13	40	50	0.943039263	0.612838	DOK5	ENSG00000101134
20	52438910	52439245	52439073	9	13	13	1.173048839	0.337862	DOK5	ENSG00000101134
20	52440009	52440509	52440341	9	19	32	0.71093869	0.891662	DOK5	ENSG00000101134
20	52440549	52440734	52440657	8	9	19	0.58652442	0.925417	DOK5	ENSG00000101134
20	52441595	52441796	52441737	8	10	13	0.921681231	0.585856	DOK5	ENSG00000101134
20	52445506	52445891	52445682	8	16	22	0.867036099	0.677498	DOK5	ENSG00000101134

20	52447416	52447684	52447585	14	15	15	1.173048839	0.32719	DOK5	ENSG00000101134
20	52447803	52448026	52447914	8	11	11	1.173048839	0.349489	DOK5	ENSG00000101134
20	52448267	52448461	52448353	8	8	8	1.173048839	0.36929	DOK5	ENSG00000101134
20	52449606	52450238	52450007	10	25	22	1.32605521	0.161597	DOK5	ENSG00000101134
20	52450742	52451003	52450860	8	10	25	0.496289894	0.980252	DOK5	ENSG00000101134
20	52452089	52452539	52452335	13	22	9	2.69801233	0.00276236	DOK5	ENSG00000101134
20	52453475	52453770	52453615	8	12	13	1.089259637	0.414883	DOK5	ENSG00000101134
20	52456052	52456344	52456228	9	11	10	1.279689643	0.277323	DOK5	ENSG00000101134
20	52456947	52457355	52457163	12	20	23	1.026417734	0.468083	DOK5	ENSG00000101134
20	52457385	52457754	52457577	12	19	21	1.066408036	0.420026	DOK5	ENSG00000101134
20	52458218	52458510	52458372	8	11	15	0.879786629	0.637414	DOK5	ENSG00000101134
20	52462122	52462610	52462431	9	20	28	0.84944916	0.720413	DOK5	ENSG00000101134
20	52463208	52463529	52463368	10	15	9	1.876878143	0.0544542	DOK5	ENSG00000101134
20	52464999	52465403	52465178	15	25	20	1.452346182	0.100215	DOK5	ENSG00000101134
20	52466786	52467094	52466940	13	17	25	0.812110735	0.75715	DOK5	ENSG00000101134
20	52467743	52467936	52467845	8	8	6	1.508205651	0.203852	DOK5	ENSG00000101134
20	52469060	52469327	52469204	8	10	13	0.921681231	0.585856	DOK5	ENSG00000101134
20	52469842	52470103	52469951	11	14	20	0.837892028	0.705607	DOK5	ENSG00000101134
20	52470434	52471231	52470564	12	34	39	1.026417734	0.457358	DOK5	ENSG00000101134
20	52472354	52472575	52472412	8	10	12	0.992579787	0.511743	DOK5	ENSG00000101134
20	52473512	52473786	52473651	11	14	18	0.926091189	0.59273	DOK5	ENSG00000101134
20	52474577	52474823	52474700	8	10	12	0.992579787	0.511743	DOK5	ENSG00000101134
20	52480146	52480325	52480235	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DOK5	ENSG00000101134
20	52481210	52481432	52481321	8	9	23	0.48877035	0.978114	DOK5	ENSG00000101134
20	52483528	52484375	52484109	11	37	39	1.114396397	0.317631	DOK5	ENSG00000101134
20	52484738	52485002	52484883	11	14	13	1.256838042	0.269506	DOK5	ENSG00000101134
20	52485203	52485559	52485381	11	17	22	0.918038222	0.611544	DOK5	ENSG00000101134
20	52485642	52486000	52485803	11	15	6	2.68125449	0.0103552	DOK5	ENSG00000101134
20	52486830	52487030	52486949	8	9	12	0.902345261	0.602772	DOK5	ENSG00000101134
20	52487167	52487604	52487345	12	19	23	0.977540699	0.533404	DOK5	ENSG00000101134
20	52488099	52488347	52488253	8	9	9	1.173048839	0.362316	DOK5	ENSG00000101134
20	52489185	52489394	52489289	8	9	10	1.066408036	0.444985	DOK5	ENSG00000101134
20	52489868	52490088	52489978	10	11	6	2.010940867	0.0640214	DOK5	ENSG00000101134
20	52492055	52492243	52492149	8	9	13	0.837892028	0.672794	DOK5	ENSG00000101134



20	52492608	52492835	52492730	10	10	14	0.860235815	0.65444	DOK5	ENSG00000101134
20	52493555	52493748	52493652	8	8	5	1.759573259	0.13508	DOK5	ENSG00000101134
20	52496724	52496935	52496836	10	12	3	3.812408728	0.004404	DOK5	ENSG00000101134
20	52497850	52498092	52497971	9	11	25	0.541407157	0.967387	DOK5	ENSG00000101134
20	52499118	52499477	52499338	11	17	17	1.173048839	0.317303	DOK5	ENSG00000101134
20	52499833	52500075	52499914	8	10	7	1.612942154	0.147335	DOK5	ENSG00000101134
20	52500112	52500630	52500453	8	17	11	1.759573259	0.0609179	DOK5	ENSG00000101134
20	52501152	52501440	52501267	10	14	8	1.955081399	0.0506438	DOK5	ENSG00000101134
20	52501450	52501873	52501629	22	31	9	3.753756286	2.87E-05	DOK5	ENSG00000101134
20	52501993	52502509	52502269	9	21	16	1.518063204	0.0959332	DOK5	ENSG00000101134
20	52504259	52504464	52504401	8	8	12	0.812110735	0.692685	DOK5	ENSG00000101134
20	52504994	52505226	52505135	8	10	10	1.173048839	0.355733	DOK5	ENSG00000101134
20	52505934	52506148	52506030	11	12	13	1.089259637	0.414883	DOK5	ENSG00000101134
20	52506275	52506893	52506584	35	62	51	1.421193786	0.0298062	DOK5	ENSG00000101134
20	52507014	52507570	52507193	13	27	24	1.3138147	0.160245	DOK5	ENSG00000101134
20	52507824	52508462	52508147	10	27	36	0.887712635	0.686666	DOK5	ENSG00000101134
20	52509218	52509704	52509374	10	20	12	1.894925048	0.0317253	DOK5	ENSG00000101134
20	52510049	52510287	52510168	10	11	10	1.279689643	0.277323	DOK5	ENSG00000101134
20	52510892	52511276	52511001	16	21	14	1.720471631	0.0496182	DOK5	ENSG00000101134
20	52512554	52513478	52513016	10	34	36	1.109640794	0.330986	DOK5	ENSG00000101134
20	52515205	52515400	52515314	11	12	7	1.906204364	0.0695918	DOK5	ENSG00000101134
20	52515929	52516261	52516097	9	13	22	0.714029728	0.84749	DOK5	ENSG00000101134
20	52516645	52517063	52516846	13	23	29	0.938439071	0.595359	DOK5	ENSG00000101134
20	52517395	52517673	52517573	8	11	16	0.828034475	0.698553	DOK5	ENSG00000101134
20	52517768	52518276	52517929	9	20	28	0.84944916	0.720413	DOK5	ENSG00000101134
20	52519227	52519549	52519397	9	13	13	1.173048839	0.337862	DOK5	ENSG00000101134
20	52519724	52520259	52519959	12	27	25	1.263283365	0.195501	DOK5	ENSG00000101134
20	52520285	52520523	52520404	9	10	16	0.759031602	0.770272	DOK5	ENSG00000101134
20	52521678	52521936	52521807	11	13	10	1.49297125	0.157311	DOK5	ENSG00000101134
20	52522461	52522997	52522733	15	30	27	1.298732644	0.157794	DOK5	ENSG00000101134
20	52523332	52523844	52523500	11	21	15	1.612942154	0.070218	DOK5	ENSG00000101134
20	52524440	52524721	52524580	11	15	23	0.78203256	0.783431	DOK5	ENSG00000101134
20	52525152	52525373	52525255	8	10	20	0.614454154	0.913752	DOK5	ENSG00000101134
20	52525633	52525926	52525752	8	11	13	1.005470434	0.498567	DOK5	ENSG00000101134

20	52526277	52526908	52526634	11	28	30	1.097368269	0.361281	DOK5	ENSG00000101134
20	52528178	52528774	52528604	16	30	21	1.652932455	0.0339016	DOK5	ENSG00000101134
20	52529158	52529952	52529773	31	60	54	1.301017804	0.0783112	DOK5	ENSG00000101134
20	52531201	52531525	52531359	8	10	9	1.290353723	0.279648	DOK5	ENSG00000101134
20	52532471	52533154	52532891	13	32	24	1.548424468	0.0480379	DOK5	ENSG00000101134
20	52533707	52533990	52533859	13	17	9	2.111487911	0.0248715	DOK5	ENSG00000101134
20	52535508	52535978	52535650	10	19	30	0.756805703	0.840281	DOK5	ENSG00000101134
20	52536415	52536749	52536582	14	18	13	1.591994853	0.0905191	DOK5	ENSG00000101134
20	52537993	52538466	52538136	12	24	20	1.396486713	0.128495	DOK5	ENSG00000101134
20	52540791	52541175	52540943	11	17	12	1.62422147	0.088135	DOK5	ENSG00000101134
20	52544061	52544962	52544601	12	41	45	1.071044592	0.37553	DOK5	ENSG00000101134
20	52546804	52547109	52546935	10	13	18	0.864351776	0.666373	DOK5	ENSG00000101134
20	52549289	52549574	52549408	16	19	17	1.303387599	0.207073	DOK5	ENSG00000101134
20	52551441	52551645	52551543	8	10	8	1.433726359	0.209175	DOK5	ENSG00000101134
20	52553556	52554485	52554060	8	31	33	1.104045966	0.345468	DOK5	ENSG00000101134
20	52554623	52555022	52554886	8	15	24	0.750751257	0.821554	DOK5	ENSG00000101134
20	52555737	52556276	52556110	9	19	30	0.756805703	0.840281	DOK5	ENSG00000101134
20	52557370	52557878	52557624	8	19	25	0.902345261	0.639556	DOK5	ENSG00000101134
20	52557899	52558201	52558060	13	16	10	1.812893661	0.0578656	DOK5	ENSG00000101134
20	52562709	52563249	52562850	17	36	23	1.808450294	0.010684	DOK5	ENSG00000101134
20	52564386	52564804	52564515	11	21	19	1.290353723	0.204499	DOK5	ENSG00000101134
20	52565689	52565935	52565812	9	10	18	0.679133539	0.855647	DOK5	ENSG00000101134
20	52566987	52567202	52567094	9	10	13	0.921681231	0.585856	DOK5	ENSG00000101134
20	52571517	52572052	52571873	9	21	26	0.955817573	0.566095	DOK5	ENSG00000101134
20	52572103	52572429	52572280	15	18	10	2.026175268	0.0273052	DOK5	ENSG00000101134
20	52573054	52573240	52573193	8	9	12	0.902345261	0.602772	DOK5	ENSG00000101134
20	52573898	52574239	52574174	8	13	27	0.58652442	0.955084	DOK5	ENSG00000101134
20	52574423	52574651	52574503	8	10	6	1.843362462	0.0964212	DOK5	ENSG00000101134
20	52574807	52575013	52574900	8	10	15	0.806471077	0.716145	DOK5	ENSG00000101134
20	52575810	52576034	52575938	8	10	20	0.614454154	0.913752	DOK5	ENSG00000101134
20	52576384	52576661	52576512	12	15	11	1.564065119	0.11768	DOK5	ENSG00000101134
20	52577355	52577621	52577488	11	13	26	0.608247546	0.94153	DOK5	ENSG00000101134
20	52578590	52579029	52578850	8	16	21	0.90644683	0.624241	DOK5	ENSG00000101134
20	52581300	52581720	52581565	12	18	7	2.785990993	0.00480525	DOK5	ENSG00000101134

20	52581754	52582024	52581890	9	12	14	1.016642327	0.486402	DOK5	ENSG00000101134
20	52582300	52583367	52582784	24	65	44	1.720471631	0.00222874	DOK5	ENSG00000101134
20	52585029	52585461	52585282	9	15	13	1.340627245	0.210788	DOK5	ENSG00000101134
20	52585503	52585986	52585669	9	17	16	1.242051712	0.261202	DOK5	ENSG00000101134
20	52586063	52586305	52586221	10	11	14	0.938439071	0.570297	DOK5	ENSG00000101134
20	52586327	52587145	52586664	9	30	23	1.515188084	0.0616668	DOK5	ENSG00000101134
20	52589384	52590212	52589670	19	42	47	1.050856252	0.408415	DOK5	ENSG00000101134
20	52590960	52591421	52591134	8	14	18	0.926091189	0.59273	DOK5	ENSG00000101134
20	52591663	52591909	52591821	8	11	8	1.564065119	0.151515	DOK5	ENSG00000101134
20	52594397	52594712	52594537	8	11	14	0.938439071	0.570297	DOK5	ENSG00000101134
20	52595058	52595720	52595180	9	25	22	1.32605521	0.161597	DOK5	ENSG00000101134
20	52596447	52596777	52596606	11	12	15	0.953102182	0.555895	DOK5	ENSG00000101134
20	52596913	52597526	52597187	9	24	23	1.221925874	0.24208	DOK5	ENSG00000101134
20	52597783	52598145	52597973	11	16	13	1.424416448	0.161813	DOK5	ENSG00000101134
20	52598760	52599102	52598931	16	21	16	1.518063204	0.0959332	DOK5	ENSG00000101134
20	52599521	52599703	52599612	8	9	12	0.902345261	0.602772	DOK5	ENSG00000101134
20	52602698	52602897	52602861	8	9	9	1.173048839	0.362316	DOK5	ENSG00000101134
20	52604178	52604583	52604357	9	19	18	1.234788252	0.255641	DOK5	ENSG00000101134
20	52604728	52605670	52605324	9	37	54	0.810470107	0.844193	DOK5	ENSG00000101134
20	52605834	52606292	52605989	12	22	22	1.173048839	0.295277	DOK5	ENSG00000101134
20	52608770	52609028	52608899	8	11	6	2.010940867	0.0640214	DOK5	ENSG00000101134
20	52610418	52610613	52610515	8	9	6	1.675784056	0.141978	DOK5	ENSG00000101134
20	52610925	52611130	52610986	8	11	7	1.759573259	0.102361	DOK5	ENSG00000101134
20	52612722	52612923	52612822	8	9	10	1.066408036	0.444985	DOK5	ENSG00000101134
20	52613070	52613394	52613244	9	13	11	1.368556979	0.211388	DOK5	ENSG00000101134
20	52613568	52613826	52613683	11	12	7	1.906204364	0.0695918	DOK5	ENSG00000101134
20	52614646	52614948	52614797	11	14	14	1.173048839	0.332418	DOK5	ENSG00000101134
20	52622461	52623393	52622927	12	41	28	1.698898319	0.0130397	DOK5	ENSG00000101134
20	52623809	52624481	52623988	16	33	32	1.208595774	0.219635	DOK5	ENSG00000101134
20	52627402	52627966	52627581	9	23	37	0.740872951	0.880242	DOK5	ENSG00000101134
20	52628734	52628953	52628866	9	10	6	1.843362462	0.0964212	DOK5	ENSG00000101134
20	52635422	52635698	52635609	10	14	19	0.879786629	0.651591	DOK5	ENSG00000101134
20	52636579	52636899	52636728	10	14	22	0.765031852	0.797133	DOK5	ENSG00000101134
20	52637417	52637890	52637653	11	21	17	1.433726359	0.126962	DOK5	ENSG00000101134

20	52638312	52638504	52638445	9	10	21	0.58652442	0.934469	DOK5	ENSG00000101134
20	52639332	52639786	52639511	8	18	17	1.238218219	0.258417	DOK5	ENSG00000101134
20	52646104	52646574	52646303	9	18	34	0.636797941	0.948834	DOK5	ENSG00000101134
20	52647989	52648646	52648271	12	31	33	1.104045966	0.345468	DOK5	ENSG00000101134
20	52651511	52651696	52651633	9	9	19	0.58652442	0.925417	DOK5	ENSG00000101134
20	52651754	52652170	52651933	12	21	31	0.806471077	0.786558	DOK5	ENSG00000101134
20	52653673	52653922	52653784	11	13	9	1.642268375	0.111397	DOK5	ENSG00000101134
20	52654259	52654671	52654494	9	16	16	1.173048839	0.322157	DOK5	ENSG00000101134
20	52656146	52656432	52656286	9	12	12	1.173048839	0.343543	DOK5	ENSG00000101134
20	52656614	52657089	52656793	11	20	26	0.912371319	0.627883	DOK5	ENSG00000101134
20	52658341	52658578	52658494	9	10	9	1.290353723	0.279648	DOK5	ENSG00000101134
20	52658943	52659226	52659102	8	12	15	0.953102182	0.555895	DOK5	ENSG00000101134
20	52659782	52660264	52660118	10	19	32	0.71093869	0.891662	DOK5	ENSG00000101134
20	52660831	52661090	52660960	8	11	16	0.828034475	0.698553	DOK5	ENSG00000101134
20	52662112	52662783	52662272	10	24	35	0.81461725	0.78935	DOK5	ENSG00000101134
20	52664684	52665448	52665273	13	33	30	1.286569695	0.154997	DOK5	ENSG00000101134
20	52665855	52666034	52665947	8	8	5	1.759573259	0.13508	DOK5	ENSG00000101134
20	52667864	52668180	52668022	14	17	15	1.319679944	0.209239	DOK5	ENSG00000101134
20	52671660	52671927	52671793	11	14	11	1.466311049	0.15926	DOK5	ENSG00000101134
20	52672222	52672732	52672401	13	24	30	0.946007128	0.585264	DOK5	ENSG00000101134
20	52672867	52673070	52672953	10	11	22	0.612025481	0.924393	DOK5	ENSG00000101134
20	52673742	52674044	52673893	9	11	4	2.815317214	0.0183428	DOK5	ENSG00000101134
20	52674697	52675241	52675071	11	25	33	0.897037348	0.665614	DOK5	ENSG00000101134
20	52675259	52675463	52675339	8	11	16	0.828034475	0.698553	DOK5	ENSG00000101134
20	52675477	52675828	52675652	13	18	15	1.392995497	0.16305	DOK5	ENSG00000101134
20	52676692	52677075	52676819	14	19	20	1.117189371	0.363272	DOK5	ENSG00000101134
20	52677216	52677751	52677395	10	23	20	1.340627245	0.162636	DOK5	ENSG00000101134
20	52678254	52678711	52678532	14	25	10	2.772660893	0.00131329	DOK5	ENSG00000101134
20	52679840	52680304	52679994	16	23	33	0.828034475	0.765279	DOK5	ENSG00000101134
20	52680315	52680510	52680387	15	15	15	1.173048839	0.32719	DOK5	ENSG00000101134
20	52682445	52682724	52682584	11	13	17	0.912371319	0.606688	DOK5	ENSG00000101134
20	52683184	52683678	52683360	14	23	27	1.005470434	0.495068	DOK5	ENSG00000101134
20	52683794	52684229	52684050	15	25	22	1.32605521	0.161597	DOK5	ENSG00000101134
20	52684885	52685188	52685036	8	10	10	1.173048839	0.355733	DOK5	ENSG00000101134

20	52685906	52686312	52686057	8	13	10	1.49297125	0.157311	DOK5	ENSG00000101134
20	52686637	52686911	52686744	8	11	21	0.639844821	0.901936	DOK5	ENSG00000101134
20	52688953	52689553	52689265	13	26	17	1.759573259	0.0293871	DOK5	ENSG00000101134
20	52690088	52690560	52690267	17	27	28	1.132598879	0.320597	DOK5	ENSG00000101134
20	52691222	52691441	52691309	8	9	15	0.733155525	0.788527	DOK5	ENSG00000101134
20	52691877	52692367	52692025	16	27	18	1.728703553	0.0306274	DOK5	ENSG00000101134
20	52692684	52692881	52692782	11	13	15	1.026417734	0.475096	DOK5	ENSG00000101134
20	52693939	52694167	52694101	9	10	25	0.496289894	0.980252	DOK5	ENSG00000101134
20	52694669	52694905	52694815	11	11	5	2.346097679	0.0364013	DOK5	ENSG00000101134
20	52695027	52695289	52695158	9	9	8	1.303387599	0.281715	DOK5	ENSG00000101134
20	52695789	52696032	52695963	8	11	14	0.938439071	0.570297	DOK5	ENSG00000101134
20	52696644	52697208	52697004	25	43	55	0.921681231	0.66001	DOK5	ENSG00000101134
20	52697560	52698018	52697789	10	21	29	0.860235815	0.708841	DOK5	ENSG00000101134
20	52698102	52699863	52698893	87	250	141	2.073487737	5.66E-13	DOK5	ENSG00000101134
20	52700106	52700557	52700380	10	20	23	1.026417734	0.468083	DOK5	ENSG00000101134
20	52701736	52702670	52702054	13	39	40	1.144437892	0.272961	DOK5	ENSG00000101134
20	52702778	52702990	52702915	8	9	11	0.977540699	0.526123	DOK5	ENSG00000101134
20	52703447	52703707	52703602	9	12	16	0.897037348	0.621544	DOK5	ENSG00000101134
20	52705563	52705954	52705775	10	17	13	1.508205651	0.12204	DOK5	ENSG00000101134
20	52706001	52706196	52706165	8	9	7	1.466311049	0.20706	DOK5	ENSG00000101134
20	52707354	52707862	52707713	11	21	24	1.032282979	0.459444	DOK5	ENSG00000101134
20	52708268	52708452	52708360	8	9	8	1.303387599	0.281715	DOK5	ENSG00000101134
20	52708488	52709121	52708877	8	23	37	0.740872951	0.880242	DOK5	ENSG00000101134
20	52709128	52709631	52709489	11	22	32	0.817579494	0.775827	DOK5	ENSG00000101134
20	52712194	52712394	52712277	10	12	17	0.84720194	0.681997	DOK5	ENSG00000101134
20	52712510	52712732	52712612	9	11	23	0.58652442	0.942313	DOK5	ENSG00000101134
20	52712949	52713214	52713081	8	12	17	0.84720194	0.681997	DOK5	ENSG00000101134
20	52713833	52714075	52714005	8	11	20	0.670313622	0.874201	DOK5	ENSG00000101134
20	52714700	52715019	52714851	11	15	12	1.443752418	0.160732	DOK5	ENSG00000101134
20	52715101	52715439	52715260	11	15	13	1.340627245	0.210788	DOK5	ENSG00000101134
20	52715449	52715689	52715569	10	14	13	1.256838042	0.269506	DOK5	ENSG00000101134
20	52718173	52719247	52718710	25	79	87	1.066408036	0.339843		ENSG00000210815
20	52721020	52721293	52721186	13	16	15	1.246364392	0.263987		ENSG00000210815
20	52721506	52721867	52721688	14	20	20	1.173048839	0.303681		ENSG00000210815

20	52723104	52723389	52723228	9	13	10	1.49297125	0.157311	ENSG00000210815
20	52723673	52723866	52723737	8	9	16	0.690028729	0.833766	ENSG00000210815
20	52727374	52727758	52727519	9	16	15	1.246364392	0.263987	ENSG00000210815
20	52728220	52728588	52728415	14	19	25	0.902345261	0.639556	ENSG00000210815
20	52730437	52731889	52730965	33	106	85	1.459490998	0.00436134	ENSG00000210815
20	52731935	52732188	52732061	12	15	13	1.340627245	0.210788	ENSG00000210815
20	52732509	52732806	52732632	14	17	17	1.173048839	0.317303	ENSG00000210815
20	52733013	52733281	52733127	14	17	20	1.005470434	0.496566	ENSG00000210815
20	52733595	52733793	52733659	8	9	19	0.58652442	0.925417	ENSG00000210815
20	52733829	52735455	52734594	54	126	71	2.069127814	2.19E-07	ENSG00000210815
20	52738800	52739013	52738946	8	9	7	1.466311049	0.20706	ENSG00000210815
20	52741443	52741717	52741580	13	17	21	0.959767232	0.55532	ENSG00000210815
20	52741845	52742201	52742023	12	18	10	2.026175268	0.0273052	ENSG00000210815
20	52743159	52743541	52743338	11	20	21	1.119728438	0.357221	ENSG00000210815
20	52743580	52743857	52743739	14	16	15	1.246364392	0.263987	ENSG00000210815
20	52744281	52744713	52744561	8	14	12	1.353517892	0.211235	ENSG00000210815
20	52749297	52749581	52749469	8	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000210815
20	52750722	52751060	52750891	9	13	18	0.864351776	0.666373	ENSG00000210815
20	52751797	52752132	52751964	13	18	17	1.238218219	0.258417	ENSG00000210815
20	52753230	52753486	52753361	8	9	20	0.558594685	0.944249	ENSG00000210815
20	52753794	52754036	52753913	12	14	11	1.466311049	0.15926	ENSG00000210815
20	52754052	52754547	52754201	14	26	21	1.439650848	0.100904	ENSG00000210815
20	52756259	52756475	52756367	9	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000210815
20	52756534	52756863	52756692	8	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000210815
20	52757015	52757242	52757097	8	10	10	1.173048839	0.355733	ENSG00000210815
20	52758448	52758760	52758604	12	14	14	1.173048839	0.332418	ENSG00000210815
20	52760875	52761195	52761022	8	11	16	0.828034475	0.698553	ENSG00000210815
20	52762284	52762688	52762463	8	16	23	0.830909595	0.726247	ENSG00000210815
20	52762753	52763071	52762928	9	12	17	0.84720194	0.681997	ENSG00000210815
20	52763694	52764084	52763905	12	19	21	1.066408036	0.420026	ENSG00000210815
20	52764583	52764862	52764722	9	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000210815
20	52764892	52765340	52765205	12	20	19	1.231701281	0.25288	ENSG00000210815
20	52765824	52766038	52765931	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000210815
20	52766201	52766438	52766298	8	11	17	0.78203256	0.752912	ENSG00000210815

20	52766562	52767152	52766973	9	22	26	0.999263826	0.504058	ENSG00000210815
20	52769267	52769473	52769398	9	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000210815
20	52771795	52772168	52771973	11	17	27	0.754102825	0.831231	ENSG00000210815
20	52772613	52772862	52772730	8	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000210815
20	52775799	52776279	52776044	10	20	12	1.894925048	0.0317253	ENSG00000210815
20	52776514	52777197	52776860	18	38	41	1.089259637	0.351868	ENSG00000210815
20	52779530	52779784	52779669	9	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000210815
20	52780031	52780296	52780167	10	12	18	0.802612364	0.736387	ENSG00000210815
20	52783771	52784147	52784016	9	15	26	0.695140053	0.88251	ENSG00000210815
20	52785340	52785613	52785435	12	15	14	1.251252095	0.26676	ENSG00000210815
20	52790582	52790928	52790755	12	18	20	1.061329902	0.42802	ENSG00000210815
20	52796842	52797223	52797021	8	16	22	0.867036099	0.677498	ENSG00000210815
20	52800224	52800601	52800403	8	15	19	0.938439071	0.579569	ENSG00000210815
20	52809271	52809773	52809653	15	28	39	0.850460409	0.75086	ENSG00000210815
20	52813234	52813426	52813330	9	9	10	1.066408036	0.444985	ENSG00000210815
20	52815595	52816045	52815866	12	22	20	1.284767776	0.203104	ENSG00000210815
20	52816297	52816606	52816454	9	13	12	1.263283365	0.272203	ENSG00000210815
20	52817170	52817426	52817310	9	11	11	1.173048839	0.349489	ENSG00000210815
20	52820949	52821196	52821056	8	11	22	0.612025481	0.924393	ENSG00000210815
20	52821689	52821938	52821813	11	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000210815
20	52822657	52822995	52822814	8	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000210815
20	52825608	52825842	52825725	10	12	6	2.178519273	0.0416567	ENSG00000210815
20	52826444	52826848	52826675	9	15	22	0.816033975	0.739972	ENSG00000210815
20	52827768	52827947	52827816	8	9	16	0.690028729	0.833766	ENSG00000210815
20	52829352	52829584	52829502	11	14	19	0.879786629	0.651591	ENSG00000210815
20	52830473	52830698	52830589	10	10	11	1.075294769	0.434143	ENSG00000210815
20	52831041	52831314	52831177	8	11	7	1.759573259	0.102361	ENSG00000210815
20	52843502	52844073	52843793	13	28	17	1.889912019	0.0150469	ENSG00000210815
20	52845831	52846145	52845980	11	14	8	1.955081399	0.0506438	ENSG00000210815
20	52850275	52850477	52850436	8	9	16	0.690028729	0.833766	ENSG00000210815
20	52852580	52852760	52852667	8	8	20	0.502735217	0.96634	ENSG00000210815
20	52853269	52853625	52853447	9	15	4	3.753756286	0.0020497	ENSG00000210815
20	52854452	52854806	52854629	9	15	24	0.750751257	0.821554	ENSG00000210815
20	52856644	52856872	52856758	13	14	15	1.099733287	0.398076	ENSG00000210815

20	52858002	52858489	52858253	10	23	23	1.173048839	0.291252	ENSG00000210815
20	52858491	52858682	52858625	10	11	15	0.879786629	0.637414	ENSG00000210815
20	52858789	52859227	52859148	9	17	14	1.407658607	0.162567	ENSG00000210815
20	52867428	52868070	52867668	16	42	31	1.576284378	0.0245637	ENSG00000210815
20	52868175	52868429	52868302	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000210815
20	52868558	52868837	52868685	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000210815
20	52871148	52871625	52871452	8	16	14	1.329455351	0.210108	ENSG00000210815
20	52872511	52872763	52872668	12	13	16	0.966040221	0.542489	ENSG00000210815
20	52873631	52873818	52873698	8	8	8	1.173048839	0.36929	ENSG00000210815
20	52875794	52876122	52875971	12	16	12	1.533986944	0.120062	ENSG00000210815
20	52876159	52876568	52876362	19	27	20	1.564065119	0.0587454	ENSG00000210815
20	52877225	52877534	52877370	10	14	10	1.599612054	0.114822	ENSG00000210815
20	52877911	52878121	52878016	11	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000210815
20	52879175	52879798	52879420	9	23	25	1.082814313	0.391389	ENSG00000210815
20	52880495	52881172	52880858	8	23	20	1.340627245	0.162636	ENSG00000210815
20	52883406	52883801	52883603	10	19	28	0.8089992	0.772581	ENSG00000210815
20	52884089	52884517	52884268	9	19	19	1.173048839	0.308076	ENSG00000210815
20	52885582	52885788	52885647	9	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000210815
20	52886184	52886426	52886309	10	11	19	0.703829304	0.840485	ENSG00000210815
20	52887287	52887557	52887395	13	14	19	0.879786629	0.651591	ENSG00000210815
20	52887776	52887995	52887839	8	10	15	0.806471077	0.716145	ENSG00000210815
20	52889061	52889356	52889209	11	14	16	1.035043094	0.464533	ENSG00000210815
20	52889439	52889730	52889567	11	15	22	0.816033975	0.739972	ENSG00000210815
20	52890804	52891205	52891026	12	20	21	1.119728438	0.357221	ENSG00000210815
20	52893916	52894242	52894076	14	19	17	1.303387599	0.207073	ENSG00000210815
20	52897233	52897466	52897349	9	9	14	0.78203256	0.734892	ENSG00000210815
20	52898811	52899159	52898982	9	13	22	0.714029728	0.84749	ENSG00000210815
20	52900016	52900260	52900145	10	13	19	0.821134188	0.720637	ENSG00000210815
20	52900759	52900947	52900853	9	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000210815
20	52902347	52902665	52902513	11	15	17	1.042710079	0.454615	ENSG00000210815
20	52903534	52903738	52903631	11	11	13	1.005470434	0.498567	ENSG00000210815
20	52905719	52905954	52905851	9	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000210815
20	52906055	52906334	52906195	8	12	12	1.173048839	0.343543	ENSG00000210815
20	52906336	52906750	52906624	10	18	21	1.013087634	0.486601	ENSG00000210815



20	52910952	52911417	52911238	10	19	26	0.868925066	0.687875	ENSG00000210815
20	52911940	52912291	52912115	9	15	21	0.853126429	0.691243	ENSG00000210815
20	52912813	52913280	52913047	9	21	31	0.806471077	0.786558	ENSG00000210815
20	52914506	52914777	52914641	14	14	17	0.977540699	0.52995	ENSG00000210815
20	52915323	52915630	52915502	10	14	14	1.173048839	0.332418	ENSG00000210815
20	52918519	52918808	52918692	10	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000210815
20	52919431	52919638	52919534	8	9	13	0.837892028	0.672794	ENSG00000210815
20	52919833	52920028	52919930	9	9	20	0.558594685	0.944249	ENSG00000210815
20	52926696	52927353	52926875	13	30	20	1.731643525	0.0242039	ENSG00000210815
20	52927877	52928068	52927937	9	9	7	1.466311049	0.20706	ENSG00000210815
20	52929058	52929823	52929594	11	30	28	1.253948759	0.190688	ENSG00000210815
20	52936584	52937193	52936925	12	26	21	1.439650848	0.100904	ENSG00000210815
20	52938336	52938582	52938459	12	13	10	1.49297125	0.157311	ENSG00000210815
20	52939164	52939453	52939324	8	12	29	0.508321164	0.983999	ENSG00000210815
20	52940136	52940457	52940296	8	13	17	0.912371319	0.606688	ENSG00000210815
20	52942563	52942877	52942727	11	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000210815
20	52946493	52946769	52946631	12	14	9	1.759573259	0.0786014	ENSG00000210815
20	52946943	52947234	52947061	8	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000210815
20	52947549	52947769	52947654	9	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000210815
20	52948307	52948624	52948465	14	20	14	1.642268375	0.06827	ENSG00000210815
20	52948633	52948914	52948759	11	15	18	0.987830602	0.518173	ENSG00000210815
20	52949163	52949581	52949402	11	20	16	1.449060331	0.126098	ENSG00000210815
20	52963744	52964620	52964209	34	69	25	3.158208414	4.05E-08	ENSG00000210815
20	52965394	52966016	52965797	13	28	29	1.133947211	0.316017	ENSG00000210815
20	52966622	52966808	52966715	8	9	7	1.466311049	0.20706	ENSG00000210815
20	52966819	52967131	52966975	11	16	5	3.323638378	0.00288759	ENSG00000210815
20	52967170	52967525	52967306	8	13	8	1.824742639	0.0744168	ENSG00000210815
20	52969655	52970063	52969884	11	19	26	0.868925066	0.687875	ENSG00000210815
20	52970298	52970937	52970764	10	27	29	1.094845583	0.366894	ENSG00000210815
20	52971135	52971706	52971447	11	23	26	1.042710079	0.443237	ENSG00000210815
20	52972741	52973062	52972973	8	12	18	0.802612364	0.736387	ENSG00000210815
20	52973257	52973481	52973359	9	12	17	0.84720194	0.681997	ENSG00000210815
20	52975135	52975374	52975260	10	11	18	0.740872951	0.800189	ENSG00000210815
20	52975656	52975973	52975815	9	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000210815

20	52981173	52981538	52981389	8	12	18	0.802612364	0.736387		ENSG00000210815
20	52986045	52986320	52986167	16	19	15	1.466311049	0.125014		ENSG00000210815
20	52988538	52989040	52988715	18	32	25	1.488869681	0.0631665		ENSG00000210815
20	53465681	53465877	53465816	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000185834
20	53585610	53586065	53585837	20	34	36	1.109640794	0.330986	CBLN4	ENSG00000054803
20	53586168	53586901	53586553	9	30	32	1.10195497	0.350579	CBLN4	ENSG00000054803
20	53587279	53588481	53587737	18	65	42	1.800493567	0.00114892	CBLN4	ENSG00000054803
20	53588824	53589240	53589024	9	18	23	0.928663664	0.599426	CBLN4	ENSG00000054803
20	53590134	53590349	53590241	8	9	10	1.066408036	0.444985	CBLN4	ENSG00000054803
20	53590873	53591314	53591145	13	21	20	1.228908308	0.250141	CBLN4	ENSG00000054803
20	53592706	53592909	53592854	10	11	10	1.279689643	0.277323	CBLN4	ENSG00000054803
20	53593921	53594263	53594092	9	14	13	1.256838042	0.269506	CBLN4	ENSG00000054803
20	53897349	53897638	53897493	10	10	3	3.225884308	0.0139466	CBLN4	ENSG00000054803
20	54257799	54258136	54258001	10	15	8	2.085420159	0.0338693	MC3R	ENSG00000124089
20	54333751	54334099	54333951	9	13	3	4.105670938	0.00243034	C20orf108	ENSG00000124098
20	54337462	54337736	54337606	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C20orf108	ENSG00000124098
20	54367908	54368614	54368441	13	27	10	2.9859425	0.000503424	C20orf108	ENSG00000124098
20	54399768	54399969	54399868	8	8	7	1.319679944	0.283403	AURKA	ENSG00000087586
20	54400026	54400236	54400170	8	8	3	2.639359888	0.0415794	AURKA	ENSG00000087586
20	54400793	54401297	54400972	15	32	9	3.87106117	1.67E-05	CSTF1	ENSG00000101138
20	54476791	54477126	54476969	9	14	6	2.513676084	0.016726	C20orf43	ENSG00000022277
20	54495563	54495785	54495674	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210826
20	54504530	54504798	54504650	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000210826
20	54559153	54559468	54559306	16	20	5	4.105670938	0.000308509	C20orf107	ENSG00000213714
20	54563451	54563871	54563624	9	17	8	2.346097679	0.0144542	C20orf107	ENSG00000213714
20	54574753	54575486	54575226	14	32	9	3.87106117	1.67E-05	C20orf107	ENSG00000213714
20	54600828	54601124	54600970	18	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000219489
20	54615041	54615305	54615177	15	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000210831
20	54634884	54635182	54634967	8	12	3	3.812408728	0.004404	TFAP2C	ENSG00000087510
20	54638429	54638709	54638569	22	24	6	4.18946014	8.40E-05	TFAP2C	ENSG00000087510
20	54689292	54689478	54689385	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210843
20	54691550	54691856	54691680	17	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000210843
20	54691953	54692210	54692083	12	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000210843
20	54697876	54698138	54698049	9	11	11	1.173048839	0.349489		ENSG00000210843

20	54698783	54699392	54699026	9	21	11	2.150589539	0.0135908	ENSG00000210843
20	54700764	54701002	54700926	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ENSG00000210843
20	54725351	54725593	54725470	10	11	2	4.692195357	0.00272444	ENSG00000221416
20	54743475	54743719	54743620	11	12	13	1.089259637	0.414883	ENSG00000221416
20	54743725	54744185	54743904	14	25	6	4.357038546	4.72E-05	ENSG00000221416
20	54757365	54757700	54757532	10	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000221416
20	54757838	54758061	54757949	8	8	7	1.319679944	0.283403	ENSG00000221416
20	54760882	54761279	54761120	11	15	13	1.340627245	0.210788	ENSG00000207158
20	54766965	54767197	54767081	12	13	6	2.346097679	0.0266147	ENSG00000207158
20	54767422	54767660	54767578	8	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000207158
20	54787758	54787937	54787847	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000207158
20	54796078	54796361	54796219	10	13	4	3.28453675	0.00629037	ENSG00000207158
20	54812807	54813252	54813073	19	30	6	5.194930574	2.42E-06	ENSG00000207158
20	54817180	54817767	54817445	23	43	13	3.686724924	1.57E-06	ENSG00000207158
20	54837958	54838261	54838084	9	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000207158
20	54883330	54883509	54883379	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000207158
20	54883591	54883979	54883849	8	13	5	2.737113958	0.0137917	ENSG00000207158
20	54898505	54898859	54898681	30	34	4	8.211341875	1.23E-08	ENSG00000207158
20	54930932	54931299	54931107	17	22	7	3.372515413	0.000629223	ENSG00000207158
20	54982838	54983160	54983028	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000207158
20	55004099	55004300	55004248	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000207158
20	55022329	55022683	55022506	11	16	4	3.988366054	0.00115141	ENSG00000207158
20	55051691	55051877	55051784	8	9	1	5.865244197	0.00272497	BMP7 ENSG00000101144
20	55055938	55056149	55056043	8	11	3	3.519146518	0.00788869	BMP7 ENSG00000101144
20	55056418	55056911	55056743	10	21	3	6.451768616	1.56E-05	BMP7 ENSG00000101144
20	55069862	55070068	55069965	8	9	6	1.675784056	0.141978	BMP7 ENSG00000101144
20	55080114	55080308	55080165	9	9	12	0.902345261	0.602772	BMP7 ENSG00000101144
20	55083436	55084061	55083740	11	24	8	3.258468998	0.000499412	BMP7 ENSG00000101144
20	55084606	55085038	55084706	10	18	8	2.476436439	0.00924552	BMP7 ENSG00000101144
20	55100624	55100861	55100742	9	12	5	2.541605819	0.0225912	BMP7 ENSG00000101144
20	55109064	55109514	55109335	11	22	38	0.691798033	0.924629	BMP7 ENSG00000101144
20	55110089	55111423	55110927	17	83	78	1.247292437	0.0793363	BMP7 ENSG00000101144
20	55111576	55112171	55111878	9	21	38	0.661719858	0.944262	BMP7 ENSG00000101144
20	55112688	55114155	55113008	17	77	73	1.236456885	0.0955707	BMP7 ENSG00000101144

20	55114587	55114896	55114741	12	13	31	0.513208867	0.98562	BMP7	ENSG00000101144
20	55115004	55115562	55115172	10	22	35	0.74944787	0.865446	BMP7	ENSG00000101144
20	55115960	55116212	55116113	12	14	27	0.628419021	0.933656	BMP7	ENSG00000101144
20	55116381	55116915	55116684	19	35	43	0.959767232	0.575258	BMP7	ENSG00000101144
20	55116955	55118025	55117572	16	55	70	0.92522162	0.670636	BMP7	ENSG00000101144
20	55118083	55118445	55118262	11	18	46	0.474211233	0.99809	BMP7	ENSG00000101144
20	55119520	55120306	55119841	13	35	46	0.898505494	0.688843	BMP7	ENSG00000101144
20	55120332	55121599	55121098	16	63	65	1.137501905	0.232213	BMP7	ENSG00000101144
20	55122435	55122614	55122573	8	9	20	0.558594685	0.944249	BMP7	ENSG00000101144
20	55122635	55123006	55122835	13	19	25	0.902345261	0.639556	BMP7	ENSG00000101144
20	55123052	55124160	55123213	20	69	73	1.109640794	0.26733	BMP7	ENSG00000101144
20	55124264	55124652	55124473	18	25	33	0.897037348	0.665614	BMP7	ENSG00000101144
20	55124738	55125351	55125172	19	38	45	0.994541407	0.512389	BMP7	ENSG00000101144
20	55125414	55126098	55125901	16	38	35	1.270802909	0.149884	BMP7	ENSG00000101144
20	55126798	55127150	55126974	8	12	14	1.016642327	0.486402	BMP7	ENSG00000101144
20	55127236	55127422	55127329	8	8	18	0.555654713	0.936835	BMP7	ENSG00000101144
20	55127792	55127990	55127955	8	9	12	0.902345261	0.602772	BMP7	ENSG00000101144
20	55128109	55128301	55128205	10	12	24	0.609985396	0.933574	BMP7	ENSG00000101144
20	55128413	55129172	55128993	13	34	51	0.789552103	0.864107	BMP7	ENSG00000101144
20	55129185	55129491	55129338	10	14	33	0.517521547	0.987086	BMP7	ENSG00000101144
20	55129727	55130262	55130000	12	25	38	0.78203256	0.83915	BMP7	ENSG00000101144
20	55130607	55130850	55130717	15	16	14	1.329455351	0.210108	BMP7	ENSG00000101144
20	55130853	55131959	55131401	21	77	69	1.307111564	0.0517179	BMP7	ENSG00000101144
20	55131964	55132724	55132153	20	42	42	1.173048839	0.230401	BMP7	ENSG00000101144
20	55133161	55133502	55133331	9	15	28	0.64719936	0.925559	BMP7	ENSG00000101144
20	55133619	55134146	55133861	13	27	29	1.094845583	0.366894	BMP7	ENSG00000101144
20	55134169	55137579	55135293	24	180	187	1.129371489	0.121797	BMP7	ENSG00000101144
20	55137665	55138148	55137977	14	24	21	1.333010045	0.162162	BMP7	ENSG00000101144
20	55138319	55138571	55138382	8	12	12	1.173048839	0.343543	BMP7	ENSG00000101144
20	55138646	55139244	55138835	24	42	44	1.120913335	0.297456	BMP7	ENSG00000101144
20	55139383	55141217	55139775	19	105	91	1.351556271	0.0170694	BMP7	ENSG00000101144
20	55141284	55141705	55141463	12	20	29	0.821134188	0.760976	BMP7	ENSG00000101144
20	55142223	55144004	55142613	17	89	124	0.844595164	0.891159	BMP7	ENSG00000101144
20	55144176	55144807	55144395	10	26	49	0.633446373	0.97531	BMP7	ENSG00000101144

20	55144821	55145199	55145097	10	17	29	0.703829304	0.887065	BMP7	ENSG00000101144
20	55145469	55145690	55145551	8	9	15	0.733155525	0.788527	BMP7	ENSG00000101144
20	55145974	55146361	55146080	14	20	21	1.119728438	0.357221	BMP7	ENSG00000101144
20	55146594	55146996	55146817	18	26	25	1.218166102	0.236859	BMP7	ENSG00000101144
20	55147825	55149537	55148371	18	89	110	0.951120681	0.639864	BMP7	ENSG00000101144
20	55149657	55149989	55149823	10	15	27	0.670313622	0.906047	BMP7	ENSG00000101144
20	55150011	55150617	55150190	19	36	48	0.885771573	0.71459	BMP7	ENSG00000101144
20	55150633	55151588	55151006	13	44	62	0.837892028	0.820896	BMP7	ENSG00000101144
20	55151835	55152755	55152204	14	41	55	0.879786629	0.738024	BMP7	ENSG00000101144
20	55153042	55153455	55153279	12	19	22	1.020042469	0.477122	BMP7	ENSG00000101144
20	55153865	55154807	55154284	22	57	46	1.447592185	0.0291162	BMP7	ENSG00000101144
20	55154881	55155352	55155173	15	26	34	0.90492339	0.655516	BMP7	ENSG00000101144
20	55155361	55155642	55155501	10	13	39	0.410567094	0.998947	BMP7	ENSG00000101144
20	55155863	55156466	55156028	13	28	51	0.654200314	0.969789	BMP7	ENSG00000101144
20	55156556	55157199	55157023	14	36	58	0.735640798	0.931974	BMP7	ENSG00000101144
20	55157338	55157584	55157448	11	12	30	0.491923707	0.988257	BMP7	ENSG00000101144
20	55157605	55158210	55157783	10	24	28	1.011248999	0.486424	BMP7	ENSG00000101144
20	55158302	55158709	55158500	12	20	17	1.368556979	0.163361	BMP7	ENSG00000101144
20	55159093	55159327	55159210	9	10	26	0.477908786	0.985694	BMP7	ENSG00000101144
20	55161198	55161642	55161463	11	19	35	0.6516938	0.943048	BMP7	ENSG00000101144
20	55161778	55162262	55161990	14	28	37	0.895221483	0.676978	BMP7	ENSG00000101144
20	55162338	55162747	55162512	19	26	22	1.377057333	0.128834	BMP7	ENSG00000101144
20	55162830	55163712	55163539	14	44	65	0.799806027	0.879414	BMP7	ENSG00000101144
20	55163743	55164390	55164049	9	25	38	0.78203256	0.83915	BMP7	ENSG00000101144
20	55164444	55165099	55164687	10	27	37	0.864351776	0.724938	BMP7	ENSG00000101144
20	55165306	55166312	55166032	21	65	60	1.269200384	0.0897322	BMP7	ENSG00000101144
20	55166612	55168714	55168167	24	161	126	1.496330016	0.000314802	BMP7	ENSG00000101144
20	55168728	55169273	55168907	14	32	51	0.74443484	0.911653	BMP7	ENSG00000101144
20	55169365	55169579	55169460	10	12	9	1.524963491	0.154777	BMP7	ENSG00000101144
20	55170085	55171071	55170513	11	45	54	0.981095393	0.540326	BMP7	ENSG00000101144
20	55171194	55172162	55171657	13	47	74	0.750751257	0.942378	BMP7	ENSG00000101144
20	55172171	55172355	55172263	8	8	19	0.527871978	0.95364	BMP7	ENSG00000101144
20	55172586	55173068	55172790	12	22	36	0.729192522	0.888257	BMP7	ENSG00000101144
20	55173151	55173675	55173403	14	28	42	0.791125961	0.839784	BMP7	ENSG00000101144

20	55173819	55174190	55173963	14	20	30	0.794645988	0.79747	BMP7	ENSG00000101144
20	55174366	55174807	55174650	10	20	31	0.769813301	0.829881	BMP7	ENSG00000101144
20	55175419	55176500	55175844	24	73	60	1.423042854	0.0202752	BMP7	ENSG00000101144
20	55176601	55177651	55177076	16	48	72	0.787388947	0.90531	BMP7	ENSG00000101144
20	55177674	55177888	55177794	8	10	27	0.460840615	0.98972	BMP7	ENSG00000101144
20	55178602	55178931	55178766	13	18	29	0.742930932	0.850763	BMP7	ENSG00000101144
20	55178962	55179608	55179302	14	30	38	0.932423436	0.617637	BMP7	ENSG00000101144
20	55179637	55180385	55180111	19	42	76	0.655079222	0.988462	BMP7	ENSG00000101144
20	55180757	55182038	55181321	17	70	87	0.946437132	0.637039	BMP7	ENSG00000101144
20	55182166	55184643	55182710	18	121	120	1.182743458	0.0957146	BMP7	ENSG00000101144
20	55184937	55185972	55185551	19	59	56	1.234788252	0.127277	BMP7	ENSG00000101144
20	55186146	55187255	55186535	14	59	73	0.951120681	0.615706	BMP7	ENSG00000101144
20	55187259	55188548	55188271	12	58	82	0.833853994	0.85981	BMP7	ENSG00000101144
20	55188560	55188753	55188658	8	11	11	1.173048839	0.349489	BMP7	ENSG00000101144
20	55188889	55189799	55189205	14	49	60	0.961515442	0.583825	BMP7	ENSG00000101144
20	55189944	55190223	55190051	10	13	17	0.912371319	0.606688	BMP7	ENSG00000101144
20	55190364	55190637	55190488	11	14	28	0.6067494	0.948447	BMP7	ENSG00000101144
20	55190755	55191500	55191321	10	31	46	0.79867155	0.840921	BMP7	ENSG00000101144
20	55191781	55192098	55191927	10	14	20	0.837892028	0.705607	BMP7	ENSG00000101144
20	55192179	55194319	55193195	20	123	102	1.412214137	0.00469306	BMP7	ENSG00000101144
20	55194810	55195140	55194975	12	16	38	0.511328981	0.992224	BMP7	ENSG00000101144
20	55195292	55197004	55196185	18	92	117	0.924521543	0.716197	BMP7	ENSG00000101144
20	55197072	55198411	55197653	18	73	83	1.033400168	0.419839	BMP7	ENSG00000101144
20	55198416	55198734	55198590	19	23	17	1.564065119	0.0735049	BMP7	ENSG00000101144
20	55198958	55200038	55199665	24	72	67	1.25930243	0.0856683	BMP7	ENSG00000101144
20	55201216	55201729	55201395	12	22	48	0.550614761	0.992917	BMP7	ENSG00000101144
20	55202065	55203038	55202521	12	43	56	0.905511385	0.692499	BMP7	ENSG00000101144
20	55203060	55204478	55204047	13	59	72	0.964149731	0.585085	BMP7	ENSG00000101144
20	55204543	55205277	55204710	16	34	57	0.7078743	0.950185	BMP7	ENSG00000101144
20	55205675	55206973	55205849	21	79	84	1.104045966	0.263548	BMP7	ENSG00000101144
20	55207354	55209121	55208237	18	98	121	0.951900288	0.643935	BMP7	ENSG00000101144
20	55209148	55210145	55209618	20	61	85	0.845686373	0.845495	BMP7	ENSG00000101144
20	55210166	55210703	55210445	13	25	27	1.089259637	0.378702	BMP7	ENSG00000101144
20	55211174	55211926	55211747	14	36	45	0.943539284	0.606664	BMP7	ENSG00000101144

20	55212117	55214977	55214656	19	151	178	0.996108512	0.515286	BMP7	ENSG00000101144
20	55215188	55215901	55215637	15	41	64	0.757970019	0.922543	BMP7	ENSG00000101144
20	55215924	55216283	55216144	9	15	16	1.104045966	0.390393	BMP7	ENSG00000101144
20	55216529	55217219	55216838	9	26	30	1.021687699	0.47008	BMP7	ENSG00000101144
20	55217905	55218096	55218000	9	10	18	0.679133539	0.855647	BMP7	ENSG00000101144
20	55218167	55218719	55218494	19	35	54	0.767813786	0.894997	BMP7	ENSG00000101144
20	55218730	55219569	55219058	14	42	57	0.869674139	0.759361	BMP7	ENSG00000101144
20	55219597	55221264	55220708	15	90	87	1.213039141	0.0984401	BMP7	ENSG00000101144
20	55221598	55222605	55222314	15	53	86	0.72809928	0.968626	BMP7	ENSG00000101144
20	55222636	55223777	55223206	12	53	77	0.812110735	0.883076	BMP7	ENSG00000101144
20	55224259	55224911	55224438	10	24	35	0.81461725	0.78935	BMP7	ENSG00000101144
20	55224983	55226974	55225905	17	101	75	1.574355021	0.00126948	BMP7	ENSG00000101144
20	55227497	55227728	55227612	8	9	12	0.902345261	0.602772	BMP7	ENSG00000101144
20	55227793	55230036	55229295	25	144	184	0.919416658	0.777139	BMP7	ENSG00000101144
20	55230183	55230935	55230332	12	34	47	0.855348112	0.762682	BMP7	ENSG00000101144
20	55230982	55231269	55231120	16	18	35	0.61910911	0.959665	BMP7	ENSG00000101144
20	55231325	55231529	55231433	8	9	20	0.558594685	0.944249	BMP7	ENSG00000101144
20	55231755	55235178	55232182	39	276	209	1.547307279	7.87E-07	BMP7	ENSG00000101144
20	55235464	55235658	55235583	8	8	9	1.055743955	0.456865	BMP7	ENSG00000101144
20	55235787	55236362	55236088	22	45	37	1.42000649	0.0540658	BMP7	ENSG00000101144
20	55236637	55238922	55238144	38	152	154	1.157912725	0.0994869	BMP7	ENSG00000101144
20	55239587	55241001	55240692	15	72	78	1.083956522	0.310904	BMP7	ENSG00000101144
20	55241590	55242383	55241744	16	47	38	1.443752418	0.04344	BMP7	ENSG00000101144
20	55242400	55243797	55243458	12	64	84	0.897037348	0.747647	BMP7	ENSG00000101144
20	55243819	55245229	55244086	17	81	80	1.187530924	0.136688	BMP7	ENSG00000101144
20	55245358	55245649	55245503	9	12	21	0.693165223	0.860764	BMP7	ENSG00000101144
20	55245651	55245985	55245818	11	17	23	0.879786629	0.664328	BMP7	ENSG00000101144
20	55246001	55247178	55246341	13	54	62	1.024090257	0.450456	BMP7	ENSG00000101144
20	55249442	55249669	55249573	9	11	15	0.879786629	0.637414	BMP7	ENSG00000101144
20	55249677	55250606	55249980	11	40	59	0.801583374	0.866067	BMP7	ENSG00000101144
20	55250865	55251140	55250982	12	15	24	0.750751257	0.821554	BMP7	ENSG00000101144
20	55251887	55253855	55253514	30	200	162	1.446520348	0.000218875	BMP7	ENSG00000101144
20	55254422	55255172	55254813	17	50	46	1.272882783	0.116332	BMP7	ENSG00000101144
20	55255473	55257145	55256321	28	136	137	1.164548485	0.103645	BMP7	ENSG00000101144

20	55257147	55257350	55257248	9	11	12	1.082814313	0.424156	BMP7	ENSG00000101144
20	55257534	55258744	55258047	21	70	102	0.808606481	0.918107	BMP7	ENSG00000101144
20	55259093	55260162	55259763	20	78	57	1.597773419	0.00312663	BMP7	ENSG00000101144
20	55260393	55262585	55261198	68	230	198	1.361679808	0.000690872	BMP7	ENSG00000101144
20	55262823	55263984	55263100	21	65	76	1.005470434	0.488768	BMP7	ENSG00000101144
20	55264312	55265120	55264473	19	55	63	1.026417734	0.445085	BMP7	ENSG00000101144
20	55265358	55265889	55265637	16	32	44	0.860235815	0.748179	BMP7	ENSG00000101144
20	55266029	55267070	55266664	19	70	75	1.095874574	0.290649	BMP7	ENSG00000101144
20	55267248	55273341	55271860	264	1188	549	2.535918309	3.53E-79	BMP7	ENSG00000101144
20	55273498	55274613	55274434	25	90	58	1.809278718	0.000157195	BMP7	ENSG00000101144
20	55274764	55278371	55274963	37	314	285	1.291994351	0.000848263	BMP7	ENSG00000101144
20	55278379	55282421	55281291	28	288	302	1.118848563	0.0863434	BMP7	ENSG00000101144
20	55282651	55285065	55283568	24	187	211	1.040250858	0.347718	BMP7	ENSG00000101144
20	55285242	55286231	55285496	26	78	85	1.07756812	0.316987	BMP7	ENSG00000101144
20	55286286	55287334	55287155	17	64	58	1.292341942	0.0767554	BMP7	ENSG00000101144
20	55287613	55288199	55287986	14	30	38	0.932423436	0.617637	BMP7	ENSG00000101144
20	55314041	55314387	55314214	9	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000217823
20	55335062	55335729	55335241	27	42	17	2.802283338	5.11E-05		ENSG00000217823
20	55379731	55380085	55379906	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000210879
20	55444184	55444465	55444323	10	13	2	5.474227917	0.000747844	RBM38	ENSG00000132819
20	55503695	55503932	55503813	9	9	6	1.675784056	0.141978	HMG1L1	ENSG00000124097
20	55522786	55523097	55522938	11	14	4	3.519146518	0.00361132	CTCFL	ENSG00000124092
20	55575398	55575614	55575535	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PCK1	ENSG00000124253
20	55610226	55610619	55610405	9	16	2	6.647276756	0.000101928	ZBP1	ENSG00000124256
20	55727018	55727213	55727115	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PMEPA1	ENSG00000124225
20	55757002	55757192	55757097	9	10	4	2.580707446	0.0306059	PMEPA1	ENSG00000124225
20	55757230	55757510	55757370	13	16	6	2.848832895	0.00632407	PMEPA1	ENSG00000124225
20	55780776	55781461	55781189	18	35	7	5.278719777	3.74E-07	PMEPA1	ENSG00000124225
20	55787925	55788198	55788061	10	14	2	5.865244197	0.000387308	PMEPA1	ENSG00000124225
20	56005842	56006055	56005948	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000221451
20	56063181	56063407	56063252	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221385
20	56120643	56121002	56120810	17	23	6	4.021881735	0.000148535	C20orf85	ENSG00000124237
20	56178095	56178288	56178191	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C20orf85	ENSG00000124237
20	56260619	56260887	56260753	11	15	5	3.128130238	0.00492422	PPP4R1L	ENSG00000124224



20	56302061	56302261	56302141	9	9	11	0.977540699	0.526123	PPP4R1L	ENSG00000124224
20	56456298	56456532	56456448	8	11	9	1.407658607	0.210479	VAPB	ENSG00000124164
20	56619614	56620090	56619807	33	46	15	3.445830965	1.74E-06		ENSG00000221174
20	56620231	56620427	56620288	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000221174
20	56659305	56660084	56659670	35	73	17	4.822534117	4.54E-12	STX16	ENSG00000124222
20	56682340	56682519	56682429	8	8	1	5.278719777	0.00542188	NPEPL1	ENSG00000215440
20	56848041	56848355	56848198	15	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000213705
20	56864334	56864844	56864621	18	32	13	2.765043693	0.00036798	GNAS	ENSG00000087460
20	56872757	56873051	56872904	10	14	2	5.865244197	0.000387308	GNAS	ENSG00000087460
20	56878741	56879030	56878871	8	11	3	3.519146518	0.00788869	GNAS	ENSG00000087460
20	56893461	56893694	56893577	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GNAS	ENSG00000087460
20	56904491	56904686	56904627	9	11	2	4.692195357	0.00272444	GNAS	ENSG00000087460
20	56914470	56914661	56914565	9	9	7	1.466311049	0.20706	GNAS	ENSG00000087460
20	56916224	56916553	56916388	8	13	11	1.368556979	0.211388	GNAS	ENSG00000087460
20	56920642	56920922	56920777	9	11	3	3.519146518	0.00788869	GNAS	ENSG00000087460
20	57072577	57073095	57072867	44	63	9	7.507512572	1.14E-13	SLMO2	ENSG00000101166
20	57216194	57216462	57216326	14	16	3	4.985457567	0.000385643	ZNF831	ENSG00000124203
20	57231139	57231369	57231254	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ZNF831	ENSG00000124203
20	57348564	57348857	57348721	8	8	3	2.639359888	0.0415794	EDN3	ENSG00000124205
20	57463933	57464141	57464074	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C20orf83	ENSG00000157033
20	57464286	57464487	57464400	9	9	5	1.955081399	0.0892323	C20orf83	ENSG00000157033
20	57534058	57534424	57534234	10	16	6	2.848832895	0.00632407	PHACTR3	ENSG00000087495
20	57607167	57607376	57607302	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PHACTR3	ENSG00000087495
20	57759562	57759770	57759669	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PHACTR3	ENSG00000087495
20	57791623	57791839	57791731	9	10	10	1.173048839	0.355733	PHACTR3	ENSG00000087495
20	57934433	57934734	57934574	14	17	11	1.759573259	0.0609179	SYCP2	ENSG00000196074
20	57949121	57949360	57949240	13	15	6	2.68125449	0.0103552	C20orf177	ENSG00000196227
20	57957632	57957811	57957721	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C20orf177	ENSG00000196227
20	57963731	57963954	57963775	8	11	7	1.759573259	0.102361	CDH26	ENSG00000124215
20	58058805	58059035	58058920	8	10	7	1.612942154	0.147335	C20orf197	ENSG00000176659
20	58065928	58066178	58066032	14	15	5	3.128130238	0.00492422	C20orf197	ENSG00000176659
20	58219649	58219871	58219760	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000207802
20	58236572	58237140	58236962	30	42	9	5.044110009	5.53E-08		ENSG00000207802
20	58278755	58278935	58278845	8	8	9	1.055743955	0.456865		ENSG00000207802

20	58281148	58281581	58281417	16	25	10	2.772660893	0.00131329		ENSG00000207802
20	58373612	58373836	58373724	13	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000203961
20	58598143	58598326	58598229	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000215435
20	58860322	58860556	58860439	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000215435
20	59518129	59518308	59518218	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000179253
20	60019396	60019575	60019531	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220133
20	60191291	60191522	60191424	9	11	7	1.759573259	0.102361	GTPBP5	ENSG00000101181
20	60240669	60241211	60240926	18	30	7	4.545564252	7.31E-06		ENSG00000203951
20	60386575	60386931	60386753	17	22	0	26.9801233	1.77E-08	RPS21	ENSG00000171858
20	60416088	60416335	60416212	8	11	6	2.010940867	0.0640214	CABLES2	ENSG00000149679
20	60435929	60436271	60436100	24	27	8	3.649485278	0.000102745	C20orf151	ENSG00000130701
20	60508728	60509076	60508902	10	14	2	5.865244197	0.000387308	GATA5	ENSG00000130700
20	60753985	60754655	60754388	9	24	7	3.665777623	0.000215502	SLCO4A1	ENSG00000101187
20	60770348	60770537	60770442	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLCO4A1	ENSG00000101187
20	60805342	60805598	60805470	8	13	4	3.28453675	0.00629037	NTSR1	ENSG00000101188
20	60806405	60806595	60806500	8	10	4	2.580707446	0.0306059	NTSR1	ENSG00000101188
20	60840231	60840589	60840429	13	17	3	5.278719777	0.000205462	NTSR1	ENSG00000101188
20	60893265	60893520	60893373	12	15	2	6.256260476	0.000199274	C20orf20	ENSG00000101189
20	60924662	60924881	60924771	9	11	2	4.692195357	0.00272444	COL9A3	ENSG00000092758
20	61121209	61121421	61121315	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000203905
20	61285289	61285492	61285359	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000207598
20	61357770	61358528	61357984	48	73	2	28.9352047	9.68E-23	NKAIN4	ENSG00000101198
20	61639672	61639890	61639781	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PTK6	ENSG00000101213
20	61730087	61730406	61730257	19	21	3	6.451768616	1.56E-05	GMEB2	ENSG00000101216
20	61759304	61759670	61759491	10	17	14	1.407658607	0.162567	TNFRSF6B	ENSG0000026036
20	61759687	61760196	61759971	8	20	15	1.539626602	0.0943825	TNFRSF6B	ENSG0000026036
20	61766559	61767352	61766955	22	59	33	2.070086187	0.000251419	TNFRSF6B	ENSG0000026036
20	61783729	61784050	61783907	8	11	3	3.519146518	0.00788869	TNFRSF6B	ENSG0000026036
20	61784257	61784512	61784377	13	14	3	4.398933147	0.00132748	TNFRSF6B	ENSG0000026036
20	61966014	61966317	61966096	9	13	1	8.211341875	0.000163445	TPD52L2	ENSG00000101150
20	61966731	61966925	61966828	10	10	2	4.301179077	0.00512919	TPD52L2	ENSG00000101150
20	61967018	61967232	61967112	9	9	4	2.346097679	0.050148	TPD52L2	ENSG00000101150
20	61998597	61998789	61998627	8	9	1	5.865244197	0.00272497	DNAJC5	ENSG00000101152
20	62080536	62080881	62080708	8	12	2	5.083211637	0.00143337	SAMD10	ENSG00000130590

20	62082735	62083049	62082900	13	15	6	2.68125449	0.0103552	PRPF6	ENSG00000101161
21	9739609	9739812	9739721	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000169861
21	9772484	9772811	9772647	11	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000169861
21	9874124	9874303	9874277	8	8	9	1.055743955	0.456865		ENSG00000169861
21	10130900	10131388	10131032	13	22	10	2.452738482	0.00515848	BAGE4	ENSG00000187172
21	10142905	10143157	10143015	10	10	8	1.433726359	0.209175	BAGE4	ENSG00000187172
21	10152555	10152780	10152719	8	10	8	1.433726359	0.209175	VN1R7P	ENSG00000217858
21	15158875	15159113	15158978	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000217388
21	15161063	15161460	15161258	48	61	0	72.72902804	1.26E-21		ENSG00000217388
21	15458959	15459242	15459095	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	NRIP1	ENSG00000180530
21	15504377	15504618	15504520	8	9	3	2.932622098	0.0242899	NRIP1	ENSG00000180530
21	15505839	15506020	15505929	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NRIP1	ENSG00000180530
21	15587335	15587600	15587467	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CYCSP42	ENSG00000216735
21	17748683	17748947	17748815	13	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000209722
21	17831532	17831749	17831604	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CXADR	ENSG00000154639
21	17901857	17902273	17902095	41	53	3	15.83615933	3.03E-15	BTG3	ENSG00000154640
21	17961504	17961865	17961651	22	28	0	34.01841634	1.68E-10	BTG3	ENSG00000154640
21	18002640	18003035	18002856	51	64	0	76.24817456	1.23E-22	BTG3	ENSG00000154640
21	20886617	20887025	20886796	35	46	1	27.56664772	3.79E-15	RPS3AP1	ENSG00000189005
21	21533211	21533416	21533313	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	NCAM2	ENSG00000154654
21	21729693	21729983	21729838	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000221210
21	22191574	22192002	22191823	44	60	0	71.5559792	2.75E-21	C21orf74	ENSG00000184856
21	24308947	24309210	24309078	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000197382
21	25901542	25902006	25901846	8	14	5	2.932622098	0.00829617	MRPL39	ENSG00000154719
21	26463305	26463484	26463394	8	8	0	10.55743955	0.000925496	APP	ENSG00000142192
21	26464036	26464247	26464106	8	9	0	11.73048839	0.000425898	APP	ENSG00000142192
21	26684273	26684879	26684704	15	31	4	7.507512572	9.10E-08		ENSG00000197934
21	26735318	26735701	26735496	16	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000197934
21	28993799	28994107	28993954	16	17	0	21.11487911	8.57E-07	N6AMT1	ENSG00000156239
21	29179233	29179494	29179377	10	12	3	3.812408728	0.004404	N6AMT1	ENSG00000156239
21	29287295	29287493	29287370	8	8	5	1.759573259	0.13508	ZNF294	ENSG00000198862
21	29367848	29368233	29368083	8	14	0	17.59573259	8.79E-06	CCT8	ENSG00000156261
21	29680460	29680665	29680546	8	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000209835
21	29698128	29698467	29698297	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000209835

21	30772189	30772626	30772356	25	33	2	13.29455351	6.68E-10	KRTAP19-1	ENSG00000184351
21	32864045	32864259	32864105	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C21orf77	ENSG00000186842
21	33065997	33066403	33066198	14	22	3	6.745030826	8.05E-06	C21orf49	ENSG00000205930
21	33120898	33121077	33120987	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C21orf62	ENSG00000205929
21	33425581	33425789	33425673	10	10	0	12.90353723	0.000195991	OLIG1	ENSG00000184221
21	33661366	33661917	33661550	99	130	1	76.83469898	5.01E-43		ENSG00000217665
21	34095882	34096202	34096042	11	16	5	3.323638378	0.00288759	ITSN1	ENSG00000205726
21	34148967	34149258	34149141	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	ATP5O	ENSG00000159186
21	34241743	34241932	34241819	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000205673
21	34270395	34270587	34270491	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000215975
21	34381047	34381254	34381196	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MRPS6	ENSG00000214955
21	34780192	34780495	34780343	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	KCNE1	ENSG00000180509
21	34876698	34876887	34876810	8	8	2	3.519146518	0.017558	RCAN1	ENSG00000159200
21	34969365	34969777	34969602	28	35	2	14.07658607	1.57E-10	CLIC6	ENSG00000159212
21	35140803	35141013	35140964	8	11	7	1.759573259	0.102361	RUNX1	ENSG00000159216
21	35239356	35239853	35239586	12	21	5	4.301179077	0.000172642	RUNX1	ENSG00000159216
21	35357661	35358107	35357839	13	20	0	24.63402563	8.35E-08	RUNX1	ENSG00000159216
21	35550807	35551078	35550949	9	12	6	2.178519273	0.0416567	RUNX1	ENSG00000159216
21	35694737	35694998	35694871	8	10	3	3.225884308	0.0139466	RPL34P3	ENSG00000217393
21	36482229	36482520	36482374	10	13	3	4.105670938	0.00243034	RPL3P1	ENSG00000219887
21	36482585	36482804	36482712	8	10	1	6.451768616	0.00135978	RPL3P1	ENSG00000219887
21	36804276	36804495	36804368	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PSMD15	ENSG00000216430
21	37561614	37562096	37561804	9	19	4	4.692195357	0.000193572	DSCR3	ENSG00000157538
21	38059391	38059575	38059483	9	9	0	11.73048839	0.000425898	KCNJ6	ENSG00000157542
21	38420688	38420950	38420803	10	10	4	2.580707446	0.0306059	DSCR8	ENSG00000198054
21	38433612	38434092	38433842	11	19	4	4.692195357	0.000193572	DSCR8	ENSG00000198054
21	38453311	38453505	38453447	8	9	5	1.955081399	0.0892323	DSCR8	ENSG00000198054
21	38464825	38465067	38464946	9	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000209982
21	38885551	38885813	38885676	12	14	2	5.865244197	0.000387308	ERG	ENSG00000157554
21	39006005	39006332	39006168	12	16	8	2.215758919	0.0222902	ERG	ENSG00000157554
21	39081334	39081652	39081490	23	28	3	8.504604085	1.43E-07	ETS2	ENSG00000157557
21	39098427	39098674	39098541	8	11	1	7.038293036	0.000674435	ETS2	ENSG00000157557
21	39099368	39099768	39099547	9	17	6	3.016411301	0.00381427	ETS2	ENSG00000157557
21	39197492	39197985	39197779	13	26	2	10.55743955	9.97E-08		ENSG00000220397

21	39200854	39201315	39201033	12	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000220397
21	39205454	39205633	39205542	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220397
21	39208437	39208739	39208599	13	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000220397
21	39210765	39211023	39210894	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000205622
21	39228885	39229125	39229061	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000205622
21	39287430	39287715	39287572	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205622
21	39477369	39477626	39477532	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PSMG1	ENSG00000183527
21	39607426	39607692	39607557	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	BRWD1	ENSG00000185658
21	39608404	39608702	39608555	8	11	5	2.346097679	0.0364013	BRWD1	ENSG00000185658
21	39611181	39611551	39611372	13	18	5	3.714654658	0.000961539	BRWD1	ENSG00000185658
21	39615325	39615670	39615438	15	19	10	2.132816071	0.01835	BRWD1	ENSG00000185658
21	39642132	39642360	39642226	10	10	0	12.90353723	0.000195991	HGMN1	ENSG00000205581
21	39673908	39674097	39674010	8	9	3	2.932622098	0.0242899	WRB	ENSG00000182093
21	39682167	39682346	39682317	8	8	10	0.959767232	0.541959	WRB	ENSG00000182093
21	39682363	39682624	39682493	8	9	4	2.346097679	0.050148	WRB	ENSG00000182093
21	39738574	39738792	39738683	8	10	2	4.301179077	0.00512919	LCA5L	ENSG00000157578
21	39739657	39739950	39739796	10	11	5	2.346097679	0.0364013	SH3BGR	ENSG00000185437
21	39856492	39856868	39856639	8	13	5	2.737113958	0.0137917	B3GALT5	ENSG00000183778
21	39969933	39970266	39970099	9	15	0	18.76878143	4.04E-06	B3GALT5	ENSG00000183778
21	40031421	40031638	40031539	9	11	4	2.815317214	0.0183428	IGSF5	ENSG00000183067
21	40082192	40082701	40082321	10	21	13	1.843362462	0.0337179	IGSF5	ENSG00000183067
21	40145969	40146192	40146108	8	8	2	3.519146518	0.017558	PCP4	ENSG00000183036
21	40160996	40161195	40161119	8	8	5	1.759573259	0.13508	PCP4	ENSG00000183036
21	40348200	40348564	40348321	9	15	11	1.564065119	0.11768	PCP4	ENSG00000183036
21	40424295	40424785	40424540	39	62	3	18.47551922	4.36E-18	PCP4	ENSG00000183036
21	40509774	40510019	40509896	13	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000207147
21	40572223	40572603	40572410	20	28	3	8.504604085	1.43E-07		ENSG00000207147
21	40604798	40604977	40604887	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000207147
21	40614556	40614745	40614693	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000207147
21	40617970	40618466	40618324	12	20	14	1.642268375	0.06827		ENSG00000207147
21	40618594	40618932	40618763	12	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000207147
21	40632518	40632700	40632614	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000207147
21	40676185	40677009	40676765	15	39	13	3.351568112	1.24E-05		ENSG00000207147
21	40679650	40679830	40679731	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000207147

21	40680139	40680569	40680390	9	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000207147
21	40680909	40681285	40681077	17	23	10	2.559379286	0.00330263		ENSG00000207147
21	40687061	40687282	40687123	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207147
21	40954298	40954558	40954385	9	11	1	7.038293036	0.000674435	DSCAM	ENSG00000171587
21	41135507	41135946	41135676	8	15	3	4.692195357	0.000718455	DSCAM	ENSG00000171587
21	41138810	41139062	41138948	12	13	1	8.211341875	0.000163445	DSCAM	ENSG00000171587
21	41415582	41415990	41415831	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	BACE2	ENSG00000182240
21	41459173	41459411	41459292	8	9	4	2.346097679	0.050148	BACE2	ENSG00000182240
21	41654013	41654282	41654121	8	8	5	1.759573259	0.13508	MX2	ENSG00000183486
21	41714440	41714624	41714539	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MX1	ENSG00000157601
21	41754453	41754668	41754595	10	11	1	7.038293036	0.000674435	MX1	ENSG00000157601
21	41830204	41830531	41830366	15	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000207503
21	41898809	41899086	41898948	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000207503
21	41906118	41906528	41906349	14	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000207503
21	41971571	41971826	41971698	8	13	1	8.211341875	0.000163445	RIPK4	ENSG00000183421
21	41973817	41974002	41973909	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RIPK4	ENSG00000183421
21	41974481	41974989	41974668	26	41	10	4.47891375	2.87E-07	RIPK4	ENSG00000183421
21	41975563	41975913	41975771	8	12	2	5.083211637	0.00143337	RIPK4	ENSG00000183421
21	41976223	41976449	41976310	8	10	3	3.225884308	0.0139466	RIPK4	ENSG00000183421
21	41977802	41978107	41977940	8	12	2	5.083211637	0.00143337	RIPK4	ENSG00000183421
21	42044760	42045026	42044893	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	RIPK4	ENSG00000183421
21	42076779	42077031	42076908	10	11	6	2.010940867	0.0640214	RIPK4	ENSG00000183421
21	42129742	42130035	42129860	11	14	5	2.932622098	0.00829617	PRDM15	ENSG00000141956
21	42156526	42156734	42156630	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PRDM15	ENSG00000141956
21	42249489	42249675	42249582	9	9	4	2.346097679	0.050148	C2CD2	ENSG00000157617
21	42267141	42267375	42267299	11	11	5	2.346097679	0.0364013	C2CD2	ENSG00000157617
21	42303040	42303259	42303174	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ZNF295	ENSG00000173276
21	42303367	42303577	42303472	8	8	6	1.508205651	0.203852	ZNF295	ENSG00000173276
21	42348044	42348224	42348134	10	10	2	4.301179077	0.00512919	UMODL1	ENSG00000177398
21	42350075	42350621	42350400	13	32	6	5.530087385	7.11E-07	UMODL1	ENSG00000177398
21	42358001	42358241	42358121	8	10	2	4.301179077	0.00512919	UMODL1	ENSG00000177398
21	42372063	42372427	42372249	19	25	1	15.24963491	2.59E-08	UMODL1	ENSG00000177398
21	42400922	42401311	42401170	14	20	5	4.105670938	0.000308509	C21orf128	ENSG00000184385
21	42410654	42410895	42410774	10	10	7	1.612942154	0.147335	UMODL1	ENSG00000177398

21	42413273	42413517	42413398	9	9	8	1.303387599	0.281715	UMODL1	ENSG00000177398
21	42415102	42415289	42415195	8	9	2	3.910162798	0.00955088	UMODL1	ENSG00000177398
21	42438837	42439035	42438936	8	9	2	3.910162798	0.00955088	UMODL1	ENSG00000177398
21	42457451	42457630	42457498	8	8	5	1.759573259	0.13508	ABCG1	ENSG00000160179
21	42457735	42457939	42457837	9	9	9	1.173048839	0.362316	ABCG1	ENSG00000160179
21	42485424	42485647	42485477	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ABCG1	ENSG00000160179
21	42494820	42495160	42494997	15	19	1	11.73048839	2.14E-06	ABCG1	ENSG00000160179
21	42531825	42532134	42531979	13	16	4	3.988366054	0.00115141	ABCG1	ENSG00000160179
21	42631088	42631384	42631239	14	16	2	6.647276756	0.000101928	TFF2	ENSG00000160181
21	42650687	42650977	42650864	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	TFF2	ENSG00000160181
21	42656728	42656913	42656817	8	8	5	1.759573259	0.13508	TFF1	ENSG00000160182
21	42659778	42660072	42659914	9	12	3	3.812408728	0.004404	TFF1	ENSG00000160182
21	42669513	42669811	42669662	12	15	6	2.68125449	0.0103552	TFF1	ENSG00000160182
21	42723050	42723230	42723163	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210031
21	42743210	42743506	42743358	9	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000210031
21	43172765	43173006	43172832	9	12	6	2.178519273	0.0416567	WDR4	ENSG00000160193
21	43186086	43186450	43186265	10	17	4	4.222975822	0.000640773	NDUFV3	ENSG00000160194
21	43186470	43186662	43186543	10	11	1	7.038293036	0.000674435	NDUFV3	ENSG00000160194
21	43248976	43249226	43249100	11	13	1	8.211341875	0.000163445	PKNOX1	ENSG00000160199
21	43267188	43267399	43267346	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PKNOX1	ENSG00000160199
21	43338864	43339131	43338978	9	11	3	3.519146518	0.00788869	CBS	ENSG00000160200
21	43532025	43532398	43532235	11	16	2	6.647276756	0.000101928	CRYAA	ENSG00000160202
21	43577446	43577687	43577532	11	11	8	1.564065119	0.151515	SNF1LK	ENSG00000142178
21	43577714	43577904	43577849	10	11	8	1.564065119	0.151515	SNF1LK	ENSG00000142178
21	43577948	43578188	43578053	8	9	3	2.932622098	0.0242899	SNF1LK	ENSG00000142178
21	43588736	43589125	43588917	16	25	3	7.624817456	1.09E-06	SNF1LK	ENSG00000142178
21	43761139	43761467	43761288	15	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000214326
21	43854069	43854383	43854226	17	22	7	3.372515413	0.000629223	H2BFS	ENSG00000197597
21	43891042	43891242	43891112	10	12	4	3.049926982	0.0108184	HSF2BP	ENSG00000160207
21	43971132	43971527	43971298	13	18	0	22.28792795	3.94E-07	PDXK	ENSG00000160209
21	44055151	44055396	44055282	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000215458
21	44183379	44183649	44183481	10	13	2	5.474227917	0.000747844	AGPAT3	ENSG00000160216
21	44382357	44382636	44382496	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C21orf33	ENSG00000160221
21	44452386	44452623	44452504	13	15	2	6.256260476	0.000199274	ICOSLG	ENSG00000160223

21	44494172	44494397	44494275	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ICOSLG	ENSG00000160223
21	44560062	44560261	44560180	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PFKL	ENSG00000141959
21	44582607	44582880	44582779	8	11	3	3.519146518	0.00788869	C21orf2	ENSG00000160226
21	44736783	44737176	44736997	12	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000210065
21	44793394	44793757	44793579	32	37	1	22.28792795	3.34E-12	KRTAP10-2	ENSG00000205445
21	44838256	44838612	44838441	33	38	0	45.74890473	7.15E-14	KRTAP10-6	ENSG00000188155
21	44842271	44842787	44842450	34	45	2	17.98674887	1.07E-13	KRTAP10-7	ENSG00000205441
21	44954032	44954717	44954407	152	214	3	63.05137511	9.19E-68	C21orf29	ENSG00000175894
21	44955983	44956318	44956150	28	31	4	7.507512572	9.10E-08	C21orf29	ENSG00000175894
21	44997248	44997640	44997427	13	21	2	8.602358155	3.33E-06	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45009870	45010398	45010107	21	38	5	7.624817456	3.97E-09	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45010517	45011085	45010799	110	141	3	41.6432338	1.09E-43	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45017986	45018361	45018165	15	22	6	3.854303329	0.000260696	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45317782	45318035	45317917	17	18	8	2.476436439	0.00924552	ADARB1	ENSG00000197381
21	45369742	45369978	45369866	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ADARB1	ENSG00000197381
21	45578040	45578320	45578171	13	17	3	5.278719777	0.000205462	C21orf93	ENSG00000184274
21	45652307	45652494	45652400	8	8	1	5.278719777	0.00542188	COL18A1	ENSG00000182871
21	45683842	45684058	45683968	11	12	2	5.083211637	0.00143337	C21orf123	ENSG00000183535
21	45699690	45700002	45699846	8	12	4	3.049926982	0.0108184	COL18A1	ENSG00000182871
21	45800290	45800803	45800479	12	25	0	30.49926982	1.72E-09	SLC19A1	ENSG00000173638
21	45876934	45877468	45877254	52	71	7	10.55743955	2.27E-17	PCBP3	ENSG00000183570
21	45981600	45981779	45981689	9	9	4	2.346097679	0.050148	PCBP3	ENSG00000183570
21	46124948	46125536	46125127	13	30	2	12.12150467	5.77E-09	PCBP3	ENSG00000183570
21	46160583	46160762	46160672	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PCBP3OT	ENSG00000215427
21	46569637	46569840	46569709	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PCNT	ENSG00000160299
21	46942631	46942844	46942768	9	10	2	4.301179077	0.00512919	RPL23AP4	ENSG00000212932
22	15658888	15659069	15658978	8	8	0	10.55743955	0.000925496	XKR3	ENSG00000172967
22	16091045	16091615	16091405	81	103	2	40.6656931	1.45E-32	CECR1	ENSG00000093072
22	16190079	16190359	16190195	13	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000209324
22	16208682	16209123	16208951	13	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000209324
22	16241426	16241878	16241605	11	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000209324
22	16463770	16464075	16463911	12	16	4	3.988366054	0.00115141	ATP6V1E1	ENSG00000131100
22	16491341	16491615	16491493	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ATP6V1E1	ENSG00000131100
22	16569422	16569652	16569570	10	12	6	2.178519273	0.0416567	BCL2L13	ENSG00000099968



22	16605275	16605473	16605374	8	8	4	2.111487911	0.0804809	BID	ENSG00000015475
22	16938881	16939280	16939055	9	14	9	1.759573259	0.0786014	PEX26	ENSG00000215193
22	17258449	17258643	17258615	8	9	11	0.977540699	0.526123	DGCR6	ENSG00000183628
22	17297082	17297417	17297240	21	24	0	29.32622098	3.74E-09	PRODH	ENSG00000100033
22	17301218	17301665	17301493	8	15	3	4.692195357	0.000718455	PRODH	ENSG00000100033
22	17997584	17997792	17997653	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000219886
22	18111291	18111612	18111451	19	23	0	28.15317214	8.13E-09	TBX1	ENSG00000184058
22	18173983	18174435	18174214	21	35	2	14.07658607	1.57E-10		ENSG00000219300
22	18217332	18217574	18217453	17	18	5	3.714654658	0.000961539	GNB1L	ENSG00000185838
22	18236367	18236765	18236571	23	33	0	39.88366054	3.46E-12	GNB1L	ENSG00000185838
22	18242096	18242355	18242225	16	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000217984
22	18330451	18330792	18330665	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	COMT	ENSG00000093010
22	18484703	18484886	18484805	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TRMT2A	ENSG00000099899
22	18605500	18606007	18605654	31	40	2	16.03166747	4.15E-12		ENSG00000221039
22	18676470	18676663	18676518	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000161132
22	19102492	19102722	19102607	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000207343
22	19248677	19248901	19248789	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000220624
22	19251794	19252000	19251897	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000220624
22	19269880	19270118	19269999	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000220624
22	19275822	19276028	19275894	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000220624
22	19461957	19462558	19462136	12	23	5	4.692195357	5.29E-05	SERPIND1	ENSG00000099937
22	19527884	19528093	19527976	12	13	7	2.052835469	0.046392	PI4KA	ENSG00000133511
22	19543294	19543564	19543429	8	12	1	7.624817456	0.000332769	SNAP29	ENSG00000099940
22	19570162	19570403	19570243	11	15	4	3.753756286	0.0020497	SNAP29	ENSG00000099940
22	19571637	19572093	19571877	12	20	6	3.519146518	0.000784044	SNAP29	ENSG00000099940
22	19601450	19601658	19601560	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CRKL	ENSG00000099942
22	19602153	19602397	19602275	8	10	0	12.90353723	0.000195991	CRKL	ENSG00000099942
22	19606615	19606821	19606674	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CRKL	ENSG00000099942
22	19711671	19711941	19711806	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SLC7A4	ENSG00000099960
22	20267630	20267926	20267755	10	14	2	5.865244197	0.000387308	UBE2L3	ENSG00000185651
22	20667106	20667338	20667222	10	10	11	1.075294769	0.434143	TOP3B	ENSG00000100038
22	21081536	21081793	21081664	9	11	5	2.346097679	0.0364013	IGLVI-42	ENSG00000217544
22	21819832	21820097	21819967	24	24	4	5.865244197	8.64E-06	RAB36	ENSG00000100228
22	21941890	21942070	21941941	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FBXW4P1	ENSG00000218644

22	22498134	22498677	22498405	15	30	2	12.12150467	5.77E-09	DERL3	ENSG00000099958
22	22521780	22522102	22521941	13	18	4	4.457585589	0.000353565	SLC2A11	ENSG00000133460
22	22529801	22530274	22530111	10	17	5	3.519146518	0.00167472	SLC2A11	ENSG00000133460
22	22915716	22915916	22915816	9	9	10	1.066408036	0.444985	SUSD2	ENSG00000099994
22	23028957	23029352	23029179	8	13	4	3.28453675	0.00629037	ADORA2A	ENSG00000128271
22	23029428	23029687	23029582	14	15	4	3.753756286	0.0020497	ADORA2A	ENSG00000128271
22	23251469	23251651	23251587	8	9	4	2.346097679	0.050148	C22orf13	ENSG00000138867
22	23252197	23252505	23252351	11	15	2	6.256260476	0.000199274	C22orf13	ENSG00000138867
22	23281250	23281442	23281383	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C22orf13	ENSG00000138867
22	23561011	23561255	23561133	10	11	1	7.038293036	0.000674435	SGSM1	ENSG00000167037
22	23576184	23576504	23576344	14	15	9	1.876878143	0.0544542	SGSM1	ENSG00000167037
22	23676313	23676705	23676492	9	16	2	6.647276756	0.000101928	TMEM211	ENSG00000206069
22	23722666	23722933	23722809	13	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000197077
22	23778126	23778345	23778219	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000197077
22	23787630	23787986	23787808	28	34	2	13.68556979	3.24E-10		ENSG00000197077
22	23961862	23962056	23961930	11	11	3	3.519146518	0.00788869	CRYBB2	ENSG00000100058
22	24555236	24555466	24555311	9	12	1	7.624817456	0.000332769	MYO18B	ENSG00000133454
22	25093823	25094037	25093929	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000209347
22	25124548	25124729	25124638	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000209347
22	25238401	25238589	25238473	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TFIP11	ENSG00000100109
22	25260116	25260465	25260313	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000221760
22	25275003	25275327	25275156	33	37	2	14.85861863	3.69E-11		ENSG00000221760
22	25343941	25344155	25344048	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CRYBB1	ENSG00000100122
22	25371246	25371534	25371378	14	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000218556
22	25398605	25399091	25398912	11	21	9	2.580707446	0.00438951		ENSG00000206028
22	25462427	25462631	25462529	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000206028
22	25503513	25503714	25503613	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000206028
22	25509784	25510101	25509953	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000219956
22	25620976	25621160	25621068	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219956
22	25819836	25820258	25820086	18	27	1	16.42268375	5.88E-09		ENSG00000200443
22	26445069	26445297	26445192	10	13	1	8.211341875	0.000163445	MN1	ENSG00000169184
22	26445307	26445982	26445664	55	81	0	96.19000482	2.29E-28	MN1	ENSG00000169184
22	26500094	26500426	26500260	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	MN1	ENSG00000169184
22	26612533	26612712	26612622	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PITPNB	ENSG00000180957

22	27040932	27041277	27041104	16	20	3	6.158506406	2.99E-05	TTC28	ENSG00000100154
22	27041912	27042451	27042204	200	236	0	278.0125749	1.30E-80	TTC28	ENSG00000100154
22	27467648	27468001	27467824	8	14	7	2.199466574	0.0303778	CHEK2	ENSG00000183765
22	27468400	27468735	27468576	10	13	3	4.105670938	0.00243034	HSCB	ENSG00000100209
22	27498286	27498760	27498581	10	19	6	3.351568112	0.00134187	CCDC117	ENSG00000159873
22	27510064	27510316	27510225	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CCDC117	ENSG00000159873
22	27544336	27544962	27544709	20	36	12	3.338677466	2.58E-05		ENSG00000216570
22	27545536	27545845	27545668	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000216570
22	27548785	27549254	27549092	18	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000216570
22	27644165	27644353	27644265	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27649958	27650162	27650060	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27708929	27709641	27709361	110	151	2	59.43447453	2.02E-48	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27709679	27710075	27709940	16	22	2	8.993374435	1.66E-06	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27712349	27712619	27712465	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27729938	27730117	27730079	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27766778	27766957	27766926	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000218478
22	27994238	27994452	27994346	12	12	2	5.083211637	0.00143337	EWSR1	ENSG00000182944
22	28032294	28032521	28032445	10	12	2	5.083211637	0.00143337	GAS2L1	ENSG00000185340
22	28060997	28061182	28061114	8	9	5	1.955081399	0.0892323	RASL10A	ENSG00000100276
22	28070141	28070409	28070260	13	14	3	4.398933147	0.00132748	AP1B1	ENSG00000100280
22	28103178	28103431	28103337	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	AP1B1	ENSG00000100280
22	28194827	28195442	28195092	30	51	2	20.33284655	1.28E-15	NEFH	ENSG00000100285
22	28196330	28196509	28196485	8	9	4	2.346097679	0.050148	NEFH	ENSG00000100285
22	28279626	28280026	28279787	13	19	5	3.910162798	0.000546977	THOC5	ENSG00000100296
22	28416578	28416946	28416799	8	14	3	4.398933147	0.00132748	CABP7	ENSG00000100314
22	28521683	28521996	28521839	21	24	3	7.331555246	2.13E-06	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28525173	28525535	28525326	8	13	3	4.105670938	0.00243034	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28540079	28540435	28540257	15	19	1	11.73048839	2.14E-06	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28547224	28547542	28547398	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28633826	28634101	28633963	14	16	6	2.848832895	0.00632407		ENSG00000207455
22	28971553	28972500	28971890	190	274	2	107.5294769	2.27E-89	LIF	ENSG00000128342
22	28982065	28982259	28982162	8	10	2	4.301179077	0.00512919	LIF	ENSG00000128342
22	29318105	29318315	29318241	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PES1	ENSG00000100029
22	29361355	29361545	29361450	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SLC35E4	ENSG00000100036

22	29394347	29394568	29394457	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DUSP18	ENSG00000167065
22	29481431	29481644	29481537	8	9	9	1.173048839	0.362316	OSBP2	ENSG00000184792
22	29509087	29509334	29509209	11	13	1	8.211341875	0.000163445	OSBP2	ENSG00000184792
22	29807165	29807572	29807439	12	19	6	3.351568112	0.00134187	SMTN	ENSG00000183963
22	29808625	29808848	29808746	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SMTN	ENSG00000183963
22	29833496	29833973	29833734	9	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000198832
22	29848934	29849215	29849074	8	10	0	12.90353723	0.000195991	INPP5J	ENSG00000185133
22	29856964	29857221	29857055	9	10	3	3.225884308	0.0139466	INPP5J	ENSG00000185133
22	29857714	29858146	29857893	10	18	17	1.238218219	0.258417	INPP5J	ENSG00000185133
22	29875066	29875291	29875178	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000214125
22	29903482	29903755	29903618	10	11	5	2.346097679	0.0364013	RNF185	ENSG00000138942
22	29933253	29933487	29933363	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000184726
22	29944870	29945268	29945089	37	46	2	18.37776515	5.11E-14		ENSG00000209392
22	29975006	29975346	29975176	16	21	2	8.602358155	3.33E-06	LIMK2	ENSG00000182541
22	29979915	29980386	29980150	98	120	2	47.31296985	3.63E-38	LIMK2	ENSG00000182541
22	30018251	30018608	30018429	15	21	3	6.451768616	1.56E-05	PIK3IP1	ENSG00000100100
22	30032582	30032887	30032740	15	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000212542
22	30039351	30039686	30039512	20	24	5	4.887703497	2.90E-05		ENSG00000212542
22	30069208	30069637	30069458	18	27	7	4.105670938	4.08E-05	PATZ1	ENSG00000100105
22	30069922	30070115	30070018	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PATZ1	ENSG00000100105
22	30125513	30125729	30125581	8	9	4	2.346097679	0.050148	DRG1	ENSG00000185721
22	30287387	30287579	30287491	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214093
22	30312393	30312612	30312467	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214093
22	30372567	30372924	30372774	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	PISD	ENSG00000100141
22	30388036	30388478	30388175	11	17	5	3.519146518	0.00167472	PISD	ENSG00000100141
22	30409205	30409537	30409371	25	29	0	35.19146518	7.73E-11	PISD	ENSG00000100141
22	30479608	30479797	30479741	9	9	1	5.865244197	0.00272497	DEPDC5	ENSG00000100150
22	30673356	30673541	30673473	8	8	7	1.319679944	0.283403	C22orf24	ENSG00000128254
22	30696084	30696365	30696228	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000209414
22	30696602	30696930	30696766	8	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000209414
22	30703208	30703480	30703344	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000209414
22	30776729	30777120	30776908	14	20	6	3.519146518	0.000784044	SLC5A1	ENSG00000100170
22	30805089	30805323	30805256	13	14	3	4.398933147	0.00132748	SLC5A1	ENSG00000100170
22	30832987	30833348	30833160	30	36	3	10.85070176	5.62E-10		ENSG00000216309

22	31138107	31138378	31138242	8	12	1	7.624817456	0.000332769	C22orf28	ENSG00000100220
22	31200500	31200835	31200668	9	13	2	5.474227917	0.000747844	FBXO7	ENSG00000100225
22	31253822	31254065	31253917	8	8	2	3.519146518	0.017558	FBXO7	ENSG00000100225
22	31283355	31283709	31283532	21	27	1	16.42268375	5.88E-09		ENSG00000209417
22	31423845	31424080	31423962	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000209417
22	31717773	31718020	31717896	11	12	2	5.083211637	0.00143337	SYN3	ENSG00000185666
22	31775153	31775367	31775303	10	10	3	3.225884308	0.0139466	SYN3	ENSG00000185666
22	32833516	32833821	32833668	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	LARGE	ENSG00000133424
22	32969038	32969457	32969211	10	16	0	19.94183027	1.86E-06	LARGE	ENSG00000133424
22	33008254	33008484	33008369	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000220899
22	33140907	33141109	33141007	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000220899
22	33487230	33487486	33487331	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000220899
22	34098062	34098294	34098178	9	10	0	12.90353723	0.000195991	HMOX1	ENSG00000100292
22	34125760	34125939	34125880	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MCM5	ENSG00000100297
22	34315290	34315508	34315444	9	10	3	3.225884308	0.0139466	MB	ENSG00000198125
22	34348569	34348805	34348686	10	12	3	3.812408728	0.004404	MB	ENSG00000198125
22	34382407	34382702	34382533	12	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000221963
22	34643680	34643861	34643836	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000220163
22	35256134	35256319	35256226	9	9	0	11.73048839	0.000425898	EIF3D	ENSG00000100353
22	35534925	35535332	35535090	28	37	2	14.85861863	3.69E-11	PVALB	ENSG00000100362
22	35869264	35869443	35869416	8	8	2	3.519146518	0.017558	IL2RB	ENSG00000100385
22	35923637	35924004	35923816	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	C1QTNF6	ENSG00000133466
22	36089602	36089953	36089778	20	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000197900
22	36264812	36265021	36264916	10	11	4	2.815317214	0.0183428	CARD10	ENSG00000100065
22	36296139	36296364	36296228	8	9	1	5.865244197	0.00272497	LGALS2	ENSG00000100079
22	36318582	36318768	36318651	8	8	5	1.759573259	0.13508	LGALS2	ENSG00000100079
22	36333012	36333460	36333191	11	17	3	5.278719777	0.000205462	GGA1	ENSG00000100083
22	36334468	36334743	36334606	10	13	3	4.105670938	0.00243034	GGA1	ENSG00000100083
22	36503272	36503514	36503393	12	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000209462
22	36510749	36511086	36510926	19	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000209462
22	36570256	36570517	36570385	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000207945
22	36613779	36613959	36613876	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000207227
22	36624649	36625125	36624879	62	89	0	105.5743955	4.61E-31	MICALL1	ENSG00000100139
22	36783100	36783443	36783346	8	13	3	4.105670938	0.00243034	PICK1	ENSG00000100151

22	36972321	36972544	36972443	8	8	2	3.519146518	0.017558	TMEM184B	ENSG00000198792
22	37275035	37275247	37275146	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DMC1	ENSG00000100206
22	37650192	37650380	37650286	8	8	1	5.278719777	0.00542188	APOBEC3A	ENSG00000128383
22	37661080	37661415	37661247	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	APOBEC3A	ENSG00000128383
22	37823013	37823450	37823231	56	70	4	16.65729352	1.27E-19	APOBEC3H	ENSG00000100298
22	37823940	37824153	37823980	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	APOBEC3H	ENSG00000100298
22	37900643	37900860	37900771	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000218071
22	38019737	38019989	38019868	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000209480
22	38045427	38045723	38045578	11	14	2	5.865244197	0.000387308	RPL3	ENSG00000100316
22	38069567	38069784	38069679	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SYNGR1	ENSG00000100321
22	38255055	38255479	38255307	15	22	1	13.49006165	2.37E-07	RPS19BP1	ENSG00000187051
22	38360745	38360985	38360836	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000203593
22	38658819	38658998	38658908	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GRAP2	ENSG00000100351
22	38882103	38882310	38882259	8	10	6	1.843362462	0.0964212	TNRC6B	ENSG00000100354
22	39113882	39114062	39113972	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SGSM3	ENSG00000100359
22	39122888	39123122	39123005	12	14	3	4.398933147	0.00132748	SGSM3	ENSG00000100359
22	39377603	39378036	39377782	9	18	8	2.476436439	0.00924552	MKL1	ENSG00000196588
22	39402599	39402896	39402738	11	13	1	8.211341875	0.000163445	MCHR1	ENSG00000128285
22	39406617	39406817	39406716	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MCHR1	ENSG00000128285
22	39437609	39437825	39437717	10	11	4	2.815317214	0.0183428	MCHR1	ENSG00000128285
22	39447982	39448195	39448073	8	9	3	2.932622098	0.0242899	MCHR1	ENSG00000128285
22	39454882	39455120	39455001	19	20	0	24.63402563	8.35E-08	MCHR1	ENSG00000128285
22	39458623	39459015	39458848	13	18	4	4.457585589	0.000353565	SLC25A17	ENSG00000100372
22	40006140	40006388	40006260	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RANGAP1	ENSG00000100401
22	40014300	40014861	40014689	15	32	0	38.7106117	7.53E-12	RANGAP1	ENSG00000100401
22	40172749	40172928	40172838	8	8	6	1.508205651	0.203852	TOB2	ENSG00000183864
22	40315917	40316157	40316037	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PMM1	ENSG00000100417
22	40408367	40408656	40408508	8	10	3	3.225884308	0.0139466	NHP2L1	ENSG00000100138
22	40414577	40414802	40414689	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NHP2L1	ENSG00000100138
22	40558536	40558849	40558689	9	13	3	4.105670938	0.00243034	SREBF2	ENSG00000198911
22	40564912	40565199	40565041	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000184068
22	41341262	41341548	41341405	14	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000199382
22	41437183	41437459	41437301	22	22	2	8.993374435	1.66E-06	A4GALT	ENSG00000128274
22	41460384	41460734	41460587	25	30	1	18.18225701	6.30E-10	A4GALT	ENSG00000128274

22	41570785	41571138	41570961	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000216407
22	41593723	41593978	41593836	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ARFGAP3	ENSG00000100262
22	41719879	41720082	41719980	8	8	5	1.759573259	0.13508	PACSIN2	ENSG00000100266
22	41821760	41822070	41821915	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000218619
22	41869385	41869564	41869474	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MCAT	ENSG00000100294
22	42249045	42249261	42249140	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MPPED1	ENSG00000186732
22	43460098	43460398	43460248	19	21	0	25.80707446	3.84E-08	PRR5	ENSG00000186654
22	43461910	43462127	43462018	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PRR5	ENSG00000186654
22	43534085	43534301	43534195	12	12	6	2.178519273	0.0416567	PRR5	ENSG00000186654
22	43570253	43570573	43570411	24	26	0	31.67231866	7.93E-10	PRR5	ENSG00000186654
22	43847503	43848186	43847897	44	69	0	82.11341875	2.54E-24	PHF21B	ENSG00000056487
22	44005837	44006100	44005938	12	13	1	8.211341875	0.000163445	C22orf9	ENSG00000100364
22	44243977	44244213	44244095	9	9	0	11.73048839	0.000425898	FBLN1	ENSG00000077942
22	44244284	44244771	44244528	35	55	2	21.89691167	6.60E-17	FBLN1	ENSG00000077942
22	44686456	44686684	44686561	9	11	3	3.519146518	0.00788869	WNT7B	ENSG00000188064
22	44704910	44705137	44705023	8	10	1	6.451768616	0.00135978	WNT7B	ENSG00000188064
22	44788293	44788675	44788541	11	15	4	3.753756286	0.0020497	WNT7B	ENSG00000188064
22	44844204	44844730	44844551	11	22	7	3.372515413	0.000629223	C22orf26	ENSG00000182257
22	45165258	45165464	45165363	10	10	1	6.451768616	0.00135978	TRMU	ENSG00000100416
22	45332391	45332596	45332493	8	8	2	3.519146518	0.017558	CELSR1	ENSG00000075275
22	45517457	45517733	45517595	10	13	9	1.642268375	0.111397	CERK	ENSG00000100422
22	45536885	45537397	45537167	13	23	5	4.692195357	5.29E-05	TBC1D22A	ENSG00000054611
22	45548462	45548924	45548693	13	23	5	4.692195357	5.29E-05	TBC1D22A	ENSG00000054611
22	45573275	45573462	45573359	10	10	1	6.451768616	0.00135978	TBC1D22A	ENSG00000054611
22	45617231	45617627	45617431	47	57	1	34.01841634	9.11E-19		ENSG00000221672
22	45622400	45622703	45622551	12	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000221672
22	45840490	45840684	45840591	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221672
22	45904117	45904679	45904339	84	111	3	32.8453675	7.04E-34		ENSG00000221672
22	47368499	47368763	47368649	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000170714
22	47701196	47701512	47701354	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000205632
22	48539996	48540341	48540167	18	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000218799
22	48710634	48710877	48710755	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CRELD2	ENSG00000184164
22	48730863	48731299	48731062	10	19	2	7.820325595	1.32E-05	PIM3	ENSG00000198355
22	48786958	48787137	48787048	8	8	2	3.519146518	0.017558	IL17REL	ENSG00000188263

22	48808223	48808461	48808323	10	12	2	5.083211637	0.00143337	IL17REL	ENSG00000188263
22	49086350	49086761	49086588	56	65	0	77.42122339	5.67E-23	PLXNB2	ENSG00000196576
22	49127788	49127983	49127885	8	8	5	1.759573259	0.13508	SAPS2	ENSG00000100239
22	49262117	49262411	49262283	27	30	1	18.18225701	6.30E-10	SBF1	ENSG00000100241
22	49293408	49293737	49293572	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	NCAPH2	ENSG00000025770
22	49560514	49560782	49560648	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	RABL2B	ENSG00000079974
3	127626	128596	127999	103	165	15	12.17038171	3.58E-39	CHL1	ENSG00000134121
3	592005	592202	592103	9	10	8	1.433726359	0.209175	CHL1	ENSG00000134121
3	594175	594487	594320	8	12	9	1.524963491	0.154777	CHL1	ENSG00000134121
3	634791	635159	634990	8	13	6	2.346097679	0.0266147	CHL1	ENSG00000134121
3	1085907	1086277	1086086	11	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000209700
3	3217384	3217694	3217539	12	14	6	2.513676084	0.016726	CRBN	ENSG00000113851
3	3576416	3576954	3576676	83	117	3	34.60494076	7.79E-36		ENSG00000223036
3	3630325	3630504	3630451	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000223036
3	3653312	3654145	3653688	53	90	10	9.704313125	9.43E-21		ENSG00000223036
3	3769427	3769704	3769550	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	LRRN1	ENSG00000175928
3	4392957	4393204	4393080	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SETMAR	ENSG00000170364
3	4426109	4426343	4426174	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SUMF1	ENSG00000144455
3	4455036	4455293	4455164	10	11	3	3.519146518	0.00788869	SUMF1	ENSG00000144455
3	4483679	4484079	4483903	17	24	4	5.865244197	8.64E-06	SUMF1	ENSG00000144455
3	4508927	4509294	4509115	9	16	7	2.492728784	0.0124193	ITPR1	ENSG00000150995
3	4509649	4510307	4510128	11	28	12	2.616801257	0.00120123	ITPR1	ENSG00000150995
3	4541087	4541458	4541304	9	15	6	2.68125449	0.0103552	ITPR1	ENSG00000150995
3	4550594	4550801	4550685	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ITPR1	ENSG00000150995
3	4598356	4598580	4598468	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ITPR1	ENSG00000150995
3	4598808	4599170	4598987	61	68	5	13.49006165	4.34E-18	ITPR1	ENSG00000150995
3	4650046	4650349	4650179	12	15	7	2.346097679	0.0195693	ITPR1	ENSG00000150995
3	4672733	4673146	4672903	13	17	11	1.759573259	0.0609179	ITPR1	ENSG00000150995
3	4703414	4703699	4703570	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000209718
3	4703923	4704257	4704080	33	37	11	3.714654658	6.69E-06		ENSG00000209718
3	4704955	4705479	4705233	38	57	14	4.535788845	1.87E-09		ENSG00000209718
3	4728147	4728351	4728305	11	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000209718
3	4737364	4737738	4737541	12	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000209718
3	4758314	4758681	4758488	13	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000209718



3	4761195	4761488	4761341	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000209718
3	4776832	4777057	4776944	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000209718
3	4794851	4795076	4794987	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209718
3	4884930	4885148	4885039	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000209718
3	4885322	4885632	4885492	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000209718
3	4922869	4923115	4922993	10	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000209718
3	4992870	4993169	4992990	15	19	13	1.675784056	0.0660887	BHLHB2	ENSG00000134107
3	4994080	4994283	4994142	8	9	6	1.675784056	0.141978	BHLHB2	ENSG00000134107
3	4995240	4995554	4995402	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	BHLHB2	ENSG00000134107
3	4995556	4995738	4995581	8	9	2	3.910162798	0.00955088	BHLHB2	ENSG00000134107
3	4996968	4997180	4997074	8	11	4	2.815317214	0.0183428	BHLHB2	ENSG00000134107
3	4997978	4998204	4998087	8	11	3	3.519146518	0.00788869	BHLHB2	ENSG00000134107
3	4998509	4998822	4998665	10	12	8	1.694403879	0.107291	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5003442	5004113	5003727	21	38	9	4.574890473	5.74E-07	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5011413	5012088	5011831	36	55	5	10.94845583	3.92E-14	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5016450	5016982	5016716	51	75	6	12.73595883	2.24E-19	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5042789	5042996	5042892	11	11	6	2.010940867	0.0640214	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5049733	5049976	5049858	11	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000207283
3	5074547	5074789	5074668	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000207283
3	5076820	5077019	5076919	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207283
3	5123124	5123476	5123299	15	20	0	24.63402563	8.35E-08	ARL8B	ENSG00000134108
3	5153469	5153673	5153571	11	12	2	5.083211637	0.00143337	ARL8B	ENSG00000134108
3	5255283	5255557	5255433	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000209727
3	5267645	5267938	5267792	8	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000209727
3	5271341	5271731	5271552	18	28	7	4.252302043	2.31E-05		ENSG00000209727
3	5322024	5322212	5322088	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000209727
3	5828438	5828787	5828612	8	13	2	5.474227917	0.000747844		
3	8311112	8311314	8311213	12	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000209729
3	8344625	8344944	8344786	11	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000209729
3	8368485	8369009	8368658	12	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000209729
3	8458806	8459013	8458909	10	10	3	3.225884308	0.0139466	LMCD1	ENSG00000071282
3	8461089	8461431	8461260	15	20	7	3.079253203	0.00177418	LMCD1	ENSG00000071282
3	8473059	8473372	8473215	13	17	4	4.222975822	0.000640773	LMCD1	ENSG00000071282
3	8506264	8506443	8506346	9	9	5	1.955081399	0.0892323	LMCD1	ENSG00000071282

3	8517337	8517626	8517481	12	14	4	3.519146518	0.00361132	LMCD1	ENSG00000071282
3	8518472	8518705	8518588	10	13	5	2.737113958	0.0137917	LMCD1	ENSG00000071282
3	8519217	8519457	8519318	10	11	2	4.692195357	0.00272444	LMCD1	ENSG00000071282
3	8522337	8522663	8522500	11	16	6	2.848832895	0.00632407	LMCD1	ENSG00000071282
3	8542572	8542846	8542730	12	15	5	3.128130238	0.00492422	LMCD1	ENSG00000071282
3	8620065	8620264	8620187	8	9	8	1.303387599	0.281715	C3orf32	ENSG00000125046
3	8624297	8624510	8624451	9	11	3	3.519146518	0.00788869	C3orf32	ENSG00000125046
3	8636291	8636489	8636430	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C3orf32	ENSG00000125046
3	8646163	8646479	8646321	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	C3orf32	ENSG00000125046
3	8708017	8708324	8708170	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000215160
3	8720064	8720246	8720198	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000215160
3	8732420	8732759	8732589	19	23	0	28.15317214	8.13E-09	CAV3	ENSG00000182533
3	8786095	8786448	8786271	9	14	7	2.199466574	0.0303778	OXTR	ENSG00000180914
3	9096403	9096810	9096582	9	18	5	3.714654658	0.000961539	RAD18	ENSG00000070950
3	9115238	9115753	9115574	18	30	7	4.545564252	7.31E-06	RAD18	ENSG00000070950
3	9129646	9129887	9129814	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9138623	9138820	9138699	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9146984	9147180	9147093	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9147592	9147810	9147678	8	9	4	2.346097679	0.050148	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9166086	9166605	9166347	34	57	4	13.60736654	1.42E-15	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9189609	9189808	9189703	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9220949	9221290	9221106	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9260461	9260658	9260529	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9266059	9266499	9266320	8	16	7	2.492728784	0.0124193	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9331672	9332120	9331848	9	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000214041
3	9379567	9379821	9379694	10	15	2	6.256260476	0.000199274	THUMPD3	ENSG00000134077
3	9379952	9380192	9380064	8	12	6	2.178519273	0.0416567	THUMPD3	ENSG00000134077
3	9413082	9413278	9413180	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000206573
3	9413353	9414193	9414014	13	38	8	5.083211637	1.94E-07		ENSG00000206573
3	9416548	9416755	9416668	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SETD5	ENSG00000168137
3	9439361	9439693	9439527	10	15	7	2.346097679	0.0195693	SETD5	ENSG00000168137
3	9665938	9666157	9666047	11	11	4	2.815317214	0.0183428	MTMR14	ENSG00000163719
3	9732625	9732819	9732722	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000214033
3	9748033	9748424	9748261	15	22	2	8.993374435	1.66E-06	BRPF1	ENSG00000156983

3	9808927	9809188	9809091	8	11	7	1.759573259	0.102361	ARPC4	ENSG00000214021
3	9809504	9809887	9809657	11	17	6	3.016411301	0.00381427	ARPC4	ENSG00000214021
3	9817436	9817615	9817525	8	8	2	3.519146518	0.017558	ARPC4	ENSG00000214021
3	9933661	9933848	9933736	8	9	6	1.675784056	0.141978	IL17RC	ENSG00000163702
3	9949522	9949818	9949685	10	15	2	6.256260476	0.000199274	CRELD1	ENSG00000163703
3	9950111	9950759	9950296	14	32	7	4.838826462	2.26E-06	CRELD1	ENSG00000163703
3	9968645	9968833	9968739	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PRRT3	ENSG00000163704
3	9971924	9972283	9972054	8	14	6	2.513676084	0.016726	PRRT3	ENSG00000163704
3	10027650	10027871	10027762	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000206567
3	10042888	10043401	10043009	8	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000186162
3	10043527	10043735	10043631	9	9	2	3.910162798	0.00955088	FANCD2	ENSG00000144554
3	10158443	10158703	10158572	8	9	3	2.932622098	0.0242899	VHL	ENSG00000134086
3	10211275	10211500	10211387	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222348
3	10303644	10303873	10303758	10	11	8	1.564065119	0.151515	GHRL	ENSG00000157017
3	10337608	10337997	10337826	9	15	7	2.346097679	0.0195693	SEC13	ENSG00000157020
3	10387764	10388026	10387895	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000216135
3	10449026	10449348	10449187	12	17	7	2.639359888	0.00777415	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10476854	10477182	10477023	15	19	10	2.132816071	0.01835	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10511860	10512090	10511989	9	9	4	2.346097679	0.050148	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10564912	10565139	10565025	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10770729	10770939	10770815	11	13	2	5.474227917	0.000747844	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10800130	10800329	10800229	12	12	7	1.906204364	0.0695918	SLC6A11	ENSG00000132164
3	10919747	10920133	10919950	33	42	3	12.61027502	8.12E-12	SLC6A11	ENSG00000132164
3	10962366	10962554	10962443	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SLC6A1	ENSG00000157103
3	10979208	10979458	10979329	9	10	5	2.150589539	0.0575848	SLC6A1	ENSG00000157103
3	11076266	11076534	11076400	13	16	9	1.994183027	0.0370915	SLC6A1	ENSG00000157103
3	11077415	11077716	11077565	10	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC6A1	ENSG00000157103
3	11253440	11253637	11253538	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000213964
3	11271635	11271814	11271730	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HRH1	ENSG00000196639
3	11288895	11289151	11289023	14	16	3	4.985457567	0.000385643	ATG7	ENSG00000197548
3	11299939	11300321	11300118	11	18	6	3.183989707	0.00227432	ATG7	ENSG00000197548
3	11470970	11471276	11471123	16	19	5	3.910162798	0.000546977	ATG7	ENSG00000197548
3	11495158	11495338	11495248	8	8	2	3.519146518	0.017558	ATG7	ENSG00000197548
3	11525681	11525937	11525849	8	10	3	3.225884308	0.0139466	VGLL4	ENSG00000144560

3	11555705	11555897	11555758	10	11	6	2.010940867	0.0640214	VGLL4	ENSG00000144560
3	11556211	11556469	11556304	11	13	4	3.28453675	0.00629037	VGLL4	ENSG00000144560
3	11570198	11570514	11570356	10	13	4	3.28453675	0.00629037	VGLL4	ENSG00000144560
3	11580880	11581133	11581006	8	11	2	4.692195357	0.00272444	VGLL4	ENSG00000144560
3	11678965	11679154	11679059	8	8	0	10.55743955	0.000925496	VGLL4	ENSG00000144560
3	11786720	11786967	11786871	8	12	3	3.812408728	0.004404	VGLL4	ENSG00000144560
3	11787008	11788066	11787250	23	75	11	7.429309316	8.71E-16	VGLL4	ENSG00000144560
3	11790897	11791139	11791025	8	9	5	1.955081399	0.0892323	VGLL4	ENSG00000144560
3	11792025	11792278	11792158	8	10	2	4.301179077	0.00512919	VGLL4	ENSG00000144560
3	11792869	11793147	11792999	21	21	4	5.161414893	5.68E-05	VGLL4	ENSG00000144560
3	11863277	11863528	11863402	12	14	3	4.398933147	0.00132748	C3orf31	ENSG00000144559
3	11864055	11864443	11864289	11	20	1	12.31701281	1.03E-06	C3orf31	ENSG00000144559
3	12151659	12151849	12151761	8	8	2	3.519146518	0.017558	TIMP4	ENSG00000157150
3	12205611	12205815	12205713	8	9	0	11.73048839	0.000425898	TIMP4	ENSG00000157150
3	12252322	12252534	12252428	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PPARG	ENSG00000132170
3	12270189	12270481	12270335	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PPARG	ENSG00000132170
3	12388146	12388529	12388325	10	16	3	4.985457567	0.000385643	PPARG	ENSG00000132170
3	12441483	12441703	12441578	10	10	4	2.580707446	0.0306059	TSEN2	ENSG00000154743
3	12500519	12501298	12501010	15	40	10	4.372272947	5.06E-07	TSEN2	ENSG00000154743
3	12573249	12573601	12573425	17	23	8	3.128130238	0.000832453	MKRN2	ENSG00000075975
3	12596551	12596730	12596634	8	8	2	3.519146518	0.017558	MKRN2	ENSG00000075975
3	12680413	12681103	12680771	12	35	10	3.839068929	8.08E-06	RAF1	ENSG00000132155
3	12723051	12723356	12723222	9	13	6	2.346097679	0.0266147	RAF1	ENSG00000132155
3	12770219	12770398	12770308	8	8	2	3.519146518	0.017558	TMEM40	ENSG00000088726
3	12775738	12776188	12775938	20	32	1	19.35530585	1.42E-10	TMEM40	ENSG00000088726
3	12857839	12858494	12858347	17	33	8	4.431517837	3.63E-06	RPL32	ENSG00000144713
3	12908340	12908768	12908615	12	19	10	2.132816071	0.01835	RPL32	ENSG00000144713
3	13003602	13003925	13003763	12	15	9	1.876878143	0.0544542	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13011027	13011206	13011126	8	8	2	3.519146518	0.017558	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13011336	13011691	13011513	11	16	5	3.323638378	0.00288759	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13246098	13246427	13246262	21	24	8	3.258468998	0.000499412	NUP210	ENSG00000132182
3	13318056	13318847	13318291	44	78	3	23.16771458	3.38E-23	NUP210	ENSG00000132182
3	13325068	13325249	13325158	9	9	4	2.346097679	0.050148	NUP210	ENSG00000132182
3	13363104	13363300	13363200	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NUP210	ENSG00000132182

3	13391223	13391471	13391327	8	9	6	1.675784056	0.141978	NUP210	ENSG00000132182
3	13441396	13441708	13441552	11	12	2	5.083211637	0.00143337	NUP210	ENSG00000132182
3	13468070	13468253	13468161	8	8	10	0.959767232	0.541959	HDAC11	ENSG00000163517
3	13468428	13468687	13468557	9	11	6	2.010940867	0.0640214	HDAC11	ENSG00000163517
3	13469312	13469730	13469574	14	26	7	3.959039833	7.16E-05	HDAC11	ENSG00000163517
3	13471595	13472204	13471973	56	75	1	44.57585589	1.01E-24	HDAC11	ENSG00000163517
3	13492607	13492968	13492781	18	24	12	2.255863153	0.00673318	HDAC11	ENSG00000163517
3	13501705	13501995	13501850	11	14	2	5.865244197	0.000387308	HDAC11	ENSG00000163517
3	13512919	13513179	13513049	9	11	7	1.759573259	0.102361	HDAC11	ENSG00000163517
3	13542376	13543001	13542678	32	58	0	69.20988152	1.30E-20	FBLN2	ENSG00000163520
3	13674358	13674559	13674458	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221645
3	13895179	13895365	13895334	8	8	0	10.55743955	0.000925496	WNT7A	ENSG00000154764
3	13895437	13895747	13895573	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	WNT7A	ENSG00000154764
3	13907326	13907628	13907477	20	23	2	9.384390715	8.25E-07	WNT7A	ENSG00000154764
3	13911692	13911898	13911834	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	WNT7A	ENSG00000154764
3	13911902	13912321	13912142	13	21	3	6.451768616	1.56E-05	WNT7A	ENSG00000154764
3	13913122	13913349	13913235	14	15	6	2.68125449	0.0103552	WNT7A	ENSG00000154764
3	14017174	14017537	14017337	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	TPRXL	ENSG00000180438
3	14130953	14131190	14131071	10	11	4	2.815317214	0.0183428	CHCHD4	ENSG00000163528
3	14141314	14141509	14141411	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CHCHD4	ENSG00000163528
3	14141514	14141878	14141700	13	18	10	2.026175268	0.0273052	TMEM43	ENSG00000170876
3	14161178	14161519	14161348	8	12	4	3.049926982	0.0108184	TMEM43	ENSG00000170876
3	14162987	14163275	14163131	11	15	2	6.256260476	0.000199274	TMEM43	ENSG00000170876
3	14172798	14173038	14172920	11	13	10	1.49297125	0.157311	XPC	ENSG00000154767
3	14194315	14195586	14195074	103	194	13	16.33889455	9.78E-50	XPC	ENSG00000154767
3	14219941	14220228	14220096	13	14	4	3.519146518	0.00361132	LSM3	ENSG00000170860
3	14260319	14260542	14260430	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	LSM3	ENSG00000170860
3	14261650	14261835	14261665	8	8	5	1.759573259	0.13508	LSM3	ENSG00000170860
3	14265488	14265865	14265667	10	17	10	1.919534464	0.0400548	LSM3	ENSG00000170860
3	14270350	14270536	14270419	9	9	5	1.955081399	0.0892323	LSM3	ENSG00000170860
3	14273070	14273466	14273233	10	16	4	3.988366054	0.00115141	LSM3	ENSG00000170860
3	14277569	14278009	14277796	11	20	5	4.105670938	0.000308509	LSM3	ENSG00000170860
3	14281801	14282622	14282337	20	49	9	5.865244197	8.04E-10	LSM3	ENSG00000170860
3	14284667	14284901	14284814	8	10	8	1.433726359	0.209175	LSM3	ENSG00000170860

3	14295219	14295525	14295396	8	12	1	7.624817456	0.000332769	LSM3	ENSG00000170860
3	14342283	14342662	14342485	30	36	5	7.233801176	1.48E-08		ENSG00000199609
3	14388410	14388760	14388585	14	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000199609
3	14418648	14419157	14418928	13	23	5	4.692195357	5.29E-05	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14422513	14422714	14422613	11	12	2	5.083211637	0.00143337	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14427685	14427923	14427749	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14448732	14449043	14448871	12	16	8	2.215758919	0.0222902	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14455904	14456242	14456073	8	14	6	2.513676084	0.016726	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14477832	14478051	14477912	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14478298	14478540	14478363	11	13	1	8.211341875	0.000163445	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14505138	14505541	14505335	17	25	1	15.24963491	2.59E-08		ENSG00000207163
3	14525318	14525639	14525478	9	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000207163
3	14564908	14565138	14565023	9	10	4	2.580707446	0.0306059	GRIP2	ENSG00000144596
3	14636608	14636787	14636697	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C3orf19	ENSG00000154781
3	14667899	14668359	14668146	16	27	12	2.526566731	0.00187486	C3orf19	ENSG00000154781
3	14787937	14788129	14788029	8	9	2	3.910162798	0.00955088	FGD5	ENSG00000154783
3	14797450	14797759	14797604	13	14	13	1.256838042	0.269506	FGD5	ENSG00000154783
3	14839571	14839797	14839684	8	11	8	1.564065119	0.151515	FGD5	ENSG00000154783
3	14874062	14874395	14874228	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	FGD5	ENSG00000154783
3	14900696	14900882	14900789	8	11	5	2.346097679	0.0364013	NR2C2	ENSG00000177463
3	14937641	14938014	14937835	11	18	7	2.785990993	0.00480525	NR2C2	ENSG00000177463
3	15060338	15060540	15060439	9	10	3	3.225884308	0.0139466	MRPS25	ENSG00000131368
3	15068144	15068481	15068309	8	12	2	5.083211637	0.00143337	MRPS25	ENSG00000131368
3	15081687	15081873	15081780	8	9	7	1.466311049	0.20706	MRPS25	ENSG00000131368
3	15115393	15115995	15115677	22	38	13	3.26777891	2.05E-05	ZFYVE20	ENSG00000131381
3	15126921	15127125	15127053	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZFYVE20	ENSG00000131381
3	15189370	15189712	15189541	20	25	2	10.16642327	2.02E-07	CAPN7	ENSG00000131375
3	15219261	15219535	15219395	13	14	2	5.865244197	0.000387308	CAPN7	ENSG00000131375
3	15284531	15284791	15284686	14	17	9	2.111487911	0.0248715	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15296188	15296461	15296295	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15309386	15310007	15309520	17	31	8	4.170840318	1.13E-05	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15323563	15324049	15323794	50	66	1	39.29713612	9.69E-22	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15327100	15327333	15327244	11	13	6	2.346097679	0.0266147	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15327370	15327934	15327549	12	24	8	3.258468998	0.000499412	SH3BP5	ENSG00000131370

3	15341832	15342015	15341923	8	9	4	2.346097679	0.050148	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15349231	15349469	15349350	9	12	3	3.812408728	0.004404	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15380558	15380873	15380715	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000201162
3	15394708	15395107	15394928	11	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000201162
3	15536741	15536988	15536864	8	9	3	2.932622098	0.0242899	COLQ	ENSG00000206561
3	15574153	15574374	15574263	10	12	2	5.083211637	0.00143337	COLQ	ENSG00000206561
3	15617853	15618624	15618032	16	38	13	3.26777891	2.05E-05	HACL1	ENSG00000131373
3	15650701	15650919	15650810	8	10	1	6.451768616	0.00135978	BTD	ENSG00000169814
3	15702435	15702691	15702563	12	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000222873
3	16263707	16264055	16263847	9	13	1	8.211341875	0.000163445	DPH3	ENSG00000154813
3	16281221	16281674	16281593	10	20	5	4.105670938	0.000308509	DPH3	ENSG00000154813
3	16323786	16323984	16323885	9	9	1	5.865244197	0.00272497	OXNAD1	ENSG00000154814
3	17746822	17747172	17746997	9	14	4	3.519146518	0.00361132	TBC1D5	ENSG00000131374
3	18003686	18003872	18003785	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000213890
3	18248850	18249047	18248948	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SATB1	ENSG00000182568
3	18251475	18251780	18251627	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	SATB1	ENSG00000182568
3	18515757	18516124	18515939	22	30	1	18.18225701	6.30E-10	SATB1	ENSG00000182568
3	18729927	18730200	18730063	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000209918
3	18774494	18774786	18774640	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000209918
3	18807974	18808178	18808096	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209918
3	18859732	18860018	18859875	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000209918
3	18963011	18963366	18963188	13	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000209918
3	18981125	18981377	18981235	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000209918
3	19163370	19163579	19163474	10	11	1	7.038293036	0.000674435	KCNH8	ENSG00000183960
3	19473998	19474283	19474151	12	12	2	5.083211637	0.00143337	KCNH8	ENSG00000183960
3	19883344	19883549	19883446	8	8	2	3.519146518	0.017558	EFHB	ENSG00000163576
3	19901939	19902185	19902095	9	9	2	3.910162798	0.00955088	EFHB	ENSG00000163576
3	19963224	19963668	19963484	14	25	9	3.049926982	0.000648806	EFHB	ENSG00000163576
3	20057212	20057520	20057366	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	KAT2B	ENSG00000114166
3	20057981	20058266	20058123	11	14	9	1.759573259	0.0786014	KAT2B	ENSG00000114166
3	20060122	20060517	20060301	10	17	6	3.016411301	0.00381427	KAT2B	ENSG00000114166
3	20073431	20074069	20073757	13	28	7	4.252302043	2.31E-05	KAT2B	ENSG00000114166
3	20094798	20095224	20095020	55	66	3	19.64856806	2.33E-19	KAT2B	ENSG00000114166
3	20202529	20203341	20203190	9	28	10	3.092583304	0.000307818	SGOL1	ENSG00000129810

3	23337459	23337758	23337608	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000206728
3	23662817	23663115	23662943	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000212269
3	23933702	23933908	23933797	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RPL15	ENSG00000174748
3	24165505	24165735	24165631	9	9	0	11.73048839	0.000425898	THRB	ENSG00000151090
3	24504202	24504416	24504329	8	9	0	11.73048839	0.000425898	THRB	ENSG00000151090
3	24512141	24512375	24512278	8	10	4	2.580707446	0.0306059	THRB	ENSG00000151090
3	24742142	24742574	24742291	11	18	6	3.183989707	0.00227432	THRB	ENSG00000151090
3	24849434	24849648	24849517	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000210001
3	25050013	25050192	25050102	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201713
3	25309083	25309453	25309264	13	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000213877
3	25664636	25664925	25664793	11	13	4	3.28453675	0.00629037	TOP2B	ENSG00000077097
3	25707724	25708002	25707884	13	16	2	6.647276756	0.000101928	TOP2B	ENSG00000077097
3	25978813	25979008	25978910	9	10	3	3.225884308	0.0139466	OXSM	ENSG00000151093
3	26298105	26298376	26298240	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	LRRC3B	ENSG00000179796
3	27108160	27108453	27108310	15	15	5	3.128130238	0.00492422	NEK10	ENSG00000163491
3	27501080	27501369	27501256	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	SLC4A7	ENSG00000033867
3	27769452	27769682	27769619	8	9	2	3.910162798	0.00955088	EOMES	ENSG00000163508
3	27784701	27784890	27784795	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	EOMES	ENSG00000163508
3	27858774	27858988	27858905	8	8	1	5.278719777	0.00542188	EOMES	ENSG00000163508
3	28614644	28614968	28614814	12	15	2	6.256260476	0.000199274	C3orf53	ENSG00000178811
3	29297276	29297525	29297388	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RBMS3	ENSG00000144642
3	29957439	29957661	29957562	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000203652
3	30110086	30110415	30110239	26	28	3	8.504604085	1.43E-07		ENSG00000203652
3	30244405	30244633	30244502	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199927
3	30534570	30534831	30534700	9	12	2	5.083211637	0.00143337	TGFBR2	ENSG00000163513
3	30534919	30535181	30535050	9	11	1	7.038293036	0.000674435	TGFBR2	ENSG00000163513
3	30710060	30710303	30710179	10	11	3	3.519146518	0.00788869	TGFBR2	ENSG00000163513
3	30981216	30981453	30981325	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GADL1	ENSG00000144644
3	31749609	31749822	31749745	8	8	1	5.278719777	0.00542188	STT3B	ENSG00000163527
3	31964146	31964359	31964245	8	9	4	2.346097679	0.050148	OSBPL10	ENSG00000144645
3	31997897	31998103	31998039	9	10	3	3.225884308	0.0139466	OSBPL10	ENSG00000144645
3	32053562	32053866	32053685	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000201701
3	32126806	32127227	32127048	24	35	6	6.032822602	1.10E-07	GPD1L	ENSG00000152642
3	32149244	32149514	32149368	21	25	1	15.24963491	2.59E-08	GPD1L	ENSG00000152642



3	32352700	32352930	32352808	8	10	7	1.612942154	0.147335	CMTM7	ENSG00000153551
3	32423351	32424007	32423670	38	67	2	26.58910702	8.66E-21	CMTM7	ENSG00000153551
3	32574235	32574429	32574335	8	8	2	3.519146518	0.017558	DYNC1LI1	ENSG00000144635
3	32861630	32861809	32861710	8	8	2	3.519146518	0.017558	TRIM71	ENSG00000206557
3	32881968	32882147	32882057	8	8	2	3.519146518	0.017558	TRIM71	ENSG00000206557
3	33130956	33131282	33131119	10	12	6	2.178519273	0.0416567	CRTAP	ENSG00000170275
3	33484272	33484677	33484464	41	57	0	68.03683268	2.82E-20		ENSG00000202175
3	33498676	33499008	33498847	11	16	6	2.848832895	0.00632407		ENSG00000202175
3	33675521	33675751	33675602	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CLASP2	ENSG00000163539
3	33733285	33733508	33733396	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CLASP2	ENSG00000163539
3	34033529	34033777	34033652	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	34041372	34041649	34041500	18	18	1	11.14396397	4.44E-06	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	34052542	34052862	34052696	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	34384121	34384336	34384237	13	13	3	4.105670938	0.00243034		
3	34697081	34697319	34697213	8	9	1	5.865244197	0.00272497		
3	35456183	35456592	35456352	9	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000212442
3	36949385	36949750	36949571	34	41	1	24.63402563	1.65E-13		ENSG00000210181
3	36986281	36986701	36986460	27	39	2	15.64065119	8.61E-12		ENSG00000210181
3	37009924	37010167	37010045	9	10	4	2.580707446	0.0306059	MLH1	ENSG00000076242
3	37375197	37375397	37375297	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000222208
3	37557296	37557554	37557425	9	11	2	4.692195357	0.00272444	ITGA9	ENSG00000144668
3	37611827	37612158	37612035	9	13	1	8.211341875	0.000163445	ITGA9	ENSG00000144668
3	37644564	37644874	37644719	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	ITGA9	ENSG00000144668
3	37677206	37677613	37677385	19	28	3	8.504604085	1.43E-07	CTDSPL	ENSG00000144677
3	37775520	37775818	37775669	11	15	2	6.256260476	0.000199274	CTDSPL	ENSG00000144677
3	37871984	37872345	37872149	11	17	5	3.519146518	0.00167472	CTDSPL	ENSG00000144677
3	37962587	37963019	37962744	11	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000199075
3	38040831	38041114	38040972	12	14	2	5.865244197	0.000387308	PLCD1	ENSG00000187091
3	38181279	38181575	38181427	13	15	3	4.692195357	0.000718455	OXR1	ENSG00000172939
3	38181789	38182029	38181939	8	10	2	4.301179077	0.00512919	OXR1	ENSG00000172939
3	38537969	38538234	38538118	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207512
3	38547190	38547464	38547332	14	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000207512
3	38667802	38668093	38667960	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SCN5A	ENSG00000183873
3	38860470	38860666	38860570	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000222719

3	39142308	39142636	39142477	12	17	4	4.222975822	0.000640773	GORASP1	ENSG00000114745
3	39157749	39158022	39157885	10	13	3	4.105670938	0.00243034	AXUD1	ENSG00000144655
3	39163654	39163925	39163789	11	12	6	2.178519273	0.0416567	AXUD1	ENSG00000144655
3	39206291	39206601	39206446	10	12	5	2.541605819	0.0225912	XIRP1	ENSG00000168334
3	39304882	39305069	39304975	9	9	6	1.675784056	0.141978	CX3CR1	ENSG00000168329
3	39999554	39999783	39999673	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000201570
3	40007156	40007335	40007250	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000201570
3	40061183	40061525	40061354	10	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000201570
3	40325889	40326199	40326049	19	21	2	8.602358155	3.33E-06	EIF1B	ENSG00000114784
3	40466293	40466524	40466405	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RPL14	ENSG00000188846
3	40469663	40469969	40469805	8	11	3	3.519146518	0.00788869	RPL14	ENSG00000188846
3	40473614	40473890	40473762	9	13	6	2.346097679	0.0266147	RPL14	ENSG00000188846
3	40493639	40493828	40493733	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZNF619	ENSG00000177873
3	40541313	40541524	40541432	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF621	ENSG00000172888
3	40698296	40698483	40698368	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZNF621	ENSG00000172888
3	41001847	41002067	41001963	13	14	5	2.932622098	0.00829617	CTNNB1	ENSG00000168036
3	41041083	41041322	41041170	10	11	2	4.692195357	0.00272444	CTNNB1	ENSG00000168036
3	41215881	41216146	41216013	9	11	2	4.692195357	0.00272444	CTNNB1	ENSG00000168036
3	41257394	41257623	41257464	8	8	2	3.519146518	0.017558	CTNNB1	ENSG00000168036
3	41284589	41284830	41284730	8	11	1	7.038293036	0.000674435	CTNNB1	ENSG00000168036
3	41344131	41344456	41344293	10	13	2	5.474227917	0.000747844	CTNNB1	ENSG00000168036
3	41487926	41488154	41488040	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000221337
3	41978454	41978750	41978622	8	9	6	1.675784056	0.141978	ULK4	ENSG00000168038
3	42493370	42493598	42493507	12	13	2	5.474227917	0.000747844	VIPR1	ENSG00000114812
3	42718150	42718350	42718250	8	9	3	2.932622098	0.0242899	HHATL	ENSG0000010282
3	42839562	42840239	42840037	92	131	4	30.96848936	3.82E-39	CCBP2	ENSG00000144648
3	43786023	43786255	43786139	11	13	2	5.474227917	0.000747844	ABHD5	ENSG0000011198
3	44354566	44354824	44354741	8	10	0	12.90353723	0.000195991	C3orf23	ENSG00000179152
3	44354859	44355263	44355035	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	C3orf23	ENSG00000179152
3	44641292	44641511	44641429	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF197	ENSG00000186448
3	45183986	45184338	45184190	9	13	4	3.28453675	0.00629037	CDCP1	ENSG00000163814
3	45777709	45777953	45777828	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000223285
3	45796778	45797104	45796941	17	20	5	4.105670938	0.000308509	SLC6A20	ENSG00000163817
3	45955351	45955548	45955431	9	9	4	2.346097679	0.050148	CXCR6	ENSG00000172215

3	46646389	46646869	46646700	21	35	4	8.445951643	6.26E-09		ENSG00000203651
3	46676978	46677704	46677467	77	111	4	26.276294	1.11E-32	ALS2CL	ENSG00000178038
3	46779685	46779976	46779830	23	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000206549
3	46926120	46926320	46926163	8	8	2	3.519146518	0.017558	PTHR1	ENSG00000160801
3	46952007	46952315	46952161	9	13	3	4.105670938	0.00243034	CCDC12	ENSG00000160799
3	46992666	46992853	46992801	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCDC12	ENSG00000160799
3	47492435	47492770	47492602	9	11	2	4.692195357	0.00272444	SCAP	ENSG00000114650
3	47529847	47530140	47529976	10	12	4	3.049926982	0.0108184	TMEM103	ENSG00000163832
3	47798431	47798709	47798570	8	10	5	2.150589539	0.0575848	SMARCC1	ENSG00000173473
3	47819579	47819762	47819670	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DHX30	ENSG00000132153
3	48257477	48257702	48257589	9	11	5	2.346097679	0.0364013	ZNF589	ENSG00000164048
3	48448945	48449319	48449124	50	59	0	70.38293036	5.97E-21	PLXNB1	ENSG00000164050
3	48489562	48489764	48489663	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SHISA5	ENSG00000164054
3	48519901	48520305	48520080	11	18	4	4.457585589	0.000353565	SHISA5	ENSG00000164054
3	48721637	48721897	48721767	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	IHPK2	ENSG00000068745
3	49019410	49019611	49019510	9	9	1	5.865244197	0.00272497	WDR6	ENSG00000178252
3	49026620	49026802	49026711	8	8	2	3.519146518	0.017558	DALRD3	ENSG00000178149
3	49200255	49200551	49200403	8	10	1	6.451768616	0.00135978	KLHDC8B	ENSG00000185909
3	49231112	49231362	49231237	9	10	0	12.90353723	0.000195991	CCDC36	ENSG00000173421
3	49441613	49441889	49441751	9	11	1	7.038293036	0.000674435	NICN1	ENSG00000145029
3	49474033	49474306	49474177	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000201301
3	49681879	49682058	49681968	8	8	0	10.55743955	0.000925496	APEH	ENSG00000164062
3	50158978	50159345	50159157	28	35	2	14.07658607	1.57E-10	SEMA3F	ENSG00000001617
3	50163163	50163745	50163439	13	32	6	5.530087385	7.11E-07	SEMA3F	ENSG00000001617
3	50170359	50170619	50170503	9	11	2	4.692195357	0.00272444	SEMA3F	ENSG00000001617
3	50281267	50281669	50281446	11	19	5	3.910162798	0.000546977	SEMA3B	ENSG00000012171
3	50333895	50334118	50334045	9	10	2	4.301179077	0.00512919	HYAL2	ENSG00000068001
3	50349878	50350057	50349976	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RASSF1	ENSG00000068028
3	50614394	50614591	50614460	8	8	2	3.519146518	0.017558	CISH	ENSG00000114737
3	50615196	50615478	50615337	11	14	2	5.865244197	0.000387308	CISH	ENSG00000114737
3	50828401	50828580	50828517	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000188420
3	50863613	50863883	50863748	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000188420
3	51397332	51397511	51397416	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ARMET	ENSG00000145050
3	51401110	51401414	51401245	19	22	4	5.396024661	3.05E-05	RBM15B	ENSG00000179837

3	51681087	51681280	51681167	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TEX264	ENSG00000164081
3	51728278	51728461	51728367	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221068
3	52004860	52005181	52005039	18	22	4	5.396024661	3.05E-05	RPL29	ENSG00000162244
3	52116029	52116397	52116246	21	27	0	32.8453675	3.65E-10	C3orf74	ENSG00000221939
3	52137212	52137409	52137310	8	9	2	3.910162798	0.00955088	WDR51A	ENSG00000164087
3	53144021	53144207	53144163	8	11	9	1.407658607	0.210479	RFT1	ENSG00000163933
3	53164720	53165204	53164860	10	21	5	4.301179077	0.000172642	PRKCD	ENSG00000163932
3	53278929	53279498	53279126	73	107	1	63.34463732	2.34E-35		ENSG00000210751
3	53356602	53356863	53356757	11	13	12	1.263283365	0.272203	DCP1A	ENSG00000162290
3	53540839	53541072	53540955	10	12	2	5.083211637	0.00143337	CACNA1D	ENSG00000157388
3	53592263	53592553	53592408	15	16	2	6.647276756	0.000101928	CACNA1D	ENSG00000157388
3	54331548	54331775	54331601	8	10	4	2.580707446	0.0306059	CACNA2D3	ENSG00000157445
3	54363056	54363518	54363307	10	21	3	6.451768616	1.56E-05	CACNA2D3	ENSG00000157445
3	54367604	54367835	54367730	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CACNA2D3	ENSG00000157445
3	54662626	54662808	54662717	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CACNA2D3	ENSG00000157445
3	54663259	54663571	54663413	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	CACNA2D3	ENSG00000157445
3	54866492	54866868	54866630	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	LRTM1	ENSG00000144771
3	54872917	54873161	54873063	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	LRTM1	ENSG00000144771
3	54900740	54901072	54900905	13	16	5	3.323638378	0.00288759	LRTM1	ENSG00000144771
3	54996705	54997078	54996904	17	23	2	9.384390715	8.25E-07	LRTM1	ENSG00000144771
3	55578189	55578565	55578363	11	15	4	3.753756286	0.0020497	WNT5A	ENSG00000114251
3	56141351	56141574	56141462	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000200238
3	56403133	56403322	56403216	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ERC2	ENSG00000187672
3	56566143	56566341	56566242	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CCDC66	ENSG00000180376
3	56792769	56793565	56793104	81	123	0	145.4580561	1.60E-42	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	56849545	56849745	56849653	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	57013354	57013548	57013451	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	57024140	57024558	57024354	62	81	4	19.23800096	4.31E-23	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	57050627	57050863	57050733	12	13	3	4.105670938	0.00243034	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	57156238	57156532	57156395	8	12	1	7.624817456	0.000332769	IL17RD	ENSG00000144730
3	57499322	57499512	57499401	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000202428
3	57716699	57717178	57716878	10	21	5	4.301179077	0.000172642	SLMAP	ENSG00000163681
3	57764395	57764596	57764528	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SLMAP	ENSG00000163681
3	58072725	58072949	58072837	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000197750

3	58168948	58169127	58169037	9	9	1	5.865244197	0.00272497	DNASE1L3	ENSG00000163687
3	58432120	58432454	58432288	9	13	5	2.737113958	0.0137917	KCTD6	ENSG00000168301
3	58835245	58835452	58835360	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C3orf67	ENSG00000163689
3	59281002	59281303	59281152	11	12	2	5.083211637	0.00143337	C3orf67	ENSG00000163689
3	59354519	59354926	59354748	41	50	0	59.82549081	6.45E-18	C3orf67	ENSG00000163689
3	59536149	59536358	59536184	8	9	1	5.865244197	0.00272497		
3	59759635	59759881	59759759	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		
3	59937102	59937372	59937209	8	10	2	4.301179077	0.00512919		
3	60047721	60047909	60047815	11	11	1	7.038293036	0.000674435	FHIT	ENSG00000189283
3	61342588	61342790	61342675	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PTPRG	ENSG00000144724
3	61588571	61588851	61588697	15	19	12	1.804690522	0.0452624	PTPRG	ENSG00000144724
3	61595188	61595405	61595296	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PTPRG	ENSG00000144724
3	61595414	61595983	61595593	22	38	15	2.859306546	8.61E-05	PTPRG	ENSG00000144724
3	61597806	61598361	61598091	12	25	16	1.794074695	0.0280669	PTPRG	ENSG00000144724
3	61610459	61610776	61610617	8	13	14	1.094845583	0.406217	PTPRG	ENSG00000144724
3	61615744	61616039	61615904	20	21	7	3.225884308	0.00106152	PTPRG	ENSG00000144724
3	61618760	61619010	61618875	8	11	17	0.78203256	0.752912	PTPRG	ENSG00000144724
3	61619964	61620358	61620142	9	14	13	1.256838042	0.269506	PTPRG	ENSG00000144724
3	61620920	61621105	61620971	8	8	10	0.959767232	0.541959	PTPRG	ENSG00000144724
3	61623425	61623706	61623557	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	PTPRG	ENSG00000144724
3	61625658	61625868	61625763	8	9	7	1.466311049	0.20706	PTPRG	ENSG00000144724
3	61628984	61629198	61629095	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PTPRG	ENSG00000144724
3	61630395	61630695	61630536	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PTPRG	ENSG00000144724
3	61639050	61639654	61639475	8	20	8	2.737113958	0.0036449	PTPRG	ENSG00000144724
3	61640517	61640909	61640736	9	13	8	1.824742639	0.0744168	PTPRG	ENSG00000144724
3	61643279	61643562	61643432	10	15	7	2.346097679	0.0195693	PTPRG	ENSG00000144724
3	61643719	61643967	61643795	9	10	17	0.71686318	0.816679	PTPRG	ENSG00000144724
3	61648559	61648837	61648698	13	17	8	2.346097679	0.0144542	PTPRG	ENSG00000144724
3	61657863	61658410	61658157	19	34	10	3.732428125	1.39E-05	PTPRG	ENSG00000144724
3	61661589	61661997	61661818	9	16	14	1.329455351	0.210108	PTPRG	ENSG00000144724
3	61663276	61663523	61663399	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PTPRG	ENSG00000144724
3	61665538	61665969	61665656	8	15	23	0.78203256	0.783431	PTPRG	ENSG00000144724
3	61666730	61667329	61667183	11	25	16	1.794074695	0.0280669	PTPRG	ENSG00000144724
3	61669527	61669959	61669687	12	19	10	2.132816071	0.01835	PTPRG	ENSG00000144724

3	61680307	61680604	61680455	9	10	10	1.173048839	0.355733	PTPRG	ENSG00000144724
3	61686900	61687137	61687018	8	9	6	1.675784056	0.141978	PTPRG	ENSG00000144724
3	61688538	61689102	61688827	11	26	12	2.436332205	0.00289956	PTPRG	ENSG00000144724
3	61716181	61716548	61716374	9	15	13	1.340627245	0.210788	PTPRG	ENSG00000144724
3	61718136	61718394	61718279	8	9	13	0.837892028	0.672794	PTPRG	ENSG00000144724
3	61735486	61735705	61735595	10	12	5	2.541605819	0.0225912	PTPRG	ENSG00000144724
3	61737035	61737303	61737177	8	9	13	0.837892028	0.672794	PTPRG	ENSG00000144724
3	61739508	61739720	61739556	10	10	3	3.225884308	0.0139466	PTPRG	ENSG00000144724
3	61743082	61743310	61743196	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PTPRG	ENSG00000144724
3	61762986	61763169	61763081	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PTPRG	ENSG00000144724
3	61763297	61763489	61763357	8	10	5	2.150589539	0.0575848	PTPRG	ENSG00000144724
3	61764782	61765299	61765141	10	21	12	1.985159574	0.021936	PTPRG	ENSG00000144724
3	61765416	61765759	61765587	10	14	10	1.599612054	0.114822	PTPRG	ENSG00000144724
3	61765864	61766045	61765954	8	8	2	3.519146518	0.017558	PTPRG	ENSG00000144724
3	61768437	61768930	61768699	16	30	16	2.13908906	0.00465307	PTPRG	ENSG00000144724
3	61769283	61769535	61769455	8	10	16	0.759031602	0.770272	PTPRG	ENSG00000144724
3	61774927	61775111	61775019	8	8	7	1.319679944	0.283403	PTPRG	ENSG00000144724
3	61775115	61775335	61775225	9	12	8	1.694403879	0.107291	PTPRG	ENSG00000144724
3	61785696	61785875	61785813	8	8	9	1.055743955	0.456865	PTPRG	ENSG00000144724
3	61798609	61798862	61798735	9	12	6	2.178519273	0.0416567	PTPRG	ENSG00000144724
3	61814463	61814657	61814565	8	9	12	0.902345261	0.602772	PTPRG	ENSG00000144724
3	61818060	61818348	61818204	11	12	13	1.089259637	0.414883	PTPRG	ENSG00000144724
3	61821955	61822137	61822067	8	8	8	1.173048839	0.36929	PTPRG	ENSG00000144724
3	61826434	61826744	61826589	9	12	9	1.524963491	0.154777	PTPRG	ENSG00000144724
3	61837890	61838357	61838055	8	17	10	1.919534464	0.0400548	PTPRG	ENSG00000144724
3	61842904	61843115	61843060	8	10	6	1.843362462	0.0964212	PTPRG	ENSG00000144724
3	61855722	61855955	61855865	9	10	9	1.290353723	0.279648	PTPRG	ENSG00000144724
3	61860120	61860358	61860235	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PTPRG	ENSG00000144724
3	61869192	61869711	61869344	10	23	3	7.038293036	4.15E-06	PTPRG	ENSG00000144724
3	61869719	61869916	61869817	8	9	6	1.675784056	0.141978	PTPRG	ENSG00000144724
3	61879430	61879666	61879548	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PTPRG	ENSG00000144724
3	61880085	61880334	61880210	11	12	15	0.953102182	0.555895	PTPRG	ENSG00000144724
3	61888717	61889033	61888859	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PTPRG	ENSG00000144724
3	61893758	61893950	61893922	9	10	5	2.150589539	0.0575848	PTPRG	ENSG00000144724

3	61897101	61897369	61897264	12	13	11	1.368556979	0.211388	PTPRG	ENSG00000144724
3	61899815	61900130	61899965	9	12	9	1.524963491	0.154777	PTPRG	ENSG00000144724
3	61914646	61915015	61914838	10	16	16	1.173048839	0.322157	PTPRG	ENSG00000144724
3	61925234	61925479	61925356	9	12	10	1.386330446	0.21117	PTPRG	ENSG00000144724
3	61957515	61957992	61957688	12	23	14	1.876878143	0.0251753	PTPRG	ENSG00000144724
3	61964720	61965126	61964899	9	16	10	1.812893661	0.0578656	PTPRG	ENSG00000144724
3	61965448	61965677	61965624	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PTPRG	ENSG00000144724
3	61967744	61968557	61968322	12	37	23	1.857327329	0.00772401	PTPRG	ENSG00000144724
3	61970397	61970633	61970488	12	13	4	3.28453675	0.00629037	PTPRG	ENSG00000144724
3	61971865	61972212	61972038	12	18	11	1.857327329	0.0427732	PTPRG	ENSG00000144724
3	61974486	61974698	61974617	8	8	15	0.659839972	0.851443	PTPRG	ENSG00000144724
3	61979542	61979753	61979589	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PTPRG	ENSG00000144724
3	61982751	61982967	61982859	10	10	1	6.451768616	0.00135978	PTPRG	ENSG00000144724
3	61992343	61992685	61992514	8	14	9	1.759573259	0.0786014	PTPRG	ENSG00000144724
3	61995876	61996126	61995970	10	14	3	4.398933147	0.00132748	PTPRG	ENSG00000144724
3	62012357	62012613	62012497	17	18	13	1.591994853	0.0905191	PTPRG	ENSG00000144724
3	62019824	62020115	62019949	8	10	6	1.843362462	0.0964212	PTPRG	ENSG00000144724
3	62028383	62028661	62028522	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PTPRG	ENSG00000144724
3	62073858	62074088	62073973	12	14	6	2.513676084	0.016726	PTPRG	ENSG00000144724
3	62076637	62076841	62076726	10	11	4	2.815317214	0.0183428	PTPRG	ENSG00000144724
3	62079889	62080187	62080012	9	14	3	4.398933147	0.00132748	PTPRG	ENSG00000144724
3	62080861	62081112	62081009	10	12	4	3.049926982	0.0108184	PTPRG	ENSG00000144724
3	62104286	62104643	62104464	9	13	7	2.052835469	0.046392	PTPRG	ENSG00000144724
3	62128568	62128747	62128618	8	9	4	2.346097679	0.050148	C3orf14	ENSG00000114405
3	62140446	62140779	62140608	11	16	6	2.848832895	0.00632407	C3orf14	ENSG00000114405
3	62144505	62144912	62144733	13	21	7	3.225884308	0.00106152	C3orf14	ENSG00000114405
3	62149578	62149985	62149757	18	25	12	2.346097679	0.00444113	C3orf14	ENSG00000114405
3	62162905	62163117	62162991	9	12	3	3.812408728	0.004404	C3orf14	ENSG00000114405
3	62170230	62170513	62170361	8	10	5	2.150589539	0.0575848	C3orf14	ENSG00000114405
3	62177450	62177677	62177589	11	12	1	7.624817456	0.000332769	C3orf14	ENSG00000114405
3	62180195	62180379	62180287	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C3orf14	ENSG00000114405
3	62193375	62193639	62193507	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C3orf14	ENSG00000114405
3	62202185	62202406	62202295	9	10	3	3.225884308	0.0139466	C3orf14	ENSG00000114405
3	62212954	62213133	62213043	8	8	5	1.759573259	0.13508	C3orf14	ENSG00000114405

3	62245494	62245806	62245645	8	11	3	3.519146518	0.00788869	C3orf14	ENSG00000114405
3	62278960	62279277	62279118	10	15	9	1.876878143	0.0544542	C3orf14	ENSG00000114405
3	62279844	62280420	62280241	13	31	24	1.501502514	0.0624568	C3orf14	ENSG00000114405
3	62280572	62280939	62280760	22	31	13	2.68125449	0.000581082	C3orf14	ENSG00000114405
3	62357355	62357601	62357478	9	11	3	3.519146518	0.00788869	FEZF2	ENSG00000153266
3	62364967	62365146	62365131	8	8	2	3.519146518	0.017558	FEZF2	ENSG00000153266
3	62398782	62399069	62398925	11	11	5	2.346097679	0.0364013	FEZF2	ENSG00000153266
3	62400630	62400964	62400808	9	12	6	2.178519273	0.0416567	FEZF2	ENSG00000153266
3	62405948	62406176	62406053	8	9	9	1.173048839	0.362316	FEZF2	ENSG00000153266
3	62406526	62406766	62406641	10	12	4	3.049926982	0.0108184	FEZF2	ENSG00000153266
3	62414472	62414651	62414519	8	10	15	0.806471077	0.716145	FEZF2	ENSG00000153266
3	62426838	62427057	62427012	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FEZF2	ENSG00000153266
3	62434846	62435043	62434944	8	8	4	2.111487911	0.0804809	FEZF2	ENSG00000153266
3	62454241	62454525	62454383	9	11	9	1.407658607	0.210479	FEZF2	ENSG00000153266
3	62463700	62463953	62463826	10	12	4	3.049926982	0.0108184	FEZF2	ENSG00000153266
3	62473927	62474236	62474081	9	12	7	1.906204364	0.0695918	FEZF2	ENSG00000153266
3	62490027	62490393	62490246	12	18	9	2.228792795	0.0164363	FEZF2	ENSG00000153266
3	62514539	62514761	62514676	8	10	7	1.612942154	0.147335	FEZF2	ENSG00000153266
3	62536623	62536850	62536736	10	12	12	1.173048839	0.343543	FEZF2	ENSG00000153266
3	62548078	62548355	62548216	9	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000210876
3	62549921	62550100	62550010	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210876
3	62567675	62567898	62567723	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000210876
3	62568567	62568773	62568670	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000210876
3	62583279	62583709	62583497	14	25	13	2.178519273	0.00752428		ENSG00000210876
3	62594256	62594557	62594406	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000210876
3	62620402	62620634	62620520	8	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000210876
3	62626605	62626924	62626763	10	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000210876
3	62628476	62628727	62628593	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000210876
3	62629459	62629762	62629610	8	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000210876
3	62684380	62684695	62684537	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000210876
3	62692740	62692919	62692863	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000210876
3	62793417	62793878	62793576	10	18	11	1.857327329	0.0427732		ENSG00000210884
3	62836598	62837198	62837072	12	25	11	2.541605819	0.00248721	CADPS	ENSG00000163618
3	62848970	62849275	62849124	11	15	13	1.340627245	0.210788	CADPS	ENSG00000163618



3	62859841	62860153	62859997	11	15	4	3.753756286	0.0020497	CADPS	ENSG00000163618
3	62878200	62878536	62878368	8	12	4	3.049926982	0.0108184	CADPS	ENSG00000163618
3	62922649	62922828	62922765	8	8	6	1.508205651	0.203852	CADPS	ENSG00000163618
3	62926109	62926315	62926200	9	11	13	1.005470434	0.498567	CADPS	ENSG00000163618
3	63002722	63002952	63002805	9	10	7	1.612942154	0.147335	CADPS	ENSG00000163618
3	63022201	63022587	63022463	9	15	6	2.68125449	0.0103552	CADPS	ENSG00000163618
3	63028704	63029050	63028877	18	24	7	3.665777623	0.000215502	CADPS	ENSG00000163618
3	63065635	63065843	63065697	8	8	7	1.319679944	0.283403	CADPS	ENSG00000163618
3	63087895	63088192	63088043	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000222622
3	63128973	63129181	63129104	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000222622
3	63163397	63163603	63163500	8	9	11	0.977540699	0.526123		ENSG00000222622
3	63166102	63166340	63166241	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000222622
3	63189369	63189731	63189570	9	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000222622
3	63203128	63203448	63203280	11	14	13	1.256838042	0.269506		ENSG00000222622
3	63239456	63239726	63239591	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000222622
3	63304427	63304811	63304589	11	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000222622
3	63311829	63312239	63312075	17	24	10	2.666020089	0.00209276		ENSG00000222622
3	63364439	63364638	63364538	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222622
3	63375021	63375218	63375106	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SYNPR	ENSG00000163630
3	63376416	63376651	63376533	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SYNPR	ENSG00000163630
3	63389335	63389625	63389495	14	16	5	3.323638378	0.00288759	SYNPR	ENSG00000163630
3	63418957	63419364	63419221	9	15	10	1.706252857	0.0822346	SYNPR	ENSG00000163630
3	63432428	63432625	63432563	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SYNPR	ENSG00000163630
3	63450885	63451064	63450974	8	8	4	2.111487911	0.0804809	SYNPR	ENSG00000163630
3	63471763	63472147	63471977	9	15	6	2.68125449	0.0103552	SYNPR	ENSG00000163630
3	63479400	63479675	63479570	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210887
3	63483694	63484073	63483894	8	15	12	1.443752418	0.160732		ENSG00000210887
3	63525642	63525854	63525736	9	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000210887
3	63527253	63527461	63527352	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000210887
3	63537545	63537957	63537724	27	36	11	3.616900588	1.14E-05		ENSG00000210887
3	63603021	63603266	63603118	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000188817
3	63604799	63605127	63604952	14	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000188817
3	63605456	63605887	63605635	9	17	9	2.111487911	0.0248715		ENSG00000188817
3	63612980	63613198	63613051	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000188817

3	63623204	63623527	63623361	14	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000188817
3	63627327	63627556	63627463	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000188817
3	63635123	63635349	63635236	8	9	12	0.902345261	0.602772		ENSG00000188817
3	63648541	63648773	63648657	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000188817
3	63678149	63678339	63678244	8	8	13	0.754102825	0.754933		ENSG00000188817
3	63679910	63680150	63680049	11	13	19	0.821134188	0.720637		ENSG00000188817
3	63680191	63680507	63680351	8	13	21	0.746485625	0.811212		ENSG00000188817
3	63681066	63681280	63681110	9	11	26	0.52135504	0.975812		ENSG00000188817
3	63685289	63685493	63685395	8	8	25	0.406055367	0.994096		ENSG00000188817
3	63685848	63686119	63686015	8	10	11	1.075294769	0.434143		ENSG00000188817
3	63686480	63686882	63686703	10	18	17	1.238218219	0.258417		ENSG00000188817
3	63687281	63687972	63687793	10	26	41	0.754102825	0.878542		ENSG00000188817
3	63688021	63688209	63688111	9	10	18	0.679133539	0.855647		ENSG00000188817
3	63688357	63688766	63688536	11	17	19	1.055743955	0.436418		ENSG00000188817
3	63689016	63689239	63689127	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000188817
3	63689344	63689667	63689497	8	12	17	0.84720194	0.681997		ENSG00000188817
3	63690620	63691068	63690889	15	26	22	1.377057333	0.128834		ENSG00000188817
3	63691088	63691485	63691212	8	16	20	0.949610965	0.567123		ENSG00000188817
3	63700732	63701559	63701145	15	43	53	0.955817573	0.59057	C3orf49	ENSG00000163632
3	63702745	63703121	63702942	15	22	28	0.930349079	0.605811	C3orf49	ENSG00000163632
3	63703336	63703609	63703515	8	11	5	2.346097679	0.0364013	C3orf49	ENSG00000163632
3	63703803	63704182	63703982	12	19	15	1.466311049	0.125014	C3orf49	ENSG00000163632
3	63704240	63704730	63704496	10	20	23	1.026417734	0.468083	C3orf49	ENSG00000163632
3	63707118	63707440	63707279	10	15	21	0.853126429	0.691243	C3orf49	ENSG00000163632
3	63707690	63707904	63707791	9	11	10	1.279689643	0.277323	C3orf49	ENSG00000163632
3	63710852	63711206	63711029	10	16	11	1.661819189	0.0853913	C3orf49	ENSG00000163632
3	63711610	63711952	63711781	14	20	31	0.769813301	0.829881	C3orf49	ENSG00000163632
3	63713618	63713889	63713724	9	10	8	1.433726359	0.209175	C3orf49	ENSG00000163632
3	63714140	63714684	63714505	33	51	36	1.64860918	0.00936783	C3orf49	ENSG00000163632
3	63714840	63715281	63715003	15	26	26	1.173048839	0.279807	C3orf49	ENSG00000163632
3	63716572	63716862	63716751	9	12	17	0.84720194	0.681997	C3orf49	ENSG00000163632
3	63720977	63721185	63721064	9	10	5	2.150589539	0.0575848	C3orf49	ENSG00000163632
3	63752787	63753046	63752916	14	15	15	1.173048839	0.32719	C3orf49	ENSG00000163632
3	63756234	63756672	63756403	12	22	12	2.0753941	0.0149739	C3orf49	ENSG00000163632

3	63772817	63773396	63773123	45	56	2	22.28792795	3.14E-17	C3orf49	ENSG00000163632
3	63779270	63779619	63779444	26	31	29	1.251252095	0.18907	C3orf49	ENSG00000163632
3	63781493	63781768	63781599	9	13	4	3.28453675	0.00629037	C3orf49	ENSG00000163632
3	63800254	63800485	63800369	8	10	4	2.580707446	0.0306059	THOC7	ENSG00000163634
3	63808480	63808770	63808618	13	15	4	3.753756286	0.0020497	THOC7	ENSG00000163634
3	63808993	63809189	63809144	8	9	12	0.902345261	0.602772	THOC7	ENSG00000163634
3	63812873	63813114	63812969	8	10	4	2.580707446	0.0306059	THOC7	ENSG00000163634
3	63820037	63820503	63820373	10	18	16	1.311054585	0.208218	THOC7	ENSG00000163634
3	63825163	63825566	63825428	13	19	15	1.466311049	0.125014	ATXN7	ENSG00000163635
3	63825582	63825816	63825721	11	13	20	0.78203256	0.76897	ATXN7	ENSG00000163635
3	63825986	63826240	63826085	10	12	6	2.178519273	0.0416567	ATXN7	ENSG00000163635
3	63833017	63833597	63833418	11	26	16	1.863077568	0.0200163	ATXN7	ENSG00000163635
3	63835422	63835629	63835479	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ATXN7	ENSG00000163635
3	63838439	63838718	63838549	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ATXN7	ENSG00000163635
3	63839257	63839455	63839350	8	10	9	1.290353723	0.279648	ATXN7	ENSG00000163635
3	63853363	63853589	63853486	8	8	10	0.959767232	0.541959	ATXN7	ENSG00000163635
3	63854740	63854981	63854860	10	10	5	2.150589539	0.0575848	ATXN7	ENSG00000163635
3	63867140	63867362	63867251	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ATXN7	ENSG00000163635
3	63867844	63868094	63867969	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ATXN7	ENSG00000163635
3	63868828	63869154	63868991	20	25	9	3.049926982	0.000648806	ATXN7	ENSG00000163635
3	63870959	63871158	63871054	8	9	6	1.675784056	0.141978	ATXN7	ENSG00000163635
3	63871749	63871954	63871851	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ATXN7	ENSG00000163635
3	63872428	63872845	63872666	27	37	19	2.228792795	0.00134089	ATXN7	ENSG00000163635
3	63873163	63873363	63873263	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ATXN7	ENSG00000163635
3	63873626	63874251	63873805	11	25	16	1.794074695	0.0280669	ATXN7	ENSG00000163635
3	63874634	63874863	63874772	10	12	13	1.089259637	0.414883	ATXN7	ENSG00000163635
3	63874974	63875510	63875236	18	31	20	1.787502993	0.0176346	ATXN7	ENSG00000163635
3	63878772	63878968	63878862	10	11	9	1.407658607	0.210479	ATXN7	ENSG00000163635
3	63892622	63892801	63892708	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ATXN7	ENSG00000163635
3	63893498	63894057	63893785	15	31	17	2.085420159	0.00510205	ATXN7	ENSG00000163635
3	63897145	63897573	63897394	15	25	21	1.386330446	0.128722	ATXN7	ENSG00000163635
3	63898764	63899032	63898882	10	12	10	1.386330446	0.21117	ATXN7	ENSG00000163635
3	63899133	63899352	63899242	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ATXN7	ENSG00000163635
3	63899986	63900225	63900105	8	9	11	0.977540699	0.526123	ATXN7	ENSG00000163635

3	63903940	63904152	63904053	9	10	9	1.290353723	0.279648	ATXN7	ENSG00000163635
3	63904522	63904749	63904635	9	9	10	1.066408036	0.444985	ATXN7	ENSG00000163635
3	63953779	63954982	63954535	43	92	71	1.515188084	0.00386432	PSMD6	ENSG00000163636
3	63955571	63955914	63955742	13	19	26	0.868925066	0.687875	PSMD6	ENSG00000163636
3	63956797	63957725	63956976	13	42	42	1.173048839	0.230401	PSMD6	ENSG00000163636
3	63958708	63959128	63958972	8	15	22	0.816033975	0.739972	PSMD6	ENSG00000163636
3	63959643	63959895	63959784	13	15	28	0.64719936	0.925559	PSMD6	ENSG00000163636
3	63959944	63960391	63960212	10	20	31	0.769813301	0.829881	PSMD6	ENSG00000163636
3	63960407	63960655	63960531	11	13	25	0.631641683	0.924582	PSMD6	ENSG00000163636
3	63960782	63961174	63960978	10	19	23	0.977540699	0.533404	PSMD6	ENSG00000163636
3	63962006	63962415	63962163	12	17	22	0.918038222	0.611544	PSMD6	ENSG00000163636
3	63964336	63964636	63964486	8	12	24	0.609985396	0.933574	PSMD6	ENSG00000163636
3	63964769	63965398	63964989	11	26	22	1.377057333	0.128834	PSMD6	ENSG00000163636
3	63965417	63965737	63965595	10	15	15	1.173048839	0.32719	PSMD6	ENSG00000163636
3	63965817	63966405	63966239	15	27	40	0.801106524	0.821751	PSMD6	ENSG00000163636
3	63966486	63966774	63966630	10	14	9	1.759573259	0.0786014	PSMD6	ENSG00000163636
3	63966838	63967485	63967328	14	34	36	1.109640794	0.330986	PSMD6	ENSG00000163636
3	63967746	63968210	63967917	11	21	21	1.173048839	0.299417	PSMD6	ENSG00000163636
3	63968217	63968531	63968362	9	14	23	0.733155525	0.834412	PSMD6	ENSG00000163636
3	63970230	63970455	63970342	9	12	19	0.762481746	0.784291	PSMD6	ENSG00000163636
3	63970765	63971015	63970886	8	10	11	1.075294769	0.434143	PSMD6	ENSG00000163636
3	63971086	63971340	63971178	10	11	10	1.279689643	0.277323	PSMD6	ENSG00000163636
3	63972237	63972668	63972489	12	20	26	0.912371319	0.627883	PSMD6	ENSG00000163636
3	63972933	63973236	63973084	10	16	19	0.997091513	0.507069	PSMD6	ENSG00000163636
3	63973258	63973499	63973392	9	11	23	0.58652442	0.942313	PSMD6	ENSG00000163636
3	63973706	63973923	63973814	8	11	14	0.938439071	0.570297	PSMD6	ENSG00000163636
3	63974439	63974680	63974543	8	12	15	0.953102182	0.555895	PSMD6	ENSG00000163636
3	63975553	63975800	63975669	9	11	20	0.670313622	0.874201	PSMD6	ENSG00000163636
3	63978049	63978254	63978125	9	10	9	1.290353723	0.279648	PSMD6	ENSG00000163636
3	63978400	63978778	63978560	8	14	9	1.759573259	0.0786014	PSMD6	ENSG00000163636
3	63978958	63979233	63979095	8	12	20	0.726173091	0.825666	PSMD6	ENSG00000163636
3	63981878	63982123	63981999	10	11	10	1.279689643	0.277323	PSMD6	ENSG00000163636
3	63983007	63984922	63984259	84	211	98	2.511983373	1.59E-15	PSMD6	ENSG00000163636
3	63985069	63985333	63985220	8	8	14	0.703829304	0.807737	PSMD6	ENSG00000163636

3	63985416	63986055	63985724	11	24	22	1.275053086	0.200162	PSMD6	ENSG00000163636
3	63987953	63988170	63988068	8	11	15	0.879786629	0.637414	PSMD6	ENSG00000163636
3	63988299	63988692	63988522	12	19	23	0.977540699	0.533404	PSMD6	ENSG00000163636
3	63988960	63989287	63989123	12	15	14	1.251252095	0.26676	PSMD6	ENSG00000163636
3	63989596	63990018	63989850	10	18	19	1.114396397	0.369586	PSMD6	ENSG00000163636
3	63990075	63990362	63990212	14	15	11	1.564065119	0.11768	PSMD6	ENSG00000163636
3	63991021	63992213	63991586	62	131	74	2.064565957	1.40E-07	PSMD6	ENSG00000163636
3	63992331	63992627	63992477	11	14	18	0.926091189	0.59273	PSMD6	ENSG00000163636
3	63992650	63993342	63992996	10	26	37	0.83348207	0.769832	PSMD6	ENSG00000163636
3	63993807	63994118	63993967	10	13	10	1.49297125	0.157311	PSMD6	ENSG00000163636
3	63995000	63995182	63995102	8	9	16	0.690028729	0.833766	PSMD6	ENSG00000163636
3	63997228	63997600	63997363	10	16	18	1.049570014	0.445264	PSMD6	ENSG00000163636
3	63997750	63998268	63998071	15	27	35	0.912371319	0.645679	PSMD6	ENSG00000163636
3	63999053	63999380	63999216	10	15	19	0.938439071	0.579569	PSMD6	ENSG00000163636
3	63999434	63999630	63999486	9	9	13	0.837892028	0.672794	PSMD6	ENSG00000163636
3	63999921	64000668	64000280	11	30	33	1.06954453	0.395234	PSMD6	ENSG00000163636
3	64000782	64001012	64000897	9	11	20	0.670313622	0.874201	PSMD6	ENSG00000163636
3	64005038	64005261	64005186	10	12	14	1.016642327	0.486402	PSMD6	ENSG00000163636
3	64006128	64006405	64006243	12	14	14	1.173048839	0.332418	PSMD6	ENSG00000163636
3	64006719	64006967	64006841	9	11	8	1.564065119	0.151515	PSMD6	ENSG00000163636
3	64007049	64007419	64007240	8	15	23	0.78203256	0.783431	PSMD6	ENSG00000163636
3	64008628	64009493	64009134	15	38	40	1.115826945	0.313401		ENSG00000200222
3	64009606	64009905	64009755	10	12	16	0.897037348	0.621544		ENSG00000200222
3	64009914	64011125	64010281	13	51	50	1.196049797	0.182335		ENSG00000200222
3	64012060	64012399	64012229	11	17	20	1.005470434	0.496566		ENSG00000200222
3	64012894	64013153	64013023	12	15	24	0.750751257	0.821554		ENSG00000200222
3	64014234	64015332	64014783	15	56	66	0.997966923	0.506431		ENSG00000200222
3	64015734	64016106	64015927	11	19	12	1.804690522	0.0452624		ENSG00000200222
3	64016182	64016662	64016361	12	22	20	1.284767776	0.203104		ENSG00000200222
3	64017303	64017556	64017429	12	14	17	0.977540699	0.52995		ENSG00000200222
3	64017607	64018186	64018060	9	23	27	1.005470434	0.495068		ENSG00000200222
3	64018714	64019065	64018889	8	14	12	1.353517892	0.211235		ENSG00000200222
3	64019370	64019664	64019517	11	14	15	1.099733287	0.398076		ENSG00000200222
3	64021089	64021498	64021319	8	15	30	0.605444562	0.95448		ENSG00000200222

3	64022824	64023159	64022991	14	19	33	0.690028729	0.911874	ENSG00000200222
3	64023174	64023778	64023514	13	28	38	0.872267086	0.715311	ENSG00000200222
3	64024073	64024560	64024415	15	27	29	1.094845583	0.366894	ENSG00000200222
3	64024654	64025135	64024894	17	29	37	0.926091189	0.626749	ENSG00000200222
3	64025728	64026022	64025898	9	11	14	0.938439071	0.570297	ENSG00000200222
3	64028018	64028302	64028160	9	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000200222
3	64028701	64028939	64028841	9	12	17	0.84720194	0.681997	ENSG00000200222
3	64029432	64029762	64029597	9	13	10	1.49297125	0.157311	ENSG00000200222
3	64032116	64032421	64032280	9	12	16	0.897037348	0.621544	ENSG00000200222
3	64033173	64033382	64033277	11	11	22	0.612025481	0.924393	ENSG00000200222
3	64033620	64033801	64033724	9	9	17	0.6516938	0.871116	ENSG00000200222
3	64033841	64034709	64034327	25	55	51	1.263283365	0.112464	ENSG00000200222
3	64034838	64035595	64035252	8	27	25	1.263283365	0.195501	ENSG00000200222
3	64037301	64037858	64037581	8	20	30	0.794645988	0.79747	ENSG00000200222
3	64038420	64038776	64038498	10	15	20	0.893751497	0.63757	ENSG00000200222
3	64039625	64039881	64039753	16	17	16	1.242051712	0.261202	ENSG00000200222
3	64039940	64040240	64040083	9	13	19	0.821134188	0.720637	ENSG00000200222
3	64040957	64041264	64041119	12	14	35	0.48877035	0.992949	ENSG00000189196
3	64041500	64041771	64041627	8	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000189196
3	64041982	64042213	64042099	9	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000189196
3	64043039	64043506	64043329	18	27	28	1.132598879	0.320597	ENSG00000189196
3	64044199	64044676	64044497	9	19	34	0.670313622	0.928882	ENSG00000189196
3	64044688	64044914	64044801	10	12	24	0.609985396	0.933574	ENSG00000189196
3	64045541	64045876	64045712	12	15	14	1.251252095	0.26676	ENSG00000189196
3	64047026	64047708	64047232	15	37	30	1.437930835	0.0657032	ENSG00000189196
3	64049315	64049783	64049652	10	21	23	1.075294769	0.4051	ENSG00000189196
3	64049947	64050233	64050090	12	12	17	0.84720194	0.681997	ENSG00000189196
3	64050978	64051360	64051157	15	23	26	1.042710079	0.443237	ENSG00000189196
3	64052050	64052247	64052161	8	9	13	0.837892028	0.672794	ENSG00000189196
3	64052407	64052589	64052466	8	9	15	0.733155525	0.788527	ENSG00000189196
3	64052871	64053058	64052917	8	10	11	1.075294769	0.434143	ENSG00000189196
3	64053307	64053545	64053410	10	10	15	0.806471077	0.716145	ENSG00000189196
3	64053670	64053864	64053767	10	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000189196
3	64054362	64054756	64054600	8	15	25	0.721876209	0.854481	ENSG00000189196

3	64055472	64056118	64055994	9	26	40	0.772495577	0.855992	ENSG00000189196
3	64056486	64056807	64056646	12	16	33	0.58652442	0.968848	ENSG00000189196
3	64057907	64058813	64058472	20	50	50	1.173048839	0.210822	ENSG00000189196
3	64058881	64059101	64058991	11	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000189196
3	64059528	64060039	64059803	10	23	27	1.005470434	0.495068	ENSG00000189196
3	64060889	64061195	64061042	12	17	7	2.639359888	0.00777415	ENSG00000189196
3	64061804	64062296	64062152	8	17	20	1.005470434	0.496566	ENSG00000189196
3	64063990	64064284	64064144	9	13	21	0.746485625	0.811212	ENSG00000189196
3	64064662	64065863	64065332	14	56	54	1.215705161	0.151037	ENSG00000189196
3	64065941	64066598	64066490	13	31	36	1.014528726	0.478595	ENSG00000189196
3	64067226	64067855	64067405	12	30	29	1.212150467	0.226815	ENSG00000189196
3	64069217	64069576	64069396	15	22	11	2.248343609	0.0090389	ENSG00000189196
3	64069721	64070361	64070182	15	32	25	1.488869681	0.0631665	ENSG00000189196
3	64070625	64071428	64070918	12	33	29	1.329455351	0.127332	ENSG00000189196
3	64071672	64071876	64071774	8	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000189196
3	64072031	64073156	64072823	21	60	56	1.255368056	0.108551	ENSG00000189196
3	64073500	64073914	64073679	10	21	15	1.612942154	0.070218	ENSG00000189196
3	64081139	64082032	64081468	9	34	39	1.026417734	0.457358	ENSG00000189196
3	64082289	64082930	64082751	25	49	32	1.777346726	0.00459284	ENSG00000189196
3	64082942	64083380	64083121	13	23	14	1.876878143	0.0251753	ENSG00000189196
3	64084440	64084649	64084527	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000189196
3	64087667	64087899	64087802	9	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000189196
3	64088313	64088600	64088480	8	10	23	0.537647385	0.963335	ENSG00000189196
3	64091470	64092999	64092853	24	81	46	2.046595847	3.02E-05	ENSG00000189196
3	64093727	64094732	64094115	36	86	46	2.171388277	5.18E-06	ENSG00000189196
3	64094742	64095026	64094897	11	15	16	1.104045966	0.390393	ENSG00000189196
3	64095651	64096520	64095842	14	39	25	1.804690522	0.00854049	ENSG00000189196
3	64098235	64098473	64098365	10	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000189196
3	64098598	64098810	64098704	8	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000189196
3	64101110	64101411	64101275	14	17	22	0.918038222	0.611544	ENSG00000189196
3	64101567	64101825	64101686	10	11	13	1.005470434	0.498567	ENSG00000189196
3	64101926	64102140	64102033	8	9	9	1.173048839	0.362316	ENSG00000189196
3	64102627	64102991	64102812	8	13	10	1.49297125	0.157311	ENSG00000189196
3	64104582	64105040	64104821	8	19	15	1.466311049	0.125014	ENSG00000189196

3	64105335	64105739	64105502	9	14	14	1.173048839	0.332418		ENSG00000189196
3	64108087	64108285	64108234	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000189196
3	64110201	64110469	64110349	8	11	13	1.005470434	0.498567		ENSG00000189196
3	64110794	64111053	64110923	11	14	18	0.926091189	0.59273		ENSG00000189196
3	64111124	64111421	64111271	8	12	22	0.663027605	0.890045		ENSG00000189196
3	64111589	64113446	64112062	23	132	97	1.591994853	0.000214714		ENSG00000189196
3	64113454	64113868	64113697	9	17	36	0.570672408	0.978722		ENSG00000189196
3	64116857	64117429	64117232	12	30	23	1.515188084	0.0616668	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64117451	64118770	64118211	52	166	93	2.084033576	2.65E-09	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64118873	64119563	64119218	31	63	52	1.416511806	0.0299079	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64120661	64121301	64121122	10	26	24	1.266892746	0.197079	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64121974	64123062	64122507	24	62	66	1.103016073	0.2893	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64123564	64123990	64123821	12	19	18	1.234788252	0.255641	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64124224	64124426	64124291	8	9	8	1.303387599	0.281715	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64124536	64124910	64124714	8	14	10	1.599612054	0.114822	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64125816	64126084	64125963	9	10	15	0.806471077	0.716145	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64127020	64127235	64127171	9	10	14	0.860235815	0.65444	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64127402	64127885	64127597	35	54	27	2.304203077	9.73E-05	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64128154	64128569	64128311	8	15	17	1.042710079	0.454615	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64128981	64129752	64129457	10	30	16	2.13908906	0.00465307	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64130940	64131184	64131069	8	11	8	1.564065119	0.151515	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64132210	64132612	64132435	9	15	18	0.987830602	0.518173	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64135435	64135680	64135557	9	12	9	1.524963491	0.154777	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64136561	64136952	64136773	11	19	26	0.868925066	0.687875	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64139003	64139578	64139182	16	31	19	1.876878143	0.0120343	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64140035	64140550	64140214	17	28	17	1.889912019	0.0150469	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64145558	64145965	64145686	8	12	13	1.089259637	0.414883	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64146247	64146502	64146374	8	11	10	1.279689643	0.277323	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64147536	64148432	64147839	46	102	29	4.027467682	5.49E-14	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64148709	64148954	64148785	8	11	14	0.938439071	0.570297	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64149446	64149757	64149601	10	16	24	0.797673211	0.770106	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64149773	64150313	64149984	13	25	23	1.270802909	0.198634	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64151247	64151648	64151476	10	17	12	1.62422147	0.088135	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64153568	64154034	64153873	12	20	19	1.231701281	0.25288	PRICKLE2	ENSG00000163637



3	64154713	64155048	64154879	8	12	8	1.694403879	0.107291	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64155718	64155932	64155871	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64156960	64157169	64157096	9	9	12	0.902345261	0.602772	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64158975	64159161	64159062	11	11	11	1.173048839	0.349489	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64162639	64162824	64162757	8	9	9	1.173048839	0.362316	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64165722	64166004	64165863	8	14	15	1.099733287	0.398076	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64168079	64168300	64168167	12	13	20	0.78203256	0.76897	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64170653	64170870	64170730	8	11	12	1.082814313	0.424156	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64170892	64171338	64171071	9	18	12	1.714455996	0.0636479	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64171620	64171828	64171724	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64172878	64173212	64173045	10	14	6	2.513676084	0.016726	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64174503	64174757	64174592	10	13	17	0.912371319	0.606688	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64175410	64175657	64175517	8	10	9	1.290353723	0.279648	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64175884	64176141	64176018	9	10	19	0.645176862	0.887754	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64176694	64177096	64176850	8	15	19	0.938439071	0.579569	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64177358	64177540	64177449	8	9	12	0.902345261	0.602772	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64178373	64178882	64178750	10	22	22	1.173048839	0.295277	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64179780	64180017	64179936	9	12	20	0.726173091	0.825666	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64180446	64180838	64180617	9	15	19	0.938439071	0.579569	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64180860	64181247	64181068	21	29	23	1.466311049	0.0797221	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64181384	64181900	64181733	12	20	21	1.119728438	0.357221	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64182884	64183356	64183196	9	18	24	0.891517118	0.651693	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64183361	64183847	64183559	12	25	22	1.32605521	0.161597	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64183962	64184157	64184056	9	9	7	1.466311049	0.20706	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64184363	64184616	64184489	8	11	7	1.759573259	0.102361	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64185766	64186040	64185905	10	11	8	1.564065119	0.151515	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64186633	64187057	64186812	8	15	18	0.987830602	0.518173	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64187581	64187956	64187689	12	17	20	1.005470434	0.496566	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64188671	64188928	64188799	8	11	6	2.010940867	0.0640214	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64191430	64191734	64191592	10	13	17	0.912371319	0.606688	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64192513	64192909	64192692	10	17	21	0.959767232	0.55532	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64193446	64193691	64193568	10	11	16	0.828034475	0.698553	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64195333	64195551	64195442	11	11	16	0.828034475	0.698553	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64195823	64196002	64195935	8	8	5	1.759573259	0.13508	PRICKLE2	ENSG00000163637

3	64196181	64196638	64196403	9	18	17	1.238218219	0.258417	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64196640	64196877	64196797	9	12	6	2.178519273	0.0416567	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64199903	64200225	64200068	8	11	11	1.173048839	0.349489	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64200326	64200506	64200407	8	8	9	1.055743955	0.456865	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64201435	64201759	64201597	11	16	19	0.997091513	0.507069	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64202207	64202452	64202321	8	8	9	1.055743955	0.456865	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64202852	64203079	64202998	10	12	8	1.694403879	0.107291	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64203251	64203527	64203389	14	17	13	1.508205651	0.12204	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64204748	64205027	64204884	8	12	23	0.635401455	0.914098	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64205029	64205548	64205208	13	25	40	0.74388463	0.885978	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64206271	64206487	64206437	8	10	23	0.537647385	0.963335	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64207383	64207638	64207487	8	12	7	1.906204364	0.0695918	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64211209	64211452	64211292	9	11	12	1.082814313	0.424156	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64211976	64212272	64212123	8	11	18	0.740872951	0.800189	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64213971	64214296	64214138	9	14	21	0.799806027	0.754204	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64214434	64214786	64214607	10	14	16	1.035043094	0.464533	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64215243	64215497	64215339	10	13	14	1.094845583	0.406217	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64215507	64216800	64216342	27	73	52	1.637841776	0.00280329	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64217549	64217806	64217698	8	11	10	1.279689643	0.277323	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64217913	64218113	64218056	9	11	12	1.082814313	0.424156	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64219856	64220211	64220035	8	13	6	2.346097679	0.0266147	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64222394	64222658	64222501	10	12	13	1.089259637	0.414883	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64222777	64223670	64223431	19	49	48	1.196988612	0.18604	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64223873	64224173	64224006	9	13	15	1.026417734	0.475096	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64224407	64225939	64225204	35	119	72	1.928299462	3.23E-06	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64226062	64226362	64226227	11	16	14	1.329455351	0.210108	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64227184	64227438	64227317	12	15	16	1.104045966	0.390393	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64227441	64227745	64227593	10	15	16	1.104045966	0.390393	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64229077	64229351	64229221	10	12	19	0.762481746	0.784291	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64230855	64231143	64230999	8	12	11	1.270802909	0.274822	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64231864	64232327	64232148	9	18	9	2.228792795	0.0164363	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64232340	64232616	64232474	15	17	21	0.959767232	0.55532	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64233202	64233403	64233326	9	10	12	0.992579787	0.511743	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64233465	64233985	64233740	15	32	13	2.765043693	0.00036798	PRICKLE2	ENSG00000163637

3	64234356	64234819	64234506	18	28	17	1.889912019	0.0150469	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64236402	64236618	64236542	8	10	12	0.992579787	0.511743	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64236703	64237370	64237032	69	106	24	5.020649032	4.41E-17	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64237411	64237718	64237564	9	13	17	0.912371319	0.606688	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64238720	64238909	64238867	8	9	11	0.977540699	0.526123	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64239909	64240155	64240029	9	12	12	1.173048839	0.343543	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64240576	64240841	64240708	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64243258	64243469	64243392	8	9	9	1.173048839	0.362316	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64245835	64246323	64246092	11	20	23	1.026417734	0.468083	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64246882	64247279	64247085	8	16	18	1.049570014	0.445264	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64251877	64252077	64251975	11	12	14	1.016642327	0.486402	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64252186	64252569	64252396	10	17	11	1.759573259	0.0609179	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64252616	64253099	64252931	10	21	9	2.580707446	0.00438951	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64253752	64254281	64254016	8	19	14	1.564065119	0.0925887	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64257776	64257984	64257907	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64263001	64263631	64263327	9	22	23	1.124171804	0.345816	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64263674	64264063	64263825	11	16	14	1.329455351	0.210108	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64264277	64264532	64264382	9	11	8	1.564065119	0.151515	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64265279	64265517	64265353	9	11	7	1.759573259	0.102361	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64266014	64266243	64266128	8	11	11	1.173048839	0.349489	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64269420	64269693	64269555	8	11	7	1.759573259	0.102361	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64276700	64277059	64276868	8	14	6	2.513676084	0.016726	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64277796	64278109	64277952	13	17	13	1.508205651	0.12204	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64279133	64279397	64279265	9	12	18	0.802612364	0.736387	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64279656	64279856	64279756	8	9	8	1.303387599	0.281715	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64280355	64281038	64280696	11	25	21	1.386330446	0.128722	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64282338	64282612	64282490	16	18	13	1.591994853	0.0905191	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64284290	64284494	64284392	8	9	11	0.977540699	0.526123	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64289461	64290061	64289894	14	29	28	1.213498799	0.229275	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64292276	64292605	64292440	13	19	19	1.173048839	0.308076	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64298480	64298774	64298609	10	13	13	1.173048839	0.337862	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64301359	64301594	64301501	8	11	10	1.279689643	0.277323	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64301637	64301895	64301766	11	12	13	1.089259637	0.414883	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64304581	64304841	64304711	10	12	12	1.173048839	0.343543	PRICKLE2	ENSG00000163637

3	64304919	64305199	64305057	9	12	12	1.173048839	0.343543	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64305541	64306287	64305820	14	32	20	1.843362462	0.012722	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64306977	64308075	64307422	11	42	36	1.363272975	0.0828969	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64311907	64312142	64312024	14	15	7	2.346097679	0.0195693	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64312555	64312790	64312672	8	10	15	0.806471077	0.716145	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64312981	64313206	64313100	11	14	3	4.398933147	0.00132748	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64313213	64313549	64313384	13	17	9	2.111487911	0.0248715	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64314173	64314377	64314255	9	10	9	1.290353723	0.279648	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64315151	64315433	64315295	11	15	11	1.564065119	0.11768	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64316177	64316439	64316267	9	13	12	1.263283365	0.272203	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64316942	64317136	64317012	8	9	14	0.78203256	0.734892	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64317520	64317707	64317683	8	9	11	0.977540699	0.526123	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64320919	64321315	64321136	12	22	18	1.42000649	0.127634	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64322137	64322515	64322336	8	15	16	1.104045966	0.390393	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64324017	64324259	64324180	13	15	4	3.753756286	0.0020497	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64324582	64325064	64324885	9	19	16	1.380057458	0.163303	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64325433	64325741	64325587	8	13	7	2.052835469	0.046392	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64329644	64329849	64329746	8	9	11	0.977540699	0.526123		ENSG00000212340
3	64331273	64331756	64331504	9	19	16	1.380057458	0.163303		ENSG00000212340
3	64335173	64335652	64335291	10	20	22	1.071044592	0.412397		ENSG00000212340
3	64340589	64340924	64340803	8	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000212340
3	64341198	64341405	64341292	11	11	12	1.082814313	0.424156		ENSG00000212340
3	64342176	64342629	64342450	8	17	19	1.055743955	0.436418		ENSG00000212340
3	64343668	64344069	64343930	9	15	12	1.443752418	0.160732		ENSG00000212340
3	64346806	64347140	64346973	9	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000212340
3	64348422	64348643	64348532	12	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000212340
3	64355566	64355783	64355674	8	10	12	0.992579787	0.511743		ENSG00000212340
3	64358408	64358705	64358569	10	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000212340
3	64359909	64360458	64360185	27	44	31	1.64959993	0.0142651		ENSG00000212340
3	64360474	64360820	64360641	11	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000212340
3	64363917	64364129	64363958	8	10	12	0.992579787	0.511743		ENSG00000212340
3	64364620	64364920	64364770	11	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000212340
3	64365562	64365874	64365718	10	13	21	0.746485625	0.811212		ENSG00000212340
3	64365877	64366173	64366025	10	13	14	1.094845583	0.406217		ENSG00000212340

3	64366317	64366555	64366436	11	12	17	0.84720194	0.681997	ENSG00000212340
3	64367270	64367509	64367377	9	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000212340
3	64368023	64368255	64368162	9	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000212340
3	64368412	64368885	64368724	11	23	18	1.481745902	0.0984143	ENSG00000212340
3	64371947	64372397	64372123	9	17	10	1.919534464	0.0400548	ENSG00000212340
3	64378419	64378867	64378709	9	16	10	1.812893661	0.0578656	ENSG00000212340
3	64384875	64385224	64385028	8	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000212340
3	64385344	64385545	64385444	11	14	10	1.599612054	0.114822	ENSG00000212340
3	64386919	64387206	64387065	8	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000212340
3	64387345	64387602	64387473	10	13	9	1.642268375	0.111397	ENSG00000212340
3	64387823	64388016	64387904	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ENSG00000212340
3	64390426	64390651	64390604	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000212340
3	64391594	64391806	64391700	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000212340
3	64392678	64392857	64392751	8	8	14	0.703829304	0.807737	ENSG00000212340
3	64392966	64393452	64393091	8	17	19	1.055743955	0.436418	ENSG00000212340
3	64397993	64398294	64398143	9	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000212340
3	64400648	64400885	64400777	10	12	9	1.524963491	0.154777	ENSG00000212340
3	64401149	64401600	64401376	14	26	19	1.583615933	0.0575614	ENSG00000212340
3	64403129	64403309	64403192	8	8	15	0.659839972	0.851443	ENSG00000212340
3	64404033	64404230	64404157	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000212340
3	64404655	64404843	64404749	8	9	11	0.977540699	0.526123	ENSG00000212340
3	64405345	64405674	64405541	9	14	11	1.466311049	0.15926	ENSG00000212340
3	64406238	64406789	64406610	13	26	15	1.979519916	0.0131534	ENSG00000212340
3	64406896	64407182	64407046	8	11	11	1.173048839	0.349489	ENSG00000212340
3	64408452	64408880	64408618	10	17	10	1.919534464	0.0400548	ENSG00000212340
3	64408994	64409365	64409227	11	16	9	1.994183027	0.0370915	ENSG00000212340
3	64409760	64410007	64409877	10	13	8	1.824742639	0.0744168	ENSG00000212340
3	64411134	64411408	64411271	8	12	19	0.762481746	0.784291	ENSG00000212340
3	64411445	64411724	64411617	9	12	14	1.016642327	0.486402	ENSG00000212340
3	64412545	64412746	64412719	8	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000212340
3	64413177	64413386	64413348	8	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000212340
3	64413701	64414199	64413843	8	17	16	1.242051712	0.261202	ENSG00000212340
3	64414222	64414529	64414433	9	13	6	2.346097679	0.0266147	ENSG00000212340
3	64416943	64417122	64417027	8	8	15	0.659839972	0.851443	ENSG00000212340

3	64417955	64418235	64418073	8	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000212340
3	64420120	64420429	64420297	9	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000212340
3	64420909	64421102	64421005	10	10	13	0.921681231	0.585856	ENSG00000212340
3	64421744	64422185	64421919	9	17	8	2.346097679	0.0144542	ENSG00000212340
3	64423205	64423475	64423340	8	11	11	1.173048839	0.349489	ENSG00000212340
3	64424214	64424652	64424393	13	23	18	1.481745902	0.0984143	ENSG00000212340
3	64425012	64425363	64425187	9	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000212340
3	64425717	64426124	64425945	8	17	17	1.173048839	0.317303	ENSG00000212340
3	64431194	64431436	64431275	10	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000212340
3	64442784	64443051	64442917	12	13	8	1.824742639	0.0744168	ENSG00000212340
3	64444885	64445584	64445315	36	60	41	1.70371379	0.0035577	ENSG00000212340
3	64445722	64445967	64445844	12	16	8	2.215758919	0.0222902	ENSG00000212340
3	64447225	64447590	64447378	13	17	14	1.407658607	0.162567	ENSG00000212340
3	64448363	64448659	64448498	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ENSG00000212340
3	64449357	64449561	64449459	9	9	18	0.617394126	0.901359	ENSG00000212340
3	64449657	64449913	64449777	9	11	20	0.670313622	0.874201	ENSG00000212340
3	64451276	64451550	64451437	11	15	11	1.564065119	0.11768	ENSG00000212340
3	64452419	64453115	64452767	13	32	36	1.046232749	0.427232	ENSG00000212340
3	64455641	64455869	64455742	9	9	16	0.690028729	0.833766	ENSG00000212340
3	64458166	64458476	64458321	9	14	12	1.353517892	0.211235	ENSG00000212340
3	64461677	64462698	64462394	20	54	51	1.240724734	0.132554	ENSG00000212340
3	64462977	64463431	64463272	15	22	17	1.498895739	0.097269	ENSG00000212340
3	64466235	64466585	64466379	9	13	15	1.026417734	0.475096	ENSG00000212340
3	64467113	64467339	64467212	8	9	12	0.902345261	0.602772	ENSG00000212340
3	64468868	64469393	64469030	19	29	15	2.199466574	0.00420562	ENSG00000212340
3	64469969	64470257	64470113	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000212340
3	64473739	64473940	64473836	8	8	14	0.703829304	0.807737	ENSG00000212340
3	64476667	64477099	64476883	10	19	14	1.564065119	0.0925887	ENSG00000212340
3	64478810	64479182	64478989	9	16	21	0.90644683	0.624241	ENSG00000212340
3	64490988	64491520	64491351	28	40	14	3.206333494	1.62E-05	ENSG00000212340
3	64493756	64494092	64493924	14	19	17	1.303387599	0.207073	ENSG00000212340
3	64494220	64494847	64494509	53	87	48	2.106699956	8.82E-06	ENSG00000212340
3	64498088	64498546	64498220	10	20	15	1.539626602	0.0943825	ENSG00000212340
3	64507600	64507782	64507732	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000212340

3	64507794	64507998	64507886	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000212340
3	64510238	64510591	64510416	11	16	10	1.812893661	0.0578656	ENSG00000212340
3	64512637	64512895	64512730	10	13	6	2.346097679	0.0266147	ENSG00000212340
3	64515645	64515961	64515731	11	15	13	1.340627245	0.210788	ENSG00000212340
3	64518595	64518874	64518734	8	13	10	1.49297125	0.157311	ENSG00000212340
3	64519186	64519422	64519345	8	10	10	1.173048839	0.355733	ENSG00000212340
3	64519537	64519828	64519682	10	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000212340
3	64520836	64521328	64521015	9	19	31	0.733155525	0.8679	ENSG00000212340
3	64521760	64522157	64521988	12	18	8	2.476436439	0.00924552	ENSG00000212340
3	64522251	64522511	64522429	14	16	6	2.848832895	0.00632407	ENSG00000212340
3	64523440	64523619	64523529	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000212340
3	64524345	64524774	64524480	10	19	16	1.380057458	0.163303	ENSG00000212340
3	64524832	64525067	64524949	13	15	8	2.085420159	0.0338693	ENSG00000212340
3	64527648	64528079	64527900	13	21	20	1.228908308	0.250141	ENSG00000212340
3	64528248	64528433	64528336	8	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000212340
3	64528461	64528686	64528638	8	11	25	0.541407157	0.967387	ENSG00000212340
3	64528872	64529195	64529017	10	14	20	0.837892028	0.705607	ENSG00000212340
3	64529278	64529645	64529440	8	14	19	0.879786629	0.651591	ENSG00000212340
3	64532197	64532872	64532700	11	26	27	1.131154238	0.325317	ENSG00000212340
3	64532942	64533316	64533108	9	15	23	0.78203256	0.783431	ENSG00000212340
3	64536138	64536782	64536411	31	56	49	1.337275677	0.066446	ENSG00000212340
3	64538591	64538939	64538765	11	17	16	1.242051712	0.261202	ENSG00000212340
3	64538955	64539622	64539260	14	37	25	1.714455996	0.015821	ENSG00000212340
3	64539790	64540102	64539949	10	13	12	1.263283365	0.272203	ENSG00000212340
3	64540541	64540797	64540626	8	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000212340
3	64541660	64541839	64541749	8	8	9	1.055743955	0.456865	ENSG00000212340
3	64542288	64542560	64542464	8	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000212340
3	64543297	64543542	64543429	9	10	12	0.992579787	0.511743	ENSG00000212340
3	64544029	64544304	64544161	12	15	18	0.987830602	0.518173	ENSG00000212340
3	64544657	64545057	64544878	11	18	18	1.173048839	0.312613	ENSG00000212340
3	64545983	64546191	64546087	8	8	19	0.527871978	0.95364	ENSG00000212340
3	64547681	64547894	64547787	8	10	9	1.290353723	0.279648	ENSG00000212340
3	64550275	64550642	64550452	8	13	15	1.026417734	0.475096	ENSG00000212340
3	64556210	64556661	64556525	12	19	17	1.303387599	0.207073	ENSG00000212340

3	64557655	64558083	64557904	10	19	21	1.066408036	0.420026	ENSG00000212340
3	64559595	64559810	64559702	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ENSG00000212340
3	64560216	64560617	64560322	8	14	21	0.799806027	0.754204	ENSG00000212340
3	64560904	64561138	64561021	9	11	18	0.740872951	0.800189	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64562894	64563145	64563036	9	10	7	1.612942154	0.147335	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64565342	64566019	64565680	11	27	17	1.824742639	0.0211436	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64567033	64567457	64567212	9	18	21	1.013087634	0.486601	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64567846	64568079	64567921	9	12	25	0.58652442	0.949135	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64568336	64568665	64568500	8	13	12	1.263283365	0.272203	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64569447	64569717	64569582	11	11	12	1.082814313	0.424156	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64572268	64572659	64572529	8	13	10	1.49297125	0.157311	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64573172	64574499	64573887	16	73	54	1.578283893	0.00487236	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64576648	64576985	64576816	14	18	15	1.392995497	0.16305	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64579189	64579416	64579302	8	9	7	1.466311049	0.20706	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64583245	64583442	64583319	10	12	18	0.802612364	0.736387	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64583807	64584148	64583977	9	14	15	1.099733287	0.398076	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64586317	64586740	64586577	11	17	11	1.759573259	0.0609179	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64586856	64587108	64586972	8	10	7	1.612942154	0.147335	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64587396	64587865	64587732	14	25	22	1.32605521	0.161597	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64588248	64588971	64588427	11	30	33	1.06954453	0.395234	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64589294	64589667	64589488	9	15	9	1.876878143	0.0544542	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64592780	64592972	64592831	8	8	5	1.759573259	0.13508	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64593062	64593310	64593186	9	9	9	1.173048839	0.362316	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64593356	64593615	64593485	11	14	12	1.353517892	0.211235	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64594158	64594384	64594271	8	10	26	0.477908786	0.985694	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64594873	64595071	64595032	9	10	19	0.645176862	0.887754	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64595925	64596748	64596128	11	34	29	1.368556979	0.102922	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64597126	64597363	64597224	8	11	17	0.78203256	0.752912	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64597727	64597963	64597860	8	9	10	1.066408036	0.444985	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64602374	64602889	64602634	11	21	7	3.225884308	0.00106152	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64603289	64603876	64603536	11	27	23	1.368556979	0.128845	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64605348	64605543	64605445	8	8	10	0.959767232	0.541959	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64610297	64610606	64610451	8	12	13	1.089259637	0.414883	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64610678	64610907	64610769	8	10	15	0.806471077	0.716145	ADAMTS9 ENSG00000163638



3	64614071	64614296	64614195	10	13	4	3.28453675	0.00629037	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64617594	64618073	64617864	13	22	11	2.248343609	0.0090389	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64619134	64619544	64619304	9	17	28	0.72809928	0.86131	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64626054	64626583	64626318	10	22	10	2.452738482	0.00515848	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64627871	64628282	64628024	9	16	9	1.994183027	0.0370915	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64628794	64629030	64628934	8	9	16	0.690028729	0.833766	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64629896	64630128	64630012	8	11	9	1.407658607	0.210479	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64631585	64631788	64631686	8	8	13	0.754102825	0.754933	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64632665	64632940	64632813	9	11	16	0.828034475	0.698553	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64633842	64634089	64633965	8	10	8	1.433726359	0.209175	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64638699	64638972	64638834	13	15	20	0.893751497	0.63757	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64639081	64639428	64639254	8	14	16	1.035043094	0.464533	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64639917	64640158	64640064	8	11	11	1.173048839	0.349489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64640432	64640850	64640544	9	18	15	1.392995497	0.16305	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64641152	64641682	64641331	13	24	18	1.543485315	0.0748829	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64643391	64643707	64643539	9	12	20	0.726173091	0.825666	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64644086	64644326	64644174	8	10	16	0.759031602	0.770272	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64644413	64644634	64644589	8	10	11	1.075294769	0.434143	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64645021	64645312	64645167	12	15	10	1.706252857	0.0822346	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64645356	64645696	64645526	9	13	13	1.173048839	0.337862	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64645808	64646069	64645932	9	11	13	1.005470434	0.498567	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64646219	64648162	64647383	18	104	59	2.052835469	2.64E-06	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64648512	64649642	64649381	11	48	50	1.127046924	0.276041	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64651354	64651700	64651527	9	14	10	1.599612054	0.114822	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64651854	64652154	64652004	10	13	11	1.368556979	0.211388	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64652541	64653125	64652809	17	31	24	1.501502514	0.0624568	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64653648	64653936	64653775	17	20	13	1.759573259	0.0475388	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64654563	64654796	64654683	8	9	20	0.558594685	0.944249	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64654812	64655198	64655019	10	18	23	0.928663664	0.599426	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64655809	64656114	64655953	9	12	16	0.897037348	0.621544	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64659056	64659326	64659191	9	10	12	0.992579787	0.511743	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64660256	64660464	64660360	9	10	13	0.921681231	0.585856	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64661617	64661913	64661763	10	13	23	0.68427849	0.878142	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64661916	64662121	64661976	9	12	16	0.897037348	0.621544	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64663644	64663870	64663757	10	11	8	1.564065119	0.151515	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64665154	64665415	64665284	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64666048	64666362	64666205	8	12	10	1.386330446	0.21117	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64670122	64670669	64670219	10	24	29	0.977540699	0.536554	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64671228	64671684	64671407	16	27	17	1.824742639	0.0211436	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64671706	64671915	64671810	11	12	10	1.386330446	0.21117	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64672391	64672824	64672544	13	23	21	1.279689643	0.201655	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64672879	64673420	64673058	16	31	35	1.042710079	0.433819	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64673541	64673753	64673648	8	9	12	0.902345261	0.602772	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64676291	64676807	64676639	11	20	10	2.239456875	0.0121685	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64676901	64677153	64677024	8	12	12	1.173048839	0.343543	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64678301	64678549	64678440	9	10	10	1.173048839	0.355733	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64678564	64678765	64678599	8	8	9	1.055743955	0.456865	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64679714	64679906	64679828	8	8	17	0.58652442	0.914929	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64681750	64681934	64681842	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64682863	64683197	64683030	12	18	22	0.969040346	0.544098	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64685384	64685836	64685675	11	16	26	0.738586306	0.842793	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64686430	64686705	64686558	9	13	13	1.173048839	0.337862	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64686897	64687322	64687076	10	19	15	1.466311049	0.125014	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64687444	64687807	64687614	15	22	21	1.226369241	0.247426	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64689441	64689620	64689518	8	8	7	1.319679944	0.283403	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64690514	64690696	64690536	8	9	8	1.303387599	0.281715	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64691416	64691608	64691549	9	10	8	1.433726359	0.209175	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64691767	64692018	64691892	8	10	14	0.860235815	0.65444	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64692043	64692308	64692202	12	14	12	1.353517892	0.211235	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64694177	64694621	64694455	9	16	9	1.994183027	0.0370915	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64695052	64695395	64695154	10	15	7	2.346097679	0.0195693	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64698610	64699026	64698847	13	20	14	1.642268375	0.06827	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64700744	64701170	64701041	9	16	15	1.246364392	0.263987	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64701873	64702135	64702037	10	12	20	0.726173091	0.825666	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64703635	64704115	64703814	9	19	10	2.132816071	0.01835	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64707952	64708353	64708043	10	17	19	1.055743955	0.436418	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64710333	64710696	64710511	10	16	6	2.848832895	0.00632407	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64711603	64711813	64711745	9	11	18	0.740872951	0.800189	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64715019	64715702	64715198	11	25	20	1.452346182	0.100215	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64716919	64717520	64717348	11	27	27	1.173048839	0.276183	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64717578	64717908	64717731	9	13	25	0.631641683	0.924582	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64719588	64719874	64719744	9	10	9	1.290353723	0.279648	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64720310	64720607	64720436	10	13	19	0.821134188	0.720637	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64721427	64721886	64721640	9	19	28	0.8089992	0.772581	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64722046	64722305	64722138	11	13	16	0.966040221	0.542489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64723490	64723868	64723689	10	18	11	1.857327329	0.0427732	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64724526	64725029	64724814	11	23	22	1.224050963	0.244738	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64726491	64726713	64726626	9	11	22	0.612025481	0.924393	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64727481	64727662	64727566	10	10	6	1.843362462	0.0964212	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64729176	64729501	64729338	9	14	17	0.977540699	0.52995	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64729736	64730005	64729909	16	18	16	1.311054585	0.208218	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64730393	64730730	64730561	11	17	26	0.78203256	0.796561	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64731864	64732236	64732078	8	13	10	1.49297125	0.157311	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64732650	64733048	64732822	13	18	14	1.485861863	0.123674	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64734203	64734458	64734353	9	12	12	1.173048839	0.343543	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64734980	64735298	64735124	12	17	17	1.173048839	0.317303	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64735373	64735608	64735535	10	13	12	1.263283365	0.272203	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64736569	64737117	64736821	12	25	16	1.794074695	0.0280669	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64744061	64744369	64744229	9	14	8	1.955081399	0.0506438	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64749732	64750225	64749831	9	19	24	0.938439071	0.587839	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64751472	64751813	64751642	8	14	8	1.955081399	0.0506438	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64752232	64752513	64752341	12	15	13	1.340627245	0.210788	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64752833	64753090	64753000	9	13	18	0.864351776	0.666373	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64757511	64757707	64757609	8	10	10	1.173048839	0.355733	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64759200	64759488	64759344	12	16	17	1.107879459	0.383112	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64759754	64760812	64760124	13	43	47	1.075294769	0.365563	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64762283	64762522	64762416	8	10	16	0.759031602	0.770272	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64764481	64764972	64764793	8	20	24	0.985361025	0.523192	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64765906	64766170	64766038	10	12	11	1.270802909	0.274822	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64769034	64769302	64769168	8	11	11	1.173048839	0.349489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64771097	64771566	64771253	10	21	21	1.173048839	0.299417	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64774766	64774945	64774855	8	8	20	0.502735217	0.96634	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64775110	64775469	64775320	8	14	23	0.733155525	0.834412	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64776049	64776316	64776194	8	11	20	0.670313622	0.874201	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64777067	64777528	64777319	12	23	14	1.876878143	0.0251753	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64777547	64778099	64777920	9	19	23	0.977540699	0.533404	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64778179	64778358	64778268	8	8	17	0.58652442	0.914929	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64778777	64779248	64779119	11	20	16	1.449060331	0.126098	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64783812	64784211	64784080	12	20	13	1.759573259	0.0475388	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64785002	64785490	64785181	9	21	17	1.433726359	0.126962	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64786129	64786422	64786244	8	11	18	0.740872951	0.800189	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64787095	64787447	64787271	11	17	21	0.959767232	0.55532	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64788314	64788586	64788489	9	13	33	0.48302011	0.992226	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64788599	64788864	64788731	8	11	15	0.879786629	0.637414	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64790715	64790894	64790804	8	8	6	1.508205651	0.203852	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64792330	64792556	64792430	8	10	11	1.075294769	0.434143	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64792573	64792775	64792750	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64794934	64795682	64795113	9	28	28	1.173048839	0.272646	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64795899	64796086	64795992	8	9	15	0.733155525	0.788527	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64796231	64796514	64796364	12	15	11	1.564065119	0.11768	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64796624	64797879	64796991	115	210	32	7.500403185	2.30E-40	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64797956	64798457	64798135	21	34	18	2.160879441	0.0026233	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64800538	64800892	64800715	9	15	10	1.706252857	0.0822346	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64800950	64801176	64801093	11	14	10	1.599612054	0.114822	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64801951	64802130	64802040	8	8	14	0.703829304	0.807737	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64807637	64807894	64807766	9	11	17	0.78203256	0.752912	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64807975	64808232	64808092	8	8	10	0.959767232	0.541959	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64808781	64809392	64809142	13	28	25	1.308400628	0.159476	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64810990	64811326	64811158	15	19	15	1.466311049	0.125014	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64812641	64812919	64812810	11	14	11	1.466311049	0.15926	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64814186	64814436	64814351	12	15	12	1.443752418	0.160732	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64814627	64814953	64814802	9	14	14	1.173048839	0.332418	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64814965	64815246	64815114	8	12	8	1.694403879	0.107291	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64815585	64815872	64815694	9	11	11	1.173048839	0.349489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64817535	64817861	64817698	9	12	9	1.524963491	0.154777	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64818242	64818621	64818464	9	15	10	1.706252857	0.0822346	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64819729	64820059	64819894	10	14	13	1.256838042	0.269506	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64821976	64822177	64822092	8	9	14	0.78203256	0.734892	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64822918	64823102	64822986	8	8	8	1.173048839	0.36929	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64823637	64823931	64823762	8	12	17	0.84720194	0.681997	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64824635	64824899	64824767	13	15	15	1.173048839	0.32719	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64825690	64825891	64825790	8	9	15	0.733155525	0.788527	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64827980	64828263	64828121	8	10	22	0.561023358	0.950736	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64828582	64828801	64828716	8	10	10	1.173048839	0.355733	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64834198	64834467	64834332	10	12	17	0.84720194	0.681997	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64835231	64835589	64835410	8	13	20	0.78203256	0.76897	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64836361	64836579	64836448	10	10	8	1.433726359	0.209175	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64838103	64838394	64838279	9	12	18	0.802612364	0.736387	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64838773	64839149	64838945	8	14	7	2.199466574	0.0303778	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64845465	64845964	64845710	13	25	18	1.605224727	0.0562573	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64847605	64847883	64847744	9	12	14	1.016642327	0.486402	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64849665	64850100	64849972	9	18	10	2.026175268	0.0273052	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64850798	64851104	64850936	11	15	20	0.893751497	0.63757	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64853700	64854017	64853858	13	18	26	0.825478813	0.744556	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64854895	64855294	64854986	8	15	10	1.706252857	0.0822346	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64855491	64855697	64855551	9	9	13	0.837892028	0.672794	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64855946	64856177	64856061	10	11	19	0.703829304	0.840485	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64856301	64856493	64856455	8	10	12	0.992579787	0.511743	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64856794	64857179	64856973	11	18	17	1.238218219	0.258417	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64857244	64857504	64857370	8	12	15	0.953102182	0.555895	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64859195	64859515	64859337	16	20	24	0.985361025	0.523192	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64859524	64859739	64859604	9	11	13	1.005470434	0.498567	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64862208	64862669	64862490	8	16	21	0.90644683	0.624241	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64864503	64864711	64864607	9	11	10	1.279689643	0.277323	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64865116	64865317	64865215	8	10	11	1.075294769	0.434143	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64865572	64865942	64865776	12	18	13	1.591994853	0.0905191	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64866881	64867245	64867121	11	16	25	0.766993472	0.808934	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64867873	64868118	64868001	11	12	13	1.089259637	0.414883	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64868279	64868727	64868548	11	20	20	1.173048839	0.303681	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64869035	64869479	64869195	8	15	23	0.78203256	0.783431	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64870137	64870484	64870310	18	21	18	1.358267077	0.163254	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64871492	64872130	64871991	11	25	23	1.270802909	0.198634	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64873794	64874096	64873939	8	11	11	1.173048839	0.349489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64874184	64874452	64874318	9	11	15	0.879786629	0.637414	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64874723	64875068	64874895	11	16	11	1.661819189	0.0853913	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64875079	64875717	64875462	12	33	32	1.208595774	0.219635	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64876593	64876822	64876769	9	11	17	0.78203256	0.752912	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64877063	64877310	64877176	10	12	12	1.173048839	0.343543	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64877372	64878111	64877717	9	26	34	0.90492339	0.655516	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64881174	64881650	64881471	11	18	29	0.742930932	0.850763	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64882025	64882282	64882153	8	10	18	0.679133539	0.855647	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64883036	64883380	64883208	9	13	16	0.966040221	0.542489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64884977	64885312	64885144	9	12	17	0.84720194	0.681997	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64885465	64885713	64885589	13	14	13	1.256838042	0.269506	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64885797	64886472	64886320	13	30	38	0.932423436	0.617637	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64887032	64887358	64887192	11	14	12	1.353517892	0.211235	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64888386	64888841	64888565	14	23	20	1.340627245	0.162636	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64889510	64889775	64889642	16	18	22	0.969040346	0.544098	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64889854	64890128	64889991	8	11	11	1.173048839	0.349489	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64890191	64890370	64890278	8	9	6	1.675784056	0.141978	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64891237	64891623	64891469	10	15	23	0.78203256	0.783431	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64892058	64892251	64892154	8	9	12	0.902345261	0.602772	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64892328	64892534	64892392	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64892955	64893194	64893074	8	11	8	1.564065119	0.151515	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64895131	64895516	64895270	8	14	12	1.353517892	0.211235	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64895529	64895772	64895660	11	13	11	1.368556979	0.211388	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64896166	64896348	64896257	8	9	16	0.690028729	0.833766	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64897397	64897596	64897467	10	11	10	1.279689643	0.277323	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64900035	64900505	64900209	11	20	20	1.173048839	0.303681	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64900641	64900944	64900795	8	12	10	1.386330446	0.21117	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64901291	64901577	64901434	9	13	19	0.821134188	0.720637	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64901729	64902046	64901885	14	19	21	1.066408036	0.420026	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64902411	64902634	64902522	9	11	10	1.279689643	0.277323	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64903463	64903698	64903604	8	10	13	0.921681231	0.585856	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64904419	64905565	64905348	137	201	42	5.510601524	1.76E-32	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64905579	64906346	64905962	16	40	32	1.457424316	0.0526369	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64907131	64907566	64907296	9	17	23	0.879786629	0.664328	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64908444	64908667	64908574	12	15	12	1.443752418	0.160732	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64910452	64911046	64910749	13	31	26	1.390280106	0.102755	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64913986	64914199	64914099	9	10	19	0.645176862	0.887754	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64914887	64915092	64915026	9	11	7	1.759573259	0.102361	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64915686	64916413	64916054	8	23	35	0.78203256	0.829742	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64916578	64916791	64916684	10	10	11	1.075294769	0.434143	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64917548	64917981	64917802	8	15	14	1.251252095	0.26676	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64918275	64918580	64918427	8	12	12	1.173048839	0.343543	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64918741	64918937	64918836	9	11	17	0.78203256	0.752912	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64919082	64919278	64919179	8	10	14	0.860235815	0.65444	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64919427	64919622	64919524	9	9	13	0.837892028	0.672794	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64922899	64923114	64922953	10	12	18	0.802612364	0.736387	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64924690	64924944	64924817	9	11	8	1.564065119	0.151515	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64925489	64925865	64925656	8	14	5	2.932622098	0.00829617	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	65914047	65914418	65914226	14	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000203648
3	66608786	66609030	66608931	8	9	1	5.865244197	0.00272497	LRIG1	ENSG00000144749
3	66896502	66896724	66896613	16	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000214560
3	67246990	67247169	67247111	8	8	2	3.519146518	0.017558	KBTBD8	ENSG00000163376
3	68112865	68113057	68112957	9	10	0	12.90353723	0.000195991	FAM19A1	ENSG00000183662
3	69028075	69028295	69028169	8	8	2	3.519146518	0.017558	FAM19A4	ENSG00000163377
3	69216610	69217092	69216789	8	17	0	21.11487911	8.57E-07	ARL6IP5	ENSG00000144746
3	69332555	69332873	69332701	12	17	9	2.111487911	0.0248715		ENSG00000210965
3	70985925	70986491	70986266	31	43	1	25.80707446	3.65E-14		ENSG00000221382
3	71114721	71115000	71114840	10	14	2	5.865244197	0.000387308	FOXP1	ENSG00000114861
3	71201780	71201964	71201828	8	9	0	11.73048839	0.000425898	FOXP1	ENSG00000114861
3	71340626	71340892	71340759	9	10	5	2.150589539	0.0575848	FOXP1	ENSG00000114861
3	71555195	71555457	71555312	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000221264
3	71579653	71579963	71579808	21	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000221264
3	71820092	71820289	71820170	8	10	1	6.451768616	0.00135978	EIF4E3	ENSG00000163412
3	72309193	72309559	72309380	14	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000212070
3	72759895	72760275	72760085	12	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000199469

3	73074392	73074631	73074511	9	9	0	11.73048839	0.000425898	PPP4R2	ENSG00000163605
3	73242490	73242969	73242653	12	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000223247
3	75180567	75180891	75180729	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000211042
3	75758838	75759157	75758997	19	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000172971
3	75781137	75781442	75781289	10	13	13	1.173048839	0.337862	FRG2C	ENSG00000172969
3	77146302	77146481	77146391	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ROBO2	ENSG00000185008
3	79537905	79538303	79538083	9	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000216116
3	79653167	79653403	79653285	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000216116
3	80004370	80004677	80004525	14	15	2	6.256260476	0.000199274	ROBO1	ENSG00000169855
3	80017272	80017590	80017428	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	ROBO1	ENSG00000169855
3	80018194	80018375	80018284	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ROBO1	ENSG00000169855
3	80828327	80828528	80828399	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000211100
3	81628566	81628745	81628655	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000222389
3	81893052	81893828	81893499	31	58	4	13.8419763	6.95E-16	GBE1	ENSG00000114480
3	82232332	82232587	82232455	18	19	1	11.73048839	2.14E-06	GBE1	ENSG00000114480
3	82774866	82775196	82775028	11	14	3	4.398933147	0.00132748		
3	83655406	83655743	83655574	13	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000223141
3	84066166	84066710	84066486	100	132	3	39.00387391	9.72E-41		ENSG00000223141
3	85296321	85296562	85296441	12	12	4	3.049926982	0.0108184	CADM2	ENSG00000175161
3	87201895	87202127	87201992	10	12	7	1.906204364	0.0695918	VGLL3	ENSG00000206538
3	87465280	87465879	87465416	22	37	5	7.429309316	7.67E-09		ENSG00000211155
3	87491720	87492016	87491858	17	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000211155
3	87499556	87499928	87499730	11	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000211155
3	87739109	87739419	87739264	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000200703
3	88190864	88191083	88190967	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CGGBP1	ENSG00000163320
3	88281542	88281907	88281728	8	15	5	3.128130238	0.00492422	C3orf38	ENSG00000179021
3	89129123	89129457	89129302	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	EPHA3	ENSG00000044524
3	89749487	89749943	89749764	14	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000211188
3	90530478	90530821	90530649	90	90	100	1.05690539	0.352082		ENSG00000189002
3	90573321	90573654	90573487	20	20	23	1.026417734	0.468083		ENSG00000189002
3	95264403	95264777	95264614	8	14	8	1.955081399	0.0506438	NSUN3	ENSG00000178694
3	95726534	95726829	95726681	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000178660
3	95788860	95789110	95788963	12	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000178660
3	96163019	96163200	96163084	9	9	2	3.910162798	0.00955088	WDR82P1	ENSG00000185141



3	98434252	98434530	98434391	8	11	5	2.346097679	0.0364013	EPHA6	ENSG00000080224
3	98437133	98437463	98437298	10	13	9	1.642268375	0.111397	EPHA6	ENSG00000080224
3	99115932	99116198	99116065	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CRYBG3	ENSG00000080200
3	99647446	99647776	99647598	20	23	2	9.384390715	8.25E-07	OR5K1	ENSG00000185408
3	101019092	101019498	101019249	13	20	2	8.211341875	6.65E-06	C3orf26	ENSG00000184220
3	101111266	101111445	101111355	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FILIP1L	ENSG00000168386
3	101462296	101462541	101462394	10	12	6	2.178519273	0.0416567	TBC1D23	ENSG00000036054
3	101665382	101665581	101665481	8	9	0	11.73048839	0.000425898	TMEM45A	ENSG00000181458
3	101665650	101665984	101665806	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	TMEM45A	ENSG00000181458
3	102714028	102714355	102714191	8	12	2	5.083211637	0.00143337	SENP7	ENSG00000138468
3	102714564	102715069	102714713	9	18	7	2.785990993	0.00480525	SENP7	ENSG00000138468
3	102763192	102763460	102763326	8	11	4	2.815317214	0.0183428	RG9MTD1	ENSG00000174173
3	102775531	102776459	102775937	28	68	7	10.11754624	1.76E-16	PCNP	ENSG00000081154
3	102878623	102879048	102878955	12	20	5	4.105670938	0.000308509	ZBTB11	ENSG00000066422
3	102888053	102888311	102888182	8	9	6	1.675784056	0.141978	RPL24	ENSG00000114391
3	103426943	103427212	103427093	12	13	1	8.211341875	0.000163445	ZPLD1	ENSG00000170044
3	103894333	103894638	103894485	15	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000201065
3	106424298	106424616	106424457	30	35	4	8.445951643	6.26E-09	ALCAM	ENSG00000170017
3	106573989	106574291	106574164	12	14	3	4.398933147	0.00132748	ALCAM	ENSG00000170017
3	106813098	106813342	106813220	10	10	0	12.90353723	0.000195991	CBLB	ENSG00000114423
3	107226840	107227019	107226929	8	8	2	3.519146518	0.017558	CBLB	ENSG00000114423
3	107878827	107879106	107879000	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000200361
3	107882371	107882593	107882495	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000200361
3	107885335	107885775	107885630	13	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000200361
3	107887284	107887622	107887453	11	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000200361
3	108266032	108266245	108266138	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000214403
3	108442862	108443051	108442958	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000220989
3	108466244	108466736	108466530	27	43	10	4.692195357	9.10E-08		ENSG00000220989
3	108631557	108631737	108631632	9	9	5	1.955081399	0.0892323	CCDC54	ENSG00000138483
3	108658008	108658321	108658164	10	12	3	3.812408728	0.004404	BBX	ENSG00000114439
3	108724345	108724644	108724494	12	17	4	4.222975822	0.000640773	BBX	ENSG00000114439
3	108955015	108955388	108955194	8	16	2	6.647276756	0.000101928	BBX	ENSG00000114439
3	109129070	109129314	109129139	10	12	4	3.049926982	0.0108184	CD47	ENSG00000196776
3	109147013	109147242	109147127	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CD47	ENSG00000196776

3	109177698	109178052	109177875	8	13	3	4.105670938	0.00243034	CD47	ENSG00000196776
3	109188193	109188408	109188270	10	10	4	2.580707446	0.0306059	CD47	ENSG00000196776
3	109200895	109201266	109201091	23	29	7	4.398933147	1.30E-05	CD47	ENSG00000196776
3	109207927	109208132	109208046	10	11	4	2.815317214	0.0183428	CD47	ENSG00000196776
3	109581882	109582072	109582000	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213412
3	109790897	109791406	109791086	15	31	13	2.68125449	0.000581082	KIAA1524	ENSG00000163507
3	109791457	109791729	109791593	8	12	8	1.694403879	0.107291	DZIP3	ENSG00000198919
3	109795232	109795674	109795495	18	28	3	8.504604085	1.43E-07	DZIP3	ENSG00000198919
3	109821789	109822085	109821937	9	11	6	2.010940867	0.0640214	DZIP3	ENSG00000198919
3	109863774	109863970	109863872	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DZIP3	ENSG00000198919
3	109959251	109959430	109959340	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RETNLB	ENSG00000163515
3	110116132	110116849	110116618	32	60	3	17.8889948	1.88E-17	GUCA1C	ENSG00000138472
3	111587212	111587391	111587301	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000211437
3	111769840	111770057	111769948	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000211437
3	112330140	112330439	112330265	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PVRL3	ENSG00000177707
3	112710866	112711195	112711036	25	30	2	12.12150467	5.77E-09	CD96	ENSG00000153283
3	112875916	112876188	112876059	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PLCXD2	ENSG00000144824
3	112919157	112919363	112919260	10	11	1	7.038293036	0.000674435	PLCXD2	ENSG00000144824
3	112983430	112983630	112983530	10	10	6	1.843362462	0.0964212	PLCXD2	ENSG00000144824
3	113169369	113169619	113169546	8	11	9	1.407658607	0.210479	ABHD10	ENSG00000144827
3	113180397	113180616	113180519	8	10	8	1.433726359	0.209175	ABHD10	ENSG00000144827
3	113215211	113215405	113215299	8	8	6	1.508205651	0.203852	TAGLN3	ENSG00000144834
3	113276521	113276928	113276707	35	44	2	17.59573259	2.22E-13	C3orf52	ENSG00000114529
3	113338780	113338959	113338870	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GCET2	ENSG00000174500
3	113639238	113639420	113639313	8	9	1	5.865244197	0.00272497	BTLA	ENSG00000186265
3	113763664	113764184	113764005	10	22	4	5.396024661	3.05E-05	SLC35A5	ENSG00000138459
3	113936306	113936567	113936436	8	9	7	1.466311049	0.20706	CCDC80	ENSG00000091986
3	114102536	114102921	114102742	22	29	1	17.59573259	1.33E-09	CD200R1L	ENSG00000206531
3	114349939	114350194	114350066	11	14	2	5.865244197	0.000387308	BOC	ENSG00000144857
3	114489533	114489716	114489645	8	8	7	1.319679944	0.283403	BOC	ENSG00000144857
3	114717706	114717911	114717820	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CCDC52	ENSG00000163611
3	114733895	114734210	114734053	8	12	12	1.173048839	0.343543	SIDT1	ENSG00000072858
3	114738193	114738711	114738332	12	24	7	3.665777623	0.000215502	SIDT1	ENSG00000072858
3	114827438	114827756	114827587	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000209204

3	114898199	114898468	114898364	11	12	2	5.083211637	0.00143337	KIAA2018	ENSG00000176542
3	114943804	114944017	114943941	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	NAT13	ENSG00000121579
3	114946692	114947110	114946871	13	22	3	6.745030826	8.05E-06	NAT13	ENSG00000121579
3	114947337	114947606	114947481	8	13	9	1.642268375	0.111397	NAT13	ENSG00000121579
3	114955533	114955892	114955704	10	16	0	19.94183027	1.86E-06	ATP6V1A	ENSG00000114573
3	115040175	115040365	115040258	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GRAMD1C	ENSG00000178075
3	115114540	115114776	115114652	9	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000213387
3	115257830	115258406	115258118	9	25	17	1.694403879	0.0403795	KIAA1407	ENSG00000163617
3	115380357	115380594	115380463	10	13	1	8.211341875	0.000163445	DRD3	ENSG00000151577
3	115585339	115585609	115585473	15	18	5	3.714654658	0.000961539	ZBTB20	ENSG00000181722
3	115651200	115651540	115651370	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	ZBTB20	ENSG00000181722
3	115811948	115812127	115812037	8	8	7	1.319679944	0.283403	ZBTB20	ENSG00000181722
3	116348956	116349365	116349190	8	15	5	3.128130238	0.00492422	ZBTB20	ENSG00000181722
3	116349400	116349677	116349522	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ZBTB20	ENSG00000181722
3	116363495	116363837	116363644	14	19	1	11.73048839	2.14E-06	ZBTB20	ENSG00000181722
3	116894432	116894697	116894559	9	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000221098
3	117819756	117819985	117819870	10	11	3	3.519146518	0.00788869	BZW1L1	ENSG00000198406
3	118830554	118830855	118830730	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000206889
3	120442318	120442583	120442425	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	B4GALT4	ENSG00000121578
3	120524415	120524685	120524581	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000207310
3	120664939	120665311	120665151	13	19	5	3.910162798	0.000546977	TMEM39A	ENSG00000176142
3	120699722	120700118	120700023	10	17	8	2.346097679	0.0144542	C3orf1	ENSG00000113845
3	120781355	120781585	120781464	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ADPRH	ENSG00000144843
3	120840413	120840829	120840684	33	39	7	5.865244197	3.22E-08	POPDC2	ENSG00000121577
3	120878692	120879181	120878936	12	24	8	3.258468998	0.000499412	COX17	ENSG00000138495
3	120995552	120995883	120995717	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	NR1I2	ENSG00000144852
3	121288135	121288336	121288196	10	11	1	7.038293036	0.000674435	GSK3B	ENSG00000082701
3	121296487	121297021	121296680	13	24	6	4.18946014	8.40E-05	GSK3B	ENSG00000082701
3	121297250	121297473	121297349	9	10	5	2.150589539	0.0575848	GSK3B	ENSG00000082701
3	121371082	121371261	121371181	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000206721
3	121399910	121400197	121400053	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000206721
3	121404640	121404921	121404801	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000206721
3	121618634	121619292	121618953	14	36	8	4.822534117	6.35E-07	FSTL1	ENSG00000163430
3	121620446	121620669	121620557	10	12	1	7.624817456	0.000332769	FSTL1	ENSG00000163430

3	121871921	121872101	121872096	8	8	3	2.639359888	0.0415794	HGD	ENSG00000113924
3	121884018	121884247	121884132	11	13	4	3.28453675	0.00629037	HGD	ENSG00000113924
3	121911983	121912240	121912111	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000209249
3	121944273	121944523	121944412	9	12	5	2.541605819	0.0225912	GTF2E1	ENSG00000153767
3	122109551	122109873	122109722	11	14	2	5.865244197	0.000387308	STXBP5L	ENSG00000145087
3	122747405	122747663	122747542	11	13	3	4.105670938	0.00243034	POLQ	ENSG00000051341
3	122932926	122933220	122933069	16	19	2	7.820325595	1.32E-05	GOLGB1	ENSG00000173230
3	123036755	123036981	123036832	11	12	5	2.541605819	0.0225912	EAF2	ENSG00000145088
3	123053868	123054200	123054034	16	21	1	12.90353723	4.95E-07	EAF2	ENSG00000145088
3	123285986	123286258	123286129	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CD86	ENSG00000114013
3	123460424	123460619	123460529	10	10	4	2.580707446	0.0306059	CASR	ENSG00000036828
3	123523898	123524201	123524064	8	11	4	2.815317214	0.0183428	CSTA	ENSG00000121552
3	123526492	123526698	123526588	8	9	4	2.346097679	0.050148	CSTA	ENSG00000121552
3	123554650	123554829	123554739	8	8	5	1.759573259	0.13508	CSTA	ENSG00000121552
3	123558057	123558283	123558170	8	10	4	2.580707446	0.0306059	CCDC58	ENSG00000160124
3	123584494	123584864	123584814	10	16	6	2.848832895	0.00632407	CCDC58	ENSG00000160124
3	123585665	123585969	123585808	12	15	5	3.128130238	0.00492422	FAM162A	ENSG00000114023
3	123594585	123594783	123594654	8	9	5	1.955081399	0.0892323	FAM162A	ENSG00000114023
3	123595684	123596184	123595915	130	158	0	186.5147655	2.55E-54	FAM162A	ENSG00000114023
3	123616462	123616641	123616518	8	8	2	3.519146518	0.017558	WDR5B	ENSG00000196981
3	123617377	123617946	123617556	16	25	9	3.049926982	0.000648806	WDR5B	ENSG00000196981
3	123645388	123645578	123645464	9	9	3	2.932622098	0.0242899	WDR5B	ENSG00000196981
3	123698007	123698404	123698225	48	58	4	13.8419763	6.95E-16	KPNA1	ENSG00000114030
3	123762302	123762510	123762389	11	11	5	2.346097679	0.0364013	DTX3L	ENSG00000163840
3	123880916	123881103	123880932	8	8	8	1.173048839	0.36929	PARP14	ENSG00000173193
3	124002461	124002640	124002628	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DIRC2	ENSG00000138463
3	124091683	124092199	124091955	81	105	5	20.72386283	1.14E-29		ENSG00000221211
3	124095661	124095896	124095778	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221211
3	124135811	124136163	124135986	39	44	1	26.39359888	1.72E-14		ENSG00000221211
3	124144515	124144754	124144646	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000221211
3	124487864	124488125	124487997	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SEC22A	ENSG00000121542
3	124646421	124646600	124646476	8	8	5	1.759573259	0.13508	ADCY5	ENSG00000173175
3	124786590	124787152	124787015	10	21	11	2.150589539	0.0135908	PTPLB	ENSG00000206527
3	124803800	124804295	124803977	13	24	5	4.887703497	2.90E-05	PTPLB	ENSG00000206527

3	124833857	124834095	124833976	9	13	3	4.105670938	0.00243034	PTPLB	ENSG00000206527
3	124843972	124844447	124844112	16	23	3	7.038293036	4.15E-06	PTPLB	ENSG00000206527
3	124845990	124846429	124846155	28	37	1	22.28792795	3.34E-12	PTPLB	ENSG00000206527
3	124924986	124925360	124925191	12	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000207002
3	125419122	125419466	125419294	23	25	4	6.099853964	4.56E-06	KALRN	ENSG00000160145
3	125468117	125468378	125468247	15	17	7	2.639359888	0.00777415	KALRN	ENSG00000160145
3	125584554	125584926	125584733	15	22	2	8.993374435	1.66E-06	KALRN	ENSG00000160145
3	125585619	125585821	125585790	8	9	2	3.910162798	0.00955088	KALRN	ENSG00000160145
3	125593506	125593907	125593728	20	28	2	11.33947211	2.41E-08	KALRN	ENSG00000160145
3	125597424	125597867	125597645	29	41	11	4.105670938	7.64E-07	KALRN	ENSG00000160145
3	125598090	125599000	125598789	61	104	8	13.68556979	1.60E-26	KALRN	ENSG00000160145
3	125630426	125631075	125630810	19	34	9	4.105670938	5.54E-06	KALRN	ENSG00000160145
3	125694491	125694705	125694598	10	10	4	2.580707446	0.0306059	KALRN	ENSG00000160145
3	125706215	125706530	125706377	9	10	5	2.150589539	0.0575848	KALRN	ENSG00000160145
3	125753888	125754180	125754056	12	14	6	2.513676084	0.016726	KALRN	ENSG00000160145
3	125755185	125755364	125755237	8	9	4	2.346097679	0.050148	KALRN	ENSG00000160145
3	125758963	125759331	125759142	14	21	3	6.451768616	1.56E-05	KALRN	ENSG00000160145
3	125760602	125761229	125760905	10	23	8	3.128130238	0.000832453	KALRN	ENSG00000160145
3	125766501	125766819	125766660	8	12	5	2.541605819	0.0225912	KALRN	ENSG00000160145
3	125775546	125775970	125775770	47	61	0	72.72902804	1.26E-21	KALRN	ENSG00000160145
3	125788589	125788814	125788676	9	11	1	7.038293036	0.000674435	KALRN	ENSG00000160145
3	125794156	125794639	125794401	17	27	6	4.692195357	1.46E-05	KALRN	ENSG00000160145
3	125931724	125932171	125932073	13	23	9	2.815317214	0.00172056	UMPS	ENSG00000114491
3	125950012	125950230	125950121	8	9	1	5.865244197	0.00272497	UMPS	ENSG00000114491
3	125975874	125976089	125975953	11	12	4	3.049926982	0.0108184	UMPS	ENSG00000114491
3	125978898	125979131	125979004	8	9	2	3.910162798	0.00955088	UMPS	ENSG00000114491
3	125988234	125988481	125988400	9	11	1	7.038293036	0.000674435	UMPS	ENSG00000114491
3	126010971	126011221	126011096	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ITGB5	ENSG00000082781
3	126016162	126016446	126016321	9	10	7	1.612942154	0.147335	ITGB5	ENSG00000082781
3	126039085	126039707	126039399	19	42	11	4.203425008	4.39E-07	ITGB5	ENSG00000082781
3	126047390	126047611	126047506	9	9	4	2.346097679	0.050148	ITGB5	ENSG00000082781
3	126080251	126080521	126080394	11	14	3	4.398933147	0.00132748	ITGB5	ENSG00000082781
3	126174049	126174308	126174184	8	10	1	6.451768616	0.00135978	MUC13	ENSG00000173702
3	126187992	126188173	126188085	8	8	2	3.519146518	0.017558	MUC13	ENSG00000173702

3	126196884	126197293	126197114	9	15	6	2.68125449	0.0103552	HEG1	ENSG00000173706
3	126398488	126398740	126398627	9	11	4	2.815317214	0.0183428	SLC12A8	ENSG00000221955
3	126576635	126576992	126576813	15	21	1	12.90353723	4.95E-07	ZNF148	ENSG00000163848
3	126787250	126787429	126787288	8	8	3	2.639359888	0.0415794	OSBPL11	ENSG00000144909
3	126797078	126797275	126797148	8	10	3	3.225884308	0.0139466	OSBPL11	ENSG00000144909
3	126813376	126813555	126813465	8	8	1	5.278719777	0.00542188	OSBPL11	ENSG00000144909
3	127310000	127310270	127310142	13	14	3	4.398933147	0.00132748	SLC41A3	ENSG00000114544
3	127320909	127321298	127321110	133	144	4	34.01841634	2.29E-43	SLC41A3	ENSG00000114544
3	127323248	127323469	127323319	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SLC41A3	ENSG00000114544
3	127413382	127413594	127413488	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ALDH1L1	ENSG00000144908
3	127469183	127469393	127469288	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ALDH1L1	ENSG00000144908
3	127673937	127674140	127674038	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ZXDC	ENSG00000070476
3	127770551	127770821	127770651	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000206483
3	127782739	127782944	127782828	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000206483
3	127905436	127905896	127905615	13	22	4	5.396024661	3.05E-05	CHCHD6	ENSG00000159685
3	128037481	128037660	128037570	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CHCHD6	ENSG00000159685
3	128097234	128097510	128097387	10	14	7	2.199466574	0.0303778	PLXNA1	ENSG00000114554
3	128207390	128207657	128207523	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	PLXNA1	ENSG00000114554
3	128220562	128220769	128220665	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PLXNA1	ENSG00000114554
3	128275645	128275871	128275758	8	10	7	1.612942154	0.147335	PLXNA1	ENSG00000114554
3	128276551	128276811	128276681	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PLXNA1	ENSG00000114554
3	128327261	128327453	128327357	10	10	1	6.451768616	0.00135978	C3orf56	ENSG00000214324
3	128607056	128607287	128607135	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000201288
3	128786717	128786913	128786774	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GPR175	ENSG00000163870
3	128896034	128896314	128896174	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	ABTB1	ENSG00000114626
3	128897834	128898032	128897933	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ABTB1	ENSG00000114626
3	129020639	129021011	129020735	11	17	4	4.222975822	0.000640773	MGLL	ENSG00000074416
3	129209195	129209537	129209360	27	31	1	18.76878143	2.99E-10		ENSG00000201210
3	129212690	129213014	129212852	12	16	3	4.985457567	0.000385643	SEC61A1	ENSG00000058262
3	129296717	129297198	129296930	107	134	6	22.62308476	7.89E-38		ENSG00000222627
3	129325347	129325741	129325562	19	29	7	4.398933147	1.30E-05	RUVBL1	ENSG00000175792
3	129346917	129347096	129347006	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212344
3	129354796	129355053	129354924	9	10	2	4.301179077	0.00512919	EEFSEC	ENSG00000132394
3	129418938	129419167	129419051	8	8	1	5.278719777	0.00542188	EEFSEC	ENSG00000132394

3	129428469	129428672	129428590	8	8	1	5.278719777	0.00542188	EEFSEC	ENSG00000132394
3	129537047	129537382	129537214	19	25	7	3.812408728	0.00012465		ENSG00000221067
3	129563399	129563612	129563505	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000221067
3	129699044	129699248	129699154	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GATA2	ENSG00000179348
3	129704721	129704918	129704834	9	11	1	7.038293036	0.000674435	GATA2	ENSG00000179348
3	129708182	129708613	129708434	8	16	7	2.492728784	0.0124193	GATA2	ENSG00000179348
3	129708855	129709067	129708924	9	10	0	12.90353723	0.000195991	GATA2	ENSG00000179348
3	129786003	129786263	129786148	10	11	7	1.759573259	0.102361	C3orf27	ENSG00000198685
3	129882125	129882619	129882354	17	30	4	7.272902804	1.76E-07		ENSG00000208982
3	129911328	129911709	129911523	27	35	8	4.692195357	1.14E-06		ENSG00000207130
3	130080737	130080986	130080861	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ACAD9	ENSG00000177646
3	130308200	130308401	130308251	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RAB43	ENSG00000172780
3	130362589	130362860	130362724	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ISY1	ENSG00000221812
3	130385544	130385813	130385668	13	16	19	0.997091513	0.507069	CNBP	ENSG00000169714
3	130427953	130428179	130428077	12	12	5	2.541605819	0.0225912	COPG	ENSG00000181789
3	130450893	130451200	130451046	8	12	1	7.624817456	0.000332769	COPG	ENSG00000181789
3	130480078	130480293	130480149	8	11	1	7.038293036	0.000674435	C3orf37	ENSG00000183624
3	130481248	130481552	130481386	10	13	5	2.737113958	0.0137917	C3orf37	ENSG00000183624
3	130515819	130516147	130515990	8	12	6	2.178519273	0.0416567	H1FX	ENSG00000184897
3	130516498	130516702	130516622	9	10	3	3.225884308	0.0139466	H1FX	ENSG00000184897
3	130517711	130518005	130517857	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	H1FX	ENSG00000184897
3	130641477	130641700	130641627	9	10	4	2.580707446	0.0306059	IFT122	ENSG00000163913
3	130687175	130687537	130687331	11	15	5	3.128130238	0.00492422	RHO	ENSG00000163914
3	130707842	130708150	130707996	10	14	8	1.955081399	0.0506438	RHO	ENSG00000163914
3	130829271	130829823	130829714	9	21	6	3.686724924	0.000453999	PLXND1	ENSG00000004399
3	130851885	130852089	130852028	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TMCC1	ENSG00000172765
3	130864707	130864974	130864824	19	23	5	4.692195357	5.29E-05	TMCC1	ENSG00000172765
3	131047302	131047528	131047469	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000203644
3	131091819	131092018	131091918	8	8	2	3.519146518	0.017558	TMCC1	ENSG00000172765
3	131143807	131144014	131143893	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TRH	ENSG00000170893
3	131477821	131478004	131477923	8	9	6	1.675784056	0.141978	COL29A1	ENSG00000172752
3	131948234	131948504	131948369	11	12	2	5.083211637	0.00143337	PIK3R4	ENSG00000196455
3	132095317	132095535	132095426	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ATP2C1	ENSG00000017260
3	132551640	132551835	132551756	9	9	1	5.865244197	0.00272497	NUDT16P	ENSG00000206369

3	132645680	132645903	132645827	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208924
3	132698053	132698232	132698142	8	8	2	3.519146518	0.017558	MRPL3	ENSG00000114686
3	132704357	132704657	132704507	13	17	4	4.222975822	0.000640773	MRPL3	ENSG00000114686
3	132789387	132789584	132789422	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	MRPL3	ENSG00000114686
3	132930520	132930740	132930630	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MRPL3	ENSG00000114686
3	133230782	133231112	133230955	12	16	6	2.848832895	0.00632407	CPNE4	ENSG00000196353
3	133381743	133382145	133381875	13	20	14	1.642268375	0.06827	ACPP	ENSG00000014257
3	133397614	133397996	133397829	12	16	9	1.994183027	0.0370915	ACPP	ENSG00000014257
3	133519116	133519488	133519295	14	22	7	3.372515413	0.000629223	ACPP	ENSG00000014257
3	133544646	133544892	133544769	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ACPP	ENSG00000014257
3	133619792	133619971	133619913	8	9	6	1.675784056	0.141978	DNAJC13	ENSG00000138246
3	133828457	133828896	133828636	47	58	6	9.887125931	2.89E-14	CCRL1	ENSG00000129048
3	133861691	133861873	133861782	8	8	5	1.759573259	0.13508	UBA5	ENSG00000081307
3	133870602	133870906	133870738	11	14	2	5.865244197	0.000387308	UBA5	ENSG00000081307
3	133932630	133933030	133932809	11	18	6	3.183989707	0.00227432	ACAD11	ENSG00000113971
3	134060297	134060533	134060446	9	12	4	3.049926982	0.0108184	ACAD11	ENSG00000113971
3	134242738	134242960	134242849	10	11	4	2.815317214	0.0183428	TMEM108	ENSG00000144868
3	134585914	134586367	134586199	12	22	7	3.372515413	0.000629223	BFSP2	ENSG00000170819
3	134646086	134646299	134646132	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000208917
3	134654401	134654877	134654701	18	30	7	4.545564252	7.31E-06		ENSG00000208917
3	134749145	134749377	134749258	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000201827
3	134774621	134774841	134774773	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CDV3	ENSG00000091527
3	134776019	134776229	134776110	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CDV3	ENSG00000091527
3	134780205	134780446	134780358	8	11	12	1.082814313	0.424156	CDV3	ENSG00000091527
3	135131968	135132307	135132137	14	20	8	2.737113958	0.0036449	C3orf36	ENSG00000221972
3	135145116	135145396	135145223	10	13	1	8.211341875	0.000163445	C3orf36	ENSG00000221972
3	135165999	135166287	135166149	8	13	6	2.346097679	0.0266147	C3orf36	ENSG00000221972
3	135187823	135188017	135187972	10	10	5	2.150589539	0.0575848	SLCO2A1	ENSG00000174640
3	135414509	135414886	135414688	14	20	7	3.079253203	0.00177418	RYK	ENSG00000163785
3	135509944	135510283	135510113	8	12	6	2.178519273	0.0416567	RPL39P5	ENSG00000214289
3	135513723	135513902	135513812	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RPL39P5	ENSG00000214289
3	135542889	135543338	135543085	30	43	3	12.90353723	3.99E-12	RPL39P5	ENSG00000214289
3	135552517	135552749	135552649	8	10	5	2.150589539	0.0575848	RPL39P5	ENSG00000214289
3	135553845	135554100	135554019	17	20	3	6.158506406	2.99E-05	RPL39P5	ENSG00000214289



3	135559558	135559818	135559676	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RPL39P5	ENSG00000214289
3	135575892	135576101	135575996	9	10	1	6.451768616	0.00135978	AMOTL2	ENSG00000114019
3	135583357	135583757	135583578	11	20	4	4.926805125	0.00010522	AMOTL2	ENSG00000114019
3	135675454	135675715	135675578	8	11	4	2.815317214	0.0183428	CEP63	ENSG00000182923
3	135676411	135676857	135676622	35	51	1	30.49926982	8.63E-17	CEP63	ENSG00000182923
3	135687522	135687744	135687633	9	9	4	2.346097679	0.050148	CEP63	ENSG00000182923
3	135906175	135906449	135906312	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	KY	ENSG00000174611
3	135996454	135996962	135996622	9	17	5	3.519146518	0.00167472	EPHB1	ENSG00000154928
3	136705371	136705745	136705566	11	15	5	3.128130238	0.00492422	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	136875919	136876644	136876334	30	46	4	11.02665909	3.28E-12	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137064010	137064226	137064147	8	10	0	12.90353723	0.000195991	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137109376	137109722	137109549	25	31	11	3.128130238	0.000146711	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137119620	137120133	137119876	14	29	6	5.027352168	4.43E-06	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137120204	137120485	137120348	15	17	4	4.222975822	0.000640773	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137128815	137129157	137128988	12	16	9	1.994183027	0.0370915	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137167667	137167915	137167791	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137224158	137224706	137224425	61	90	8	11.86082715	2.83E-22	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137276847	137277106	137276976	15	16	4	3.988366054	0.00115141	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137343512	137343994	137343686	14	29	7	4.398933147	1.30E-05	MSL2	ENSG00000174579
3	137392983	137393179	137393081	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MSL2	ENSG00000174579
3	137395210	137395399	137395337	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MSL2	ENSG00000174579
3	137396935	137397192	137397063	8	10	2	4.301179077	0.00512919	MSL2	ENSG00000174579
3	137397899	137398667	137398250	15	40	12	3.69961557	3.24E-06	MSL2	ENSG00000174579
3	137451631	137451994	137451860	11	17	6	3.016411301	0.00381427	PCCB	ENSG00000114054
3	137452010	137452379	137452278	11	18	9	2.228792795	0.0164363	PCCB	ENSG00000114054
3	137452506	137452717	137452611	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PCCB	ENSG00000114054
3	137479271	137479473	137479352	9	10	6	1.843362462	0.0964212	PCCB	ENSG00000114054
3	137537483	137537801	137537642	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PCCB	ENSG00000114054
3	137545052	137545260	137545145	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000200571
3	137545404	137545684	137545544	13	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000200571
3	137593288	137593503	137593361	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000200571
3	137953807	137953996	137953892	8	8	2	3.519146518	0.017558	STAG1	ENSG00000118007
3	137954385	137954580	137954476	8	10	2	4.301179077	0.00512919	STAG1	ENSG00000118007
3	138233845	138234192	138234018	9	13	7	2.052835469	0.046392	IL20RB	ENSG00000174564

3	138256455	138256861	138256631	42	48	4	11.49587863	8.11E-13	IL20RB	ENSG00000174564
3	138533697	138534177	138533980	12	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000201325
3	138666240	138666529	138666405	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000201325
3	138711339	138711604	138711475	16	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000201325
3	139320469	139320707	139320588	10	12	5	2.541605819	0.0225912	DZIP1L	ENSG00000158163
3	139327182	139327455	139327349	9	12	7	1.906204364	0.0695918	A4GNT	ENSG00000118017
3	139376103	139376541	139376280	11	18	5	3.714654658	0.000961539	DBR1	ENSG00000138231
3	139389057	139389239	139389148	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ARMC8	ENSG00000114098
3	139483648	139483869	139483748	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ARMC8	ENSG00000114098
3	139549757	139549965	139549861	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MRAS	ENSG00000158186
3	139585545	139585963	139585717	13	20	2	8.211341875	6.65E-06	MRAS	ENSG00000158186
3	139657182	139657375	139657306	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM62C	ENSG00000158220
3	139681123	139681372	139681293	8	11	2	4.692195357	0.00272444	FAM62C	ENSG00000158220
3	139795843	139796103	139795959	9	12	1	7.624817456	0.000332769	CEP70	ENSG00000114107
3	139810817	139811009	139810955	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAIM	ENSG00000158234
3	139875726	139875987	139875861	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000174715
3	139888372	139888561	139888453	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000174715
3	140116640	140117130	140116784	10	22	5	4.496687217	9.59E-05	FOXL2	ENSG00000183770
3	140137701	140137913	140137857	12	14	4	3.519146518	0.00361132	FOXL2	ENSG00000183770
3	140425205	140425653	140425428	35	49	1	29.32622098	3.92E-16	MRPS22	ENSG00000175110
3	140530928	140531331	140531152	11	21	3	6.451768616	1.56E-05	MRPS22	ENSG00000175110
3	140555550	140555732	140555662	8	8	3	2.639359888	0.0415794	MRPS22	ENSG00000175110
3	140591049	140591314	140591181	9	12	9	1.524963491	0.154777	COPB2	ENSG00000184432
3	140591326	140591676	140591499	15	20	12	1.894925048	0.0317253	COPB2	ENSG00000184432
3	140657975	140658183	140658124	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RBP2	ENSG00000114113
3	140752466	140752670	140752568	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RBP1	ENSG00000114115
3	140917195	140917749	140917397	51	72	1	42.81628264	1.00E-23	NMNAT3	ENSG00000163864
3	140919929	140920246	140920087	12	14	5	2.932622098	0.00829617	NMNAT3	ENSG00000163864
3	140934271	140934450	140934303	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NMNAT3	ENSG00000163864
3	141118462	141118705	141118568	11	11	7	1.759573259	0.102361	CLSTN2	ENSG00000158258
3	141408269	141408604	141408427	12	15	6	2.68125449	0.0103552	CLSTN2	ENSG00000158258
3	141624713	141625440	141625233	82	134	1	79.18079665	2.31E-44		ENSG00000216184
3	142065319	142065530	142065395	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SLC25A36	ENSG00000114120
3	142129303	142129592	142129428	9	11	6	2.010940867	0.0640214	SLC25A36	ENSG00000114120

3	142142881	142143397	142143168	9	17	9	2.111487911	0.0248715	SLC25A36	ENSG00000114120
3	142290975	142291240	142291107	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SPSB4	ENSG00000175093
3	142393770	142394293	142394020	12	22	6	3.854303329	0.000260696	ACPL2	ENSG00000155893
3	142443323	142443730	142443495	8	15	2	6.256260476	0.000199274	ACPL2	ENSG00000155893
3	142475177	142475384	142475280	8	8	7	1.319679944	0.283403	ACPL2	ENSG00000155893
3	142476568	142476772	142476670	8	10	1	6.451768616	0.00135978	ACPL2	ENSG00000155893
3	142477558	142477820	142477689	21	21	2	8.602358155	3.33E-06	ACPL2	ENSG00000155893
3	142494723	142494949	142494836	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ACPL2	ENSG00000155893
3	142510224	142510643	142510397	26	36	5	7.233801176	1.48E-08	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142513220	142513492	142513398	8	11	11	1.173048839	0.349489	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142562544	142562806	142562717	18	20	7	3.079253203	0.00177418	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142567780	142568119	142567949	17	20	2	8.211341875	6.65E-06	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142661713	142661963	142661849	14	16	7	2.492728784	0.0124193	RASA2	ENSG00000155903
3	143110919	143111169	143111014	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200389
3	143141962	143142232	143142121	11	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000214271
3	143428051	143428231	143428130	9	9	5	1.955081399	0.0892323	GK5	ENSG00000175066
3	143481567	143481858	143481737	10	13	2	5.474227917	0.000747844	GK5	ENSG00000175066
3	143649531	143649754	143649664	8	10	2	4.301179077	0.00512919	XRN1	ENSG00000114127
3	143649877	143650056	143649977	8	10	3	3.225884308	0.0139466	XRN1	ENSG00000114127
3	143742408	143742698	143742543	8	9	4	2.346097679	0.050148	ATR	ENSG00000175054
3	143780204	143780470	143780337	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	ATR	ENSG00000175054
3	143797660	143798181	143797793	18	28	8	3.779824038	5.98E-05	ATR	ENSG00000175054
3	144126805	144127020	144126912	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PCOLCE2	ENSG00000163710
3	144202772	144203328	144203063	19	31	15	2.346097679	0.00187452		ENSG00000163714
3	144271916	144272096	144272006	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CHST2	ENSG00000175040
3	144450438	144450909	144450730	31	41	1	24.63402563	1.65E-13		ENSG00000181814
3	144465313	144465651	144465482	22	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000181814
3	144795908	144796244	144796076	14	16	4	3.988366054	0.00115141	SLC9A9	ENSG00000181804
3	144803424	144804007	144803749	62	85	5	16.81370003	2.30E-23	SLC9A9	ENSG00000181804
3	144846111	144846310	144846169	8	8	4	2.111487911	0.0804809	SLC9A9	ENSG00000181804
3	144875986	144876186	144876030	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC9A9	ENSG00000181804
3	145084730	145085054	145084883	19	22	2	8.993374435	1.66E-06	SLC9A9	ENSG00000181804
3	145085076	145085273	145085191	8	10	4	2.580707446	0.0306059	SLC9A9	ENSG00000181804
3	145173011	145173300	145173174	12	14	3	4.398933147	0.00132748	C3orf58	ENSG00000181744

3	145363609	145363832	145363677	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222778
3	145563683	145563862	145563783	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000212780
3	145633070	145633282	145633166	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000212780
3	145657708	145657887	145657767	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212780
3	146554693	146554895	146554810	8	9	0	11.73048839	0.000425898		
3	146558240	146558601	146558433	21	27	2	10.94845583	4.90E-08		
3	146828766	146829008	146828852	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000222350
3	147360740	147360948	147360871	9	10	2	4.301179077	0.00512919	PLOD2	ENSG00000152952
3	147380888	147381219	147381043	13	15	3	4.692195357	0.000718455	PLOD2	ENSG00000152952
3	147390153	147390332	147390242	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PLOD2	ENSG00000152952
3	147622312	147622676	147622497	11	18	8	2.476436439	0.00924552	PLSCR2	ENSG00000163746
3	147622859	147623100	147622972	9	11	12	1.082814313	0.424156	PLSCR2	ENSG00000163746
3	147745004	147745370	147745183	10	17	12	1.62422147	0.088135	PLSCR1	ENSG00000188313
3	147782597	147783090	147782767	51	62	2	24.63402563	3.62E-19		ENSG00000199812
3	147825877	147826068	147825954	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000199812
3	147882696	147882895	147882795	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000199812
3	148488649	148488838	148488743	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000214250
3	148593124	148593320	148593208	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ZIC4	ENSG00000174963
3	149362765	149362951	149362858	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000205412
3	149428055	149428384	149428219	23	25	5	5.083211637	1.58E-05		ENSG00000205412
3	150081251	150081442	150081346	8	8	2	3.519146518	0.017558	CPA3	ENSG00000163751
3	150156001	150156246	150156086	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000174995
3	150286787	150287161	150286894	10	16	10	1.812893661	0.0578656	HLTF	ENSG00000071794
3	150287168	150287374	150287234	8	9	9	1.173048839	0.362316	HLTF	ENSG00000071794
3	150329764	150330145	150329966	10	17	9	2.111487911	0.0248715	HPS3	ENSG00000163755
3	150392321	150392781	150392608	35	46	0	55.13329545	1.44E-16	CP	ENSG00000047457
3	150412901	150413143	150413022	11	13	6	2.346097679	0.0266147	CP	ENSG00000047457
3	150447737	150447962	150447805	8	11	8	1.564065119	0.151515	CP	ENSG00000047457
3	150448303	150448482	150448419	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CP	ENSG00000047457
3	150448618	150448874	150448754	8	11	5	2.346097679	0.0364013	CP	ENSG00000047457
3	150473630	150474012	150473809	10	17	4	4.222975822	0.000640773	CP	ENSG00000047457
3	150477949	150478340	150478181	26	34	8	4.561856597	2.04E-06	CP	ENSG00000047457
3	150483278	150483700	150483521	11	19	7	2.932622098	0.00293566	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150483968	150484261	150484123	11	15	4	3.753756286	0.0020497	TM4SF18	ENSG00000163762

3	150500590	150501055	150500763	20	27	12	2.526566731	0.00187486	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150540470	150540741	150540641	8	12	6	2.178519273	0.0416567	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150553039	150553343	150553191	17	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000213216
3	150587083	150587479	150587273	21	29	10	3.199224107	0.000186763	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150593918	150594157	150593997	9	12	5	2.541605819	0.0225912	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150595295	150595484	150595327	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150596255	150596641	150596466	14	20	15	1.539626602	0.0943825	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150601691	150602026	150601858	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150602049	150602364	150602206	10	14	4	3.519146518	0.00361132	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150655266	150655469	150655377	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150674194	150674558	150674325	10	14	6	2.513676084	0.016726	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150708283	150708493	150708395	8	10	6	1.843362462	0.0964212	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150819143	150819486	150819292	10	14	8	1.955081399	0.0506438	WWTR1	ENSG00000018408
3	150831254	150831466	150831360	10	10	3	3.225884308	0.0139466	WWTR1	ENSG00000018408
3	150857865	150858099	150857983	8	10	5	2.150589539	0.0575848	WWTR1	ENSG00000018408
3	150858521	150858809	150858651	10	12	4	3.049926982	0.0108184	WWTR1	ENSG00000018408
3	150952904	150953309	150953077	20	26	5	5.278719777	8.57E-06	COMMD2	ENSG00000114744
3	150984210	150984795	150984389	16	32	2	12.90353723	1.37E-09	C3orf16	ENSG00000206199
3	151008794	151009128	151008961	11	13	8	1.824742639	0.0744168	RNF13	ENSG00000082996
3	151013374	151014246	151014067	15	40	9	4.809500241	1.80E-07	RNF13	ENSG00000082996
3	151014425	151014638	151014593	9	11	3	3.519146518	0.00788869	RNF13	ENSG00000082996
3	151095857	151096036	151095946	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000208760
3	151164627	151164845	151164736	8	8	5	1.759573259	0.13508	PFN2	ENSG00000070087
3	151282475	151282689	151282553	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000208756
3	151350274	151350550	151350422	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000208756
3	151364263	151364616	151364441	13	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000222269
3	151428371	151428694	151428544	10	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000222269
3	151438010	151438293	151438154	19	21	7	3.225884308	0.00106152		ENSG00000222269
3	151438621	151439281	151439072	14	36	20	2.066800336	0.00314492		ENSG00000222269
3	151439423	151439793	151439625	8	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000222269
3	151475648	151475925	151475820	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222269
3	151515051	151515404	151515207	29	34	4	8.211341875	1.23E-08		ENSG00000222269
3	151518068	151518307	151518187	12	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000222269
3	151520436	151520808	151520640	8	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000222269

3	151545667	151545882	151545786	9	10	5	2.150589539	0.0575848	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151549834	151550052	151549889	9	9	3	2.932622098	0.0242899	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151569714	151569949	151569787	11	13	5	2.737113958	0.0137917	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151608767	151609060	151608913	12	16	4	3.988366054	0.00115141	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151622623	151622896	151622796	12	15	6	2.68125449	0.0103552	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151643124	151643427	151643275	11	13	4	3.28453675	0.00629037	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151649712	151649990	151649850	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151670156	151670357	151670267	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151698198	151698769	151698443	12	23	12	2.165628626	0.0100985	SERP1	ENSG00000120742
3	151746914	151747180	151747016	9	12	1	7.624817456	0.000332769	SERP1	ENSG00000120742
3	151747185	151747510	151747347	8	14	3	4.398933147	0.00132748	EIF2A	ENSG00000144895
3	151803530	151803833	151803681	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000198843
3	151904327	151904720	151904468	9	15	2	6.256260476	0.000199274	C3orf44	ENSG00000163645
3	151923354	151923722	151923556	18	23	4	5.630634429	1.63E-05	C3orf44	ENSG00000163645
3	151925729	151925962	151925845	12	14	6	2.513676084	0.016726	C3orf44	ENSG00000163645
3	151937681	151938236	151937958	16	35	14	2.815317214	0.000177835	SIAH2	ENSG00000181788
3	151938751	151939177	151938930	9	18	9	2.228792795	0.0164363	SIAH2	ENSG00000181788
3	151939181	151939456	151939308	9	12	5	2.541605819	0.0225912	SIAH2	ENSG00000181788
3	151956905	151957152	151957052	8	10	6	1.843362462	0.0964212	SIAH2	ENSG00000181788
3	151959806	151960044	151959925	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	SIAH2	ENSG00000181788
3	151963801	151964212	151963974	8	15	5	3.128130238	0.00492422	SIAH2	ENSG00000181788
3	151988342	151988596	151988440	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SIAH2	ENSG00000181788
3	152045122	152045316	152045236	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000214237
3	152106792	152106989	152106890	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000222079
3	152285836	152286149	152286004	11	16	4	3.988366054	0.00115141	MED12L	ENSG00000144893
3	152287212	152287419	152287315	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MED12L	ENSG00000144893
3	152346504	152346770	152346605	12	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000199994
3	152351048	152351275	152351166	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000199994
3	152368784	152369111	152368954	12	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000199994
3	152505461	152506166	152505747	26	49	9	5.865244197	8.04E-10	GPR87	ENSG00000138271
3	152515462	152515713	152515587	8	8	3	2.639359888	0.0415794	GPR87	ENSG00000138271
3	152516361	152517115	152516550	100	132	4	31.20309913	1.81E-39	GPR87	ENSG00000138271
3	152517132	152517584	152517311	40	56	4	13.37275677	2.88E-15	GPR87	ENSG00000138271
3	152602927	152603113	152603020	8	9	3	2.932622098	0.0242899	P2RY12	ENSG00000169313

3	153037629	153037917	153037773	18	20	5	4.105670938	0.000308509	AADAC	ENSG00000114771
3	153134048	153134323	153134185	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	SUCNR1	ENSG00000198829
3	153468826	153469036	153468945	9	12	1	7.624817456	0.000332769	MBNL1	ENSG00000152601
3	153484098	153484360	153484229	12	13	5	2.737113958	0.0137917	MBNL1	ENSG00000152601
3	153725127	153725306	153725216	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000201217
3	153833256	153833435	153833397	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000201217
3	154034929	154035185	154035057	10	11	4	2.815317214	0.0183428	P2RY1	ENSG00000169860
3	154170457	154170648	154170552	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208721
3	154174259	154174440	154174349	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208721
3	154360732	154362634	154361280	290	487	15	35.7779896	6.62E-141	RAP2B	ENSG00000181467
3	154362647	154362908	154362777	8	10	0	12.90353723	0.000195991	RAP2B	ENSG00000181467
3	154410701	154410920	154410810	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000222228
3	154514132	154514676	154514359	55	85	4	20.17644004	2.32E-24		ENSG00000222228
3	154603540	154603719	154603629	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207323
3	154815025	154815598	154815265	120	169	5	33.23638378	3.03E-50		ENSG00000200162
3	155260358	155260798	155260535	19	26	5	5.278719777	8.57E-06		ENSG00000201398
3	155284983	155285169	155285076	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000114790
3	155289961	155290374	155290195	15	22	9	2.69801233	0.00276236		ENSG00000114790
3	155321415	155321731	155321576	12	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000114790
3	155333535	155333847	155333704	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000114790
3	155415192	155415402	155415303	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000114790
3	155424895	155425198	155425046	14	16	3	4.985457567	0.000385643	DHX36	ENSG00000174953
3	155621566	155621830	155621698	8	11	4	2.815317214	0.0183428	GPR149	ENSG00000174948
3	155722669	155722860	155722742	8	9	5	1.955081399	0.0892323	GPR149	ENSG00000174948
3	155752979	155753196	155753104	9	10	1	6.451768616	0.00135978	GPR149	ENSG00000174948
3	155845868	155846058	155845993	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GPR149	ENSG00000174948
3	155930777	155930980	155930917	8	8	5	1.759573259	0.13508	GPR149	ENSG00000174948
3	156104898	156105099	156104974	9	10	0	12.90353723	0.000195991	MME	ENSG00000196549
3	156140064	156140252	156140206	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MME	ENSG00000196549
3	156224480	156224782	156224631	10	12	3	3.812408728	0.004404	MME	ENSG00000196549
3	156238171	156238406	156238286	8	9	1	5.865244197	0.00272497	MME	ENSG00000196549
3	156555342	156555521	156555431	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208662
3	156571229	156571420	156571324	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208662
3	156627303	156627652	156627474	27	29	0	35.19146518	7.73E-11		ENSG00000208662

3	156928262	156928694	156928515	16	28	5	5.669736057	2.48E-06	PLCH1	ENSG00000114805
3	156931386	156931634	156931549	12	14	14	1.173048839	0.332418	PLCH1	ENSG00000114805
3	156944628	156944875	156944751	8	10	1	6.451768616	0.00135978	C3orf33	ENSG00000174928
3	156945329	156945766	156945550	11	20	4	4.926805125	0.00010522	C3orf33	ENSG00000174928
3	156946271	156946623	156946447	8	13	8	1.824742639	0.0744168	C3orf33	ENSG00000174928
3	157006717	157007003	157006860	12	16	8	2.215758919	0.0222902	C3orf33	ENSG00000174928
3	157054761	157055355	157055051	35	48	13	4.105670938	1.07E-07	SLC33A1	ENSG00000169359
3	157071021	157071206	157071108	8	8	2	3.519146518	0.017558	GMPS	ENSG00000163655
3	157072172	157072502	157072337	9	13	1	8.211341875	0.000163445	GMPS	ENSG00000163655
3	157084822	157085108	157084993	13	15	5	3.128130238	0.00492422	GMPS	ENSG00000163655
3	157334296	157334475	157334385	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157351074	157351271	157351139	9	9	5	1.955081399	0.0892323	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157352375	157352570	157352509	8	9	6	1.675784056	0.141978	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157418888	157419091	157418950	9	9	1	5.865244197	0.00272497	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157755385	157756047	157755715	9	25	9	3.049926982	0.000648806	SSR3	ENSG00000114850
3	157780015	157780264	157780129	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	SSR3	ENSG00000114850
3	157874337	157874863	157874612	14	26	8	3.519146518	0.000175368	TIPARP	ENSG00000163659
3	157875707	157875912	157875845	9	9	5	1.955081399	0.0892323	TIPARP	ENSG00000163659
3	158002258	158002594	158002430	12	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000213198
3	158013091	158013377	158013239	16	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000213198
3	158026546	158027003	158026659	9	19	7	2.932622098	0.00293566	LEKR1	ENSG00000197980
3	158289214	158289568	158289391	11	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000201778
3	158289739	158289927	158289833	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201778
3	158360566	158360968	158360796	19	29	7	4.398933147	1.30E-05	CCNL1	ENSG00000163660
3	158375124	158375755	158375514	19	38	8	5.083211637	1.94E-07		ENSG00000208656
3	158439667	158439870	158439720	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000208656
3	158695018	158695314	158695166	10	12	7	1.906204364	0.0695918	VEPH1	ENSG00000197415
3	158699900	158700273	158700075	9	14	8	1.955081399	0.0506438	VEPH1	ENSG00000197415
3	158733218	158733428	158733317	9	9	5	1.955081399	0.0892323	C3orf55	ENSG00000174899
3	158743825	158744053	158743939	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C3orf55	ENSG00000174899
3	158773141	158773429	158773285	16	19	6	3.351568112	0.00134187	C3orf55	ENSG00000174899
3	158807089	158807308	158807198	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C3orf55	ENSG00000174899
3	158827368	158827579	158827473	9	11	9	1.407658607	0.210479	C3orf55	ENSG00000174899
3	158989980	158990220	158990156	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000208653



3	159056839	159057040	159056939	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208653
3	159065921	159066152	159066091	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000208653
3	159136741	159136969	159136855	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000208653
3	159205899	159206098	159206054	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208653
3	159292168	159292514	159292341	8	12	4	3.049926982	0.0108184	SHOX2	ENSG00000168779
3	159298537	159298786	159298661	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SHOX2	ENSG00000168779
3	159310407	159310798	159310585	20	28	7	4.252302043	2.31E-05	RSRC1	ENSG00000174891
3	159310810	159311327	159311051	10	21	8	2.867452718	0.00225035	RSRC1	ENSG00000174891
3	159873074	159873487	159873224	13	19	7	2.932622098	0.00293566	LXN	ENSG00000079257
3	159923519	159924052	159923827	12	23	9	2.815317214	0.00172056	RARRES1	ENSG00000118849
3	159925753	159926074	159925913	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	RARRES1	ENSG00000118849
3	160245806	160246069	160245937	13	14	5	2.932622098	0.00829617	IQCJ	ENSG00000214216
3	160932625	160932975	160932800	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000208651
3	161021561	161021945	161021740	17	24	0	29.32622098	3.74E-09		ENSG00000208651
3	161029953	161030463	161030224	265	321	6	53.96024661	1.21E-98		ENSG00000208651
3	161059228	161059437	161059332	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000208651
3	161082240	161082664	161082441	36	49	5	9.775406994	2.43E-12		ENSG00000208651
3	161142091	161142500	161142321	19	27	7	4.105670938	4.08E-05	IL12A	ENSG00000168811
3	161955372	161955735	161955529	9	13	4	3.28453675	0.00629037	PPM1L	ENSG00000163590
3	162229059	162229291	162229175	10	10	7	1.612942154	0.147335	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162307927	162308106	162307989	8	8	5	1.759573259	0.13508	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162421514	162421842	162421678	9	14	9	1.759573259	0.0786014	NMD3	ENSG00000169251
3	162476488	162476817	162476652	17	21	1	12.90353723	4.95E-07	NMD3	ENSG00000169251
3	162540063	162540377	162540220	12	16	11	1.661819189	0.0853913	C3orf57	ENSG00000196542
3	162572202	162572454	162572328	15	17	8	2.346097679	0.0144542	C3orf57	ENSG00000196542
3	162572946	162573237	162573072	10	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000179522
3	162573242	162573765	162573421	11	23	13	2.010940867	0.0163115		ENSG00000179522
3	162590259	162590441	162590350	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000179522
3	162609613	162609854	162609735	15	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000129973
3	162612305	162612903	162612671	10	24	14	1.955081399	0.0175993		ENSG00000129973
3	162616053	162616280	162616166	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000129973
3	162616422	162616669	162616541	16	17	11	1.759573259	0.0609179		ENSG00000129973
3	162621202	162621898	162621464	22	48	12	4.421491779	4.06E-08		ENSG00000129973
3	162622769	162622948	162622858	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000129973

3	162750906	162751149	162751027	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000182447
3	162759987	162760221	162760116	9	12	13	1.089259637	0.414883		ENSG00000182447
3	162760798	162761047	162760922	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000182447
3	162836995	162837174	162837044	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000182447
3	162879879	162880063	162879924	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000182447
3	162890195	162890414	162890272	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000182447
3	163222690	163222923	163222806	8	8	3	2.639359888	0.0415794		
3	163622535	163622811	163622658	8	11	2	4.692195357	0.00272444		
3	163798983	163799242	163799071	10	13	2	5.474227917	0.000747844		
3	163833287	163833479	163833383	8	8	4	2.111487911	0.0804809		
3	163919993	163920249	163920102	8	10	4	2.580707446	0.0306059		
3	164212128	164212352	164212240	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		
3	164257422	164257612	164257542	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000221205
3	164272240	164272565	164272416	9	13	9	1.642268375	0.1111397		ENSG00000221205
3	164690672	164691196	164690851	15	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000221205
3	164708892	164709233	164709070	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000221205
3	164744618	164744803	164744733	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221205
3	165140539	165140819	165140648	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000214210
3	165609684	165609917	165609778	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000221755
3	165617257	165617436	165617346	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000221755
3	166060449	166060646	166060547	9	10	3	3.225884308	0.0139466	SI	ENSG00000090402
3	166386280	166386512	166386396	9	13	6	2.346097679	0.0266147	SLITRK3	ENSG00000121871
3	166407280	166407511	166407422	14	15	10	1.706252857	0.0822346	SLITRK3	ENSG00000121871
3	167625653	167625832	167625770	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208601
3	167935251	167935524	167935415	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208599
3	168008538	168008969	168008797	10	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000185790
3	168030441	168030715	168030584	19	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000185790
3	168232861	168233080	168232970	12	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000215922
3	168580426	168581032	168580731	29	55	11	5.474227917	2.31E-10	ZBBX	ENSG00000169064
3	168693772	168694029	168693873	9	13	4	3.28453675	0.00629037	SERPINI2	ENSG00000114204
3	168936034	168936460	168936213	10	19	8	2.606775198	0.00583935	SERPINI1	ENSG00000163536
3	168990677	168990983	168990830	12	15	6	2.68125449	0.0103552	SERPINI1	ENSG00000163536
3	169015069	169015384	169015226	9	11	5	2.346097679	0.0364013	SERPINI1	ENSG00000163536
3	169128673	169128860	169128769	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GOLIM4	ENSG00000173905

3	169140816	169140999	169140907	8	9	3	2.932622098	0.0242899	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169174116	169174413	169174264	8	9	7	1.466311049	0.20706	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169178599	169178965	169178748	8	12	9	1.524963491	0.154777	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169247746	169248059	169247897	14	18	12	1.714455996	0.0636479	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169295432	169295868	169295586	9	15	8	2.085420159	0.0338693	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169295987	169296202	169296104	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169296508	169297096	169296940	18	32	4	7.742122339	4.68E-08	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169340525	169340767	169340648	9	12	5	2.541605819	0.0225912	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169443076	169443299	169443219	9	10	0	12.90353723	0.000195991	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169449946	169450186	169450043	8	10	1	6.451768616	0.00135978	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169450255	169450691	169450434	10	19	3	5.865244197	5.72E-05	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169871445	169871952	169871753	13	24	5	4.887703497	2.90E-05		ENSG00000207717
3	170067270	170067465	170067355	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C3orf50	ENSG00000206120
3	170071409	170071739	170071576	9	14	5	2.932622098	0.00829617	C3orf50	ENSG00000206120
3	170078377	170078714	170078540	21	25	8	3.388807758	0.000297109	C3orf50	ENSG00000206120
3	170090155	170090367	170090240	8	8	7	1.319679944	0.283403	C3orf50	ENSG00000206120
3	170127813	170127992	170127949	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C3orf50	ENSG00000206120
3	170284437	170284619	170284528	8	8	2	3.519146518	0.017558	EVI1	ENSG00000085276
3	170286377	170286687	170286532	22	25	3	7.624817456	1.09E-06	EVI1	ENSG00000085276
3	170349884	170350151	170350021	15	17	3	5.278719777	0.000205462	EVI1	ENSG00000085276
3	170373683	170374034	170373858	13	19	6	3.351568112	0.00134187	EVI1	ENSG00000085276
3	170425718	170425994	170425845	16	19	1	11.73048839	2.14E-06	EVI1	ENSG00000085276
3	170590765	170591052	170590908	8	11	3	3.519146518	0.00788869	MDS1	ENSG00000206115
3	170647662	170647908	170647751	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000213178
3	170746210	170746397	170746303	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213178
3	170763626	170763843	170763717	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000213178
3	170813473	170813760	170813623	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000184531
3	170857917	170858134	170858025	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000184531
3	170861974	170862176	170862147	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000184531
3	170867868	170868066	170867950	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000184531
3	170869568	170869846	170869707	8	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000184531
3	170949312	170949553	170949426	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000200182
3	170956029	170956246	170956135	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200182
3	170963473	170963719	170963601	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000200182

3	170972305	170973054	170972771	12	33	22	1.734072197	0.0191858	MYNN	ENSG00000085274
3	170973097	170973458	170973279	12	18	9	2.228792795	0.0164363	MYNN	ENSG00000085274
3	170973467	170973956	170973793	10	18	12	1.714455996	0.0636479	MYNN	ENSG00000085274
3	170974037	170974349	170974183	11	13	7	2.052835469	0.046392	MYNN	ENSG00000085274
3	171063998	171064396	171064217	10	16	6	2.848832895	0.00632407	LRRC31	ENSG00000114248
3	171167078	171167404	171167241	13	17	11	1.759573259	0.0609179	SEC62	ENSG00000008952
3	171238211	171238481	171238346	8	10	4	2.580707446	0.0306059	GPR160	ENSG00000173890
3	171239201	171239403	171239253	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GPR160	ENSG00000173890
3	171247174	171247488	171247347	9	13	5	2.737113958	0.0137917	GPR160	ENSG00000173890
3	171249900	171250148	171250023	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000201342
3	171382019	171382313	171382166	8	10	9	1.290353723	0.279648	PHC3	ENSG00000173889
3	171422653	171422938	171422794	14	18	6	3.183989707	0.00227432	PRKCI	ENSG00000163558
3	171441163	171441388	171441267	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000200118
3	171508434	171508628	171508507	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SKIL	ENSG00000136603
3	171510735	171510931	171510868	9	9	7	1.466311049	0.20706	SKIL	ENSG00000136603
3	171558687	171559119	171558977	15	22	6	3.854303329	0.000260696	SKIL	ENSG00000136603
3	171614673	171614885	171614779	9	9	7	1.466311049	0.20706	CLDN11	ENSG00000013297
3	171693327	171693713	171693527	14	22	8	2.997791478	0.00137524	CLDN11	ENSG00000013297
3	171700165	171700356	171700260	8	9	4	2.346097679	0.050148	CLDN11	ENSG00000013297
3	171889797	171890371	171889951	28	56	4	13.37275677	2.88E-15		ENSG00000213174
3	171928100	171928372	171928236	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000213174
3	171942358	171942659	171942508	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000213174
3	171952165	171952402	171952290	10	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000208537
3	172012411	172012890	172012668	9	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000208537
3	172070170	172070416	172070293	8	9	15	0.733155525	0.788527	RPL22L1	ENSG00000163584
3	172070445	172070700	172070618	10	14	13	1.256838042	0.269506	RPL22L1	ENSG00000163584
3	172070718	172070986	172070854	8	13	8	1.824742639	0.0744168	RPL22L1	ENSG00000163584
3	172108904	172109085	172109030	9	9	2	3.910162798	0.00955088	EIF5A2	ENSG00000163577
3	172193371	172193654	172193508	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000199488
3	172240733	172240950	172240833	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SLC2A2	ENSG00000163581
3	172350299	172350489	172350469	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000207963
3	172368699	172368972	172368822	8	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000207963
3	172372650	172372843	172372746	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207963
3	172388242	172388506	172388408	10	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000207963

3	172443528	172443736	172443620	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000207963
3	172554868	172555118	172554993	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222506
3	172580589	172580822	172580719	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222506
3	172661035	172661277	172661156	8	12	2	5.083211637	0.00143337	TNIK	ENSG00000154310
3	172661516	172661699	172661590	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TNIK	ENSG00000154310
3	172840958	172841325	172841158	24	30	5	6.060752336	7.05E-07		ENSG00000208522
3	172972875	172973277	172973114	11	18	12	1.714455996	0.0636479		ENSG00000183657
3	172989625	172989858	172989741	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000183657
3	172993044	172993308	172993176	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000183657
3	173009695	173009958	173009850	13	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000183657
3	173030454	173030832	173030658	11	17	4	4.222975822	0.000640773	TMEM212	ENSG00000186329
3	173235569	173235881	173235727	16	18	6	3.183989707	0.00227432	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173239855	173240052	173239969	9	12	7	1.906204364	0.0695918	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173330470	173330681	173330575	11	13	3	4.105670938	0.00243034	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173339687	173339897	173339773	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000222342
3	173341078	173341391	173341213	8	13	10	1.49297125	0.157311		ENSG00000222342
3	173342914	173343282	173343026	13	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000222342
3	173356791	173357124	173356963	10	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000222342
3	173532913	173533353	173533103	9	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000208521
3	173690697	173690931	173690814	10	11	3	3.519146518	0.00788869	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173717236	173717884	173717550	15	32	16	2.277094806	0.00211782	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173737063	173737927	173737665	48	97	7	14.36984828	3.00E-25	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173748498	173748723	173748622	9	11	2	4.692195357	0.00272444	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173796649	173796972	173796824	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173824050	173824475	173824272	8	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000208518
3	173838524	173838741	173838580	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000208518
3	173847184	173847437	173847310	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000208518
3	173848468	173848760	173848608	12	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000208518
3	173885900	173886465	173886230	25	47	6	8.04376347	4.71E-11		ENSG00000208518
3	173894978	173895243	173895124	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208518
3	173910646	173910893	173910757	12	13	7	2.052835469	0.046392	AADACL1	ENSG00000144959
3	173911129	173911331	173911184	8	10	3	3.225884308	0.0139466	AADACL1	ENSG00000144959
3	173911492	173911879	173911700	17	25	9	3.049926982	0.000648806	AADACL1	ENSG00000144959
3	173950823	173951227	173951048	13	21	8	2.867452718	0.00225035	ECT2	ENSG00000114346

3	174487907	174488165	174488036	11	13	6	2.346097679	0.0266147	SPATA16	ENSG00000144962
3	174729703	174729888	174729761	10	10	3	3.225884308	0.0139466	NLGN1	ENSG00000169760
3	174911987	174912430	174912237	11	20	3	6.158506406	2.99E-05	NLGN1	ENSG00000169760
3	175103267	175103639	175103416	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	NLGN1	ENSG00000169760
3	175329315	175329718	175329494	24	36	0	43.40280705	3.38E-13	NLGN1	ENSG00000169760
3	175360083	175360268	175360143	9	10	3	3.225884308	0.0139466	NLGN1	ENSG00000169760
3	175609967	175610186	175610107	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213169
3	175642011	175642255	175642133	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213169
3	175840489	175840807	175840643	12	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000213169
3	176059649	176059886	176059756	8	10	1	6.451768616	0.00135978	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176156000	176156355	176156177	9	15	5	3.128130238	0.00492422	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176327836	176328074	176327955	9	10	3	3.225884308	0.0139466	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176425331	176425607	176425437	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176470835	176471203	176471024	8	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000199792
3	176536822	176537171	176536996	9	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000199792
3	176539212	176539750	176539537	14	29	14	2.346097679	0.00249491		ENSG00000199792
3	176539809	176540025	176539919	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000199792
3	176547562	176547860	176547708	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000199792
3	176549976	176550221	176550087	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000199792
3	176771578	176772079	176771828	18	29	6	5.027352168	4.43E-06		ENSG00000201648
3	176856984	176857339	176857199	14	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000201648
3	176872932	176873111	176873012	8	8	9	1.055743955	0.456865	UBE2V1P2	ENSG00000214192
3	176882131	176882310	176882189	8	9	2	3.910162798	0.00955088	UBE2V1P2	ENSG00000214192
3	176882822	176883243	176883074	14	23	1	14.07658607	1.14E-07	UBE2V1P2	ENSG00000214192
3	176883260	176883585	176883422	9	14	2	5.865244197	0.000387308	UBE2V1P2	ENSG00000214192
3	177490119	177490298	177490203	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000208490
3	177714842	177715021	177714931	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208490
3	177988093	177988437	177988258	23	28	0	34.01841634	1.68E-10		ENSG00000208490
3	178056461	178056756	178056630	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000208490
3	178546250	178546455	178546341	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TBL1XR1	ENSG00000177565
3	178560438	178560868	178560572	12	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000208471
3	178577973	178578171	178578070	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000208471
3	178621272	178621656	178621481	13	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000208471
3	178643989	178644305	178644147	10	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000208471

3	178648439	178648682	178648581	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000208471
3	178677612	178677812	178677742	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000208471
3	178721747	178722046	178721896	11	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000208471
3	178791881	178792346	178792060	18	28	1	17.00920817	2.80E-09		ENSG00000203635
3	178797413	178797708	178797550	11	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000203635
3	178819591	178820073	178819749	11	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000200288
3	179010655	179010878	179010766	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000200288
3	180269666	180269954	180269810	17	17	0	21.11487911	8.57E-07	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180270323	180271040	180270676	145	190	5	37.34205472	4.47E-57	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180271087	180271377	180271199	8	12	4	3.049926982	0.0108184	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180271430	180272114	180271771	12	29	9	3.519146518	8.36E-05	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180272174	180272361	180272260	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180347667	180347962	180347800	12	16	7	2.492728784	0.0124193	PIK3CA	ENSG00000121879
3	180348533	180348831	180348682	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PIK3CA	ENSG00000121879
3	180522586	180522866	180522756	8	12	3	3.812408728	0.004404	ZNF639	ENSG00000121864
3	180523126	180523347	180523236	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF639	ENSG00000121864
3	180523880	180524092	180523986	11	11	3	3.519146518	0.00788869	ZNF639	ENSG00000121864
3	180726870	180727074	180726972	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ACTL6A	ENSG00000136518
3	180763269	180763532	180763400	11	14	5	2.932622098	0.00829617	ACTL6A	ENSG00000136518
3	180873271	180873645	180873533	9	15	6	2.68125449	0.0103552	USP13	ENSG00000058056
3	181170026	181170398	181170212	57	65	0	77.42122339	5.67E-23	PEX5L	ENSG00000114757
3	181435967	181436294	181436137	19	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000213158
3	181496291	181496591	181496441	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000213158
3	181507203	181507553	181507374	13	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000213158
3	181802392	181802670	181802557	11	13	5	2.737113958	0.0137917	TTC14	ENSG00000163728
3	181880547	181880734	181880635	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000208425
3	182059633	182059842	182059737	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000213157
3	182190063	182190536	182190242	14	25	8	3.388807758	0.000297109	DNAJC19	ENSG00000205981
3	182377228	182377500	182377336	12	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000206932
3	182734423	182734622	182734536	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222466
3	182900987	182901253	182901143	14	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000222466
3	183174732	183175068	183174900	19	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000213155
3	183252919	183253098	183253020	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000213155
3	183413040	183413271	183413155	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000213155

3	183939651	183939942	183939796	9	14	6	2.513676084	0.016726	ATP11B	ENSG00000058063
3	183941324	183941537	183941446	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ATP11B	ENSG00000058063
3	184148326	184148540	184148433	8	9	4	2.346097679	0.050148	DCUN1D1	ENSG00000043093
3	184299639	184299832	184299735	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MCCC1	ENSG00000078070
3	184299883	184300158	184300050	15	19	9	2.346097679	0.0107159	MCCC1	ENSG00000078070
3	184300176	184300376	184300229	8	8	2	3.519146518	0.017558	MCCC1	ENSG00000078070
3	184308531	184308747	184308662	9	9	7	1.466311049	0.20706	MCCC1	ENSG00000078070
3	184322922	184323117	184322989	11	11	8	1.564065119	0.151515	MCCC1	ENSG00000078070
3	184394270	184394604	184394437	17	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000208403
3	184492059	184492466	184492268	15	24	6	4.18946014	8.40E-05		ENSG00000202502
3	184495772	184496223	184495983	28	43	9	5.161414893	3.05E-08		ENSG00000202502
3	184561528	184561779	184561663	9	12	2	5.083211637	0.00143337	MCF2L2	ENSG00000053524
3	184673728	184673979	184673885	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208385
3	184965862	184966153	184966007	12	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000216166
3	185013505	185013886	185013659	19	24	6	4.18946014	8.40E-05		ENSG00000212778
3	185056905	185057205	185057073	9	9	1	5.865244197	0.00272497	PARL	ENSG00000175193
3	185085267	185085706	185085405	21	29	8	3.910162798	3.45E-05	PARL	ENSG00000175193
3	185166731	185167078	185166904	22	27	4	6.5690735	1.26E-06	ABCC5	ENSG00000114770
3	185206401	185206889	185206726	20	32	9	3.87106117	1.67E-05	ABCC5	ENSG00000114770
3	185208560	185209050	185208827	12	23	14	1.876878143	0.0251753	ABCC5	ENSG00000114770
3	185334532	185334872	185334702	8	14	4	3.519146518	0.00361132	EIF2B5	ENSG00000145191
3	185335074	185335306	185335190	10	12	3	3.812408728	0.004404	EIF2B5	ENSG00000145191
3	185335692	185335928	185335811	11	11	5	2.346097679	0.0364013	EIF2B5	ENSG00000145191
3	185374847	185375285	185375149	10	16	0	19.94183027	1.86E-06	AP2M1	ENSG00000161203
3	185434808	185435075	185434944	9	10	1	6.451768616	0.00135978	VWA5B2	ENSG00000145198
3	185442403	185442608	185442483	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000221120
3	185449315	185449641	185449471	20	21	5	4.301179077	0.000172642	ALG3	ENSG00000214160
3	185450053	185450337	185450195	11	13	6	2.346097679	0.0266147	ECE2	ENSG00000145194
3	185450794	185451048	185450922	12	15	5	3.128130238	0.00492422	ECE2	ENSG00000145194
3	185485137	185485516	185485296	8	14	7	2.199466574	0.0303778	ECE2	ENSG00000145194
3	185499320	185499563	185499411	10	12	2	5.083211637	0.00143337	PSMD2	ENSG00000175166
3	185500295	185500480	185500387	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PSMD2	ENSG00000175166
3	185514712	185515005	185514858	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	EIF4G1	ENSG00000114867
3	185515683	185515942	185515812	9	10	0	12.90353723	0.000195991	EIF4G1	ENSG00000114867



3	185520580	185520819	185520734	8	10	0	12.90353723	0.000195991	EIF4G1	ENSG00000114867
3	185546243	185546486	185546379	15	15	7	2.346097679	0.0195693	FAM131A	ENSG00000175182
3	185563083	185563307	185563205	8	10	3	3.225884308	0.0139466	POLR2H	ENSG00000163882
3	185563495	185564035	185563664	13	27	6	4.692195357	1.46E-05	POLR2H	ENSG00000163882
3	185618365	185618638	185618512	11	15	3	4.692195357	0.000718455	CHRD	ENSG00000090539
3	185643959	185644209	185644112	12	14	6	2.513676084	0.016726	CHRD	ENSG00000090539
3	185644366	185644672	185644533	12	14	3	4.398933147	0.00132748	CHRD	ENSG00000090539
3	185649326	185649588	185649457	12	13	4	3.28453675	0.00629037	CHRD	ENSG00000090539
3	185672049	185672378	185672212	15	19	2	7.820325595	1.32E-05	CHRD	ENSG00000090539
3	185714221	185714495	185714358	11	13	3	4.105670938	0.00243034	EPHB3	ENSG00000182580
3	185761782	185762035	185761908	10	11	6	2.010940867	0.0640214	EPHB3	ENSG00000182580
3	185765618	185765828	185765773	9	10	3	3.225884308	0.0139466	EPHB3	ENSG00000182580
3	185766079	185766614	185766496	24	41	12	3.789850096	1.90E-06	EPHB3	ENSG00000182580
3	185912564	185912748	185912656	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MAGEF1	ENSG00000177383
3	185960865	185961061	185960947	9	9	0	11.73048839	0.000425898	MAGEF1	ENSG00000177383
3	185967076	185967564	185967284	65	91	4	21.58409864	2.86E-26	VPS8	ENSG00000156931
3	185978280	185978515	185978356	11	11	2	4.692195357	0.00272444	VPS8	ENSG00000156931
3	185982789	185983193	185983020	48	55	0	65.690735	1.33E-19	VPS8	ENSG00000156931
3	186003821	186004065	186003951	11	14	2	5.865244197	0.000387308	VPS8	ENSG00000156931
3	186053204	186053411	186053307	10	10	2	4.301179077	0.00512919	VPS8	ENSG00000156931
3	186377251	186377506	186377389	10	11	3	3.519146518	0.00788869	C3orf70	ENSG00000187068
3	186508705	186508910	186508774	11	11	3	3.519146518	0.00788869	MAP3K13	ENSG00000073803
3	186536332	186536663	186536497	13	16	7	2.492728784	0.0124193	MAP3K13	ENSG00000073803
3	186564200	186564411	186564300	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MAP3K13	ENSG00000073803
3	186698972	186699188	186699080	8	9	5	1.955081399	0.0892323	TMEM41A	ENSG00000163900
3	186699340	186699629	186699481	18	20	11	2.052835469	0.0201852	TMEM41A	ENSG00000163900
3	186699676	186699894	186699785	8	8	9	1.055743955	0.456865	TMEM41A	ENSG00000163900
3	186727874	186728183	186728028	13	16	2	6.647276756	0.000101928	LIPH	ENSG00000163898
3	186786413	186787006	186786831	11	25	10	2.772660893	0.00131329	SENP2	ENSG00000163904
3	186877670	186877849	186877768	8	8	2	3.519146518	0.017558	C3orf65	ENSG00000163915
3	186918195	186918729	186918501	51	80	5	15.83615933	8.38E-22	C3orf65	ENSG00000163915
3	186934482	186934661	186934571	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C3orf65	ENSG00000163915
3	186975952	186976193	186976085	8	9	2	3.910162798	0.00955088	IGF2BP2	ENSG00000073792
3	187137859	187138205	187138032	8	13	3	4.105670938	0.00243034	SFRS10	ENSG00000136527

3	187276433	187276798	187276611	37	42	1	25.22055005	7.76E-14		ENSG00000208376
3	187298413	187298634	187298523	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ETV5	ENSG00000171656
3	187308256	187308575	187308417	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	ETV5	ENSG00000171656
3	187460064	187460329	187460196	11	11	7	1.759573259	0.102361	DGKG	ENSG00000058866
3	187569273	187569496	187569413	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	DGKG	ENSG00000058866
3	187626857	187627080	187627000	8	10	3	3.225884308	0.0139466	DGKG	ENSG00000058866
3	187676580	187677268	187676916	30	58	4	13.8419763	6.95E-16	CRYGS	ENSG00000213139
3	187770720	187771057	187770888	12	17	8	2.346097679	0.0144542	DNAJB11	ENSG00000090520
3	187815404	187815723	187815563	12	16	7	2.492728784	0.0124193	AHSG	ENSG00000145192
3	187817458	187817697	187817570	10	13	7	2.052835469	0.046392	AHSG	ENSG00000145192
3	187840989	187841329	187841171	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	FETUB	ENSG00000090512
3	187845165	187845466	187845315	8	9	4	2.346097679	0.050148	FETUB	ENSG00000090512
3	187923008	187923277	187923104	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KNG1	ENSG00000113889
3	187960913	187961342	187961084	11	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000207505
3	187983345	187983567	187983468	9	10	3	3.225884308	0.0139466	EIF4A2	ENSG00000156976
3	187983607	187984016	187983758	13	24	8	3.258468998	0.000499412	EIF4A2	ENSG00000156976
3	187984062	187984370	187984216	8	13	5	2.737113958	0.0137917	EIF4A2	ENSG00000156976
3	188006909	188007247	188007078	12	18	8	2.476436439	0.00924552	RFC4	ENSG00000163918
3	188042091	188042559	188042325	15	25	5	5.083211637	1.58E-05	ADIPOQ	ENSG00000181092
3	188123349	188123707	188123528	21	27	7	4.105670938	4.08E-05	ST6GAL1	ENSG00000073849
3	188177910	188178120	188178006	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000203632
3	188180283	188180636	188180459	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000203632
3	188267262	188267478	188267370	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ST6GAL1	ENSG00000073849
3	188313785	188314080	188313922	9	13	1	8.211341875	0.000163445	RPL39L	ENSG00000163923
3	188340201	188340495	188340348	9	11	4	2.815317214	0.0183428	RPL39L	ENSG00000163923
3	188365600	188365892	188365743	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	RPL39L	ENSG00000163923
3	188383642	188384115	188383892	132	151	0	178.3034236	5.83E-52	RTP1	ENSG00000175077
3	188816827	188817092	188816959	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SST	ENSG00000157005
3	188870247	188870486	188870377	10	12	3	3.812408728	0.004404	SST	ENSG00000157005
3	188880159	188880338	188880258	8	8	7	1.319679944	0.283403	SST	ENSG00000157005
3	188914934	188915137	188915035	10	11	7	1.759573259	0.102361	RTP2	ENSG00000198471
3	188942664	188943099	188942931	8	16	6	2.848832895	0.00632407	BCL6	ENSG00000113916
3	188944329	188944508	188944418	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BCL6	ENSG00000113916
3	188946093	188946411	188946278	11	15	4	3.753756286	0.0020497	BCL6	ENSG00000113916

3	188948536	188948825	188948680	9	11	4	2.815317214	0.0183428	BCL6	ENSG00000113916
3	188950368	188951186	188951053	14	39	7	5.865244197	3.22E-08	BCL6	ENSG00000113916
3	188964875	188965165	188965020	11	13	3	4.105670938	0.00243034	BCL6	ENSG00000113916
3	189009421	189009800	189009600	10	18	8	2.476436439	0.00924552	BCL6	ENSG00000113916
3	189114634	189114924	189114775	10	12	6	2.178519273	0.0416567	BCL6	ENSG00000113916
3	189236985	189237450	189237297	12	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000213132
3	189237635	189237995	189237814	12	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000213132
3	189261569	189261912	189261740	23	29	12	2.707035783	0.000762953		ENSG00000213132
3	189483883	189484238	189483978	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	LPP	ENSG00000145012
3	190039784	190040112	190039942	11	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000207651
3	190148594	190148787	190148678	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TPRG1	ENSG00000188001
3	190176478	190176729	190176603	12	13	4	3.28453675	0.00629037	TPRG1	ENSG00000188001
3	190176880	190177280	190177101	44	53	3	15.83615933	3.03E-15	TPRG1	ENSG00000188001
3	190179276	190179515	190179347	9	12	3	3.812408728	0.004404	TPRG1	ENSG00000188001
3	190242015	190242406	190242242	8	13	9	1.642268375	0.111397	TPRG1	ENSG00000188001
3	190296732	190297048	190296890	16	20	5	4.105670938	0.000308509	TPRG1	ENSG00000188001
3	190299513	190299867	190299691	15	20	4	4.926805125	0.00010522	TPRG1	ENSG00000188001
3	190300088	190300377	190300224	8	11	4	2.815317214	0.0183428	TPRG1	ENSG00000188001
3	190348474	190348654	190348632	8	9	7	1.466311049	0.20706	TPRG1	ENSG00000188001
3	190504817	190505550	190505174	12	31	20	1.787502993	0.0176346	TPRG1	ENSG00000188001
3	190516844	190517119	190516981	16	21	10	2.346097679	0.00796926	TPRG1	ENSG00000188001
3	190555904	190556120	190555954	9	9	3	2.932622098	0.0242899	TPRG1	ENSG00000188001
3	190658886	190659360	190659190	19	28	11	2.834868028	0.000626961		ENSG00000208357
3	190785168	190785377	190785342	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000208357
3	190842366	190842545	190842455	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TP63	ENSG00000073282
3	190921542	190921827	190921673	8	11	3	3.519146518	0.00788869	TP63	ENSG00000073282
3	190957054	190957322	190957200	15	16	7	2.492728784	0.0124193	TP63	ENSG00000073282
3	190966925	190967209	190967079	12	16	5	3.323638378	0.00288759	TP63	ENSG00000073282
3	191144728	191145195	191144907	12	21	11	2.150589539	0.0135908		ENSG00000216058
3	191218304	191218513	191218428	10	10	6	1.843362462	0.0964212	LEPREL1	ENSG00000090530
3	191238484	191238865	191238686	33	40	2	16.03166747	4.15E-12	LEPREL1	ENSG00000090530
3	191264737	191264985	191264837	8	11	1	7.038293036	0.000674435	LEPREL1	ENSG00000090530
3	191317147	191317846	191317376	67	97	8	12.77319847	2.16E-24	LEPREL1	ENSG00000090530
3	191321219	191321640	191321531	9	16	4	3.988366054	0.00115141	LEPREL1	ENSG00000090530

3	191430464	191430910	191430741	12	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000212489
3	191526484	191526837	191526660	22	28	2	11.33947211	2.41E-08	CLDN1	ENSG00000163347
3	191714574	191714861	191714718	9	11	1	7.038293036	0.000674435	IL1RAP	ENSG00000196083
3	191787099	191787294	191787196	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000223117
3	192358099	192358430	192358264	27	32	1	19.35530585	1.42E-10	OSTN	ENSG00000188729
3	192529617	192529952	192529784	12	17	3	5.278719777	0.000205462	CCDC50	ENSG00000152492
3	192699948	192700233	192700090	10	11	2	4.692195357	0.00272444	PYDC2	ENSG00000221856
3	193331092	193331282	193331187	10	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000222583
3	193473943	193474452	193474187	16	29	7	4.398933147	1.30E-05	FGF12	ENSG00000114279
3	193667818	193668185	193668009	8	14	9	1.759573259	0.0786014	FGF12	ENSG00000114279
3	193715621	193716108	193715951	13	24	11	2.443851749	0.00386428		ENSG00000208337
3	193767274	193767584	193767412	9	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000208337
3	193771734	193772176	193771912	10	19	14	1.564065119	0.0925887		ENSG00000208337
3	193797894	193798474	193798183	28	44	18	2.778273567	3.93E-05		ENSG00000208337
3	193927770	193928112	193927941	19	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000200184
3	193928147	193928427	193928262	15	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000200184
3	193999399	193999579	193999509	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000200184
3	194019444	194019771	194019608	19	23	4	5.630634429	1.63E-05		ENSG00000200184
3	194052277	194053033	194052529	20	50	16	3.519146518	5.06E-07	C3orf59	ENSG00000180611
3	194062975	194063296	194063123	9	12	5	2.541605819	0.0225912	C3orf59	ENSG00000180611
3	194080124	194080508	194080369	11	18	5	3.714654658	0.000961539	C3orf59	ENSG00000180611
3	194097295	194097693	194097514	10	17	5	3.519146518	0.00167472	C3orf59	ENSG00000180611
3	194107509	194107772	194107640	9	10	5	2.150589539	0.0575848	C3orf59	ENSG00000180611
3	194108293	194108608	194108451	19	23	2	9.384390715	8.25E-07	C3orf59	ENSG00000180611
3	194117377	194117724	194117545	19	23	7	3.519146518	0.000369739	C3orf59	ENSG00000180611
3	194118055	194118295	194118168	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	C3orf59	ENSG00000180611
3	194118507	194118969	194118748	9	20	10	2.239456875	0.0121685	C3orf59	ENSG00000180611
3	194241624	194241853	194241714	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000220985
3	194390942	194391224	194391091	9	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000220985
3	194426285	194426585	194426432	14	17	5	3.519146518	0.00167472	HRASLS	ENSG00000127252
3	194431710	194432061	194431885	17	20	6	3.519146518	0.000784044	HRASLS	ENSG00000127252
3	194447641	194447917	194447748	23	25	0	30.49926982	1.72E-09	HRASLS	ENSG00000127252
3	194489598	194489838	194489718	10	10	3	3.225884308	0.0139466	ATP13A5	ENSG00000187527
3	194489845	194490062	194489997	9	12	1	7.624817456	0.000332769	ATP13A5	ENSG00000187527

3	194520768	194520947	194520809	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ATP13A5	ENSG00000187527
3	194592528	194592853	194592690	10	14	7	2.199466574	0.0303778	ATP13A5	ENSG00000187527
3	194662159	194662444	194662301	10	14	6	2.513676084	0.016726	ATP13A5	ENSG00000187527
3	194700495	194700837	194700666	17	23	7	3.519146518	0.000369739	ATP13A4	ENSG00000127249
3	194764589	194764832	194764700	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ATP13A4	ENSG00000127249
3	194772926	194773286	194773107	10	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000221728
3	194793296	194793788	194793620	22	33	3	9.970915134	4.56E-09	OPA1	ENSG00000198836
3	194794297	194794541	194794420	9	11	2	4.692195357	0.00272444	OPA1	ENSG00000198836
3	194944472	194945010	194944651	10	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000208326
3	194981339	194981563	194981451	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000208326
3	194982783	194983145	194982931	18	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000208326
3	194987675	194988047	194987854	26	33	4	7.976732107	2.40E-08		ENSG00000208326
3	194988745	194989009	194988836	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000208326
3	194991961	194992562	194992188	15	34	15	2.566044336	0.000523463		ENSG00000208326
3	195005980	195006305	195006152	24	29	17	1.955081399	0.0105966		ENSG00000208326
3	195014040	195014299	195014169	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000208326
3	195028994	195029414	195029204	15	25	10	2.772660893	0.00131329		ENSG00000208326
3	195030225	195030661	195030522	17	27	6	4.692195357	1.46E-05		ENSG00000208326
3	195034987	195035500	195035203	17	34	11	3.421392448	3.22E-05		ENSG00000208326
3	195037859	195038127	195037993	11	12	13	1.089259637	0.414883		ENSG00000208326
3	195049499	195049859	195049640	11	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000208326
3	195070715	195071285	195071033	23	37	15	2.785990993	0.000136587		ENSG00000208326
3	195071577	195071819	195071727	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000208326
3	195072761	195073311	195073016	34	59	19	3.519146518	5.83E-08		ENSG00000214146
3	195078928	195079195	195079069	13	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000214146
3	195079968	195080464	195080145	19	30	12	2.797270309	0.000480593		ENSG00000214146
3	195111386	195111860	195111681	24	40	12	3.69961557	3.24E-06		ENSG00000214146
3	195122721	195123326	195122986	27	45	12	4.150788201	2.16E-07		ENSG00000214146
3	195152509	195152699	195152604	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214146
3	195170760	195170962	195170861	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214146
3	195180418	195180701	195180559	10	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000214146
3	195203815	195204228	195204049	14	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000214146
3	195257253	195257478	195257401	12	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000214146
3	195287074	195287308	195287191	8	8	6	1.508205651	0.203852	HES1	ENSG00000114315

3	195291665	195291931	195291767	8	10	4	2.580707446	0.0306059	HES1	ENSG00000114315
3	195331253	195331473	195331373	9	9	1	5.865244197	0.00272497	HES1	ENSG00000114315
3	195331593	195331984	195331818	9	14	7	2.199466574	0.0303778	HES1	ENSG00000114315
3	195332984	195333319	195333151	20	25	8	3.388807758	0.000297109	HES1	ENSG00000114315
3	195335125	195335735	195335568	16	31	11	3.128130238	0.000146711	HES1	ENSG00000114315
3	195336285	195336846	195336578	17	32	15	2.419413231	0.0012352	HES1	ENSG00000114315
3	195339822	195340093	195339957	10	13	6	2.346097679	0.0266147	HES1	ENSG00000114315
3	195342154	195342744	195342324	18	33	14	2.658910702	0.000442466		ENSG00000223332
3	195348819	195349260	195349105	18	26	11	2.639359888	0.0015854		ENSG00000208324
3	195351044	195351258	195351151	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000208324
3	195359304	195359831	195359573	19	34	20	1.955081399	0.00643758		ENSG00000208323
3	195377721	195378060	195377890	13	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000208323
3	195401039	195401364	195401201	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000208323
3	195401559	195401749	195401644	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000208323
3	195404878	195405551	195405281	59	92	9	10.90935421	4.36E-22		ENSG00000208323
3	195413531	195413940	195413710	12	21	9	2.580707446	0.00438951		ENSG00000208323
3	195423714	195423991	195423852	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000208323
3	195500911	195501247	195501069	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000214145
3	195516065	195516592	195516233	19	32	5	6.451768616	1.97E-07		ENSG00000214145
3	195583453	195583844	195583632	8	16	8	2.215758919	0.0222902	LRRC15	ENSG00000172061
3	195588523	195588721	195588605	8	9	6	1.675784056	0.141978	GP5	ENSG00000178732
3	195588752	195589127	195588922	12	19	7	2.932622098	0.00293566	GP5	ENSG00000178732
3	195606739	195606920	195606821	8	8	5	1.759573259	0.13508	GP5	ENSG00000178732
3	195674363	195674609	195674486	13	14	6	2.513676084	0.016726	ATP13A3	ENSG00000133657
3	195684647	195684851	195684784	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	ATP13A3	ENSG00000133657
3	195696352	195696624	195696488	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000198579
3	195697041	195697320	195697198	14	16	11	1.661819189	0.0853913		ENSG00000198579
3	195785880	195786204	195786042	12	17	6	3.016411301	0.00381427	TMEM44	ENSG00000145014
3	195789301	195789625	195789465	8	13	2	5.474227917	0.000747844	TMEM44	ENSG00000145014
3	195835792	195835980	195835876	10	12	2	5.083211637	0.00143337	TMEM44	ENSG00000145014
3	195873395	195873821	195873574	8	16	5	3.323638378	0.00288759	LSG1	ENSG00000041802
3	195874202	195874770	195874486	20	37	15	2.785990993	0.000136587	LSG1	ENSG00000041802
3	195884613	195885050	195884792	25	32	4	7.742122339	4.68E-08	FAM43A	ENSG00000185112
3	195887649	195887953	195887819	18	20	4	4.926805125	0.00010522	FAM43A	ENSG00000185112

3	195888161	195888351	195888256	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM43A	ENSG00000185112
3	195888456	195888648	195888541	9	10	3	3.225884308	0.0139466	FAM43A	ENSG00000185112
3	195932235	195932487	195932328	11	14	5	2.932622098	0.00829617	FAM43A	ENSG00000185112
3	195952120	195952473	195952299	9	11	3	3.519146518	0.00788869	FAM43A	ENSG00000185112
3	195976991	195977296	195977143	15	19	3	5.865244197	5.72E-05	FAM43A	ENSG00000185112
3	196055087	196055421	196055223	10	14	5	2.932622098	0.00829617	FAM43A	ENSG00000185112
3	196065500	196065689	196065671	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FAM43A	ENSG00000185112
3	196073605	196073881	196073727	13	14	11	1.466311049	0.15926	FAM43A	ENSG00000185112
3	196074722	196074976	196074836	11	12	10	1.386330446	0.21117	FAM43A	ENSG00000185112
3	196077953	196078212	196078094	8	11	3	3.519146518	0.00788869	FAM43A	ENSG00000185112
3	196137061	196137375	196137218	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	C3orf21	ENSG00000173950
3	196159771	196159993	196159907	9	10	1	6.451768616	0.00135978	C3orf21	ENSG00000173950
3	196232910	196233356	196233133	14	23	8	3.128130238	0.000832453	C3orf21	ENSG00000173950
3	196304722	196305066	196304887	8	12	9	1.524963491	0.154777	C3orf21	ENSG00000173950
3	196307335	196307686	196307511	32	36	16	2.553106297	0.000397168	C3orf21	ENSG00000173950
3	196389500	196390380	196389807	116	181	5	35.58248146	3.81E-54	C3orf21	ENSG00000173950
3	196473282	196473919	196473585	9	26	8	3.519146518	0.000175368	C3orf21	ENSG00000173950
3	196643857	196644112	196643984	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ACAP2	ENSG00000114331
3	196645354	196645683	196645518	16	22	5	4.496687217	9.59E-05	ACAP2	ENSG00000114331
3	196747627	196747953	196747790	13	16	3	4.985457567	0.000385643	PPP1R2P3	ENSG00000184203
3	196750475	196750727	196750598	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PPP1R2P3	ENSG00000184203
3	196751520	196751755	196751637	14	15	7	2.346097679	0.0195693	PPP1R2P3	ENSG00000184203
3	196764496	196764880	196764701	15	21	3	6.451768616	1.56E-05	PPP1R2P3	ENSG00000184203
3	196766740	196767020	196766851	12	14	4	3.519146518	0.00361132	PPP1R2P3	ENSG00000184203
3	196792172	196792710	196792463	20	34	3	10.26417734	2.27E-09	APOD	ENSG00000189058
3	196917281	196917473	196917389	11	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000205814
3	196932417	196932771	196932610	9	13	1	8.211341875	0.000163445	MUC20	ENSG00000176945
3	197013984	197014177	197014123	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MUC4	ENSG00000145113
3	197062132	197062530	197062318	15	23	13	2.010940867	0.0163115	MUC4	ENSG00000145113
3	197070658	197070844	197070778	8	9	6	1.675784056	0.141978	TNK2	ENSG00000061938
3	197074410	197074596	197074503	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TNK2	ENSG00000061938
3	197105955	197106224	197106089	9	12	7	1.906204364	0.0695918	TNK2	ENSG00000061938
3	197109145	197109346	197109245	9	10	2	4.301179077	0.00512919	TNK2	ENSG00000061938
3	197119334	197119521	197119427	8	8	9	1.055743955	0.456865	TNK2	ENSG00000061938

3	197119638	197119935	197119786	11	12	5	2.541605819	0.0225912	TNK2	ENSG00000061938
3	197121006	197121599	197121422	11	25	8	3.388807758	0.000297109	TNK2	ENSG00000061938
3	197126093	197126718	197126406	14	29	5	5.865244197	1.33E-06	TNK2	ENSG00000061938
3	197292427	197292769	197292598	8	12	7	1.906204364	0.0695918	TFRC	ENSG00000072274
3	197293174	197293838	197293412	18	36	4	8.680561411	3.18E-09	TFRC	ENSG00000072274
3	197324667	197324988	197324819	22	23	1	14.07658607	1.14E-07	TFRC	ENSG00000072274
3	197347194	197348087	197347854	60	117	15	8.65123519	4.40E-25	TFRC	ENSG00000072274
3	197354420	197354729	197354573	10	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000208298
3	197407905	197408204	197408054	14	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000208298
3	197489172	197489517	197489344	17	20	1	12.31701281	1.03E-06	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197498852	197499207	197499029	19	25	6	4.357038546	4.72E-05	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197499220	197499420	197499320	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197529627	197529814	197529720	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TCTEX1D2	ENSG00000213123
3	197531349	197531937	197531562	51	67	6	11.39533158	5.94E-17	TCTEX1D2	ENSG00000213123
3	197554325	197554781	197554551	15	24	8	3.258468998	0.000499412		ENSG00000212146
3	197608495	197608693	197608607	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000208295
3	197642620	197642989	197642810	8	15	5	3.128130238	0.00492422	UBXN7	ENSG00000163960
3	197643444	197643661	197643544	8	11	5	2.346097679	0.0364013	UBXN7	ENSG00000163960
3	197643773	197644289	197644044	16	31	14	2.502504191	0.00106817	UBXN7	ENSG00000163960
3	197656011	197656198	197656121	8	8	5	1.759573259	0.13508	UBXN7	ENSG00000163960
3	197713212	197713464	197713342	9	11	5	2.346097679	0.0364013	RNF168	ENSG00000163961
3	197714808	197715008	197714848	8	10	3	3.225884308	0.0139466	RNF168	ENSG00000163961
3	197779646	197779970	197779819	17	19	10	2.132816071	0.01835	WDR53	ENSG00000185798
3	197843461	197843989	197843640	12	22	8	2.997791478	0.00137524	LRRC33	ENSG00000174004
3	197862172	197862494	197862333	15	19	7	2.932622098	0.00293566	LRRC33	ENSG00000174004
3	197871754	197872147	197871993	11	19	11	1.955081399	0.0295891	LRRC33	ENSG00000174004
3	197889081	197889369	197889225	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000201441
3	197896187	197896541	197896364	12	18	15	1.392995497	0.16305		ENSG00000201441
3	197898516	197898721	197898618	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201441
3	197966005	197966257	197966131	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000202181
3	197990028	197990252	197990140	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000206892
3	197998956	197999394	197999204	15	23	15	1.759573259	0.0372968		ENSG00000206892
3	198004104	198004361	198004205	16	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000206892
3	198004471	198004837	198004621	23	29	15	2.199466574	0.00420562		ENSG00000206892



3	198018917	198019200	198019071	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000206892
3	198034178	198034367	198034272	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000206892
3	198048972	198049339	198049235	8	14	5	2.932622098	0.00829617	SENP5	ENSG00000119231
3	198078703	198079060	198078881	9	15	5	3.128130238	0.00492422	SENP5	ENSG00000119231
3	198153597	198154140	198153776	18	38	13	3.26777891	2.05E-05	NCBP2	ENSG00000114503
3	198190015	198190384	198190194	9	16	8	2.215758919	0.0222902	PIGZ	ENSG00000119227
3	198242749	198243163	198242956	14	22	14	1.798674887	0.0355729	MF12	ENSG00000163975
3	198437383	198437588	198437476	8	8	4	2.111487911	0.0804809	DLG1	ENSG00000075711
3	198454411	198454766	198454588	16	21	3	6.451768616	1.56E-05	DLG1	ENSG00000075711
3	198578824	198579015	198578919	8	9	0	11.73048839	0.000425898	DLG1	ENSG00000075711
3	198638373	198638719	198638546	12	16	14	1.329455351	0.210108	DLG1	ENSG00000075711
3	198639351	198639555	198639454	8	9	5	1.955081399	0.0892323	BDH1	ENSG00000161267
3	198642122	198642301	198642287	8	8	7	1.319679944	0.283403	BDH1	ENSG00000161267
3	198665347	198665630	198665510	9	10	8	1.433726359	0.209175	BDH1	ENSG00000161267
3	198694644	198694916	198694799	12	14	6	2.513676084	0.016726	BDH1	ENSG00000161267
3	198699196	198699527	198699363	8	13	5	2.737113958	0.0137917	BDH1	ENSG00000161267
3	198713615	198713912	198713751	8	11	4	2.815317214	0.0183428	BDH1	ENSG00000161267
3	198714836	198715142	198714989	9	12	3	3.812408728	0.004404	BDH1	ENSG00000161267
3	198721343	198721823	198721660	11	21	2	8.602358155	3.33E-06	BDH1	ENSG00000161267
3	198751047	198751360	198751203	17	20	7	3.079253203	0.00177418	BDH1	ENSG00000161267
3	198752341	198752679	198752547	11	15	14	1.251252095	0.26676	BDH1	ENSG00000161267
3	198765785	198766288	198766066	12	26	9	3.167231866	0.000393236	BDH1	ENSG00000161267
3	198786629	198786910	198786769	14	16	6	2.848832895	0.00632407	BDH1	ENSG00000161267
3	198810392	198810624	198810482	12	13	6	2.346097679	0.0266147	BDH1	ENSG00000161267
3	198810700	198810997	198810850	8	11	5	2.346097679	0.0364013	BDH1	ENSG00000161267
3	198866104	198866285	198866194	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000216042
3	198870515	198870836	198870675	13	17	12	1.62422147	0.088135		ENSG00000216042
3	198870896	198871219	198871057	9	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000216042
3	198948203	198948579	198948449	8	16	7	2.492728784	0.0124193	KIAA0226	ENSG00000145016
3	198962183	198962365	198962274	8	9	9	1.173048839	0.362316	FYTTD1	ENSG00000122068
3	198994557	198994810	198994693	8	10	2	4.301179077	0.00512919	LRCH3	ENSG00000186001
3	198998770	198998984	198998851	8	8	2	3.519146518	0.017558	LRCH3	ENSG00000186001
3	199002587	199002878	199002732	9	12	7	1.906204364	0.0695918	LRCH3	ENSG00000186001
3	199035516	199035741	199035628	8	8	4	2.111487911	0.0804809	LRCH3	ENSG00000186001

3	199036078	199036287	199036192	8	10	1	6.451768616	0.00135978	LRCH3	ENSG00000186001
3	199118305	199118506	199118348	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000199306
3	199138153	199138372	199138262	8	11	2	4.692195357	0.00272444	RPL35A	ENSG00000182899
3	199161018	199161632	199161294	16	36	15	2.712675441	0.000215253	RPL35A	ENSG00000182899
4	6222	6824	6504	181	208	3	61.29180185	8.90E-66	ZNF595	ENSG00000197701
4	41474	41677	41575	9	9	6	1.675784056	0.141978	ZNF595	ENSG00000197701
4	42829	43430	43167	26	52	23	2.590482853	2.50E-05	ZNF595	ENSG00000197701
4	321629	321808	321683	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZNF141	ENSG00000131127
4	594564	594833	594677	9	11	3	3.519146518	0.00788869	PDE6B	ENSG00000133256
4	651739	651927	651822	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ATP5I	ENSG00000169020
4	766255	766456	766355	8	9	10	1.066408036	0.444985	CPLX1	ENSG00000168993
4	1526762	1527054	1526939	18	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000207009
4	1697872	1698107	1698037	9	11	4	2.815317214	0.0183428	TACC3	ENSG00000013810
4	1742353	1742648	1742500	15	19	1	11.73048839	2.14E-06	FGFR3	ENSG00000068078
4	1747540	1747774	1747704	9	11	9	1.407658607	0.210479	FGFR3	ENSG00000068078
4	1749378	1749627	1749455	11	12	2	5.083211637	0.00143337	FGFR3	ENSG00000068078
4	1827940	1828127	1828051	8	8	1	5.278719777	0.00542188	LETM1	ENSG00000168924
4	1879474	1879706	1879590	9	9	1	5.865244197	0.00272497	WHSC1	ENSG00000109685
4	1911962	1912208	1912085	10	10	0	12.90353723	0.000195991	WHSC1	ENSG00000109685
4	1981487	1981779	1981626	8	10	2	4.301179077	0.00512919	WHSC2	ENSG00000185049
4	2233803	2234067	2233950	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000215361
4	2555131	2555384	2555257	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000206738
4	2769309	2769592	2769433	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SH3BP2	ENSG00000087266
4	2879474	2879788	2879631	14	18	4	4.457585589	0.000353565	MFSD10	ENSG00000109736
4	3008872	3009144	3009024	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000199335
4	3078081	3078297	3078189	8	9	0	11.73048839	0.000425898	HTT	ENSG00000197386
4	3163661	3164002	3163775	11	16	3	4.985457567	0.000385643	C4orf44	ENSG00000188981
4	3164008	3164187	3164067	8	8	2	3.519146518	0.017558	C4orf44	ENSG00000188981
4	3357543	3357734	3357621	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RGS12	ENSG00000159788
4	3358091	3358308	3358228	10	11	1	7.038293036	0.000674435	RGS12	ENSG00000159788
4	3359521	3359753	3359645	8	11	2	4.692195357	0.00272444	RGS12	ENSG00000159788
4	3408342	3408941	3408625	134	178	5	34.99595704	3.61E-53	HGFAC	ENSG00000109758
4	3456170	3456471	3456314	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	DOK7	ENSG00000175920
4	3503190	3503428	3503309	8	10	3	3.225884308	0.0139466	LRPAP1	ENSG00000163956

4	3751876	3752228	3752052	21	26	3	7.918079665	5.55E-07	ADRA2C	ENSG00000184160
4	3755898	3756382	3756207	32	41	2	16.42268375	2.00E-12	ADRA2C	ENSG00000184160
4	3852257	3852658	3852520	8	13	3	4.105670938	0.00243034	ADRA2C	ENSG00000184160
4	3992653	3993120	3992832	45	61	0	72.72902804	1.26E-21		ENSG00000151539
4	4300785	4301140	4300962	16	22	3	6.745030826	8.05E-06	TMEM128	ENSG00000132406
4	4342743	4343066	4342904	9	14	3	4.398933147	0.00132748	ZNF509	ENSG00000168826
4	4523559	4523738	4523624	8	8	0	10.55743955	0.000925496	STX18	ENSG00000168818
4	4594553	4594833	4594689	12	14	5	2.932622098	0.00829617	STX18	ENSG00000168818
4	5038533	5038869	5038701	31	35	1	21.11487911	1.50E-11	CYTL1	ENSG00000170891
4	5138723	5138916	5138819	8	10	3	3.225884308	0.0139466	STK32B	ENSG00000152953
4	5418366	5418636	5418501	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000201496
4	5825679	5826231	5825996	35	56	0	66.86378384	6.12E-20	EVC	ENSG00000072840
4	5842994	5843173	5843103	8	8	6	1.508205651	0.203852	EVC	ENSG00000072840
4	5965274	5965848	5965493	46	63	6	10.72501796	9.41E-16	CRMP1	ENSG00000072832
4	6009297	6009541	6009419	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000181215
4	6316899	6317131	6317015	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	WFS1	ENSG00000109501
4	6317289	6317682	6317485	28	41	0	49.26805125	6.97E-15	WFS1	ENSG00000109501
4	6379891	6380168	6380000	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PPP2R2C	ENSG00000074211
4	6455911	6456151	6456031	9	10	7	1.612942154	0.147335	PPP2R2C	ENSG00000074211
4	6456890	6457163	6457035	12	14	2	5.865244197	0.000387308	PPP2R2C	ENSG00000074211
4	6685970	6686422	6686165	8	16	8	2.215758919	0.0222902	MRFAP1	ENSG00000179010
4	6741691	6742168	6741954	11	21	4	5.161414893	5.68E-05	S100P	ENSG00000163993
4	6748352	6748562	6748443	10	11	7	1.759573259	0.102361	S100P	ENSG00000163993
4	6762283	6762731	6762566	10	18	7	2.785990993	0.00480525	MRFAP1L1	ENSG00000178988
4	6834379	6834613	6834477	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KIAA0232	ENSG00000170871
4	6938152	6938366	6938261	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000196377
4	6969160	6969493	6969318	10	14	2	5.865244197	0.000387308	TBC1D14	ENSG00000132405
4	7008329	7008665	7008490	8	12	2	5.083211637	0.00143337	TBC1D14	ENSG00000132405
4	7026980	7027326	7027147	12	17	7	2.639359888	0.00777415	TBC1D14	ENSG00000132405
4	7308224	7308561	7308392	53	58	0	69.20988152	1.30E-20	SORCS2	ENSG00000184985
4	7754783	7755208	7754961	52	62	0	73.90207688	5.82E-22	AFAP1	ENSG00000196526
4	7760181	7760376	7760278	9	9	4	2.346097679	0.050148	AFAP1	ENSG00000196526
4	7896995	7897227	7897104	8	9	2	3.910162798	0.00955088	AFAP1	ENSG00000196526
4	8116297	8116678	8116476	29	36	1	21.70140353	7.08E-12		ENSG00000207807

4	8160061	8160371	8160217	20	22	1	13.49006165	2.37E-07	ABLIM2	ENSG00000163995
4	8211615	8211929	8211775	9	13	3	4.105670938	0.00243034	ABLIM2	ENSG00000163995
4	8313451	8313719	8313585	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	HTRA3	ENSG00000170801
4	8463276	8463593	8463429	15	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000202054
4	8480990	8481267	8481125	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	ACOX3	ENSG00000087008
4	8586791	8587101	8586961	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000205959
4	9618895	9619197	9619022	11	13	1	8.211341875	0.000163445	SLC2A9	ENSG00000109667
4	9726611	9726970	9726789	10	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000223086
4	9785072	9785522	9785241	15	23	6	4.021881735	0.000148535	WDR1	ENSG00000071127
4	10141097	10141298	10141197	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ZNF518B	ENSG00000178163
4	10267838	10268017	10267927	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000109684
4	10318362	10318571	10318510	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000109684
4	10909856	10910128	10909988	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000207716
4	11039467	11039679	11039596	9	9	1	5.865244197	0.00272497	HS3ST1	ENSG00000002587
4	13238351	13238578	13238464	9	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM44A	ENSG00000038219
4	13265015	13265233	13265098	9	10	0	12.90353723	0.000195991	FAM44A	ENSG00000038219
4	13312660	13312947	13312803	8	10	3	3.225884308	0.0139466	FAM44A	ENSG00000038219
4	14611846	14612260	14612081	44	55	0	65.690735	1.33E-19	CPEB2	ENSG00000137449
4	14612608	14612955	14612781	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	CPEB2	ENSG00000137449
4	14615791	14615993	14615845	8	8	2	3.519146518	0.017558	CPEB2	ENSG00000137449
4	15007051	15007266	15007142	10	11	5	2.346097679	0.0364013	C1QTNF7	ENSG00000163145
4	15260719	15261009	15260864	8	11	4	2.815317214	0.0183428	FBXL5	ENSG00000118564
4	15291889	15292609	15292228	70	100	4	23.69558655	3.79E-29	BST1	ENSG00000109743
4	15376050	15376310	15376212	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CD38	ENSG00000004468
4	15493373	15493587	15493473	9	9	5	1.955081399	0.0892323	FGFBP1	ENSG00000137440
4	15612219	15612457	15612338	9	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000209943
4	15655028	15655240	15655144	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000209943
4	15682422	15682714	15682555	14	16	3	4.985457567	0.000385643	PROM1	ENSG00000007062
4	16492608	16492876	16492742	9	10	0	12.90353723	0.000195991	LDB2	ENSG00000169744
4	17101331	17101563	17101447	8	12	4	3.049926982	0.0108184	QDPR	ENSG00000151552
4	17187739	17187949	17187871	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LAP3	ENSG00000002549
4	17198849	17199046	17198947	8	11	1	7.038293036	0.000674435	LAP3	ENSG00000002549
4	17992521	17992771	17992642	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000209956
4	18155081	18155307	18155155	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000209956

4	18192596	18192790	18192690	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209956
4	18239491	18239738	18239636	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000209956
4	18297197	18297433	18297315	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000209956
4	18461771	18461964	18461863	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000209956
4	20311015	20311252	20311133	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PACRGL	ENSG00000163138
4	21379665	21379901	21379783	10	10	0	12.90353723	0.000195991	KCNIP4	ENSG00000185774
4	23487245	23487424	23487281	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PPARGC1A	ENSG00000109819
4	23515603	23515893	23515776	10	10	0	12.90353723	0.000195991	PPARGC1A	ENSG00000109819
4	24364241	24364518	24364379	11	12	9	1.524963491	0.154777	SOD3	ENSG00000109610
4	24374221	24375004	24374538	22	51	0	60.99853964	2.97E-18	SOD3	ENSG00000109610
4	24474254	24474580	24474416	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CCDC149	ENSG00000181982
4	24479687	24479909	24479798	11	11	1	7.038293036	0.000674435	CCDC149	ENSG00000181982
4	24599399	24599664	24599531	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CCDC149	ENSG00000181982
4	24771020	24771321	24771143	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SEPSECS	ENSG00000109618
4	24910629	24910885	24910744	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ZCCHC4	ENSG00000168228
4	24910900	24911221	24911062	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ZCCHC4	ENSG00000168228
4	24923150	24923333	24923278	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ZCCHC4	ENSG00000168228
4	24923360	24923705	24923532	12	16	5	3.323638378	0.00288759	ZCCHC4	ENSG00000168228
4	25052366	25052613	25052489	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ANAPC4	ENSG00000053900
4	25170020	25170337	25170192	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000173025
4	25524889	25525196	25525042	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000180408
4	25526614	25526793	25526708	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000180408
4	25930230	25930505	25930363	10	12	2	5.083211637	0.00143337	RBPJ	ENSG00000168214
4	25931332	25931577	25931439	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RBPJ	ENSG00000168214
4	25935929	25936152	25936098	14	14	2	5.865244197	0.000387308	RBPJ	ENSG00000168214
4	26017411	26017782	26017555	30	35	3	10.55743955	1.13E-09	RBPJ	ENSG00000168214
4	26194511	26195043	26194682	14	24	3	7.331555246	2.13E-06	TBC1D19	ENSG00000109680
4	26390516	26390767	26390607	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000200999
4	26398557	26398915	26398736	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	STIM2	ENSG00000109689
4	26677475	26677654	26677612	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205830
4	27112873	27113124	27112996	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000221807
4	27303297	27303514	27303422	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221807
4	27472062	27472401	27472234	15	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000221807
4	27962486	27962953	27962717	28	38	3	11.43722618	1.38E-10		ENSG00000210070

4	28297470	28297669	28297564	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210070
4	29110768	29111090	29110929	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000209052
4	30845245	30845540	30845383	20	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000215248
4	33425118	33425376	33425236	17	17	1	10.55743955	9.18E-06		
4	34904837	34905127	34904970	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000210088
4	34925075	34925370	34925198	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000206665
4	35178871	35179240	35179063	27	34	1	20.52835469	3.17E-11		ENSG00000206665
4	35197997	35198498	35198285	121	148	4	34.95685541	1.14E-44		ENSG00000206665
4	37326145	37326472	37326305	11	15	2	6.256260476	0.000199274	RELL1	ENSG00000181826
4	37364852	37365122	37364987	9	11	1	7.038293036	0.000674435	RELL1	ENSG00000181826
4	37480202	37480405	37480303	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PGM2	ENSG00000169299
4	37997945	37998162	37998053	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000210143
4	38006172	38006351	38006261	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210143
4	38140626	38140835	38140728	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000211560
4	38243211	38243803	38243390	9	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000211560
4	38248078	38248426	38248252	25	31	0	37.53756286	1.64E-11		ENSG00000211560
4	38281138	38281498	38281324	15	21	1	12.90353723	4.95E-07	KLF3	ENSG00000109787
4	38351689	38351961	38351825	14	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000196680
4	38625268	38625447	38625378	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000207944
4	38844954	38845574	38845272	31	58	0	69.20988152	1.30E-20	WDR19	ENSG00000157796
4	39044305	39044555	39044467	11	12	2	5.083211637	0.00143337	RFC1	ENSG00000035928
4	39205508	39205690	39205535	8	9	2	3.910162798	0.00955088	UGDH	ENSG00000109814
4	39218277	39218469	39218373	8	9	1	5.865244197	0.00272497	UGDH	ENSG00000109814
4	39317012	39317355	39317180	8	13	2	5.474227917	0.000747844	C4orf34	ENSG00000163683
4	39734356	39734579	39734467	9	11	2	4.692195357	0.00272444	N4BP2	ENSG00000078177
4	39735605	39736297	39735784	8	26	11	2.639359888	0.0015854		ENSG00000205794
4	39856748	39856977	39856887	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RHOH	ENSG00000168421
4	39869587	39869778	39869640	9	9	5	1.955081399	0.0892323	RHOH	ENSG00000168421
4	39934301	39934671	39934492	15	22	4	5.396024661	3.05E-05	RHOH	ENSG00000168421
4	39996829	39997061	39996967	10	12	2	5.083211637	0.00143337	CHRNA9	ENSG00000174343
4	40005987	40006245	40006090	9	12	3	3.812408728	0.004404	CHRNA9	ENSG00000174343
4	40060272	40060455	40060363	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CHRNA9	ENSG00000174343
4	40143692	40143983	40143860	19	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000221122
4	40155551	40155779	40155665	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221122

4	40319837	40320081	40319959	10	12	2	5.083211637	0.00143337	RBM47	ENSG00000163694
4	40375278	40375513	40375395	9	12	3	3.812408728	0.004404	RBM47	ENSG00000163694
4	40399752	40399973	40399862	10	13	1	8.211341875	0.000163445	NSUN7	ENSG00000179299
4	40446404	40446689	40446558	9	10	2	4.301179077	0.00512919	NSUN7	ENSG00000179299
4	40594346	40594624	40594485	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000210261
4	40828984	40829376	40829228	14	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000207198
4	40841510	40842016	40841763	36	60	0	71.5559792	2.75E-21		ENSG00000207198
4	40853852	40854066	40853959	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000207198
4	40977853	40978078	40977965	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000207481
4	41015761	41016138	41015910	12	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000207481
4	41389290	41389494	41389392	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	PHOX2B	ENSG00000109132
4	41531248	41531530	41531396	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000200338
4	41631867	41632091	41631979	9	10	4	2.580707446	0.0306059	TMEM33	ENSG00000109133
4	42020652	42020985	42020818	30	35	2	14.07658607	1.57E-10	SHISA3	ENSG00000178343
4	42352568	42352805	42352656	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ATP8A1	ENSG00000124406
4	42406534	42406805	42406627	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	ATP8A1	ENSG00000124406
4	44375047	44375400	44375223	11	15	5	3.128130238	0.00492422	GUF1	ENSG00000151806
4	47365769	47365948	47365891	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210377
4	47611342	47611597	47611484	8	12	2	5.083211637	0.00143337	NFXL1	ENSG00000170448
4	47818048	47818237	47818142	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210391
4	48037806	48038107	48038013	10	15	4	3.753756286	0.0020497	SLAIN2	ENSG00000109171
4	48317715	48317953	48317834	16	17	0	21.11487911	8.57E-07	FRYL	ENSG00000075539
4	48476836	48477015	48476964	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FRYL	ENSG00000075539
4	48541578	48541895	48541737	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	OCIAD1	ENSG00000109180
4	48599176	48599355	48599309	8	8	0	10.55743955	0.000925496	OCIAD2	ENSG00000145247
4	48603412	48603649	48603572	8	9	1	5.865244197	0.00272497	OCIAD2	ENSG00000145247
4	48846367	48846702	48846534	36	36	73	0.58652442	0.996846		ENSG00000222437
4	48850241	48850579	48850410	21	22	37	0.710003245	0.907893		ENSG00000222437
4	48851522	48851773	48851670	9	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000222437
4	49191700	49192037	49191868	48	48	0	57.47939313	3.05E-17		ENSG00000221256
4	49347370	49347700	49347535	19	20	24	0.985361025	0.523192		ENSG00000223099
4	52612636	52613187	52612896	54	76	2	30.10825354	1.02E-23	SPATA18	ENSG00000163071
4	53158822	53159071	53158950	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000196330
4	53283575	53283812	53283717	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000212588

4	53398710	53398928	53398854	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RASL11B	ENSG00000128045
4	53413674	53413917	53413825	10	13	1	8.211341875	0.000163445	RASL11B	ENSG00000128045
4	53472723	53472959	53472841	8	10	1	6.451768616	0.00135978	RASL11B	ENSG00000128045
4	53529154	53529455	53529298	21	24	1	14.66311049	5.43E-08	RASL11B	ENSG00000128045
4	53926928	53927147	53927020	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SCFD2	ENSG00000184178
4	54162147	54162385	54162291	9	10	1	6.451768616	0.00135978	LNK1	ENSG00000072201
4	54365744	54365943	54365847	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000215164
4	54469523	54469706	54469614	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000215164
4	54774313	54774535	54774424	10	10	3	3.225884308	0.0139466	PDGFRA	ENSG00000134853
4	54778796	54779054	54778881	11	14	4	3.519146518	0.00361132	PDGFRA	ENSG00000134853
4	54789056	54789269	54789205	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PDGFRA	ENSG00000134853
4	54794319	54794656	54794493	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	PDGFRA	ENSG00000134853
4	54924114	54924366	54924223	8	10	0	12.90353723	0.000195991	PDGFRA	ENSG00000134853
4	54980694	54981004	54980865	24	25	1	15.24963491	2.59E-08	PDGFRA	ENSG00000134853
4	55403187	55403434	55403323	11	13	4	3.28453675	0.00629037	KIT	ENSG00000157404
4	55907339	55907526	55907432	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SRD5A3	ENSG00000128039
4	55956838	55957064	55956951	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TMEM165	ENSG00000134851
4	56473076	56473355	56473215	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222954
4	56509645	56509961	56509810	10	14	6	2.513676084	0.016726	CEP135	ENSG00000174799
4	56610638	56610995	56610816	15	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000200741
4	56971291	56971488	56971389	8	8	5	1.759573259	0.13508	AASDH	ENSG00000157426
4	57028268	57028563	57028415	12	14	5	2.932622098	0.00829617	SRP72	ENSG00000174780
4	57105567	57105788	57105664	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ARL9	ENSG00000196503
4	57304529	57304838	57304695	9	14	9	1.759573259	0.0786014		ENSG00000145268
4	57313930	57314221	57314073	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000145268
4	57538252	57538439	57538313	8	8	3	2.639359888	0.0415794	POLR2B	ENSG00000047315
4	57538517	57538789	57538657	8	9	5	1.955081399	0.0892323	POLR2B	ENSG00000047315
4	57751904	57752109	57752020	9	9	1	5.865244197	0.00272497	IGFBP7	ENSG00000163453
4	65906982	65907174	65907073	8	8	1	5.278719777	0.00542188	EPHA5	ENSG00000145242
4	67946747	67947629	67946915	36	79	128	0.727472148	0.988326		ENSG00000206629
4	67947929	67948678	67948161	86	163	208	0.920478515	0.78791		ENSG00000206629
4	67948792	67949365	67949052	9	20	39	0.615850641	0.968328		ENSG00000206629
4	68476865	68477237	68477105	9	15	1	9.384390715	3.90E-05	TMPRSS11F	ENSG00000187054
4	68678089	68678405	68678250	13	17	0	21.11487911	8.57E-07	TMPRSS11F	ENSG00000198092



4	68723117	68723454	68723296	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	TMPRSS11F	ENSG00000198092
4	69967256	69967458	69967375	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	UGT2B7	ENSG00000171234
4	69969428	69969616	69969598	9	10	2	4.301179077	0.00512919	UGT2B7	ENSG00000171234
4	70331245	70331426	70331284	10	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000210783
4	70549948	70550310	70550127	19	25	0	30.49926982	1.72E-09	UGT2A1	ENSG00000173610
4	70608270	70608548	70608409	17	17	1	10.55743955	9.18E-06	SULT1B1	ENSG00000173597
4	71772724	71773156	71772899	24	35	7	5.278719777	3.74E-07	UTP3	ENSG00000132467
4	71785902	71786222	71786055	21	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000207448
4	72242720	72242993	72242875	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SLC4A4	ENSG00000080493
4	72692891	72693101	72692981	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000210828
4	73023413	73023617	73023546	10	10	0	12.90353723	0.000195991	NPFFR2	ENSG00000056291
4	74044079	74044284	74044181	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000210833
4	74154310	74154542	74154426	9	10	4	2.580707446	0.0306059	COX18	ENSG00000163626
4	74255433	74255706	74255554	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210847
4	74370376	74370754	74370575	15	22	4	5.396024661	3.05E-05		ENSG00000221639
4	74738288	74738505	74738396	9	9	5	1.955081399	0.0892323	RASSF6	ENSG00000169435
4	75368315	75368591	75368431	13	15	3	4.692195357	0.000718455	EPGN	ENSG00000182585
4	75564984	75565175	75565079	9	9	8	1.303387599	0.281715	AREG	ENSG00000109321
4	76030719	76031192	76030930	66	85	1	50.44110009	4.88E-28		ENSG00000169116
4	76262433	76262661	76262545	12	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000179272
4	76658514	76658915	76658758	8	14	3	4.398933147	0.00132748	THAP6	ENSG00000174796
4	76774695	76774929	76774797	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	CDKL2	ENSG00000138769
4	77131122	77131431	77131276	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SDAD1	ENSG00000198301
4	77135980	77136348	77136169	40	47	0	56.30634429	6.62E-17	SDAD1	ENSG00000198301
4	77227447	77227666	77227556	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ART3	ENSG00000156219
4	77230544	77230852	77230703	13	15	4	3.753756286	0.0020497	ART3	ENSG00000156219
4	77288605	77288810	77288719	10	11	6	2.010940867	0.0640214	NUP54	ENSG00000138750
4	77348625	77348846	77348709	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SCARB2	ENSG00000138760
4	77441671	77441890	77441780	9	9	1	5.865244197	0.00272497	STBD1	ENSG00000118804
4	77528592	77529016	77528854	27	38	0	45.74890473	7.15E-14		ENSG00000210916
4	77719716	77719978	77719872	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207307
4	77908303	77908641	77908482	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	SHROOM3	ENSG00000138771
4	77921895	77922464	77922292	35	57	4	13.60736654	1.42E-15	SHROOM3	ENSG00000138771
4	78216114	78216522	78216343	11	20	7	3.079253203	0.00177418	CCNI	ENSG00000118816

4	78292726	78292912	78292819	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000201641
4	78343821	78344010	78343915	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCNG2	ENSG00000138764
4	78369700	78369906	78369779	10	11	3	3.519146518	0.00788869	CCNG2	ENSG00000138764
4	78472941	78473488	78473287	46	70	0	83.28646759	1.17E-24	CCNG2	ENSG00000138764
4	78482585	78483003	78482817	42	55	0	65.690735	1.33E-19	CXCL13	ENSG00000156234
4	78484158	78484627	78484352	57	75	5	14.85861863	3.00E-20	CXCL13	ENSG00000156234
4	78958276	78958535	78958405	11	13	7	2.052835469	0.046392	CNOT6L	ENSG00000138767
4	78961195	78961416	78961263	12	13	2	5.474227917	0.000747844	CNOT6L	ENSG00000138767
4	79002777	79003123	79002950	18	22	10	2.452738482	0.00515848	MRPL1	ENSG00000169288
4	79020932	79021365	79021179	54	72	2	28.54418842	2.05E-22	MRPL1	ENSG00000169288
4	79022139	79022433	79022286	10	12	2	5.083211637	0.00143337	MRPL1	ENSG00000169288
4	82256909	82257107	82257008	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BMP3	ENSG00000152785
4	83514183	83514634	83514342	15	23	5	4.692195357	5.29E-05	HNRNPD	ENSG00000138668
4	84027513	84027832	84027672	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	SEC31A	ENSG00000138674
4	84031149	84031570	84031328	8	16	3	4.985457567	0.000385643	SEC31A	ENSG00000138674
4	84040330	84040533	84040489	8	9	4	2.346097679	0.050148	SEC31A	ENSG00000138674
4	84153303	84153552	84153426	8	10	9	1.290353723	0.279648	LIN54	ENSG00000189308
4	84174896	84175477	84175105	15	28	5	5.669736057	2.48E-06	COPS4	ENSG00000138663
4	84252980	84253223	84253128	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PLAC8	ENSG00000145287
4	84311116	84311579	84311368	109	139	0	164.2268375	6.46E-48	PLAC8	ENSG00000145287
4	84424511	84424765	84424650	9	10	2	4.301179077	0.00512919	COQ2	ENSG00000173085
4	84424956	84425257	84425110	12	13	1	8.211341875	0.000163445	COQ2	ENSG00000173085
4	84596030	84596324	84596177	21	24	6	4.18946014	8.40E-05	MRPS18C	ENSG00000163319
4	84676337	84676516	84676404	8	8	0	10.55743955	0.000925496	AGPAT9	ENSG00000138678
4	84688663	84688949	84688806	10	11	5	2.346097679	0.0364013	AGPAT9	ENSG00000138678
4	84818166	84818345	84818174	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000201633
4	85307856	85308038	85307969	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000200108
4	85722577	85722836	85722671	9	12	4	3.049926982	0.0108184	CDS1	ENSG00000163624
4	86064687	86064915	86064806	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000211039
4	86413065	86413303	86413184	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000201901
4	86461327	86461593	86461460	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ARHGAP24	ENSG00000138639
4	86615150	86615497	86615320	11	13	5	2.737113958	0.0137917	ARHGAP24	ENSG00000138639
4	86967596	86967801	86967698	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ARHGAP24	ENSG00000138639
4	87459594	87460082	87459765	35	46	5	9.188882575	1.88E-11	MAPK10	ENSG00000109339

4	88244067	88244259	88244125	9	9	2	3.910162798	0.00955088	AFF1	ENSG00000172493
4	88381580	88381870	88381747	12	15	2	6.256260476	0.000199274	KLHL8	ENSG00000145332
4	88562549	88562879	88562714	12	17	3	5.278719777	0.000205462	NUDT9	ENSG00000170502
4	89125876	89126088	89125937	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SPP1	ENSG00000118785
4	89285014	89285329	89285171	10	14	4	3.519146518	0.00361132	ABCG2	ENSG00000118777
4	89459044	89459403	89459224	8	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000207480
4	89519264	89519572	89519417	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	HERC6	ENSG00000138642
4	89595504	89595772	89595653	18	21	0	25.80707446	3.84E-08	HERC5	ENSG00000138646
4	90108019	90108414	90108279	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	FAM13A1	ENSG00000138640
4	90262853	90263142	90262993	20	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000212226
4	90367202	90367640	90367381	15	24	13	2.09473007	0.011141	GPRIN3	ENSG00000185477
4	90414689	90414916	90414804	8	10	0	12.90353723	0.000195991	GPRIN3	ENSG00000185477
4	90821295	90821832	90821524	130	179	4	42.22975822	8.50E-55	SNCA	ENSG00000145335
4	91056174	91056455	91056320	14	15	2	6.256260476	0.000199274	MMRN1	ENSG00000138722
4	91980990	91981334	91981187	16	21	1	12.90353723	4.95E-07	TMSL3	ENSG00000187653
4	95347549	95347826	95347687	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	SMARCAD1	ENSG00000163104
4	95347843	95348116	95347985	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SMARCAD1	ENSG00000163104
4	95569190	95569469	95569317	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000203436
4	96331287	96331587	96331412	8	13	1	8.211341875	0.000163445	BMPR1B	ENSG00000138696
4	96344831	96345010	96344970	8	8	2	3.519146518	0.017558	BMPR1B	ENSG00000138696
4	96391010	96391307	96391152	12	15	4	3.753756286	0.0020497	BMPR1B	ENSG00000138696
4	97412994	97413173	97413083	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000201640
4	97776007	97776194	97776059	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000201837
4	97839875	97840081	97839972	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000109238
4	97842102	97842406	97842252	12	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000109238
4	98072010	98072314	98072170	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000109238
4	99333987	99334270	99334154	14	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000200658
4	99714076	99714407	99714241	8	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000203420
4	99801853	99802159	99802008	9	12	1	7.624817456	0.000332769	TSPAN5	ENSG00000168785
4	100103628	100103945	100103781	24	28	2	11.33947211	2.41E-08	FAM177A2	ENSG00000214886
4	100135886	100136143	100135984	8	9	0	11.73048839	0.000425898	METAP1	ENSG00000164024
4	101697633	101697823	101697728	9	9	1	5.865244197	0.00272497	EMCN	ENSG00000164035
4	101721512	101721793	101721687	14	17	2	7.038293036	5.19E-05	EMCN	ENSG00000164035
4	101954188	101954398	101954293	10	10	1	6.451768616	0.00135978	EMCN	ENSG00000164035

4	102485873	102486067	102485970	9	10	0	12.90353723	0.000195991	PPP3CA	ENSG00000138814
4	103615038	103615229	103615106	10	10	2	4.301179077	0.00512919	NFKB1	ENSG00000109320
4	103677539	103677863	103677710	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	NFKB1	ENSG00000109320
4	103805719	103806027	103805873	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000213538
4	103950106	103950289	103950279	8	9	1	5.865244197	0.00272497	UBE2D3P	ENSG00000109332
4	103967789	103968307	103968128	9	20	0	24.63402563	8.35E-08	UBE2D3P	ENSG00000109332
4	103968466	103968682	103968587	8	9	7	1.466311049	0.20706	UBE2D3P	ENSG00000109332
4	104159966	104160609	104160242	9	25	6	4.357038546	4.72E-05	NHEDC1	ENSG00000164037
4	104216778	104217027	104216890	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NHEDC2	ENSG00000164038
4	104433723	104433957	104433840	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CENPE	ENSG00000138778
4	104565480	104565683	104565581	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000221522
4	104649955	104650364	104650134	19	28	0	34.01841634	1.68E-10		ENSG00000221522
4	106107679	106108066	106107887	17	28	3	8.504604085	1.43E-07		ENSG00000211278
4	106112113	106112498	106112323	29	36	1	21.70140353	7.08E-12		ENSG00000211278
4	106163649	106163882	106163723	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000211278
4	106163896	106164286	106164117	13	20	10	2.239456875	0.0121685		ENSG00000211278
4	106614599	106614851	106614761	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PPA2	ENSG00000138777
4	106693027	106693315	106693171	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000138784
4	106773868	106774141	106774004	15	18	1	11.14396397	4.44E-06	INTS12	ENSG00000138785
4	106849146	106849488	106849317	20	26	0	31.67231866	7.93E-10	INTS12	ENSG00000138785
4	107034908	107035258	107035080	19	24	3	7.331555246	2.13E-06	NPNT	ENSG00000168743
4	107073587	107073826	107073713	8	11	6	2.010940867	0.0640214	NPNT	ENSG00000168743
4	107113246	107113444	107113345	8	9	7	1.466311049	0.20706	NPNT	ENSG00000168743
4	107116698	107116985	107116844	8	11	4	2.815317214	0.0183428	NPNT	ENSG00000168743
4	107131486	107131926	107131750	12	22	12	2.0753941	0.0149739	NPNT	ENSG00000168743
4	107203088	107203423	107203255	9	13	10	1.49297125	0.157311	NPNT	ENSG00000168743
4	107469702	107469904	107469824	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000145348
4	108177832	108178123	108177977	14	16	4	3.988366054	0.00115141	DKK2	ENSG00000155011
4	108519840	108520454	108520195	47	71	1	42.22975822	2.15E-23		ENSG00000211308
4	108965158	108965460	108965305	14	15	2	6.256260476	0.000199274	SGMS2	ENSG00000164023
4	109488942	109489234	109489105	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	LEF1	ENSG00000138795
4	109490966	109491300	109491133	10	13	4	3.28453675	0.00629037	LEF1	ENSG00000138795
4	109607806	109608126	109607966	24	28	4	6.803683268	6.55E-07	RPL34	ENSG00000109475
4	109761034	109761431	109761213	10	18	4	4.457585589	0.000353565	RPL34	ENSG00000109475

4	111146520	111146742	111146648	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207260
4	111260007	111260249	111260128	14	16	2	6.647276756	0.000101928	ELOVL6	ENSG00000170522
4	111336992	111337213	111337102	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ELOVL6	ENSG00000170522
4	111763848	111764033	111763948	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PITX2	ENSG00000164093
4	113100851	113101076	113100963	15	15	1	9.384390715	3.90E-05	C4orf32	ENSG00000174749
4	113253651	113253880	113253734	10	11	3	3.519146518	0.00788869	C4orf32	ENSG00000174749
4	113417862	113418205	113417987	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000222306
4	113745213	113745429	113745332	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000188014
4	113777940	113778249	113778094	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	LARP7	ENSG00000174720
4	114493593	114493971	114493746	11	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000209187
4	114494980	114495190	114495047	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000209187
4	114535833	114536059	114535946	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209187
4	114701752	114702109	114701930	27	33	2	13.29455351	6.68E-10		ENSG00000206820
4	115044496	115044694	115044642	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ARSJ	ENSG00000180801
4	116565248	116565723	116565559	15	23	2	9.384390715	8.25E-07	NDST4	ENSG00000138653
4	117110410	117110742	117110576	14	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000209247
4	118204672	118204851	118204761	8	8	5	1.759573259	0.13508	TRAM1L1	ENSG00000174599
4	119537731	119538241	119538022	27	39	0	46.92195357	3.29E-14	PRSS12	ENSG00000164099
4	119558043	119558303	119558173	10	12	3	3.812408728	0.004404	PRSS12	ENSG00000164099
4	119964126	119964356	119964247	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SEC24D	ENSG00000150961
4	120352920	120353186	120353058	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000178636
4	122366952	122367307	122367132	42	46	1	27.56664772	3.79E-15		ENSG00000212169
4	123743876	123744223	123744049	26	31	1	18.76878143	2.99E-10	IL21	ENSG00000138684
4	123917574	123917924	123917749	30	35	0	42.22975822	7.34E-13	BBS12	ENSG00000181004
4	123938677	123939188	123938991	114	143	3	42.22975822	2.41E-44	FGF2	ENSG00000138685
4	124062624	124062807	124062715	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NUDT6	ENSG00000170917
4	124537155	124537397	124537235	10	12	1	7.624817456	0.000332769	SPRY1	ENSG00000164056
4	124705488	124705682	124705592	10	10	2	4.301179077	0.00512919	SPRY1	ENSG00000164056
4	124728746	124729103	124728924	11	16	5	3.323638378	0.00288759	SPRY1	ENSG00000164056
4	125772412	125772731	125772573	15	18	4	4.457585589	0.000353565	ANKRD50	ENSG00000151458
4	125774298	125774621	125774458	10	13	3	4.105670938	0.00243034	ANKRD50	ENSG00000151458
4	125835057	125835288	125835172	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ANKRD50	ENSG00000151458
4	126053982	126054601	126054291	40	69	0	82.11341875	2.54E-24	ANKRD50	ENSG00000151458
4	126071697	126071957	126071835	11	12	3	3.812408728	0.004404	ANKRD50	ENSG00000151458

4	126080578	126080827	126080707	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ANKRD50	ENSG00000151458
4	126118253	126118520	126118388	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ANKRD50	ENSG00000151458
4	128402076	128402453	128402274	54	61	1	36.36451402	4.36E-20		ENSG00000199862
4	128923801	128924311	128924099	32	50	1	29.9127454	1.84E-16	HSPA4L	ENSG00000164070
4	129368759	129369109	129368934	9	14	5	2.932622098	0.00829617	PGRMC2	ENSG00000164040
4	129428922	129429121	129429021	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PGRMC2	ENSG00000164040
4	129826564	129827050	129826836	53	67	1	39.88366054	4.53E-22		ENSG00000209148
4	131437207	131437404	131437305	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000199896
4	132951187	132951446	132951301	28	31	1	18.76878143	2.99E-10		ENSG00000209132
4	133199829	133200184	133200006	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000209132
4	134287607	134287791	134287671	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PCDH10	ENSG00000138650
4	134530777	134531216	134530956	22	29	0	35.19146518	7.73E-11		ENSG00000221637
4	135050742	135050962	135050852	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209005
4	136460248	136460535	136460390	17	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000207188
4	140038410	140038741	140038587	12	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000208970
4	140051462	140051780	140051625	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000208970
4	140119378	140119562	140119470	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000208970
4	140120411	140120762	140120566	13	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000208970
4	140156087	140156287	140156187	9	9	2	3.910162798	0.00955088	CCRN4L	ENSG00000151014
4	140171397	140171615	140171538	9	9	2	3.910162798	0.00955088	CCRN4L	ENSG00000151014
4	140384086	140384358	140384205	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000206722
4	140436362	140436562	140436462	9	9	1	5.865244197	0.00272497	NDUFC1	ENSG00000109390
4	140450006	140450268	140450137	10	10	1	6.451768616	0.00135978	NDUFC1	ENSG00000109390
4	140655005	140655256	140655092	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SETD7	ENSG00000145391
4	140817588	140818037	140817830	39	50	1	29.9127454	1.84E-16		ENSG00000201533
4	141291702	141291926	141291814	9	11	2	4.692195357	0.00272444	SCOC	ENSG00000153130
4	143599590	143599830	143599678	8	10	1	6.451768616	0.00135978	INPP4B	ENSG00000109452
4	144325072	144325386	144325220	10	12	6	2.178519273	0.0416567	USP38	ENSG00000170185
4	144325559	144325810	144325684	10	13	1	8.211341875	0.000163445	USP38	ENSG00000170185
4	144427858	144428103	144427980	13	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000200049
4	144441514	144441824	144441669	13	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000200049
4	144499663	144499872	144499767	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000178972
4	146648431	146648720	146648586	17	19	0	23.46097679	1.81E-07	SMAD1	ENSG00000170365
4	147195341	147195572	147195456	17	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000216055

4	148961617	148961820	148961718	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208847
4	148972363	148972678	148972502	8	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000208847
4	149188049	149188387	149188246	14	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000208847
4	149197466	149197737	149197571	12	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000208847
4	150881298	150881502	150881418	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208833
4	152175949	152176210	152176107	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	LRBA	ENSG00000198589
4	152598778	152598981	152598852	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000164142
4	152600059	152600322	152600160	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000164142
4	153204522	153204752	153204657	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000208790
4	153399503	153399982	153399763	53	68	0	80.94036991	5.52E-24		ENSG00000208788
4	153492996	153493644	153493224	32	55	3	16.42268375	7.12E-16	FBXW7	ENSG00000109670
4	153920458	153920737	153920613	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ARFIP1	ENSG00000164144
4	154348298	154348501	154348352	8	9	4	2.346097679	0.050148	TRIM2	ENSG00000109654
4	154627007	154627203	154627085	10	10	2	4.301179077	0.00512919	KIAA0922	ENSG00000121210
4	157911863	157912461	157912219	84	112	3	33.13862971	3.32E-34	PDGFC	ENSG00000145431
4	159311199	159311423	159311311	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C4orf18	ENSG00000164125
4	159311671	159312248	159311960	91	128	1	75.66165014	2.33E-42	C4orf18	ENSG00000164125
4	159967461	159967710	159967572	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000206703
4	160596218	160596551	160596384	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000208638
4	160824643	160824992	160824817	13	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000208635
4	163478871	163479172	163479037	16	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000208630
4	163824817	163825031	163824895	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208630
4	164472947	164473219	164473057	8	11	4	2.815317214	0.0183428	NPY1R	ENSG00000164128
4	164526230	164526409	164526323	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NPY5R	ENSG00000164129
4	164589049	164589483	164589304	12	20	5	4.105670938	0.000308509	TKTL2	ENSG00000151005
4	164634696	164635020	164634858	14	18	0	22.28792795	3.94E-07	C4orf43	ENSG00000198498
4	164635088	164635354	164635192	10	13	6	2.346097679	0.0266147	C4orf43	ENSG00000198498
4	165677389	165677777	165677579	45	57	0	68.03683268	2.82E-20		ENSG00000223037
4	166097482	166097705	166097559	8	10	3	3.225884308	0.0139466	C4orf39	ENSG00000221891
4	166969606	166969890	166969748	18	19	0	23.46097679	1.81E-07	TLL1	ENSG00000038295
4	169054873	169055261	169055079	98	111	2	43.79382333	3.37E-35		ENSG00000221576
4	169431678	169431871	169431756	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208555
4	169746985	169747205	169747074	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PALLD	ENSG00000129116
4	169852327	169852521	169852424	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000206613

4	170191568	170191807	170191731	10	12	6	2.178519273	0.0416567	CBR4	ENSG00000145439
4	170227766	170227957	170227861	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CBR4	ENSG00000145439
4	170729226	170729481	170729333	15	17	0	21.11487911	8.57E-07	NEK1	ENSG00000137601
4	170777255	170777486	170777374	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CLCN3	ENSG00000109572
4	171185026	171185287	171185145	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	MFAP3L	ENSG00000198948
4	172361207	172361450	172361328	12	12	3	3.812408728	0.004404		
4	174139899	174140422	174140169	65	91	3	26.9801233	2.19E-27		ENSG00000205182
4	174491907	174492106	174492006	8	10	1	6.451768616	0.00135978	HMGB2	ENSG00000164104
4	174910398	174910592	174910495	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000213370
4	175679746	175679925	175679842	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HPGD	ENSG00000164120
4	176040054	176040283	176040168	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	ADAM29	ENSG00000168594
4	177093323	177093515	177093419	8	8	2	3.519146518	0.017558	GPM6A	ENSG00000150625
4	177173559	177173763	177173686	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GPM6A	ENSG00000150625
4	178669810	178670137	178669973	47	49	3	14.66311049	5.43E-14		ENSG00000221499
4	181856913	181857142	181857027	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000214628
4	187857473	187857916	187857688	30	41	0	49.26805125	6.97E-15	FAT1	ENSG00000083857
4	188078647	188079015	188078821	35	41	0	49.26805125	6.97E-15	FAT1	ENSG00000083857
4	188576038	188576224	188576139	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000203364
4	190771905	190772093	190771994	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000202215
5	67619	68087	67856	75	87	0	103.2282979	2.18E-30	PLEKHG4B	ENSG00000153404
5	324655	324945	324800	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	AHRR	ENSG00000063438
5	370319	370519	370428	8	9	4	2.346097679	0.050148	AHRR	ENSG00000063438
5	439813	440024	439918	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214278
5	484289	484482	484352	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000221990
5	914546	914738	914646	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZDHHC11	ENSG00000188818
5	1126479	1126904	1126652	27	35	0	42.22975822	7.34E-13	NKD2	ENSG00000145506
5	1192953	1193320	1193132	14	21	2	8.602358155	3.33E-06	SLC12A7	ENSG00000113504
5	1221347	1221545	1221446	8	8	2	3.519146518	0.017558	SLC6A19	ENSG00000174358
5	1369266	1369699	1369429	8	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000203587
5	1425008	1425264	1425136	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000215245
5	1532763	1533006	1532884	8	11	9	1.407658607	0.210479	SLC6A3	ENSG00000142319
5	1569370	1569590	1569480	9	9	1	5.865244197	0.00272497	LPCAT1	ENSG00000153395
5	1861612	1861852	1861718	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	NDUFS6	ENSG00000145494
5	1936269	1936491	1936316	8	8	0	10.55743955	0.000925496	IRX4	ENSG00000113430



5	2253606	2253909	2253783	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000201026
5	2833511	2833859	2833685	17	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000215233
5	4072586	4072880	4072733	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221195
5	5475287	5475713	5475559	13	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000164151
5	5758139	5758402	5758270	13	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000164151
5	6729128	6729556	6729307	27	34	0	41.05670938	1.59E-12	POLS	ENSG00000112941
5	6818703	6819123	6818956	34	42	9	5.044110009	5.53E-08	POLS	ENSG00000112941
5	10199034	10199305	10199169	13	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000196193
5	10302944	10303202	10303088	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FAM173B	ENSG00000150756
5	10359659	10360000	10359780	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CMBL	ENSG00000164237
5	10360470	10361037	10360681	28	46	7	6.891661931	3.87E-10	CMBL	ENSG00000164237
5	10581494	10581936	10581721	58	76	1	45.16238031	4.73E-25		ENSG00000214179
5	10649045	10649254	10649149	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ANKRD33B	ENSG00000164236
5	10654382	10654784	10654661	14	21	3	6.451768616	1.56E-05	ANKRD33B	ENSG00000164236
5	10680951	10681170	10681060	9	12	3	3.812408728	0.004404	ANKRD33B	ENSG00000164236
5	10748257	10748468	10748370	9	10	1	6.451768616	0.00135978	DAP	ENSG00000112977
5	11041054	11041337	11041176	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207312
5	14196301	14196515	14196408	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TRIO	ENSG00000038382
5	14713415	14713664	14713539	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FAM105B	ENSG00000154124
5	14717453	14717731	14717592	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	FAM105B	ENSG00000154124
5	14999856	15000275	15000085	41	50	4	11.96509816	2.00E-13		ENSG00000212036
5	15012661	15012860	15012760	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000212036
5	15056576	15056851	15056732	15	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000212036
5	15061666	15061861	15061763	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000212036
5	16231880	16232187	16232033	8	11	6	2.010940867	0.0640214	11-Mar	ENSG00000183654
5	16721499	16721709	16721621	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000201370
5	16743413	16743648	16743526	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000201370
5	16947517	16947861	16947689	8	14	1	8.797866295	8.00E-05	MYO10	ENSG00000145555
5	17269208	17269474	17269355	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000215196
5	17302461	17302687	17302574	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210072
5	17355409	17355601	17355505	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000185296
5	17358912	17359663	17359532	12	35	13	3.016411301	8.94E-05		ENSG00000185296
5	17365516	17365768	17365654	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000185296
5	17382737	17382955	17382846	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201715

5	17383526	17383920	17383684	9	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000201715
5	17393954	17394322	17394072	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000201715
5	17479698	17479934	17479772	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000185041
5	17987705	17987923	17987814	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000212278
5	18433333	18433522	18433427	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210087
5	18808449	18808641	18808525	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000210097
5	19266551	19266774	19266662	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210097
5	19358643	19358977	19358810	25	30	2	12.12150467	5.77E-09		ENSG00000210097
5	19417511	19417720	19417615	12	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000210097
5	19436885	19437269	19437064	22	30	4	7.272902804	1.76E-07	CDH18	ENSG00000145526
5	19820099	19820408	19820257	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CDH18	ENSG00000145526
5	19831123	19831372	19831218	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CDH18	ENSG00000145526
5	20141697	20141899	20141838	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CDH18	ENSG00000145526
5	20145199	20145541	20145358	21	26	3	7.918079665	5.55E-07	CDH18	ENSG00000145526
5	22847321	22847500	22847410	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CDH12	ENSG00000154162
5	27507816	27508202	27507995	20	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000207261
5	28891606	28891925	28891752	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000210223
5	31379903	31380159	31380020	13	16	3	4.985457567	0.000385643	C5orf22	ENSG00000082213
5	31624632	31625160	31624981	18	33	1	19.94183027	6.71E-11		ENSG00000199765
5	31742090	31742343	31742248	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	PDZD2	ENSG00000133401
5	31790788	31790982	31790885	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PDZD2	ENSG00000133401
5	32209958	32210182	32210066	8	9	0	11.73048839	0.000425898	GOLPH3	ENSG00000113384
5	32229595	32229883	32229734	12	14	3	4.398933147	0.00132748	GOLPH3	ENSG00000113384
5	32621241	32621649	32621397	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	SUB1	ENSG00000113387
5	33026771	33027011	33026901	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000214091
5	33476319	33476740	33476561	13	22	4	5.396024661	3.05E-05	TARS	ENSG00000113407
5	33476757	33477021	33476875	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	TARS	ENSG00000113407
5	34043847	34044342	34044210	11	19	0	23.46097679	1.81E-07	C1QTNF3	ENSG00000082196
5	34545380	34545774	34545559	14	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000222261
5	34791754	34791947	34791850	8	9	0	11.73048839	0.000425898	RAI14	ENSG00000039560
5	34875154	34875442	34875305	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TTC23L	ENSG00000205838
5	34934235	34934465	34934339	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RAD1	ENSG00000113456
5	35223758	35224335	35224065	12	27	7	4.105670938	4.08E-05	PRLR	ENSG00000113494
5	35234041	35234325	35234187	12	15	2	6.256260476	0.000199274	PRLR	ENSG00000113494

5	35241569	35241831	35241700	11	13	5	2.737113958	0.0137917	PRLR	ENSG00000113494
5	35249561	35249807	35249699	11	12	10	1.386330446	0.21117	PRLR	ENSG00000113494
5	35249997	35250310	35250164	9	13	4	3.28453675	0.00629037	PRLR	ENSG00000113494
5	35265152	35265528	35265296	9	13	3	4.105670938	0.00243034	PRLR	ENSG00000113494
5	35266140	35266334	35266237	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PRLR	ENSG00000113494
5	35342496	35342992	35342668	11	22	6	3.854303329	0.000260696	PRLR	ENSG00000113494
5	35653631	35653952	35653776	10	13	2	5.474227917	0.000747844	SPEF2	ENSG00000152582
5	36053574	36053850	36053712	9	11	2	4.692195357	0.00272444	UGT3A1	ENSG00000145626
5	36076739	36077067	36076901	11	15	0	18.76878143	4.04E-06	UGT3A2	ENSG00000168671
5	36077173	36077845	36077426	14	35	2	14.07658607	1.57E-10	UGT3A2	ENSG00000168671
5	36414390	36414874	36414634	25	39	4	9.384390715	4.13E-10	RANBP3L	ENSG00000164188
5	36434094	36434309	36434192	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000222178
5	36478078	36478995	36478414	260	371	9	43.63741682	6.86E-111		ENSG00000222178
5	36543272	36543491	36543381	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000222178
5	36702864	36703078	36703004	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC1A3	ENSG00000079215
5	36726238	36726537	36726376	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SLC1A3	ENSG00000079215
5	36775517	36775760	36775638	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	SLC1A3	ENSG00000079215
5	36780393	36780733	36780563	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	NIPBL	ENSG00000164190
5	36781051	36781417	36781230	17	24	7	3.665777623	0.000215502	NIPBL	ENSG00000164190
5	36912495	36912822	36912644	11	14	2	5.865244197	0.000387308	NIPBL	ENSG00000164190
5	36998262	36998645	36998533	9	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000215149
5	37704382	37704641	37704530	14	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000206743
5	37883590	37884245	37883917	123	176	3	51.90741114	3.33E-55	GDNF	ENSG00000168621
5	37902581	37902771	37902676	8	9	0	11.73048839	0.000425898	GDNF	ENSG00000168621
5	38463001	38463455	38463241	41	61	2	24.24300935	7.63E-19	EGFLAM	ENSG00000164318
5	38477646	38477910	38477778	12	13	3	4.105670938	0.00243034	EGFLAM	ENSG00000164318
5	38551505	38551739	38551622	8	9	0	11.73048839	0.000425898	LIFR	ENSG00000113594
5	38866695	38866960	38866823	12	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000205783
5	39136782	39136981	39136943	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000164327
5	39460606	39460785	39460695	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DAB2	ENSG00000153071
5	39752271	39752735	39752611	12	19	4	4.692195357	0.000193572	DAB2	ENSG00000153071
5	40465437	40465662	40465533	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000199361
5	40604421	40604785	40604545	10	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000199552
5	40637055	40637462	40637293	24	32	4	7.742122339	4.68E-08		ENSG00000199552

5	40712988	40713218	40713103	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PTGER4	ENSG00000171522
5	40870917	40871267	40871092	13	18	4	4.457585589	0.000353565	RPL37	ENSG00000145592
5	41158358	41158735	41158527	32	39	3	11.73048839	6.80E-11		ENSG00000171495
5	41410704	41410941	41410822	9	9	0	11.73048839	0.000425898	C6	ENSG00000039537
5	42519669	42519986	42519827	8	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000215083
5	42623142	42623343	42623293	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000215083
5	42634112	42634671	42634369	52	68	3	20.23509248	5.38E-20		ENSG00000215083
5	42634978	42635313	42635149	16	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000215083
5	42636421	42636649	42636496	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000215083
5	43043178	43043849	43043525	87	132	3	39.00387391	9.72E-41		ENSG00000177738
5	43044013	43044241	43044096	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000177738
5	43053686	43054009	43053845	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000177738
5	43100691	43101034	43100863	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	C5orf39	ENSG00000177721
5	43103114	43103347	43103188	9	11	4	2.815317214	0.0183428	C5orf39	ENSG00000177721
5	43141566	43141920	43141743	14	19	6	3.351568112	0.00134187	ZNF131	ENSG00000172262
5	43156970	43157352	43157173	10	17	2	7.038293036	5.19E-05	ZNF131	ENSG00000172262
5	43244361	43244903	43244524	14	31	5	6.256260476	3.74E-07		ENSG00000177453
5	43425577	43425886	43425731	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CCL28	ENSG00000151882
5	43436072	43436320	43436200	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CCL28	ENSG00000151882
5	43465554	43465894	43465724	16	21	2	8.602358155	3.33E-06	CCL28	ENSG00000151882
5	43505606	43506035	43505833	10	19	3	5.865244197	5.72E-05	C5orf28	ENSG00000151881
5	43520165	43520360	43520262	8	10	1	6.451768616	0.00135978	C5orf28	ENSG00000151881
5	43536708	43537009	43536858	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221700
5	43550836	43551039	43550977	8	9	4	2.346097679	0.050148	C5orf34	ENSG00000172244
5	44033745	44033962	44033901	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000212561
5	44038559	44038780	44038642	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000212561
5	44368333	44368524	44368428	8	9	4	2.346097679	0.050148	FGF10	ENSG00000070193
5	44574660	44574885	44574763	9	10	5	2.150589539	0.0575848	FGF10	ENSG00000070193
5	44764166	44764434	44764300	13	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000222995
5	49486215	49486551	49486383	31	31	41	0.893751497	0.687492	EMB	ENSG00000170571
5	49537847	49538028	49537877	11	11	12	1.082814313	0.424156	EMB	ENSG00000170571
5	49755064	49755399	49755231	19	22	0	26.9801233	1.77E-08	EMB	ENSG00000170571
5	51929501	51929755	51929638	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	PELO	ENSG00000152684
5	52119434	52119629	52119531	10	10	2	4.301179077	0.00512919	PELO	ENSG00000152684

5	52132388	52132733	52132560	11	17	3	5.278719777	0.000205462	PELO	ENSG00000152684
5	52202207	52202447	52202327	11	11	2	4.692195357	0.00272444	PELO	ENSG00000152684
5	52280080	52280315	52280208	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ITGA2	ENSG00000164171
5	52359617	52359851	52359737	9	11	2	4.692195357	0.00272444	ITGA2	ENSG00000164171
5	52441442	52441664	52441588	8	10	3	3.225884308	0.0139466	MOCS2	ENSG00000164172
5	52454782	52455017	52454941	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	MOCS2	ENSG00000164172
5	52813599	52813814	52813706	8	8	3	2.639359888	0.0415794	FST	ENSG00000134363
5	52822249	52822704	52822474	76	91	5	17.98674887	3.02E-25	FST	ENSG00000134363
5	52892077	52892424	52892250	10	13	3	4.105670938	0.00243034	NDUFS4	ENSG00000164258
5	53114308	53114696	53114540	9	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000222077
5	53736133	53736449	53736291	23	25	1	15.24963491	2.59E-08	HSPB3	ENSG00000169271
5	53772175	53772433	53772304	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	HSPB3	ENSG00000169271
5	54074294	54074502	54074398	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000221073
5	54156646	54156831	54156753	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221073
5	54550521	54550961	54550782	10	18	4	4.457585589	0.000353565	CCNO	ENSG00000152669
5	54924617	54925038	54924863	24	33	1	19.94183027	6.71E-11	PPAP2A	ENSG00000067113
5	55043935	55044289	55044114	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	SLC38A9	ENSG00000177058
5	55361515	55361804	55361659	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000210662
5	55381813	55382007	55381970	8	8	2	3.519146518	0.017558	IL6ST	ENSG00000134352
5	55444245	55444454	55444349	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000210667
5	55596044	55596268	55596156	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212265
5	55682396	55682622	55682505	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000210678
5	55972640	55972855	55972747	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000216408
5	56095764	56095970	56095867	9	9	3	2.932622098	0.0242899	MAP3K1	ENSG00000095015
5	56152304	56152830	56152567	10	19	4	4.692195357	0.000193572	MAP3K1	ENSG00000095015
5	56193694	56194030	56193862	18	21	2	8.602358155	3.33E-06	C5orf35	ENSG00000155542
5	56241568	56241820	56241694	11	12	5	2.541605819	0.0225912	C5orf35	ENSG00000155542
5	56399115	56399520	56399302	119	136	0	160.707691	6.63E-47		ENSG00000218706
5	56826252	56826742	56826441	86	116	3	34.31167855	1.65E-35	ACTBL2	ENSG00000169067
5	56987370	56987563	56987436	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ACTBL2	ENSG00000169067
5	57019448	57019697	57019616	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ACTBL2	ENSG00000169067
5	57166675	57167371	57166996	184	235	1	138.419763	3.63E-78		ENSG00000209041
5	57194086	57194430	57194258	11	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000209041
5	57285336	57285581	57285458	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000209041

5	57401500	57401753	57401626	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000209041
5	57412253	57412496	57412342	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000209041
5	57513690	57513891	57513790	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000209041
5	57514889	57515218	57515063	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000209041
5	57515446	57515777	57515611	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000209041
5	57630918	57631167	57631000	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PLK2	ENSG00000145632
5	57785880	57786129	57785963	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	PLK2	ENSG00000145632
5	57791388	57791760	57791564	11	17	7	2.639359888	0.00777415	PLK2	ENSG00000145632
5	57792550	57792742	57792659	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PLK2	ENSG00000145632
5	57793547	57794083	57793863	129	159	0	187.6878143	1.17E-54	PLK2	ENSG00000145632
5	58633439	58633839	58633664	15	21	2	8.602358155	3.33E-06	PDE4D	ENSG00000113448
5	58828480	58828681	58828556	8	9	4	2.346097679	0.050148	PDE4D	ENSG00000113448
5	58880475	58880690	58880582	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000202601
5	58919144	58919323	58919233	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000202601
5	59105008	59105192	59105080	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PDE4D	ENSG00000113448
5	59225515	59225922	59225687	9	16	6	2.848832895	0.00632407	PDE4D	ENSG00000113448
5	59785109	59785535	59785356	11	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000213896
5	59819182	59819372	59819277	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000152931
5	60031288	60031543	60031373	8	11	2	4.692195357	0.00272444	DEPDC1B	ENSG00000035499
5	60031610	60031987	60031808	8	15	5	3.128130238	0.00492422	DEPDC1B	ENSG00000035499
5	60379066	60379245	60379127	9	9	0	11.73048839	0.000425898	NDUFAF2	ENSG00000164182
5	60740217	60740496	60740378	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000213891
5	60931416	60931795	60931583	8	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000223200
5	60952457	60952997	60952718	27	48	10	5.225399375	4.82E-09		ENSG00000212215
5	60990142	60990378	60990228	12	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000212215
5	61076885	61077079	61076982	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000178722
5	61136735	61137010	61136872	19	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000178722
5	61529430	61529667	61529544	9	12	2	5.083211637	0.00143337	KIF2A	ENSG00000068796
5	61611544	61612220	61611898	46	74	1	43.98933147	2.18E-24	KIF2A	ENSG00000068796
5	61890652	61890831	61890768	8	8	2	3.519146518	0.017558	IPO11	ENSG00000086200
5	63100143	63100381	63100229	9	10	0	12.90353723	0.000195991	HTR1A	ENSG00000178394
5	64100161	64100445	64100303	9	12	5	2.541605819	0.0225912	SFRS12IP1	ENSG00000153006
5	64812038	64812217	64812127	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ADAMTS6	ENSG00000049192
5	64894681	64894973	64894851	14	15	8	2.085420159	0.0338693	PPWD1	ENSG00000113593

5	64956302	64956778	64956642	10	18	8	2.476436439	0.00924552	C5orf44	ENSG00000113597
5	65928996	65929278	65929137	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	MAST4	ENSG00000069020
5	66139430	66139609	66139558	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MAST4	ENSG00000069020
5	66426379	66426859	66426573	54	67	0	79.76732107	1.20E-23	MAST4	ENSG00000069020
5	66538522	66538784	66538662	10	11	1	7.038293036	0.000674435	CD180	ENSG00000134061
5	66799832	66800011	66799921	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222939
5	66864557	66864833	66864693	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000222939
5	67364661	67364885	67364763	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000223149
5	67880733	67881142	67881016	15	19	3	5.865244197	5.72E-05	PIK3R1	ENSG00000145675
5	68281901	68282100	68282011	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000222762
5	68375329	68375524	68375426	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SLC30A5	ENSG00000145740
5	68425345	68425671	68425519	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	SLC30A5	ENSG00000145740
5	68498400	68498764	68498624	11	16	2	6.647276756	0.000101928	CCNB1	ENSG00000134057
5	68520982	68521386	68521153	8	13	11	1.368556979	0.211388	CENPH	ENSG00000153044
5	71182347	71182845	71182535	131	174	105	1.936637235	2.19E-08		ENSG00000210845
5	71204943	71205328	71205122	38	47	1	28.15317214	1.78E-15		ENSG00000210845
5	71215058	71215348	71215207	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000210845
5	71238704	71239143	71238928	37	48	3	14.36984828	1.11E-13		ENSG00000210845
5	71349781	71350091	71349944	10	10	0	12.90353723	0.000195991	MAP1B	ENSG00000131711
5	71697911	71698143	71698027	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PTCD2	ENSG00000049883
5	71942787	71943020	71942903	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ZNF366	ENSG00000178175
5	72179557	72179816	72179686	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TNPO1	ENSG00000083312
5	72286703	72287556	72286936	27	63	5	12.51252095	1.47E-16	FCHO2	ENSG00000157107
5	72469114	72469409	72469261	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TMEM171	ENSG00000157111
5	72533565	72533820	72533705	9	10	3	3.225884308	0.0139466	TMEM174	ENSG00000164325
5	72568153	72568483	72568307	19	23	0	28.15317214	8.13E-09	TMEM174	ENSG00000164325
5	72608070	72608266	72608141	9	9	4	2.346097679	0.050148	TMEM174	ENSG00000164325
5	72829949	72830165	72830027	10	11	8	1.564065119	0.151515	BTF3	ENSG00000145741
5	72896815	72897388	72897049	16	31	2	12.51252095	2.82E-09	ANKRA2	ENSG00000164331
5	73531362	73531564	73531432	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000210914
5	73572516	73572760	73572638	13	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000222551
5	73649096	73649275	73649169	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210920
5	73672911	73673102	73673006	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210920
5	73707089	73707268	73707176	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000210920

5	73795250	73795435	73795342	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210920
5	73963719	73964104	73963898	17	24	6	4.18946014	8.40E-05	ENC1	ENSG00000171617
5	73968259	73968502	73968380	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ENC1	ENSG00000171617
5	73978539	73979244	73978923	35	62	1	36.95103844	2.04E-20	ENC1	ENSG00000171617
5	73980423	73980612	73980517	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ENC1	ENSG00000171617
5	74098635	74098858	74098737	12	12	1	7.624817456	0.000332769	GFM2	ENSG00000164347
5	74287929	74288179	74288064	13	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000182383
5	74368707	74369105	74368926	15	22	0	26.9801233	1.77E-08	GCNT4	ENSG00000176928
5	74377988	74378397	74378167	28	41	1	24.63402563	1.65E-13	GCNT4	ENSG00000176928
5	74574771	74574956	74574896	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ANKRD31	ENSG00000145700
5	75669489	75669870	75669766	9	15	9	1.876878143	0.0544542		ENSG00000171601
5	75718019	75718409	75718197	11	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000171601
5	75719891	75720171	75720023	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000171601
5	76361791	76362058	76361924	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	AGGF1	ENSG00000164252
5	76500434	76500709	76500571	20	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000222316
5	76504731	76504924	76504827	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000222316
5	76562512	76562713	76562592	8	8	2	3.519146518	0.017558	PDE8B	ENSG00000113231
5	76757624	76757873	76757752	13	13	2	5.474227917	0.000747844	WDR41	ENSG00000164253
5	77211543	77211886	77211714	13	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000213763
5	77230067	77230263	77230165	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000213763
5	77285853	77286032	77285942	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000222085
5	77292535	77292745	77292640	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222085
5	77626152	77626526	77626339	14	22	5	4.496687217	9.59E-05	AP3B1	ENSG00000132842
5	77677071	77677741	77677512	72	105	6	17.763311	1.16E-28	SCAMP1	ENSG00000085365
5	77691415	77691676	77691545	11	14	5	2.932622098	0.00829617	SCAMP1	ENSG00000085365
5	77926520	77927034	77926647	14	22	7	3.372515413	0.000629223	LHFPL2	ENSG00000145685
5	77948412	77948594	77948442	8	9	1	5.865244197	0.00272497	LHFPL2	ENSG00000145685
5	77997781	77998054	77997920	10	11	3	3.519146518	0.00788869	LHFPL2	ENSG00000145685
5	78244030	78244209	78244119	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ARSB	ENSG00000113273
5	78252309	78252608	78252442	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	ARSB	ENSG00000113273
5	78296511	78296882	78296664	10	14	4	3.519146518	0.00361132	ARSB	ENSG00000113273
5	78306644	78307052	78306713	10	18	5	3.714654658	0.000961539	ARSB	ENSG00000113273
5	78457892	78458104	78458031	8	9	1	5.865244197	0.00272497	BHMT	ENSG00000145692
5	78465185	78465446	78465320	8	9	6	1.675784056	0.141978	BHMT	ENSG00000145692



5	78488867	78489110	78489026	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201955
5	78505326	78505591	78505458	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000201955
5	78515315	78515519	78515375	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000201955
5	78525422	78525778	78525600	8	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000201955
5	78637423	78637631	78637545	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000213757
5	78845919	78846379	78846098	8	18	3	5.571981987	0.000108726	HOMER1	ENSG00000152413
5	79021685	79022062	79021885	14	18	3	5.571981987	0.000108726	CMYA5	ENSG00000164309
5	79270071	79270516	79270304	37	54	1	32.25884308	8.88E-18	MTX3	ENSG00000177034
5	79414347	79414626	79414479	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	THBS4	ENSG00000113296
5	79513283	79513532	79513390	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SERINC5	ENSG00000164300
5	79516148	79516521	79516295	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	SERINC5	ENSG00000164300
5	79586562	79586966	79586764	9	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000211056
5	79739104	79739567	79739328	11	24	0	29.32622098	3.74E-09	ZFYVE16	ENSG00000039319
5	79798542	79799152	79798979	39	58	4	13.8419763	6.95E-16	FAM151B	ENSG00000152380
5	79819905	79820245	79820072	16	20	4	4.926805125	0.00010522	FAM151B	ENSG00000152380
5	80440045	80440233	80440167	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000214858
5	80526682	80526876	80526755	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214858
5	80920447	80920718	80920555	8	11	1	7.038293036	0.000674435	SSBP2	ENSG00000145687
5	81067627	81067946	81067678	8	13	1	8.211341875	0.000163445	SSBP2	ENSG00000145687
5	81082755	81083212	81082930	17	27	2	10.94845583	4.90E-08	SSBP2	ENSG00000145687
5	81086862	81087296	81087041	8	15	2	6.256260476	0.000199274	SSBP2	ENSG00000145687
5	81174480	81174828	81174652	17	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000214857
5	81182994	81183220	81183102	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000214857
5	81183373	81183786	81183610	18	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000214857
5	81187133	81187527	81187373	27	33	1	19.94183027	6.71E-11		ENSG00000214857
5	81515543	81515738	81515640	8	8	2	3.519146518	0.017558	RPS23	ENSG00000186468
5	81609766	81610453	81610099	10	26	9	3.167231866	0.000393236	RPS23	ENSG00000186468
5	81790818	81791044	81790931	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000205462
5	82416735	82417043	82416889	17	21	0	25.80707446	3.84E-08	XRCC4	ENSG00000152422
5	82433151	82433441	82433296	16	18	0	22.28792795	3.94E-07	XRCC4	ENSG00000152422
5	82596862	82597084	82596973	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	XRCC4	ENSG00000152422
5	82762004	82762249	82762088	9	11	4	2.815317214	0.0183428	VCAN	ENSG00000038427
5	82805932	82806249	82806090	10	14	2	5.865244197	0.000387308	VCAN	ENSG00000038427
5	82839113	82839444	82839228	8	13	7	2.052835469	0.046392	VCAN	ENSG00000038427

5	82841061	82841289	82841152	10	11	3	3.519146518	0.00788869	VCAN	ENSG00000038427
5	82895251	82895490	82895370	13	14	3	4.398933147	0.00132748	VCAN	ENSG00000038427
5	83056586	83056786	83056686	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HAPLN1	ENSG00000145681
5	83258782	83259101	83258945	16	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000216125
5	83319517	83319818	83319659	16	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000216125
5	83619531	83619800	83619636	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000211127
5	83743466	83743796	83743622	11	15	4	3.753756286	0.0020497	EDIL3	ENSG00000164176
5	84652157	84652359	84652279	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000215953
5	85763023	85763202	85763112	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NBPF22P	ENSG00000205449
5	85949367	85949555	85949461	9	9	3	2.932622098	0.0242899	COX7C	ENSG00000127184
5	86174389	86174592	86174490	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221694
5	86573775	86574269	86573953	13	24	4	5.865244197	8.64E-06		ENSG00000196836
5	87600246	87600631	87600391	8	14	5	2.932622098	0.00829617	TMEM161B	ENSG00000164180
5	88138839	88139028	88139002	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MEF2C	ENSG00000081189
5	88296604	88296791	88296697	10	10	11	1.075294769	0.434143	MEF2C	ENSG00000081189
5	88343951	88344270	88344116	19	22	0	26.9801233	1.77E-08	MEF2C	ENSG00000081189
5	89741155	89741480	89741329	11	16	4	3.988366054	0.00115141	CETN3	ENSG00000153140
5	89805871	89806393	89806233	9	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000176055
5	89859107	89859365	89859233	10	11	1	7.038293036	0.000674435	LYSMD3	ENSG00000176018
5	89860933	89861188	89861060	10	11	2	4.692195357	0.00272444	LYSMD3	ENSG00000176018
5	89889869	89890153	89889996	8	11	9	1.407658607	0.210479	GPR98	ENSG00000164199
5	89890171	89890546	89890350	8	15	8	2.085420159	0.0338693	GPR98	ENSG00000164199
5	90326338	90326684	90326511	25	30	2	12.12150467	5.77E-09		ENSG00000199643
5	90494322	90494594	90494438	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000199643
5	90711902	90712200	90712037	11	14	4	3.519146518	0.00361132	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90712623	90712832	90712752	9	11	7	1.759573259	0.102361	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90714701	90714928	90714787	10	10	2	4.301179077	0.00512919	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90715076	90715434	90715255	11	16	5	3.323638378	0.00288759	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90983398	90983577	90983493	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213731
5	91112696	91112989	91112857	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000213731
5	91457874	91458078	91457951	8	8	5	1.759573259	0.13508		
5	92733806	92734018	92733918	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000213730
5	92958667	92959109	92958912	8	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000205434
5	92982426	92982655	92982540	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000205434

5	93038879	93039096	93038980	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000205434
5	93073460	93073685	93073572	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000205434
5	93162509	93162813	93162661	13	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000205434
5	93169430	93169726	93169561	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000205434
5	93505096	93505440	93505268	31	35	2	14.07658607	1.57E-10	FAM172A	ENSG00000113391
5	93724381	93724641	93724484	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000218494
5	93728395	93728699	93728547	22	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000218494
5	93980044	93980285	93980147	11	12	4	3.049926982	0.0108184	ANKRD32	ENSG00000133302
5	94215274	94215589	94215438	18	21	2	8.602358155	3.33E-06	MCTP1	ENSG00000175471
5	94355622	94355817	94355719	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MCTP1	ENSG00000175471
5	94474590	94474847	94474761	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MCTP1	ENSG00000175471
5	94771753	94771932	94771842	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FAM81B	ENSG00000153347
5	94916363	94916732	94916538	15	21	11	2.150589539	0.0135908	ARSK	ENSG00000164291
5	95005823	95006016	95005919	9	9	2	3.910162798	0.00955088	RFESD	ENSG00000175449
5	95059693	95060189	95059872	14	24	7	3.665777623	0.000215502	SPATA9	ENSG00000145757
5	95089401	95089800	95089555	9	16	8	2.215758919	0.0222902	RHOBTB3	ENSG00000164292
5	95121212	95121421	95121288	9	10	0	12.90353723	0.000195991	RHOBTB3	ENSG00000164292
5	95208281	95208742	95208563	17	31	7	4.692195357	4.07E-06	GLRX	ENSG00000173221
5	95220312	95220602	95220454	9	11	4	2.815317214	0.0183428	GLRX	ENSG00000173221
5	95286261	95286449	95286353	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ELL2	ENSG00000118985
5	95327510	95327750	95327666	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ELL2	ENSG00000118985
5	95336674	95336926	95336805	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000213716
5	95455400	95455599	95455499	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207578
5	95457878	95458090	95457975	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000207578
5	95511096	95511336	95511206	12	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000206997
5	95697874	95698129	95698001	10	11	11	1.173048839	0.349489	PCSK1	ENSG00000175426
5	95845353	95845658	95845515	10	12	2	5.083211637	0.00143337	PCSK1	ENSG00000175426
5	96023374	96023753	96023532	11	16	9	1.994183027	0.0370915	CAST	ENSG00000153113
5	96024128	96024318	96024269	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CAST	ENSG00000153113
5	96024492	96024785	96024622	10	12	7	1.906204364	0.0695918	CAST	ENSG00000153113
5	96095593	96095787	96095705	10	10	4	2.580707446	0.0306059	CAST	ENSG00000153113
5	96169217	96169571	96169436	8	13	2	5.474227917	0.000747844	ERAP1	ENSG00000164307
5	96169635	96169945	96169790	15	18	5	3.714654658	0.000961539	ERAP1	ENSG00000164307
5	96205997	96206239	96206118	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ERAP2	ENSG00000164308

5	96230436	96230660	96230524	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ERAP2	ENSG00000164308
5	96296047	96296910	96296231	20	55	7	8.211341875	1.10E-12	LNPEP	ENSG00000113441
5	96297059	96297616	96297437	13	27	7	4.105670938	4.08E-05	LNPEP	ENSG00000113441
5	96452387	96452645	96452516	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000213701
5	96544623	96545348	96545169	9	25	9	3.049926982	0.000648806	RIOK2	ENSG00000058729
5	97212577	97212771	97212674	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000211336
5	97525614	97525793	97525763	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000176183
5	98135138	98135396	98135267	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RGMB	ENSG00000174136
5	98203285	98203541	98203413	15	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000211353
5	98210145	98210527	98210348	31	38	1	22.87445237	1.58E-12		ENSG00000211353
5	98291313	98291549	98291442	8	10	8	1.433726359	0.209175	CHD1	ENSG00000153922
5	98292785	98292987	98292917	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CHD1	ENSG00000153922
5	98293098	98293307	98293179	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CHD1	ENSG00000153922
5	98621643	98621822	98621670	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000200351
5	98684196	98684383	98684278	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000200351
5	98813271	98813628	98813433	11	16	3	4.985457567	0.000385643		
5	99545553	99545942	99545737	30	40	5	8.015833735	1.06E-09		ENSG00000207077
5	99546000	99546264	99546131	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000207077
5	100001717	100002091	100001912	17	24	2	9.775406994	4.09E-07		ENSG00000207269
5	100011100	100011609	100011405	16	26	3	7.918079665	5.55E-07		ENSG00000207269
5	100303639	100303818	100303776	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ST8SIA4	ENSG00000113532
5	100467585	100467778	100467654	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000203447
5	100538695	100538932	100538813	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000203447
5	100838777	100838984	100838880	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000222929
5	100854433	100854754	100854609	19	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000222929
5	100881386	100881709	100881554	23	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000222929
5	100954064	100954311	100954187	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000222929
5	101027029	101027431	101027207	13	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000222929
5	101355130	101355365	101355279	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199786
5	101659858	101660107	101659987	10	12	2	5.083211637	0.00143337	SLCO4C1	ENSG00000173930
5	102379777	102379979	102379912	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000175749
5	102483491	102483977	102483804	29	44	14	3.519146518	2.15E-06	HISPPD1	ENSG00000145725
5	102621965	102622391	102622144	12	19	4	4.692195357	0.000193572	C5orf30	ENSG00000181751
5	102772977	102773271	102773018	9	13	6	2.346097679	0.0266147	C5orf30	ENSG00000181751

5	102807932	102808350	102808171	27	38	9	4.574890473	5.74E-07	NUDT12	ENSG00000112874
5	102809253	102809554	102809403	12	16	11	1.661819189	0.0853913	NUDT12	ENSG00000112874
5	103680269	103680603	103680429	14	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000209151
5	103897161	103897462	103897313	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000209193
5	103904090	103904345	103904217	13	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000209193
5	104945999	104946246	104946141	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000201790
5	104951945	104952199	104952072	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000201790
5	104980278	104980565	104980421	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000201790
5	105246567	105246875	105246731	15	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000201790
5	105457766	105458081	105457922	17	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000201790
5	105553078	105553353	105553215	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000201790
5	105605084	105605497	105605278	25	35	13	3.016411301	8.94E-05		ENSG00000209251
5	105965362	105965560	105965456	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000209177
5	106143963	106144437	106144142	23	31	7	4.692195357	4.07E-06		ENSG00000209177
5	106906233	106906436	106906346	8	9	3	2.932622098	0.0242899	EFNA5	ENSG00000184349
5	106921048	106921263	106921154	9	10	4	2.580707446	0.0306059	EFNA5	ENSG00000184349
5	106931905	106932196	106932064	14	16	0	19.94183027	1.86E-06	EFNA5	ENSG00000184349
5	106935586	106935901	106935743	11	15	6	2.68125449	0.0103552	EFNA5	ENSG00000184349
5	107037187	107037633	107037348	13	19	6	3.351568112	0.00134187	EFNA5	ENSG00000184349
5	107447799	107448000	107447899	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000209157
5	107448720	107449032	107448890	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000209157
5	107624210	107624488	107624334	13	14	4	3.519146518	0.00361132	FBXL17	ENSG00000145743
5	107744670	107744906	107744788	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FBXL17	ENSG00000145743
5	107745814	107746108	107745952	8	12	8	1.694403879	0.107291	FBXL17	ENSG00000145743
5	108091880	108092097	108091982	10	11	3	3.519146518	0.00788869	FER	ENSG00000151422
5	108773267	108773544	108773415	10	11	4	2.815317214	0.0183428	PJA2	ENSG00000198961
5	108773670	108774128	108773955	9	19	9	2.346097679	0.0107159	PJA2	ENSG00000198961
5	108787888	108788171	108788029	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	PJA2	ENSG00000198961
5	108893719	108893998	108893857	17	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000214794
5	109031368	109031561	109031464	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MAN2A1	ENSG00000112893
5	109069188	109069367	109069240	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000202512
5	109309701	109310231	109309880	15	25	10	2.772660893	0.00131329		ENSG00000202512
5	109421833	109422108	109421970	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000202512
5	109754670	109755005	109754837	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000221436

5	109804718	109804929	109804823	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221436
5	110455704	110456103	110455883	18	25	4	6.099853964	4.56E-06	WDR36	ENSG00000134987
5	110835107	110835430	110835281	11	14	5	2.932622098	0.00829617	STARD4	ENSG00000164211
5	110858052	110858594	110858378	180	219	2	86.02358155	5.04E-71	STARD4	ENSG00000164211
5	110858722	110858938	110858838	9	10	5	2.150589539	0.0575848	STARD4	ENSG00000164211
5	110875931	110876257	110876086	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	STARD4	ENSG00000164211
5	110912818	110913030	110912924	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000221310
5	110914171	110914483	110914327	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000221310
5	111044171	111044659	111044542	13	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000209164
5	111332241	111332495	111332368	10	10	0	12.90353723	0.000195991	C5orf13	ENSG00000134986
5	111524032	111524443	111524154	8	15	5	3.128130238	0.00492422	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111592313	111592633	111592475	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111843044	111843367	111843205	67	72	0	85.63256527	2.48E-25	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111999993	112000265	112000150	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	APC	ENSG00000134982
5	112187299	112187504	112187412	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SRP19	ENSG00000153037
5	112211874	112212229	112211988	10	15	7	2.346097679	0.0195693	SRP19	ENSG00000153037
5	112285525	112285859	112285692	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	REEP5	ENSG00000129625
5	112291323	112291607	112291465	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	REEP5	ENSG00000129625
5	112298887	112299075	112298955	8	8	6	1.508205651	0.203852	REEP5	ENSG00000129625
5	112322086	112322363	112322229	11	15	6	2.68125449	0.0103552	DCP2	ENSG00000172795
5	112327585	112327866	112327725	9	10	5	2.150589539	0.0575848	DCP2	ENSG00000172795
5	112340082	112340333	112340226	10	12	10	1.386330446	0.21117	DCP2	ENSG00000172795
5	112344523	112344958	112344779	25	38	1	22.87445237	1.58E-12	DCP2	ENSG00000172795
5	112359640	112359912	112359762	10	11	7	1.759573259	0.102361	DCP2	ENSG00000172795
5	112408435	112408671	112408526	8	10	4	2.580707446	0.0306059	DCP2	ENSG00000172795
5	112531561	112531949	112531770	38	46	2	18.37776515	5.11E-14	MCC	ENSG00000171444
5	112742664	112742938	112742801	13	15	2	6.256260476	0.000199274	TSSK1B	ENSG00000212122
5	112852050	112852307	112852222	9	13	7	2.052835469	0.046392	MCC	ENSG00000171444
5	113038656	113039166	113038955	41	61	7	9.091128505	2.01E-14	YTHDC2	ENSG00000047188
5	113178847	113179061	113178932	9	9	1	5.865244197	0.00272497	YTHDC2	ENSG00000047188
5	113210594	113210845	113210711	11	13	7	2.052835469	0.046392	YTHDC2	ENSG00000047188
5	113303502	113303884	113303727	23	30	4	7.272902804	1.76E-07		ENSG00000222706
5	113316716	113316949	113316832	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000222706
5	113725452	113725850	113725635	14	22	3	6.745030826	8.05E-06	KCNN2	ENSG00000080709

5	114288385	114288717	114288548	14	17	4	4.222975822	0.000640773	TRIM36	ENSG00000152503
5	114396301	114396742	114396497	35	47	1	28.15317214	1.78E-15	TRIM36	ENSG00000152503
5	114533372	114533730	114533567	10	15	2	6.256260476	0.000199274	TRIM36	ENSG00000152503
5	114533876	114534087	114533981	9	11	5	2.346097679	0.0364013	TRIM36	ENSG00000152503
5	114729897	114730436	114730072	26	45	5	8.993374435	3.69E-11		ENSG00000177962
5	114894099	114894367	114894231	11	11	1	7.038293036	0.000674435	FEM1C	ENSG00000145780
5	114908184	114908443	114908312	10	12	6	2.178519273	0.0416567	FEM1C	ENSG00000145780
5	115029677	115029956	115029813	15	18	0	22.28792795	3.94E-07	TICAM2	ENSG00000134970
5	115112670	115112989	115112829	27	29	0	35.19146518	7.73E-11		ENSG00000222598
5	115194825	115195069	115194947	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ATG12	ENSG00000145782
5	115221554	115221872	115221702	11	13	3	4.105670938	0.00243034	AP3S1	ENSG00000177879
5	115882090	115882444	115882267	32	37	3	11.14396397	2.78E-10	SEMA6A	ENSG00000092421
5	115921399	115921580	115921489	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SEMA6A	ENSG00000092421
5	115938428	115938614	115938521	8	8	4	2.111487911	0.0804809	SEMA6A	ENSG00000092421
5	115942864	115943142	115942976	9	10	5	2.150589539	0.0575848	SEMA6A	ENSG00000092421
5	116311386	116311810	116311639	19	26	7	3.959039833	7.16E-05	RPS17P2	ENSG00000197575
5	116818240	116818611	116818461	12	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000182152
5	116850487	116851063	116850786	9	22	13	1.927151665	0.0235996		ENSG00000182152
5	117357644	117357932	117357788	25	25	3	7.624817456	1.09E-06		ENSG00000182152
5	117373298	117373841	117373625	22	35	9	4.222975822	3.17E-06		ENSG00000182152
5	117468630	117468825	117468727	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000182152
5	117918574	117918845	117918730	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000197744
5	118163353	118163722	118163543	23	30	3	9.091128505	3.63E-08		ENSG00000197744
5	118418869	118419205	118419043	9	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000209207
5	118434530	118435033	118434726	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	DMXL1	ENSG00000172869
5	118631976	118632197	118632098	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000222450
5	118637996	118638266	118638141	21	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000222450
5	118686803	118687020	118686909	8	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222450
5	118687022	118687869	118687441	127	173	6	29.15864258	2.48E-50		ENSG00000222450
5	118751560	118751940	118751694	21	27	0	32.8453675	3.65E-10	TNFAIP8	ENSG00000145779
5	118775649	118775859	118775762	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TNFAIP8	ENSG00000145779
5	118901465	118901683	118901549	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000213663
5	119782843	119783061	119782952	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PRR16	ENSG00000184838
5	121325330	121325668	121325494	16	20	3	6.158506406	2.99E-05	SRFBP1	ENSG00000151304

5	121842731	121843083	121842907	22	26	9	3.167231866	0.000393236		ENSG00000197462
5	121864510	121864739	121864574	8	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000197462
5	121879770	121880077	121879932	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000197462
5	122400523	122400914	122400748	9	14	5	2.932622098	0.00829617	PPIC	ENSG00000168938
5	122514778	122515018	122514932	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	PRDM6	ENSG00000061455
5	122519224	122519458	122519320	12	13	9	1.642268375	0.111397	PRDM6	ENSG00000061455
5	122786755	122787254	122787046	16	31	4	7.507512572	9.10E-08	CEP120	ENSG00000168944
5	123377688	123377881	123377784	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214750
5	123496214	123496741	123496562	39	59	3	17.59573259	3.89E-17		ENSG00000214750
5	123605978	123606436	123606257	15	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000214750
5	123626828	123627018	123626872	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000214750
5	124009962	124010565	124010249	35	57	4	13.60736654	1.42E-15	ZNF608	ENSG00000168916
5	124019608	124019824	124019728	8	10	8	1.433726359	0.209175	ZNF608	ENSG00000168916
5	124112693	124112961	124112841	8	12	7	1.906204364	0.0695918	ZNF608	ENSG00000168916
5	124114789	124114968	124114878	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZNF608	ENSG00000168916
5	124407407	124407644	124407525	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000214748
5	124407707	124407899	124407789	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000214748
5	124773401	124773821	124773653	8	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000208973
5	125083254	125083676	125083507	14	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000208973
5	125598244	125598512	125598384	10	11	11	1.173048839	0.349489	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125729068	125729440	125729261	8	15	1	9.384390715	3.90E-05	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125729873	125730085	125729934	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125732093	125732372	125732232	16	17	9	2.111487911	0.0248715	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125748620	125748969	125748737	8	13	5	2.737113958	0.0137917	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125786831	125787046	125786958	16	17	6	3.016411301	0.00381427	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125879634	125880015	125879812	10	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000200347
5	125880540	125880918	125880693	15	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000200347
5	125900013	125900372	125900202	12	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000200347
5	125902804	125903007	125902905	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000200347
5	125958571	125959196	125958941	20	40	13	3.435357315	7.45E-06	ALDH7A1	ENSG00000164904
5	126020032	126020284	126020137	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000213630
5	126040813	126041145	126040998	28	32	8	4.301179077	6.43E-06		ENSG00000213630
5	126141901	126142240	126142070	9	13	3	4.105670938	0.00243034	LMNB1	ENSG00000113368
5	126165575	126165823	126165699	8	10	2	4.301179077	0.00512919	LMNB1	ENSG00000113368



5	126393898	126394137	126394005	11	14	4	3.519146518	0.00361132	3-Mar	ENSG00000173926
5	126405797	126406265	126406014	16	26	4	6.334463732	2.40E-06	3-Mar	ENSG00000173926
5	126436851	126437044	126436892	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000164241
5	126476020	126476250	126476135	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000214743
5	126592791	126593010	126592900	10	12	1	7.624817456	0.000332769	MEGF10	ENSG00000145794
5	126988387	126988587	126988472	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CTXN3	ENSG00000205279
5	127239220	127239665	127239399	9	17	5	3.519146518	0.00167472	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127272739	127272968	127272856	9	10	5	2.150589539	0.0575848	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127298408	127298841	127298587	10	18	7	2.785990993	0.00480525	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127351694	127351926	127351810	8	9	4	2.346097679	0.050148	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127446479	127446701	127446590	8	10	6	1.843362462	0.0964212	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127517580	127517891	127517713	16	19	0	23.46097679	1.81E-07	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127564749	127564966	127564840	11	11	2	4.692195357	0.00272444	SLC12A2	ENSG00000064651
5	128284378	128284582	128284446	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SLC27A6	ENSG00000113396
5	128490074	128490527	128490242	15	23	9	2.815317214	0.00172056	ISOC1	ENSG00000066583
5	128492788	128493158	128492951	9	15	7	2.346097679	0.0195693	ISOC1	ENSG00000066583
5	128540932	128541727	128541329	106	153	13	12.90353723	3.43E-37	ISOC1	ENSG00000066583
5	128605303	128605727	128605504	34	46	7	6.891661931	3.87E-10	ISOC1	ENSG00000066583
5	128634963	128635224	128635093	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ISOC1	ENSG00000066583
5	128725059	128725287	128725173	8	8	5	1.759573259	0.13508	ADAMTS19	ENSG00000145808
5	129134994	129135237	129135115	13	13	4	3.28453675	0.00629037	KIAA1024L	ENSG00000186367
5	129890386	129890631	129890508	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000199455
5	130528138	130528327	130528199	8	8	2	3.519146518	0.017558	HINT1	ENSG00000169567
5	130534377	130534668	130534522	12	15	5	3.128130238	0.00492422	LYRM7	ENSG00000186687
5	130731051	130731273	130731162	13	13	1	8.211341875	0.000163445	CDC42SE2	ENSG00000158985
5	130746056	130746385	130746220	8	12	6	2.178519273	0.0416567	CDC42SE2	ENSG00000158985
5	130998481	130999335	130999096	12	33	12	3.067973887	0.000114749	RAPGEF6	ENSG00000158987
5	131311312	131311520	131311416	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ACSL6	ENSG00000164398
5	131371595	131371916	131371755	9	13	1	8.211341875	0.000163445	ACSL6	ENSG00000164398
5	131419931	131420237	131420079	10	11	3	3.519146518	0.00788869	IL3	ENSG00000164399
5	131457469	131457833	131457633	15	19	0	23.46097679	1.81E-07	CSF2	ENSG00000164400
5	131632528	131632804	131632666	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PDLIM4	ENSG00000131435
5	131742062	131742468	131742289	12	19	10	2.132816071	0.01835	SLC22A5	ENSG00000197375
5	131744983	131745169	131745091	11	11	1	7.038293036	0.000674435	SLC22A5	ENSG00000197375

5	131745183	131745466	131745324	9	13	3	4.105670938	0.00243034	SLC22A5	ENSG00000197375
5	131783321	131783531	131783426	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000197536
5	131852443	131852627	131852592	9	9	0	11.73048839	0.000425898	IRF1	ENSG00000125347
5	131859783	131860100	131859941	10	16	3	4.985457567	0.000385643	IRF1	ENSG00000125347
5	131890181	131890445	131890313	9	11	3	3.519146518	0.00788869	IL5	ENSG00000113525
5	131920370	131920585	131920477	9	9	3	2.932622098	0.0242899	RAD50	ENSG00000113522
5	132141380	132141565	132141472	8	9	7	1.466311049	0.20706	8-Sep	ENSG00000164402
5	132163109	132163349	132163250	18	19	5	3.910162798	0.000546977	ANKRD43	ENSG00000198944
5	132208615	132208796	132208777	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000201274
5	132229895	132230342	132230163	10	18	3	5.571981987	0.000108726	UQCRQ	ENSG00000164405
5	132317175	132317399	132317258	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000217123
5	132327273	132327597	132327435	12	17	5	3.519146518	0.00167472	AFF4	ENSG00000072364
5	132390038	132390217	132390127	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZCCHC10	ENSG00000155329
5	132404237	132404490	132404326	19	21	5	4.301179077	0.000172642	HSPA4	ENSG00000170606
5	132404813	132405121	132404989	11	16	0	19.94183027	1.86E-06	HSPA4	ENSG00000170606
5	132413321	132413550	132413435	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	HSPA4	ENSG00000170606
5	132583592	132583797	132583656	8	10	2	4.301179077	0.00512919	HSPA4	ENSG00000170606
5	132598235	132598415	132598325	8	8	4	2.111487911	0.0804809	HSPA4	ENSG00000170606
5	132787285	132787629	132787457	16	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000221287
5	132820726	132821053	132820889	11	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000221287
5	132821525	132821972	132821704	10	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000221287
5	132916618	132916816	132916740	8	10	3	3.225884308	0.0139466	FSTL4	ENSG00000053108
5	133208502	133208873	133208737	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000208898
5	133211823	133212020	133211964	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000208898
5	133301879	133302131	133302025	9	12	2	5.083211637	0.00143337	C5orf15	ENSG00000113583
5	133306736	133306937	133306836	12	12	6	2.178519273	0.0416567	C5orf15	ENSG00000113583
5	133357263	133357519	133357394	8	10	4	2.580707446	0.0306059	VDAC1	ENSG00000213585
5	133383737	133384089	133383913	9	14	8	1.955081399	0.0506438	VDAC1	ENSG00000213585
5	133403120	133403321	133403220	8	8	4	2.111487911	0.0804809	VDAC1	ENSG00000213585
5	133452437	133452891	133452693	29	40	3	12.0237506	3.35E-11	TCF7	ENSG00000081059
5	133456658	133456892	133456788	9	12	4	3.049926982	0.0108184	TCF7	ENSG00000081059
5	133540454	133540646	133540550	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SKP1	ENSG00000113558
5	133734759	133734989	133734868	8	8	3	2.639359888	0.0415794	UBE2B	ENSG00000119048
5	133775264	133775621	133775430	11	16	3	4.985457567	0.000385643	CDKN2AIP	ENSG00000145835

5	133803074	133803271	133803195	8	9	3	2.932622098	0.0242899	CDKN2AIPM	ENSG00000145835
5	133830310	133830608	133830466	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000207222
5	133866625	133866808	133866770	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207222
5	133887886	133888619	133888014	11	25	10	2.772660893	0.00131329	PHF15	ENSG00000043143
5	133996305	133996592	133996448	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	SAR1B	ENSG00000152700
5	134000829	134001126	134000979	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000207459
5	134101849	134102092	134101951	9	11	2	4.692195357	0.00272444	CAMLG	ENSG00000164615
5	134102873	134103196	134102981	8	12	8	1.694403879	0.107291	CAMLG	ENSG00000164615
5	134122192	134122428	134122310	17	18	9	2.228792795	0.0164363	DDX46	ENSG00000145833
5	134287999	134288347	134288173	37	39	54	0.853126429	0.781167		ENSG00000208861
5	134289365	134289544	134289513	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000208856
5	134290491	134290921	134290663	14	18	22	0.969040346	0.544098		ENSG00000208849
5	134331734	134331996	134331837	16	17	6	3.016411301	0.00381427	CATSPER3	ENSG00000152705
5	134398000	134398340	134398169	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	PITX1	ENSG00000069011
5	134490390	134490602	134490434	8	10	4	2.580707446	0.0306059	PITX1	ENSG00000069011
5	134555022	134555281	134555144	15	16	3	4.985457567	0.000385643	PITX1	ENSG00000069011
5	134700653	134701155	134700879	69	87	2	34.40943262	2.59E-27	H2AFY	ENSG00000113648
5	134872404	134872621	134872465	11	14	4	3.519146518	0.00361132	NEUROG1	ENSG00000181965
5	134924489	134924736	134924561	8	10	1	6.451768616	0.00135978	CXCL14	ENSG00000145824
5	135193700	135193958	135193850	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000145832
5	135221554	135221828	135221691	17	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000145832
5	135328543	135328740	135328601	10	11	2	4.692195357	0.00272444	LECT2	ENSG00000145826
5	135397408	135397740	135397568	18	20	1	12.31701281	1.03E-06	TGFBI	ENSG00000120708
5	135422066	135422300	135422212	10	13	2	5.474227917	0.000747844	TGFBI	ENSG00000120708
5	135471659	135472304	135471990	82	159	5	31.28130238	5.29E-47	SMAD5	ENSG00000113658
5	135496046	135496483	135496194	19	28	5	5.669736057	2.48E-06	SMAD5	ENSG00000113658
5	135556884	135557153	135557049	9	10	6	1.843362462	0.0964212	SMAD5OS	ENSG00000164621
5	135613425	135613624	135613510	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TRPC7	ENSG00000069018
5	136087589	136087797	136087728	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214684
5	136133766	136134011	136133888	11	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000214684
5	136438840	136439087	136438963	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000222285
5	136715316	136715618	136715467	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SPOCK1	ENSG00000152377
5	136991165	136991418	136991271	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000216009
5	137024037	137024230	137024122	12	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000216009

5	137117678	137118139	137117960	9	19	6	3.351568112	0.00134187	HNRNPA0	ENSG00000177733
5	137118167	137118414	137118271	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	HNRNPA0	ENSG00000177733
5	137172408	137172691	137172549	11	15	5	3.128130238	0.00492422	NPY6R	ENSG00000159279
5	137212737	137212929	137212833	10	10	2	4.301179077	0.00512919	MYOT	ENSG00000120729
5	137396767	137396950	137396883	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM13B1	ENSG00000031003
5	137432525	137432779	137432652	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222924
5	137586554	137586779	137586664	13	14	3	4.398933147	0.00132748	CDC23	ENSG00000094880
5	137646858	137647041	137646949	8	8	2	3.519146518	0.017558	GFRA3	ENSG00000146013
5	137669357	137669755	137669594	61	67	5	13.29455351	8.80E-18	CDC25C	ENSG00000158402
5	137701630	137702058	137701809	13	22	2	8.993374435	1.66E-06	FAM53C	ENSG00000120709
5	137715998	137716193	137716094	8	8	3	2.639359888	0.0415794	JMJD1B	ENSG00000120733
5	137717295	137717477	137717395	8	8	1	5.278719777	0.00542188	JMJD1B	ENSG00000120733
5	137827536	137827933	137827711	10	18	6	3.183989707	0.00227432	EGR1	ENSG00000120738
5	137828629	137828823	137828692	8	9	1	5.865244197	0.00272497	EGR1	ENSG00000120738
5	137907041	137907306	137907164	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ETF1	ENSG00000120705
5	137923567	137923770	137923668	13	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000206989
5	137939070	137939508	137939226	11	17	6	3.016411301	0.00381427	HSPA9	ENSG00000113013
5	137969551	137969945	137969658	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000208810
5	137972710	137973340	137973161	17	32	12	2.977739361	0.000186314		ENSG00000208810
5	138005433	138005798	138005607	8	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000208810
5	138068766	138069174	138069015	15	22	12	2.0753941	0.0149739	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138088738	138089145	138088966	28	36	3	10.85070176	5.62E-10	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138089161	138089389	138089275	8	9	3	2.932622098	0.0242899	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138116544	138116894	138116719	12	16	3	4.985457567	0.000385643	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138153337	138153541	138153370	9	10	3	3.225884308	0.0139466	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138234137	138234665	138234486	25	39	3	11.73048839	6.80E-11	LRRTM2	ENSG00000146006
5	138329286	138329495	138329390	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201532
5	138386248	138386452	138386364	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000201532
5	138428238	138428525	138428393	13	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000201532
5	138442239	138442423	138442331	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000201532
5	138464395	138464707	138464551	14	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000201532
5	138484430	138484609	138484535	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SIL1	ENSG00000120725
5	138511949	138512424	138512165	25	33	3	9.970915134	4.56E-09	SIL1	ENSG00000120725
5	138521283	138521478	138521380	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SIL1	ENSG00000120725

5	138542678	138542901	138542755	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SIL1	ENSG00000120725
5	138595746	138596262	138595981	213	260	0	306.1657471	1.06E-88		ENSG00000208799
5	138597340	138597761	138597610	11	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000208799
5	138626292	138626620	138626447	12	15	5	3.128130238	0.00492422	MATR3	ENSG00000015479
5	138637458	138637924	138637637	10	18	6	3.183989707	0.00227432	MATR3	ENSG00000015479
5	138657088	138657356	138657222	9	11	8	1.564065119	0.151515	MATR3	ENSG00000015479
5	138657882	138658184	138658033	14	19	2	7.820325595	1.32E-05	MATR3	ENSG00000015479
5	138704779	138705002	138704876	9	11	4	2.815317214	0.0183428	PAIP2	ENSG00000120727
5	138705594	138705843	138705741	11	14	8	1.955081399	0.0506438	PAIP2	ENSG00000120727
5	138767463	138767731	138767610	14	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000170469
5	138803097	138803280	138803188	8	9	5	1.955081399	0.0892323	DNAJC18	ENSG00000170464
5	138873276	138873737	138873523	9	18	5	3.714654658	0.000961539	TMEM173	ENSG00000184584
5	138877694	138877957	138877825	15	16	7	2.492728784	0.0124193	TMEM173	ENSG00000184584
5	138920503	138920694	138920553	10	10	2	4.301179077	0.00512919	UBE2D2	ENSG00000131508
5	138993135	138993354	138993254	11	11	4	2.815317214	0.0183428	CXXC5	ENSG00000171604
5	139020029	139020254	139020141	8	10	2	4.301179077	0.00512919	CXXC5	ENSG00000171604
5	139068365	139068616	139068439	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200756
5	139098876	139099425	139099085	21	37	3	11.14396397	2.78E-10		ENSG00000200756
5	139135163	139135439	139135306	10	12	2	5.083211637	0.00143337	PSD2	ENSG00000146005
5	139147732	139148220	139148041	16	25	7	3.812408728	0.00012465	PSD2	ENSG00000146005
5	139204183	139204472	139204332	16	19	2	7.820325595	1.32E-05	PSD2	ENSG00000146005
5	139328639	139328872	139328755	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000207317
5	139504042	139504261	139504151	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000182700
5	139516880	139517075	139516963	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C5orf32	ENSG00000120306
5	139525385	139525644	139525483	9	9	1	5.865244197	0.00272497	C5orf32	ENSG00000120306
5	139662788	139663194	139663015	12	20	14	1.642268375	0.06827	PFDN1	ENSG00000113068
5	139706484	139706671	139706625	8	8	2	3.519146518	0.017558	HBEGF	ENSG00000113070
5	139761022	139761256	139761139	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ANKHD1	ENSG00000131503
5	139916926	139917526	139917307	48	81	4	19.23800096	4.31E-23	SRA1	ENSG00000213523
5	139924465	139924692	139924631	12	14	2	5.865244197	0.000387308	SLC35A4	ENSG00000176087
5	140007509	140007893	140007715	8	13	4	3.28453675	0.00629037	NDUFA2	ENSG00000131495
5	140051061	140051676	140051358	9	24	9	2.932622098	0.00106136		ENSG00000112855
5	140070854	140071254	140071075	18	26	6	4.524616952	2.63E-05		ENSG00000199990
5	140078341	140078951	140078763	22	41	12	3.789850096	1.90E-06		ENSG00000202111

5	140085940	140086193	140086079	11	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000202515
5	140137784	140138170	140137962	15	21	2	8.602358155	3.33E-06	PCDHA1	ENSG00000204970
5	140201442	140201647	140201529	9	9	5	1.955081399	0.0892323	PCDHA8	ENSG00000204962
5	140242378	140242596	140242487	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PCDHA10	ENSG00000081842
5	140326171	140326409	140326289	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PCDHA10	ENSG00000081842
5	140363954	140364375	140364292	11	20	8	2.737113958	0.0036449	PCDHA10	ENSG00000081842
5	140399905	140400215	140400060	14	17	6	3.016411301	0.00381427	PCDHB1	ENSG00000171815
5	140400869	140401159	140401018	14	18	13	1.591994853	0.0905191	PCDHB1	ENSG00000171815
5	140444223	140444464	140444335	10	12	5	2.541605819	0.0225912	PCDHB2	ENSG00000112852
5	140460047	140460317	140460182	17	20	2	8.211341875	6.65E-06	PCDHB3	ENSG00000113205
5	140509651	140509967	140509820	11	15	8	2.085420159	0.0338693	PCDHB6	ENSG00000113211
5	140568428	140568610	140568501	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PCDHB12	ENSG00000120328
5	140573530	140573771	140573635	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	PCDHB13	ENSG00000187372
5	140709705	140709933	140709807	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PCDHGA3	ENSG00000214594
5	140838158	140838349	140838204	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000208724
5	140874145	140874414	140874279	8	12	2	5.083211637	0.00143337	PCDHGC4	ENSG00000081853
5	140923980	140924252	140924159	19	22	1	13.49006165	2.37E-07	DIAPH1	ENSG00000131504
5	140978854	140979232	140979021	13	20	5	4.105670938	0.000308509	DIAPH1	ENSG00000131504
5	141051958	141052226	141052092	13	15	4	3.753756286	0.0020497	ARAP3	ENSG00000120318
5	141073777	141074070	141073905	9	12	4	3.049926982	0.0108184	ARAP3	ENSG00000120318
5	141113854	141114173	141114022	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ARAP3	ENSG00000120318
5	141181405	141181667	141181536	11	14	3	4.398933147	0.00132748	PCDH1	ENSG00000156453
5	141192931	141193144	141193051	10	12	2	5.083211637	0.00143337	PCDH1	ENSG00000156453
5	141200594	141200835	141200733	8	10	3	3.225884308	0.0139466	PCDH1	ENSG00000156453
5	141209473	141209840	141209612	17	23	5	4.692195357	5.29E-05	PCDH1	ENSG00000156453
5	141225820	141226101	141225960	18	20	2	8.211341875	6.65E-06	PCDH1	ENSG00000156453
5	141238907	141239175	141239058	12	13	5	2.737113958	0.0137917	PCDH1	ENSG00000156453
5	141283497	141283740	141283580	11	12	5	2.541605819	0.0225912	KIAA0141	ENSG00000081791
5	141295255	141295681	141295545	9	16	0	19.94183027	1.86E-06	KIAA0141	ENSG00000081791
5	141320602	141320781	141320698	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PCDH12	ENSG00000113555
5	141328578	141328986	141328757	8	16	8	2.215758919	0.0222902	RNF14	ENSG00000013561
5	141363158	141363535	141363325	11	17	0	21.11487911	8.57E-07	GNPDA1	ENSG00000113552
5	141363574	141364164	141363985	14	32	6	5.530087385	7.11E-07	GNPDA1	ENSG00000113552
5	141364190	141364422	141364284	11	13	1	8.211341875	0.000163445	GNPDA1	ENSG00000113552

5	141372887	141373075	141372981	8	8	4	2.111487911	0.0804809	GNPDA1	ENSG00000113552
5	141384652	141384851	141384761	8	10	9	1.290353723	0.279648	GNPDA1	ENSG00000113552
5	141684491	141684721	141684597	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SPRY4	ENSG00000187678
5	141763361	141763669	141763515	14	16	3	4.985457567	0.000385643	SPRY4	ENSG00000187678
5	141928646	141928965	141928809	12	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000219227
5	142073099	142073393	142073246	10	13	5	2.737113958	0.0137917	FGF1	ENSG00000113578
5	142076808	142077070	142076933	9	12	5	2.541605819	0.0225912	FGF1	ENSG00000113578
5	142100320	142100616	142100468	13	17	7	2.639359888	0.00777415	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142234477	142234663	142234579	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142275654	142275874	142275743	10	12	2	5.083211637	0.00143337	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142341845	142342157	142342009	12	15	3	4.692195357	0.000718455	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142434290	142434748	142434551	51	76	5	15.05412677	1.47E-20	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142446671	142447293	142447138	18	32	5	6.451768616	1.97E-07	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142502797	142503239	142502976	13	25	9	3.049926982	0.000648806	NR3C1	ENSG00000113580
5	142542766	142543388	142543209	10	24	9	2.932622098	0.00106136	NR3C1	ENSG00000113580
5	142560516	142560840	142560678	26	29	1	17.59573259	1.33E-09	NR3C1	ENSG00000113580
5	142582680	142582925	142582758	14	17	9	2.111487911	0.0248715	NR3C1	ENSG00000113580
5	142605613	142606251	142605850	11	25	6	4.357038546	4.72E-05	NR3C1	ENSG00000113580
5	142676696	142676882	142676785	8	9	5	1.955081399	0.0892323	NR3C1	ENSG00000113580
5	142715598	142715817	142715707	11	12	5	2.541605819	0.0225912	NR3C1	ENSG00000113580
5	142718885	142719101	142719006	9	9	3	2.932622098	0.0242899	NR3C1	ENSG00000113580
5	142760195	142760383	142760302	9	10	4	2.580707446	0.0306059	NR3C1	ENSG00000113580
5	142761690	142761953	142761810	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NR3C1	ENSG00000113580
5	142765121	142765337	142765240	8	9	3	2.932622098	0.0242899	NR3C1	ENSG00000113580
5	142855662	142855879	142855752	9	10	6	1.843362462	0.0964212	NR3C1	ENSG00000113580
5	142907266	142907549	142907379	8	12	4	3.049926982	0.0108184	NR3C1	ENSG00000113580
5	142931016	142931225	142931120	11	12	7	1.906204364	0.0695918	NR3C1	ENSG00000113580
5	142948938	142949301	142949125	8	14	11	1.466311049	0.15926	NR3C1	ENSG00000113580
5	142954521	142955397	142954820	62	142	13	11.981856	7.01E-34	NR3C1	ENSG00000113580
5	142956111	142956409	142956260	21	25	3	7.624817456	1.09E-06	NR3C1	ENSG00000113580
5	143019478	143019695	143019584	9	9	6	1.675784056	0.141978	HMHB1	ENSG00000158497
5	143337732	143337911	143337838	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208708
5	143530129	143530496	143530308	11	18	4	4.457585589	0.000353565	YIPF5	ENSG00000145817
5	143547511	143547793	143547681	13	15	7	2.346097679	0.0195693	YIPF5	ENSG00000145817

5	143693288	143693656	143693467	13	20	0	24.63402563	8.35E-08	KCTD16	ENSG00000183775
5	143941845	143942150	143941993	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000201423
5	144097604	144097783	144097651	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000201423
5	144607201	144607600	144607421	17	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000213487
5	144684056	144684273	144684158	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000213487
5	144891184	144891430	144891307	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213487
5	145041352	145041663	145041504	11	12	3	3.812408728	0.004404	PRELID2	ENSG00000186314
5	145296286	145296583	145296408	9	13	1	8.211341875	0.000163445	SH3RF2	ENSG00000156463
5	145341723	145342200	145342021	11	19	5	3.910162798	0.000546977	SH3RF2	ENSG00000156463
5	145431443	145431757	145431592	18	21	2	8.602358155	3.33E-06	PLAC8L1	ENSG00000173261
5	145542235	145542682	145542583	14	23	10	2.559379286	0.00330263	LARS	ENSG00000133706
5	145563177	145563508	145563314	9	13	11	1.368556979	0.211388	RBM27	ENSG00000091009
5	145652413	145652742	145652577	31	33	0	39.88366054	3.46E-12	POU4F3	ENSG00000091010
5	145806577	145807003	145806825	11	18	10	2.026175268	0.0273052	TCERG1	ENSG00000113649
5	147505722	147506037	147505879	15	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000196800
5	147507437	147507635	147507507	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000196800
5	147619131	147619319	147619225	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214510
5	147734558	147734751	147734654	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FBXO38	ENSG00000145868
5	147743285	147743508	147743386	9	11	3	3.519146518	0.00788869	FBXO38	ENSG00000145868
5	147743512	147743789	147743626	9	12	2	5.083211637	0.00143337	FBXO38	ENSG00000145868
5	147754308	147754551	147754429	8	11	4	2.815317214	0.0183428	FBXO38	ENSG00000145868
5	147842759	147842956	147842864	8	9	3	2.932622098	0.0242899	FBXO38	ENSG00000145868
5	147881915	147882298	147882107	28	37	0	44.57585589	1.55E-13	HTR4	ENSG00000164270
5	147882952	147883182	147883041	11	11	3	3.519146518	0.00788869	HTR4	ENSG00000164270
5	148185575	148186250	148186040	26	52	1	31.08579424	4.04E-17	ADRB2	ENSG00000169252
5	148370610	148370993	148370801	8	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000207714
5	148454815	148455031	148454923	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000200161
5	148488866	148489167	148489023	10	12	4	3.049926982	0.0108184	ABLIM3	ENSG00000173210
5	148489171	148489418	148489247	8	9	8	1.303387599	0.281715	ABLIM3	ENSG00000173210
5	148588773	148589052	148588912	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ABLIM3	ENSG00000173210
5	148684907	148685169	148685045	10	13	3	4.105670938	0.00243034	GRPEL2	ENSG00000164284
5	148704955	148705317	148705134	17	24	10	2.666020089	0.00209276	GRPEL2	ENSG00000164284
5	148727380	148727640	148727507	10	12	4	3.049926982	0.0108184	PCYOX1L	ENSG00000145882
5	148741685	148741911	148741810	15	15	1	9.384390715	3.90E-05	IL17B	ENSG00000127743



5	148799754	148799984	148799898	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207700
5	148809139	148809318	148809252	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207700
5	148842517	148842790	148842645	14	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000207700
5	148845552	148845904	148845728	13	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000207700
5	148853253	148853439	148853346	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000214490
5	148906735	148906971	148906835	14	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000214490
5	148909187	148909513	148909350	8	13	6	2.346097679	0.0266147	CSNK1A1	ENSG00000113712
5	148911289	148911697	148911438	14	20	8	2.737113958	0.0036449	CSNK1A1	ENSG00000113712
5	148924620	148924800	148924740	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CSNK1A1	ENSG00000113712
5	149025308	149025642	149025480	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000221043
5	149091177	149091494	149091342	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000199047
5	149124816	149125163	149124998	23	27	0	32.8453675	3.65E-10	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149230100	149230345	149230221	12	14	4	3.519146518	0.00361132	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149237877	149238155	149238016	13	16	12	1.533986944	0.120062	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149238195	149238507	149238351	11	15	4	3.753756286	0.0020497	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149240860	149241236	149241057	20	28	0	34.01841634	1.68E-10		ENSG00000200334
5	149264035	149264251	149264143	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000200334
5	149275509	149275693	149275566	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000200334
5	149320307	149320629	149320468	9	15	0	18.76878143	4.04E-06	SLC26A2	ENSG00000155850
5	149350556	149350860	149350708	14	17	7	2.639359888	0.00777415	TIGD6	ENSG00000164296
5	149487827	149488545	149488201	25	50	5	9.970915134	1.23E-12	CSF1R	ENSG00000182578
5	149489633	149489919	149489771	9	12	5	2.541605819	0.0225912	CSF1R	ENSG00000182578
5	149703955	149704272	149704113	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	TCOF1	ENSG00000070814
5	149710360	149710586	149710473	9	10	3	3.225884308	0.0139466	TCOF1	ENSG00000070814
5	149770462	149770659	149770572	8	9	4	2.346097679	0.050148	CD74	ENSG00000019582
5	149795823	149796115	149795965	11	12	5	2.541605819	0.0225912	RPS14	ENSG00000164587
5	149809323	149809613	149809488	13	14	8	1.955081399	0.0506438	RPS14	ENSG00000164587
5	149809624	149809948	149809786	14	20	8	2.737113958	0.0036449	RPS14	ENSG00000164587
5	149846399	149846849	149846513	11	19	3	5.865244197	5.72E-05	NDST1	ENSG00000070614
5	149860624	149860982	149860803	8	13	2	5.474227917	0.000747844	NDST1	ENSG00000070614
5	149973886	149974096	149974005	8	8	6	1.508205651	0.203852	SYNPO	ENSG00000171992
5	149975642	149976066	149975854	15	24	9	2.932622098	0.00106136	SYNPO	ENSG00000171992
5	149994685	149995052	149994874	8	14	3	4.398933147	0.00132748	SYNPO	ENSG00000171992
5	149997454	149997649	149997551	10	11	5	2.346097679	0.0364013	SYNPO	ENSG00000171992

5	150030412	150030681	150030546	8	10	1	6.451768616	0.00135978	MYOZ3	ENSG00000164591
5	150060741	150061080	150060908	9	13	3	4.105670938	0.00243034	RBM22	ENSG00000086589
5	150118055	150118267	150118161	8	10	3	3.225884308	0.0139466	DCTN4	ENSG00000132912
5	150118589	150118945	150118767	11	15	6	2.68125449	0.0103552	DCTN4	ENSG00000132912
5	150138717	150138962	150138842	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000181368
5	150160981	150161225	150161138	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000181368
5	150161227	150161478	150161317	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000181368
5	150380462	150380690	150380534	8	9	5	1.955081399	0.0892323	GPX3	ENSG00000211445
5	150440509	150440975	150440614	8	17	3	5.278719777	0.000205462	TNIP1	ENSG00000145901
5	150494024	150494242	150494133	8	8	2	3.519146518	0.017558	ANXA6	ENSG00000197043
5	150524592	150524843	150524717	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ANXA6	ENSG00000197043
5	150562581	150562916	150562738	8	12	2	5.083211637	0.00143337	CCDC69	ENSG00000198624
5	150634467	150634761	150634614	11	14	4	3.519146518	0.00361132	GM2A	ENSG00000196743
5	150657946	150658136	150658037	8	10	2	4.301179077	0.00512919	SLC36A3	ENSG00000186334
5	150714026	150714268	150714141	11	12	2	5.083211637	0.00143337	SLC36A2	ENSG00000186335
5	150860537	150860814	150860659	12	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000200227
5	150906766	150907040	150906869	11	13	1	8.211341875	0.000163445	FAT2	ENSG00000086570
5	150930310	150930604	150930436	19	23	4	5.630634429	1.63E-05	FAT2	ENSG00000086570
5	150977927	150978179	150978088	8	10	12	0.992579787	0.511743	FAT2	ENSG00000086570
5	150979496	150979759	150979633	15	19	6	3.351568112	0.00134187	FAT2	ENSG00000086570
5	151044800	151045076	151044931	12	13	5	2.737113958	0.0137917	SPARC	ENSG00000113140
5	151052044	151052434	151052223	8	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000208610
5	151131053	151131419	151131194	10	16	4	3.988366054	0.00115141	G3BP1	ENSG00000145907
5	151131599	151131882	151131744	8	11	1	7.038293036	0.000674435	G3BP1	ENSG00000145907
5	151185397	151185605	151185444	8	8	13	0.754102825	0.754933		ENSG00000222308
5	151297709	151297961	151297867	9	11	4	2.815317214	0.0183428	GLRA1	ENSG00000145888
5	151476630	151476956	151476793	11	15	3	4.692195357	0.000718455	GLRA1	ENSG00000145888
5	151578538	151578761	151578648	12	13	5	2.737113958	0.0137917	NMUR2	ENSG00000132911
5	151589889	151590457	151590047	17	32	2	12.90353723	1.37E-09	NMUR2	ENSG00000132911
5	152171701	152172249	152171907	57	75	6	12.73595883	2.24E-19	NMUR2	ENSG00000132911
5	152636026	152636226	152636115	9	9	0	11.73048839	0.000425898	GRIA1	ENSG00000155511
5	152712372	152712611	152712491	8	9	1	5.865244197	0.00272497	GRIA1	ENSG00000155511
5	152809256	152809458	152809350	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GRIA1	ENSG00000155511
5	153191888	153192099	153191983	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000208592

5	153398559	153398751	153398625	8	8	7	1.319679944	0.283403	FAM114A2	ENSG00000055147
5	153656399	153656832	153656653	13	21	10	2.346097679	0.00796926		ENSG00000221070
5	153755516	153755804	153755660	9	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000216873
5	153805379	153805766	153805541	10	17	6	3.016411301	0.00381427	SAP30L	ENSG00000164576
5	153806752	153806983	153806867	11	12	4	3.049926982	0.0108184	SAP30L	ENSG00000164576
5	153827498	153827787	153827670	13	15	2	6.256260476	0.000199274	HAND1	ENSG00000113196
5	153876239	153876418	153876328	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HAND1	ENSG00000113196
5	153941831	153942054	153941930	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221552
5	153943444	153943943	153943764	13	23	5	4.692195357	5.29E-05		ENSG00000221552
5	153970096	153970408	153970243	12	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000221552
5	154010090	154010283	154010186	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221552
5	154060774	154061158	154061028	10	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000208575
5	154071850	154072155	154072069	9	13	6	2.346097679	0.0266147	LARP1	ENSG00000155506
5	154114171	154114718	154114350	9	21	5	4.301179077	0.000172642	LARP1	ENSG00000155506
5	154152637	154152816	154152726	8	9	5	1.955081399	0.0892323	LARP1	ENSG00000155506
5	154169188	154169459	154169325	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	C5orf4	ENSG00000170271
5	154202760	154202944	154202852	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C5orf4	ENSG00000170271
5	154204446	154204975	154204796	16	28	7	4.252302043	2.31E-05	C5orf4	ENSG00000170271
5	154217670	154218192	154217838	10	20	5	4.105670938	0.000308509	CNOT8	ENSG00000155508
5	154218261	154218585	154218423	10	14	4	3.519146518	0.00361132	CNOT8	ENSG00000155508
5	154219071	154219357	154219214	8	8	5	1.759573259	0.13508	CNOT8	ENSG00000155508
5	154237754	154238118	154237933	35	42	4	10.08822002	5.25E-11	CNOT8	ENSG00000155508
5	154296983	154297214	154297110	8	9	5	1.955081399	0.0892323	GEMIN5	ENSG00000082516
5	154297899	154298088	154298055	8	9	3	2.932622098	0.0242899	GEMIN5	ENSG00000082516
5	154327384	154327603	154327513	10	11	2	4.692195357	0.00272444	MRPL22	ENSG00000082515
5	154332223	154332507	154332365	9	11	3	3.519146518	0.00788869	MRPL22	ENSG00000082515
5	154428606	154428850	154428721	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000221131
5	154944370	154944667	154944518	19	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000208570
5	155258422	155258710	155258566	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000200275
5	156508464	156508796	156508636	10	15	4	3.753756286	0.0020497	MED7	ENSG00000155868
5	156824160	156824384	156824258	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000172548
5	156831355	156831534	156831474	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000172548
5	156971580	156972038	156971897	19	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000208540
5	157090624	157091262	157091030	19	36	7	5.425350882	2.04E-07	THG1L	ENSG00000113272

5	157103117	157103373	157103281	8	10	7	1.612942154	0.147335	LSM11	ENSG00000155858
5	157121698	157121937	157121823	9	10	3	3.225884308	0.0139466	LSM11	ENSG00000155858
5	157272639	157272870	157272746	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000214374
5	157711538	157711894	157711716	13	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000213414
5	157954554	157954852	157954703	12	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000212796
5	158061081	158061354	158061198	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000212796
5	158535224	158535473	158535348	11	12	5	2.541605819	0.0225912	RNF145	ENSG00000145860
5	158676485	158676709	158676561	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000221601
5	158701447	158701766	158701624	17	20	1	12.31701281	1.03E-06	IL12B	ENSG00000113302
5	158869987	158870259	158870136	11	13	6	2.346097679	0.0266147	IL12B	ENSG00000113302
5	158871248	158871469	158871358	8	8	3	2.639359888	0.0415794	IL12B	ENSG00000113302
5	158878044	158878436	158878239	11	19	2	7.820325595	1.32E-05	IL12B	ENSG00000113302
5	158892854	158893064	158892959	8	8	4	2.111487911	0.0804809	IL12B	ENSG00000113302
5	158931405	158931824	158931603	11	22	9	2.69801233	0.00276236	IL12B	ENSG00000113302
5	159015582	159015845	159015713	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ADRA1B	ENSG00000170214
5	159325174	159325483	159325343	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000199398
5	159346899	159347210	159347089	11	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000199398
5	159368570	159369008	159368749	10	19	9	2.346097679	0.0107159	TTC1	ENSG00000113312
5	159424886	159425151	159425037	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	PWWP2A	ENSG00000170234
5	159440453	159440694	159440570	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PWWP2A	ENSG00000170234
5	159479095	159479312	159479171	8	9	4	2.346097679	0.050148	PWWP2A	ENSG00000170234
5	159515008	159515221	159515114	10	10	8	1.433726359	0.209175	FABP6	ENSG00000170231
5	159564669	159565284	159564972	16	31	1	18.76878143	2.99E-10	FABP6	ENSG00000170231
5	159759386	159759630	159759508	12	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000221886
5	159778686	159778905	159778795	9	11	1	7.038293036	0.000674435	SLU7	ENSG00000164609
5	159868287	159868627	159868457	8	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000207936
5	159993443	159993759	159993583	17	20	2	8.211341875	6.65E-06	ATP10B	ENSG00000118322
5	160283577	160283895	160283742	15	17	4	4.222975822	0.000640773	ATP10B	ENSG00000118322
5	162796907	162797782	162797499	52	115	4	27.21473307	5.71E-34	CCNG1	ENSG00000113328
5	162819480	162819726	162819596	12	13	4	3.28453675	0.00629037	NUDCD2	ENSG00000170584
5	162868830	162869328	162869060	22	32	7	4.838826462	2.26E-06	MAT2B	ENSG00000038274
5	163055918	163056127	163056025	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000208477
5	163311268	163311583	163311425	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000208477
5	163479269	163479903	163479610	66	93	2	36.7555303	2.80E-29		ENSG00000208477

5	167406969	167407307	167407138	8	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000208456
5	167579411	167579622	167579461	9	9	7	1.466311049	0.20706	WWC1	ENSG00000113645
5	167628963	167629231	167629081	10	11	5	2.346097679	0.0364013	WWC1	ENSG00000113645
5	167648018	167648233	167648096	9	9	4	2.346097679	0.050148	WWC1	ENSG00000113645
5	167674427	167674696	167674585	12	13	3	4.105670938	0.00243034	WWC1	ENSG00000113645
5	167674918	167675097	167675007	9	9	3	2.932622098	0.0242899	WWC1	ENSG00000113645
5	167675787	167676234	167675966	19	28	6	4.859773763	8.07E-06	WWC1	ENSG00000113645
5	167684589	167684825	167684707	9	10	3	3.225884308	0.0139466	WWC1	ENSG00000113645
5	167712679	167713065	167712968	8	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000208453
5	167761603	167761824	167761710	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208453
5	167808801	167809091	167808958	10	13	3	4.105670938	0.00243034	RARS	ENSG00000113643
5	167845903	167846137	167846018	11	12	5	2.541605819	0.0225912	RARS	ENSG00000113643
5	167939177	167939457	167939317	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PANK3	ENSG00000120137
5	167939554	167939733	167939643	8	8	7	1.319679944	0.283403	PANK3	ENSG00000120137
5	167951538	167951992	167951716	24	33	11	3.323638378	5.37E-05	PANK3	ENSG00000120137
5	167959928	167960328	167960124	18	29	9	3.519146518	8.36E-05	PANK3	ENSG00000120137
5	168018140	168018557	168018378	19	27	7	4.105670938	4.08E-05	PANK3	ENSG00000120137
5	168039101	168039329	168039215	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000207739
5	168056988	168057210	168057103	11	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000207739
5	168074172	168074371	168074336	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207739
5	168248099	168248293	168248246	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000202345
5	168941306	168941612	168941466	9	9	11	0.977540699	0.526123	CCDC99	ENSG00000040275
5	169000961	169001250	169001109	8	11	1	7.038293036	0.000674435	DOCK2	ENSG00000134516
5	169191007	169191246	169191095	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000204767
5	169193240	169193420	169193344	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000204767
5	169339842	169340109	169339948	9	11	10	1.279689643	0.277323		ENSG00000204767
5	169377471	169377667	169377502	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000204767
5	169632707	169632916	169632854	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000198424
5	169633678	169633924	169633780	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000198424
5	169696149	169696354	169696251	8	10	2	4.301179077	0.00512919	KCNIP1	ENSG00000182132
5	169747564	169747799	169747681	10	11	2	4.692195357	0.00272444	KCNMB1	ENSG00000145936
5	169788567	169789079	169788846	15	25	0	30.49926982	1.72E-09	KCNMB1	ENSG00000145936
5	169919927	169920106	169920016	8	8	2	3.519146518	0.017558	KCNIP1	ENSG00000182132
5	169963583	169963799	169963675	9	11	5	2.346097679	0.0364013	KCNIP1	ENSG00000182132

5	169983273	169983458	169983357	9	9	2	3.910162798	0.00955088	KCNIP1	ENSG00000182132
5	170104126	170104338	170104239	10	10	5	2.150589539	0.0575848	GABRP	ENSG00000094755
5	170696132	170696355	170696230	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000213393
5	170746964	170747596	170747146	17	36	13	3.100200504	5.51E-05	NPM1	ENSG00000181163
5	170778340	170778585	170778429	9	9	2	3.910162798	0.00955088	FGF18	ENSG00000156427
5	170796405	170796613	170796509	9	10	1	6.451768616	0.00135978	FGF18	ENSG00000156427
5	170881595	170881987	170881774	8	14	8	1.955081399	0.0506438	FGF18	ENSG00000156427
5	171062135	171062372	171062253	8	10	0	12.90353723	0.000195991	C5orf50	ENSG00000185662
5	171108470	171108676	171108573	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C5orf50	ENSG00000185662
5	171306160	171306408	171306256	11	11	1	7.038293036	0.000674435	FBXW11	ENSG00000072803
5	171366486	171366845	171366665	10	17	9	2.111487911	0.0248715	FBXW11	ENSG00000072803
5	171425261	171425533	171425397	9	12	5	2.541605819	0.0225912	FBXW11	ENSG00000072803
5	171466432	171466674	171466595	9	10	4	2.580707446	0.0306059	STK10	ENSG00000072786
5	171471546	171471891	171471718	10	15	2	6.256260476	0.000199274	STK10	ENSG00000072786
5	171521999	171522271	171522144	11	12	6	2.178519273	0.0416567	STK10	ENSG00000072786
5	171548178	171548488	171548333	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	STK10	ENSG00000072786
5	171643735	171643981	171643895	9	9	2	3.910162798	0.00955088	UBTD2	ENSG00000168246
5	171745929	171746124	171746026	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000216127
5	171774393	171774656	171774524	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000216127
5	171779533	171779732	171779632	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000216127
5	171780244	171780812	171780415	9	21	12	1.985159574	0.021936		ENSG00000216127
5	171838608	171838887	171838732	11	12	4	3.049926982	0.0108184	SH3PXD2B	ENSG00000174705
5	171996416	171997369	171996792	135	189	12	17.14455996	4.04E-49		ENSG00000214357
5	172019031	172019215	172019144	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214357
5	172019410	172019767	172019659	10	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000214357
5	172048703	172048924	172048826	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000214357
5	172072647	172072874	172072760	11	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000213386
5	172124897	172125186	172125041	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000213386
5	172126055	172126240	172126147	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000213386
5	172263441	172263774	172263590	15	20	6	3.519146518	0.000784044	ERGIC1	ENSG00000113719
5	172264322	172264746	172264479	18	28	5	5.669736057	2.48E-06	ERGIC1	ENSG00000113719
5	172318188	172318421	172318335	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000204758
5	172318806	172319100	172318949	19	20	10	2.239456875	0.0121685		ENSG00000204758
5	172343033	172343258	172343162	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ATP6V0E1	ENSG00000113732

5	172343347	172343645	172343496	9	12	4	3.049926982	0.0108184	ATP6V0E1	ENSG00000113732
5	172503910	172504232	172504071	17	23	11	2.346097679	0.00594236	BNIP1	ENSG00000113734
5	172504524	172504777	172504650	12	13	6	2.346097679	0.0266147	BNIP1	ENSG00000113734
5	172561666	172561893	172561786	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208401
5	172641542	172641814	172641678	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000208394
5	172643050	172643255	172643152	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000208394
5	172643419	172643711	172643565	10	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000208394
5	172651925	172652463	172652194	93	122	4	28.85700145	3.13E-36		ENSG00000208394
5	172653597	172653961	172653776	9	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000208394
5	172662023	172662346	172662184	11	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000208394
5	172662471	172662785	172662613	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000208394
5	172663468	172663783	172663625	11	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000208394
5	172675764	172675960	172675808	8	8	3	2.639359888	0.0415794	STC2	ENSG00000113739
5	172687836	172688178	172688007	10	15	6	2.68125449	0.0103552	STC2	ENSG00000113739
5	172688360	172689078	172688719	10	30	12	2.797270309	0.000480593	STC2	ENSG00000113739
5	172691630	172691934	172691789	13	16	3	4.985457567	0.000385643	STC2	ENSG00000113739
5	172734121	172734369	172734222	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000199219
5	172895207	172895386	172895296	8	8	1	5.278719777	0.00542188	FAM44B	ENSG00000145919
5	172924738	172925121	172924957	14	21	1	12.90353723	4.95E-07	FAM44B	ENSG00000145919
5	172927199	172927413	172927307	8	9	4	2.346097679	0.050148	FAM44B	ENSG00000145919
5	172929230	172929662	172929420	31	43	3	12.90353723	3.99E-12	FAM44B	ENSG00000145919
5	172974834	172975119	172974966	8	9	9	1.173048839	0.362316	FAM44B	ENSG00000145919
5	172976225	172976504	172976364	16	19	0	23.46097679	1.81E-07	FAM44B	ENSG00000145919
5	172978784	172978995	172978884	8	8	10	0.959767232	0.541959	FAM44B	ENSG00000145919
5	173072318	173072558	173072466	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FAM44B	ENSG00000145919
5	173088121	173088387	173088266	16	17	4	4.222975822	0.000640773	FAM44B	ENSG00000145919
5	173113032	173113360	173113198	12	16	3	4.985457567	0.000385643	CPEB4	ENSG00000113742
5	173182084	173182356	173182192	13	13	10	1.49297125	0.157311	CPEB4	ENSG00000113742
5	173183701	173184109	173183930	14	21	11	2.150589539	0.0135908	CPEB4	ENSG00000113742
5	173227619	173228066	173227760	12	21	10	2.346097679	0.00796926	CPEB4	ENSG00000113742
5	173228207	173228386	173228275	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CPEB4	ENSG00000113742
5	173231439	173231664	173231528	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CPEB4	ENSG00000113742
5	173243596	173244152	173243966	31	43	5	8.602358155	1.42E-10	CPEB4	ENSG00000113742
5	173245047	173245280	173245166	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CPEB4	ENSG00000113742

5	173247185	173247364	173247208	8	8	7	1.319679944	0.283403	CPEB4	ENSG00000113742
5	173247433	173247897	173247569	12	22	3	6.745030826	8.05E-06	CPEB4	ENSG00000113742
5	173277507	173277751	173277629	11	13	8	1.824742639	0.0744168	CPEB4	ENSG00000113742
5	173332838	173333128	173332995	10	13	3	4.105670938	0.00243034	C5orf47	ENSG00000185056
5	173404970	173405562	173405273	25	41	7	6.158506406	9.25E-09		ENSG00000170091
5	173676991	173677254	173677119	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000213376
5	173683522	173683724	173683594	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000213376
5	173686970	173687437	173687218	22	36	5	7.233801176	1.48E-08		ENSG00000213376
5	173687542	173687797	173687632	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000213376
5	173687819	173688960	173688474	458	627	7	92.08433389	2.25E-198		ENSG00000213376
5	173689617	173689970	173689793	11	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000213376
5	173779143	173779671	173779398	14	24	17	1.629234499	0.0548227		ENSG00000213376
5	173784878	173785315	173785139	32	45	1	26.9801233	8.07E-15		ENSG00000213376
5	173804608	173804844	173804689	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000213376
5	173813402	173813588	173813495	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000213376
5	173821031	173821251	173821141	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000213376
5	173842255	173842612	173842433	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000213376
5	173843055	173843395	173843225	10	16	7	2.492728784	0.0124193		ENSG00000213376
5	173880136	173880446	173880290	13	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000213376
5	173883506	173883796	173883634	12	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000213376
5	173888494	173888757	173888625	17	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000213376
5	173892101	173892487	173892306	17	25	7	3.812408728	0.00012465		ENSG00000213376
5	173927362	173927574	173927463	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000213376
5	173941084	173941427	173941255	10	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000213376
5	174080172	174080424	174080320	9	11	1	7.038293036	0.000674435	MSX2	ENSG00000120149
5	174082271	174082458	174082364	9	10	3	3.225884308	0.0139466	MSX2	ENSG00000120149
5	174083952	174084420	174084262	11	18	4	4.457585589	0.000353565	MSX2	ENSG00000120149
5	174095551	174095825	174095672	12	14	13	1.256838042	0.269506		ENSG00000222422
5	174295558	174295798	174295716	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000204754
5	174310879	174311082	174310980	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000204754
5	174331939	174332250	174332102	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000204754
5	174563713	174564125	174563892	19	27	0	32.8453675	3.65E-10		ENSG00000204754
5	174644475	174644798	174644633	17	20	10	2.239456875	0.0121685	DRD1	ENSG00000184845
5	174645821	174646000	174645946	8	8	1	5.278719777	0.00542188	DRD1	ENSG00000184845



5	174646353	174646925	174646639	13	25	2	10.16642327	2.02E-07	DRD1	ENSG00000184845
5	174647670	174647853	174647832	9	10	6	1.843362462	0.0964212	DRD1	ENSG00000184845
5	174738166	174738498	174738339	8	10	2	4.301179077	0.00512919	DRD1	ENSG00000184845
5	174756234	174756460	174756349	8	10	1	6.451768616	0.00135978	DRD1	ENSG00000184845
5	174819721	174820033	174819881	13	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000208388
5	174824173	174824440	174824298	11	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000208388
5	174853849	174854192	174854020	17	20	9	2.463402563	0.00689886	SFXN1	ENSG00000164466
5	174893733	174893947	174893840	9	10	9	1.290353723	0.279648	SFXN1	ENSG00000164466
5	175089481	175089732	175089606	16	17	10	1.919534464	0.0400548		ENSG00000200648
5	175106575	175106754	175106664	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000200648
5	175112431	175112724	175112577	13	15	4	3.753756286	0.0020497	CPLX2	ENSG00000145920
5	175138490	175138811	175138650	9	14	6	2.513676084	0.016726	CPLX2	ENSG00000145920
5	175138820	175139098	175138979	11	13	7	2.052835469	0.046392	CPLX2	ENSG00000145920
5	175156528	175156777	175156670	11	14	2	5.865244197	0.000387308	CPLX2	ENSG00000145920
5	175169403	175169657	175169532	10	11	3	3.519146518	0.00788869	CPLX2	ENSG00000145920
5	175189782	175190039	175189910	10	13	1	8.211341875	0.000163445	CPLX2	ENSG00000145920
5	175227564	175227778	175227678	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CPLX2	ENSG00000145920
5	175711910	175712140	175712051	11	13	6	2.346097679	0.0266147	KIAA1191	ENSG00000122203
5	175720984	175721398	175721312	9	16	4	3.988366054	0.00115141	KIAA1191	ENSG00000122203
5	175748470	175748802	175748636	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	HIGD2A	ENSG00000146066
5	175807501	175807937	175807758	11	21	11	2.150589539	0.0135908	FAF2	ENSG00000113194
5	175807946	175808253	175808099	9	14	6	2.513676084	0.016726	FAF2	ENSG00000113194
5	175897335	175897518	175897426	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RNF44	ENSG00000146083
5	175903688	175903927	175903808	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000203355
5	175937932	175938327	175938092	13	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000204738
5	176006602	176006781	176006652	8	8	2	3.519146518	0.017558	TSPAN17	ENSG00000048140
5	176180731	176180958	176180844	9	11	2	4.692195357	0.00272444	UNC5A	ENSG00000113763
5	176197210	176197539	176197379	13	18	6	3.183989707	0.00227432	UNC5A	ENSG00000113763
5	176228591	176228891	176228741	11	13	3	4.105670938	0.00243034	UNC5A	ENSG00000113763
5	176229660	176230027	176229809	8	14	3	4.398933147	0.00132748	UNC5A	ENSG00000113763
5	176363520	176363796	176363625	8	10	3	3.225884308	0.0139466	UIMC1	ENSG00000087206
5	176366316	176366601	176366494	14	19	3	5.865244197	5.72E-05	UIMC1	ENSG00000087206
5	176472900	176473112	176473006	8	9	4	2.346097679	0.050148	NSD1	ENSG00000165671
5	176629592	176629966	176629787	14	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000213350

5	176661230	176661885	176661639	11	28	12	2.616801257	0.00120123	RAB24	ENSG00000169228
5	176676689	176676905	176676811	9	10	0	12.90353723	0.000195991	MXD3	ENSG00000213347
5	176677594	176677832	176677721	12	12	2	5.083211637	0.00143337	MXD3	ENSG00000213347
5	176710929	176711830	176711371	19	41	19	2.463402563	0.000265263	LMAN2	ENSG00000169223
5	176726342	176726561	176726435	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RGS14	ENSG00000169220
5	176749165	176749439	176749274	9	12	11	1.270802909	0.274822	SLC34A1	ENSG00000131183
5	176750106	176750324	176750215	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SLC34A1	ENSG00000131183
5	176762177	176762559	176762396	10	17	15	1.319679944	0.209239	PFN3	ENSG00000196570
5	176785529	176785802	176785667	12	15	7	2.346097679	0.0195693	GRK6	ENSG00000198055
5	176803590	176803784	176803687	8	8	2	3.519146518	0.017558	PRR7	ENSG00000131188
5	176805847	176806255	176805983	12	19	7	2.932622098	0.00293566	PRR7	ENSG00000131188
5	176807299	176807488	176807412	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PRR7	ENSG00000131188
5	176811814	176811996	176811905	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PRR7	ENSG00000131188
5	176813965	176814341	176814104	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	PRR7	ENSG00000131188
5	176815062	176815245	176815153	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PRR7	ENSG00000131188
5	176815292	176815554	176815423	8	11	5	2.346097679	0.0364013	PRR7	ENSG00000131188
5	176815985	176816315	176816136	8	13	6	2.346097679	0.0266147	PRR7	ENSG00000131188
5	176857060	176857341	176857191	8	13	7	2.052835469	0.046392	PDLIM7	ENSG00000196923
5	176857361	176857608	176857471	9	9	8	1.303387599	0.281715	PDLIM7	ENSG00000196923
5	176860596	176860932	176860774	10	13	6	2.346097679	0.0266147	PDLIM7	ENSG00000196923
5	176876541	176877126	176876720	16	31	10	3.412505714	6.73E-05	DDX41	ENSG00000183258
5	176914187	176914376	176914281	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000146067
5	176935731	176936153	176935942	48	58	2	23.06996051	7.12E-18	TMED9	ENSG00000184840
5	176951831	176952043	176951965	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TMED9	ENSG00000184840
5	176967067	176967453	176967228	9	14	8	1.955081399	0.0506438	B4GALT7	ENSG0000027847
5	177217306	177217487	177217462	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000170089
5	177421655	177422029	177421789	10	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000218227
5	177429560	177429850	177429710	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000218227
5	177435557	177436080	177435732	13	27	18	1.728703553	0.0306274		ENSG00000218227
5	177437409	177437611	177437452	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218227
5	177437930	177438171	177438092	8	12	12	1.173048839	0.343543		ENSG00000218227
5	177438179	177438435	177438265	9	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000218227
5	177440153	177440772	177440428	13	26	6	4.524616952	2.63E-05		ENSG00000218227
5	177444428	177444663	177444526	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000145911

5	177445768	177446122	177445945	10	15	3	4.692195357	0.000718455	ENSG00000145911
5	177450468	177450698	177450633	9	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000145911
5	177467454	177467806	177467635	13	18	3	5.571981987	0.000108726	ENSG00000145911
5	177474133	177474463	177474298	8	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000145911
5	177483224	177484308	177484049	45	99	31	3.665777623	1.46E-12	RMND5B ENSG00000145916
5	177484379	177484701	177484540	8	12	7	1.906204364	0.0695918	RMND5B ENSG00000145916
5	177505606	177506032	177505853	15	23	9	2.815317214	0.00172056	NHP2 ENSG00000145912
5	177513461	177513751	177513606	20	22	9	2.69801233	0.00276236	NHP2 ENSG00000145912
5	177564052	177564336	177564192	9	11	1	7.038293036	0.000674435	HNRNPAB ENSG00000197451
5	177582651	177583177	177582998	16	27	3	8.211341875	2.82E-07	AGXT2L2 ENSG00000175309
5	177594704	177594969	177594854	10	12	8	1.694403879	0.107291	AGXT2L2 ENSG00000175309
5	177608556	177608821	177608663	8	9	1	5.865244197	0.00272497	AGXT2L2 ENSG00000175309
5	177639505	177639856	177639684	9	14	6	2.513676084	0.016726	AGXT2L2 ENSG00000175309
5	177640419	177640613	177640516	8	9	0	11.73048839	0.000425898	AGXT2L2 ENSG00000175309
5	177648414	177648883	177648592	19	28	13	2.429886881	0.00217891	AGXT2L2 ENSG00000175309
5	177890832	177891035	177890911	11	13	1	8.211341875	0.000163445	COL23A1 ENSG00000050767
5	177994773	177995133	177994985	8	12	3	3.812408728	0.004404	CLK4 ENSG00000113240
5	178001771	178002013	178001929	10	12	1	7.624817456	0.000332769	CLK4 ENSG00000113240
5	178002206	178002569	178002390	16	21	9	2.580707446	0.00438951	CLK4 ENSG00000113240
5	178033526	178033710	178033611	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CLK4 ENSG00000113240
5	178035624	178035973	178035798	11	16	3	4.985457567	0.000385643	CLK4 ENSG00000113240
5	178059532	178059747	178059585	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ZNF354A ENSG00000169131
5	178065071	178065299	178065168	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ZNF354A ENSG00000169131
5	178090329	178090591	178090457	11	13	2	5.474227917	0.000747844	ZNF354A ENSG00000169131
5	178188850	178189091	178188970	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ZNF354B ENSG00000178338
5	178198886	178199182	178199063	10	12	1	7.624817456	0.000332769	ZNF354B ENSG00000178338
5	178219343	178219746	178219619	10	19	7	2.932622098	0.00293566	ZNF354B ENSG00000178338
5	178383203	178383446	178383324	12	13	9	1.642268375	0.111397	GRM6 ENSG00000113262
5	178383822	178384001	178383837	8	8	2	3.519146518	0.017558	GRM6 ENSG00000113262
5	178843942	178844140	178844041	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000202120
5	178918992	178919353	178919174	12	20	7	3.079253203	0.00177418	RUFY1 ENSG00000176783
5	178969982	178970244	178970113	9	12	4	3.049926982	0.0108184	HNRNPH1 ENSG00000169045
5	178981241	178981513	178981393	8	9	6	1.675784056	0.141978	HNRNPH1 ENSG00000169045
5	178982683	178983421	178983177	20	39	3	11.73048839	6.80E-11	HNRNPH1 ENSG00000169045

5	178983489	178984064	178983682	18	31	2	12.51252095	2.82E-09	HNRNPH1	ENSG00000169045
5	179037896	179038427	179038128	12	23	11	2.346097679	0.00594236	CBY3	ENSG00000204659
5	179057831	179058556	179058169	8	24	8	3.258468998	0.000499412	CANX	ENSG00000127022
5	179091963	179092150	179092100	8	8	8	1.173048839	0.36929	MAML1	ENSG00000161021
5	179154755	179155144	179154966	8	14	6	2.513676084	0.016726	LTC4S	ENSG00000213316
5	179155975	179156190	179156149	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221394
5	179178576	179178871	179178723	9	11	5	2.346097679	0.0364013	SQSTM1	ENSG00000161011
5	179180232	179180425	179180328	8	8	7	1.319679944	0.283403	SQSTM1	ENSG00000161011
5	179218004	179218213	179218117	8	12	4	3.049926982	0.0108184	C5orf45	ENSG00000161010
5	179218359	179218790	179218538	17	29	8	3.910162798	3.45E-05	C5orf45	ENSG00000161010
5	179226359	179226573	179226466	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	C5orf45	ENSG00000161010
5	179428385	179428590	179428489	10	10	5	2.150589539	0.0575848	RNF130	ENSG00000113269
5	179444833	179445099	179444966	9	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000213306
5	179450898	179451140	179451019	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000213306
5	179476698	179476993	179476845	9	12	5	2.541605819	0.0225912	RASGEF1C	ENSG00000146090
5	179493123	179493426	179493274	13	17	3	5.278719777	0.000205462	RASGEF1C	ENSG00000146090
5	179560885	179561120	179560990	10	10	4	2.580707446	0.0306059	RASGEF1C	ENSG00000146090
5	179617355	179617706	179617530	14	20	5	4.105670938	0.000308509	MAPK9	ENSG00000050748
5	179649142	179649419	179649258	12	15	6	2.68125449	0.0103552	MAPK9	ENSG00000050748
5	179673238	179673644	179673406	11	19	4	4.692195357	0.000193572	MAPK9	ENSG00000050748
5	179734944	179735280	179735117	8	10	3	3.225884308	0.0139466	GFPT2	ENSG00000131459
5	179853640	179853935	179853771	10	13	7	2.052835469	0.046392	CNOT6	ENSG00000113300
5	179855661	179856001	179855833	15	16	1	9.970915134	1.89E-05	CNOT6	ENSG00000113300
5	179965620	179965854	179965727	9	11	4	2.815317214	0.0183428	SCGB3A1	ENSG00000161055
5	180030262	180030455	180030358	8	10	6	1.843362462	0.0964212	FLT4	ENSG00000037280
5	180078291	180078544	180078464	15	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000199892
5	180158800	180159093	180158971	13	15	5	3.128130238	0.00492422	MGAT1	ENSG00000131446
5	180169202	180169474	180169338	13	16	5	3.323638378	0.00288759	MGAT1	ENSG00000131446
5	180220145	180220558	180220382	10	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000214302
5	180220993	180221325	180221159	14	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000214302
5	180228698	180228916	180228807	11	12	11	1.270802909	0.274822		ENSG00000214302
5	180258098	180258460	180258274	18	25	5	5.083211637	1.58E-05	BTNL8	ENSG00000113303
5	180274864	180275108	180274969	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000208346
5	180471472	180471685	180471537	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214293

5	180474711	180474904	180474829	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000214293
5	180518961	180519192	180519076	10	10	6	1.843362462	0.0964212	OR2V2	ENSG00000182613
5	180519270	180519530	180519385	9	11	7	1.759573259	0.102361	OR2V2	ENSG00000182613
5	180541594	180541812	180541703	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000208343
5	180543572	180544116	180543937	9	23	6	4.021881735	0.000148535	TRIM7	ENSG00000146054
5	180547947	180548216	180548096	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	TRIM7	ENSG00000146054
5	180551073	180551593	180551277	17	28	7	4.252302043	2.31E-05	TRIM7	ENSG00000146054
5	180566333	180566673	180566426	14	19	8	2.606775198	0.00583935	TRIM7	ENSG00000146054
5	180567081	180567741	180567311	16	34	21	1.866214063	0.00963588	TRIM7	ENSG00000146054
5	180575996	180576278	180576137	8	10	8	1.433726359	0.209175	TRIM41	ENSG00000146063
5	180577538	180578188	180577981	23	44	18	2.778273567	3.93E-05	TRIM41	ENSG00000146063
5	180581234	180582135	180581962	12	38	23	1.906204364	0.00553742	TRIM41	ENSG00000146063
5	180582647	180583000	180582862	13	18	10	2.026175268	0.0273052	TRIM41	ENSG00000146063
5	180583073	180583370	180583221	15	18	3	5.571981987	0.000108726	TRIM41	ENSG00000146063
5	180603481	180603775	180603628	8	10	10	1.173048839	0.355733	GNB2L1	ENSG00000204628
5	180604075	180604254	180604091	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GNB2L1	ENSG00000204628
5	180606124	180606353	180606238	9	9	4	2.346097679	0.050148	GNB2L1	ENSG00000204628
5	180620646	180620872	180620759	8	9	4	2.346097679	0.050148	TRIM52	ENSG00000183718
6	528156	528467	528299	18	21	2	8.602358155	3.33E-06	HUS1B	ENSG00000188996
6	562483	562854	562662	15	22	7	3.372515413	0.000629223	HUS1B	ENSG00000188996
6	625435	626184	625841	27	54	2	21.50589539	1.39E-16		ENSG00000219712
6	1270905	1271124	1271014	8	9	3	2.932622098	0.0242899	FOXQ1	ENSG00000164379
6	1586361	1586909	1586752	21	34	6	5.865244197	2.06E-07		ENSG00000203569
6	1712791	1713042	1712930	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000203569
6	2452312	2452684	2452485	19	25	0	30.49926982	1.72E-09		ENSG00000203564
6	2476660	2476877	2476768	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000203564
6	2579798	2580028	2579957	10	12	1	7.624817456	0.000332769	C6orf195	ENSG00000164385
6	2683732	2683931	2683831	10	11	1	7.038293036	0.000674435	MYLK4	ENSG00000145949
6	2853550	2853874	2853712	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SERPINB9	ENSG00000170542
6	2946992	2947430	2947111	11	17	4	4.222975822	0.000640773	NQO2	ENSG00000124588
6	3014216	3014449	3014332	8	8	2	3.519146518	0.017558	RIPK1	ENSG00000137275
6	3196718	3197018	3196858	14	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000180822
6	3204137	3204330	3204233	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000180822
6	3415392	3415772	3415593	33	44	5	8.797866295	7.25E-11	SLC22A23	ENSG00000137266

6	3456774	3457026	3456933	9	12	4	3.049926982	0.0108184	SLC22A23	ENSG00000137266
6	3660630	3660853	3660769	11	12	3	3.812408728	0.004404	C6orf145	ENSG00000168994
6	3686445	3686624	3686534	8	8	0	10.55743955	0.000925496	C6orf145	ENSG00000168994
6	3936153	3936721	3936562	9	20	10	2.239456875	0.0121685	C6orf50	ENSG00000145965
6	3963865	3964133	3964033	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000215066
6	3966361	3966726	3966517	8	14	11	1.466311049	0.15926	PRPF4B	ENSG00000112739
6	4199156	4199456	4199287	9	11	12	1.082814313	0.424156		ENSG00000216307
6	4303699	4304258	4304090	15	27	6	4.692195357	1.46E-05		ENSG00000201185
6	4329037	4329567	4329235	42	61	2	24.24300935	7.63E-19		ENSG00000201185
6	4434809	4435425	4434988	22	38	11	3.812408728	3.92E-06		ENSG00000201185
6	4441629	4441872	4441750	13	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000201185
6	4524911	4525145	4525006	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000205444
6	4979958	4980291	4980124	12	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000209924
6	5085594	5085773	5085683	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000182404
6	5262319	5262498	5262408	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000220446
6	5677990	5678172	5678131	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000217239
6	5851339	5851695	5851517	17	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000222735
6	6510411	6510702	6510556	13	14	5	2.932622098	0.00829617	LY86	ENSG00000112799
6	6544677	6544879	6544778	8	10	6	1.843362462	0.0964212	LY86	ENSG00000112799
6	6669021	6669223	6669150	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219986
6	6704237	6704571	6704404	9	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000219986
6	6826834	6827049	6826965	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222702
6	6953688	6954094	6953951	16	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000222702
6	7086670	7086862	7086696	8	10	2	4.301179077	0.00512919	RREB1	ENSG00000124782
6	7146366	7146760	7146591	21	28	1	17.00920817	2.80E-09	RREB1	ENSG00000124782
6	7184065	7184267	7184166	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RREB1	ENSG00000124782
6	7206417	7206658	7206526	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	RREB1	ENSG00000124782
6	7207407	7207820	7207553	16	22	3	6.745030826	8.05E-06	RREB1	ENSG00000124782
6	7212804	7213072	7212944	16	16	3	4.985457567	0.000385643	RREB1	ENSG00000124782
6	7268390	7268749	7268574	28	33	2	13.29455351	6.68E-10	ATP5GP1	ENSG00000219375
6	7334873	7335076	7334945	9	9	2	3.910162798	0.00955088	CAGE1	ENSG00000164304
6	7363472	7363822	7363647	30	35	6	6.032822602	1.10E-07	RIOK1	ENSG00000124784
6	7408963	7409368	7409161	69	79	2	31.28130238	1.07E-24		ENSG00000215042
6	7425053	7425380	7425216	14	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000215042

6	7450652	7450961	7450806	16	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000219993
6	7471767	7471971	7471869	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000168929
6	7477513	7477785	7477658	18	20	0	24.63402563	8.35E-08	DSP	ENSG00000096696
6	7488456	7488714	7488601	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	DSP	ENSG00000096696
6	7495613	7495955	7495788	12	17	0	21.11487911	8.57E-07	DSP	ENSG00000096696
6	7920307	7920695	7920483	12	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000219294
6	8009650	8009873	8009761	8	10	1	6.451768616	0.00135978	MUTED	ENSG00000188428
6	8047509	8047947	8047688	13	23	4	5.630634429	1.63E-05	EEF1E1	ENSG00000124802
6	9516653	9516915	9516784	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222597
6	9619467	9619673	9619570	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222597
6	9640903	9641093	9640998	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222597
6	9723034	9723314	9723155	13	14	7	2.199466574	0.0303778	OFCC1	ENSG00000181355
6	9983870	9984132	9983986	13	15	3	4.692195357	0.000718455	OFCC1	ENSG00000181355
6	10235530	10235914	10235705	10	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000216368
6	10271468	10272264	10271616	40	64	4	15.24963491	9.53E-18		ENSG00000216368
6	10288507	10288750	10288661	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000214067
6	10298539	10298734	10298631	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000214067
6	10422432	10423002	10422611	8	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000216781
6	10424596	10424961	10424775	20	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000216781
6	10456036	10456289	10456177	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000216781
6	10511895	10512268	10512079	14	22	8	2.997791478	0.00137524	TFAP2A	ENSG00000137203
6	10523365	10523566	10523455	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TFAP2A	ENSG00000137203
6	10531536	10531952	10531715	10	18	2	7.429309316	2.63E-05	TFAP2A	ENSG00000137203
6	10539597	10539996	10539773	34	43	0	51.61414893	1.48E-15	C6orf218	ENSG00000183674
6	10629228	10629449	10629316	8	10	1	6.451768616	0.00135978	GCNT2	ENSG00000111846
6	10802884	10803241	10803062	13	18	5	3.714654658	0.000961539	PAK1IP1	ENSG00000111845
6	10826876	10827225	10827050	37	43	3	12.90353723	3.99E-12	TMEM14C	ENSG00000111843
6	10827227	10827415	10827271	9	10	0	12.90353723	0.000195991	TMEM14C	ENSG00000111843
6	10855706	10856010	10855835	9	12	4	3.049926982	0.0108184	TMEM14B	ENSG00000137210
6	10909544	10909724	10909634	8	9	3	2.932622098	0.0242899	MAK	ENSG00000111837
6	11161557	11161736	11161648	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ELOVL2	ENSG00000197977
6	11337919	11338178	11338083	11	13	3	4.105670938	0.00243034	NEDD9	ENSG00000111859
6	11452635	11452817	11452725	8	8	6	1.508205651	0.203852	NEDD9	ENSG00000111859
6	11542927	11543250	11543097	13	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000202313

6	11826613	11826859	11826778	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207419
6	11867179	11867378	11867278	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C6orf105	ENSG00000111863
6	12116629	12116833	12116733	11	12	5	2.541605819	0.0225912	HIVEP1	ENSG00000095951
6	12122342	12122559	12122450	9	9	5	1.955081399	0.0892323	HIVEP1	ENSG00000095951
6	12336814	12337027	12336946	9	9	3	2.932622098	0.0242899	EDN1	ENSG00000078401
6	12396428	12396828	12396688	10	17	1	10.55743955	9.18E-06	EDN1	ENSG00000078401
6	12432372	12432645	12432508	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000218893
6	12440182	12440497	12440340	10	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000218893
6	12600635	12600907	12600767	8	12	1	7.624817456	0.000332769	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12611162	12611367	12611231	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12614273	12614452	12614427	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12614458	12614785	12614634	29	32	2	12.90353723	1.37E-09	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12675980	12676185	12676082	10	10	4	2.580707446	0.0306059	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12710654	12710940	12710797	12	14	7	2.199466574	0.0303778	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12924525	12924802	12924637	21	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000223291
6	12953856	12954048	12953912	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000223291
6	12981924	12982232	12982078	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000223291
6	13356204	13356640	13356465	65	74	0	87.97866295	5.25E-26	PHACTR1	ENSG00000112137
6	13683387	13683639	13683552	12	14	8	1.955081399	0.0506438	SIRT5	ENSG00000124523
6	13723145	13723575	13723239	9	16	1	9.970915134	1.89E-05	NOL7	ENSG00000137420
6	13982202	13982389	13982291	9	9	1	5.865244197	0.00272497	RNF182	ENSG00000180537
6	14213714	14214057	14213885	18	22	3	6.745030826	8.05E-06	CD83	ENSG00000112149
6	14237712	14237984	14237885	9	10	6	1.843362462	0.0964212	CD83	ENSG00000112149
6	14599957	14600195	14600113	12	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000206960
6	14649864	14650043	14649953	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000206960
6	15378006	15378185	15378070	8	8	0	10.55743955	0.000925496	JARID2	ENSG00000008083
6	15473616	15473877	15473721	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	JARID2	ENSG00000008083
6	15564031	15564263	15564147	10	10	2	4.301179077	0.00512919	JARID2	ENSG00000008083
6	16016355	16016618	16016497	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000214027
6	16057659	16057853	16057742	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214027
6	16236984	16237247	16237115	9	12	1	7.624817456	0.000332769	MYLIP	ENSG00000007944
6	16276372	16276575	16276465	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000216364
6	16314824	16315003	16314913	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210092
6	16359928	16360244	16360095	20	23	2	9.384390715	8.25E-07	GMPR	ENSG00000137198



6	16513734	16513913	16513906	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ATXN1	ENSG00000124788
6	16847513	16847814	16847663	10	12	2	5.083211637	0.00143337	ATXN1	ENSG00000124788
6	17120672	17121063	17120890	13	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000209103
6	17424898	17425181	17425039	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	RBM24	ENSG00000112183
6	17497549	17497956	17497766	15	26	0	31.67231866	7.93E-10	CAP2	ENSG00000112186
6	17502355	17502610	17502482	9	10	3	3.225884308	0.0139466	CAP2	ENSG00000112186
6	17661069	17661262	17661165	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000184612
6	17815091	17815366	17815228	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	NUP153	ENSG00000124789
6	17830418	17830629	17830552	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000201415
6	17912480	17912683	17912581	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000201442
6	18136503	18136869	18136682	26	33	0	39.88366054	3.46E-12		ENSG00000210163
6	18159824	18160142	18159975	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000210163
6	18161756	18162137	18161980	12	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000210163
6	18164306	18164494	18164364	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000210163
6	18171026	18171369	18171197	16	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000210163
6	18198510	18198967	18198776	38	55	1	32.8453675	4.16E-18	NHLRC1	ENSG00000187566
6	18230825	18231035	18230930	8	9	3	2.932622098	0.0242899	NHLRC1	ENSG00000187566
6	18434294	18434652	18434473	23	29	2	11.73048839	1.18E-08		ENSG00000200681
6	18477026	18477238	18477132	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000218976
6	18495211	18495869	18495540	20	39	5	7.820325595	2.05E-09	RNF144B	ENSG00000137393
6	18601836	18602122	18601979	8	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000207775
6	18953926	18954439	18954248	43	63	0	75.07512572	2.68E-22		ENSG00000207775
6	19133099	19133278	19133221	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217379
6	19376313	19376572	19376445	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000218643
6	19406274	19406584	19406429	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000218643
6	19960097	19960280	19960188	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ID4	ENSG00000172201
6	20096784	20097176	20096963	26	33	2	13.29455351	6.68E-10		ENSG00000177246
6	20109695	20109888	20109769	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000177246
6	20291328	20291662	20291495	10	13	2	5.474227917	0.000747844	MBOAT1	ENSG00000172197
6	20296969	20297231	20297082	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	MBOAT1	ENSG00000172197
6	20319652	20319843	20319710	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MBOAT1	ENSG00000172197
6	20479035	20479332	20479183	14	16	3	4.985457567	0.000385643	E2F3	ENSG00000112242
6	20512875	20513146	20513028	8	9	4	2.346097679	0.050148	E2F3	ENSG00000112242
6	20642538	20642853	20642695	8	13	3	4.105670938	0.00243034	CDKAL1	ENSG00000145996

6	20943562	20943850	20943706	28	30	0	36.36451402	3.56E-11		ENSG00000216591
6	20974893	20975333	20975100	44	57	7	8.504604085	2.91E-13		ENSG00000216591
6	21296718	21297126	21296922	46	59	1	35.19146518	1.99E-19	CXorf29	ENSG00000205147
6	21696953	21697309	21697131	8	14	8	1.955081399	0.0506438	SOX4	ENSG00000124766
6	21701760	21702123	21701991	8	13	9	1.642268375	0.111397	SOX4	ENSG00000124766
6	21847128	21847398	21847263	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000220771
6	22471546	22471813	22471674	8	12	3	3.812408728	0.004404	PRL	ENSG00000172179
6	22551042	22551597	22551289	111	150	0	177.1303747	1.27E-51	HDGFL1	ENSG00000112273
6	23408724	23408976	23408849	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000207394
6	24391311	24391560	24391459	8	9	3	2.932622098	0.0242899	KAAG1	ENSG00000146049
6	24467908	24468121	24468029	9	11	2	4.692195357	0.00272444	DCDC2	ENSG00000146038
6	24829021	24829659	24829494	17	31	3	9.384390715	1.82E-08	C6orf62	ENSG00000112308
6	24871865	24872095	24871987	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	GMNN	ENSG00000112312
6	24935331	24935982	24935595	158	199	4	46.92195357	2.33E-61	FAM65B	ENSG00000111913
6	24936235	24936507	24936371	11	13	3	4.105670938	0.00243034	FAM65B	ENSG00000111913
6	25093591	25093964	25093768	18	25	5	5.083211637	1.58E-05		ENSG00000214975
6	25557391	25557739	25557569	33	37	2	14.85861863	3.69E-11		ENSG00000210368
6	25598355	25598579	25598476	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000210368
6	26066873	26067197	26067026	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	TRIM38	ENSG00000112343
6	26128608	26129071	26128756	11	17	1	10.55743955	9.18E-06	HIST1H3A	ENSG00000198366
6	26134547	26134764	26134655	8	10	4	2.580707446	0.0306059	HIST1H4B	ENSG00000124529
6	26140472	26140754	26140613	8	12	5	2.541605819	0.0225912	HIST1H3B	ENSG00000124693
6	26164163	26164363	26164297	8	10	2	4.301179077	0.00512919	HIST1H1C	ENSG00000187837
6	26164519	26164828	26164673	12	17	3	5.278719777	0.000205462	HIST1H1C	ENSG00000187837
6	26211786	26212237	26212058	10	19	13	1.675784056	0.0660887	HIST1H4C	ENSG00000197061
6	26264516	26264805	26264660	9	14	4	3.519146518	0.00361132	HIST1H1E	ENSG00000168298
6	26267978	26268299	26268139	8	10	1	6.451768616	0.00135978	HIST1H2B	ENSG00000158373
6	26297051	26297416	26297308	8	13	11	1.368556979	0.211388	HIST1H4D	ENSG00000188987
6	26312613	26312876	26312744	13	15	10	1.706252857	0.0822346	HIST1H4E	ENSG00000198518
6	26324607	26325055	26324715	8	16	6	2.848832895	0.00632407	HIST1H2B	ENSG00000187990
6	26342632	26342889	26342733	8	10	4	2.580707446	0.0306059	HIST1H1D	ENSG00000124575
6	26348420	26348599	26348509	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HIST1H4F	ENSG00000198327
6	26358186	26358536	26358361	11	14	6	2.513676084	0.016726	HIST1H3F	ENSG00000112727
6	26359824	26360008	26359877	9	9	3	2.932622098	0.0242899	HIST1H2B	ENSG00000197459

6	26380621	26381333	26381109	14	35	4	8.445951643	6.26E-09	HIST1H2BI	ENSG00000168242
6	26393591	26394102	26393770	14	25	9	3.049926982	0.000648806	HIST1H4H	ENSG00000158406
6	26419588	26419781	26419684	8	11	2	4.692195357	0.00272444	H3F3AP1	ENSG00000220875
6	26419874	26420172	26420034	8	11	6	2.010940867	0.0640214	H3F3AP1	ENSG00000220875
6	26421368	26421612	26421454	10	10	9	1.290353723	0.279648	H3F3AP1	ENSG00000220875
6	26438424	26438618	26438497	8	9	5	1.955081399	0.0892323	H3F3AP1	ENSG00000220875
6	26449814	26450092	26449954	14	17	7	2.639359888	0.00777415		ENSG00000210378
6	26456608	26456807	26456688	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000210378
6	26640971	26641289	26641133	12	16	7	2.492728784	0.0124193	HMGN4	ENSG00000182952
6	26645613	26645877	26645745	14	16	7	2.492728784	0.0124193	HMGN4	ENSG00000182952
6	26646025	26646524	26646365	10	19	12	1.804690522	0.0452624	HMGN4	ENSG00000182952
6	26662241	26662487	26662379	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000210390
6	26680029	26680244	26680123	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000210392
6	26703899	26704195	26704070	9	13	1	8.211341875	0.000163445	ABT1	ENSG00000146109
6	26704848	26705253	26705090	11	16	4	3.988366054	0.00115141	ABT1	ENSG00000146109
6	26795043	26795466	26795256	29	42	0	50.44110009	3.21E-15		ENSG00000210409
6	26813257	26813482	26813327	24	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000210409
6	26866434	26866618	26866516	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210418
6	27126017	27126236	27126126	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000216762
6	27202925	27203250	27203072	10	15	4	3.753756286	0.0020497	HIST1H2BJ	ENSG00000124635
6	27207595	27207911	27207756	24	28	3	8.504604085	1.43E-07	HIST1H2BJ	ENSG00000124635
6	27208647	27208849	27208748	8	11	2	4.692195357	0.00272444	HIST1H2AC	ENSG00000196787
6	27221819	27222009	27221914	9	10	4	2.580707446	0.0306059	HIST1H2BK	ENSG00000197903
6	27233340	27233543	27233441	10	11	2	4.692195357	0.00272444	HIST1H2AF	ENSG00000184825
6	27237972	27238278	27238125	10	13	7	2.052835469	0.046392	HIST1H2AF	ENSG00000184825
6	27327681	27327861	27327771	8	8	6	1.508205651	0.203852	PRSS16	ENSG00000112812
6	27350870	27351113	27350991	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000210450
6	27372277	27372513	27372406	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000210452
6	27388493	27388732	27388612	9	10	1	6.451768616	0.00135978	POM121L2	ENSG00000158553
6	27464548	27464890	27464719	16	21	2	8.602358155	3.33E-06	ZNF391	ENSG00000124613
6	27548797	27549141	27548965	11	15	2	6.256260476	0.000199274	ZNF184	ENSG00000096654
6	27581337	27581632	27581502	13	15	12	1.443752418	0.160732		ENSG00000218347
6	27632211	27632410	27632332	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000219738
6	27668326	27668661	27668493	11	16	8	2.215758919	0.0222902		ENSG00000206671

6	27744183	27744538	27744360	12	18	6	3.183989707	0.00227432		ENSG00000216676
6	27769546	27769905	27769722	8	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000216676
6	27914015	27914219	27914117	9	10	1	6.451768616	0.00135978	HIST1H2AK	ENSG00000184348
6	27940942	27941191	27941017	8	9	2	3.910162798	0.00955088	HIST1H2AL	ENSG00000198374
6	27947959	27948252	27948105	10	12	6	2.178519273	0.0416567	HIST1H3I	ENSG00000182572
6	27978652	27978835	27978743	10	10	8	1.433726359	0.209175	OR2B2	ENSG00000168131
6	28156574	28156871	28156705	13	17	3	5.278719777	0.000205462	ZNF165	ENSG00000197279
6	28180377	28180721	28180548	14	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000217751
6	28288138	28288402	28288270	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000176933
6	28300793	28301222	28301058	11	18	4	4.457585589	0.000353565	ZNF193	ENSG00000137185
6	28550283	28550475	28550385	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000210498
6	28565628	28565836	28565733	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000210498
6	33494407	33494625	33494474	8	9	4	2.346097679	0.050148	CUTA	ENSG00000112514
6	33647335	33647528	33647409	8	8	6	1.508205651	0.203852	BCL2L7P1	ENSG0000030110
6	33665548	33665792	33665670	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000197251
6	33675139	33675651	33675592	9	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000197251
6	33695989	33696168	33696078	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ITPR3	ENSG00000096433
6	33697459	33697781	33697618	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	ITPR3	ENSG00000096433
6	33716934	33717131	33717034	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	ITPR3	ENSG00000096433
6	33776161	33776482	33776331	12	15	6	2.68125449	0.0103552	C6orf125	ENSG00000137288
6	33787282	33787467	33787374	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C6orf125	ENSG00000137288
6	33807711	33807986	33807864	11	13	4	3.28453675	0.00629037	IHPK3	ENSG00000161896
6	33820189	33820630	33820431	28	39	0	46.92195357	3.29E-14	IHPK3	ENSG00000161896
6	33828016	33828369	33828193	14	19	4	4.692195357	0.000193572	IHPK3	ENSG00000161896
6	33838039	33838245	33838142	8	9	6	1.675784056	0.141978	IHPK3	ENSG00000161896
6	34041853	34042126	34041981	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221697
6	34063400	34063801	34063579	11	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000221697
6	34064055	34064347	34064204	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000221697
6	34255776	34255990	34255937	8	9	2	3.910162798	0.00955088	GRM4	ENSG00000124493
6	34535764	34535958	34535861	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PACSIN1	ENSG00000124507
6	34612242	34612755	34612497	14	27	11	2.737113958	0.00100133	SPDEF	ENSG00000124664
6	34620745	34621063	34620904	9	13	5	2.737113958	0.0137917	SPDEF	ENSG00000124664
6	34833026	34833283	34833162	12	13	5	2.737113958	0.0137917	SNRPC	ENSG00000124562
6	34963646	34964034	34963797	9	14	9	1.759573259	0.0786014	TAF11	ENSG00000064995

6	35335294	35335514	35335404	17	18	1	11.14396397	4.44E-06	ZNF76	ENSG00000065029
6	35336647	35336846	35336746	10	10	1	6.451768616	0.00135978	ZNF76	ENSG00000065029
6	35373385	35373701	35373543	19	22	5	4.496687217	9.59E-05	DEF6	ENSG00000023892
6	35394010	35394244	35394113	8	10	0	12.90353723	0.000195991	DEF6	ENSG00000023892
6	35417714	35418253	35417992	22	35	7	5.278719777	3.74E-07	PPARD	ENSG00000112033
6	35537113	35537310	35537211	10	10	3	3.225884308	0.0139466	RPL10A	ENSG00000198755
6	35543905	35544213	35544057	11	15	7	2.346097679	0.0195693	RPL10A	ENSG00000198755
6	35562018	35562259	35562166	17	19	1	11.73048839	2.14E-06	TEAD3	ENSG00000007866
6	35802264	35802555	35802392	9	12	2	5.083211637	0.00143337	FKBP5	ENSG00000096060
6	35807995	35808306	35808150	10	14	0	17.59573259	8.79E-06	FKBP5	ENSG00000096060
6	35858237	35858493	35858365	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C6orf127	ENSG00000204140
6	36103197	36103441	36103319	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	MAPK14	ENSG00000112062
6	36199673	36199870	36199771	9	9	6	1.675784056	0.141978	MAPK13	ENSG00000156711
6	36230096	36230543	36230275	14	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000221743
6	36438563	36438883	36438723	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ETV7	ENSG00000010030
6	36449466	36449770	36449598	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ETV7	ENSG00000010030
6	36669264	36669494	36669383	9	9	2	3.910162798	0.00955088	SFRS3	ENSG00000112081
6	36670090	36670309	36670164	11	13	2	5.474227917	0.000747844	SFRS3	ENSG00000112081
6	36683768	36684064	36683906	16	17	1	10.55743955	9.18E-06	SFRS3	ENSG00000112081
6	36692728	36693146	36692905	14	21	2	8.602358155	3.33E-06	SFRS3	ENSG00000112081
6	36699206	36699502	36699354	16	17	3	5.278719777	0.000205462	SFRS3	ENSG00000112081
6	36742584	36743273	36743001	184	227	4	53.49102707	1.43E-70		ENSG00000213500
6	36751718	36752623	36752211	414	588	10	62.81143331	9.47E-181	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36752718	36753353	36753120	165	232	7	34.16504745	3.31E-68	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36753364	36753907	36753728	10	22	10	2.452738482	0.00515848	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36754039	36754835	36754237	29	57	10	6.185166607	2.01E-11	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36754926	36755405	36755096	8	15	4	3.753756286	0.0020497	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36756214	36756627	36756393	15	22	1	13.49006165	2.37E-07	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36758203	36758619	36758379	42	55	2	21.89691167	6.60E-17	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36764448	36764775	36764611	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000196624
6	36834954	36835155	36835008	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000214771
6	36938085	36938348	36938229	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	C6orf89	ENSG00000198663
6	36988539	36988759	36988604	9	11	1	7.038293036	0.000674435	C6orf89	ENSG00000198663
6	37046814	37047008	37046921	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000216412

6	37093868	37094230	37094022	10	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000146192
6	37147481	37147731	37147609	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000146192
6	37320417	37320925	37320767	27	36	2	14.46760235	7.62E-11		ENSG00000210733
6	37457412	37457599	37457504	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000223195
6	37549175	37549557	37549354	20	28	6	4.859773763	8.07E-06	C6orf129	ENSG00000198937
6	37591804	37592093	37591971	11	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000204110
6	37676446	37676645	37676544	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000204110
6	37828554	37828907	37828730	10	16	1	9.970915134	1.89E-05	MDGA1	ENSG00000112139
6	37867204	37867454	37867329	10	12	3	3.812408728	0.004404	ZFAND3	ENSG00000156639
6	37884012	37884250	37884117	18	19	6	3.351568112	0.00134187	ZFAND3	ENSG00000156639
6	37965319	37965866	37965526	12	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000200597
6	38180898	38181118	38181008	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000218521
6	38470113	38470356	38470233	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	BTBD9	ENSG00000183826
6	39082603	39082835	39082754	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000220556
6	39169064	39169385	39169208	14	17	4	4.222975822	0.000640773	C6orf64	ENSG00000112167
6	39213081	39213260	39213170	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C6orf64	ENSG00000112167
6	39468046	39468281	39468163	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000218986
6	39999059	39999396	39999227	10	14	3	4.398933147	0.00132748	MOCS1	ENSG00000124615
6	40259794	40260121	40259957	23	26	3	7.918079665	5.55E-07		ENSG00000204092
6	40404411	40404596	40404503	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000204092
6	40472209	40472853	40472621	55	84	9	9.970915134	1.01E-19		ENSG00000210787
6	40495236	40495415	40495281	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210787
6	40599193	40599764	40599412	28	50	1	29.9127454	1.84E-16	LRFN2	ENSG00000156564
6	40705719	40705898	40705808	8	8	0	10.55743955	0.000925496	LRFN2	ENSG00000156564
6	40790612	40790839	40790719	11	13	3	4.105670938	0.00243034	LRFN2	ENSG00000156564
6	40983049	40983498	40983319	20	29	4	7.038293036	3.41E-07	UNC5CL	ENSG00000124602
6	40988121	40988377	40988237	9	11	3	3.519146518	0.00788869	UNC5CL	ENSG00000124602
6	41147506	41147766	41147616	9	12	3	3.812408728	0.004404	C6orf130	ENSG00000124596
6	41186872	41187248	41187012	10	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000217602
6	41265436	41265935	41265756	27	40	2	16.03166747	4.15E-12	TREML2	ENSG00000112195
6	41356110	41356358	41356234	9	9	3	2.932622098	0.0242899	TREM1	ENSG00000124731
6	41394669	41394962	41394834	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000213461
6	41420033	41420217	41420177	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NCR2	ENSG00000096264
6	41443577	41443839	41443683	10	12	4	3.049926982	0.0108184	NCR2	ENSG00000096264

6	41612631	41612900	41612738	21	24	1	14.66311049	5.43E-08	FOXP4	ENSG00000137166
6	41660471	41660656	41660560	9	11	3	3.519146518	0.00788869	FOXP4	ENSG00000137166
6	41689299	41689546	41689375	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000214738
6	41728849	41729265	41729028	13	21	4	5.161414893	5.68E-05		ENSG00000220573
6	41757977	41758171	41758074	10	12	3	3.812408728	0.004404	TFEB	ENSG00000112561
6	41811319	41811500	41811403	9	9	0	11.73048839	0.000425898	TFEB	ENSG00000112561
6	41844404	41844821	41844612	28	38	0	45.74890473	7.15E-14	FRS3	ENSG00000137218
6	41851679	41851894	41851781	8	8	5	1.759573259	0.13508	FRS3	ENSG00000137218
6	41855614	41855882	41855749	10	10	3	3.225884308	0.0139466	FRS3	ENSG00000137218
6	41863236	41863574	41863408	16	20	8	2.737113958	0.0036449	TOMM6	ENSG00000214736
6	41877165	41877405	41877299	8	9	3	2.932622098	0.0242899	TOMM6	ENSG00000214736
6	41922076	41922821	41922501	87	147	4	34.72224564	2.41E-44		ENSG00000206977
6	42121487	42121681	42121560	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CCND3	ENSG00000112576
6	42151213	42151482	42151347	16	17	2	7.038293036	5.19E-05	TAF8	ENSG00000137413
6	42293498	42293777	42293628	12	13	3	4.105670938	0.00243034	MRPS10	ENSG00000048544
6	42401993	42402236	42402095	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000210840
6	42789672	42789886	42789829	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PRPH2	ENSG00000112619
6	42821656	42821872	42821770	9	9	4	2.346097679	0.050148	TBCC	ENSG00000124659
6	42822660	42823135	42822989	9	20	4	4.926805125	0.00010522	KIAA0240	ENSG00000112624
6	42858493	42858697	42858595	9	10	4	2.580707446	0.0306059	KIAA0240	ENSG00000112624
6	42955250	42955517	42955383	10	10	1	6.451768616	0.00135978	RPL7L1	ENSG00000146223
6	42955601	42955902	42955746	10	12	7	1.906204364	0.0695918	RPL7L1	ENSG00000146223
6	42966347	42966749	42966575	17	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000221821
6	43129595	43129891	43129765	9	12	7	1.906204364	0.0695918	CUL7	ENSG00000044090
6	43172031	43172676	43172460	93	132	3	39.00387391	9.72E-41		ENSG00000223079
6	43246489	43246726	43246594	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SRF	ENSG00000112658
6	43500115	43500339	43500199	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ABCC10	ENSG00000124574
6	43502919	43503393	43503159	8	18	4	4.457585589	0.000353565	ABCC10	ENSG00000124574
6	43616426	43616680	43616552	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000219470
6	43651797	43652218	43651986	48	60	1	35.7779896	9.32E-20	POLH	ENSG00000170734
6	43705678	43705891	43705793	8	9	6	1.675784056	0.141978	GTPBP2	ENSG00000172432
6	43743965	43744582	43744265	16	34	2	13.68556979	3.24E-10		ENSG00000210930
6	43849051	43849280	43849130	9	10	1	6.451768616	0.00135978	VEGFA	ENSG00000112715
6	43882096	43882313	43882204	9	10	1	6.451768616	0.00135978	VEGFA	ENSG00000112715

6	43883185	43883447	43883316	15	16	5	3.323638378	0.00288759	VEGFA	ENSG00000112715
6	43931866	43932111	43931988	8	9	4	2.346097679	0.050148	VEGFA	ENSG00000112715
6	44042142	44042464	44042303	12	16	2	6.647276756	0.000101928	C6orf223	ENSG00000181577
6	44150363	44150565	44150466	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000183239
6	44160371	44160621	44160536	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000183239
6	44204318	44204667	44204492	15	19	3	5.865244197	5.72E-05	TMEM63B	ENSG00000137216
6	44322656	44322897	44322726	11	13	2	5.474227917	0.000747844	HSP90AB1	ENSG00000096384
6	44552216	44552396	44552306	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CDC5L	ENSG00000096401
6	44760900	44761332	44761115	85	104	2	41.05670938	6.81E-33	SUPT3H	ENSG00000196284
6	44860878	44861164	44861030	18	19	1	11.73048839	2.14E-06	SUPT3H	ENSG00000196284
6	45495214	45495596	45495393	13	21	5	4.301179077	0.000172642	RUNX2	ENSG00000124813
6	45564534	45564713	45564639	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RUNX2	ENSG00000124813
6	45631656	45631887	45631800	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000210937
6	45644867	45645046	45644978	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210937
6	45684567	45684786	45684639	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000210937
6	45786377	45786639	45786508	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000210937
6	46111167	46111346	46111256	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000220020
6	46728226	46728423	46728328	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CYP39A1	ENSG00000146233
6	46897231	46897722	46897523	27	37	1	22.28792795	3.34E-12	MEP1A	ENSG00000112818
6	47243983	47244237	47244085	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	GPR110	ENSG00000153292
6	47245676	47245971	47245809	10	12	1	7.624817456	0.000332769	GPR110	ENSG00000153292
6	47557584	47557866	47557725	28	31	4	7.507512572	9.10E-08	CD2AP	ENSG00000198087
6	47745740	47746014	47745873	8	12	3	3.812408728	0.004404	GPR111	ENSG00000164393
6	47766088	47766275	47766164	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GPR115	ENSG00000153294
6	47774071	47774276	47774187	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	GPR115	ENSG00000153294
6	48186700	48187127	48186950	38	54	1	32.25884308	8.88E-18		ENSG00000214653
6	49340589	49340844	49340718	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000217631
6	49626305	49626565	49626409	10	12	1	7.624817456	0.000332769	C6orf141	ENSG00000197261
6	49966763	49966998	49966880	10	11	5	2.346097679	0.0364013	CRISP1	ENSG00000124812
6	51027794	51028013	51027903	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213362
6	51445899	51446273	51446078	16	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000212532
6	51576569	51576816	51576679	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000214641
6	51932671	51932870	51932810	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000211003
6	52036466	52036685	52036573	8	8	2	3.519146518	0.017558	PKHD1	ENSG00000170927



6	52259617	52259810	52259713	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MCM3	ENSG00000112118
6	52472388	52472628	52472508	12	12	1	7.624817456	0.000332769	TRAM2	ENSG00000065308
6	52524171	52524478	52524333	15	17	9	2.111487911	0.0248715	TRAM2	ENSG00000065308
6	52561909	52562163	52562036	13	14	6	2.513676084	0.016726	TRAM2	ENSG00000065308
6	52697290	52697502	52697396	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000218929
6	52788320	52788537	52788449	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000218222
6	52849131	52849596	52849417	12	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000216211
6	52969472	52969666	52969569	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000202198
6	52984811	52985241	52984990	8	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000202198
6	53034400	53034738	53034569	14	18	3	5.571981987	0.000108726	ICK	ENSG00000112144
6	53037489	53037893	53037604	12	18	7	2.785990993	0.00480525	FBXO9	ENSG00000112146
6	53299405	53299761	53299583	8	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000217527
6	53437359	53437550	53437452	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000212065
6	53437740	53438136	53437919	13	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000212065
6	53438494	53438858	53438681	14	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000212065
6	53445750	53446123	53445929	19	26	1	15.83615933	1.23E-08		ENSG00000212065
6	53517727	53518025	53517861	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	GCLC	ENSG00000001084
6	53520626	53521189	53520791	11	24	2	9.775406994	4.09E-07	GCLC	ENSG00000001084
6	53691789	53692008	53691898	8	8	8	1.173048839	0.36929	KLHL31	ENSG00000124743
6	53717131	53717507	53717307	12	18	6	3.183989707	0.00227432	LRRC1	ENSG00000137269
6	53766993	53767328	53767090	8	13	5	2.737113958	0.0137917	LRRC1	ENSG00000137269
6	53767383	53767658	53767546	8	9	12	0.902345261	0.602772	LRRC1	ENSG00000137269
6	53783964	53784361	53784099	18	24	1	14.66311049	5.43E-08	LRRC1	ENSG00000137269
6	53842828	53843162	53842996	21	25	5	5.083211637	1.58E-05	LRRC1	ENSG00000137269
6	53900031	53900233	53900097	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000218143
6	53935534	53935721	53935583	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000218143
6	54088755	54089150	54088972	45	55	3	16.42268375	7.12E-16	C6orf142	ENSG00000146147
6	54334574	54334755	54334675	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TINAG	ENSG00000137251
6	54683323	54683516	54683419	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000220635
6	54688663	54689007	54688835	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220635
6	54690632	54690876	54690754	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000220635
6	54819146	54819684	54819381	10	21	7	3.225884308	0.00106152	FAM83B	ENSG00000168143
6	55184899	55185223	55185051	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	HCRTR2	ENSG00000137252
6	55609146	55609408	55609277	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000220725

6	55868849	55869073	55868961	9	10	3	3.225884308	0.0139466	BMP5	ENSG00000112175
6	55970326	55970622	55970471	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000214604
6	56342914	56343336	56343090	10	15	4	3.753756286	0.0020497	COL21A1	ENSG00000124749
6	56515134	56515326	56515230	8	9	4	2.346097679	0.050148	DST	ENSG00000151914
6	56815849	56816052	56815941	8	9	3	2.932622098	0.0242899	DST	ENSG00000151914
6	56928007	56928254	56928130	11	11	4	2.815317214	0.0183428	BEND6	ENSG00000151917
6	56971984	56972265	56972149	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000218980
6	57002551	57002852	57002691	14	16	2	6.647276756	0.000101928	KIAA1586	ENSG00000168116
6	57062791	57063026	57062908	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF451	ENSG00000112200
6	57194191	57194455	57194296	9	10	1	6.451768616	0.00135978	RAB23	ENSG00000112210
6	57255893	57256250	57256078	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	PRIM2	ENSG00000146143
6	57290131	57290492	57290307	10	15	2	6.256260476	0.000199274	PRIM2	ENSG00000146143
6	57464665	57464982	57464823	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PRIM2	ENSG00000146143
6	57562416	57562609	57562485	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000214566
6	57573542	57574184	57573924	32	51	3	15.24963491	1.29E-14		ENSG00000214566
6	58881683	58882029	58881859	30	30	39	0.90911285	0.658237		ENSG00000214561
6	58882341	58882680	58882510	33	35	44	0.938439071	0.614808		ENSG00000214561
6	58882794	58883128	58882955	22	24	19	1.466311049	0.0993901		ENSG00000214561
6	58884052	58887381	58886885	209	1586	2303	0.807998484	1		ENSG00000214561
6	58887625	58887957	58887791	21	21	22	1.122046716	0.351409		ENSG00000214561
6	61958641	61958973	61958807	37	37	44	0.990574575	0.519566		ENSG00000220030
6	61959518	61959848	61959683	17	17	12	1.62422147	0.088135		ENSG00000220030
6	61967747	61967929	61967773	9	9	15	0.733155525	0.788527		ENSG00000220030
6	61971328	61971656	61971492	9	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000220030
6	63767261	63767511	63767386	13	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000217477
6	64333437	64333707	64333572	9	12	5	2.541605819	0.0225912	PTP4A1	ENSG00000112245
6	64341387	64342014	64341583	157	206	4	48.56422195	1.17E-63	PTP4A1	ENSG00000112245
6	64342239	64342478	64342351	12	13	2	5.474227917	0.000747844	PTP4A1	ENSG00000112245
6	64366582	64366772	64366666	11	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000213309
6	65517460	65517885	65517656	13	24	0	29.32622098	3.74E-09		ENSG00000219332
6	69006047	69006369	69006208	22	24	0	29.32622098	3.74E-09		ENSG00000218834
6	72132356	72132807	72132516	12	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000199094
6	72134080	72134760	72134351	202	250	4	58.88705173	3.68E-78		ENSG00000199094
6	72134876	72135073	72135015	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000199094

6	72982757	72982965	72982861	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000218732
6	73554059	73554280	73554169	8	9	2	3.910162798	0.00955088	KCNQ5	ENSG00000185760
6	73794855	73795109	73794982	9	12	1	7.624817456	0.000332769	KCNQ5	ENSG00000185760
6	73798212	73798652	73798462	11	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000198191
6	74287245	74287751	74287422	12	23	5	4.692195357	5.29E-05	EEF1AL3	ENSG00000156508
6	75997068	75997279	75997173	8	8	1	5.278719777	0.00542188	COX7A2	ENSG00000112695
6	76038591	76038955	76038770	15	22	1	13.49006165	2.37E-07	TMEM30A	ENSG00000112697
6	76513928	76514130	76513986	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MYO6	ENSG00000196586
6	79019493	79019748	79019613	15	16	0	19.94183027	1.86E-06		
6	79901251	79901599	79901413	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	PHIP	ENSG00000146247
6	80219944	80220442	80220180	33	51	0	60.99853964	2.97E-18		ENSG00000218748
6	80715681	80715870	80715788	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ELOVL4	ENSG00000118402
6	80770704	80771018	80770865	9	13	1	8.211341875	0.000163445	TTK	ENSG00000112742
6	80995275	80995526	80995401	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	BCKDHB	ENSG00000083123
6	81302646	81303047	81302860	40	54	1	32.25884308	8.88E-18		ENSG00000216352
6	82526323	82526674	82526498	30	35	0	42.22975822	7.34E-13		ENSG00000206886
6	83026818	83026999	83026908	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000220537
6	83130541	83130729	83130635	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TPBG	ENSG00000146242
6	83336577	83336888	83336732	9	14	3	4.398933147	0.00132748	TPBG	ENSG00000146242
6	84198237	84198430	84198285	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ME1	ENSG00000065833
6	85602685	85603023	85602854	20	24	2	9.775406994	4.09E-07	TBX18	ENSG00000112837
6	88188103	88188354	88188237	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000216324
6	88498381	88498575	88498478	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000211421
6	88615063	88615274	88615180	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000211983
6	89848265	89848467	89848365	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PNRC1	ENSG00000146278
6	90009058	90009298	90009178	10	10	0	12.90353723	0.000195991	GABRR1	ENSG00000146276
6	90202625	90202886	90202755	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ANKRD6	ENSG00000135299
6	92096722	92096946	92096841	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000209145
6	92475108	92475293	92475246	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000209145
6	92510971	92511281	92511111	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000209300
6	94911263	94911701	94911468	44	57	3	17.00920817	1.67E-16		ENSG00000220370
6	96278408	96278587	96278544	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219549
6	96710929	96711448	96711269	30	42	4	10.08822002	5.25E-11		ENSG00000223167
6	100391080	100391411	100391245	28	28	2	11.33947211	2.41E-08	MCHR2	ENSG00000152034

6	100551733	100552033	100551871	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	MCHR2	ENSG00000152034
6	101047751	101048000	101047875	13	14	2	5.865244197	0.000387308	SIM1	ENSG00000112246
6	101435333	101435684	101435508	17	21	7	3.225884308	0.00106152	ASCC3	ENSG00000112249
6	102953480	102953960	102953760	32	44	0	52.78719777	6.79E-16		ENSG00000219757
6	104125145	104125331	104125217	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000202283
6	106546135	106546397	106546267	16	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000200198
6	106652740	106653507	106653166	31	51	3	15.24963491	1.29E-14	PRDM1	ENSG00000057657
6	106880212	106880438	106880312	9	10	4	2.580707446	0.0306059	ATG5	ENSG00000057663
6	106914738	106915073	106914980	9	13	2	5.474227917	0.000747844	ATG5	ENSG00000057663
6	106999549	106999811	106999680	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000202386
6	107328165	107328533	107328289	9	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000207577
6	107352899	107353107	107353021	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000207577
6	107613599	107613779	107613663	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214985
6	107630720	107630936	107630805	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214985
6	107656759	107656946	107656852	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000203285
6	107658288	107658813	107658562	64	79	5	15.64065119	1.72E-21		ENSG00000220237
6	108049030	108049300	108049167	10	10	1	6.451768616	0.00135978	SOBP	ENSG00000112320
6	108086857	108087042	108086955	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SOBP	ENSG00000112320
6	108555829	108556010	108555919	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NR2E1	ENSG00000112333
6	108986320	108986705	108986573	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	FOXO3	ENSG00000118689
6	109167465	109167816	109167640	9	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000203801
6	109325254	109325716	109325473	143	186	1	109.6800665	9.47E-62		ENSG00000185796
6	109344241	109344474	109344347	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000185796
6	109375444	109375728	109375598	19	23	3	7.038293036	4.15E-06		ENSG00000185796
6	109436630	109437343	109436898	40	78	6	13.23869404	2.72E-20	SESN1	ENSG00000080546
6	109437470	109437796	109437633	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	SESN1	ENSG00000080546
6	109810781	109810969	109810838	10	10	1	6.451768616	0.00135978	CD164	ENSG00000135535
6	109811042	109811227	109811178	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CD164	ENSG00000135535
6	110148220	110148434	110148349	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FIG4	ENSG00000112367
6	110310014	110310418	110310216	27	37	1	22.28792795	3.34E-12	GPR6	ENSG00000146360
6	110493351	110493625	110493485	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	GPR6	ENSG00000146360
6	111387952	111388164	111388044	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GTF3C6	ENSG00000155115
6	111534944	111535371	111535141	63	77	0	91.49780947	5.11E-27		ENSG00000200926
6	111906715	111906960	111906860	12	13	7	2.052835469	0.046392	REV3L	ENSG00000009413

6	111911028	111911225	111911126	9	10	0	12.90353723	0.000195991	REV3L	ENSG00000009413
6	111911720	111912320	111912012	182	258	2	101.2732165	4.98E-84	REV3L	ENSG00000009413
6	112020665	112020892	112020764	8	10	1	6.451768616	0.00135978	TRAF3IP2	ENSG00000056972
6	112070465	112070680	112070608	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000208826
6	112415211	112415568	112415389	37	43	1	25.80707446	3.65E-14	WISP3	ENSG00000112761
6	114070948	114071249	114071096	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000221559
6	114422740	114422924	114422832	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HDAC2	ENSG00000196591
6	115498628	115499218	115498932	33	47	1	28.15317214	1.78E-15		ENSG00000208800
6	116780503	116780744	116780623	9	10	1	6.451768616	0.00135978	DSE	ENSG00000111817
6	116985745	116986146	116985889	9	14	3	4.398933147	0.00132748	FAM26D	ENSG00000164451
6	119001777	119002215	119002022	49	59	1	35.19146518	1.99E-19		ENSG00000217330
6	119600137	119600550	119600372	138	175	167	1.228908308	0.028047		ENSG00000216316
6	119847579	119847838	119847740	9	9	2	3.910162798	0.00955088	MAN1A1	ENSG00000111885
6	120127829	120128124	120127989	13	13	0	16.42268375	1.91E-05	MAN1A1	ENSG00000111885
6	121956147	121956371	121956259	10	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000222659
6	122212488	122212667	122212577	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000220184
6	123003203	123003521	123003366	19	21	0	25.80707446	3.84E-08	PKIB	ENSG00000135549
6	123059943	123060169	123060056	8	10	2	4.301179077	0.00512919	PKIB	ENSG00000135549
6	125408900	125409229	125409064	25	28	1	17.00920817	2.80E-09	RNF217	ENSG00000146373
6	125516447	125516660	125516557	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125517688	125518053	125517862	10	16	5	3.323638378	0.00288759	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125560804	125560998	125560900	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125565164	125565450	125565322	19	21	5	4.301179077	0.000172642	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125567960	125568246	125568110	8	11	1	7.038293036	0.000674435	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125947392	125947733	125947562	17	22	2	8.993374435	1.66E-06	HEY2	ENSG00000135547
6	126143045	126143232	126143168	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NCOA7	ENSG00000111912
6	126358810	126359115	126358962	8	11	2	4.692195357	0.00272444	TRMT11	ENSG00000066651
6	127949173	127949623	127949349	29	38	0	45.74890473	7.15E-14	C6orf58	ENSG00000184530
6	128857326	128857518	128857445	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PTPRK	ENSG00000152894
6	129509686	129510053	129509879	20	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000219642
6	131220391	131220667	131220521	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	EPB41L2	ENSG00000079819
6	131562591	131562890	131562726	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000218857
6	131990863	131991301	131991089	14	22	4	5.396024661	3.05E-05	MED23	ENSG00000112282
6	133176970	133177200	133177070	11	13	3	4.105670938	0.00243034	RPS12	ENSG00000112306

6	133635621	133635956	133635788	24	26	22	1.377057333	0.128834	ENSG00000208647
6	133702411	133702691	133702573	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	ENSG00000208647
6	134108672	134108924	134108798	12	13	2	5.474227917	0.000747844	ENSG00000218213
6	134315690	134316089	134315925	10	16	6	2.848832895	0.00632407	TBPL1 ENSG00000028839
6	134420271	134420760	134420582	11	19	0	23.46097679	1.81E-07	SLC2A12 ENSG00000146411
6	135548329	135548677	135548503	11	14	2	5.865244197	0.000387308	MYB ENSG00000118513
6	135603639	135603867	135603699	16	16	1	9.970915134	1.89E-05	ENSG00000207689
6	135614420	135614622	135614512	8	8	6	1.508205651	0.203852	ENSG00000207689
6	136295552	136295848	136295712	11	13	4	3.28453675	0.00629037	ENSG00000222121
6	137007099	137007278	137007204	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ENSG00000212242
6	137082131	137082406	137082281	13	14	3	4.398933147	0.00132748	MAP3K5 ENSG00000197442
6	137154175	137154354	137154260	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MAP3K5 ENSG00000197442
6	137155733	137156039	137155907	10	13	4	3.28453675	0.00629037	MAP3K5 ENSG00000197442
6	137520482	137520860	137520661	15	23	2	9.384390715	8.25E-07	IL22RA2 ENSG00000164485
6	137839441	137839725	137839583	9	13	3	4.105670938	0.00243034	OLIG3 ENSG00000177468
6	138229936	138230138	138230049	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TNFAIP3 ENSG00000118503
6	138397788	138398249	138398025	112	136	3	40.17692275	4.76E-42	ENSG00000219463
6	138449397	138449626	138449507	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PERP ENSG00000112378
6	138451115	138451377	138451246	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PERP ENSG00000112378
6	138591989	138592204	138592124	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	PBOV1 ENSG00000217912
6	138766850	138767035	138766927	8	8	3	2.639359888	0.0415794	HEBP2 ENSG00000051620
6	139118882	139119085	139118983	9	9	0	11.73048839	0.000425898	CCDC28A ENSG00000024862
6	139177029	139177302	139177165	11	14	3	4.398933147	0.00132748	C6orf91 ENSG00000203734
6	139180737	139181097	139180920	28	34	3	10.26417734	2.27E-09	ENSG00000218003
6	139738271	139738615	139738445	16	21	4	5.161414893	5.68E-05	CITED2 ENSG00000164442
6	139794112	139794402	139794255	16	17	4	4.222975822	0.000640773	CITED2 ENSG00000164442
6	139799509	139799757	139799633	10	11	2	4.692195357	0.00272444	CITED2 ENSG00000164442
6	139815471	139815717	139815594	10	10	0	12.90353723	0.000195991	CITED2 ENSG00000164442
6	140116397	140116576	140116486	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000205695
6	140825642	140825889	140825765	14	14	0	17.59573259	8.79E-06	ENSG00000221336
6	142509804	142510142	142509974	11	14	2	5.865244197	0.000387308	VTA1 ENSG00000009844
6	142665286	142665519	142665347	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	GPR126 ENSG00000112414
6	142741145	142741334	142741165	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GPR126 ENSG00000112414
6	143208873	143209052	143208962	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HIVEP2 ENSG00000010818

6	143649050	143649301	143649175	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000217495
6	143691803	143692103	143691949	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000216642
6	143813489	143813742	143813628	16	18	1	11.14396397	4.44E-06	PEX3	ENSG00000034693
6	143814122	143814304	143814213	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PEX3	ENSG00000034693
6	144514061	144514277	144514144	8	8	3	2.639359888	0.0415794	STX11	ENSG00000135604
6	144579251	144579590	144579428	9	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000217027
6	145020569	145020819	145020659	10	11	1	7.038293036	0.000674435	UTRN	ENSG00000152818
6	147220245	147220531	147220393	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000203728
6	147268314	147268540	147268478	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000216063
6	147407092	147407423	147407257	31	34	0	41.05670938	1.59E-12		ENSG00000216063
6	148538727	148538936	148538831	10	10	2	4.301179077	0.00512919	SASH1	ENSG00000111961
6	148736891	148737182	148737036	10	13	2	5.474227917	0.000747844	SASH1	ENSG00000111961
6	149219219	149219599	149219420	9	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000203725
6	149248820	149249223	149248999	25	34	4	8.211341875	1.23E-08		ENSG00000203725
6	149394915	149395140	149395027	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000219487
6	149442429	149442625	149442527	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000219487
6	149442631	149443073	149442844	38	51	6	8.714077092	3.28E-12		ENSG00000219487
6	149445122	149445333	149445201	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000219487
6	149699381	149699826	149699640	85	100	2	39.49264426	1.41E-31	MAP3K7IP2	ENSG00000055208
6	149741847	149742169	149741999	13	16	1	9.970915134	1.89E-05	SUMO4	ENSG00000177688
6	149841533	149841845	149841712	18	22	0	26.9801233	1.77E-08	ZC3H12D	ENSG00000178199
6	150072288	150072467	150072377	8	8	2	3.519146518	0.017558	LATS1	ENSG00000131023
6	150613782	150614117	150613949	13	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000201628
6	150963760	150963986	150963857	11	12	9	1.524963491	0.154777	PLEKHG1	ENSG00000120278
6	151220000	151220554	151220199	43	58	0	69.20988152	1.30E-20	MTHFD1L	ENSG00000120254
6	151430830	151431069	151430949	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000221469
6	151762645	151762826	151762752	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZBTB2	ENSG00000181472
6	151815030	151815376	151815203	11	17	4	4.222975822	0.000640773	C6orf211	ENSG00000146476
6	151886748	151887272	151887093	31	42	0	50.44110009	3.21E-15	C6orf97	ENSG00000120262
6	151920853	151921163	151921023	11	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000207422
6	152020815	152021152	152020983	21	27	6	4.692195357	1.46E-05	ESR1	ENSG00000091831
6	152021582	152021831	152021706	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ESR1	ENSG00000091831
6	152027964	152028164	152028064	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ESR1	ENSG00000091831
6	152038657	152038861	152038799	9	9	6	1.675784056	0.141978	ESR1	ENSG00000091831

6	152046193	152046440	152046316	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	ESR1	ENSG00000091831
6	152128331	152128711	152128506	63	68	2	26.9801233	4.10E-21	ESR1	ENSG00000091831
6	152537016	152537200	152537095	9	9	3	2.932622098	0.0242899	SYNE1	ENSG00000131018
6	152584590	152585073	152584831	50	72	0	85.63256527	2.48E-25	SYNE1	ENSG00000131018
6	152676826	152677225	152677005	33	44	0	52.78719777	6.79E-16	SYNE1	ENSG00000131018
6	152938692	152939053	152938841	14	20	0	24.63402563	8.35E-08	SYNE1	ENSG00000131018
6	154090911	154091091	154091040	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000199246
6	154518998	154519227	154519112	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000218017
6	154655839	154656165	154656015	10	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000074706
6	154829083	154829296	154829189	9	10	3	3.225884308	0.0139466	CNKSR3	ENSG00000153721
6	154978409	154978695	154978553	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000219146
6	155038504	155038686	155038595	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205625
6	155096738	155097067	155096902	8	14	3	4.398933147	0.00132748	RBM16	ENSG00000213079
6	156736795	156737105	156736950	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000212295
6	157082669	157082920	157082766	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000220347
6	157190210	157190547	157190380	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	ARID1B	ENSG00000049618
6	157343489	157343746	157343617	13	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000218596
6	157664377	157664705	157664540	9	12	2	5.083211637	0.00143337	C6orf35	ENSG00000122339
6	157897728	157897987	157897866	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000219448
6	157989518	157989946	157989720	27	40	0	48.09500241	1.51E-14	ZDHHC14	ENSG00000175048
6	158104295	158104715	158104474	13	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000208440
6	158105585	158105908	158105735	8	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000208440
6	158330849	158331159	158331014	15	18	7	2.785990993	0.00480525	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158349279	158349563	158349431	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158381365	158381664	158381514	29	32	3	9.677652924	9.12E-09	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158390471	158391141	158390672	22	47	7	7.038293036	2.04E-10	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158401442	158401684	158401563	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158463210	158463480	158463345	19	21	2	8.602358155	3.33E-06	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158718980	158719230	158719100	12	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000208435
6	159004663	159004903	159004812	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SYTL3	ENSG00000164674
6	159007762	159008012	159007887	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SYTL3	ENSG00000164674
6	159190819	159191116	159190967	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000213077
6	159238307	159238666	159238486	19	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000213076
6	159251447	159251673	159251572	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000213076



6	159341042	159341232	159341174	8	9	5	1.955081399	0.0892323	RSPH3	ENSG00000130363
6	159593942	159594259	159594098	39	42	2	16.81370003	9.62E-13	FNDC1	ENSG00000164694
6	159802404	159802606	159802505	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216480
6	159950075	159950286	159950183	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000216480
6	160131499	160131751	160131610	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	MRPL18	ENSG00000112110
6	160187377	160187586	160187481	10	10	0	12.90353723	0.000195991	PNLDC1	ENSG00000146453
6	163728396	163728738	163728567	36	42	0	50.44110009	3.21E-15		ENSG00000217514
6	163975425	163976098	163975848	132	184	1	108.5070176	4.42E-61		ENSG00000222470
6	165714307	165714549	165714426	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199523
6	165760489	165760670	165760585	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000199523
6	165965802	165966060	165965931	9	9	2	3.910162798	0.00955088	PDE10A	ENSG00000112541
6	166168063	166168468	166168242	10	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000222214
6	166681452	166681654	166681506	9	10	2	4.301179077	0.00512919	SFT2D1	ENSG00000198818
6	167959143	167959472	167959301	12	15	2	6.256260476	0.000199274	C6orf124	ENSG00000198221
6	168204018	168204264	168204142	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	FRMD1	ENSG00000153303
6	168759564	168759761	168759662	13	13	0	16.42268375	1.91E-05	SMOC2	ENSG00000112562
6	169037133	169037480	169037306	13	19	0	23.46097679	1.81E-07	SMOC2	ENSG00000112562
6	170183701	170183948	170183822	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000218716
6	170383481	170383873	170383677	29	38	0	45.74890473	7.15E-14		ENSG00000218716
6	170495801	170496147	170495974	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	FAM120B	ENSG00000112584
6	170704212	170704510	170704361	10	13	2	5.474227917	0.000747844	PSMB1	ENSG00000008018
6	170705212	170705482	170705371	9	12	3	3.812408728	0.004404	TBP	ENSG00000112592
7	525183	525494	525349	9	13	4	3.28453675	0.00629037	PDGFA	ENSG00000197461
7	528531	528831	528699	12	12	4	3.049926982	0.0108184	PDGFA	ENSG00000197461
7	545945	546556	546206	87	125	5	24.63402563	4.77E-36	PDGFA	ENSG00000197461
7	711585	711953	711663	11	17	3	5.278719777	0.000205462	PRKAR1B	ENSG00000188191
7	784755	784946	784863	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000206016
7	819296	819864	819594	10	22	11	2.248343609	0.0090389	UNC84A	ENSG00000164828
7	873436	873739	873587	9	14	2	5.865244197	0.000387308	C7orf20	ENSG00000105972
7	879486	879795	879639	9	12	3	3.812408728	0.004404	C7orf20	ENSG00000105972
7	887554	887930	887733	10	16	8	2.215758919	0.0222902	C7orf20	ENSG00000105972
7	999223	999693	999524	12	20	5	4.105670938	0.000308509	CYP2W1	ENSG00000073067
7	1035085	1035285	1035185	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000199023
7	1050424	1050657	1050533	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000212776

7	1053021	1053459	1053280	10	20	11	2.052835469	0.0201852		ENSG00000212776
7	1093212	1093441	1093326	10	12	2	5.083211637	0.00143337	GPER	ENSG00000164850
7	1143497	1143676	1143565	9	9	3	2.932622098	0.0242899	C7orf50	ENSG00000146540
7	1176112	1176341	1176226	12	13	8	1.824742639	0.0744168	ZFAND2A	ENSG00000178381
7	1182052	1182579	1182381	10	21	4	5.161414893	5.68E-05	ZFAND2A	ENSG00000178381
7	1275228	1275547	1275403	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	UNCX	ENSG00000164853
7	1308784	1309406	1309149	40	64	1	38.12408728	4.44E-21	UNCX	ENSG00000164853
7	1438669	1439061	1438890	8	12	2	5.083211637	0.00143337	MICALL2	ENSG00000164877
7	1512980	1513382	1513225	18	25	5	5.083211637	1.58E-05	INTS1	ENSG00000164880
7	1519455	1519699	1519524	9	12	2	5.083211637	0.00143337	INTS1	ENSG00000164880
7	1538819	1539273	1539094	13	22	6	3.854303329	0.000260696	MAFK	ENSG00000198517
7	1543094	1543696	1543469	12	26	3	7.918079665	5.55E-07	MAFK	ENSG00000198517
7	1562366	1562748	1562572	13	19	6	3.351568112	0.00134187	TMEM184A	ENSG00000215155
7	1576158	1576378	1576281	8	9	3	2.932622098	0.0242899	PSMG3	ENSG00000157778
7	1731826	1732055	1731925	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000205971
7	1764743	1765076	1764909	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000205971
7	1818256	1818536	1818396	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000176349
7	1857773	1858313	1857984	9	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000215135
7	1898324	1898703	1898528	11	17	5	3.519146518	0.00167472		ENSG00000215135
7	1902571	1902908	1902739	14	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000215135
7	1944596	1944802	1944646	13	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000215135
7	1986159	1986587	1986374	20	30	2	12.12150467	5.77E-09		ENSG00000215135
7	2174739	2174933	2174796	10	10	4	2.580707446	0.0306059	MAD1L1	ENSG00000002822
7	2176071	2176842	2176323	246	328	6	55.13329545	5.99E-101	MAD1L1	ENSG00000002822
7	2178980	2179341	2179162	14	21	5	4.301179077	0.000172642	MAD1L1	ENSG00000002822
7	2243484	2243685	2243584	9	9	3	2.932622098	0.0242899	FTSJ2	ENSG00000122687
7	2267079	2267258	2267201	8	8	2	3.519146518	0.017558	CHST12	ENSG00000136213
7	2354245	2354497	2354331	9	12	4	3.049926982	0.0108184	EIF3B	ENSG00000106263
7	2477485	2477835	2477676	13	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000175873
7	2533967	2534194	2534100	9	10	3	3.225884308	0.0139466	LFNG	ENSG00000106003
7	2561690	2561918	2561804	9	10	5	2.150589539	0.0575848	C7orf27	ENSG00000106009
7	2639536	2639984	2639752	9	19	1	11.73048839	2.14E-06	TTYH3	ENSG00000136295
7	2677117	2677346	2677231	12	13	3	4.105670938	0.00243034	AMZ1	ENSG00000174945
7	2727092	2727388	2727240	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	AMZ1	ENSG00000174945

7	2808690	2808909	2808791	8	11	2	4.692195357	0.00272444	GNA12	ENSG00000146535
7	3004491	3004712	3004570	12	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000201794
7	3221990	3222397	3222234	12	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000217455
7	3222650	3222859	3222802	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000217455
7	3410677	3410912	3410794	14	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000211544
7	3488738	3488920	3488830	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000211544
7	3634951	3635171	3635069	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000211544
7	3716865	3717045	3716955	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000211544
7	4013190	4013370	4013280	8	8	7	1.319679944	0.283403	SDK1	ENSG00000146555
7	4073129	4073395	4073247	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SDK1	ENSG00000146555
7	4286867	4287124	4286996	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	SDK1	ENSG00000146555
7	4617034	4617293	4617122	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	FOXK1	ENSG00000164916
7	4637787	4638133	4637929	10	14	8	1.955081399	0.0506438	FOXK1	ENSG00000164916
7	4647977	4648209	4648093	10	10	3	3.225884308	0.0139466	FOXK1	ENSG00000164916
7	4781499	4781727	4781606	10	12	6	2.178519273	0.0416567	KIAA0415	ENSG00000164917
7	4838155	4838620	4838459	12	20	12	1.894925048	0.0317253		ENSG00000206895
7	4855461	4855928	4855749	14	23	2	9.384390715	8.25E-07	PAPOLB	ENSG00000218823
7	5094727	5094935	5094831	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RBAK	ENSG00000146587
7	5095110	5095485	5095289	16	21	6	3.686724924	0.000453999	RBAK	ENSG00000146587
7	5403262	5403806	5403560	25	40	5	8.015833735	1.06E-09		ENSG00000182095
7	5423860	5424174	5424018	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000188365
7	5430323	5430670	5430496	8	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000182095
7	5431733	5431949	5431783	13	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000182095
7	5493025	5493283	5493149	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000210024
7	5500734	5501078	5500904	8	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000207973
7	5519761	5520224	5519928	13	21	6	3.686724924	0.000453999	FBXL18	ENSG00000155034
7	5532024	5532793	5532356	37	68	2	26.9801233	4.10E-21	ACTB	ENSG00000075624
7	5535802	5536069	5535937	12	13	3	4.105670938	0.00243034	ACTB	ENSG00000075624
7	5536727	5536973	5536850	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ACTB	ENSG00000075624
7	5568858	5569116	5568956	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000169549
7	5569719	5570068	5569893	8	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000169549
7	5576833	5577023	5576891	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000169549
7	5601469	5601648	5601558	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FSCN1	ENSG00000075618
7	5653036	5653408	5653186	46	52	1	31.08579424	4.04E-17		ENSG00000215059

7	5671563	5671788	5671665	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000215059
7	5787675	5788089	5787910	9	18	3	5.571981987	0.000108726	RNF216	ENSG00000011275
7	5862653	5862853	5862753	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222897
7	6001701	6002263	6001908	23	36	10	3.945709732	4.69E-06		ENSG00000201990
7	6065501	6065722	6065611	12	15	3	4.692195357	0.000718455	EIF2AK1	ENSG00000086232
7	6110573	6110860	6110704	11	12	2	5.083211637	0.00143337	USP42	ENSG00000106346
7	6355187	6355424	6355303	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000178397
7	6380347	6380529	6380438	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RAC1	ENSG00000136238
7	6410063	6410379	6410221	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	RAC1	ENSG00000136238
7	6453558	6453788	6453728	8	9	2	3.910162798	0.00955088	DAGLB	ENSG00000164535
7	6454108	6454308	6454200	8	10	7	1.612942154	0.147335	DAGLB	ENSG00000164535
7	6463682	6463873	6463806	9	10	1	6.451768616	0.00135978	DAGLB	ENSG00000164535
7	6509925	6510110	6510008	9	9	7	1.466311049	0.20706	KDELR2	ENSG00000136240
7	6510348	6510535	6510465	8	8	2	3.519146518	0.017558	KDELR2	ENSG00000136240
7	6510830	6511077	6510932	8	9	4	2.346097679	0.050148	KDELR2	ENSG00000136240
7	6522581	6522826	6522703	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	KDELR2	ENSG00000136240
7	6583448	6583848	6583669	10	16	5	3.323638378	0.00288759	ZDHHC4	ENSG00000136247
7	6595828	6596067	6595945	9	9	2	3.910162798	0.00955088	C7orf26	ENSG00000146576
7	6665768	6665977	6665872	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000198580
7	7105647	7106044	7105886	15	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000201218
7	7120973	7121218	7121095	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000201218
7	7188331	7188675	7188503	8	12	6	2.178519273	0.0416567	C1GALT1	ENSG00000106392
7	7327892	7328162	7328013	14	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000218370
7	7333756	7334054	7333905	9	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000218370
7	7335519	7335833	7335676	23	26	2	10.55743955	9.97E-08		ENSG00000218370
7	7570600	7570791	7570695	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000164654
7	7572270	7572630	7572443	9	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000164654
7	7687660	7687890	7687736	10	10	2	4.301179077	0.00512919	RPA3	ENSG00000106399
7	7805347	7805663	7805491	16	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000219545
7	8002761	8003042	8002872	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000217142
7	8042002	8042299	8042165	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217142
7	8084793	8084991	8084892	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000217142
7	8268617	8268979	8268819	13	18	3	5.571981987	0.000108726	ICA1	ENSG00000003147
7	8332149	8332458	8332283	19	23	8	3.128130238	0.000832453	ICA1	ENSG00000003147

7	8603827	8604043	8603935	9	11	2	4.692195357	0.00272444	NXPH1	ENSG00000122584
7	10714692	10714879	10714792	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201774
7	10895534	10895743	10895630	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201774
7	11088818	11089323	11089098	81	99	0	117.3048839	1.96E-34		ENSG00000219777
7	11199735	11199928	11199793	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000220166
7	11238726	11238987	11238827	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000220166
7	11267644	11267875	11267795	9	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000220166
7	12217118	12217409	12217289	10	13	4	3.28453675	0.00629037	TMEM106B	ENSG00000106460
7	12563505	12563994	12563749	76	96	1	56.89286871	1.08E-31	SCIN	ENSG00000006747
7	12691723	12691951	12691820	10	11	1	7.038293036	0.000674435	ARL4A	ENSG00000122644
7	12808228	12808497	12808389	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000222974
7	12811616	12811949	12811782	12	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000222974
7	12815598	12815978	12815774	16	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000222974
7	12870326	12870529	12870422	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000222974
7	12947705	12948005	12947847	14	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000216374
7	12957752	12957956	12957832	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000216374
7	16427771	16428316	16427950	16	34	2	13.68556979	3.24E-10		ENSG00000214960
7	16652041	16652462	16652218	13	23	3	7.038293036	4.15E-06	BZW2	ENSG00000136261
7	16659092	16659388	16659253	22	24	2	9.775406994	4.09E-07	BZW2	ENSG00000136261
7	16674242	16674570	16674402	16	18	6	3.183989707	0.00227432	BZW2	ENSG00000136261
7	16701873	16702065	16701916	8	9	0	11.73048839	0.000425898	BZW2	ENSG00000136261
7	16776843	16777094	16776968	16	19	4	4.692195357	0.000193572	TSPAN13	ENSG00000106537
7	16996035	16996393	16996214	14	20	6	3.519146518	0.000784044		ENSG00000219142
7	17101287	17101501	17101394	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000219142
7	17212544	17212780	17212615	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209101
7	17213409	17213588	17213498	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000209101
7	17311113	17311304	17311208	8	9	2	3.910162798	0.00955088	AHR	ENSG00000106546
7	17347642	17347833	17347786	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000199473
7	17496041	17496581	17496390	44	60	3	17.8889948	1.88E-17		ENSG00000199473
7	17624610	17625098	17624846	20	33	15	2.492728784	0.000807271		ENSG00000199473
7	17687255	17687434	17687329	8	8	2	3.519146518	0.017558	SNX13	ENSG00000071189
7	17777189	17777536	17777362	13	19	0	23.46097679	1.81E-07	SNX13	ENSG00000071189
7	17851015	17851196	17851076	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SNX13	ENSG00000071189
7	17948583	17948781	17948649	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SNX13	ENSG00000071189

7	18426878	18427290	18427115	63	76	2	30.10825354	1.02E-23	HDAC9	ENSG00000048052
7	18437089	18437307	18437201	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	HDAC9	ENSG00000048052
7	19715137	19715426	19715265	8	12	3	3.812408728	0.004404	TWISTNB	ENSG00000105849
7	21433087	21433289	21433188	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SP4	ENSG00000105866
7	22088960	22089225	22089108	8	10	4	2.580707446	0.0306059	RAPGEF5	ENSG00000136237
7	22116483	22116676	22116579	10	10	1	6.451768616	0.00135978	RAPGEF5	ENSG00000136237
7	22240439	22240699	22240569	12	15	2	6.256260476	0.000199274	RAPGEF5	ENSG00000136237
7	22440086	22440265	22440183	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000105889
7	22679565	22679927	22679748	13	19	11	1.955081399	0.0295891		ENSG00000179460
7	22734569	22734748	22734673	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000179428
7	22752721	22752997	22752855	14	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000210285
7	23020273	23020495	23020368	10	11	5	2.346097679	0.0364013	FAM126A	ENSG00000122591
7	23111619	23111951	23111785	11	14	4	3.519146518	0.00361132	KLHL7	ENSG00000122550
7	23191248	23191441	23191354	9	9	5	1.955081399	0.0892323	NUPL2	ENSG00000136243
7	23197188	23197514	23197351	10	13	4	3.28453675	0.00629037	NUPL2	ENSG00000136243
7	23279280	23279598	23279429	10	13	1	8.211341875	0.000163445	C7orf30	ENSG00000156928
7	23340742	23341145	23340984	12	19	3	5.865244197	5.72E-05	C7orf30	ENSG00000156928
7	23603211	23603595	23603424	8	17	1	10.55743955	9.18E-06	CCDC126	ENSG00000169193
7	23741740	23741919	23741836	8	8	1	5.278719777	0.00542188	STK31	ENSG00000196335
7	24826297	24826623	24826460	8	12	4	3.049926982	0.0108184	DFNA5	ENSG00000105928
7	24977398	24977844	24977594	31	42	1	25.22055005	7.76E-14	OSBPL3	ENSG00000070882
7	25100443	25100632	25100537	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CYCS	ENSG00000172115
7	25575149	25575362	25575255	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000222101
7	25810467	25810655	25810556	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000199085
7	25857768	25858058	25857886	8	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000199085
7	25868689	25869025	25868857	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000199085
7	25899176	25899509	25899340	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000199085
7	25970448	25970643	25970545	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000199085
7	26067720	26067946	26067833	8	9	4	2.346097679	0.050148	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26068014	26068214	26068114	9	10	4	2.580707446	0.0306059	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26085143	26085335	26085239	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26089472	26089659	26089579	9	11	2	4.692195357	0.00272444	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26206335	26206635	26206444	9	13	2	5.474227917	0.000747844	HNRNPA2B	ENSG00000122566
7	26291181	26291485	26291333	8	13	2	5.474227917	0.000747844	SNX10	ENSG00000086300

7	26447953	26448146	26448049	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214870
7	26458257	26458505	26458382	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000214870
7	26600864	26601092	26600978	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222004
7	26673842	26674046	26673956	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222004
7	26870550	26870752	26870651	8	11	5	2.346097679	0.0364013	SKAP2	ENSG00000005020
7	26870859	26871212	26871035	13	18	3	5.571981987	0.000108726	SKAP2	ENSG00000005020
7	27148044	27148281	27148152	8	9	1	5.865244197	0.00272497	HOXA5	ENSG00000106004
7	27149635	27149994	27149815	11	17	2	7.038293036	5.19E-05	HOXA5	ENSG00000106004
7	27157230	27157518	27157374	9	11	4	2.815317214	0.0183428	HOXA3	ENSG00000105997
7	27266396	27266682	27266534	18	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000213783
7	27309210	27309408	27309330	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000219101
7	27353295	27353588	27353445	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000219101
7	27378579	27378807	27378686	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000219101
7	28026579	28026823	28026689	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000206623
7	28632437	28632636	28632536	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000205786
7	29334876	29335195	29335035	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	CHN2	ENSG00000106069
7	29456062	29456328	29456195	10	14	2	5.865244197	0.000387308	CHN2	ENSG00000106069
7	29569809	29570027	29569897	10	10	2	4.301179077	0.00512919	PRR15	ENSG00000176532
7	29953045	29953290	29953167	10	10	1	6.451768616	0.00135978	SCRN1	ENSG00000136193
7	30035139	30035380	30035263	9	10	3	3.225884308	0.0139466	PLEKHA8	ENSG00000106086
7	30172392	30172682	30172532	11	15	4	3.753756286	0.0020497	C7orf41	ENSG00000180354
7	30179181	30179567	30179333	19	26	4	6.334463732	2.40E-06	C7orf41	ENSG00000180354
7	30232935	30233181	30233057	8	9	6	1.675784056	0.141978	ZNRF2	ENSG00000180233
7	30290358	30290655	30290506	9	13	7	2.052835469	0.046392	ZNRF2	ENSG00000180233
7	30409733	30409966	30409849	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	NOD1	ENSG00000106100
7	30557253	30557858	30557682	37	76	9	9.032476063	2.20E-17		ENSG00000196295
7	30600736	30601014	30600875	10	11	5	2.346097679	0.0364013	GARS	ENSG00000106105
7	30747050	30747279	30747164	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	INMT	ENSG00000011177
7	30994754	30995023	30994886	11	12	1	7.624817456	0.000332769	GHRHR	ENSG00000106128
7	30998537	30998876	30998710	32	37	2	14.85861863	3.69E-11	GHRHR	ENSG00000106128
7	31199106	31199351	31199228	10	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000221751
7	31390054	31390355	31390204	12	12	2	5.083211637	0.00143337	NEUROD6	ENSG00000164600
7	31742602	31742896	31742749	10	13	9	1.642268375	0.111397	C7orf16	ENSG00000106341
7	32040226	32040463	32040344	10	13	1	8.211341875	0.000163445	PDE1C	ENSG00000154678

7	32184219	32184572	32184395	8	12	3	3.812408728	0.004404	PDE1C	ENSG00000154678
7	32210665	32210999	32210830	9	11	1	7.038293036	0.000674435	PDE1C	ENSG00000154678
7	32496498	32496899	32496755	10	16	7	2.492728784	0.0124193	LSM5	ENSG00000106355
7	32501479	32501896	32501618	11	19	2	7.820325595	1.32E-05	AVL9	ENSG00000105778
7	32899050	32899229	32899139	8	8	6	1.508205651	0.203852	KBTBD2	ENSG00000170852
7	32911705	32911884	32911840	8	8	3	2.639359888	0.0415794	KBTBD2	ENSG00000170852
7	33069111	33069417	33069264	8	12	3	3.812408728	0.004404	NT5C3	ENSG00000122643
7	33293901	33294621	33294166	209	304	4	71.5559792	5.00E-96		ENSG00000222741
7	33357806	33358316	33358023	40	61	3	18.18225701	9.05E-18		ENSG00000222741
7	33793048	33793235	33793141	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000203495
7	33814074	33814441	33814275	11	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000203495
7	33831656	33831882	33831797	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000203495
7	33843061	33843316	33843171	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000203495
7	33894133	33894350	33894256	8	8	2	3.519146518	0.017558	BMPER	ENSG00000164619
7	33917756	33917949	33917852	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BMPER	ENSG00000164619
7	33929480	33929676	33929578	8	8	0	10.55743955	0.000925496	BMPER	ENSG00000164619
7	33939004	33939317	33939165	11	16	11	1.661819189	0.0853913	BMPER	ENSG00000164619
7	33939326	33939505	33939415	8	9	8	1.303387599	0.281715	BMPER	ENSG00000164619
7	34040886	34041287	34041065	18	27	6	4.692195357	1.46E-05	BMPER	ENSG00000164619
7	34043322	34043536	34043429	8	9	2	3.910162798	0.00955088	BMPER	ENSG00000164619
7	34066784	34066976	34066891	10	10	1	6.451768616	0.00135978	BMPER	ENSG00000164619
7	34106823	34107193	34106981	11	17	5	3.519146518	0.00167472	BMPER	ENSG00000164619
7	34242298	34242505	34242383	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000202431
7	34327391	34327774	34327570	9	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000202431
7	34569457	34569642	34569529	8	8	3	2.639359888	0.0415794	NPSR1	ENSG00000187258
7	34651280	34651616	34651448	22	28	2	11.33947211	2.41E-08	NPSR1	ENSG00000187258
7	34765601	34765864	34765732	14	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000197085
7	34846413	34846656	34846516	10	10	5	2.150589539	0.0575848	NPSR1	ENSG00000187258
7	35031594	35032116	35031937	11	24	12	2.255863153	0.00673318	DPY19L1	ENSG00000173852
7	35042746	35043050	35042905	9	12	2	5.083211637	0.00143337	DPY19L1	ENSG00000173852
7	35248058	35248334	35248174	12	13	3	4.105670938	0.00243034	TBX20	ENSG00000164532
7	35543665	35543889	35543802	10	11	2	4.692195357	0.00272444	HERPUD2	ENSG00000122557
7	35630768	35630974	35630840	8	10	1	6.451768616	0.00135978	HERPUD2	ENSG00000122557
7	35807201	35807417	35807309	8	10	5	2.150589539	0.0575848	7-Sep	ENSG00000122545



7	36038796	36038975	36038834	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000205745
7	36043320	36043913	36043616	16	30	6	5.194930574	2.42E-06		ENSG00000205745
7	36048232	36048448	36048340	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000205745
7	36396454	36396672	36396500	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000164542
7	36993305	36993504	36993404	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ELMO1	ENSG00000155849
7	37326448	37326680	37326564	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222869
7	37494555	37494877	37494724	19	23	1	14.07658607	1.14E-07	ELMO1	ENSG00000155849
7	37598462	37598866	37598674	23	32	2	12.90353723	1.37E-09		ENSG00000178503
7	37700368	37700709	37700538	12	17	0	21.11487911	8.57E-07	GPR141	ENSG00000187037
7	37859717	37859898	37859807	8	8	2	3.519146518	0.017558	TXNDC3	ENSG00000086288
7	38279578	38280030	38279752	8	15	10	1.706252857	0.0822346		ENSG00000211691
7	38879715	38879906	38879818	9	9	3	2.932622098	0.0242899	VPS41	ENSG00000006715
7	38938928	38939143	38939092	10	11	4	2.815317214	0.0183428	VPS41	ENSG00000006715
7	39526033	39526252	39526126	8	10	1	6.451768616	0.00135978	C7orf36	ENSG00000106540
7	39586541	39586816	39586678	10	11	6	2.010940867	0.0640214	C7orf36	ENSG00000106540
7	39629563	39629915	39629740	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	RALA	ENSG00000006451
7	39706322	39706707	39706534	15	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000221013
7	39767635	39767941	39767778	11	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000210544
7	39894350	39894557	39894429	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222143
7	39955377	39955756	39955577	9	16	8	2.215758919	0.0222902	CDC2L5	ENSG00000065883
7	40704323	40704511	40704417	9	10	1	6.451768616	0.00135978		
7	40723398	40723850	40723628	218	257	1	151.3233003	1.52E-85		
7	40849148	40849344	40849250	9	10	0	12.90353723	0.000195991		
7	40849705	40850171	40849962	25	36	1	21.70140353	7.08E-12		
7	41051801	41051998	41051899	9	9	1	5.865244197	0.00272497		
7	41113699	41114053	41113876	10	15	4	3.753756286	0.0020497		
7	41230701	41230914	41230807	11	11	1	7.038293036	0.000674435	INHBA	ENSG00000122641
7	41949194	41949475	41949356	10	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000213721
7	41962068	41962312	41962197	14	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000213721
7	42182638	42182897	42182780	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	GLI3	ENSG00000106571
7	42239486	42239722	42239631	8	9	3	2.932622098	0.0242899	GLI3	ENSG00000106571
7	42603255	42603798	42603639	33	43	3	12.90353723	3.99E-12	C7orf25	ENSG00000136197
7	42893109	42893300	42893182	8	8	1	5.278719777	0.00542188	C7orf25	ENSG00000136197
7	43245842	43246108	43245943	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000223258

7	43267486	43267699	43267637	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000213717
7	43583571	43584021	43583780	86	101	4	23.93019632	1.81E-29	STK17A	ENSG00000164543
7	43588793	43589035	43588936	9	11	3	3.519146518	0.00788869	STK17A	ENSG00000164543
7	43735515	43735937	43735684	9	16	3	4.985457567	0.000385643	C7orf44	ENSG00000106603
7	43764485	43764707	43764544	8	10	4	2.580707446	0.0306059	BLVRA	ENSG00000106605
7	43771118	43771340	43771230	11	12	3	3.812408728	0.004404	BLVRA	ENSG00000106605
7	43805772	43806083	43805927	28	29	0	35.19146518	7.73E-11	BLVRA	ENSG00000106605
7	43845005	43845286	43845145	13	14	5	2.932622098	0.00829617	MRPS24	ENSG00000062582
7	44050612	44050853	44050716	11	11	3	3.519146518	0.00788869	DBNL	ENSG00000136279
7	44206965	44207155	44207060	9	9	3	2.932622098	0.0242899	YKT6	ENSG00000106636
7	44252451	44252825	44252630	16	22	1	13.49006165	2.37E-07	YKT6	ENSG00000106636
7	44483436	44483803	44483615	9	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000146677
7	44496661	44496934	44496797	10	14	5	2.932622098	0.00829617	NUDCD3	ENSG00000015676
7	44550262	44550579	44550425	36	40	4	9.619000482	2.08E-10	NPC1L1	ENSG00000015520
7	44580034	44580362	44580198	8	12	4	3.049926982	0.0108184	DDX56	ENSG00000136271
7	44708121	44708629	44708295	17	27	1	16.42268375	5.88E-09		ENSG00000203476
7	44761002	44761211	44761089	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ZMIZ2	ENSG00000122515
7	44802093	44802370	44802261	9	11	2	4.692195357	0.00272444	PPIA	ENSG00000196262
7	44803217	44803462	44803319	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	PPIA	ENSG00000196262
7	44803529	44803807	44803696	10	13	2	5.474227917	0.000747844	PPIA	ENSG00000196262
7	44919052	44919296	44919166	15	15	2	6.256260476	0.000199274	PURB	ENSG00000146676
7	45039993	45040371	45040182	33	42	1	25.22055005	7.76E-14	CCM2	ENSG00000136280
7	45042082	45042325	45042206	10	10	3	3.225884308	0.0139466	CCM2	ENSG00000136280
7	45117682	45117923	45117762	10	12	1	7.624817456	0.000332769	TBRG4	ENSG00000136270
7	45118004	45118327	45118165	9	13	7	2.052835469	0.046392	TBRG4	ENSG00000136270
7	45266219	45266517	45266382	9	11	3	3.519146518	0.00788869	RAMP3	ENSG00000122679
7	45353869	45354310	45354030	18	26	5	5.278719777	8.57E-06	RAMP3	ENSG00000122679
7	45923771	45923973	45923872	9	9	3	2.932622098	0.0242899	IGFBP3	ENSG00000146674
7	45984259	45984813	45984438	15	31	5	6.256260476	3.74E-07	IGFBP3	ENSG00000146674
7	46160219	46160463	46160353	8	11	1	7.038293036	0.000674435	IGFBP3	ENSG00000146674
7	46358596	46358903	46358751	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	IGFBP3	ENSG00000146674
7	47094835	47095072	47094970	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214754
7	47208308	47208648	47208487	16	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000214754
7	47411964	47412367	47412188	10	17	5	3.519146518	0.00167472	TNS3	ENSG00000136205

7	47481964	47482265	47482144	8	12	6	2.178519273	0.0416567	TNS3	ENSG00000136205
7	47578019	47578469	47578305	9	18	4	4.457585589	0.000353565	TNS3	ENSG00000136205
7	47582070	47582444	47582265	10	17	12	1.62422147	0.088135	TNS3	ENSG00000136205
7	47611123	47611326	47611204	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TNS3	ENSG00000136205
7	47613908	47614153	47613986	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TNS3	ENSG00000136205
7	47641027	47641448	47641269	10	18	11	1.857327329	0.0427732		ENSG00000221845
7	47675670	47675867	47675779	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000221845
7	47699559	47699738	47699648	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221845
7	47825521	47825703	47825612	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000136275
7	47985546	47985846	47985709	18	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000136273
7	48094623	48094829	48094726	8	9	1	5.865244197	0.00272497	UPP1	ENSG00000183696
7	48116330	48116670	48116497	10	15	10	1.706252857	0.0822346	UPP1	ENSG00000183696
7	48120542	48120758	48120650	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	UPP1	ENSG00000183696
7	48531016	48531201	48531122	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ABCA13	ENSG00000179869
7	48573575	48573789	48573682	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000218305
7	49011823	49012075	49011924	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000218305
7	49025013	49025348	49025180	17	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000218305
7	49811796	49811994	49811916	8	9	0	11.73048839	0.000425898	VWC2	ENSG00000188730
7	51298815	51299016	51298915	9	10	0	12.90353723	0.000195991	COBL	ENSG00000106078
7	51360323	51360714	51360516	38	46	1	27.56664772	3.79E-15	COBL	ENSG00000106078
7	52219232	52219592	52219421	13	19	1	11.73048839	2.14E-06		ENSG00000210739
7	55609531	55609878	55609706	20	25	1	15.24963491	2.59E-08		ENSG00000154978
7	55680507	55680686	55680593	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210803
7	55809565	55809770	55809663	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000206729
7	55809940	55810395	55810127	14	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000206729
7	58046032	58046211	58046061	9	10	3	3.225884308	0.0139466		
7	61255163	61255491	61255327	14	14	15	1.099733287	0.398076		
7	61268292	61268624	61268458	32	32	29	1.290353723	0.155959		
7	61606234	61607134	61606786	133	203	329	0.725157464	0.99987		
7	61607656	61607986	61607821	10	10	13	0.921681231	0.585856		
7	61613095	61613344	61613245	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000207443
7	61632300	61632479	61632450	8	8	11	0.879786629	0.621301		ENSG00000207443
7	63405156	63405343	63405232	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ZNF679	ENSG00000197123
7	63737301	63737658	63737479	18	24	2	9.775406994	4.09E-07	ZNF107	ENSG00000196247

7	64091720	64092045	64091871	9	13	1	8.211341875	0.000163445	ZNF117	ENSG00000152926
7	65084572	65084837	65084704	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	GUSB	ENSG00000169919
7	65217144	65217444	65217320	9	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000214623
7	65423748	65424021	65423884	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000211191
7	65756591	65756955	65756770	8	15	0	18.76878143	4.04E-06	KCTD7	ENSG00000218609
7	66447023	66447597	66447384	32	47	0	56.30634429	6.62E-17	STAG3L4	ENSG00000106610
7	66586812	66587025	66586918	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000211244
7	66727727	66727912	66727841	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000211244
7	67833932	67834276	67834103	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000211257
7	69035062	69035349	69035205	8	11	2	4.692195357	0.00272444	AUTS2	ENSG00000158321
7	69939224	69939570	69939391	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	WBSCR17	ENSG00000185274
7	69952482	69952892	69952661	44	53	2	21.11487911	2.91E-16	WBSCR17	ENSG00000185274
7	70591206	70591639	70591468	34	44	0	52.78719777	6.79E-16		ENSG00000199940
7	71429397	71429604	71429484	9	9	3	2.932622098	0.0242899	CALN1	ENSG00000183166
7	71508329	71508558	71508434	10	10	0	12.90353723	0.000195991	CALN1	ENSG00000183166
7	72586077	72586390	72586233	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	BAZ1B	ENSG00000009954
7	72665040	72665351	72665195	9	13	2	5.474227917	0.000747844	MLXIPL	ENSG00000009950
7	72767847	72768265	72768099	12	19	0	23.46097679	1.81E-07	STX1A	ENSG00000106089
7	72787036	72787332	72787160	8	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000209048
7	72794595	72794838	72794724	12	13	1	8.211341875	0.000163445	ABHD11	ENSG00000106077
7	72795454	72795772	72795598	8	12	2	5.083211637	0.00143337	ABHD11	ENSG00000106077
7	72798684	72799129	72798897	9	19	3	5.865244197	5.72E-05	ABHD11	ENSG00000106077
7	72874716	72875299	72875045	8	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000212838
7	72883125	72883366	72883245	12	14	7	2.199466574	0.0303778	CLDN4	ENSG00000189143
7	72884344	72884837	72884578	15	28	8	3.779824038	5.98E-05	CLDN4	ENSG00000189143
7	72890997	72891234	72891118	12	13	1	8.211341875	0.000163445	WBSCR27	ENSG00000165171
7	72907656	72908020	72907835	18	26	1	15.83615933	1.23E-08	WBSCR28	ENSG00000175877
7	72968847	72969066	72968952	9	9	3	2.932622098	0.0242899	WBSCR28	ENSG00000175877
7	73031464	73031750	73031588	11	12	3	3.812408728	0.004404	ELN	ENSG00000049540
7	73112183	73112362	73112272	8	8	2	3.519146518	0.017558	LIMK1	ENSG00000106683
7	73120169	73120453	73120326	12	15	6	2.68125449	0.0103552	LIMK1	ENSG00000106683
7	73227230	73227414	73227321	8	9	0	11.73048839	0.000425898	EIF4H	ENSG00000106682
7	73416426	73416605	73416531	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CLIP2	ENSG00000106665
7	73634260	73634472	73634366	9	11	2	4.692195357	0.00272444	GTF2I	ENSG00000077809

7	73658965	73659144	73659024	8	9	5	1.955081399	0.0892323	GTF2I	ENSG00000077809
7	73664766	73665011	73664887	9	11	5	2.346097679	0.0364013	GTF2I	ENSG00000077809
7	73685876	73686066	73685897	9	11	4	2.815317214	0.0183428	GTF2I	ENSG00000077809
7	73687761	73688062	73687911	9	12	4	3.049926982	0.0108184	GTF2I	ENSG00000077809
7	73709732	73710022	73709877	9	13	1	8.211341875	0.000163445	GTF2I	ENSG00000077809
7	74995205	74995633	74995368	20	26	6	4.524616952	2.63E-05	PMS2L3	ENSG00000127957
7	75032508	75032801	75032635	12	16	4	3.988366054	0.00115141	PMS2L3	ENSG00000127957
7	75195425	75195852	75195658	20	29	2	11.73048839	1.18E-08	HIP1	ENSG00000127946
7	75196165	75196616	75196452	13	21	1	12.90353723	4.95E-07	HIP1	ENSG00000127946
7	75346182	75346452	75346346	10	11	7	1.759573259	0.102361	RHBDD2	ENSG00000005486
7	75487452	75487651	75487551	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TMEM120A	ENSG00000189077
7	75515042	75515445	75515214	12	19	3	5.865244197	5.72E-05	STYXL1	ENSG00000127952
7	75536545	75536730	75536637	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000209275
7	75702686	75702909	75702765	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000177679
7	75758843	75759058	75758978	8	10	14	0.860235815	0.65444		ENSG00000177679
7	75760690	75761195	75761080	10	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000177679
7	75761909	75762104	75762021	11	12	2	5.083211637	0.00143337	HSPB1	ENSG00000106211
7	75762210	75762399	75762348	12	12	0	15.24963491	4.15E-05	HSPB1	ENSG00000106211
7	75769503	75770062	75769757	13	28	6	4.859773763	8.07E-06	HSPB1	ENSG00000106211
7	75772231	75772502	75772376	8	11	1	7.038293036	0.000674435	HSPB1	ENSG00000106211
7	75785075	75785256	75785165	8	8	3	2.639359888	0.0415794	HSPB1	ENSG00000106211
7	75785568	75785773	75785669	11	12	7	1.906204364	0.0695918	HSPB1	ENSG00000106211
7	75826430	75826715	75826554	12	15	2	6.256260476	0.000199274	YWHAG	ENSG00000170027
7	76589413	76589827	76589666	10	16	3	4.985457567	0.000385643	CCDC146	ENSG00000135205
7	76799200	76799429	76799314	12	12	3	3.812408728	0.004404	PION	ENSG00000186088
7	76906917	76907123	76907043	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000209233
7	76966349	76966603	76966476	10	10	2	4.301179077	0.00512919	PTPN12	ENSG00000127947
7	77005935	77006275	77006105	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PTPN12	ENSG00000127947
7	77125098	77125277	77125221	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RSBN1L	ENSG00000187257
7	77211286	77211656	77211477	17	22	0	26.9801233	1.77E-08	RSBN1L	ENSG00000187257
7	77552426	77552629	77552527	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000211483
7	78201791	78202102	78201924	13	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000209138
7	78255136	78255580	78255358	51	65	1	38.7106117	2.08E-21		ENSG00000209138
7	78523388	78523575	78523481	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212545

7	78704097	78704314	78704205	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000212482
7	79606525	79606746	79606652	8	10	2	4.301179077	0.00512919	GNAI1	ENSG00000127955
7	79618173	79618596	79618417	37	47	3	14.07658607	2.28E-13	GNAI1	ENSG00000127955
7	79707646	79707858	79707752	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209287
7	79802676	79802855	79802761	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000209130
7	79895802	79896034	79895937	11	11	2	4.692195357	0.00272444	GNAT3	ENSG00000214415
7	80005150	80005767	80005526	69	90	5	17.79124073	6.23E-25	GNAT3	ENSG00000214415
7	80009703	80010096	80009850	20	26	8	3.519146518	0.000175368	GNAT3	ENSG00000214415
7	80018178	80018386	80018305	9	10	1	6.451768616	0.00135978	GNAT3	ENSG00000214415
7	80031186	80031769	80031467	11	26	10	2.879301697	0.000816629	CD36	ENSG00000135218
7	80079082	80079482	80079201	11	18	10	2.026175268	0.0273052	CD36	ENSG00000135218
7	80110230	80110450	80110340	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CD36	ENSG00000135218
7	80132792	80133181	80132987	30	38	0	45.74890473	7.15E-14	CD36	ENSG00000135218
7	80148651	80148837	80148744	8	9	7	1.466311049	0.20706	CD36	ENSG00000135218
7	80202800	80203055	80202932	8	11	1	7.038293036	0.000674435	CD36	ENSG00000135218
7	80241023	80241535	80241356	13	22	4	5.396024661	3.05E-05	CD36	ENSG00000135218
7	80248869	80249093	80248977	11	12	5	2.541605819	0.0225912	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80344250	80344441	80344333	8	9	4	2.346097679	0.050148	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80350803	80351094	80350948	15	18	5	3.714654658	0.000961539	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80378582	80379110	80378821	32	50	4	11.96509816	2.00E-13	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80386129	80386310	80386156	9	10	8	1.433726359	0.209175	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80387423	80387653	80387538	9	11	7	1.759573259	0.102361	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80388628	80388815	80388721	8	9	5	1.955081399	0.0892323	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80389590	80389800	80389725	14	15	6	2.68125449	0.0103552	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80407767	80408176	80407946	26	34	9	4.105670938	5.54E-06	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80409370	80409877	80409698	24	42	8	5.604566677	1.73E-08	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80410210	80410431	80410320	8	8	8	1.173048839	0.36929	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80410733	80410941	80410837	8	8	7	1.319679944	0.283403	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80540906	80541318	80541038	11	18	11	1.857327329	0.0427732	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80582782	80583018	80582900	10	12	2	5.083211637	0.00143337	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80600641	80600889	80600760	11	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000209303
7	80643267	80643446	80643356	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000209303
7	80736357	80736540	80736448	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000209303
7	80766526	80766785	80766677	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000209303

7	80800868	80801203	80801035	15	17	12	1.62422147	0.088135	ENSG00000209220
7	80831861	80832055	80832011	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000209220
7	80937241	80937594	80937417	9	15	9	1.876878143	0.0544542	ENSG00000209220
7	81090456	81091034	81090737	66	98	3	29.03295877	1.18E-29 HGF	ENSG00000019991
7	81157593	81157772	81157688	8	8	0	10.55743955	0.000925496 HGF	ENSG00000019991
7	82167035	82167252	82167128	13	15	2	6.256260476	0.000199274	ENSG00000213530
7	82630027	82630495	82630316	13	20	7	3.079253203	0.00177418 PCLO	ENSG00000186472
7	82730786	82731007	82730869	12	13	0	16.42268375	1.91E-05 PCLO	ENSG00000186472
7	83079825	83080093	83079931	19	19	2	7.820325595	1.32E-05 SEMA3E	ENSG00000170381
7	83106392	83106595	83106526	8	9	1	5.865244197	0.00272497 SEMA3E	ENSG00000170381
7	83116075	83116327	83116203	10	12	3	3.812408728	0.004404 SEMA3E	ENSG00000170381
7	83144479	83144706	83144581	8	9	1	5.865244197	0.00272497 SEMA3E	ENSG00000170381
7	83152320	83152505	83152399	9	9	4	2.346097679	0.050148 SEMA3E	ENSG00000170381
7	83176083	83176482	83176274	24	34	4	8.211341875	1.23E-08 SEMA3E	ENSG00000170381
7	84056284	84056610	84056447	10	15	2	6.256260476	0.000199274	ENSG00000146736
7	84280818	84281014	84280975	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000146736
7	84417400	84417655	84417527	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ENSG00000197029
7	85936997	85937247	85937137	12	13	4	3.28453675	0.00629037 GRM3	ENSG00000198822
7	86314215	86314437	86314326	8	10	7	1.612942154	0.147335 KIAA1324L	ENSG00000164659
7	86448562	86448765	86448655	8	9	2	3.910162798	0.00955088 KIAA1324L	ENSG00000164659
7	86558854	86559100	86559013	11	11	10	1.279689643	0.277323	ENSG00000214406
7	86616067	86616264	86616165	9	9	0	11.73048839	0.000425898 DMTF1	ENSG00000135164
7	86619410	86619939	86619583	13	27	6	4.692195357	1.46E-05 DMTF1	ENSG00000135164
7	86620349	86620631	86620499	8	11	5	2.346097679	0.0364013 DMTF1	ENSG00000135164
7	86686410	86686707	86686556	10	11	9	1.407658607	0.210479 C7orf23	ENSG00000135185
7	86686945	86687441	86687124	10	18	5	3.714654658	0.000961539 C7orf23	ENSG00000135185
7	86687842	86688063	86687952	8	8	8	1.173048839	0.36929 C7orf23	ENSG00000135185
7	86779720	86779906	86779785	8	8	4	2.111487911	0.0804809 TP53AP1	ENSG00000182165
7	86784062	86784760	86784241	16	33	7	4.985457567	1.25E-06 TP53AP1	ENSG00000182165
7	86790307	86790641	86790470	19	23	5	4.692195357	5.29E-05 TP53AP1	ENSG00000182165
7	86798182	86798649	86798397	40	61	0	72.72902804	1.26E-21 TP53AP1	ENSG00000182165
7	86811647	86813187	86811943	46	122	19	7.214250362	5.95E-24 TP53AP1	ENSG00000182165
7	86813542	86813741	86813664	8	8	2	3.519146518	0.017558 CROT	ENSG00000005469
7	86842927	86843162	86843044	10	10	3	3.225884308	0.0139466 CROT	ENSG00000005469

7	86974844	86975023	86974950	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ABCB4	ENSG00000005471
7	87169593	87169868	87169762	9	12	6	2.178519273	0.0416567	ABCB1	ENSG000000085563
7	87234894	87235360	87235127	8	17	8	2.346097679	0.0144542	ABCB1	ENSG000000085563
7	87264965	87265423	87265210	9	18	3	5.571981987	0.000108726	DBF4	ENSG00000006634
7	87277702	87277942	87277792	9	10	2	4.301179077	0.00512919	DBF4	ENSG00000006634
7	87343323	87343601	87343447	9	11	5	2.346097679	0.0364013	DBF4	ENSG00000006634
7	87401188	87401412	87401276	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000008277
7	87694364	87694637	87694507	14	15	9	1.876878143	0.0544542	SRI	ENSG000000075142
7	89813007	89813204	89813105	8	8	1	5.278719777	0.00542188	GTPBP10	ENSG00000105793
7	89813865	89814093	89813973	11	12	5	2.541605819	0.0225912	GTPBP10	ENSG00000105793
7	89870399	89870819	89870692	10	18	4	4.457585589	0.000353565	CLDN12	ENSG00000157224
7	89870935	89871152	89871013	8	10	6	1.843362462	0.0964212	CLDN12	ENSG00000157224
7	90092948	90093160	90093030	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000213823
7	90731269	90731822	90731680	20	31	11	3.128130238	0.000146711	FZD1	ENSG00000157240
7	91024596	91024847	91024714	12	14	6	2.513676084	0.016726	FZD1	ENSG00000157240
7	91073265	91073525	91073395	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	MTERF	ENSG00000127989
7	91312198	91312402	91312273	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MTERF	ENSG00000127989
7	91347850	91348181	91348008	17	19	12	1.804690522	0.0452624	MTERF	ENSG00000127989
7	91407382	91408190	91407561	12	36	7	5.425350882	2.04E-07	AKAP9	ENSG00000127914
7	91515355	91515981	91515724	40	81	3	24.04750121	3.67E-24	AKAP9	ENSG00000127914
7	91524588	91524921	91524754	16	19	11	1.955081399	0.0295891	AKAP9	ENSG00000127914
7	91543770	91544114	91543942	13	17	6	3.016411301	0.00381427	AKAP9	ENSG00000127914
7	91601598	91602198	91601940	17	34	11	3.421392448	3.22E-05	CYP51A1	ENSG00000001630
7	91644773	91644952	91644862	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000188693
7	91712681	91713467	91713123	12	35	19	2.111487911	0.00288271	KRIT1	ENSG00000001631
7	91891809	91892179	91891984	11	16	3	4.985457567	0.000385643	GATAD1	ENSG00000157259
7	91892835	91893097	91892965	14	16	5	3.323638378	0.00288759	GATAD1	ENSG00000157259
7	91914500	91914927	91914679	12	20	7	3.079253203	0.00177418	GATAD1	ENSG00000157259
7	91928891	91929103	91928997	8	8	6	1.508205651	0.203852	ERVWE1	ENSG00000197604
7	91931773	91932070	91931911	16	18	8	2.476436439	0.00924552	ERVWE1	ENSG00000197604
7	91995864	91996268	91995967	10	16	6	2.848832895	0.00632407	C7orf64	ENSG00000127993
7	92057603	92057821	92057712	9	10	6	1.843362462	0.0964212	C7orf64	ENSG00000127993
7	92300253	92300496	92300374	11	11	3	3.519146518	0.00788869	CDK6	ENSG00000105810
7	92384076	92384289	92384182	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000222576



7	92401364	92401673	92401504	22	25	6	4.357038546	4.72E-05		ENSG00000222576
7	92496286	92496566	92496445	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000222576
7	92699459	92699771	92699615	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	CCDC132	ENSG00000004766
7	93029395	93029764	93029542	13	20	2	8.211341875	6.65E-06	CALCR	ENSG00000004948
7	93277896	93278113	93277996	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000213483
7	93471359	93471711	93471526	10	15	5	3.128130238	0.00492422	BET1	ENSG00000105829
7	93555110	93555341	93555225	8	8	5	1.759573259	0.13508	BET1	ENSG00000105829
7	93578155	93578605	93578389	38	49	3	14.66311049	5.43E-14	BET1	ENSG00000105829
7	93756272	93756541	93756419	9	10	10	1.173048839	0.355733	COL1A2	ENSG00000164692
7	93862714	93862980	93862847	9	13	4	3.28453675	0.00629037	COL1A2	ENSG00000164692
7	94125101	94125355	94125228	11	12	15	0.953102182	0.555895	PEG10	ENSG00000217473
7	94125792	94126035	94125913	12	14	2	5.865244197	0.000387308	PEG10	ENSG00000217473
7	94512916	94513127	94513051	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000201607
7	94843086	94843503	94843259	37	47	3	14.07658607	2.28E-13	PON3	ENSG00000105852
7	94944266	94944649	94944470	8	16	4	3.988366054	0.00115141	ASB4	ENSG00000005981
7	94946093	94946403	94946236	10	10	5	2.150589539	0.0575848	ASB4	ENSG00000005981
7	94971008	94971254	94971132	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ASB4	ENSG00000005981
7	95017871	95018075	95017954	9	9	3	2.932622098	0.0242899	PDK4	ENSG00000004799
7	95076941	95077217	95077106	9	11	8	1.564065119	0.151515	PDK4	ENSG00000004799
7	95239487	95239723	95239637	9	11	4	2.815317214	0.0183428	DYNC1I1	ENSG00000158560
7	95602628	95602984	95602765	18	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000208025
7	95640598	95640837	95640717	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208025
7	95770449	95770863	95770684	11	20	7	3.079253203	0.00177418		ENSG00000220987
7	95797372	95797871	95797635	154	200	1	117.8914084	1.94E-66		ENSG00000207045
7	95882187	95882528	95882365	14	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000197851
7	96015902	96016284	96016105	9	16	9	1.994183027	0.0370915		ENSG00000197851
7	96268072	96268334	96268203	8	11	4	2.815317214	0.0183428	SHFM1	ENSG00000127922
7	96417086	96417438	96417262	15	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000222415
7	96494976	96495217	96495091	10	11	8	1.564065119	0.151515	DLX5	ENSG00000105880
7	96571970	96572331	96572152	8	14	3	4.398933147	0.00132748	ACN9	ENSG00000196636
7	96634985	96635372	96635193	25	33	4	7.976732107	2.40E-08		ENSG00000208926
7	96809926	96810120	96809998	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221192
7	96969771	96970046	96969886	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199475
7	97339195	97340005	97339340	9	27	5	5.474227917	4.62E-06	ASNS	ENSG00000070669

7	97518464	97518752	97518608	8	12	8	1.694403879	0.107291		ENSG00000208909
7	97561889	97562143	97562015	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	LMTK2	ENSG00000164715
7	97574028	97574336	97574207	9	13	3	4.105670938	0.00243034	LMTK2	ENSG00000164715
7	97690614	97690859	97690736	8	11	2	4.692195357	0.00272444	BHLHB8	ENSG00000180535
7	97748266	97748464	97748384	10	10	3	3.225884308	0.0139466	BRI3	ENSG00000164713
7	97762135	97762379	97762257	8	10	5	2.150589539	0.0575848	BRI3	ENSG00000164713
7	97780654	97780898	97780750	10	11	3	3.519146518	0.00788869	BRI3	ENSG00000164713
7	97782913	97783298	97783087	18	24	4	5.865244197	8.64E-06	BRI3	ENSG00000164713
7	97793830	97794103	97793990	10	11	3	3.519146518	0.00788869	BRI3	ENSG00000164713
7	97821689	97822137	97821863	20	31	11	3.128130238	0.000146711		ENSG00000205871
7	97866659	97867008	97866833	11	16	4	3.988366054	0.00115141	BAIAP2L1	ENSG00000006453
7	97868415	97868649	97868532	8	10	0	12.90353723	0.000195991	BAIAP2L1	ENSG00000006453
7	97888281	97888707	97888435	15	22	7	3.372515413	0.000629223	BAIAP2L1	ENSG00000006453
7	97992915	97993252	97993057	16	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000213455
7	98213051	98213276	98213177	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000207204
7	98233773	98233952	98233902	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207204
7	98277394	98277645	98277471	9	11	3	3.519146518	0.00788869	TMEM130	ENSG00000166448
7	98315264	98315479	98315376	8	10	6	1.843362462	0.0964212	TRRAP	ENSG00000196367
7	98340413	98340612	98340519	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208889
7	98534562	98534892	98534733	8	11	8	1.564065119	0.151515	SMURF1	ENSG00000198742
7	98564257	98564472	98564364	9	9	7	1.466311049	0.20706	SMURF1	ENSG00000198742
7	98761288	98761469	98761378	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ARPC1A	ENSG00000013455
7	98773680	98773936	98773808	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ARPC1A	ENSG00000013455
7	98811012	98811387	98811222	12	17	2	7.038293036	5.19E-05	ARPC1B	ENSG00000130429
7	98844153	98844677	98844375	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	PDAP1	ENSG00000106244
7	98874094	98874470	98874273	10	16	6	2.848832895	0.00632407	PTCD1	ENSG00000106246
7	98874826	98875172	98874999	10	12	3	3.812408728	0.004404	CPSF4	ENSG00000160917
7	98875873	98876198	98876020	12	16	1	9.970915134	1.89E-05	CPSF4	ENSG00000160917
7	98901576	98902106	98901794	20	30	6	5.194930574	2.42E-06	ATP5J2	ENSG00000160916
7	98908184	98908541	98908362	15	21	4	5.161414893	5.68E-05	ZNF789	ENSG00000198556
7	98935773	98935988	98935876	10	12	5	2.541605819	0.0225912	ZNF394	ENSG00000160908
7	98940647	98941053	98940813	11	18	5	3.714654658	0.000961539	ZKSCAN5	ENSG00000196652
7	98961276	98961547	98961424	12	13	8	1.824742639	0.0744168	ZKSCAN5	ENSG00000196652
7	98976289	98976521	98976405	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221909

7	98987489	98987954	98987668	17	27	9	3.28453675	0.000236424	C7orf38	ENSG00000185654
7	98996935	98997313	98997124	29	38	3	11.43722618	1.38E-10	ZNF655	ENSG00000197343
7	99164276	99164544	99164410	11	15	1	9.384390715	3.90E-05	CYP3A7	ENSG00000160870
7	99172833	99173703	99173460	105	148	5	29.13071284	1.91E-43	CYP3A7	ENSG00000160870
7	99222273	99222641	99222462	15	22	2	8.993374435	1.66E-06	CYP3A4	ENSG00000160868
7	99253047	99253341	99253188	11	14	5	2.932622098	0.00829617	CYP3A43	ENSG00000021461
7	99354740	99355412	99355109	11	28	12	2.616801257	0.00120123	TRIM4	ENSG00000146833
7	99365099	99365320	99365159	8	11	1	7.038293036	0.000674435	GJC3	ENSG00000176402
7	99429820	99430062	99429941	15	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000214313
7	99480290	99480506	99480398	15	16	1	9.970915134	1.89E-05	ZSCAN21	ENSG00000166529
7	99485304	99485632	99485454	12	16	8	2.215758919	0.0222902	ZSCAN21	ENSG00000166529
7	99488866	99489079	99488967	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ZSCAN21	ENSG00000166529
7	99517292	99517652	99517453	9	15	6	2.68125449	0.0103552	ZNF3	ENSG00000166526
7	99524221	99524449	99524335	10	12	4	3.049926982	0.0108184	COPS6	ENSG00000168090
7	99524569	99524748	99524658	8	9	2	3.910162798	0.00955088	COPS6	ENSG00000168090
7	99536122	99536370	99536246	13	16	3	4.985457567	0.000385643	MCM7	ENSG00000166508
7	99537065	99537377	99537212	9	12	6	2.178519273	0.0416567	AP4M1	ENSG00000221838
7	99554772	99554972	99554872	8	10	10	1.173048839	0.355733	TAF6	ENSG00000106290
7	99554995	99555274	99555134	11	14	7	2.199466574	0.0303778	CNPY4	ENSG00000166997
7	99557635	99558038	99557814	9	19	8	2.606775198	0.00583935	CNPY4	ENSG00000166997
7	99566539	99566776	99566702	10	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000214309
7	99584478	99584733	99584605	8	11	5	2.346097679	0.0364013	C7orf59	ENSG00000188186
7	99594169	99594443	99594311	14	16	3	4.985457567	0.000385643	C7orf43	ENSG00000146826
7	99631061	99631291	99631176	8	8	4	2.111487911	0.0804809	STAG3	ENSG00000066923
7	99707734	99708069	99707901	14	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000160844
7	99803082	99803404	99803228	8	11	2	4.692195357	0.00272444	PILRA	ENSG00000085514
7	99863665	99864231	99864006	10	24	13	2.09473007	0.011141	ZCWPW1	ENSG00000078487
7	99864342	99864729	99864513	13	19	12	1.804690522	0.0452624	ZCWPW1	ENSG00000078487
7	99864765	99865257	99865134	12	24	14	1.955081399	0.0175993	MEPCE	ENSG00000146834
7	99871961	99872411	99872129	9	17	9	2.111487911	0.0248715	C7orf47	ENSG00000160813
7	99904817	99905061	99904939	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C7orf61	ENSG00000185955
7	99914614	99915036	99914793	18	27	9	3.28453675	0.000236424	TSC22D4	ENSG00000166925
7	99974200	99974547	99974373	10	14	7	2.199466574	0.0303778	AGFG2	ENSG00000106351
7	99975713	99975892	99975802	8	8	7	1.319679944	0.283403	AGFG2	ENSG00000106351

7	99995406	99995629	99995517	11	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000184414
7	100021638	100021934	100021848	8	12	3	3.812408728	0.004404	FBXO24 ENSG00000106336
7	100047774	100048047	100047910	9	11	7	1.759573259	0.102361	MOSPD3 ENSG00000106330
7	100092011	100092190	100092088	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ACTL6B ENSG00000077080
7	100108833	100109320	100109143	16	28	8	3.779824038	5.98E-05	GNB2 ENSG00000172354
7	100111468	100111724	100111596	10	11	2	4.692195357	0.00272444	GNB2 ENSG00000172354
7	100140831	100141033	100140947	8	9	1	5.865244197	0.00272497	POP7 ENSG00000172336
7	100237193	100238216	100237539	59	154	15	11.36391063	6.90E-36	EPHB4 ENSG00000196411
7	100239079	100239436	100239257	10	15	5	3.128130238	0.00492422	EPHB4 ENSG00000196411
7	100249876	100250219	100250068	15	19	0	23.46097679	1.81E-07	EPHB4 ENSG00000196411
7	100261013	100261242	100261111	8	10	8	1.433726359	0.209175	EPHB4 ENSG00000196411
7	100263264	100263644	100263443	12	20	3	6.158506406	2.99E-05	EPHB4 ENSG00000196411
7	100287497	100288145	100287813	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	SLC12A9 ENSG00000146828
7	100302664	100303020	100302868	8	13	7	2.052835469	0.046392	TRIP6 ENSG00000087077
7	100303623	100304073	100303870	13	22	9	2.69801233	0.00276236	TRIP6 ENSG00000087077
7	100310239	100310924	100310592	11	28	13	2.429886881	0.00217891	ENSG00000087087
7	100325319	100326122	100325901	17	40	7	6.011875301	1.73E-08	UFSP1 ENSG00000176125
7	100365181	100365690	100365299	14	24	4	5.865244197	8.64E-06	MUC3B ENSG00000169894
7	100388591	100388778	100388684	8	9	9	1.173048839	0.362316	MUC3B ENSG00000169894
7	100390006	100390318	100390163	8	11	3	3.519146518	0.00788869	MUC3B ENSG00000169894
7	100396780	100396966	100396914	10	11	3	3.519146518	0.00788869	MUC3B ENSG00000169894
7	100448770	100449266	100448970	8	17	7	2.639359888	0.00777415	MUC17 ENSG00000169876
7	100507524	100507828	100507668	10	13	4	3.28453675	0.00629037	TRIM56 ENSG00000169871
7	100515111	100515374	100515242	11	14	3	4.398933147	0.00132748	TRIM56 ENSG00000169871
7	100515400	100515670	100515579	13	16	2	6.647276756	0.000101928	TRIM56 ENSG00000169871
7	100524835	100525109	100524963	10	13	2	5.474227917	0.000747844	TRIM56 ENSG00000169871
7	100530188	100530429	100530308	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	TRIM56 ENSG00000169871
7	100556853	100557045	100556949	10	10	2	4.301179077	0.00512919	SERPINE1 ENSG00000106366
7	100568420	100568781	100568602	9	15	9	1.876878143	0.0544542	SERPINE1 ENSG00000106366
7	100574093	100574344	100574218	8	11	3	3.519146518	0.00788869	AP1S1 ENSG00000106367
7	100584313	100584574	100584443	8	11	5	2.346097679	0.0364013	AP1S1 ENSG00000106367
7	100593485	100593808	100593646	8	11	3	3.519146518	0.00788869	VGF ENSG00000128564
7	100595529	100595745	100595637	11	12	10	1.386330446	0.21117	VGF ENSG00000128564
7	100599740	100599922	100599831	8	8	3	2.639359888	0.0415794	VGF ENSG00000128564

7	100612743	100612956	100612824	8	10	6	1.843362462	0.0964212	C7orf52	ENSG00000167011
7	100622540	100622795	100622654	9	12	6	2.178519273	0.0416567	MOGAT3	ENSG00000106384
7	100662572	100662979	100662732	9	16	6	2.848832895	0.00632407		ENSG00000203384
7	100671668	100671969	100671818	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CLDN15	ENSG00000106404
7	100682274	100682517	100682404	12	13	8	1.824742639	0.0744168	FIS1	ENSG00000214253
7	100793913	100794358	100794204	11	19	6	3.351568112	0.00134187	EMID2	ENSG00000160963
7	100832198	100832456	100832327	16	19	6	3.351568112	0.00134187	EMID2	ENSG00000160963
7	100937860	100938165	100938031	12	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000214248
7	101013393	101013757	101013572	17	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000106436
7	101038849	101039163	101038991	18	22	10	2.452738482	0.00515848		ENSG00000106436
7	101065599	101065845	101065722	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000214247
7	101132598	101132890	101132731	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000214247
7	101173278	101173685	101173571	13	21	0	25.80707446	3.84E-08	CUX1	ENSG00000160967
7	101243902	101244279	101244073	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	CUX1	ENSG00000160967
7	101286955	101287318	101287122	19	25	10	2.772660893	0.00131329	CUX1	ENSG00000160967
7	101312093	101312275	101312220	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CUX1	ENSG00000160967
7	101312886	101313119	101313002	9	13	8	1.824742639	0.0744168	CUX1	ENSG00000160967
7	101313166	101313549	101313361	17	25	9	3.049926982	0.000648806	CUX1	ENSG00000160967
7	101333075	101333286	101333151	8	9	1	5.865244197	0.00272497	CUX1	ENSG00000160967
7	101443839	101444203	101444018	15	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000203383
7	101666772	101667078	101666922	12	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000208808
7	101702156	101702512	101702334	13	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000160999
7	101716099	101716297	101716198	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000160999
7	101716439	101716682	101716584	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000160999
7	101719809	101720035	101719922	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000160999
7	101745915	101746190	101746052	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000208804
7	101818103	101818446	101818273	11	16	9	1.994183027	0.0370915	PRKRIP1	ENSG00000128563
7	101823195	101824246	101823508	15	54	17	3.584315898	1.47E-07	PRKRIP1	ENSG00000128563
7	101843705	101843932	101843780	9	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000221510
7	102176457	102176745	102176601	16	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000222011
7	102345063	102345475	102345304	8	14	2	5.865244197	0.000387308	LRR17	ENSG00000128606
7	102502008	102502863	102502278	13	33	4	7.976732107	2.40E-08	FBXL13	ENSG00000161040
7	102576656	102576900	102576778	9	12	7	1.906204364	0.0695918	NAPEPLD	ENSG00000161048
7	102577081	102577305	102577193	11	11	4	2.815317214	0.0183428	NAPEPLD	ENSG00000161048

7	102724896	102725459	102725075	23	43	9	5.161414893	3.05E-08	PMPCB	ENSG00000105819
7	102772406	102772734	102772556	19	22	6	3.854303329	0.000260696	DNAJC2	ENSG00000105821
7	102775383	102775672	102775542	9	12	7	1.906204364	0.0695918	PSMC2	ENSG00000161057
7	102834609	102834960	102834784	12	18	10	2.026175268	0.0273052	SLC26A5	ENSG00000170615
7	102875263	102875576	102875404	12	14	9	1.759573259	0.0786014	SLC26A5	ENSG00000170615
7	103524480	103524665	103524572	11	11	8	1.564065119	0.151515	RELN	ENSG00000189056
7	103635500	103636073	103635811	13	26	7	3.959039833	7.16E-05	ORC5L	ENSG00000164815
7	103790551	103790782	103790666	9	9	2	3.910162798	0.00955088	LHFPL3	ENSG00000187416
7	103997459	103997678	103997568	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000197258
7	104033839	104034018	104033955	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000197258
7	104049235	104049476	104049355	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000197258
7	104276073	104276303	104276188	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000208761
7	104311477	104311793	104311625	11	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000208761
7	104391732	104391919	104391825	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208754
7	104410156	104410381	104410268	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000208754
7	104410407	104410610	104410508	11	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000208754
7	104434393	104434611	104434477	13	13	3	4.105670938	0.00243034	MLL5	ENSG00000005483
7	104440179	104440898	104440493	20	47	9	5.630634429	2.74E-09	MLL5	ENSG00000005483
7	104440902	104441518	104441309	13	29	16	2.070086187	0.00680287	MLL5	ENSG00000005483
7	104441616	104441795	104441705	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MLL5	ENSG00000005483
7	104625228	104625407	104625287	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SRPK2	ENSG00000135250
7	104732233	104732575	104732404	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000208751
7	104741609	104741803	104741731	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000208751
7	104915599	104915941	104915771	9	12	1	7.624817456	0.000332769	PUS7	ENSG00000091127
7	104959699	104960048	104959873	15	21	7	3.225884308	0.00106152	RINT1	ENSG00000135249
7	105008813	105009011	105008912	8	8	0	10.55743955	0.000925496	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105009045	105009573	105009289	106	136	7	20.08846137	2.03E-37	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105017172	105017475	105017313	12	15	9	1.876878143	0.0544542	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105038405	105038677	105038576	8	8	4	2.111487911	0.0804809	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105069980	105070340	105070135	8	14	2	5.865244197	0.000387308	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105070351	105070557	105070475	8	10	5	2.150589539	0.0575848	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105075517	105075770	105075663	8	12	2	5.083211637	0.00143337	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105076534	105076896	105076696	12	17	7	2.639359888	0.00777415	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105080115	105080398	105080256	11	13	8	1.824742639	0.0744168	EFCAB10	ENSG00000185055

7	105084581	105085076	105084902	9	16	3	4.985457567	0.000385643	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105092665	105093038	105092844	11	19	6	3.351568112	0.00134187	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105118380	105118580	105118425	8	9	3	2.932622098	0.0242899	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105119382	105119750	105119561	17	24	3	7.331555246	2.13E-06	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105165392	105165631	105165544	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105188027	105188247	105188168	12	13	2	5.474227917	0.000747844	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105260026	105260371	105260189	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105304047	105304288	105304194	10	11	6	2.010940867	0.0640214	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105305040	105305250	105305145	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105362383	105362565	105362474	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000128536
7	105427089	105427312	105427251	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000128536
7	105428291	105428693	105428514	9	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000128536
7	105437094	105437460	105437283	14	20	5	4.105670938	0.000308509		ENSG00000128536
7	105454174	105454406	105454294	9	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000128536
7	105455244	105455696	105455416	12	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000128536
7	105468850	105469076	105468938	10	10	6	1.843362462	0.0964212	SYPL1	ENSG00000008282
7	105484728	105485038	105484881	9	13	2	5.474227917	0.000747844	SYPL1	ENSG00000008282
7	105486118	105486533	105486325	20	30	9	3.636451402	4.92E-05	SYPL1	ENSG00000008282
7	105492628	105493471	105493013	16	37	8	4.952872877	3.52E-07	SYPL1	ENSG00000008282
7	105497612	105498217	105497900	11	25	8	3.388807758	0.000297109	SYPL1	ENSG00000008282
7	105498325	105498673	105498499	8	14	3	4.398933147	0.00132748	SYPL1	ENSG00000008282
7	105499024	105499357	105499190	14	19	8	2.606775198	0.00583935	SYPL1	ENSG00000008282
7	105499726	105499961	105499843	11	12	7	1.906204364	0.0695918	SYPL1	ENSG00000008282
7	105581603	105581785	105581703	8	8	6	1.508205651	0.203852	SYPL1	ENSG00000008282
7	105594553	105594818	105594673	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000201796
7	105606349	105606590	105606469	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000201796
7	105645034	105645307	105645170	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000201796
7	105661453	105661632	105661574	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000201796
7	105667125	105667349	105667238	11	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000201796
7	105711701	105711909	105711798	8	9	4	2.346097679	0.050148	NAMPT	ENSG00000105835
7	105712640	105712857	105712808	8	11	7	1.759573259	0.102361	NAMPT	ENSG00000105835
7	105713003	105713319	105713160	13	16	5	3.323638378	0.00288759	NAMPT	ENSG00000105835
7	105713336	105713615	105713475	8	11	7	1.759573259	0.102361	NAMPT	ENSG00000105835
7	105970297	105970498	105970410	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000177820

7	106026541	106026746	106026643	8	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000177820
7	106087491	106087900	106087721	13	22	5	4.496687217	9.59E-05	ENSG00000177820
7	106088912	106089166	106089005	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ENSG00000177820
7	106164282	106164514	106164360	12	15	6	2.68125449	0.0103552	ENSG00000177820
7	106319583	106319857	106319690	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PIK3CG ENSG00000105851
7	106375007	106375247	106375128	9	11	10	1.279689643	0.277323	PIK3CG ENSG00000105851
7	106595383	106595639	106595473	8	8	5	1.759573259	0.13508	HBP1 ENSG00000105856
7	106596189	106596922	106596649	19	39	9	4.692195357	3.22E-07	HBP1 ENSG00000105856
7	106597308	106597751	106597532	22	36	9	4.340280705	1.80E-06	HBP1 ENSG00000105856
7	106621652	106621851	106621763	8	8	0	10.55743955	0.000925496	HBP1 ENSG00000105856
7	106776512	106776870	106776691	21	27	1	16.42268375	5.88E-09	ENSG00000208728
7	106934026	106934210	106934118	8	8	3	2.639359888	0.0415794	GPR22 ENSG00000172209
7	106934279	106934542	106934410	15	17	9	2.111487911	0.0248715	GPR22 ENSG00000172209
7	106990938	106991144	106991019	8	10	4	2.580707446	0.0306059	DUS4L ENSG00000105865
7	106991378	106991588	106991477	8	10	2	4.301179077	0.00512919	DUS4L ENSG00000105865
7	106992039	106992314	106992149	12	15	10	1.706252857	0.0822346	COG5 ENSG00000164597
7	107007450	107007761	107007609	8	11	1	7.038293036	0.000674435	BCAP29 ENSG00000075790
7	107008169	107008544	107008312	8	13	4	3.28453675	0.00629037	BCAP29 ENSG00000075790
7	107140800	107141086	107140921	13	15	4	3.753756286	0.0020497	CBLL1 ENSG00000105879
7	107171102	107171421	107171249	17	22	9	2.69801233	0.00276236	CBLL1 ENSG00000105879
7	107171468	107171933	107171675	11	22	8	2.997791478	0.00137524	CBLL1 ENSG00000105879
7	107172198	107172410	107172290	8	8	7	1.319679944	0.283403	CBLL1 ENSG00000105879
7	107264067	107264275	107264171	12	13	6	2.346097679	0.0266147	SLC26A3 ENSG00000091138
7	107302352	107302599	107302475	13	15	6	2.68125449	0.0103552	DLD ENSG00000091140
7	107318457	107319158	107318807	10	30	13	2.597465287	0.000910385	DLD ENSG00000091140
7	107376962	107377247	107377104	12	14	8	1.955081399	0.0506438	ENSG00000208718
7	107378634	107378839	107378701	9	10	0	12.90353723	0.000195991	ENSG00000208718
7	107380094	107380613	107380349	23	42	15	3.152568756	1.28E-05	ENSG00000208718
7	107423197	107423449	107423310	11	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000208718
7	107426548	107426800	107426682	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000208718
7	107442721	107443065	107442893	10	16	0	19.94183027	1.86E-06	LAMB1 ENSG00000091136
7	107474638	107474933	107474802	14	16	1	9.970915134	1.89E-05	ENSG00000216085
7	107519155	107519454	107519320	15	19	7	2.932622098	0.00293566	LAMB4 ENSG00000091128
7	107606215	107606423	107606275	9	9	4	2.346097679	0.050148	NRCAM ENSG00000091129



7	107629467	107629657	107629599	8	10	3	3.225884308	0.0139466	NRCAM	ENSG00000091129
7	107721546	107721790	107721665	9	11	2	4.692195357	0.00272444	NRCAM	ENSG00000091129
7	107763002	107763231	107763107	11	12	3	3.812408728	0.004404	NRCAM	ENSG00000091129
7	107786186	107786395	107786290	10	12	1	7.624817456	0.000332769	NRCAM	ENSG00000091129
7	107882383	107882737	107882560	13	19	5	3.910162798	0.000546977	NRCAM	ENSG00000091129
7	107953782	107954151	107953961	16	23	7	3.519146518	0.000369739	PNPLA8	ENSG00000135241
7	107996736	107997767	107997442	17	45	13	3.854303329	5.42E-07	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108038852	108039251	108039099	12	17	5	3.519146518	0.00167472	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108041339	108041637	108041477	10	14	10	1.599612054	0.114822	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108152002	108152234	108152118	8	9	4	2.346097679	0.050148	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108233573	108233802	108233704	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000205174
7	108243486	108243963	108243665	15	28	6	4.859773763	8.07E-06		ENSG00000205174
7	108265909	108266088	108265998	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000205174
7	108400422	108400651	108400536	12	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000205174
7	109026965	109027349	109027015	9	16	4	3.988366054	0.00115141		
7	109031346	109031634	109031456	9	12	3	3.812408728	0.004404		
7	109271789	109271989	109271889	11	11	2	4.692195357	0.00272444		
7	109434578	109435315	109434757	46	67	7	9.970915134	3.48E-16		
7	109709103	109709335	109709176	10	13	6	2.346097679	0.0266147		
7	109710351	109710746	109710561	18	27	6	4.692195357	1.46E-05		
7	109814236	109814415	109814325	8	8	0	10.55743955	0.000925496		
7	109834672	109834947	109834798	10	13	0	16.42268375	1.91E-05		
7	109950007	109950553	109950337	30	46	9	5.513329545	5.02E-09		ENSG00000221279
7	109961405	109962475	109962035	431	633	25	28.60434477	5.01E-176		ENSG00000221279
7	110104663	110105066	110104864	22	31	5	6.256260476	3.74E-07		ENSG00000221279
7	110161913	110162282	110162109	16	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000221279
7	110201430	110201676	110201560	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000221279
7	110591668	110591847	110591757	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208701
7	110740320	110740636	110740477	9	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000208701
7	110785049	110785530	110785228	16	23	4	5.630634429	1.63E-05	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110926316	110926714	110926460	12	18	12	1.714455996	0.0636479	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110989816	110990099	110989957	12	13	12	1.263283365	0.272203	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111077960	111078354	111078209	15	21	10	2.346097679	0.00796926	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111157389	111157597	111157437	8	8	3	2.639359888	0.0415794	IMMP2L	ENSG00000184903

7	111169027	111169322	111169174	17	17	6	3.016411301	0.00381427	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111177486	111177695	111177589	12	12	7	1.906204364	0.0695918	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111177910	111178192	111178051	8	10	8	1.433726359	0.209175	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111179526	111179783	111179622	13	15	4	3.753756286	0.0020497	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111212229	111212628	111212449	20	27	7	4.105670938	4.08E-05		ENSG00000208691
7	111431972	111432151	111432061	8	8	6	1.508205651	0.203852	DOCK4	ENSG00000128512
7	111587896	111588223	111588046	14	16	9	1.994183027	0.0370915	ZNF277	ENSG00000198839
7	111633528	111634050	111633706	17	32	4	7.742122339	4.68E-08	ZNF277	ENSG00000198839
7	111676187	111676524	111676358	15	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000202406
7	111676623	111676834	111676711	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000202406
7	111810770	111811149	111810888	8	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000208671
7	111847881	111848123	111848002	11	15	7	2.346097679	0.0195693	IFRD1	ENSG00000006652
7	111850117	111850509	111850296	11	17	8	2.346097679	0.0144542	IFRD1	ENSG00000006652
7	111877255	111877866	111877627	9	24	11	2.443851749	0.00386428	IFRD1	ENSG00000006652
7	111878116	111878450	111878283	12	18	4	4.457585589	0.000353565	IFRD1	ENSG00000006652
7	111907846	111908053	111907949	8	9	9	1.173048839	0.362316	C7orf53	ENSG00000181016
7	111909036	111909437	111909258	29	37	15	2.785990993	0.000136587	C7orf53	ENSG00000181016
7	111923153	111923448	111923283	12	15	16	1.104045966	0.390393	C7orf53	ENSG00000181016
7	111937394	111937616	111937475	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000182965
7	111999536	111999846	111999691	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000182965
7	112000055	112000338	112000188	17	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000182965
7	112000926	112001394	112001101	20	33	8	4.431517837	3.63E-06		ENSG00000182965
7	112011571	112012039	112011805	75	94	6	15.91994853	3.15E-25		ENSG00000182965
7	112135672	112135875	112135773	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TMEM168	ENSG00000146802
7	112142869	112143053	112142996	8	8	4	2.111487911	0.0804809	TMEM168	ENSG00000146802
7	112171195	112171426	112171300	13	14	2	5.865244197	0.000387308	TMEM168	ENSG00000146802
7	112195934	112196198	112196075	9	10	7	1.612942154	0.147335	TMEM168	ENSG00000146802
7	112197261	112197755	112197555	59	82	10	8.851186697	1.99E-18	TMEM168	ENSG00000146802
7	112209712	112210368	112209930	36	61	4	14.54580561	8.17E-17	TMEM168	ENSG00000146802
7	112217215	112217788	112217609	15	29	17	1.955081399	0.0105966	TMEM168	ENSG00000146802
7	112296392	112296796	112296571	12	20	11	2.052835469	0.0201852	C7orf60	ENSG00000164603
7	112366980	112367371	112367123	13	19	9	2.346097679	0.0107159	C7orf60	ENSG00000164603
7	112367448	112367693	112367555	8	9	3	2.932622098	0.0242899	C7orf60	ENSG00000164603
7	112382815	112383154	112382984	13	16	5	3.323638378	0.00288759	C7orf60	ENSG00000164603

7	112397975	112398298	112398136	9	11	3	3.519146518	0.00788869	C7orf60	ENSG00000164603
7	112526663	112526952	112526807	13	15	5	3.128130238	0.00492422	GPR85	ENSG00000164604
7	112545673	112546167	112545991	19	33	12	3.067973887	0.000114749		ENSG00000214194
7	112587134	112587351	112587242	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000214194
7	112598877	112599056	112598966	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000214194
7	112611373	112611559	112611486	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000214194
7	112640603	112640857	112640730	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000214194
7	112716609	112716847	112716717	12	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000214194
7	112848976	112849386	112849150	13	20	11	2.052835469	0.0201852		ENSG00000214194
7	112858747	112859046	112858876	8	12	10	1.386330446	0.21117		ENSG00000214194
7	113190581	113190959	113190766	12	20	17	1.368556979	0.163361	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113191784	113192014	113191869	10	10	6	1.843362462	0.0964212	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113202659	113202936	113202798	8	11	9	1.407658607	0.210479	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113231686	113232003	113231830	9	13	9	1.642268375	0.111397	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113279630	113279843	113279705	9	9	8	1.303387599	0.281715	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113301144	113301325	113301234	8	10	10	1.173048839	0.355733	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113448629	113449122	113448808	12	23	7	3.519146518	0.000369739	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113511539	113511727	113511633	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000208668
7	113512842	113513288	113513109	25	37	11	3.714654658	6.69E-06		ENSG00000208668
7	113514223	113514435	113514311	8	9	10	1.066408036	0.444985		ENSG00000208668
7	113515592	113515920	113515766	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000208668
7	113603262	113603632	113603455	13	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000208668
7	113610669	113610963	113610816	24	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000208668
7	113815489	113815670	113815579	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FOXP2	ENSG00000128573
7	113842308	113842527	113842417	8	10	2	4.301179077	0.00512919	FOXP2	ENSG00000128573
7	115489281	115489493	115489387	9	10	0	12.90353723	0.000195991	TFEC	ENSG00000105967
7	115853878	115854086	115854005	8	10	3	3.225884308	0.0139466	CAV2	ENSG00000105971
7	115869467	115869687	115869577	11	13	3	4.105670938	0.00243034	CAV2	ENSG00000105971
7	116157839	116158236	116158085	13	19	0	23.46097679	1.81E-07	MET	ENSG00000105976
7	116208330	116208582	116208456	13	14	2	5.865244197	0.000387308	CAPZA2	ENSG00000198898
7	117057742	117058455	117058062	46	78	1	46.33542915	1.03E-25		ENSG00000216672
7	117145353	117145591	117145417	14	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000216672
7	117694487	117694715	117694601	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ANKRD7	ENSG00000106013
7	120378304	120378637	120378466	8	13	1	8.211341875	0.000163445	ING3	ENSG00000071243

7	120933109	120933545	120933283	52	67	1	39.88366054	4.53E-22		ENSG00000221690
7	120938419	120938818	120938610	69	82	0	97.36305366	1.05E-28		ENSG00000221690
7	122192308	122192544	122192426	11	12	1	7.624817456	0.000332769	RNF133	ENSG00000188050
7	122581650	122581856	122581734	9	10	0	12.90353723	0.000195991	SLC13A1	ENSG00000081800
7	122618632	122618847	122618739	10	12	3	3.812408728	0.004404	SLC13A1	ENSG00000081800
7	123176613	123176985	123176838	10	16	3	4.985457567	0.000385643	WASL	ENSG00000106299
7	123673697	123674102	123673887	36	48	0	57.47939313	3.05E-17		ENSG00000213296
7	124099356	124099554	124099455	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000207214
7	126819835	126820099	126819936	14	14	2	5.865244197	0.000387308	ZNF800	ENSG00000048405
7	127220121	127220333	127220227	8	8	6	1.508205651	0.203852	SND1	ENSG00000197157
7	127637150	127637372	127637254	11	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000207705
7	127770882	127771409	127771122	13	26	3	7.918079665	5.55E-07	RBM28	ENSG00000106344
7	127858529	127858809	127858670	9	11	3	3.519146518	0.00788869	IMPDH1	ENSG00000106348
7	127862569	127862900	127862731	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000135245
7	127884677	127884965	127884821	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000214175
7	128828543	128828801	128828677	13	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000165111
7	129168880	129169124	129169002	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000212238
7	129251962	129252153	129252057	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000207691
7	129252757	129253007	129252879	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000207691
7	129375919	129376551	129376235	17	34	6	5.865244197	2.06E-07	UBE2H	ENSG00000186591
7	129396907	129397253	129397084	12	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000207184
7	129420418	129420639	129420528	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000207184
7	129437984	129438174	129438124	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000201109
7	129496445	129496638	129496584	8	8	5	1.759573259	0.13508	KLHDC10	ENSG00000128607
7	129497255	129497632	129497470	10	14	7	2.199466574	0.0303778	KLHDC10	ENSG00000128607
7	129632251	129632459	129632357	10	10	1	6.451768616	0.00135978	TMEM209	ENSG00000146842
7	129699513	129699729	129699622	13	13	0	16.42268375	1.91E-05	CPA2	ENSG00000158516
7	129786399	129786598	129786498	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CPA5	ENSG00000158525
7	129801019	129801322	129801166	13	16	5	3.323638378	0.00288759	CPA1	ENSG00000091704
7	130210688	130210892	130210774	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000198981
7	130221529	130221713	130221572	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000207748
7	130306076	130306276	130306128	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000199627
7	130551065	130551269	130551167	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MKLN1	ENSG00000128585
7	130682521	130682814	130682640	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	MKLN1	ENSG00000128585

7	131109970	131110432	131110213	80	99	0	117.3048839	1.96E-34		ENSG00000172400
7	131280675	131280989	131280832	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000205067
7	131363812	131364062	131363937	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000205067
7	131441864	131442081	131441972	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000205067
7	131455559	131455790	131455656	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000205067
7	131549823	131550298	131549997	16	25	7	3.812408728	0.00012465	PLXNA4	ENSG00000221866
7	131560626	131560826	131560738	10	12	2	5.083211637	0.00143337	PLXNA4	ENSG00000221866
7	131574897	131575383	131575248	16	25	0	30.49926982	1.72E-09	PLXNA4	ENSG00000221866
7	131586586	131586951	131586783	10	16	4	3.988366054	0.00115141	PLXNA4	ENSG00000221866
7	131587217	131587406	131587311	10	11	6	2.010940867	0.0640214	PLXNA4	ENSG00000221866
7	131591245	131591501	131591362	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	PLXNA4	ENSG00000221866
7	131654142	131654403	131654272	9	12	5	2.541605819	0.0225912	PLXNA4	ENSG00000221866
7	132417403	132417700	132417535	15	17	12	1.62422147	0.088135	CHCHD3	ENSG00000106554
7	132518511	132518696	132518603	8	9	2	3.910162798	0.00955088	EXOC4	ENSG00000131558
7	132925287	132925553	132925420	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000208439
7	133106157	133106422	133106246	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000208439
7	133319253	133319639	133319314	8	14	0	17.59573259	8.79E-06	LRGUK	ENSG00000155530
7	133867513	133867796	133867654	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	AKR1B10	ENSG00000198074
7	133881375	133881746	133881554	23	31	0	37.53756286	1.64E-11	AKR1B10	ENSG00000198074
7	133882165	133882492	133882328	10	15	6	2.68125449	0.0103552	AKR1B10	ENSG00000198074
7	133882711	133882927	133882849	9	9	3	2.932622098	0.0242899	AKR1B10	ENSG00000198074
7	133958542	133958858	133958700	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	BPGM	ENSG00000172331
7	134180556	134181251	134180902	143	173	6	29.15864258	2.48E-50	CALD1	ENSG00000122786
7	134506016	134506308	134506182	11	14	2	5.865244197	0.000387308	C7orf49	ENSG00000122783
7	134624859	134625213	134625018	9	13	1	8.211341875	0.000163445	STRA8	ENSG00000146857
7	134671008	134671277	134671141	9	11	3	3.519146518	0.00788869	STRA8	ENSG00000146857
7	134777171	134777397	134777272	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CNOT4	ENSG00000080802
7	134845600	134845797	134845626	11	13	2	5.474227917	0.000747844	CNOT4	ENSG00000080802
7	134856052	134856297	134856188	15	17	3	5.278719777	0.000205462	CNOT4	ENSG00000080802
7	134892959	134893299	134893129	12	18	13	1.591994853	0.0905191	NUP205	ENSG00000155561
7	134997515	134997788	134997651	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000212303
7	134999298	134999477	134999387	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000212303
7	135042148	135042362	135042229	11	12	1	7.624817456	0.000332769	SLC13A4	ENSG00000164707
7	137234499	137234693	137234596	10	10	0	12.90353723	0.000195991	DGKI	ENSG00000157680

7	137499979	137500497	137500265	64	87	2	34.40943262	2.59E-27	ENSG00000222912
7	137523728	137524089	137523944	12	17	0	21.11487911	8.57E-07	ENSG00000201465
7	137766770	137767222	137766955	42	61	1	36.36451402	4.36E-20	ENSG00000202072
7	137899707	137899921	137899814	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ENSG00000208395
7	137998895	137999168	137999019	10	11	2	4.692195357	0.00272444	SVOPL ENSG00000157703
7	138074096	138074416	138074269	27	29	3	8.797866295	7.21E-08	ATP6V0A4 ENSG00000105929
7	138088015	138088297	138088123	9	13	3	4.105670938	0.00243034	ATP6V0A4 ENSG00000105929
7	138352430	138352617	138352523	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ZC3HAV1L ENSG00000146858
7	138643761	138644048	138643918	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	ENSG00000206843
7	138675455	138675711	138675586	10	12	5	2.541605819	0.0225912	FMC1 ENSG00000164898
7	138675767	138676165	138676061	10	15	16	1.104045966	0.390393	FMC1 ENSG00000164898
7	138676285	138676530	138676452	8	8	5	1.759573259	0.13508	FMC1 ENSG00000164898
7	138694773	138695175	138694970	11	19	6	3.351568112	0.00134187	LUC7L2 ENSG00000146963
7	138696081	138696318	138696195	8	11	1	7.038293036	0.000674435	LUC7L2 ENSG00000146963
7	138766278	138766618	138766479	11	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000214117
7	138774223	138774517	138774370	12	13	0	16.42268375	1.91E-05	KLRG2 ENSG00000188883
7	138819194	138819377	138819314	8	8	1	5.278719777	0.00542188	KLRG2 ENSG00000188883
7	138981223	138981491	138981357	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	HIPK2 ENSG00000064393
7	139672519	139672787	139672653	11	12	4	3.049926982	0.0108184	ENSG00000213232
7	139750220	139750400	139750310	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RAB19 ENSG00000146955
7	139853118	139853492	139853275	19	27	5	5.474227917	4.62E-06	MKRN5 ENSG00000133606
7	139864254	139864463	139864358	11	12	4	3.049926982	0.0108184	MKRN5 ENSG00000133606
7	140157348	140157572	140157460	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000207040
7	140214057	140214478	140214307	18	25	1	15.24963491	2.59E-08	ENSG00000207040
7	140319341	140319683	140319520	10	14	5	2.932622098	0.00829617	MRPS33 ENSG00000090263
7	140338618	140339148	140338910	10	21	8	2.867452718	0.00225035	MRPS33 ENSG00000090263
7	140361043	140361429	140361310	11	15	6	2.68125449	0.0103552	MRPS33 ENSG00000090263
7	140686031	140686245	140686138	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000204990
7	140996227	140996480	140996351	14	16	5	3.323638378	0.00288759	ENSG00000219583
7	141009438	141009850	141009604	16	23	10	2.559379286	0.00330263	ENSG00000219583
7	141018005	141018275	141018140	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000219583
7	141084284	141084827	141084487	35	50	7	7.478186351	2.92E-11	SSBP1 ENSG00000106028
7	141322592	141322908	141322761	9	12	8	1.694403879	0.107291	TAS2R38 ENSG00000183609
7	141515298	141515477	141515351	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ENSG00000204987

7	141806809	141806994	141806901	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000211720
7	142191196	142191464	142191330	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000211755
7	142294746	142295220	142294925	13	21	2	8.602358155	3.33E-06	TRPV6	ENSG00000165125
7	142308874	142309094	142309001	8	9	4	2.346097679	0.050148	TRPV6	ENSG00000165125
7	142351097	142351473	142351294	19	27	3	8.211341875	2.82E-07	C7orf34	ENSG00000165131
7	142622383	142622592	142622487	9	11	6	2.010940867	0.0640214	TAS2R40	ENSG00000221937
7	142670540	142670855	142670699	10	14	3	4.398933147	0.00132748	GSTK1	ENSG00000197448
7	142712770	142712955	142712862	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208319
7	143230010	143230516	143230235	9	21	3	6.451768616	1.56E-05	FAM115A	ENSG00000198420
7	143999450	143999888	143999646	65	86	2	34.01841634	5.50E-27		ENSG00000214036
7	144105540	144105770	144105655	8	9	1	5.865244197	0.00272497	TPK1	ENSG00000196511
7	145590054	145590266	145590160	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CNTNAP2	ENSG00000174469
7	147412142	147412347	147412244	8	8	7	1.319679944	0.283403		ENSG00000208301
7	147470722	147470925	147470802	10	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000208301
7	147570415	147570660	147570505	10	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000199370
7	147614256	147614484	147614370	13	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000199370
7	147667307	147667510	147667408	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000199370
7	147730113	147730567	147730388	52	65	0	77.42122339	5.67E-23		ENSG00000199370
7	147855669	147855968	147855816	14	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000213210
7	147999914	148000461	148000282	20	30	0	36.36451402	3.56E-11	CUL1	ENSG00000055130
7	148028814	148028999	148028885	11	13	1	8.211341875	0.000163445	CUL1	ENSG00000055130
7	148229403	148229704	148229553	20	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000208292
7	148268993	148269314	148269153	9	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000208290
7	148269439	148269745	148269592	8	12	9	1.524963491	0.154777		ENSG00000208290
7	148291325	148291591	148291450	11	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000202442
7	148294778	148295007	148294889	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000202442
7	148356372	148356699	148356522	10	13	1	8.211341875	0.000163445	PDIA4	ENSG00000155660
7	148356999	148357232	148357171	10	12	4	3.049926982	0.0108184	PDIA4	ENSG00000155660
7	148393384	148393565	148393524	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000216832
7	148393732	148394151	148394007	14	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000216832
7	148453958	148454596	148454233	11	27	10	2.9859425	0.000503424	ZNF425	ENSG00000204947
7	148472992	148473347	148473169	15	21	6	3.686724924	0.000453999	ZNF398	ENSG00000197024
7	148475109	148475382	148475245	17	18	6	3.183989707	0.00227432	ZNF398	ENSG00000197024
7	148482115	148482425	148482270	12	15	3	4.692195357	0.000718455	ZNF398	ENSG00000197024

7	148494982	148495361	148495182	8	14	5	2.932622098	0.00829617	ZNF398	ENSG00000197024
7	148523367	148523707	148523537	21	27	11	2.737113958	0.00100133	ZNF282	ENSG00000170265
7	148534199	148534426	148534328	11	13	4	3.28453675	0.00629037	ZNF282	ENSG00000170265
7	148567454	148567835	148567608	18	22	6	3.854303329	0.000260696	ZNF212	ENSG00000170260
7	148590109	148590365	148590231	14	14	0	17.59573259	8.79E-06	ZNF783	ENSG00000204946
7	148612965	148613329	148613133	10	16	10	1.812893661	0.0578656	ZNF783	ENSG00000204946
7	148638152	148638504	148638326	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000219420
7	148697713	148697910	148697811	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000208278
7	148709369	148709589	148709479	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208277
7	148722188	148722651	148722419	35	50	1	29.9127454	1.84E-16		ENSG00000208277
7	148788571	148788753	148788684	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ZNF777	ENSG00000196453
7	148863291	148863542	148863395	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	ZNF746	ENSG00000181220
7	148951808	148952251	148951980	13	20	4	4.926805125	0.00010522	ZNF767	ENSG00000133624
7	148952762	148952941	148952891	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ZNF767	ENSG00000133624
7	149018844	149019529	149019006	12	29	8	3.910162798	3.45E-05	KRBA1	ENSG00000133619
7	149070360	149070552	149070410	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ZNF467	ENSG00000181444
7	149089777	149089956	149089809	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ZNF467	ENSG00000181444
7	149099926	149100130	149100028	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF467	ENSG00000181444
7	149121915	149122289	149122066	17	25	4	6.099853964	4.56E-06		ENSG00000197558
7	149148982	149149168	149149075	8	9	2	3.910162798	0.00955088	SSPO	ENSG00000127388
7	149166277	149166658	149166447	9	15	4	3.753756286	0.0020497	ZNF862	ENSG00000106479
7	149182688	149182942	149182816	12	13	5	2.737113958	0.0137917	ZNF862	ENSG00000106479
7	149211509	149211718	149211650	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000204934
7	149344871	149345052	149344961	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000204934
7	149696015	149696291	149696147	11	15	8	2.085420159	0.0338693	REPIN1	ENSG00000214022
7	149726744	149727025	149726902	15	18	4	4.457585589	0.000353565	ZNF775	ENSG00000196456
7	149728552	149728790	149728671	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ZNF775	ENSG00000196456
7	149749120	149749555	149749386	14	23	3	7.038293036	4.15E-06	GIMAP8	ENSG00000171115
7	150205103	150205297	150205195	8	8	2	3.519146518	0.017558	ABP1	ENSG00000002726
7	150272077	150272398	150272229	16	18	1	11.14396397	4.44E-06	KCNH2	ENSG00000055118
7	150292810	150293083	150292925	9	12	2	5.083211637	0.00143337	KCNH2	ENSG00000055118
7	150328743	150329022	150328863	11	13	0	16.42268375	1.91E-05	NOS3	ENSG00000164867
7	150367379	150367572	150367504	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	ACCN3	ENSG00000213199
7	150374878	150375324	150375057	8	15	11	1.564065119	0.11768	ACCN3	ENSG00000213199



7	150385821	150386109	150385950	9	12	4	3.049926982	0.0108184	CDK5	ENSG00000164885
7	150439147	150439422	150439284	11	14	4	3.519146518	0.00361132	AGAP3	ENSG00000133612
7	150451841	150452259	150452080	11	18	11	1.857327329	0.0427732	AGAP3	ENSG00000133612
7	150500602	150500872	150500737	17	19	3	5.865244197	5.72E-05	GBX1	ENSG00000164900
7	150555157	150555653	150555459	8	20	10	2.239456875	0.0121685	ABCF2	ENSG00000033050
7	150560121	150560511	150560300	10	16	13	1.424416448	0.161813		ENSG00000033100
7	150696189	150696449	150696308	10	10	5	2.150589539	0.0575848	NUB1	ENSG00000013374
7	150712089	150712492	150712267	15	24	2	9.775406994	4.09E-07	WDR86	ENSG00000187260
7	150848250	150848491	150848344	9	11	4	2.815317214	0.0183428	RHEB	ENSG00000106615
7	150880447	150880758	150880606	25	27	4	6.5690735	1.26E-06	RHEB	ENSG00000106615
7	151016109	151016594	151016295	46	61	1	36.36451402	4.36E-20	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151082193	151082480	151082306	16	18	1	11.14396397	4.44E-06	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151147213	151147534	151147373	18	23	11	2.346097679	0.00594236	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151203539	151203718	151203628	8	9	1	5.865244197	0.00272497	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151261309	151261542	151261444	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000222941
7	151320427	151320653	151320531	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000208257
7	151400040	151400371	151400209	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000208254
7	151400434	151400977	151400636	83	114	2	44.96687217	3.46E-36		ENSG00000208254
7	151404271	151404848	151404450	11	26	6	4.524616952	2.63E-05	GALNT11	ENSG00000178234
7	151405254	151405509	151405353	8	11	4	2.815317214	0.0183428	GALNT11	ENSG00000178234
7	151409262	151409796	151409440	17	27	7	4.105670938	4.08E-05	GALNT11	ENSG00000178234
7	151410526	151410800	151410687	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	GALNT11	ENSG00000178234
7	151465613	151465970	151465791	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000213188
7	151739477	151739691	151739581	9	9	2	3.910162798	0.00955088	MLL3	ENSG00000055609
7	151791105	151791709	151791575	10	22	5	4.496687217	9.59E-05	CCT8L1	ENSG00000020219
7	151792780	151793001	151792876	9	10	0	12.90353723	0.000195991	CCT8L1	ENSG00000020219
7	151822792	151822971	151822830	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CCT8L1	ENSG00000020219
7	152003970	152004453	152004314	11	22	7	3.372515413	0.000629223	XRCC2	ENSG00000196584
7	152027690	152027900	152027795	8	9	2	3.910162798	0.00955088	XRCC2	ENSG00000196584
7	152061595	152061938	152061766	38	43	1	25.80707446	3.65E-14		ENSG00000214003
7	152317756	152318246	152318001	62	91	6	15.41721332	2.69E-24		ENSG00000217267
7	152318256	152318531	152318393	8	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000217267
7	154041008	154041265	154041125	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221099
7	154212177	154212365	154212273	8	8	4	2.111487911	0.0804809	DPP6	ENSG00000130226

7	154264490	154264752	154264621	8	10	15	0.806471077	0.716145	DPP6	ENSG00000130226
7	154426583	154426882	154426732	9	13	3	4.105670938	0.00243034	PAXIP1	ENSG00000157212
7	154638347	154638526	154638373	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000217825
7	154642536	154642780	154642658	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000217825
7	154646911	154647105	154646984	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000217825
7	154647204	154647561	154647382	19	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000217825
7	154721583	154721794	154721688	9	9	3	2.932622098	0.0242899	INSIG1	ENSG00000186480
7	154834978	154835338	154835151	8	12	3	3.812408728	0.004404	BLACE	ENSG00000204960
7	154898081	154898333	154898240	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000218672
7	154942123	154942488	154942424	8	15	5	3.128130238	0.00492422	EN2	ENSG00000164778
7	154967626	154968254	154968039	15	34	0	41.05670938	1.59E-12	EN2	ENSG00000164778
7	155017326	155017547	155017436	11	11	5	2.346097679	0.0364013	CNPY1	ENSG00000146910
7	155144143	155144350	155144212	8	9	3	2.932622098	0.0242899	RBM33	ENSG00000184863
7	155337258	155337659	155337437	13	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000221113
7	155346270	155346890	155346442	16	39	15	2.932622098	5.39E-05		ENSG00000221113
7	155351535	155351932	155351753	14	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000221113
7	155352717	155353181	155352973	19	29	10	3.199224107	0.000186763		ENSG00000221113
7	155407483	155407810	155407640	14	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000204876
7	155637986	155638225	155638145	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221368
7	155832675	155832869	155832803	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207061
7	155885707	155885978	155885828	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000207061
7	155886803	155887025	155886897	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000207061
7	156233226	156233442	156233322	9	10	2	4.301179077	0.00512919	RNF32	ENSG00000105982
7	156440264	156440601	156440432	13	19	1	11.73048839	2.14E-06	NOM1	ENSG00000146909
7	156473950	156474136	156474043	8	8	2	3.519146518	0.017558	MNX1	ENSG00000130675
7	156486125	156486304	156486214	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MNX1	ENSG00000130675
7	156494814	156495022	156494936	8	10	9	1.290353723	0.279648	MNX1	ENSG00000130675
7	156504650	156505030	156504829	11	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000213992
7	156714453	156714666	156714530	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213990
7	156740828	156741185	156740992	9	13	5	2.737113958	0.0137917		ENSG00000213990
7	156759106	156759328	156759271	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000213990
7	156774833	156775339	156775012	15	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000208243
7	156822145	156822342	156822196	8	9	4	2.346097679	0.050148	DNAJB6	ENSG00000105993
7	156841284	156842045	156841463	16	33	8	4.431517837	3.63E-06	DNAJB6	ENSG00000105993

7	156872652	156873002	156872827	10	15	2	6.256260476	0.000199274	DNAJB6	ENSG00000105993
7	156883432	156883738	156883585	8	13	6	2.346097679	0.0266147	DNAJB6	ENSG00000105993
7	156890529	156890872	156890700	13	16	2	6.647276756	0.000101928	DNAJB6	ENSG00000105993
7	156918429	156918718	156918573	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000178158
7	156978482	156978739	156978631	20	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000178158
7	157487093	157487353	157487191	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000222012
7	157839540	157839737	157839677	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000208234
7	157882962	157883291	157883126	17	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000208234
7	157888655	157889039	157888834	21	28	1	17.00920817	2.80E-09		ENSG00000208234
7	158080542	158080783	158080705	20	20	14	1.642268375	0.06827	PTPRN2	ENSG00000155093
7	158132713	158133015	158132845	17	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000186921
7	158190344	158190567	158190455	9	12	7	1.906204364	0.0695918	NCAPG2	ENSG00000146918
7	158288811	158289030	158288920	8	11	4	2.815317214	0.0183428	FAM62B	ENSG00000117868
7	158301796	158302108	158301952	10	12	7	1.906204364	0.0695918	FAM62B	ENSG00000117868
7	158303962	158304610	158304333	16	41	5	8.211341875	5.42E-10	FAM62B	ENSG00000117868
7	158341706	158342179	158341876	15	25	2	10.16642327	2.02E-07	WDR60	ENSG00000126870
7	158462608	158462787	158462757	8	8	1	5.278719777	0.00542188	WDR60	ENSG00000126870
7	158500971	158501181	158501078	9	11	10	1.279689643	0.277323	VIPR2	ENSG00000106018
7	158516176	158516501	158516338	8	12	7	1.906204364	0.0695918	VIPR2	ENSG00000106018
7	158703816	158704098	158703957	16	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000220691
7	158796232	158796638	158796419	48	61	0	72.72902804	1.26E-21		ENSG00000220691
8	154441	154818	154687	48	53	1	31.67231866	1.89E-17	ZNF596	ENSG00000172748
8	201249	201514	201364	13	15	0	18.76878143	4.04E-06	ZNF596	ENSG00000172748
8	634353	634557	634476	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000206100
8	2339781	2339999	2339870	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MYOM2	ENSG00000036448
8	2374561	2374800	2374688	9	9	2	3.910162798	0.00955088	MYOM2	ENSG00000036448
8	3014668	3014854	3014761	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CSMD1	ENSG00000183117
8	5166404	5166758	5166581	14	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000209245
8	6183943	6184254	6184098	31	32	0	38.7106117	7.53E-12	MCPH1	ENSG00000147316
8	6419873	6420116	6419975	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ANGPT2	ENSG00000091879
8	8257428	8258097	8257838	96	125	2	49.26805125	8.12E-40		ENSG00000182319
8	8302177	8302735	8302376	57	76	4	18.06495213	1.64E-21		ENSG00000182319
8	8349603	8349832	8349752	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000182319
8	8506386	8506694	8506522	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000222487

8	8960760	8961046	8960927	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000210052
8	9021352	9021681	9021516	12	16	0	19.94183027	1.86E-06	PPP1R3B	ENSG00000173281
8	9302292	9302502	9302425	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000201815
8	9450674	9450861	9450767	9	10	0	12.90353723	0.000195991	TNKS	ENSG00000173273
8	11459579	11459775	11459684	8	9	0	11.73048839	0.000425898	C8orf14	ENSG00000170983
8	14610378	14610608	14610484	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000199127
8	17704481	17704838	17704659	8	13	1	8.211341875	0.000163445	MTUS1	ENSG00000129422
8	17824336	17824559	17824467	10	10	1	6.451768616	0.00135978	PCM1	ENSG00000078674
8	18943256	18943730	18943510	151	175	5	34.40943262	3.41E-52	PSD3	ENSG00000156011
8	18943887	18944087	18943987	8	9	0	11.73048839	0.000425898	PSD3	ENSG00000156011
8	19193302	19193591	19193414	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	SH2D4A	ENSG00000104611
8	19323484	19323804	19323649	13	17	1	10.55743955	9.18E-06	CSGALNAC	ENSG00000147408
8	19360169	19360370	19360261	8	8	5	1.759573259	0.13508	CSGALNAC	ENSG00000147408
8	19442560	19442773	19442612	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000181508
8	19718934	19719178	19719057	10	10	1	6.451768616	0.00135978	INTS10	ENSG00000104613
8	20061482	20061781	20061631	13	16	3	4.985457567	0.000385643	SLC18A1	ENSG00000036565
8	20219585	20219899	20219742	9	11	2	4.692195357	0.00272444	LZTS1	ENSG00000061337
8	20329855	20330208	20330033	29	34	0	41.05670938	1.59E-12		ENSG00000210340
8	21506008	21506187	21506097	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210349
8	21965560	21965900	21965736	12	15	0	18.76878143	4.04E-06	EPB49	ENSG00000158856
8	22266141	22266323	22266276	8	9	0	11.73048839	0.000425898	SLC39A14	ENSG00000104635
8	22314627	22314905	22314766	10	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000201761
8	22517964	22518180	22518072	10	11	4	2.815317214	0.0183428	KIAA1967	ENSG00000158941
8	22900444	22900746	22900595	15	17	1	10.55743955	9.18E-06		ENSG00000210402
8	22927906	22928207	22928056	8	13	2	5.474227917	0.000747844	RHOBTB2	ENSG00000008853
8	22955534	22955762	22955639	11	11	1	7.038293036	0.000674435	TNFRSF10B	ENSG00000120889
8	22981900	22982651	22982076	26	61	1	36.36451402	4.36E-20	TNFRSF10B	ENSG00000120889
8	23137995	23138281	23138140	15	19	0	23.46097679	1.81E-07	TNFRSF10A	ENSG00000104689
8	23767547	23767789	23767622	10	12	4	3.049926982	0.0108184	STC1	ENSG00000159167
8	24913412	24913620	24913505	10	10	2	4.301179077	0.00512919	NEFL	ENSG00000104725
8	25232749	25233097	25232923	11	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000215293
8	25372415	25372673	25372544	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	CDCA2	ENSG00000184661
8	26056696	26056946	26056821	11	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000199620
8	26179412	26179667	26179530	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	PPP2R2A	ENSG00000221914

8	26231148	26231489	26231317	10	13	1	8.211341875	0.000163445	PPP2R2A	ENSG00000221914
8	26706860	26707078	26707006	8	10	0	12.90353723	0.000195991	ADRA1A	ENSG00000120907
8	27224960	27225160	27225128	12	13	2	5.474227917	0.000747844	PTK2B	ENSG00000120899
8	27516631	27516969	27516800	13	17	7	2.639359888	0.00777415	CLU	ENSG00000120885
8	27528058	27528322	27528190	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CLU	ENSG00000120885
8	27751199	27751507	27751353	12	15	2	6.256260476	0.000199274	PBK	ENSG00000168078
8	28205386	28205704	28205558	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PNOC	ENSG00000168081
8	28608371	28608650	28608527	14	15	0	18.76878143	4.04E-06	EXTL3	ENSG00000012232
8	29050727	29050946	29050786	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000200719
8	29139154	29139378	29139292	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	KIF13B	ENSG00000197892
8	29154182	29154391	29154286	9	9	2	3.910162798	0.00955088	KIF13B	ENSG00000197892
8	29200267	29200732	29200426	23	33	2	13.29455351	6.68E-10		ENSG00000212034
8	29253696	29253946	29253821	15	15	5	3.128130238	0.00492422	DUSP4	ENSG00000120875
8	29468843	29469091	29468961	8	10	1	6.451768616	0.00135978	DUSP4	ENSG00000120875
8	29650801	29651159	29650971	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000221003
8	29651932	29652288	29652119	16	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000221003
8	29665737	29666047	29665892	16	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000221003
8	29670182	29670405	29670314	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000221003
8	29683816	29684301	29684073	281	321	3	94.43043156	2.61E-103		ENSG00000221003
8	29687706	29687885	29687804	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221003
8	29697937	29698146	29698036	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221003
8	29698273	29698475	29698309	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000221003
8	30316595	30316955	30316774	13	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000210525
8	30372850	30373058	30372966	9	10	3	3.225884308	0.0139466	RBPM5	ENSG00000157110
8	30531325	30531565	30531445	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000200319
8	30699979	30700338	30700159	12	17	2	7.038293036	5.19E-05	GSR	ENSG00000104687
8	30780442	30780783	30780612	22	25	3	7.624817456	1.09E-06	PPP2CB	ENSG00000104695
8	31149552	31149804	31149711	25	25	0	30.49926982	1.72E-09	PURG	ENSG00000172733
8	32762219	32762531	32762367	34	35	2	14.07658607	1.57E-10		ENSG00000210559
8	33081922	33082156	33082039	11	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000210596
8	33106614	33106890	33106752	20	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000210596
8	33159532	33159886	33159709	9	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000210599
8	36900426	36900757	36900591	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000219491
8	37121480	37121710	37121591	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000219491

8	37571575	37571985	37571816	41	49	4	11.73048839	4.03E-13		ENSG00000223215
8	37575283	37575502	37575423	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000223215
8	37876508	37876707	37876596	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	RAB11FIP1	ENSG00000156675
8	38066658	38066886	38066772	9	11	1	7.038293036	0.000674435	ASH2L	ENSG00000129691
8	38711320	38711505	38711466	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000207258
8	38769704	38770077	38769883	9	16	8	2.215758919	0.0222902	TACC1	ENSG00000147526
8	38785519	38785745	38785628	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TACC1	ENSG00000147526
8	39927520	39927797	39927658	12	17	0	21.11487911	8.57E-07	INDOL1	ENSG00000188676
8	40185071	40185268	40185145	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C8orf4	ENSG00000176907
8	40441279	40441473	40441437	8	9	0	11.73048839	0.000425898	C8orf4	ENSG00000176907
8	41132954	41133287	41133094	19	23	1	14.07658607	1.14E-07		ENSG00000206867
8	41424329	41424547	41424467	9	10	6	1.843362462	0.0964212	GOLGA7	ENSG00000147533
8	41466973	41467219	41467096	8	10	0	12.90353723	0.000195991	GOLGA7	ENSG00000147533
8	41519424	41519728	41519576	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	GIN5	ENSG00000147536
8	41536198	41536390	41536294	8	8	2	3.519146518	0.017558	AGPAT6	ENSG00000158669
8	41747209	41747679	41747500	14	25	1	15.24963491	2.59E-08	ANK1	ENSG0000029534
8	41795353	41795985	41795617	135	169	1	99.70915134	4.63E-56		ENSG00000207101
8	41804711	41804954	41804832	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000223084
8	41805054	41805271	41805162	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000223084
8	42129285	42129529	42129407	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	AP3M2	ENSG00000070718
8	42434799	42434986	42434931	9	9	1	5.865244197	0.00272497	VDAC3	ENSG00000078668
8	42492657	42492849	42492753	9	10	0	12.90353723	0.000195991	C8orf40	ENSG00000176209
8	42548264	42548531	42548397	20	22	0	26.9801233	1.77E-08	SLC20A2	ENSG00000168575
8	42726203	42726573	42726380	26	32	0	38.7106117	7.53E-12	CHRNA6	ENSG00000147434
8	43211912	43212603	43212076	67	97	156	0.732221568	0.992918	A26A1	ENSG00000188877
8	43214078	43214427	43214252	22	28	27	1.214943441	0.231769	A26A1	ENSG00000188877
8	43214899	43215283	43215104	41	50	103	0.575245104	0.999571	A26A1	ENSG00000188877
8	43215443	43215911	43215601	19	23	55	0.502735217	0.998409	A26A1	ENSG00000188877
8	43880939	43881268	43881103	22	22	28	0.930349079	0.605811		ENSG00000221295
8	43887391	43887720	43887555	20	20	32	0.746485625	0.858311		ENSG00000221295
8	43939558	43939883	43939720	10	10	18	0.679133539	0.855647		ENSG00000221295
8	43943403	43943733	43943568	9	9	14	0.78203256	0.734892		ENSG00000221295
8	46964425	46964767	46964596	30	30	48	0.742132939	0.907395		ENSG00000210854
8	46971495	46971823	46971659	10	10	25	0.496289894	0.980252		ENSG00000210854

8	47323505	47323684	47323534	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000210854
8	48456693	48456935	48456814	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000215175
8	48617411	48617683	48617547	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207369
8	48814246	48814434	48814302	9	9	1	5.865244197	0.00272497	CEBPD	ENSG00000221869
8	49017189	49017692	49017360	10	18	6	3.183989707	0.00227432	PRKDC	ENSG00000121031
8	49329239	49329606	49329427	15	22	7	3.372515413	0.000629223		ENSG00000210964
8	49337333	49337515	49337417	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000210964
8	49359134	49359313	49359240	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000210964
8	49393973	49394206	49394054	8	9	14	0.78203256	0.734892		ENSG00000210964
8	49589256	49589464	49589360	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000210974
8	50185495	50185884	50185676	37	48	2	19.15979771	1.17E-14	C8orf22	ENSG00000168333
8	50453892	50454092	50454009	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000199640
8	53000029	53000225	53000127	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PCMTD1	ENSG00000168300
8	53000233	53000712	53000454	87	107	0	126.6892746	3.95E-37	PCMTD1	ENSG00000168300
8	53542177	53542443	53542282	15	17	9	2.111487911	0.0248715	ST18	ENSG00000147488
8	53571331	53571643	53571481	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	FAM150A	ENSG00000196711
8	53621259	53621763	53621603	24	32	0	38.7106117	7.53E-12	FAM150A	ENSG00000196711
8	53673909	53674088	53674005	8	8	0	10.55743955	0.000925496	FAM150A	ENSG00000196711
8	53704484	53704895	53704663	69	84	3	24.92728784	3.97E-25	FAM150A	ENSG00000196711
8	54348022	54348456	54348239	32	44	2	17.59573259	2.22E-13	OPRK1	ENSG00000082556
8	55020143	55020367	55020223	9	9	1	5.865244197	0.00272497	RGS20	ENSG00000147509
8	55811545	55811748	55811623	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RP1	ENSG00000104237
8	56285893	56286274	56286057	9	14	0	17.59573259	8.79E-06	XKR4	ENSG00000206579
8	56290240	56290431	56290356	11	11	3	3.519146518	0.00788869	XKR4	ENSG00000206579
8	56847323	56847678	56847500	27	33	0	39.88366054	3.46E-12	TGS1	ENSG00000137574
8	56848233	56848657	56848376	9	15	6	2.68125449	0.0103552	TMEM68	ENSG00000167904
8	56917592	56918019	56917770	32	40	16	2.829117789	6.64E-05		ENSG00000211045
8	56961677	56961861	56961781	8	8	2	3.519146518	0.017558	LYN	ENSG00000147507
8	57064037	57064307	57064172	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000222746
8	57085714	57086034	57085874	18	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000211063
8	57149612	57149887	57149758	11	13	7	2.052835469	0.046392	RPS20	ENSG00000008988
8	57168882	57169067	57168949	9	9	1	5.865244197	0.00272497	RPS20	ENSG00000008988
8	57264181	57264360	57264270	8	8	2	3.519146518	0.017558	PLAG1	ENSG00000181690
8	57329901	57330156	57330028	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	CHCHD7	ENSG00000170791

8	57676162	57676452	57676340	8	12	1	7.624817456	0.000332769	PENK	ENSG00000181195
8	57981108	57981436	57981272	31	32	0	38.7106117	7.53E-12		ENSG00000206975
8	58027528	58027836	58027664	15	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000197334
8	58662429	58662682	58662555	9	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000202265
8	59072176	59072409	59072297	8	10	2	4.301179077	0.00512919	FAM110B	ENSG00000169122
8	59074822	59075130	59074992	11	14	1	8.797866295	8.00E-05	FAM110B	ENSG00000169122
8	59105738	59105941	59105864	9	9	0	11.73048839	0.000425898	FAM110B	ENSG00000169122
8	59212969	59213186	59213122	10	10	2	4.301179077	0.00512919	FAM110B	ENSG00000169122
8	59331544	59331767	59331625	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	UBXN2B	ENSG00000215114
8	59796030	59796375	59796202	15	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000211109
8	60011066	60011364	60011215	13	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000201231
8	60028682	60028908	60028778	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000201231
8	61413856	61414101	61413978	9	12	2	5.083211637	0.00143337	CA8	ENSG00000178538
8	62129617	62129977	62129796	12	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000213881
8	62454271	62454450	62454340	8	8	0	10.55743955	0.000925496	RLBP1L1	ENSG00000177182
8	62543907	62544155	62544028	13	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000222898
8	64243305	64243514	64243384	8	10	2	4.301179077	0.00512919	YTHDF3	ENSG00000185728
8	64243665	64243942	64243778	8	10	2	4.301179077	0.00512919	YTHDF3	ENSG00000185728
8	66116550	66116762	66116656	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CYP7B1	ENSG00000172817
8	66709086	66709301	66709224	9	10	5	2.150589539	0.0575848	ARMC1	ENSG00000104442
8	66909411	66909784	66909628	9	13	7	2.052835469	0.046392	PDE7A	ENSG00000205268
8	67023324	67023595	67023486	22	25	5	5.083211637	1.58E-05	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67095723	67096293	67095834	13	23	10	2.559379286	0.00330263	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67097139	67097391	67097218	8	10	0	12.90353723	0.000195991	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67101269	67101709	67101448	22	33	10	3.625787322	2.36E-05	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67139770	67140113	67139941	13	16	3	4.985457567	0.000385643	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67187815	67189301	67188436	152	300	13	25.22055005	4.30E-83		ENSG00000209078
8	67198826	67199440	67199272	46	69	2	27.37113958	1.94E-21	TRIM55	ENSG00000147573
8	67251684	67251882	67251783	8	9	5	1.955081399	0.0892323	CRH	ENSG00000147571
8	67252250	67252478	67252348	8	8	3	2.639359888	0.0415794	CRH	ENSG00000147571
8	67503420	67503915	67503736	17	24	5	4.887703497	2.90E-05	RRS1	ENSG00000179041
8	67513672	67514141	67513962	9	18	12	1.714455996	0.0636479	ADHFE1	ENSG00000147576
8	67597114	67597735	67597456	16	33	7	4.985457567	1.25E-06		ENSG00000206949
8	67665034	67665375	67665204	16	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000219180



8	68066116	68066302	68066191	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TCF24	ENSG00000187728
8	68138859	68139361	68139017	11	23	5	4.692195357	5.29E-05	CSPP1	ENSG00000104218
8	68275208	68275471	68275362	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000211220
8	68455804	68456064	68455934	9	13	3	4.105670938	0.00243034	ARFGEF1	ENSG00000066777
8	69705543	69705787	69705710	22	23	0	28.15317214	8.13E-09	C8orf34	ENSG00000165084
8	70236575	70236818	70236696	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000211297
8	70600502	70600730	70600616	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000218599
8	71477080	71477282	71477181	8	8	2	3.519146518	0.017558	NCOA2	ENSG00000140396
8	71493098	71493277	71493172	8	8	0	10.55743955	0.000925496	NCOA2	ENSG00000140396
8	71568021	71568272	71568146	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000222928
8	71607662	71607841	71607760	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000213002
8	71609359	71609559	71609427	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000213002
8	71914590	71914802	71914682	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000223220
8	72133949	72134175	72134083	9	10	3	3.225884308	0.0139466	EYA1	ENSG00000104313
8	72293066	72293306	72293186	9	10	0	12.90353723	0.000195991	EYA1	ENSG00000104313
8	72402395	72402614	72402504	8	8	3	2.639359888	0.0415794	EYA1	ENSG00000104313
8	74249189	74249618	74249368	14	23	2	9.384390715	8.25E-07		ENSG00000164764
8	74250203	74250758	74250426	18	34	2	13.68556979	3.24E-10		ENSG00000164764
8	74299130	74299342	74299217	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RPL7	ENSG00000147604
8	74370765	74370965	74370832	11	11	6	2.010940867	0.0640214	RPL7	ENSG00000147604
8	74431213	74431498	74431361	11	12	6	2.178519273	0.0416567	RPL7	ENSG00000147604
8	74953701	74954041	74953873	8	12	3	3.812408728	0.004404	UBE2W	ENSG00000104343
8	75162987	75163190	75163085	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000212485
8	75379155	75379431	75379293	18	20	1	12.31701281	1.03E-06	JPH1	ENSG00000104369
8	75651197	75651604	75651459	8	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000207417
8	75710221	75710553	75710387	12	16	7	2.492728784	0.0124193	PI15	ENSG00000137558
8	75833815	75834023	75833919	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PI15	ENSG00000137558
8	76198453	76198659	76198556	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CRISPLD1	ENSG00000121005
8	76300652	76301012	76300810	18	23	2	9.384390715	8.25E-07	HNF4G	ENSG00000164749
8	76558263	76558460	76558361	9	9	3	2.932622098	0.0242899	HNF4G	ENSG00000164749
8	77442690	77442886	77442788	10	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000222231
8	78074710	78075015	78074862	8	12	7	1.906204364	0.0695918	PXMP3	ENSG00000164751
8	78625396	78625754	78625587	25	29	4	7.038293036	3.41E-07		
8	80194678	80194963	80194844	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	IL7	ENSG00000104432

8	80199098	80199346	80199200	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	IL7	ENSG00000104432
8	80874367	80874608	80874487	9	11	2	4.692195357	0.00272444	HEY1	ENSG00000164683
8	80948185	80948377	80948260	9	9	0	11.73048839	0.000425898	HEY1	ENSG00000164683
8	81007475	81007654	81007628	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MRPS28	ENSG00000147586
8	81127352	81127571	81127426	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TPD52	ENSG00000076554
8	81143049	81143841	81143453	100	145	2	57.08837685	1.97E-46	TPD52	ENSG00000076554
8	81155361	81155713	81155537	15	20	13	1.759573259	0.0475388	TPD52	ENSG00000076554
8	81155907	81156132	81156018	8	8	9	1.055743955	0.456865	TPD52	ENSG00000076554
8	81159109	81159423	81159263	10	13	4	3.28453675	0.00629037	TPD52	ENSG00000076554
8	81159895	81160090	81159986	8	8	7	1.319679944	0.283403	TPD52	ENSG00000076554
8	81166472	81166702	81166587	11	12	6	2.178519273	0.0416567	TPD52	ENSG00000076554
8	81220766	81220996	81220910	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000209175
8	81305617	81305880	81305748	15	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000209175
8	81315312	81315649	81315443	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000209175
8	81441679	81442075	81441858	28	36	14	2.89352047	0.000111563		ENSG00000206649
8	81560940	81561253	81561096	13	14	2	5.865244197	0.000387308	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81576018	81576448	81576255	20	31	2	12.51252095	2.82E-09	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81579048	81579295	81579174	8	9	4	2.346097679	0.050148	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81643257	81643535	81643396	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000188856
8	81653297	81653483	81653390	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000223327
8	81656351	81656773	81656554	40	50	4	11.96509816	2.00E-13		ENSG00000223327
8	81761969	81762413	81762239	16	22	6	3.854303329	0.000260696		ENSG00000212429
8	81827730	81828404	81828246	21	41	5	8.211341875	5.42E-10		ENSG00000212429
8	81842717	81843018	81842866	22	23	6	4.021881735	0.000148535		ENSG00000209154
8	81882658	81882865	81882758	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000209154
8	81939637	81939879	81939751	10	12	6	2.178519273	0.0416567	ZNF704	ENSG00000164684
8	82125389	82125845	82125568	9	18	4	4.457585589	0.000353565	PAG1	ENSG00000076641
8	82179135	82179400	82179267	18	20	3	6.158506406	2.99E-05	PAG1	ENSG00000076641
8	82185970	82186260	82186134	9	11	6	2.010940867	0.0640214	PAG1	ENSG00000076641
8	82310140	82310335	82310237	9	10	5	2.150589539	0.0575848	FABP5L3	ENSG00000164687
8	82328176	82328404	82328290	10	10	3	3.225884308	0.0139466	FABP5L3	ENSG00000164687
8	82377402	82377603	82377502	12	12	6	2.178519273	0.0416567	FABP5L3	ENSG00000164687
8	82806955	82807292	82807123	10	13	0	16.42268375	1.91E-05	CHMP4C	ENSG00000164695
8	82807382	82807663	82807512	8	11	2	4.692195357	0.00272444	CHMP4C	ENSG00000164695

8	82917164	82917500	82917332	21	23	26	1.042710079	0.443237	SNX16	ENSG00000104497
8	83237277	83237545	83237411	13	16	2	6.647276756	0.000101928	HNRNPA1P	ENSG00000206228
8	86276333	86276599	86276483	10	12	3	3.812408728	0.004404	E2F5	ENSG00000133740
8	86320126	86320478	86320300	14	19	2	7.820325595	1.32E-05		ENSG00000176731
8	86378569	86378772	86378673	8	8	0	10.55743955	0.000925496	CA13	ENSG00000185015
8	86451129	86451365	86451247	11	12	2	5.083211637	0.00143337	CA1	ENSG00000133742
8	86545443	86545846	86545622	9	16	3	4.985457567	0.000385643	CA3	ENSG00000164879
8	86551121	86551338	86551240	9	9	4	2.346097679	0.050148	CA2	ENSG00000104267
8	86562672	86562925	86562798	11	13	5	2.737113958	0.0137917	CA2	ENSG00000104267
8	86739779	86740108	86739943	11	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000205178
8	87015972	87016167	87016075	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000205162
8	87134297	87134521	87134409	8	9	5	1.955081399	0.0892323	PSKH2	ENSG00000147613
8	87189916	87190228	87190072	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87206545	87206766	87206655	12	14	2	5.865244197	0.000387308	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87218060	87218317	87218207	8	9	4	2.346097679	0.050148	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87236769	87236949	87236859	8	8	2	3.519146518	0.017558	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87281152	87281539	87281360	10	16	10	1.812893661	0.0578656	SLC7A13	ENSG00000164893
8	87338948	87339166	87339057	9	10	5	2.150589539	0.0575848	SLC7A13	ENSG00000164893
8	87339949	87340463	87340128	13	24	17	1.629234499	0.0548227	SLC7A13	ENSG00000164893
8	87402746	87402990	87402879	11	12	8	1.694403879	0.107291	WWP1	ENSG00000123124
8	87416671	87416850	87416760	8	8	2	3.519146518	0.017558	WWP1	ENSG00000123124
8	87423370	87423944	87423787	17	35	17	2.346097679	0.00106246	WWP1	ENSG00000123124
8	87425632	87426085	87425815	10	21	12	1.985159574	0.021936	WWP1	ENSG00000123124
8	87494631	87494845	87494738	8	8	7	1.319679944	0.283403	WWP1	ENSG00000123124
8	87511406	87512124	87511807	40	62	3	18.47551922	4.36E-18		ENSG00000214965
8	87525486	87525709	87525628	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000214965
8	87551649	87551873	87551804	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214965
8	87586217	87586396	87586306	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000214963
8	87589782	87590452	87590118	20	42	14	3.362740006	5.97E-06	FAM82B	ENSG00000176623
8	87595501	87595741	87595621	14	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000209264
8	87595794	87596096	87595945	17	20	8	2.737113958	0.0036449		ENSG00000209264
8	87635338	87635582	87635502	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000209264
8	87639528	87639772	87639595	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000209264
8	87700123	87700660	87700410	13	24	6	4.18946014	8.40E-05		ENSG00000221137

8	87740000	87740225	87740112	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221137
8	87784770	87785018	87784901	14	15	8	2.085420159	0.0338693	CNGB3	ENSG00000170289
8	88092515	88092823	88092669	9	13	5	2.737113958	0.0137917	CNBD1	ENSG00000176571
8	88242496	88242675	88242594	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CNBD1	ENSG00000176571
8	88247760	88248019	88247933	12	15	3	4.692195357	0.000718455	CNBD1	ENSG00000176571
8	88662236	88662471	88662368	8	9	7	1.466311049	0.20706	WDR21C	ENSG00000176566
8	88663412	88663637	88663546	9	10	7	1.612942154	0.147335	WDR21C	ENSG00000176566
8	88743994	88744306	88744156	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	WDR21C	ENSG00000176566
8	89325140	89325370	89325206	8	9	5	1.955081399	0.0892323	MMP16	ENSG00000156103
8	89325402	89325636	89325514	11	11	7	1.759573259	0.102361	MMP16	ENSG00000156103
8	89409015	89409194	89409137	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MMP16	ENSG00000156103
8	89409209	89409590	89409458	10	17	8	2.346097679	0.0144542	MMP16	ENSG00000156103
8	89409936	89410516	89410087	19	39	14	3.128130238	2.65E-05	MMP16	ENSG00000156103
8	89496741	89497156	89496947	21	31	20	1.787502993	0.0176346		ENSG00000209292
8	89503987	89504230	89504068	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000209292
8	89518754	89518954	89518807	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000209292
8	89611726	89611943	89611822	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000209292
8	89635961	89636296	89636118	11	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000209292
8	89679920	89680273	89680094	17	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000209292
8	89833182	89833641	89833361	27	38	10	4.158991339	1.56E-06		ENSG00000209292
8	90064578	90064775	90064698	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000213771
8	90334732	90334912	90334822	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000213771
8	90528261	90528561	90528386	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000213771
8	90698459	90698745	90698598	8	11	2	4.692195357	0.00272444	RIPK2	ENSG00000104312
8	90807235	90807482	90807365	12	14	8	1.955081399	0.0506438	RIPK2	ENSG00000104312
8	90839058	90839417	90839195	8	13	6	2.346097679	0.0266147	RIPK2	ENSG00000104312
8	90840717	90841062	90840889	12	17	20	1.005470434	0.496566	RIPK2	ENSG00000104312
8	90938127	90938433	90938280	8	13	16	0.966040221	0.542489		ENSG00000207359
8	90963949	90964352	90964168	27	35	12	3.24844294	4.27E-05		ENSG00000207359
8	90983298	90983560	90983422	14	16	15	1.246364392	0.263987	OSGIN2	ENSG00000164823
8	90983642	90983838	90983671	8	9	3	2.932622098	0.0242899	OSGIN2	ENSG00000164823
8	91065421	91066259	91065745	24	68	22	3.519146518	6.77E-09	NBN	ENSG00000104320
8	91076927	91077411	91077097	9	17	5	3.519146518	0.00167472	DECR1	ENSG00000104325
8	91082226	91082731	91082561	11	24	4	5.865244197	8.64E-06	DECR1	ENSG00000104325

8	91164098	91164309	91164203	8	11	7	1.759573259	0.102361	CALB1	ENSG00000104327
8	91618951	91619169	91619061	9	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000199354
8	91652477	91652754	91652615	12	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000209319
8	91657247	91657493	91657382	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000209319
8	91675056	91675382	91675219	13	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000209319
8	91726087	91726604	91726355	25	38	6	6.535557819	1.65E-08	TMEM64	ENSG00000180694
8	91757696	91757937	91757816	9	11	8	1.564065119	0.151515	TMEM64	ENSG00000180694
8	92122034	92122384	92122214	9	14	5	2.932622098	0.00829617	TMEM55A	ENSG00000155099
8	92150847	92151069	92150958	9	10	3	3.225884308	0.0139466	OTUD6B	ENSG00000155100
8	92151570	92151924	92151747	12	15	3	4.692195357	0.000718455	OTUD6B	ENSG00000155100
8	92917571	92917773	92917698	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RUNX1T1	ENSG00000079102
8	93548238	93548448	93548331	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221172
8	93616747	93617059	93616903	20	22	2	8.993374435	1.66E-06		ENSG00000221172
8	94046249	94046596	94046422	10	16	10	1.812893661	0.0578656	C8orf83	ENSG00000205133
8	94046755	94047099	94046927	8	13	7	2.052835469	0.046392	C8orf83	ENSG00000205133
8	94149727	94150123	94149954	16	21	12	1.985159574	0.021936	C8orf83	ENSG00000205133
8	94241752	94241941	94241846	10	10	11	1.075294769	0.434143		ENSG00000214950
8	94479420	94479643	94479531	12	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000209199
8	94525006	94525214	94525110	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000209199
8	94600364	94601028	94600836	35	55	4	13.138147	5.86E-15		ENSG00000209199
8	94646883	94647083	94646983	10	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000209199
8	94783093	94783283	94783146	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000188343
8	94816495	94816718	94816625	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	RBM12B	ENSG00000183808
8	94822112	94822407	94822284	11	15	9	1.876878143	0.0544542	RBM12B	ENSG00000183808
8	94822442	94822779	94822607	15	20	9	2.463402563	0.00689886	RBM12B	ENSG00000183808
8	94832476	94832837	94832655	24	31	2	12.51252095	2.82E-09	TMEM67	ENSG00000164953
8	94836146	94836351	94836257	10	10	5	2.150589539	0.0575848	TMEM67	ENSG00000164953
8	94836792	94836980	94836886	10	10	3	3.225884308	0.0139466	TMEM67	ENSG00000164953
8	94871787	94872048	94871888	9	10	1	6.451768616	0.00135978	TMEM67	ENSG00000164953
8	94903745	94903939	94903910	9	9	4	2.346097679	0.050148	TMEM67	ENSG00000164953
8	94999053	94999368	94999210	8	12	10	1.386330446	0.21117	PPM2C	ENSG00000164951
8	95042448	95042634	95042522	10	10	7	1.612942154	0.147335	PPM2C	ENSG00000164951
8	95056636	95056913	95056774	10	13	19	0.821134188	0.720637	PPM2C	ENSG00000164951
8	95072125	95073157	95072413	69	142	12	12.90353723	1.08E-34	PPM2C	ENSG00000164951

8	95140864	95141070	95141013	8	9	2	3.910162798	0.00955088	PPM2C	ENSG00000164951
8	95161277	95161477	95161345	9	11	2	4.692195357	0.00272444	CDH17	ENSG00000079112
8	95248502	95248882	95248692	26	34	1	20.52835469	3.17E-11	CDH17	ENSG00000079112
8	95260970	95261149	95261059	9	10	1	6.451768616	0.00135978	CDH17	ENSG00000079112
8	95343725	95343965	95343814	8	10	2	4.301179077	0.00512919	GEM	ENSG00000164949
8	95359074	95359317	95359178	8	9	7	1.466311049	0.20706	GEM	ENSG00000164949
8	95439159	95439368	95439263	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000197065
8	95486772	95487047	95486946	14	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000197065
8	95528718	95528958	95528836	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000197065
8	95556243	95556640	95556461	10	18	7	2.785990993	0.00480525		ENSG00000197065
8	95610136	95610461	95610298	18	22	5	4.496687217	9.59E-05		ENSG00000212997
8	95634726	95635216	95635015	14	23	10	2.559379286	0.00330263	KIAA1429	ENSG00000164944
8	95635399	95635746	95635572	9	13	4	3.28453675	0.00629037	KIAA1429	ENSG00000164944
8	95694363	95694670	95694516	11	16	2	6.647276756	0.000101928	RBM35A	ENSG00000104413
8	95720380	95720871	95720692	16	30	8	4.040501558	1.98E-05	RBM35A	ENSG00000104413
8	95721966	95722629	95722450	18	35	21	1.919534464	0.00687348	RBM35A	ENSG00000104413
8	95722919	95723168	95723044	10	12	4	3.049926982	0.0108184	RBM35A	ENSG00000104413
8	95723754	95724189	95723919	11	20	6	3.519146518	0.000784044	RBM35A	ENSG00000104413
8	95738479	95739379	95739016	133	204	16	14.14558894	3.93E-50		ENSG00000209267
8	95800717	95801338	95801021	14	31	6	5.36250898	1.31E-06	DPY19L4	ENSG00000156162
8	95904082	95904376	95904229	8	12	7	1.906204364	0.0695918	INTS8	ENSG00000164941
8	95904971	95905259	95905092	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	INTS8	ENSG00000164941
8	95976892	95977154	95977039	8	10	3	3.225884308	0.0139466	C8orf38	ENSG00000156170
8	96028568	96028792	96028717	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TP53INP1	ENSG00000164938
8	96030700	96031500	96031003	104	132	2	52.00516521	3.95E-42	TP53INP1	ENSG00000164938
8	96032625	96033168	96032989	13	27	7	4.105670938	4.08E-05	TP53INP1	ENSG00000164938
8	96071969	96072255	96072105	8	12	4	3.049926982	0.0108184	C8orf38	ENSG00000156170
8	96072402	96072916	96072711	17	30	11	3.030376168	0.000239888	C8orf38	ENSG00000156170
8	96106072	96106369	96106220	11	13	4	3.28453675	0.00629037	C8orf38	ENSG00000156170
8	96109283	96109502	96109354	10	10	5	2.150589539	0.0575848	C8orf38	ENSG00000156170
8	96148816	96149003	96148952	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000200525
8	96167083	96167485	96167250	25	33	7	4.985457567	1.25E-06		ENSG00000200525
8	96177694	96177918	96177778	10	11	2	4.692195357	0.00272444	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96178088	96178330	96178194	11	11	2	4.692195357	0.00272444	PLEKHF2	ENSG00000175895

8	96181702	96181902	96181817	8	8	11	0.879786629	0.621301	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96182554	96182753	96182653	8	9	4	2.346097679	0.050148	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96184112	96184377	96184244	9	10	9	1.290353723	0.279648	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96193971	96195073	96194269	30	70	28	2.871947158	1.98E-07	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96214810	96215046	96214981	10	14	4	3.519146518	0.00361132	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96215938	96216142	96215998	8	10	7	1.612942154	0.147335	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96219053	96219347	96219206	8	13	8	1.824742639	0.0744168	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96232231	96232424	96232327	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96253632	96253879	96253731	9	11	6	2.010940867	0.0640214	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96272930	96273172	96273047	9	12	6	2.178519273	0.0416567	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96274380	96274717	96274538	22	27	21	1.49297125	0.078146	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96304943	96305223	96305054	12	15	6	2.68125449	0.0103552	C8orf37	ENSG00000156172
8	96305372	96305707	96305539	16	19	7	2.932622098	0.00293566	C8orf37	ENSG00000156172
8	96306760	96307396	96307080	53	106	9	12.55162258	2.74E-26	C8orf37	ENSG00000156172
8	96350498	96351364	96351191	21	52	18	3.272188868	8.89E-07	C8orf37	ENSG00000156172
8	96367845	96368057	96367951	9	9	1	5.865244197	0.00272497	C8orf37	ENSG00000156172
8	96549489	96549668	96549578	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000202112
8	96840041	96840325	96840212	9	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000223297
8	96854467	96854910	96854641	49	58	11	5.767490127	3.76E-11		ENSG00000223297
8	96972003	96972211	96972099	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000183663
8	97342722	97342951	97342836	10	10	3	3.225884308	0.0139466	MTERFD1	ENSG00000156469
8	97343064	97343468	97343243	13	20	0	24.63402563	8.35E-08	PTDSS1	ENSG00000156471
8	97414587	97414929	97414758	12	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000199732
8	97434706	97434906	97434806	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000199732
8	97446865	97447099	97446992	12	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000199732
8	97548528	97548834	97548684	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SDC2	ENSG00000169439
8	97574723	97575350	97575042	9	22	13	1.927151665	0.0235996	SDC2	ENSG00000169439
8	98009857	98010239	98010015	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000104324
8	98027187	98027541	98027362	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000104324
8	98347735	98347948	98347841	10	12	3	3.812408728	0.004404	TSPYL5	ENSG00000180543
8	98359282	98359657	98359541	13	20	3	6.158506406	2.99E-05	TSPYL5	ENSG00000180543
8	98406787	98406997	98406935	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207215
8	98505455	98505778	98505619	16	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000207215
8	98634918	98635128	98635036	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000208981

8	98641430	98641701	98641565	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000208981
8	98663956	98664181	98664024	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000208981
8	98724819	98725163	98724990	10	13	8	1.824742639	0.0744168	MTDH	ENSG00000147649
8	98856901	98857205	98857061	10	13	6	2.346097679	0.0266147	LAPTM4B	ENSG00000104341
8	98859348	98859543	98859389	8	8	1	5.278719777	0.00542188	LAPTM4B	ENSG00000104341
8	98912922	98913201	98913080	21	23	4	5.630634429	1.63E-05	MATN2	ENSG00000132561
8	99126724	99127120	99126903	11	19	7	2.932622098	0.00293566	RPL30	ENSG00000156482
8	99167020	99167249	99167125	9	12	7	1.906204364	0.0695918	C8orf47	ENSG00000177459
8	99198384	99198825	99198543	10	21	6	3.686724924	0.000453999	HRSP12	ENSG00000132541
8	99246083	99246306	99246187	9	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000208954
8	99251485	99251687	99251586	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000208954
8	99321486	99321903	99321649	14	20	1	12.31701281	1.03E-06	NPAL2	ENSG00000104361
8	99340880	99341313	99341114	14	25	6	4.357038546	4.72E-05	NPAL2	ENSG00000104361
8	99387499	99387807	99387653	9	12	1	7.624817456	0.000332769	NPAL2	ENSG00000104361
8	99898878	99899095	99898992	10	12	9	1.524963491	0.154777	STK3	ENSG00000104375
8	99907496	99907743	99907619	11	12	6	2.178519273	0.0416567	STK3	ENSG00000104375
8	99922347	99922526	99922436	9	9	2	3.910162798	0.00955088	STK3	ENSG00000104375
8	100025803	100026119	100025957	10	15	2	6.256260476	0.000199274	OSR2	ENSG00000164920
8	100047895	100048325	100048129	15	26	8	3.519146518	0.000175368	OSR2	ENSG00000164920
8	100064595	100064775	100064625	8	8	2	3.519146518	0.017558	VPS13B	ENSG00000132549
8	100094070	100094876	100094544	19	37	14	2.971723726	6.95E-05	VPS13B	ENSG00000132549
8	100577137	100577471	100577304	15	15	23	0.78203256	0.783431		ENSG00000206699
8	100787275	100787577	100787426	15	20	10	2.239456875	0.0121685		ENSG00000220387
8	100880640	100880953	100880796	11	14	6	2.513676084	0.016726	COX6C	ENSG00000164919
8	100885618	100885967	100885792	10	15	10	1.706252857	0.0822346	COX6C	ENSG00000164919
8	100941357	100941559	100941437	8	11	11	1.173048839	0.349489	COX6C	ENSG00000164919
8	100973868	100974047	100973957	8	8	4	2.111487911	0.0804809	COX6C	ENSG00000164919
8	100974836	100975265	100975053	8	16	5	3.323638378	0.00288759	COX6C	ENSG00000164919
8	100986426	100986721	100986573	14	15	1	9.384390715	3.90E-05	COX6C	ENSG00000164919
8	101063862	101064104	101063976	9	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000212414
8	101088583	101089019	101088842	16	24	3	7.331555246	2.13E-06		ENSG00000212414
8	101100687	101100874	101100780	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221753
8	101205192	101205502	101205347	19	22	10	2.452738482	0.00515848	RGS22	ENSG00000132554
8	101231263	101231458	101231401	9	10	5	2.150589539	0.0575848	POLR2K	ENSG00000147669



8	101231913	101232186	101232045	11	14	13	1.256838042	0.269506	POLR2K	ENSG00000147669
8	101239831	101240092	101239971	11	12	3	3.812408728	0.004404	SPAG1	ENSG00000104450
8	101294385	101294586	101294485	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000199667
8	101294963	101295219	101295091	13	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000199667
8	101391728	101392023	101391860	8	11	10	1.279689643	0.277323	RNF19A	ENSG00000034677
8	101462537	101462726	101462631	9	9	0	11.73048839	0.000425898	RNF19A	ENSG00000034677
8	101477374	101477788	101477466	9	15	3	4.692195357	0.000718455	RNF19A	ENSG00000034677
8	101498566	101498877	101498702	8	12	2	5.083211637	0.00143337	RNF19A	ENSG00000034677
8	101526096	101526551	101526265	22	32	3	9.677652924	9.12E-09	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101538997	101539194	101539095	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101553508	101553841	101553674	11	16	5	3.323638378	0.00288759	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101569286	101569675	101569465	28	34	7	5.132088672	6.85E-07	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101573721	101574068	101573894	8	13	10	1.49297125	0.157311	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101591632	101591912	101591772	11	13	3	4.105670938	0.00243034	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101608389	101608607	101608498	10	13	4	3.28453675	0.00629037	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101622275	101622516	101622395	9	12	2	5.083211637	0.00143337	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101640981	101641358	101641180	14	19	5	3.910162798	0.000546977	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101645499	101645685	101645592	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101688215	101688394	101688374	8	8	2	3.519146518	0.017558	SNX31	ENSG00000174226
8	101723801	101723980	101723890	8	9	7	1.466311049	0.20706	SNX31	ENSG00000174226
8	101748994	101749222	101749143	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000208885
8	101754923	101755329	101755100	29	35	2	14.07658607	1.57E-10		ENSG00000208885
8	101762291	101762640	101762465	9	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000208885
8	101762725	101763057	101762892	18	23	8	3.128130238	0.000832453		ENSG00000208885
8	101802078	101802304	101802196	9	11	8	1.564065119	0.151515	PABPC1	ENSG00000070756
8	101803416	101803674	101803581	8	11	3	3.519146518	0.00788869	PABPC1	ENSG00000070756
8	101804362	101804743	101804564	10	16	6	2.848832895	0.00632407	PABPC1	ENSG00000070756
8	101827615	101828039	101827873	25	37	9	4.457585589	1.02E-06		ENSG00000208882
8	101829473	101829907	101829698	21	29	11	2.932622098	0.000389335		ENSG00000202001
8	101906049	101906261	101906155	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000222795
8	101908351	101908656	101908499	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000222795
8	101916983	101917273	101917128	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000222795
8	101939860	101940090	101940015	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000222795
8	101963452	101963681	101963526	10	11	1	7.038293036	0.000674435	RPS26P6	ENSG00000212994

8	101969933	101970189	101970080	14	15	3	4.692195357	0.000718455	RPS26P6	ENSG00000212994
8	101981842	101982153	101981997	17	19	1	11.73048839	2.14E-06	RPS26P6	ENSG00000212994
8	101990047	101990304	101990175	8	11	1	7.038293036	0.000674435	RPS26P6	ENSG00000212994
8	102031652	102031972	102031812	11	15	9	1.876878143	0.0544542	YWHAZ	ENSG00000164924
8	102033304	102033628	102033466	14	19	4	4.692195357	0.000193572	YWHAZ	ENSG00000164924
8	102034600	102034954	102034777	12	18	8	2.476436439	0.00924552	YWHAZ	ENSG00000164924
8	102085046	102085304	102085175	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000207080
8	102132695	102133526	102133042	13	34	26	1.520618866	0.0495232		ENSG00000202360
8	102135049	102135707	102135468	30	51	4	12.19970793	9.88E-14		ENSG00000202360
8	102147329	102147659	102147502	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000202360
8	102159396	102159654	102159501	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000202360
8	102160553	102160857	102160705	16	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000202360
8	102204751	102204951	102204832	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000202360
8	102205174	102205380	102205232	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000202360
8	102207606	102207865	102207748	11	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000202360
8	102251779	102251987	102251883	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000202360
8	102287129	102287712	102287308	12	25	5	5.083211637	1.58E-05	ZNF706	ENSG00000120963
8	102315371	102315715	102315543	10	15	3	4.692195357	0.000718455	ZNF706	ENSG00000120963
8	102326790	102327039	102326940	12	14	5	2.932622098	0.00829617	ZNF706	ENSG00000120963
8	102408409	102408662	102408535	13	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000180230
8	102414363	102414684	102414523	11	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000180230
8	102442100	102442869	102442457	17	43	20	2.457816616	0.000201157		ENSG00000180230
8	102450197	102450435	102450359	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000180230
8	102457264	102457810	102457631	11	23	12	2.165628626	0.0100985		ENSG00000180230
8	102491238	102491813	102491528	19	38	15	2.859306546	8.61E-05		ENSG00000222841
8	102518203	102518865	102518638	35	70	15	5.205404224	2.97E-12		ENSG00000222841
8	102519445	102520339	102520014	29	60	20	3.407427581	7.78E-08		ENSG00000222841
8	102533020	102533591	102533305	15	28	14	2.267894423	0.00376222	GRHL2	ENSG00000083307
8	102540602	102540855	102540779	8	11	2	4.692195357	0.00272444	GRHL2	ENSG00000083307
8	102540858	102541113	102540976	8	9	8	1.303387599	0.281715	GRHL2	ENSG00000083307
8	102542157	102542492	102542324	14	19	16	1.380057458	0.163303	GRHL2	ENSG00000083307
8	102548055	102548409	102548285	14	18	3	5.571981987	0.000108726	GRHL2	ENSG00000083307
8	102548476	102548770	102548623	13	14	8	1.955081399	0.0506438	GRHL2	ENSG00000083307
8	102551334	102551612	102551473	11	14	10	1.599612054	0.114822	GRHL2	ENSG00000083307

8	102555549	102556119	102555726	22	44	5	8.797866295	7.25E-11	GRHL2	ENSG00000083307
8	102570084	102570389	102570235	11	16	7	2.492728784	0.0124193	GRHL2	ENSG00000083307
8	102573042	102573822	102573221	11	34	13	2.932622098	0.000144323	GRHL2	ENSG00000083307
8	102573881	102574295	102574101	54	66	14	5.239618149	1.03E-11	GRHL2	ENSG00000083307
8	102574524	102574757	102574640	8	9	4	2.346097679	0.050148	GRHL2	ENSG00000083307
8	102575277	102575643	102575464	12	19	6	3.351568112	0.00134187	GRHL2	ENSG00000083307
8	102585889	102586562	102586225	8	25	8	3.388807758	0.000297109	GRHL2	ENSG00000083307
8	102587112	102587483	102587291	12	20	10	2.239456875	0.0121685	GRHL2	ENSG00000083307
8	102596929	102597325	102597088	8	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000208823
8	102660316	102660528	102660422	9	9	3	2.932622098	0.0242899	GRHL2	ENSG00000083307
8	102684872	102685325	102685122	24	33	11	3.323638378	5.37E-05		ENSG00000222247
8	102687787	102687967	102687846	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000222247
8	102689623	102690043	102689864	8	16	10	1.812893661	0.0578656		ENSG00000222247
8	102700123	102700350	102700236	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000222247
8	102713672	102713881	102713762	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222247
8	102717136	102717395	102717271	15	18	5	3.714654658	0.000961539		ENSG00000222247
8	102772229	102772495	102772362	10	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000222247
8	102914238	102914445	102914359	12	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000208818
8	102983832	102984025	102983928	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208818
8	103049163	103049357	103049278	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000208818
8	103132635	103132825	103132730	9	10	0	12.90353723	0.000195991	NCALD	ENSG00000104490
8	103175879	103176065	103175936	9	9	0	11.73048839	0.000425898	NCALD	ENSG00000104490
8	103195561	103195935	103195739	8	15	3	4.692195357	0.000718455	NCALD	ENSG00000104490
8	103278665	103278848	103278745	9	9	6	1.675784056	0.141978	RRM2B	ENSG00000048392
8	103312710	103313040	103312880	12	16	5	3.323638378	0.00288759	RRM2B	ENSG00000048392
8	103317817	103318767	103318275	291	388	11	38.02633321	8.06E-114	RRM2B	ENSG00000048392
8	103318924	103319120	103319022	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RRM2B	ENSG00000048392
8	103319870	103321048	103320260	20	78	17	5.148381017	2.50E-13	RRM2B	ENSG00000048392
8	103369496	103369675	103369585	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RRM2B	ENSG00000048392
8	103481767	103482114	103481945	10	14	5	2.932622098	0.00829617	UBR5	ENSG00000104517
8	103492671	103492855	103492784	8	8	1	5.278719777	0.00542188	UBR5	ENSG00000104517
8	103494049	103494562	103494224	10	20	15	1.539626602	0.0943825	UBR5	ENSG00000104517
8	103508382	103508652	103508517	17	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000221387
8	103593119	103593370	103593246	10	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000208806

8	103625082	103625265	103625140	8	8	5	1.759573259	0.13508	ODF1	ENSG00000155087
8	103658247	103658573	103658410	16	19	9	2.346097679	0.0107159	ODF1	ENSG00000155087
8	103666696	103667003	103666854	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	ODF1	ENSG00000155087
8	103682353	103682886	103682656	12	28	11	2.834868028	0.000626961	ODF1	ENSG00000155087
8	103698256	103698657	103698486	9	16	8	2.215758919	0.0222902	KLF10	ENSG00000155090
8	103728917	103729313	103729134	11	17	4	4.222975822	0.000640773	KLF10	ENSG00000155090
8	103735087	103735353	103735251	11	13	5	2.737113958	0.0137917	KLF10	ENSG00000155090
8	103738667	103738860	103738763	8	10	0	12.90353723	0.000195991	KLF10	ENSG00000155090
8	103767409	103767600	103767505	8	8	6	1.508205651	0.203852	KLF10	ENSG00000155090
8	103802991	103803351	103803157	11	17	8	2.346097679	0.0144542	KLF10	ENSG00000155090
8	103863802	103864065	103863906	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000217620
8	103887713	103888131	103888017	11	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000217620
8	103888309	103888527	103888447	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000217620
8	103888681	103889298	103889076	22	38	10	4.158991339	1.56E-06		ENSG00000217620
8	103890529	103890904	103890736	23	30	4	7.272902804	1.76E-07		ENSG00000217620
8	103895984	103896335	103896160	15	19	8	2.606775198	0.00583935		ENSG00000217620
8	103944209	103944756	103944594	9	19	5	3.910162798	0.000546977	AZIN1	ENSG00000155096
8	103945427	103945739	103945583	13	16	7	2.492728784	0.0124193	AZIN1	ENSG00000155096
8	103987747	103988025	103987887	11	14	5	2.932622098	0.00829617	AZIN1	ENSG00000155096
8	103995818	103996057	103995946	9	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000201216
8	104008986	104009209	104009118	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000201216
8	104042819	104043095	104042976	12	15	6	2.68125449	0.0103552		ENSG00000201216
8	104091930	104092144	104092037	9	12	9	1.524963491	0.154777	ATP6V1C1	ENSG00000155097
8	104102194	104102500	104102335	8	13	7	2.052835469	0.046392	ATP6V1C1	ENSG00000155097
8	104155318	104155521	104155455	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000208794
8	104155535	104155714	104155624	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000208794
8	104192931	104193155	104193043	13	15	7	2.346097679	0.0195693		ENSG00000208768
8	104201778	104202049	104201913	9	13	4	3.28453675	0.00629037	BAALC	ENSG00000164929
8	104217472	104217913	104217639	22	27	16	1.932080441	0.0141162	BAALC	ENSG00000164929
8	104256966	104257146	104257056	8	8	3	2.639359888	0.0415794	BAALC	ENSG00000164929
8	104291421	104291615	104291518	8	9	0	11.73048839	0.000425898	BAALC	ENSG00000164929
8	104291751	104292160	104291990	22	30	4	7.272902804	1.76E-07	BAALC	ENSG00000164929
8	104327554	104327785	104327669	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000205066
8	104454665	104454985	104454839	23	26	5	5.278719777	8.57E-06	CTHRC1	ENSG00000164932

8	104496527	104496852	104496689	14	19	10	2.132816071	0.01835	WDSOF1	ENSG00000164934
8	104579915	104580201	104580058	10	15	2	6.256260476	0.000199274	RIMS2	ENSG00000176406
8	104580206	104580426	104580316	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	RIMS2	ENSG00000176406
8	104593511	104593750	104593632	9	12	2	5.083211637	0.00143337	RIMS2	ENSG00000176406
8	104788790	104789115	104788952	10	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000208758
8	104831429	104831654	104831541	8	8	3	2.639359888	0.0415794	RIMS2	ENSG00000176406
8	104877013	104877336	104877174	16	21	7	3.225884308	0.00106152	RIMS2	ENSG00000176406
8	105154089	105154464	105154298	17	21	2	8.602358155	3.33E-06	RIMS2	ENSG00000176406
8	105354971	105355183	105355035	8	9	4	2.346097679	0.050148	RIMS2	ENSG00000176406
8	105407017	105407204	105407092	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TM7SF4	ENSG00000164935
8	105407479	105407855	105407620	8	15	5	3.128130238	0.00492422	TM7SF4	ENSG00000164935
8	105462406	105462657	105462551	8	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000220279
8	105499358	105499766	105499537	8	16	13	1.424416448	0.161813		ENSG00000179577
8	105670644	105670906	105670775	20	20	1	12.31701281	1.03E-06	LRP12	ENSG00000147650
8	105787491	105787802	105787646	21	22	1	13.49006165	2.37E-07	LRP12	ENSG00000147650
8	105976450	105976866	105976650	26	38	5	7.624817456	3.97E-09	LRP12	ENSG00000147650
8	106036985	106037192	106037088	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ZFPM2	ENSG00000169946
8	107162488	107162709	107162602	12	13	6	2.346097679	0.0266147		ENSG00000213708
8	107411157	107411379	107411266	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213708
8	107659103	107659438	107659276	9	12	8	1.694403879	0.107291	OXR1	ENSG00000164830
8	107670316	107670542	107670401	8	8	3	2.639359888	0.0415794	OXR1	ENSG00000164830
8	107673228	107673553	107673390	11	15	6	2.68125449	0.0103552	OXR1	ENSG00000164830
8	107688418	107688798	107688619	8	14	1	8.797866295	8.00E-05	OXR1	ENSG00000164830
8	107689717	107690309	107690122	99	117	9	13.8419763	1.24E-29	OXR1	ENSG00000164830
8	107738709	107739234	107739058	17	32	13	2.765043693	0.00036798	OXR1	ENSG00000164830
8	107739737	107739936	107739873	9	10	6	1.843362462	0.0964212	OXR1	ENSG00000164830
8	107938030	107938209	107938119	8	8	5	1.759573259	0.13508	ABRA	ENSG00000174429
8	107971751	107972181	107971912	8	16	6	2.848832895	0.00632407	ABRA	ENSG00000174429
8	107972191	107972475	107972336	10	13	2	5.474227917	0.000747844	ABRA	ENSG00000174429
8	108007216	108007449	108007332	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ABRA	ENSG00000174429
8	108274749	108274956	108274852	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000213707
8	108704174	108704431	108704299	8	10	3	3.225884308	0.0139466	ANGPT1	ENSG00000154188
8	108861317	108861514	108861364	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000200806
8	109154586	109154878	109154707	11	13	3	4.105670938	0.00243034	RSPO2	ENSG00000147655

8	109329984	109330309	109330146	21	25	9	3.049926982	0.000648806	EIF3E	ENSG00000104408
8	109330328	109330588	109330463	9	12	5	2.541605819	0.0225912	EIF3E	ENSG00000104408
8	109347909	109348096	109347951	8	10	0	12.90353723	0.000195991	EIF3E	ENSG00000104408
8	109653993	109654329	109654139	12	16	5	3.323638378	0.00288759	TTC35	ENSG00000104412
8	109785148	109785456	109785283	12	14	5	2.932622098	0.00829617	TMEM74	ENSG00000164841
8	110198240	110198469	110198354	10	12	4	3.049926982	0.0108184	TRHR	ENSG00000174417
8	110415425	110416257	110416080	16	44	20	2.513676084	0.000132163	ENY2	ENSG00000120533
8	110428365	110428580	110428472	10	10	13	0.921681231	0.585856	ENY2	ENSG00000120533
8	110477419	110477673	110477516	10	13	4	3.28453675	0.00629037	PKHD1L1	ENSG00000205038
8	110532360	110532542	110532496	8	9	8	1.303387599	0.281715	EBAG9	ENSG00000147654
8	110621353	110621688	110621515	31	35	8	4.692195357	1.14E-06	EBAG9	ENSG00000147654
8	110622850	110623064	110622957	9	10	3	3.225884308	0.0139466	EBAG9	ENSG00000147654
8	110641954	110642179	110642066	9	9	0	11.73048839	0.000425898	EBAG9	ENSG00000147654
8	110674695	110674906	110674811	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000147642
8	110692059	110692272	110692165	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000147642
8	110772945	110773335	110773179	12	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000147642
8	110795223	110795402	110795288	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000147642
8	111141850	111142053	111141957	8	9	1	5.865244197	0.00272497	KCNV1	ENSG00000164794
8	111575085	111575344	111575200	11	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000208705
8	112195811	112196014	112195923	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000208693
8	112221717	112221997	112221857	8	9	9	1.173048839	0.362316		ENSG00000208693
8	112334521	112334852	112334685	14	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000208693
8	113831915	113832180	113832047	14	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000208686
8	114519075	114519333	114519211	10	10	7	1.612942154	0.147335	CSMD3	ENSG00000164796
8	115216752	115216931	115216841	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000206719
8	116192846	116193199	116193022	23	29	1	17.59573259	1.33E-09		
8	116209334	116209556	116209419	10	11	5	2.346097679	0.0364013		
8	116415567	116415807	116415687	10	13	3	4.105670938	0.00243034	TRPS1	ENSG00000104447
8	116462228	116462442	116462343	9	11	1	7.038293036	0.000674435	TRPS1	ENSG00000104447
8	116919632	116920168	116919866	17	34	7	5.132088672	6.85E-07	TRPS1	ENSG00000104447
8	116948409	116949239	116949084	19	50	6	8.546498686	6.41E-12		ENSG00000199450
8	117016236	117016535	117016413	10	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000199450
8	117020245	117020690	117020547	16	22	16	1.587066077	0.071956		ENSG00000199450
8	117043416	117043610	117043455	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000199450

8	117059684	117059991	117059857	10	14	7	2.199466574	0.0303778	ENSG00000199450
8	117069088	117069798	117069370	21	40	16	2.829117789	6.64E-05	ENSG00000199450
8	117079714	117079958	117079836	9	9	11	0.977540699	0.526123	ENSG00000199450
8	117406208	117406458	117406333	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000221793
8	117435700	117436206	117436016	12	24	6	4.18946014	8.40E-05	ENSG00000221793
8	117554785	117555073	117554929	9	12	7	1.906204364	0.0695918	EIF3H ENSG00000147677
8	117837040	117837303	117837185	8	9	8	1.303387599	0.281715	EIF3H ENSG00000147677
8	117847514	117848059	117847786	13	24	9	2.932622098	0.00106136	UTP23 ENSG00000147679
8	117866218	117866664	117866485	20	28	1	17.00920817	2.80E-09	UTP23 ENSG00000147679
8	117881863	117882176	117882019	10	14	5	2.932622098	0.00829617	UTP23 ENSG00000147679
8	117884369	117884743	117884548	14	21	11	2.150589539	0.0135908	UTP23 ENSG00000147679
8	117932729	117932962	117932845	9	10	1	6.451768616	0.00135978	RAD21 ENSG00000164754
8	118106113	118106319	118106213	8	9	7	1.466311049	0.20706	ENSG00000208665
8	118136286	118136564	118136416	8	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000208665
8	118307460	118307639	118307579	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000208663
8	118313391	118313784	118313570	12	19	6	3.351568112	0.00134187	ENSG00000208663
8	118747337	118747516	118747422	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MED30 ENSG00000164758
8	118929120	118929337	118929213	8	9	4	2.346097679	0.050148	EXT1 ENSG00000182197
8	119073515	119073724	119073618	9	10	1	6.451768616	0.00135978	EXT1 ENSG00000182197
8	119081850	119082164	119082019	18	22	6	3.854303329	0.000260696	EXT1 ENSG00000182197
8	119170075	119170301	119170186	10	11	5	2.346097679	0.0364013	EXT1 ENSG00000182197
8	119500585	119500779	119500652	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SAMD12 ENSG00000177570
8	119931335	119931849	119931599	38	54	5	10.75294769	7.83E-14	TNFRSF11B ENSG00000164761
8	119959838	119960183	119960010	8	13	6	2.346097679	0.0266147	TNFRSF11B ENSG00000164761
8	120282222	120282445	120282322	8	11	2	4.692195357	0.00272444	MAL2 ENSG00000147676
8	120520613	120520863	120520718	9	9	0	11.73048839	0.000425898	NOV ENSG00000136999
8	120616831	120617049	120616940	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000213690
8	120702208	120702632	120702403	29	43	2	17.20471631	4.62E-13	ENPP2 ENSG00000136960
8	120874241	120874500	120874370	9	9	0	11.73048839	0.000425898	TAF2 ENSG00000064313
8	120914457	120914689	120914511	10	13	2	5.474227917	0.000747844	TAF2 ENSG00000064313
8	120937218	120937516	120937339	8	11	3	3.519146518	0.00788869	DSCC1 ENSG00000136982
8	120948637	120948870	120948776	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000208631
8	120955012	120955253	120955129	10	11	5	2.346097679	0.0364013	DEPDC6 ENSG00000155792
8	120955904	120956135	120956019	12	14	4	3.519146518	0.00361132	DEPDC6 ENSG00000155792

8	121064080	121064571	121064464	10	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000202356
8	121519353	121519783	121519568	13	21	2	8.602358155	3.33E-06	MRPL13	ENSG00000172172
8	121526553	121526792	121526669	9	11	5	2.346097679	0.0364013	MRPL13	ENSG00000172172
8	121687178	121687493	121687335	9	13	9	1.642268375	0.111397	MTBP	ENSG00000172167
8	121782106	121782323	121782247	9	10	4	2.580707446	0.0306059	SNTB1	ENSG00000172164
8	121867682	121867861	121867754	8	8	7	1.319679944	0.283403	SNTB1	ENSG00000172164
8	121889975	121890429	121890148	11	19	15	1.466311049	0.125014	SNTB1	ENSG00000172164
8	121973392	121973572	121973482	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SNTB1	ENSG00000172164
8	122017977	122018543	122018324	52	73	7	10.85070176	5.75E-18	SNTB1	ENSG00000172164
8	122070726	122070917	122070821	8	8	4	2.111487911	0.0804809	SNTB1	ENSG00000172164
8	122077898	122078077	122078022	8	8	3	2.639359888	0.0415794	SNTB1	ENSG00000172164
8	122213966	122214158	122214062	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000221644
8	122226927	122227433	122227237	19	37	7	5.571981987	1.11E-07		ENSG00000221644
8	122232358	122232712	122232535	30	36	13	3.100200504	5.51E-05		ENSG00000221644
8	122234287	122234583	122234455	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000221644
8	122235874	122236305	122236126	10	19	7	2.932622098	0.00293566		ENSG00000221644
8	122236838	122237058	122236948	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221644
8	122246630	122247122	122246803	27	39	12	3.609381044	5.48E-06		ENSG00000221644
8	122257177	122257381	122257279	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000221644
8	122330120	122330487	122330299	10	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000221644
8	122338098	122338294	122338181	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000221644
8	122408587	122408819	122408669	10	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000222786
8	122507180	122507413	122507296	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000222786
8	122508197	122508504	122508344	14	18	4	4.457585589	0.000353565		ENSG00000222786
8	122511739	122511977	122511887	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000222786
8	122536031	122536270	122536150	10	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000222786
8	122587982	122588193	122588087	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000222786
8	122615832	122616069	122615957	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000222786
8	122642255	122642661	122642421	10	15	8	2.085420159	0.0338693	HAS2	ENSG00000170961
8	122723630	122723983	122723807	19	22	8	2.997791478	0.00137524	HAS2	ENSG00000170961
8	122818859	122819038	122818931	8	8	8	1.173048839	0.36929	HAS2	ENSG00000170961
8	122857681	122858147	122857911	18	29	11	2.932622098	0.000389335	HAS2	ENSG00000170961
8	122884912	122885172	122885066	9	10	2	4.301179077	0.00512919	HAS2	ENSG00000170961
8	122899080	122899341	122899210	10	11	1	7.038293036	0.000674435	HAS2	ENSG00000170961



8	122911536	122911878	122911707	14	19	12	1.804690522	0.0452624	HAS2	ENSG00000170961
8	123080956	123081136	123081046	8	8	2	3.519146518	0.017558	HAS2	ENSG00000170961
8	123089911	123090104	123090013	10	10	3	3.225884308	0.0139466	HAS2	ENSG00000170961
8	123098990	123099169	123099096	8	8	1	5.278719777	0.00542188	HAS2	ENSG00000170961
8	123337952	123338175	123338066	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000208620
8	123420556	123420973	123420794	11	17	2	7.038293036	5.19E-05		ENSG00000208620
8	123548581	123548893	123548763	11	15	8	2.085420159	0.0338693		ENSG00000208620
8	123648701	123648891	123648742	9	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000208620
8	123650015	123650407	123650194	13	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000208620
8	123653729	123654104	123653941	13	19	6	3.351568112	0.00134187		ENSG00000208620
8	123720312	123720509	123720410	8	9	8	1.303387599	0.281715		ENSG00000208620
8	123725132	123725326	123725229	9	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000208620
8	123754972	123755182	123755077	8	8	8	1.173048839	0.36929		ENSG00000208620
8	123814968	123815344	123815120	9	15	16	1.104045966	0.390393		ENSG00000217845
8	123859484	123859739	123859611	8	9	4	2.346097679	0.050148	ZHX2	ENSG00000178764
8	123861571	123861912	123861741	25	29	10	3.199224107	0.000186763	ZHX2	ENSG00000178764
8	123861929	123862358	123862108	12	21	9	2.580707446	0.00438951	ZHX2	ENSG00000178764
8	123862531	123863034	123862855	9	20	11	2.052835469	0.0201852	ZHX2	ENSG00000178764
8	123863044	123863223	123863106	8	9	7	1.466311049	0.20706	ZHX2	ENSG00000178764
8	123863766	123863953	123863914	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZHX2	ENSG00000178764
8	123867087	123868039	123867412	34	80	25	3.654498307	1.73E-10	ZHX2	ENSG00000178764
8	123876444	123876808	123876623	19	27	11	2.737113958	0.00100133	ZHX2	ENSG00000178764
8	123946158	123946485	123946321	14	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000221542
8	123966529	123966858	123966617	9	14	6	2.513676084	0.016726		ENSG00000221542
8	123990992	123991272	123991097	10	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000221542
8	123999077	123999275	123999154	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000221542
8	124001890	124002069	124001993	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221542
8	124100279	124100494	124100372	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000220455
8	124146913	124147359	124147181	10	17	14	1.407658607	0.162567	WDR67	ENSG00000156787
8	124153521	124154308	124154129	11	33	13	2.848832895	0.000231281	WDR67	ENSG00000156787
8	124177936	124178146	124177995	8	10	3	3.225884308	0.0139466	WDR67	ENSG00000156787
8	124220831	124221217	124221010	18	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000214821
8	124233658	124233891	124233774	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000208612
8	124238459	124239015	124238737	18	32	21	1.759573259	0.0184275		ENSG00000208612

8	124241910	124242216	124242074	12	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000208612
8	124248676	124249219	124248947	14	24	9	2.932622098	0.00106136		ENSG00000208612
8	124260308	124260554	124260431	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000208612
8	124263417	124263671	124263531	9	10	3	3.225884308	0.0139466	FAM83A	ENSG00000147689
8	124263750	124264157	124263922	26	32	12	2.977739361	0.000186314	FAM83A	ENSG00000147689
8	124278083	124278315	124278199	10	10	8	1.433726359	0.209175		ENSG00000204949
8	124322546	124322890	124322718	8	13	5	2.737113958	0.0137917	C8orf76	ENSG00000189376
8	124355514	124355816	124355665	8	11	5	2.346097679	0.0364013	ZHX1	ENSG00000165156
8	124356081	124356529	124356303	17	29	6	5.027352168	4.43E-06	ZHX1	ENSG00000165156
8	124356539	124356910	124356699	12	18	8	2.476436439	0.00924552	ZHX1	ENSG00000165156
8	124455996	124456297	124456125	12	15	12	1.443752418	0.160732	ATAD2	ENSG00000156802
8	124463102	124463281	124463132	8	8	5	1.759573259	0.13508	ATAD2	ENSG00000156802
8	124476960	124477219	124477089	11	12	11	1.270802909	0.274822	ATAD2	ENSG00000156802
8	124477756	124478304	124477995	24	39	18	2.469576504	0.000350008	ATAD2	ENSG00000156802
8	124497639	124498064	124497818	12	20	8	2.737113958	0.0036449	WDYHV1	ENSG00000156795
8	124498204	124498573	124498307	8	13	15	1.026417734	0.475096	WDYHV1	ENSG00000156795
8	124537759	124538076	124537820	9	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000222694
8	124609531	124609928	124609773	13	20	5	4.105670938	0.000308509	FBXO32	ENSG00000156804
8	124622648	124622891	124622766	10	10	1	6.451768616	0.00135978	FBXO32	ENSG00000156804
8	124629755	124629955	124629855	8	8	2	3.519146518	0.017558	FBXO32	ENSG00000156804
8	124645177	124645856	124645557	18	41	24	1.97072205	0.00298351		ENSG00000208595
8	124664949	124665218	124665112	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000208595
8	124678040	124678322	124678166	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000208595
8	124693667	124694702	124693975	213	305	5	59.82549081	7.85E-95		ENSG00000208595
8	124713956	124714236	124714100	16	19	5	3.910162798	0.000546977	KLHL38	ENSG00000175946
8	124773916	124774212	124774095	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ANXA13	ENSG00000104537
8	124775201	124775394	124775299	8	11	4	2.815317214	0.0183428	ANXA13	ENSG00000104537
8	124782961	124783168	124783110	9	9	3	2.932622098	0.0242899	ANXA13	ENSG00000104537
8	124797021	124797302	124797138	12	14	7	2.199466574	0.0303778	ANXA13	ENSG00000104537
8	124801213	124801925	124801579	29	60	7	8.9444974	3.93E-14	ANXA13	ENSG00000104537
8	124844804	124845079	124844976	14	17	4	4.222975822	0.000640773	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124847750	124848048	124847890	13	14	13	1.256838042	0.269506	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124849149	124849597	124849323	9	17	14	1.407658607	0.162567	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124925723	124926822	124926412	414	530	4	124.5777867	2.99E-171	FAM91A1	ENSG00000176853

8	124992981	124993217	124993099	9	11	5	2.346097679	0.0364013	FER1L6	ENSG00000214814
8	125003621	125004140	125003797	11	21	15	1.612942154	0.070218	FER1L6	ENSG00000214814
8	125033684	125033863	125033711	8	8	2	3.519146518	0.017558	FER1L6	ENSG00000214814
8	125046566	125046790	125046661	8	9	1	5.865244197	0.00272497	FER1L6	ENSG00000214814
8	125119257	125119516	125119349	11	14	7	2.199466574	0.0303778	C8orf54	ENSG00000181171
8	125219403	125220219	125219836	24	48	21	2.612699688	4.28E-05	C8orf54	ENSG00000181171
8	125227015	125227248	125227131	8	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000214803
8	125228402	125228783	125228604	13	19	4	4.692195357	0.000193572		ENSG00000214803
8	125229021	125229321	125229163	11	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000214803
8	125247003	125247208	125247105	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000214803
8	125261837	125262133	125261985	22	23	6	4.021881735	0.000148535		ENSG00000214803
8	125280938	125281293	125281096	9	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000214803
8	125281301	125281530	125281390	10	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000214803
8	125281580	125282326	125281752	27	47	18	2.963491805	9.86E-06		ENSG00000214803
8	125307445	125307673	125307525	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000214803
8	125314103	125314327	125314215	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000214803
8	125318341	125318649	125318495	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214803
8	125343267	125343460	125343327	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000206724
8	125362413	125362837	125362663	12	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000206724
8	125452819	125453066	125452942	11	13	2	5.474227917	0.000747844	TMEM65	ENSG00000164983
8	125453884	125454502	125454276	19	40	9	4.809500241	1.80E-07	TMEM65	ENSG00000164983
8	125480975	125481196	125481103	9	9	2	3.910162798	0.00955088	TMEM65	ENSG00000164983
8	125506717	125506953	125506835	10	10	6	1.843362462	0.0964212	TRMT12	ENSG00000183665
8	125507437	125507738	125507593	18	21	7	3.225884308	0.00106152	TRMT12	ENSG00000183665
8	125512084	125512282	125512229	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TRMT12	ENSG00000183665
8	125532074	125532407	125532241	18	22	15	1.686257707	0.051516	TRMT12	ENSG00000183665
8	125532482	125532857	125532612	8	15	5	3.128130238	0.00492422	TRMT12	ENSG00000183665
8	125555531	125555839	125555665	8	12	9	1.524963491	0.154777	RNF139	ENSG00000170881
8	125555951	125556383	125556130	19	28	12	2.616801257	0.00120123	RNF139	ENSG00000170881
8	125556773	125557088	125556929	9	11	7	1.759573259	0.102361	RNF139	ENSG00000170881
8	125557689	125557873	125557769	8	10	9	1.290353723	0.279648	RNF139	ENSG00000170881
8	125572546	125573087	125572819	21	36	25	1.669338733	0.0212579	RNF139	ENSG00000170881
8	125620307	125620824	125620671	17	31	11	3.128130238	0.000146711	NDUFB9	ENSG00000147684
8	125669459	125669638	125669484	8	8	5	1.759573259	0.13508	MTSS1	ENSG00000170873

8	125674417	125674681	125674525	19	20	6	3.519146518	0.000784044	MTSS1	ENSG00000170873
8	125701898	125702083	125702009	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MTSS1	ENSG00000170873
8	125760793	125761153	125760972	19	27	8	3.649485278	0.000102745	MTSS1	ENSG00000170873
8	125833017	125833256	125833136	10	10	5	2.150589539	0.0575848	MTSS1	ENSG00000170873
8	125861882	125862061	125861921	8	8	5	1.759573259	0.13508	MTSS1	ENSG00000170873
8	125938074	125938510	125938331	30	37	3	11.14396397	2.78E-10	ZNF572	ENSG00000180938
8	125947234	125947453	125947343	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZNF572	ENSG00000180938
8	125953649	125953854	125953744	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ZNF572	ENSG00000180938
8	125970105	125970482	125970303	16	24	13	2.09473007	0.011141	ZNF572	ENSG00000180938
8	126035177	126035460	126035300	11	13	12	1.263283365	0.272203	ZNF572	ENSG00000180938
8	126053818	126054011	126053914	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ZNF572	ENSG00000180938
8	126054494	126055264	126054668	24	46	18	2.901752392	1.57E-05	ZNF572	ENSG00000180938
8	126055347	126055560	126055514	9	10	6	1.843362462	0.0964212	ZNF572	ENSG00000180938
8	126079418	126079687	126079552	8	11	5	2.346097679	0.0364013	SQLE	ENSG00000104549
8	126151040	126151253	126151119	8	10	3	3.225884308	0.0139466	KIAA0196	ENSG00000164961
8	126173071	126173362	126173216	16	19	6	3.351568112	0.00134187	KIAA0196	ENSG00000164961
8	126192323	126192558	126192495	9	10	7	1.612942154	0.147335	NSMCE2	ENSG00000156831
8	126199984	126200193	126200088	8	8	5	1.759573259	0.13508	NSMCE2	ENSG00000156831
8	126224897	126225223	126225052	10	15	4	3.753756286	0.0020497	NSMCE2	ENSG00000156831
8	126270685	126271079	126270879	55	72	3	21.40814132	2.84E-21		ENSG00000222813
8	126289333	126289522	126289357	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000222813
8	126300685	126300883	126300795	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000222813
8	126312192	126312381	126312283	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000222813
8	126365653	126365832	126365781	8	8	6	1.508205651	0.203852		ENSG00000222813
8	126379745	126379977	126379861	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000222813
8	126481295	126481474	126481384	8	9	4	2.346097679	0.050148	TRIB1	ENSG00000173334
8	126488350	126488558	126488475	9	9	7	1.466311049	0.20706	TRIB1	ENSG00000173334
8	126511033	126511349	126511190	9	13	10	1.49297125	0.157311	TRIB1	ENSG00000173334
8	126511486	126512013	126511686	31	53	9	6.334463732	6.71E-11	TRIB1	ENSG00000173334
8	126512919	126513201	126513086	11	13	3	4.105670938	0.00243034	TRIB1	ENSG00000173334
8	126513243	126513671	126513509	15	25	6	4.357038546	4.72E-05	TRIB1	ENSG00000173334
8	126516045	126516465	126516176	10	17	11	1.759573259	0.0609179	TRIB1	ENSG00000173334
8	126533511	126533759	126533635	15	17	8	2.346097679	0.0144542	TRIB1	ENSG00000173334
8	126545632	126545811	126545705	8	8	1	5.278719777	0.00542188	TRIB1	ENSG00000173334

8	126594528	126594909	126594730	9	14	5	2.932622098	0.00829617	TRIB1	ENSG00000173334
8	126610176	126610405	126610290	12	14	6	2.513676084	0.016726	TRIB1	ENSG00000173334
8	126628443	126628733	126628588	10	11	5	2.346097679	0.0364013	TRIB1	ENSG00000173334
8	126671599	126671811	126671689	9	9	11	0.977540699	0.526123	TRIB1	ENSG00000173334
8	126674105	126674407	126674256	8	13	10	1.49297125	0.157311	TRIB1	ENSG00000173334
8	126675404	126675760	126675578	13	17	7	2.639359888	0.00777415	TRIB1	ENSG00000173334
8	126725833	126726415	126726112	24	41	20	2.346097679	0.000457114	TRIB1	ENSG00000173334
8	126734988	126735268	126735128	8	11	3	3.519146518	0.00788869	TRIB1	ENSG00000173334
8	126745653	126746164	126745973	17	28	9	3.401841634	0.000141067	TRIB1	ENSG00000173334
8	126758834	126759108	126758957	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000206695
8	126778224	126778491	126778357	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000206695
8	126868783	126869083	126868913	8	11	8	1.564065119	0.151515		ENSG00000206695
8	126910226	126910563	126910400	15	19	5	3.910162798	0.000546977		ENSG00000206695
8	127013083	127013468	127013261	11	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000206695
8	127039162	127039355	127039317	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000206695
8	127148390	127148610	127148525	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000221706
8	127165093	127165558	127165261	9	17	12	1.62422147	0.088135		ENSG00000221706
8	127382377	127382642	127382508	11	13	8	1.824742639	0.0744168		ENSG00000221706
8	127414431	127414738	127414592	14	17	3	5.278719777	0.000205462		ENSG00000207138
8	127465244	127465452	127465337	10	11	9	1.407658607	0.210479		ENSG00000207138
8	127533440	127533878	127533661	20	36	8	4.822534117	6.35E-07		ENSG00000207138
8	127581339	127581575	127581431	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000207138
8	127591739	127592133	127591914	17	25	8	3.388807758	0.000297109		ENSG00000207138
8	127637651	127638190	127637933	10	21	5	4.301179077	0.000172642	FAM84B	ENSG00000168672
8	127639084	127640384	127639746	27	108	34	3.653209242	1.75E-13	FAM84B	ENSG00000168672
8	127645461	127646182	127645954	21	40	16	2.829117789	6.64E-05	FAM84B	ENSG00000168672
8	127646206	127646473	127646339	9	11	10	1.279689643	0.277323	FAM84B	ENSG00000168672
8	127651780	127652346	127652176	15	29	7	4.398933147	1.30E-05	FAM84B	ENSG00000168672
8	127652771	127653603	127653137	17	47	16	3.312137899	2.30E-06	FAM84B	ENSG00000168672
8	127660193	127660374	127660256	8	8	6	1.508205651	0.203852	FAM84B	ENSG00000168672
8	127661056	127662074	127661600	392	532	13	44.6596451	3.95E-158	FAM84B	ENSG00000168672
8	127667117	127667371	127667244	12	14	9	1.759573259	0.0786014	FAM84B	ENSG00000168672
8	127690793	127691345	127691189	17	31	12	2.887504835	0.000300358	FAM84B	ENSG00000168672
8	127731474	127731681	127731583	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000212451

8	127780344	127780727	127780576	14	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000212451
8	127958066	127958542	127958286	44	65	3	19.35530585	4.85E-19		ENSG00000212451
8	128277772	128277986	128277875	10	11	6	2.010940867	0.0640214	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128286816	128287120	128286968	10	14	3	4.398933147	0.00132748	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128288597	128288928	128288762	10	16	5	3.323638378	0.00288759	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128296344	128296683	128296505	13	16	10	1.812893661	0.0578656	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128296706	128296973	128296839	13	16	8	2.215758919	0.0222902	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128323905	128324134	128324064	8	8	2	3.519146518	0.017558	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128339239	128339422	128339330	9	9	0	11.73048839	0.000425898	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128350141	128350562	128350383	28	37	2	14.85861863	3.69E-11	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128352379	128352667	128352526	12	14	8	1.955081399	0.0506438	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128417642	128417870	128417789	8	9	7	1.466311049	0.20706	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128423592	128424261	128423723	16	31	8	4.170840318	1.13E-05	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128449221	128449528	128449374	8	11	6	2.010940867	0.0640214	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128451789	128451986	128451833	9	9	2	3.910162798	0.00955088	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128479481	128479740	128479598	9	13	4	3.28453675	0.00629037	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128479759	128480059	128479886	9	13	6	2.346097679	0.0266147	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128482134	128482571	128482313	13	22	6	3.854303329	0.000260696	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128547451	128547737	128547584	10	11	7	1.759573259	0.102361	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128577797	128578153	128577975	11	16	2	6.647276756	0.000101928	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128654827	128655108	128654937	9	13	7	2.052835469	0.046392	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128678697	128678899	128678805	8	8	2	3.519146518	0.017558	MYC	ENSG00000136997
8	128749683	128750028	128749855	10	16	10	1.812893661	0.0578656	MYC	ENSG00000136997
8	128750036	128750630	128750215	21	40	22	2.091087061	0.00178999	MYC	ENSG00000136997
8	128781339	128781567	128781453	8	9	2	3.910162798	0.00955088	MYC	ENSG00000136997
8	128787737	128787991	128787864	8	9	4	2.346097679	0.050148	MYC	ENSG00000136997
8	128807184	128807529	128807351	8	12	10	1.386330446	0.21117	MYC	ENSG00000136997
8	128811314	128811493	128811467	8	8	4	2.111487911	0.0804809	MYC	ENSG00000136997
8	128815212	128815812	128815586	19	34	20	1.955081399	0.00643758	MYC	ENSG00000136997
8	128816316	128816715	128816549	13	20	9	2.463402563	0.00689886	MYC	ENSG00000136997
8	128816854	128817347	128817168	10	21	12	1.985159574	0.021936		ENSG00000212988
8	128817497	128817840	128817665	9	14	13	1.256838042	0.269506	MYC	ENSG00000136997
8	128817883	128818098	128817953	11	13	13	1.173048839	0.337862	MYC	ENSG00000136997
8	128818333	128818592	128818464	10	12	4	3.049926982	0.0108184	MYC	ENSG00000136997

8	128819112	128819481	128819334	14	18	5	3.714654658	0.000961539	MYC	ENSG00000136997
8	128819635	128819849	128819778	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MYC	ENSG00000136997
8	128819965	128820270	128820117	12	16	11	1.661819189	0.0853913	MYC	ENSG00000136997
8	128823162	128823364	128823263	9	10	2	4.301179077	0.00512919	MYC	ENSG00000136997
8	128823658	128823881	128823769	8	10	4	2.580707446	0.0306059	MYC	ENSG00000136997
8	128863827	128864060	128863907	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000214789
8	128870036	128870592	128870314	8	21	9	2.580707446	0.00438951		ENSG00000214789
8	128876044	128878242	128877217	446	746	36	23.68290495	6.89E-200		ENSG00000221315
8	128882069	128882456	128882248	14	21	14	1.720471631	0.0496182		ENSG00000221315
8	128882983	128883169	128883076	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000221315
8	128891089	128891453	128891268	11	17	8	2.346097679	0.0144542		ENSG00000221315
8	128891773	128892046	128891893	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221315
8	128899723	128899992	128899868	8	9	14	0.78203256	0.734892		ENSG00000221315
8	128900913	128901127	128900965	10	13	7	2.052835469	0.046392		ENSG00000221315
8	128901486	128901666	128901576	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000221315
8	128901748	128902120	128901906	11	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000221315
8	128904138	128904479	128904308	8	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000221315
8	128930776	128931093	128930934	17	21	16	1.518063204	0.0959332		ENSG00000221315
8	128933373	128933718	128933551	8	13	11	1.368556979	0.211388		ENSG00000221315
8	128934000	128934508	128934330	12	23	9	2.815317214	0.00172056		ENSG00000221315
8	128936017	128936255	128936150	8	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000221315
8	128940879	128941715	128941322	33	61	19	3.636451402	2.09E-08		ENSG00000221315
8	128945520	128945847	128945683	8	13	9	1.642268375	0.111397		ENSG00000221315
8	128947161	128947624	128947400	18	29	12	2.707035783	0.000762953		ENSG00000221315
8	128948427	128948838	128948663	20	29	8	3.910162798	3.45E-05		ENSG00000221315
8	128951822	128952486	128952307	17	37	17	2.476436439	0.000462122		ENSG00000221315
8	128970108	128970332	128970220	13	14	6	2.513676084	0.016726	TMEM75	ENSG00000184090
8	128975999	128976345	128976172	11	16	2	6.647276756	0.000101928	TMEM75	ENSG00000184090
8	128980270	128980821	128980636	14	30	5	6.060752336	7.05E-07	TMEM75	ENSG00000184090
8	128980836	128981203	128981026	8	14	4	3.519146518	0.00361132	TMEM75	ENSG00000184090
8	128981959	128982237	128982061	16	20	6	3.519146518	0.000784044	TMEM75	ENSG00000184090
8	128983470	128983795	128983626	8	12	9	1.524963491	0.154777	TMEM75	ENSG00000184090
8	128990027	128990270	128990148	9	9	1	5.865244197	0.00272497	TMEM75	ENSG00000184090
8	128999501	128999740	128999652	8	8	5	1.759573259	0.13508	TMEM75	ENSG00000184090

8	129005378	129005576	129005458	9	10	2	4.301179077	0.00512919	TMEM75	ENSG00000184090
8	129031962	129032231	129032117	9	11	9	1.407658607	0.210479	TMEM75	ENSG00000184090
8	129033524	129034072	129033712	19	32	12	2.977739361	0.000186314	TMEM75	ENSG00000184090
8	129035240	129035667	129035538	9	15	11	1.564065119	0.11768	TMEM75	ENSG00000184090
8	129052246	129052589	129052417	8	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000221771
8	129054719	129054996	129054857	12	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000221771
8	129069592	129069771	129069653	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000207110
8	129071441	129071668	129071540	8	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000207110
8	129073170	129073356	129073259	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000207110
8	129102465	129102644	129102535	8	8	5	1.759573259	0.13508		ENSG00000222501
8	129103899	129104130	129104014	8	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000222501
8	129107125	129107350	129107237	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000222501
8	129108422	129108683	129108556	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000222501
8	129109394	129109658	129109526	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000222501
8	129114290	129114512	129114401	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221176
8	129127174	129127373	129127273	8	10	12	0.992579787	0.511743		ENSG00000221176
8	129149393	129149580	129149516	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221176
8	129149666	129149852	129149759	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000221176
8	129156106	129156301	129156197	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221176
8	129170034	129170332	129170183	19	21	16	1.518063204	0.0959332		ENSG00000221176
8	129170399	129170613	129170516	9	10	7	1.612942154	0.147335		ENSG00000221176
8	129172473	129172783	129172628	9	14	10	1.599612054	0.114822		ENSG00000221176
8	129184032	129184401	129184211	10	17	10	1.919534464	0.0400548		ENSG00000221261
8	129185260	129185516	129185388	8	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000221261
8	129186756	129187031	129186876	9	12	7	1.906204364	0.0695918		ENSG00000221261
8	129187068	129187283	129187158	9	10	10	1.173048839	0.355733		ENSG00000221261
8	129189585	129189797	129189691	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000221261
8	129193946	129194145	129194033	8	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000221261
8	129195632	129195821	129195795	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000221261
8	129208328	129208507	129208402	8	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000221261
8	129208621	129208964	129208814	19	23	16	1.65606895	0.0532464		ENSG00000221261
8	129212256	129212470	129212408	9	10	9	1.290353723	0.279648		ENSG00000221261
8	129217994	129218561	129218401	8	21	20	1.228908308	0.250141		ENSG00000221261
8	129220695	129220883	129220824	10	12	4	3.049926982	0.0108184		ENSG00000221261



8	129220985	129221906	129221539	30	71	37	2.222618853	1.97E-05	ENSG00000221261
8	129222763	129222961	129222817	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000221261
8	129223119	129224306	129223514	117	228	47	5.596420504	6.51E-37	ENSG00000221261
8	129226329	129227038	129226508	15	35	17	2.346097679	0.00106246	ENSG00000221261
8	129227492	129227690	129227591	9	9	6	1.675784056	0.141978	ENSG00000221261
8	129228546	129228794	129228703	10	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000221261
8	129233493	129233704	129233598	8	9	8	1.303387599	0.281715	ENSG00000221261
8	129233708	129233987	129233823	9	11	8	1.564065119	0.151515	ENSG00000221261
8	129234126	129234962	129234592	50	79	30	3.027222811	1.22E-08	ENSG00000221261
8	129235666	129235851	129235758	8	9	11	0.977540699	0.526123	ENSG00000221261
8	129238721	129238993	129238824	12	15	13	1.340627245	0.210788	ENSG00000221261
8	129247900	129248105	129248011	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ENSG00000221261
8	129248898	129249341	129249034	13	21	13	1.843362462	0.0337179	ENSG00000221261
8	129249568	129250128	129249925	18	36	38	1.112892489	0.321968	ENSG00000221261
8	129250385	129250765	129250521	8	14	11	1.466311049	0.15926	ENSG00000221261
8	129250915	129251240	129251077	10	13	12	1.263283365	0.272203	ENSG00000221261
8	129251936	129252331	129252075	9	17	10	1.919534464	0.0400548	ENSG00000221261
8	129257841	129258780	129258601	24	68	29	2.69801233	9.02E-07	ENSG00000221261
8	129266056	129266304	129266134	9	11	6	2.010940867	0.0640214	ENSG00000221261
8	129269048	129269478	129269299	12	19	8	2.606775198	0.00583935	ENSG00000201782
8	129272298	129272636	129272467	9	11	9	1.407658607	0.210479	ENSG00000201782
8	129274349	129274762	129274603	9	17	12	1.62422147	0.088135	ENSG00000201782
8	129274838	129275154	129274996	9	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000201782
8	129277468	129277972	129277647	12	21	16	1.518063204	0.0959332	ENSG00000201782
8	129278450	129279026	129278605	12	27	18	1.728703553	0.0306274	ENSG00000201782
8	129279078	129279370	129279197	27	30	19	1.818225701	0.0168067	ENSG00000201782
8	129283323	129283580	129283424	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000201782
8	129285577	129285890	129285733	13	16	2	6.647276756	0.000101928	ENSG00000201782
8	129285949	129286170	129286084	9	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000201782
8	129289356	129289633	129289494	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000201782
8	129291249	129291545	129291420	9	12	15	0.953102182	0.555895	ENSG00000201782
8	129292321	129292644	129292554	8	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000201782
8	129305850	129306257	129306096	11	17	10	1.919534464	0.0400548	ENSG00000201782
8	129308176	129308366	129308266	8	8	3	2.639359888	0.0415794	ENSG00000201782

8	129333472	129333700	129333586	8	10	14	0.860235815	0.65444	ENSG00000201782
8	129340984	129341240	129341112	8	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000201782
8	129350996	129351260	129351128	11	15	12	1.443752418	0.160732	ENSG00000201782
8	129352946	129353285	129353115	11	16	10	1.812893661	0.0578656	ENSG00000201782
8	129353354	129353633	129353526	9	11	12	1.082814313	0.424156	ENSG00000201782
8	129354498	129354827	129354651	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000201782
8	129379647	129379942	129379794	8	10	5	2.150589539	0.0575848	ENSG00000201782
8	129394565	129394878	129394721	10	14	2	5.865244197	0.000387308	ENSG00000201782
8	129404160	129404433	129404267	12	15	9	1.876878143	0.0544542	ENSG00000201782
8	129408376	129408635	129408505	12	12	8	1.694403879	0.107291	ENSG00000201782
8	129424229	129424530	129424391	12	15	9	1.876878143	0.0544542	ENSG00000201782
8	129443400	129443674	129443530	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000201782
8	129509221	129509651	129509472	8	17	7	2.639359888	0.00777415	ENSG00000201782
8	129509665	129510049	129509797	9	15	5	3.128130238	0.00492422	ENSG00000201782
8	129541517	129541696	129541576	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ENSG00000201782
8	129734787	129735063	129734925	9	12	11	1.270802909	0.274822	ENSG00000221351
8	129931808	129932053	129931930	10	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000221351
8	129940547	129940831	129940689	13	16	3	4.985457567	0.000385643	ENSG00000221351
8	129953097	129953282	129953144	8	8	4	2.111487911	0.0804809	ENSG00000221351
8	130086597	130086813	130086744	8	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000221351
8	130513298	130513538	130513408	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	ENSG00000208525
8	130617134	130617436	130617285	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ENSG00000208525
8	130632697	130633014	130632855	12	15	6	2.68125449	0.0103552	GSDMC ENSG00000147697
8	130789160	130789370	130789307	8	8	0	10.55743955	0.000925496	GSDMC ENSG00000147697
8	130812678	130812857	130812767	8	8	2	3.519146518	0.017558	GSDMC ENSG00000147697
8	130907779	130907962	130907860	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000198683
8	131065666	131065881	131065753	8	10	5	2.150589539	0.0575848	FAM49B ENSG00000153310
8	131078092	131078436	131078264	12	17	14	1.407658607	0.162567	FAM49B ENSG00000153310
8	131096646	131097000	131096838	14	19	7	2.932622098	0.00293566	FAM49B ENSG00000153310
8	131114262	131114488	131114375	10	11	5	2.346097679	0.0364013	FAM49B ENSG00000153310
8	131116358	131116577	131116467	10	11	8	1.564065119	0.151515	FAM49B ENSG00000153310
8	131123580	131124046	131123956	16	28	11	2.834868028	0.000626961	FAM49B ENSG00000153310
8	131125831	131126119	131125964	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000200304
8	131148275	131148503	131148389	10	11	4	2.815317214	0.0183428	ENSG00000200304

8	131151755	131152083	131151920	9	14	1	8.797866295	8.00E-05	ENSG00000200304
8	131350227	131350416	131350329	9	9	4	2.346097679	0.050148	ENSG00000212342
8	131384027	131384346	131384175	11	14	3	4.398933147	0.00132748 ASAP1	ENSG00000153317
8	131387211	131387656	131387433	9	18	2	7.429309316	2.63E-05 ASAP1	ENSG00000153317
8	131405505	131405690	131405597	8	8	2	3.519146518	0.017558 ASAP1	ENSG00000153317
8	131438479	131438658	131438527	8	8	0	10.55743955	0.000925496 ASAP1	ENSG00000153317
8	131564759	131565018	131564888	12	15	3	4.692195357	0.000718455 ASAP1	ENSG00000153317
8	131580977	131581292	131581134	11	16	2	6.647276756	0.000101928 ASAP1	ENSG00000153317
8	131766957	131767264	131767134	24	28	0	34.01841634	1.68E-10	ENSG00000208512
8	131797266	131797490	131797336	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	ENSG00000208512
8	131831183	131831375	131831279	9	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000208512
8	131870574	131870857	131870715	16	18	1	11.14396397	4.44E-06	ENSG00000208512
8	132696859	132697065	132696962	8	8	1	5.278719777	0.00542188 EFR3A	ENSG00000132294
8	133106635	133107030	133106844	33	41	0	49.26805125	6.97E-15 OC90	ENSG00000132297
8	133128275	133128487	133128381	10	10	2	4.301179077	0.00512919 OC90	ENSG00000132297
8	133359732	133359928	133359830	8	8	2	3.519146518	0.017558 OC90	ENSG00000132297
8	133485289	133485671	133485492	21	28	2	11.33947211	2.41E-08 KCNQ3	ENSG00000184156
8	133732896	133733171	133733035	12	13	1	8.211341875	0.000163445 LRRC6	ENSG00000129295
8	133980343	133980894	133980552	25	43	3	12.90353723	3.99E-12 TG	ENSG00000042832
8	134114838	134115144	134114968	10	12	4	3.049926982	0.0108184 SLA	ENSG00000155926
8	134284383	134284628	134284523	11	12	3	3.812408728	0.004404 WISP1	ENSG00000104415
8	134286272	134286750	134286500	27	39	2	15.64065119	8.61E-12 WISP1	ENSG00000104415
8	134293638	134293850	134293744	9	9	0	11.73048839	0.000425898 WISP1	ENSG00000104415
8	134316142	134316398	134316247	12	14	3	4.398933147	0.00132748 WISP1	ENSG00000104415
8	134331224	134331486	134331394	13	17	3	5.278719777	0.000205462 NDRG1	ENSG00000104419
8	134355576	134355779	134355677	11	11	1	7.038293036	0.000674435 NDRG1	ENSG00000104419
8	134378975	134379298	134379149	10	15	8	2.085420159	0.0338693 NDRG1	ENSG00000104419
8	134441550	134442035	134441729	8	17	7	2.639359888	0.00777415	ENSG00000213627
8	134472448	134472806	134472627	20	26	4	6.334463732	2.40E-06	ENSG00000213627
8	134534722	134534931	134534862	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ENSG00000213627
8	134569877	134570084	134569961	10	11	3	3.519146518	0.00788869	ENSG00000212992
8	134651190	134651437	134651329	8	9	3	2.932622098	0.0242899 ST3GAL1	ENSG00000008513
8	134703505	134703708	134703569	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000212273
8	134806642	134806934	134806800	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	ENSG00000208504

8	134850437	134850719	134850563	15	18	10	2.026175268	0.0273052		ENSG00000208501
8	134967602	134967809	134967720	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000208501
8	135035952	135036183	135036062	8	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000208501
8	135261233	135261429	135261278	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000208501
8	135772691	135773041	135772863	20	25	5	5.083211637	1.58E-05	ZFAT	ENSG00000066827
8	135793749	135794178	135794011	12	18	4	4.457585589	0.000353565	ZFAT	ENSG00000066827
8	135794309	135794503	135794406	8	10	4	2.580707446	0.0306059	ZFAT	ENSG00000066827
8	135831889	135832235	135832062	16	20	0	24.63402563	8.35E-08	ZFAT	ENSG00000066827
8	135913678	135914388	135913988	14	32	3	9.677652924	9.12E-09		ENSG00000199153
8	135968022	135968230	135968126	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000199153
8	135987626	135987830	135987710	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000213624
8	136090218	136090417	136090317	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000213624
8	136434967	136435312	136435139	8	13	1	8.211341875	0.000163445	KHDRBS3	ENSG00000131773
8	137612685	137612888	137612807	9	10	1	6.451768616	0.00135978		
8	139228377	139228682	139228503	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	FAM135B	ENSG00000147724
8	139781842	139782067	139781943	8	8	1	5.278719777	0.00542188	COL22A1	ENSG00000169436
8	139808787	139809112	139808954	15	18	6	3.183989707	0.00227432	COL22A1	ENSG00000169436
8	139932969	139933155	139933062	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000208469
8	140026597	140026870	140026743	10	14	4	3.519146518	0.00361132	COL22A1	ENSG00000169436
8	140046488	140046793	140046654	9	12	3	3.812408728	0.004404	COL22A1	ENSG00000169436
8	140422430	140422681	140422548	8	8	5	1.759573259	0.13508	KCNK9	ENSG00000169427
8	140706265	140706467	140706305	9	9	3	2.932622098	0.0242899	KCNK9	ENSG00000169427
8	140801747	140802043	140801885	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	KCNK9	ENSG00000169427
8	140976170	140976496	140976333	31	34	2	13.68556979	3.24E-10	C8orf17	ENSG00000211505
8	141176098	141176369	141176261	13	16	3	4.985457567	0.000385643	C8orf17	ENSG00000211505
8	141228378	141228579	141228463	8	9	4	2.346097679	0.050148	C8orf17	ENSG00000211505
8	141228943	141229189	141229048	10	11	1	7.038293036	0.000674435	C8orf17	ENSG00000211505
8	141473157	141473420	141473288	9	12	3	3.812408728	0.004404	TRAPPC9	ENSG00000167632
8	141535927	141536176	141536051	8	10	2	4.301179077	0.00512919	TRAPPC9	ENSG00000167632
8	141537034	141537331	141537174	13	15	5	3.128130238	0.00492422	TRAPPC9	ENSG00000167632
8	141543515	141543974	141543731	10	20	2	8.211341875	6.65E-06	TRAPPC9	ENSG00000167632
8	141591121	141591536	141591432	9	16	4	3.988366054	0.00115141	CHRA1	ENSG00000104472
8	141732808	141733063	141732928	10	11	6	2.010940867	0.0640214	EIF2C2	ENSG00000123908
8	141910465	141910644	141910554	8	8	5	1.759573259	0.13508	PTK2	ENSG00000169398

8	141977498	141977713	141977639	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PTK2	ENSG00000169398
8	142105904	142106131	142105979	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	PTK2	ENSG00000169398
8	142120751	142121153	142121000	12	20	6	3.519146518	0.000784044	PTK2	ENSG00000169398
8	142137238	142137530	142137384	10	13	4	3.28453675	0.00629037	PTK2	ENSG00000169398
8	142163485	142163891	142163714	10	17	2	7.038293036	5.19E-05	DENND3	ENSG00000105339
8	142240248	142240436	142240334	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000214762
8	142252590	142252783	142252686	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214762
8	142262809	142263147	142262978	10	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000214762
8	142317115	142317363	142317210	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SLC45A4	ENSG0000022567
8	142453587	142454332	142453908	12	32	4	7.742122339	4.68E-08	GPR20	ENSG00000204882
8	142617874	142618118	142617996	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000214761
8	142633941	142634138	142633967	8	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000214761
8	142723819	142723998	142723908	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214761
8	142795331	142795525	142795460	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000221123
8	143000459	143000722	143000590	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000221123
8	143015079	143015323	143015209	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000221123
8	143021452	143021732	143021592	12	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000221123
8	143068122	143068347	143068203	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000221123
8	143085996	143086231	143086067	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000221123
8	143086644	143086993	143086875	10	14	3	4.398933147	0.00132748		ENSG00000221123
8	143209670	143210106	143209826	19	29	0	35.19146518	7.73E-11		ENSG00000222423
8	143284587	143284938	143284762	20	26	0	31.67231866	7.93E-10		ENSG00000222423
8	143421448	143421973	143421710	12	24	1	14.66311049	5.43E-08	TSNARE1	ENSG00000171045
8	143489739	143490012	143489879	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	TSNARE1	ENSG00000171045
8	143525769	143526127	143525944	14	19	3	5.865244197	5.72E-05	BAI1	ENSG00000181790
8	143550242	143550579	143550403	8	12	2	5.083211637	0.00143337	BAI1	ENSG00000181790
8	143559698	143560012	143559865	18	21	3	6.451768616	1.56E-05	BAI1	ENSG00000181790
8	143588325	143588775	143588639	13	21	10	2.346097679	0.00796926	BAI1	ENSG00000181790
8	143702482	143702662	143702591	8	8	5	1.759573259	0.13508	ARC	ENSG00000198576
8	143749000	143749202	143749128	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PSCA	ENSG00000167653
8	143754410	143754871	143754588	23	34	7	5.132088672	6.85E-07	PSCA	ENSG00000167653
8	143755772	143756023	143755947	11	12	2	5.083211637	0.00143337	PSCA	ENSG00000167653
8	143783598	143783908	143783753	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	LY6K	ENSG00000160886
8	143804841	143805055	143804937	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C8orf55	ENSG00000130193

8	143817019	143817334	143817176	9	13	1	8.211341875	0.000163445	SLURP1	ENSG00000126233
8	143860855	143861275	143860991	8	14	3	4.398933147	0.00132748	LY6D	ENSG00000167656
8	143866776	143867146	143866955	18	27	5	5.474227917	4.62E-06	LY6D	ENSG00000167656
8	143867414	143867625	143867571	8	11	1	7.038293036	0.000674435	LY6D	ENSG00000167656
8	143867672	143867917	143867814	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	LY6D	ENSG00000167656
8	143893622	143895059	143894282	527	769	9	90.32476063	3.13E-242	GML	ENSG00000104499
8	144141011	144141279	144141134	9	11	4	2.815317214	0.0183428	LY6E	ENSG00000160932
8	144223806	144224028	144223917	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000203366
8	144260795	144261173	144260994	13	20	0	24.63402563	8.35E-08		ENSG00000203366
8	144269745	144270848	144270198	205	316	15	23.24103013	5.15E-86		ENSG00000203366
8	144327937	144328132	144328067	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	LY6H	ENSG00000176956
8	144435135	144435479	144435307	9	13	6	2.346097679	0.0266147	GLI4	ENSG00000221850
8	144521804	144522257	144522011	13	22	12	2.0753941	0.0149739	RHPN1	ENSG00000158106
8	144536865	144537132	144536998	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	RHPN1	ENSG00000158106
8	144694525	144694898	144694667	9	13	2	5.474227917	0.000747844	ZC3H3	ENSG0000014164
8	144749499	144749762	144749630	11	15	3	4.692195357	0.000718455	EEF1D	ENSG00000104529
8	144890641	144890954	144890796	13	17	4	4.222975822	0.000640773	FAM83H	ENSG00000180921
8	144892674	144893029	144892851	18	24	2	9.775406994	4.09E-07	FAM83H	ENSG00000180921
8	144893209	144893911	144893542	18	36	7	5.425350882	2.04E-07	FAM83H	ENSG00000180921
8	144967384	144967694	144967544	11	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000216090
8	144968772	144969471	144969318	23	40	9	4.809500241	1.80E-07	SCRIB	ENSG00000180900
8	144969920	144970269	144970094	12	15	3	4.692195357	0.000718455	SCRIB	ENSG00000180900
8	144983445	144983684	144983621	9	11	6	2.010940867	0.0640214	PUF60	ENSG00000179950
8	144990654	144990860	144990744	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	NRBP2	ENSG00000185189
8	145000948	145001133	145001040	10	12	0	15.24963491	4.15E-05	NRBP2	ENSG00000185189
8	145022433	145022766	145022599	10	13	1	8.211341875	0.000163445	NRBP2	ENSG00000185189
8	145052186	145052495	145052324	14	19	3	5.865244197	5.72E-05	PLEC1	ENSG00000178209
8	145088813	145089007	145088911	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PLEC1	ENSG00000178209
8	145089378	145089647	145089502	10	11	2	4.692195357	0.00272444	PLEC1	ENSG00000178209
8	145098197	145098655	145098354	12	21	12	1.985159574	0.021936	PLEC1	ENSG00000178209
8	145098874	145099127	145099003	17	19	9	2.346097679	0.0107159	PLEC1	ENSG00000178209
8	145102616	145102981	145102717	16	20	5	4.105670938	0.000308509	PLEC1	ENSG00000178209
8	145102989	145103333	145103161	12	18	4	4.457585589	0.000353565	PLEC1	ENSG00000178209
8	145121056	145121533	145121283	11	21	8	2.867452718	0.00225035	PLEC1	ENSG00000178209

8	145123216	145123490	145123353	13	15	3	4.692195357	0.000718455	PLEC1	ENSG00000178209
8	145141955	145142371	145142222	13	20	8	2.737113958	0.0036449	GRINA	ENSG00000178719
8	145149571	145149915	145149743	35	40	12	3.69961557	3.24E-06	SPATC1	ENSG00000186583
8	145151282	145151953	145151527	107	144	9	17.00920817	5.79E-38	SPATC1	ENSG00000186583
8	145160858	145161082	145160967	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SPATC1	ENSG00000186583
8	145205367	145205727	145205546	8	15	6	2.68125449	0.0103552	EXOSC4	ENSG00000178896
8	145222952	145223183	145223067	9	10	5	2.150589539	0.0575848	CYC1	ENSG00000179091
8	145253455	145253768	145253633	10	13	5	2.737113958	0.0137917	C8orf30A	ENSG00000179801
8	145360496	145360703	145360599	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000204775
8	145506808	145507143	145506975	9	14	2	5.865244197	0.000387308	DGAT1	ENSG00000185000
8	145521191	145521516	145521353	12	17	7	2.639359888	0.00777415	DGAT1	ENSG00000185000
8	145567778	145568022	145567900	9	12	3	3.812408728	0.004404	ADCK5	ENSG00000173137
8	145587115	145587342	145587227	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000216133
8	145594667	145594998	145594842	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221802
8	145605441	145605656	145605548	10	10	0	12.90353723	0.000195991	CPSF1	ENSG00000071894
8	145640384	145640615	145640499	8	10	0	12.90353723	0.000195991	NFKBIL2	ENSG00000160949
8	145644447	145644809	145644607	17	21	3	6.451768616	1.56E-05	NFKBIL2	ENSG00000160949
8	145651473	145651730	145651601	16	17	0	21.11487911	8.57E-07		ENSG00000204763
8	145660150	145660428	145660289	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	CYHR1	ENSG00000187954
8	145661145	145661419	145661282	9	11	1	7.038293036	0.000674435	CYHR1	ENSG00000187954
8	145661566	145661863	145661697	11	12	1	7.624817456	0.000332769	CYHR1	ENSG00000187954
8	145663967	145664208	145664082	9	9	5	1.955081399	0.0892323	KIFC2	ENSG00000167702
8	145880410	145880760	145880684	9	14	8	1.955081399	0.0506438		ENSG00000204756
8	145897831	145898387	145898208	62	79	5	15.64065119	1.72E-21		ENSG00000204756
8	145951587	145952065	145951786	15	24	0	29.32622098	3.74E-09	ZNF251	ENSG00000198169
8	145994664	145995033	145994843	8	14	4	3.519146518	0.00361132	ZNF517	ENSG00000197363
8	146097594	146097901	146097732	8	11	5	2.346097679	0.0364013	ZNF250	ENSG00000196150
8	146098138	146098515	146098317	8	14	6	2.513676084	0.016726	ZNF250	ENSG00000196150
8	146146944	146147149	146147040	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ZNF16	ENSG00000170631
8	146197121	146197391	146197223	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000188653
8	146222923	146223102	146223012	9	9	11	0.977540699	0.526123	C8orf33	ENSG00000182307
8	146248561	146248976	146248720	10	15	4	3.753756286	0.0020497	C8orf33	ENSG00000182307
9	204833	205147	204978	10	14	1	8.797866295	8.00E-05	C9orf66	ENSG00000183784
9	326040	326233	326136	11	11	3	3.519146518	0.00788869	DOCK8	ENSG00000107099

9	603818	604101	603959	9	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000220409
9	754076	754326	754223	8	10	2	4.301179077	0.00512919	KANK1	ENSG00000107104
9	796593	796864	796726	10	11	4	2.815317214	0.0183428	DMRT1	ENSG00000137090
9	883920	884116	884018	8	10	2	4.301179077	0.00512919	DMRT1	ENSG00000137090
9	925440	925712	925576	12	12	5	2.541605819	0.0225912	DMRT3	ENSG00000064218
9	985858	986122	985979	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000210012
9	999130	999854	999506	97	175	6	29.49379939	5.61E-51		ENSG00000216922
9	1040038	1040454	1040217	8	16	7	2.492728784	0.0124193	DMRT2	ENSG00000173253
9	1090963	1091245	1091114	16	18	2	7.429309316	2.63E-05	DMRT2	ENSG00000173253
9	1697313	1697685	1697481	36	42	3	12.61027502	8.12E-12		ENSG00000218148
9	1967104	1967384	1967266	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000218148
9	2019817	2020004	2019910	8	8	5	1.759573259	0.13508	SMARCA2	ENSG00000080503
9	2834127	2834329	2834228	8	9	0	11.73048839	0.000425898	KIAA0020	ENSG00000080608
9	3499056	3499409	3499234	35	40	1	24.04750121	3.50E-13	RFX3	ENSG00000080298
9	4733217	4733549	4733373	22	26	1	15.83615933	1.23E-08	AK3	ENSG00000147853
9	4773242	4773550	4773386	12	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000219232
9	4778803	4779074	4778920	11	14	0	17.59573259	8.79E-06	RCL1	ENSG00000120158
9	4852203	4852438	4852286	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000199065
9	5507393	5507572	5507492	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PDCD1LG2	ENSG00000197646
9	5787000	5787383	5787217	14	20	1	12.31701281	1.03E-06	ERMP1	ENSG00000099219
9	5823001	5823198	5823054	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ERMP1	ENSG00000099219
9	6077402	6077687	6077544	25	29	0	35.19146518	7.73E-11	RANBP6	ENSG00000137040
9	6187343	6187608	6187493	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000218509
9	6229242	6229458	6229350	9	9	0	11.73048839	0.000425898	IL33	ENSG00000137033
9	6854435	6854713	6854586	10	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000220077
9	7424052	7424276	7424170	11	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000216892
9	12766303	12766626	12766464	10	14	3	4.398933147	0.00132748	C9orf150	ENSG00000153714
9	12775409	12775736	12775580	9	14	5	2.932622098	0.00829617	C9orf150	ENSG00000153714
9	13043516	13043865	13043709	16	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000216614
9	13171668	13171999	13171849	8	13	1	8.211341875	0.000163445	MPDZ	ENSG00000107186
9	14241335	14241607	14241450	12	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000218212
9	14455612	14455845	14455740	11	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000217828
9	14525136	14525315	14525188	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000217828
9	15501001	15501190	15501098	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PSIP1	ENSG00000164985



9	16164110	16164289	16164224	9	9	0	11.73048839	0.000425898	C9orf92	ENSG00000205549
9	16425983	16426320	16426150	12	14	0	17.59573259	8.79E-06	C9orf92	ENSG00000205549
9	16627243	16627484	16627367	11	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000218275
9	19038933	19039127	19039004	8	9	3	2.932622098	0.0242899	RRAGA	ENSG00000155876
9	19198734	19198977	19198888	12	15	4	3.753756286	0.0020497		ENSG00000218778
9	19370164	19370521	19370355	8	13	4	3.28453675	0.00629037	RPS6	ENSG00000137154
9	19399386	19399782	19399558	21	29	5	5.865244197	1.33E-06	ASAH3L	ENSG00000177076
9	19894754	19895012	19894883	11	13	3	4.105670938	0.00243034	SLC24A2	ENSG00000155886
9	22094109	22094381	22094230	9	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000215221
9	22124431	22124794	22124610	29	36	0	43.40280705	3.38E-13		ENSG00000215221
9	26937441	26937631	26937536	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PLAA	ENSG00000137055
9	26946156	26946524	26946372	9	15	2	6.256260476	0.000199274	IFT74	ENSG00000096872
9	26966432	26966820	26966641	14	20	1	12.31701281	1.03E-06	IFT74	ENSG00000096872
9	27352532	27352725	27352639	9	9	0	11.73048839	0.000425898	C9orf11	ENSG00000120160
9	27443868	27444168	27444014	8	11	3	3.519146518	0.00788869	IFNK	ENSG00000147896
9	27673380	27673629	27673497	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000217362
9	30915612	30915892	30915752	17	18	1	11.14396397	4.44E-06		ENSG00000214020
9	32563055	32563371	32563215	14	16	5	3.323638378	0.00288759	NDUFB6	ENSG00000165264
9	33066621	33066857	33066739	11	13	3	4.105670938	0.00243034	SMU1	ENSG00000122692
9	33151588	33151805	33151723	8	9	1	5.865244197	0.00272497	B4GALT1	ENSG00000086062
9	33151808	33152059	33151942	8	11	2	4.692195357	0.00272444	B4GALT1	ENSG00000086062
9	33219371	33219780	33219608	15	23	6	4.021881735	0.000148535	SPINK4	ENSG00000122711
9	33223910	33224400	33224150	11	22	4	5.396024661	3.05E-05	SPINK4	ENSG00000122711
9	33254616	33254824	33254680	8	10	0	12.90353723	0.000195991	BAG1	ENSG00000107262
9	33280252	33280521	33280386	8	12	3	3.812408728	0.004404	NFX1	ENSG00000086102
9	33364898	33365222	33365070	8	12	1	7.624817456	0.000332769	AQP7	ENSG00000165269
9	33405423	33406044	33405744	11	26	5	5.278719777	8.57E-06	AQP7	ENSG00000165269
9	33408152	33408468	33408300	13	17	0	21.11487911	8.57E-07	AQP7	ENSG00000165269
9	33448568	33448850	33448739	12	15	6	2.68125449	0.0103552	NOL6	ENSG00000165271
9	33550338	33550541	33550439	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000219282
9	33728193	33728379	33728297	8	8	2	3.519146518	0.017558	PRSS3	ENSG00000010438
9	34062361	34062837	34062596	217	241	5	47.31296985	9.22E-74		ENSG00000210706
9	34366902	34367094	34366998	9	9	4	2.346097679	0.050148	KIAA1161	ENSG00000164976
9	34448430	34448664	34448545	11	11	1	7.038293036	0.000674435	C9orf25	ENSG00000164970

9	34636351	34636530	34636483	8	8	2	3.519146518	0.017558	GALT	ENSG00000213930
9	34979466	34979673	34979545	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	DNAJB5	ENSG00000137094
9	35093043	35093351	35093215	12	15	5	3.128130238	0.00492422	STOML2	ENSG00000165283
9	35647756	35648006	35647901	10	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000199916
9	35722189	35722596	35722368	8	15	2	6.256260476	0.000199274	TLN1	ENSG00000137076
9	35802157	35802516	35802292	10	14	3	4.398933147	0.00132748	SPAG8	ENSG00000137098
9	35816083	35816456	35816247	13	20	2	8.211341875	6.65E-06	C9orf128	ENSG00000204930
9	35895978	35896283	35896130	10	13	1	8.211341875	0.000163445	HRCT1	ENSG00000196196
9	35935719	35935941	35935783	9	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000216898
9	36013504	36013732	36013618	10	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000217675
9	36064913	36065235	36065092	25	28	0	34.01841634	1.68E-10	RECK	ENSG00000122707
9	36180488	36180699	36180616	9	10	0	12.90353723	0.000195991	CLTA	ENSG00000122705
9	36214203	36214422	36214312	8	10	0	12.90353723	0.000195991	GNE	ENSG00000159921
9	36391365	36391545	36391455	8	8	6	1.508205651	0.203852	RNF38	ENSG00000137075
9	36876311	36876713	36876534	26	32	1	19.35530585	1.42E-10	PAX5	ENSG00000196092
9	37790593	37790871	37790768	9	12	1	7.624817456	0.000332769	WDR32	ENSG00000122741
9	37894259	37894760	37894536	8	18	2	7.429309316	2.63E-05	MCART1	ENSG00000122696
9	38059619	38059907	38059785	9	11	2	4.692195357	0.00272444	SHB	ENSG00000107338
9	66561705	66562034	66561869	16	18	26	0.825478813	0.744556	ANKRD36	ENSG00000158185
9	66575293	66575488	66575446	8	9	8	1.303387599	0.281715	ANKRD36	ENSG00000158185
9	66583651	66583831	66583680	10	10	5	2.150589539	0.0575848	ANKRD36	ENSG00000158185
9	67902819	67903230	67902998	12	21	8	2.867452718	0.00225035		ENSG00000219132
9	67903335	67903656	67903494	9	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000217091
9	67903666	67904187	67903845	22	36	15	2.712675441	0.000215253		ENSG00000217091
9	67906799	67907102	67906947	11	13	22	0.714029728	0.84749		ENSG00000217091
9	67908004	67908479	67908275	9	19	27	0.837892028	0.732314		ENSG00000217091
9	67908492	67908892	67908734	8	15	21	0.853126429	0.691243		ENSG00000217091
9	67908981	67909240	67909128	9	11	13	1.005470434	0.498567		ENSG00000217091
9	67909271	67909563	67909417	8	12	16	0.897037348	0.621544		ENSG00000217091
9	67911893	67912152	67912028	8	11	14	0.938439071	0.570297		ENSG00000217091
9	67915419	67915641	67915530	8	9	23	0.48877035	0.978114		ENSG00000217091
9	70260057	70260523	70260344	15	22	1	13.49006165	2.37E-07	C9orf71	ENSG00000181778
9	70305480	70305696	70305588	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C9orf71	ENSG00000181778
9	70649807	70650024	70649951	9	9	0	11.73048839	0.000425898	PIP5K1B	ENSG00000107242

9	70754227	70754539	70754383	14	16	0	19.94183027	1.86E-06		ENSG00000207000
9	70927609	70927810	70927709	8	10	0	12.90353723	0.000195991	TJP2	ENSG00000119139
9	71781016	71781364	71781190	24	29	1	17.59573259	1.33E-09	MAMDC2	ENSG00000165072
9	71915817	71916010	71915913	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000204706
9	72297243	72297435	72297289	8	10	1	6.451768616	0.00135978	KLF9	ENSG00000119138
9	73563092	73563288	73563190	8	11	2	4.692195357	0.00272444	TMEM2	ENSG00000135048
9	73587887	73588266	73588131	11	16	8	2.215758919	0.0222902	TMEM2	ENSG00000135048
9	73611645	73611830	73611737	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TMEM2	ENSG00000135048
9	74076721	74076900	74076810	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000217295
9	74236283	74236569	74236404	18	19	3	5.865244197	5.72E-05		ENSG00000217630
9	74249237	74249450	74249343	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000217630
9	74382038	74382533	74382385	17	27	3	8.211341875	2.82E-07	TMC1	ENSG00000165091
9	74961323	74961631	74961476	11	12	3	3.812408728	0.004404	ANXA1	ENSG00000135046
9	75320016	75320240	75320140	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000220817
9	75488850	75489818	75489205	52	92	5	18.18225701	1.46E-25		ENSG00000219821
9	76457799	76458137	76457975	12	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000202217
9	76691623	76691949	76691786	10	14	3	4.398933147	0.00132748	TRPM6	ENSG00000119121
9	78019917	78020120	78020015	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000220662
9	78208056	78208376	78208218	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000220538
9	78376328	78376547	78376437	31	34	18	2.160879441	0.0026233		ENSG00000211139
9	78376554	78376802	78376696	11	11	5	2.346097679	0.0364013		ENSG00000211139
9	78561114	78561313	78561233	8	8	2	3.519146518	0.017558	KIAA0367	ENSG00000106772
9	78630233	78630412	78630322	8	8	0	10.55743955	0.000925496	PRUNE2	ENSG00000156035
9	78890233	78890446	78890339	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000220112
9	79096480	79096685	79096582	8	8	5	1.759573259	0.13508	VPS13A	ENSG00000197969
9	79111868	79112231	79112081	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	VPS13A	ENSG00000197969
9	79301091	79301278	79301184	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000218284
9	79385105	79385526	79385419	19	27	1	16.42268375	5.88E-09		ENSG00000218284
9	79393830	79394105	79393926	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000218284
9	79394215	79394518	79394354	12	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000218284
9	79468604	79468971	79468841	8	14	4	3.519146518	0.00361132	GNA14	ENSG00000156049
9	79654795	79655014	79654904	8	9	0	11.73048839	0.000425898	GNAQ	ENSG00000156052
9	79786063	79786354	79786208	23	25	2	10.16642327	2.02E-07	GNAQ	ENSG00000156052
9	79850910	79851123	79851016	9	9	2	3.910162798	0.00955088	GNAQ	ENSG00000156052

9	79870278	79870586	79870432	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	GNAQ	ENSG00000156052
9	79934865	79935070	79934967	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000220456
9	80093196	80093601	80093407	32	42	4	10.08822002	5.25E-11	PSAT1	ENSG00000135069
9	80830919	80831621	80831277	66	105	5	20.72386283	1.14E-29		ENSG00000220535
9	81114499	81114702	81114600	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CHCHD9	ENSG00000186940
9	81294341	81294649	81294485	16	19	3	5.865244197	5.72E-05	TLE4	ENSG00000106829
9	81379447	81379766	81379605	10	11	1	7.038293036	0.000674435	TLE4	ENSG00000106829
9	82286997	82287283	82287140	17	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000218149
9	83125750	83126188	83126043	13	21	3	6.451768616	1.56E-05		ENSG00000218379
9	83396961	83397395	83397134	21	33	1	19.94183027	6.71E-11	TLE1	ENSG00000196781
9	83495244	83495620	83495423	9	16	3	4.985457567	0.000385643	TLE1	ENSG00000196781
9	83825940	83826468	83826152	97	124	1	73.31555246	5.03E-41		ENSG00000214929
9	84739778	84740026	84739902	10	11	2	4.692195357	0.00272444	RASEF	ENSG00000165105
9	84766202	84766555	84766378	13	18	3	5.571981987	0.000108726	RASEF	ENSG00000165105
9	84867648	84867882	84867746	10	13	3	4.105670938	0.00243034	RASEF	ENSG00000165105
9	85024361	85024756	85024577	10	17	9	2.111487911	0.0248715	FRMD3	ENSG00000172159
9	85236461	85236805	85236616	12	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000211262
9	85343441	85343638	85343539	8	10	5	2.150589539	0.0575848	FRMD3	ENSG00000172159
9	85512584	85512878	85512731	10	15	0	18.76878143	4.04E-06	UBQLN1	ENSG00000135018
9	85726262	85726460	85726380	8	8	5	1.759573259	0.13508	KIF27	ENSG00000165115
9	85740072	85740271	85740171	8	8	3	2.639359888	0.0415794	KIF27	ENSG00000165115
9	85785333	85785598	85785455	9	12	5	2.541605819	0.0225912	RMI1	ENSG00000178966
9	86043296	86043934	86043632	95	136	2	53.56923033	1.88E-43		ENSG00000221282
9	86157491	86157714	86157602	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SLC28A3	ENSG00000197506
9	86201994	86202207	86202083	8	8	6	1.508205651	0.203852	SLC28A3	ENSG00000197506
9	86317232	86317807	86317509	26	46	2	18.37776515	5.11E-14		ENSG00000217944
9	86656604	86657035	86656821	90	108	1	63.93116174	1.09E-35	NTRK2	ENSG00000148053
9	86660906	86661256	86661085	8	13	0	16.42268375	1.91E-05	NTRK2	ENSG00000148053
9	87213304	87213622	87213463	16	20	4	4.926805125	0.00010522		ENSG00000203398
9	87414895	87415133	87415020	8	9	1	5.865244197	0.00272497	AGTPBP1	ENSG00000135049
9	87545719	87545923	87545851	8	10	2	4.301179077	0.00512919	AGTPBP1	ENSG00000135049
9	88007078	88007330	88007204	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000198447
9	88295972	88296507	88296203	19	33	2	13.29455351	6.68E-10		ENSG00000222293
9	88526185	88526371	88526278	9	9	0	11.73048839	0.000425898	GAS1	ENSG00000180447

9	88911734	88912053	88911901	8	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000218250
9	88924097	88924382	88924222	16	18	8	2.476436439	0.00924552		ENSG00000204446
9	89504829	89505247	89505068	20	30	2	12.12150467	5.77E-09	CTSL1	ENSG00000135047
9	89571561	89571875	89571707	10	14	6	2.513676084	0.016726	CTSL3	ENSG00000188029
9	89879362	89879685	89879523	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000218944
9	89978182	89978410	89978307	10	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000204429
9	90324585	90324976	90324793	34	44	2	17.59573259	2.22E-13	NXNL2	ENSG00000130045
9	90737664	90737853	90737760	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219160
9	90805721	90806054	90805882	12	16	6	2.848832895	0.00632407	S1PR3	ENSG00000213694
9	90877315	90877608	90877461	14	18	0	22.28792795	3.94E-07	SHC3	ENSG00000148082
9	90974309	90974518	90974409	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SHC3	ENSG00000148082
9	91122956	91123223	91123094	8	10	3	3.225884308	0.0139466	SECISBP2	ENSG00000187742
9	91251740	91252053	91251896	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000219641
9	91469669	91469967	91469818	12	15	7	2.346097679	0.0195693	GADD45G	ENSG00000130222
9	91472570	91472814	91472695	8	11	1	7.038293036	0.000674435	GADD45G	ENSG00000130222
9	91490751	91491474	91491112	191	264	7	38.8572428	1.31E-78	GADD45G	ENSG00000130222
9	91593389	91593653	91593515	10	11	6	2.010940867	0.0640214	GADD45G	ENSG00000130222
9	91600742	91601157	91601072	12	20	8	2.737113958	0.0036449	GADD45G	ENSG00000130222
9	91608339	91608620	91608483	16	19	1	11.73048839	2.14E-06	GADD45G	ENSG00000130222
9	91608890	91609428	91609107	34	47	0	56.30634429	6.62E-17	GADD45G	ENSG00000130222
9	91904620	91904835	91904738	9	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000219080
9	92221723	92221964	92221844	12	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000105061
9	92235554	92236005	92235701	16	26	8	3.519146518	0.000175368		ENSG00000105061
9	92387015	92387197	92387107	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DIRAS2	ENSG00000165023
9	92402070	92402272	92402187	10	11	1	7.038293036	0.000674435	DIRAS2	ENSG00000165023
9	92575853	92576038	92575964	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000220612
9	92749165	92749441	92749303	16	19	5	3.910162798	0.000546977	SYK	ENSG00000165025
9	92750251	92750554	92750423	10	13	1	8.211341875	0.000163445	SYK	ENSG00000165025
9	92766373	92766553	92766492	8	8	0	10.55743955	0.000925496	SYK	ENSG00000165025
9	92839360	92839658	92839509	11	14	5	2.932622098	0.00829617		ENSG00000219788
9	92862647	92862842	92862744	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000219788
9	93115148	93115365	93115256	8	10	3	3.225884308	0.0139466	AUH	ENSG00000148090
9	93577611	93577809	93577710	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000217636
9	93750938	93751129	93751033	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ROR2	ENSG00000169071

9	93765959	93766330	93766089	19	25	0	30.49926982	1.72E-09	ROR2	ENSG00000169071
9	93942460	93942761	93942610	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000209034
9	93949238	93949871	93949580	252	309	2	121.2150467	4.58E-101		ENSG00000209034
9	93954099	93954545	93954314	21	35	3	10.55743955	1.13E-09		ENSG00000209034
9	94095843	94096084	94096003	15	17	3	5.278719777	0.000205462	IARS	ENSG00000196305
9	94115005	94115354	94115165	33	37	3	11.14396397	2.78E-10	NOL8	ENSG00000198000
9	94127287	94127663	94127484	13	21	9	2.580707446	0.00438951	NOL8	ENSG00000198000
9	94129502	94129977	94129798	21	31	4	7.507512572	9.10E-08	CENPP	ENSG00000188312
9	94472235	94472555	94472404	16	20	2	8.211341875	6.65E-06	IPPK	ENSG00000127080
9	94508392	94508827	94508655	9	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000213669
9	94567450	94567682	94567564	9	11	2	4.692195357	0.00272444	BICD2	ENSG00000185963
9	94592996	94593350	94593175	8	12	1	7.624817456	0.000332769	ANKRD19	ENSG00000218940
9	94602396	94602820	94602565	65	75	4	17.83034236	3.39E-21	ANKRD19	ENSG00000218940
9	94740247	94740426	94740336	8	8	5	1.759573259	0.13508	FGD3	ENSG00000127084
9	94790041	94790993	94790482	122	195	4	45.9835145	4.81E-60	FGD3	ENSG00000127084
9	94855372	94855611	94855517	9	9	6	1.675784056	0.141978	SUSD3	ENSG00000157303
9	94911426	94911615	94911491	8	8	5	1.759573259	0.13508	C9orf89	ENSG00000165233
9	94934721	94935238	94934973	49	71	1	42.22975822	2.15E-23	NINJ1	ENSG00000131669
9	94935271	94935607	94935439	14	18	1	11.14396397	4.44E-06	NINJ1	ENSG00000131669
9	95115131	95115406	95115268	15	18	2	7.429309316	2.63E-05	WNK2	ENSG00000165238
9	95379800	95380065	95379932	9	10	7	1.612942154	0.147335	PHF2	ENSG00000197724
9	95968814	95969051	95968932	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000199165
9	96015709	96015937	96015823	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000209298
9	96356423	96356671	96356572	9	9	2	3.910162798	0.00955088	FBP2	ENSG00000130957
9	96432972	96433310	96433141	22	26	5	5.278719777	8.57E-06	FBP1	ENSG00000165140
9	96471042	96471254	96471196	9	9	1	5.865244197	0.00272497	C9orf118	ENSG00000204343
9	96483693	96483974	96483833	9	11	7	1.759573259	0.102361	C9orf118	ENSG00000204343
9	96585220	96585610	96585456	16	23	4	5.630634429	1.63E-05	C9orf3	ENSG00000148120
9	96716375	96716687	96716513	20	24	6	4.18946014	8.40E-05	C9orf3	ENSG00000148120
9	96719014	96719230	96719122	13	13	2	5.474227917	0.000747844	C9orf3	ENSG00000148120
9	96926806	96927061	96926956	10	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000216320
9	96937801	96938142	96937971	16	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000216320
9	96999679	97000303	96999942	75	100	3	29.61948319	2.65E-30		ENSG00000209183
9	97566999	97567287	97567143	12	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000175611

9	97677924	97678428	97678094	9	20	5	4.105670938	0.000308509	C9orf130	ENSG00000214847
9	97739298	97739591	97739444	19	22	1	13.49006165	2.37E-07		ENSG00000217452
9	97833581	97833807	97833714	13	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000204330
9	98068946	98069310	98069135	35	41	0	49.26805125	6.97E-15		ENSG00000207276
9	98222518	98222794	98222687	9	12	5	2.541605819	0.0225912	ZNF367	ENSG00000165244
9	98255992	98256190	98256091	8	9	3	2.932622098	0.0242899	HABP4	ENSG00000130956
9	98848457	98848719	98848588	12	15	4	3.753756286	0.0020497	CTSL2	ENSG00000136943
9	98970291	98970623	98970457	24	25	2	10.16642327	2.02E-07		ENSG00000209181
9	99166952	99167148	99167047	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000221269
9	99189177	99189420	99189298	8	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000181799
9	99263615	99263794	99263704	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMOD1	ENSG00000136842
9	99303334	99303520	99303427	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TMOD1	ENSG00000136842
9	99554514	99554693	99554603	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000213601
9	99724271	99724831	99724438	10	22	14	1.798674887	0.0355729	C9orf156	ENSG00000136932
9	99786345	99786530	99786437	9	9	0	11.73048839	0.000425898	ANP32B	ENSG00000136938
9	99858454	99858683	99858568	10	11	8	1.564065119	0.151515	NANS	ENSG00000095380
9	99876456	99876715	99876585	9	9	7	1.466311049	0.20706	NANS	ENSG00000095380
9	99948470	99948906	99948685	8	16	2	6.647276756	0.000101928	CORO2A	ENSG00000106789
9	99970757	99970936	99970814	8	9	0	11.73048839	0.000425898	CORO2A	ENSG00000106789
9	99974807	99975026	99974916	8	10	5	2.150589539	0.0575848	CORO2A	ENSG00000106789
9	100021045	100021411	100021218	11	17	7	2.639359888	0.00777415	TBC1D2	ENSG00000095383
9	100057988	100058445	100058124	11	19	2	7.820325595	1.32E-05	TBC1D2	ENSG00000095383
9	100065953	100066159	100066056	8	9	2	3.910162798	0.00955088	TBC1D2	ENSG00000095383
9	100108640	100108849	100108744	10	12	3	3.812408728	0.004404	TBC1D2	ENSG00000095383
9	100202434	100202691	100202562	15	16	0	19.94183027	1.86E-06	TBC1D2	ENSG00000095383
9	100257428	100257717	100257572	22	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000217589
9	100257857	100258061	100257944	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000217589
9	100340837	100341057	100340978	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000217589
9	100567410	100567802	100567586	23	30	0	36.36451402	3.56E-11	ANKS6	ENSG00000165138
9	100777122	100777341	100777231	11	11	3	3.519146518	0.00788869	COL15A1	ENSG00000204291
9	100802659	100802883	100802771	8	10	1	6.451768616	0.00135978	COL15A1	ENSG00000204291
9	101024077	101024339	101024208	9	12	4	3.049926982	0.0108184	ALG2	ENSG00000119523
9	101068696	101069038	101068869	8	12	5	2.541605819	0.0225912		ENSG00000222337
9	101215714	101216036	101215875	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000222026

9	101240192	101240510	101240351	11	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000222026
9	101609424	101609675	101609549	8	9	8	1.303387599	0.281715	NR4A3	ENSG00000119508
9	102175137	102175507	102175312	20	25	0	30.49926982	1.72E-09	TEX10	ENSG00000136891
9	102177670	102178307	102178003	32	51	1	30.49926982	8.63E-17	TEX10	ENSG00000136891
9	102228739	102228978	102228842	9	10	2	4.301179077	0.00512919	C9orf30	ENSG00000066697
9	102307726	102307935	102307830	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C9orf30	ENSG00000066697
9	102504906	102505106	102505006	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000219293
9	102802306	102802602	102802463	11	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000217715
9	102920357	102920570	102920447	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000217321
9	105896200	105896509	105896354	8	13	8	1.824742639	0.0744168	SMC2	ENSG00000136824
9	106671153	106671396	106671248	10	12	1	7.624817456	0.000332769	ABCA1	ENSG00000165029
9	106770632	106770934	106770786	10	11	2	4.692195357	0.00272444	ABCA1	ENSG00000165029
9	107046311	107046622	107046465	15	17	1	10.55743955	9.18E-06	SLC44A1	ENSG00000070214
9	107217300	107217560	107217433	8	11	7	1.759573259	0.102361	FSD1L	ENSG00000106701
9	107464475	107464737	107464606	11	15	2	6.256260476	0.000199274	TAL2	ENSG00000186051
9	107666513	107666911	107666692	13	21	1	12.90353723	4.95E-07		ENSG00000218063
9	107703623	107704063	107703794	10	17	6	3.016411301	0.00381427		ENSG00000218063
9	107714834	107715267	107715103	10	17	11	1.759573259	0.0609179		ENSG00000218063
9	108135678	108135943	108135810	13	16	5	3.323638378	0.00288759		ENSG00000200131
9	108472563	108472762	108472662	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000200131
9	108536021	108536220	108536157	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000219000
9	108596332	108596635	108596508	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000212276
9	108933170	108933388	108933279	11	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000219668
9	108974360	108974563	108974453	9	9	7	1.466311049	0.20706		ENSG00000214180
9	109045879	109046327	109046157	26	35	12	3.24844294	4.27E-05	RAD23B	ENSG00000119318
9	109047741	109048014	109047889	16	16	4	3.988366054	0.00115141	RAD23B	ENSG00000119318
9	109051044	109051688	109051464	90	124	7	18.32888811	1.21E-33	RAD23B	ENSG00000119318
9	109082641	109083023	109082767	18	23	7	3.519146518	0.000369739	RAD23B	ENSG00000119318
9	109143267	109143662	109143434	14	20	5	4.105670938	0.000308509	RAD23B	ENSG00000119318
9	109224346	109224579	109224462	10	11	7	1.759573259	0.102361		ENSG00000213558
9	109240859	109241072	109240965	10	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000213558
9	109306930	109307282	109307120	9	14	5	2.932622098	0.00829617	KLF4	ENSG00000136826
9	109447198	109447377	109447293	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000202308
9	109539706	109540677	109540337	127	191	6	32.17505388	3.78E-56		ENSG00000208975



9	109541902	109542173	109542072	13	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000208975
9	109557347	109557690	109557512	22	26	4	6.334463732	2.40E-06		ENSG00000208975
9	109933075	109933286	109933180	9	10	5	2.150589539	0.0575848		ENSG00000216749
9	110169833	110170085	110169959	10	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000222512
9	110291712	110292057	110291884	27	32	2	12.90353723	1.37E-09		ENSG00000222512
9	110353479	110353702	110353590	8	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000169253
9	110369872	110370545	110370366	16	41	5	8.211341875	5.42E-10		ENSG00000169253
9	110405419	110405607	110405513	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000169253
9	110662033	110662213	110662123	9	9	2	3.910162798	0.00955088	ACTL7A	ENSG00000187003
9	110814421	110814602	110814511	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CTNNAL1	ENSG00000119326
9	110922039	110922241	110922140	10	11	6	2.010940867	0.0640214	C9orf5	ENSG00000106771
9	111056125	111056338	111056264	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000216251
9	111118287	111118527	111118396	8	9	2	3.910162798	0.00955088	EPB41L4B	ENSG00000095203
9	111133488	111133801	111133625	11	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000207329
9	111147610	111148024	111147789	8	16	3	4.985457567	0.000385643		ENSG00000207329
9	111242949	111243172	111243060	9	10	1	6.451768616	0.00135978	PTPN3	ENSG00000070159
9	111271893	111272072	111271998	8	8	2	3.519146518	0.017558	PTPN3	ENSG00000070159
9	111771368	111771550	111771497	9	10	2	4.301179077	0.00512919		ENSG00000218911
9	111860433	111860727	111860600	12	14	2	5.865244197	0.000387308	AKAP2	ENSG00000157654
9	111933527	111933848	111933687	9	14	3	4.398933147	0.00132748	C9orf152	ENSG00000188959
9	112377358	112377584	112377452	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SVEP1	ENSG00000165124
9	112644260	112644501	112644402	8	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000206923
9	113433116	113433527	113433244	9	15	6	2.68125449	0.0103552	C9orf29	ENSG00000204173
9	113641664	113641949	113641806	14	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000206907
9	113698528	113698708	113698637	9	9	3	2.932622098	0.0242899	UGCG	ENSG00000148154
9	113814027	113814683	113814382	24	41	10	4.47891375	2.87E-07		ENSG00000208841
9	113864164	113864510	113864337	9	15	1	9.384390715	3.90E-05		ENSG00000208841
9	113867815	113868275	113867994	12	22	9	2.69801233	0.00276236		ENSG00000208841
9	113946784	113947259	113947080	61	81	1	48.09500241	1.04E-26		ENSG00000208835
9	114101688	114101939	114101795	13	15	1	9.384390715	3.90E-05	ROD1	ENSG00000119314
9	114181533	114181851	114181681	10	13	2	5.474227917	0.000747844	HSDL2	ENSG00000119471
9	114446603	114446979	114446819	13	18	0	22.28792795	3.94E-07		ENSG00000218158
9	114467491	114467711	114467601	9	9	4	2.346097679	0.050148	C9orf80	ENSG00000148153
9	115023341	115023788	115023598	9	18	6	3.183989707	0.00227432	SLC31A1	ENSG00000136868

9	115043367	115043561	115043435	9	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000208805
9	115142324	115142572	115142448	12	14	7	2.199466574	0.0303778	WDR31	ENSG00000148225
9	115203872	115204076	115203974	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ALAD	ENSG00000148218
9	115209128	115209391	115209224	8	9	0	11.73048839	0.000425898	POLE3	ENSG00000148229
9	115212524	115212750	115212637	9	11	2	4.692195357	0.00272444	POLE3	ENSG00000148229
9	115267506	115267936	115267775	20	25	6	4.357038546	4.72E-05	RGS3	ENSG00000138835
9	115382551	115383027	115382821	18	32	6	5.530087385	7.11E-07	RGS3	ENSG00000138835
9	115460092	115460299	115460195	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RGS3	ENSG00000138835
9	115678589	115678771	115678680	8	8	2	3.519146518	0.017558	ZNF618	ENSG00000157657
9	115678830	115679137	115678970	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ZNF618	ENSG00000157657
9	115883093	115883308	115883189	8	9	3	2.932622098	0.0242899	AMBP	ENSG00000106927
9	116014960	116015185	116015070	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000207726
9	116078775	116079225	116078951	13	23	0	28.15317214	8.13E-09	ORM1	ENSG00000187681
9	116206643	116206991	116206816	20	25	3	7.624817456	1.09E-06	AKNA	ENSG00000106948
9	116207774	116207980	116207877	9	11	1	7.038293036	0.000674435	AKNA	ENSG00000106948
9	116289736	116289968	116289852	10	13	1	8.211341875	0.000163445	DFNB31	ENSG00000095397
9	116353943	116354503	116354223	14	24	1	14.66311049	5.43E-08		ENSG00000208798
9	116360529	116360723	116360608	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000208798
9	116389742	116390084	116389913	11	16	1	9.970915134	1.89E-05	ATP6V1G1	ENSG00000136888
9	116455504	116455917	116455762	11	17	9	2.111487911	0.0248715		ENSG00000201749
9	116464112	116464358	116464235	10	13	4	3.28453675	0.00629037		ENSG00000217734
9	116606757	116606980	116606868	10	11	2	4.692195357	0.00272444	TNFSF15	ENSG00000181634
9	116708514	116708777	116708626	13	13	0	16.42268375	1.91E-05	TNFSF8	ENSG00000106952
9	116709002	116709238	116709115	10	12	1	7.624817456	0.000332769	TNFSF8	ENSG00000106952
9	116710078	116711288	116710655	221	349	17	22.80928299	2.38E-94	TNFSF8	ENSG00000106952
9	116713372	116713574	116713473	8	8	2	3.519146518	0.017558	TNFSF8	ENSG00000106952
9	116827270	116827468	116827369	10	11	4	2.815317214	0.0183428	TNC	ENSG00000041982
9	117746077	117746883	117746417	151	205	3	60.41201522	8.75E-65	C9orf27	ENSG00000204148
9	118489055	118489492	118489335	29	38	1	22.87445237	1.58E-12	ASTN2	ENSG00000148219
9	118607068	118607247	118607157	8	8	5	1.759573259	0.13508	TRIM32	ENSG00000119401
9	119846856	119847208	119847007	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000184353
9	121100587	121100822	121100685	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DBC1	ENSG00000078725
9	121214609	121214929	121214769	9	13	10	1.49297125	0.157311	DBC1	ENSG00000078725
9	121255567	121255883	121255723	10	15	1	9.384390715	3.90E-05	DBC1	ENSG00000078725

9	121771254	121771471	121771372	11	12	7	1.906204364	0.0695918	ENSG00000222745
9	122152942	122153121	122152971	8	8	2	3.519146518	0.017558	ENSG00000208742
9	122186072	122186278	122186209	8	8	1	5.278719777	0.00542188	ENSG00000208742
9	122496668	122496887	122496756	9	9	0	11.73048839	0.000425898	MEGF9 ENSG00000106780
9	122510699	122510968	122510831	11	12	2	5.083211637	0.00143337	MEGF9 ENSG00000106780
9	122595391	122595717	122595563	9	13	3	4.105670938	0.00243034	FBXW2 ENSG00000119402
9	122644854	122645499	122645178	8	22	5	4.496687217	9.59E-05	PSMD5 ENSG00000095261
9	122737574	122737779	122737670	9	12	3	3.812408728	0.004404	TRAF1 ENSG00000056558
9	122738629	122738862	122738714	9	9	0	11.73048839	0.000425898	TRAF1 ENSG00000056558
9	122787905	122788161	122788028	10	10	1	6.451768616	0.00135978	TRAF1 ENSG00000056558
9	122996958	122997253	122997108	19	20	3	6.158506406	2.99E-05	RAB14 ENSG00000119396
9	123003810	123004637	123004058	11	35	10	3.839068929	8.08E-06	RAB14 ENSG00000119396
9	123015258	123015754	123015555	11	22	4	5.396024661	3.05E-05	GSN ENSG00000148180
9	123069908	123070164	123070036	14	16	4	3.988366054	0.00115141	GSN ENSG00000148180
9	123083908	123084326	123084147	9	17	3	5.278719777	0.000205462	GSN ENSG00000148180
9	123122270	123122462	123122393	8	10	2	4.301179077	0.00512919	GSN ENSG00000148180
9	123124338	123124904	123124644	240	287	8	37.53756286	8.24E-85	GSN ENSG00000148180
9	123137317	123137675	123137521	15	19	4	4.692195357	0.000193572	GSN ENSG00000148180
9	123320894	123321538	123321381	54	69	2	27.37113958	1.94E-21	ENSG00000213467
9	123348130	123348385	123348256	10	12	2	5.083211637	0.00143337	DAB2IP ENSG00000136848
9	123400061	123400334	123400239	9	12	5	2.541605819	0.0225912	DAB2IP ENSG00000136848
9	123546406	123546690	123546548	10	12	2	5.083211637	0.00143337	DAB2IP ENSG00000136848
9	123901975	123902181	123902078	8	8	2	3.519146518	0.017558	TTLL11 ENSG00000175764
9	123924569	123924885	123924725	8	11	6	2.010940867	0.0640214	TTLL11 ENSG00000175764
9	123992703	123993002	123992852	16	17	0	21.11487911	8.57E-07	MORN5 ENSG00000185681
9	124019711	124020053	124019882	8	13	2	5.474227917	0.000747844	LHX6 ENSG00000106852
9	124063608	124063829	124063672	10	11	6	2.010940867	0.0640214	MRRF ENSG00000148187
9	124192345	124192564	124192476	8	9	7	1.466311049	0.20706	PTGS1 ENSG00000095303
9	124301287	124301903	124301699	25	49	0	58.65244197	1.40E-17	OR1J2 ENSG00000197233
9	124339964	124340252	124340108	8	10	0	12.90353723	0.000195991	OR1N1 ENSG00000171505
9	124353432	124353875	124353653	41	54	1	32.25884308	8.88E-18	OR1N2 ENSG00000171501
9	124629297	124629490	124629384	8	8	3	2.639359888	0.0415794	PDCL ENSG00000136940
9	124630666	124630927	124630796	9	10	7	1.612942154	0.147335	PDCL ENSG00000136940
9	124707473	124707765	124707614	9	13	8	1.824742639	0.0744168	RC3H2 ENSG00000056586

9	124715349	124715581	124715469	12	12	2	5.083211637	0.00143337	ZBTB6	ENSG00000186130
9	125129886	125130289	125129992	11	18	6	3.183989707	0.00227432	CRB2	ENSG00000148204
9	125876970	125877165	125877067	9	9	5	1.955081399	0.0892323		ENSG00000208719
9	125881350	125881610	125881433	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000208719
9	125928993	125929178	125929085	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000208719
9	126061682	126061914	126061798	10	10	8	1.433726359	0.209175	NEK6	ENSG00000119408
9	126217491	126217807	126217672	10	15	6	2.68125449	0.0103552	PSMB7	ENSG00000136930
9	126238452	126238788	126238627	17	21	0	25.80707446	3.84E-08	GPR144	ENSG00000180264
9	126404261	126404649	126404470	23	31	5	6.256260476	3.74E-07		ENSG00000217017
9	126405834	126406617	126406416	31	74	7	10.99733287	2.89E-18		ENSG00000223143
9	126460298	126460634	126460459	8	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000207595
9	126573486	126573712	126573600	8	9	4	2.346097679	0.050148	NR6A1	ENSG00000148200
9	126576478	126576730	126576595	8	10	4	2.580707446	0.0306059	OLFML2A	ENSG00000185585
9	126620215	126620549	126620368	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	OLFML2A	ENSG00000185585
9	126663838	126664230	126664017	8	13	3	4.105670938	0.00243034	RPL35	ENSG00000136942
9	126743119	126743345	126743270	8	11	5	2.346097679	0.0364013	GOLGA1	ENSG00000136935
9	127001550	127001823	127001676	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	RABEPK	ENSG00000136933
9	127002339	127002587	127002463	8	9	4	2.346097679	0.050148	RABEPK	ENSG00000136933
9	127074887	127075172	127075046	8	9	6	1.675784056	0.141978		ENSG00000176534
9	127099121	127099403	127099281	8	13	5	2.737113958	0.0137917	GAPVD1	ENSG00000165219
9	127303035	127303338	127303183	12	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000208649
9	127312428	127312739	127312583	16	18	2	7.429309316	2.63E-05		ENSG00000208649
9	127313869	127314193	127314031	14	18	3	5.571981987	0.000108726		ENSG00000208649
9	127338282	127338599	127338441	18	21	5	4.301179077	0.000172642		ENSG00000222288
9	127340290	127340617	127340448	19	22	3	6.745030826	8.05E-06		ENSG00000222288
9	127351690	127352062	127351826	10	16	4	3.988366054	0.00115141		ENSG00000222288
9	127509440	127509737	127509582	10	13	4	3.28453675	0.00629037	MAPKAP1	ENSG00000119487
9	127548030	127548342	127548205	12	15	4	3.753756286	0.0020497	PBX3	ENSG00000167081
9	127768633	127768886	127768759	11	12	1	7.624817456	0.000332769	PBX3	ENSG00000167081
9	128013585	128014027	128013753	26	36	0	43.40280705	3.38E-13	FAM125B	ENSG00000196814
9	128031040	128031251	128031119	9	11	5	2.346097679	0.0364013	FAM125B	ENSG00000196814
9	128445025	128445365	128445192	18	21	9	2.580707446	0.00438951	LMX1B	ENSG00000136944
9	128463807	128463993	128463839	9	10	1	6.451768616	0.00135978	LMX1B	ENSG00000136944
9	128464293	128464794	128464570	12	22	5	4.496687217	9.59E-05	LMX1B	ENSG00000136944

9	128596034	128596334	128596184	8	11	1	7.038293036	0.000674435	ZBTB43	ENSG00000169155
9	128604710	128605083	128604889	8	15	2	6.256260476	0.000199274	ZBTB43	ENSG00000169155
9	128742768	128743030	128742899	14	17	1	10.55743955	9.18E-06	RALGPS1	ENSG00000136828
9	129031946	129032142	129032044	8	9	4	2.346097679	0.050148	GARNL3	ENSG00000136895
9	129096953	129097811	129097317	33	62	4	14.78041538	4.00E-17		ENSG00000220303
9	129138829	129139232	129139057	20	26	2	10.55743955	9.97E-08		ENSG00000220303
9	129186274	129186573	129186413	9	13	6	2.346097679	0.0266147	SLC2A8	ENSG00000136856
9	129219321	129219527	129219445	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	ZNF79	ENSG00000196152
9	129226343	129226843	129226610	27	39	9	4.692195357	3.22E-07	ZNF79	ENSG00000196152
9	129306128	129306430	129306279	18	20	2	8.211341875	6.65E-06		ENSG00000200788
9	129358419	129358624	129358457	9	9	3	2.932622098	0.0242899	FAM129B	ENSG00000136830
9	129363709	129364416	129363892	24	55	3	16.42268375	7.12E-16	FAM129B	ENSG00000136830
9	129376570	129377236	129376850	21	43	10	4.692195357	9.10E-08	FAM129B	ENSG00000136830
9	129386400	129386725	129386553	19	21	0	25.80707446	3.84E-08	FAM129B	ENSG00000136830
9	129515293	129515512	129515402	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PTRH1	ENSG00000187024
9	129744877	129745159	129745035	12	14	4	3.519146518	0.00361132	DPM2	ENSG00000136908
9	129757588	129757845	129757709	11	13	4	3.28453675	0.00629037	FAM102A	ENSG00000167106
9	129770186	129770390	129770282	10	10	5	2.150589539	0.0575848	FAM102A	ENSG00000167106
9	129771730	129771974	129771854	9	11	9	1.407658607	0.210479	FAM102A	ENSG00000167106
9	129837341	129837545	129837443	11	11	6	2.010940867	0.0640214		ENSG00000208622
9	129900184	129900694	129900515	9	18	7	2.785990993	0.00480525	SLC25A25	ENSG00000148339
9	129919736	129920012	129919860	11	13	10	1.49297125	0.157311	PTGES2	ENSG00000148334
9	129930196	129930538	129930367	10	14	3	4.398933147	0.00132748	PTGES2	ENSG00000148334
9	130097412	130097619	130097515	8	9	1	5.865244197	0.00272497	C9orf119	ENSG00000175854
9	130100961	130101195	130101078	10	11	5	2.346097679	0.0364013	C9orf119	ENSG00000175854
9	130124308	130124743	130124564	12	22	7	3.372515413	0.000629223	TRUB2	ENSG00000167112
9	130130984	130131460	130131256	55	72	1	42.81628264	1.00E-23	COQ4	ENSG00000167113
9	130142269	130142521	130142374	11	12	4	3.049926982	0.0108184	SLC27A4	ENSG00000167114
9	130164154	130164440	130164297	8	11	6	2.010940867	0.0640214	URM1	ENSG00000167118
9	130172896	130173318	130173213	9	19	4	4.692195357	0.000193572	URM1	ENSG00000167118
9	130374681	130374880	130374771	8	9	1	5.865244197	0.00272497	SPTAN1	ENSG00000197694
9	130437362	130437625	130437493	10	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000217628
9	130486512	130486790	130486651	9	11	1	7.038293036	0.000674435	SET	ENSG00000119335
9	130526607	130526844	130526730	8	9	3	2.932622098	0.0242899	ZDHHC12	ENSG00000160446

9	130574012	130574221	130574102	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ZER1	ENSG00000160445
9	130620515	130620709	130620612	10	10	6	1.843362462	0.0964212	ENDOG	ENSG00000167136
9	130665803	130666028	130665864	9	10	2	4.301179077	0.00512919	CCBL1	ENSG00000171097
9	130683979	130684189	130684084	8	8	1	5.278719777	0.00542188	CCBL1	ENSG00000171097
9	130750187	130750383	130750306	8	9	4	2.346097679	0.050148	NUP188	ENSG00000095319
9	130809012	130809215	130809126	10	11	7	1.759573259	0.102361	SH3GLB2	ENSG00000148341
9	130828713	130828941	130828827	11	12	5	2.541605819	0.0225912	SH3GLB2	ENSG00000148341
9	130933936	130934166	130934051	8	10	1	6.451768616	0.00135978	PPP2R4	ENSG00000119383
9	130941367	130941644	130941505	12	13	6	2.346097679	0.0266147	PPP2R4	ENSG00000119383
9	130942038	130942505	130942329	13	23	5	4.692195357	5.29E-05	PPP2R4	ENSG00000119383
9	130945245	130945446	130945397	11	13	3	4.105670938	0.00243034	PPP2R4	ENSG00000119383
9	130969047	130969488	130969226	11	21	6	3.686724924	0.000453999		ENSG00000204055
9	130976191	130976409	130976300	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000204055
9	131080597	131080951	131080774	8	13	10	1.49297125	0.157311	C9orf106	ENSG00000179082
9	131119658	131119884	131119813	11	12	0	15.24963491	4.15E-05	C9orf106	ENSG00000179082
9	131136025	131136230	131136127	9	10	6	1.843362462	0.0964212	C9orf106	ENSG00000179082
9	131136355	131136609	131136521	10	12	4	3.049926982	0.0108184	C9orf106	ENSG00000179082
9	131164362	131164712	131164537	15	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000223137
9	131185092	131185468	131185317	12	18	6	3.183989707	0.00227432		ENSG00000219220
9	131208547	131208819	131208683	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000219220
9	131290688	131291004	131290827	12	15	5	3.128130238	0.00492422		ENSG00000204054
9	131300343	131300530	131300436	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000204054
9	131419414	131419727	131419570	11	11	3	3.519146518	0.00788869	C9orf50	ENSG00000179058
9	131444185	131444530	131444357	14	19	3	5.865244197	5.72E-05	ASB6	ENSG00000148331
9	131528947	131529149	131529029	10	11	3	3.519146518	0.00788869	PTGES	ENSG00000148344
9	131555082	131555394	131555234	9	11	2	4.692195357	0.00272444	PTGES	ENSG00000148344
9	131592561	131592757	131592659	8	9	4	2.346097679	0.050148		ENSG00000217808
9	131637127	131637306	131637222	8	8	4	2.111487911	0.0804809	C9orf78	ENSG00000136819
9	131687939	131688159	131688022	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000216693
9	132426289	132426582	132426440	13	14	2	5.865244197	0.000387308	FUBP3	ENSG00000107164
9	132555772	132556032	132555877	9	10	2	4.301179077	0.00512919	EXOSC2	ENSG00000130713
9	132558633	132558870	132558746	8	12	4	3.049926982	0.0108184	EXOSC2	ENSG00000130713
9	132566397	132566599	132566498	8	9	1	5.865244197	0.00272497	EXOSC2	ENSG00000130713
9	132572621	132572830	132572704	8	9	2	3.910162798	0.00955088	ABL1	ENSG00000097007

9	132680598	132680833	132680707	8	11	2	4.692195357	0.00272444	ABL1	ENSG00000097007
9	132731691	132731995	132731843	13	15	4	3.753756286	0.0020497	QRFP	ENSG00000188710
9	132751266	132751502	132751394	13	14	0	17.59573259	8.79E-06	QRFP	ENSG00000188710
9	132857592	132858072	132857849	45	61	9	7.272902804	4.16E-13	LAMC3	ENSG00000050555
9	132990663	132991003	132990823	11	16	2	6.647276756	0.000101928	NUP214	ENSG00000126883
9	133260443	133260863	133260684	8	16	1	9.970915134	1.89E-05	BAT2L	ENSG00000130723
9	133261050	133261324	133261194	23	25	7	3.812408728	0.00012465	BAT2L	ENSG00000130723
9	133262498	133262709	133262603	8	11	0	14.07658607	9.02E-05	BAT2L	ENSG00000130723
9	133273812	133273993	133273904	8	8	1	5.278719777	0.00542188	BAT2L	ENSG00000130723
9	133347945	133348124	133348034	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000206872
9	133456426	133456748	133456587	13	17	2	7.038293036	5.19E-05	UCK1	ENSG00000130717
9	133471305	133471530	133471466	8	10	1	6.451768616	0.00135978	UCK1	ENSG00000130717
9	133475660	133475848	133475715	8	8	5	1.759573259	0.13508	UCK1	ENSG00000130717
9	133598709	133599056	133598882	12	17	5	3.519146518	0.00167472	RAPGEF1	ENSG00000107263
9	133599528	133599766	133599594	9	9	2	3.910162798	0.00955088	RAPGEF1	ENSG00000107263
9	133610184	133610385	133610283	8	9	1	5.865244197	0.00272497	RAPGEF1	ENSG00000107263
9	133612616	133612804	133612710	9	10	0	12.90353723	0.000195991	RAPGEF1	ENSG00000107263
9	134124445	134124645	134124545	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000221105
9	134470822	134471076	134470937	12	13	1	8.211341875	0.000163445	BARHL1	ENSG00000125492
9	134516382	134516604	134516493	11	13	2	5.474227917	0.000747844	GTF3C4	ENSG00000125484
9	134665370	134665634	134665502	8	12	3	3.812408728	0.004404		ENSG00000208514
9	134809724	134810062	134809936	13	17	7	2.639359888	0.00777415	TSC1	ENSG00000165699
9	134858648	134859115	134858951	10	19	1	11.73048839	2.14E-06	GFI1B	ENSG00000165702
9	134867344	134867635	134867489	12	14	1	8.797866295	8.00E-05	GFI1B	ENSG00000165702
9	134887488	134887852	134887637	8	13	5	2.737113958	0.0137917	GTF3C5	ENSG00000148308
9	134895998	134896235	134896088	10	12	1	7.624817456	0.000332769	GTF3C5	ENSG00000148308
9	134924798	134925006	134924934	9	9	2	3.910162798	0.00955088	CEL	ENSG00000170835
9	134926322	134926827	134926496	23	37	0	44.57585589	1.55E-13	CEL	ENSG00000170835
9	134998867	134999185	134999028	20	21	3	6.451768616	1.56E-05	RALGDS	ENSG00000160271
9	135104345	135104584	135104464	9	11	1	7.038293036	0.000674435	LCN1L1	ENSG00000119440
9	135243118	135243326	135243271	9	10	3	3.225884308	0.0139466	C9orf96	ENSG00000198870
9	135243462	135243801	135243638	9	12	3	3.812408728	0.004404	C9orf96	ENSG00000198870
9	135258778	135259163	135258957	12	18	4	4.457585589	0.000353565	REXO4	ENSG00000148300
9	135318030	135318375	135318198	9	12	3	3.812408728	0.004404	C9orf7	ENSG00000160325

9	135546294	135546473	135546383	8	8	1	5.278719777	0.00542188	SARDH	ENSG00000123453
9	135718159	135718479	135718317	10	13	2	5.474227917	0.000747844	SARDH	ENSG00000123453
9	135728891	135729433	135729182	38	54	3	16.12942154	1.47E-15	VAV2	ENSG00000160293
9	135735793	135736669	135736263	369	457	6	76.75090977	1.41E-143	VAV2	ENSG00000160293
9	135736919	135737277	135737098	10	16	2	6.647276756	0.000101928	VAV2	ENSG00000160293
9	135743250	135743654	135743435	36	48	2	19.15979771	1.17E-14	VAV2	ENSG00000160293
9	135990725	135990991	135990858	13	14	3	4.398933147	0.00132748	WDR5	ENSG00000196363
9	136019399	136019647	136019510	9	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000221676
9	136019667	136019924	136019794	10	12	6	2.178519273	0.0416567		ENSG00000221676
9	136388719	136389101	136388932	20	26	1	15.83615933	1.23E-08	RXRA	ENSG00000186350
9	136389378	136389563	136389427	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RXRA	ENSG00000186350
9	136392664	136392894	136392779	12	12	5	2.541605819	0.0225912	RXRA	ENSG00000186350
9	136397608	136397833	136397713	8	9	2	3.910162798	0.00955088	RXRA	ENSG00000186350
9	136399331	136399863	136399605	15	26	6	4.524616952	2.63E-05	RXRA	ENSG00000186350
9	136444059	136444302	136444204	12	12	2	5.083211637	0.00143337		ENSG00000214473
9	136466672	136466996	136466834	8	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000214473
9	136474387	136474602	136474558	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000214473
9	136721367	136721550	136721497	8	8	1	5.278719777	0.00542188	COL5A1	ENSG00000130635
9	136734722	136734936	136734829	8	10	3	3.225884308	0.0139466	COL5A1	ENSG00000130635
9	136738767	136739059	136738917	11	14	3	4.398933147	0.00132748	COL5A1	ENSG00000130635
9	136810784	136811233	136810906	9	20	7	3.079253203	0.00177418	COL5A1	ENSG00000130635
9	136927455	136927771	136927613	12	15	2	6.256260476	0.000199274	FCN2	ENSG00000160339
9	137106907	137107113	137107025	8	9	1	5.865244197	0.00272497	OLFM1	ENSG00000130558
9	137117885	137118100	137117992	9	9	4	2.346097679	0.050148	OLFM1	ENSG00000130558
9	137191161	137191345	137191253	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000189363
9	137206966	137207221	137207093	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000189363
9	137313566	137314018	137313740	9	17	6	3.016411301	0.00381427	C9orf62	ENSG00000178243
9	137326735	137326929	137326836	8	8	3	2.639359888	0.0415794	C9orf62	ENSG00000178243
9	137375686	137375881	137375785	10	10	4	2.580707446	0.0306059	C9orf62	ENSG00000178243
9	137402440	137402988	137402627	31	43	2	17.20471631	4.62E-13	C9orf62	ENSG00000178243
9	137425286	137425510	137425421	11	11	5	2.346097679	0.0364013	C9orf62	ENSG00000178243
9	137425513	137425701	137425600	8	10	2	4.301179077	0.00512919	C9orf62	ENSG00000178243
9	137536391	137536644	137536523	8	9	2	3.910162798	0.00955088	C9orf116	ENSG00000160345
9	137635616	137635838	137635692	8	11	4	2.815317214	0.0183428		ENSG00000218234



9	137676444	137676637	137676600	9	10	3	3.225884308	0.0139466	GLT6D1	ENSG00000204007
9	137757274	137757605	137757439	11	17	0	21.11487911	8.57E-07	KCNT1	ENSG00000107147
9	137829357	137829536	137829464	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CAMSAP1	ENSG00000130559
9	137920438	137920928	137920648	18	26	4	6.334463732	2.40E-06	CAMSAP1	ENSG00000130559
9	137921981	137922165	137922107	8	8	4	2.111487911	0.0804809	CAMSAP1	ENSG00000130559
9	138093698	138093946	138093792	17	19	0	23.46097679	1.81E-07	NACC2	ENSG00000148411
9	138112907	138113303	138113086	11	18	6	3.183989707	0.00227432	NACC2	ENSG00000148411
9	138139971	138140503	138140232	54	75	6	12.73595883	2.24E-19	NACC2	ENSG00000148411
9	138140913	138141784	138141530	164	207	7	30.49926982	4.07E-60	NACC2	ENSG00000148411
9	138149458	138149759	138149608	8	9	0	11.73048839	0.000425898	NACC2	ENSG00000148411
9	138499342	138499567	138499434	8	10	4	2.580707446	0.0306059	C9orf163	ENSG00000196366
9	138559035	138559276	138559155	8	9	2	3.910162798	0.00955088	NOTCH1	ENSG00000148400
9	138564427	138565369	138564886	191	257	3	75.66165014	5.06E-82	NOTCH1	ENSG00000148400
9	138565600	138565959	138565772	18	23	4	5.630634429	1.63E-05	NOTCH1	ENSG00000148400
9	138615913	138616269	138616091	16	21	2	8.602358155	3.33E-06		ENSG00000203275
9	138636819	138637286	138637078	39	55	3	16.42268375	7.12E-16		ENSG00000203275
9	138637368	138637694	138637531	25	30	3	9.091128505	3.63E-08		ENSG00000203275
9	138638056	138638454	138638275	20	29	3	8.797866295	7.21E-08		ENSG00000203275
9	138645755	138645986	138645870	11	11	3	3.519146518	0.00788869		ENSG00000203275
9	138688519	138688714	138688616	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000199161
9	138693780	138694197	138694018	14	21	1	12.90353723	4.95E-07	AGPAT2	ENSG00000169692
9	138709706	138710068	138709967	10	15	2	6.256260476	0.000199274		ENSG00000221693
9	138741086	138741331	138741208	9	11	1	7.038293036	0.000674435		ENSG00000212487
9	138775189	138775468	138775365	11	12	2	5.083211637	0.00143337	LCN8	ENSG00000204001
9	138805845	138806082	138805980	10	12	1	7.624817456	0.000332769	TMEM141	ENSG00000221865
9	138863335	138863956	138863777	75	96	3	28.44643435	5.26E-29	PHPT1	ENSG00000054148
9	139082083	139082285	139082226	9	9	3	2.932622098	0.0242899	C9orf140	ENSG00000186193
9	139215073	139215317	139215195	9	10	0	12.90353723	0.000195991	C9orf75	ENSG00000176058
9	139240198	139240722	139240435	19	31	3	9.384390715	1.82E-08	C9orf169	ENSG00000197191
9	139241805	139242029	139241917	8	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000189110
9	139437391	139437616	139437516	10	10	3	3.225884308	0.0139466		ENSG00000187609
9	139496308	139496556	139496453	8	10	2	4.301179077	0.00512919	NELF	ENSG00000165802
9	139549116	139549658	139549532	9	20	7	3.079253203	0.00177418	PNPLA7	ENSG00000130653
9	139564616	139564826	139564731	12	12	3	3.812408728	0.004404	PNPLA7	ENSG00000130653

9	139568413	139568673	139568499	8	11	3	3.519146518	0.00788869	MRPL41	ENSG00000182154
9	139626256	139626465	139626325	8	9	5	1.955081399	0.0892323	ARRDC1	ENSG00000197070
9	139626560	139626864	139626712	14	16	2	6.647276756	0.000101928	C9orf37	ENSG00000203993
9	139734986	139735273	139735147	9	11	1	7.038293036	0.000674435	EHMT1	ENSG00000181090
9	139996598	139996844	139996742	12	14	7	2.199466574	0.0303778	CACNA1B	ENSG00000148408
MT	1	7326	280	385	4529	8248	0.644188537		1	ENSG00000223073
MT	7344	16711	16168	622	8536	15727	0.636719096		1	ENSG00000210196
X	3304285	3304485	3304366	15	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000215325
X	3398403	3398582	3398492	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000212214
X	4638589	4639043	4638817	148	173	0	204.110498	2.24E-59		ENSG00000222834
X	6657684	6657944	6657814	12	12	1	7.624817456	0.000332769	VCX3A	ENSG00000169059
X	7060457	7060679	7060550	10	11	6	2.010940867	0.0640214	HDHD1A	ENSG00000130021
X	7529476	7529790	7529633	10	11	1	7.038293036	0.000674435	VCX	ENSG00000182583
X	7625007	7625333	7625179	18	21	0	25.80707446	3.84E-08	VCX	ENSG00000182583
X	7639271	7639555	7639403	9	9	2	3.910162798	0.00955088	VCX	ENSG00000182583
X	9390922	9391359	9391231	11	20	0	24.63402563	8.35E-08	TBL1X	ENSG00000101849
X	9979945	9980214	9980057	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000202469
X	10195859	10196102	10195980	10	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000222133
X	10689579	10689861	10689740	15	18	0	22.28792795	3.94E-07	MID1	ENSG00000101871
X	11678293	11678497	11678361	9	10	0	12.90353723	0.000195991	MSL3	ENSG00000005302
X	12630583	12630969	12630836	8	12	0	15.24963491	4.15E-05	PRPS2	ENSG00000101911
X	13597268	13597493	13597391	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000176896
X	15380131	15380380	15380231	9	12	0	15.24963491	4.15E-05	BMX	ENSG00000102010
X	15493262	15493514	15493361	9	11	4	2.815317214	0.0183428	ACE2	ENSG00000130234
X	15718468	15718731	15718608	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ZRSR2	ENSG00000169249
X	16532997	16533330	16533163	17	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000222290
X	16548977	16549298	16549146	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000222290
X	16590459	16590853	16590606	10	18	7	2.785990993	0.00480525	S100G	ENSG00000169906
X	16699713	16700191	16700026	11	19	6	3.351568112	0.00134187	CXorf15	ENSG00000086712
X	17475740	17476182	17475918	27	39	5	7.820325595	2.05E-09		ENSG00000221408
X	17542249	17542461	17542407	8	9	1	5.865244197	0.00272497	NHS	ENSG00000188158
X	17635779	17636015	17635897	11	14	4	3.519146518	0.00361132		ENSG00000217991
X	17716517	17716904	17716729	9	13	3	4.105670938	0.00243034		ENSG00000217287
X	17938277	17938542	17938397	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000218530

X	18721743	18722073	18721913	32	35	0	42.22975822	7.34E-13		ENSG00000203503
X	19545690	19545869	19545779	9	9	0	11.73048839	0.000425898	SH3KBP1	ENSG00000147010
X	19835948	19836254	19836090	13	14	1	8.797866295	8.00E-05	SH3KBP1	ENSG00000147010
X	21767488	21767706	21767612	9	11	5	2.346097679	0.0364013	MBTPS2	ENSG00000012174
X	21902074	21902317	21902195	12	13	5	2.737113958	0.0137917	SMS	ENSG00000102172
X	22046201	22046393	22046297	8	8	1	5.278719777	0.00542188	PHEX	ENSG00000102174
X	22603157	22603406	22603281	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216582
X	23432266	23432500	23432387	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000210537
X	23725486	23725715	23725603	9	10	1	6.451768616	0.00135978	SAT1	ENSG00000130066
X	24419830	24420082	24419956	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000214124
X	24621523	24621755	24621625	8	10	3	3.225884308	0.0139466	POLA1	ENSG00000101868
X	24692508	24692742	24692625	8	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000212474
X	27114746	27115016	27114841	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000219551
X	27362164	27362379	27362278	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000219351
X	30717243	30717521	30717405	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30719479	30720056	30719780	25	54	2	21.50589539	1.39E-16	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30720343	30720711	30720535	11	17	0	21.11487911	8.57E-07	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30721689	30721878	30721760	10	10	0	12.90353723	0.000195991	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30723686	30724047	30723820	11	17	1	10.55743955	9.18E-06	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30724067	30724627	30724306	19	33	2	13.29455351	6.68E-10	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30725347	30725557	30725452	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30726736	30727211	30727011	42	55	1	32.8453675	4.16E-18	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30727333	30727842	30727679	26	38	0	45.74890473	7.15E-14	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30728301	30729677	30729092	41	105	1	62.17158848	1.09E-34	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30730390	30730591	30730521	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30731448	30731777	30731620	10	15	0	18.76878143	4.04E-06	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30734147	30734552	30734286	10	14	2	5.865244197	0.000387308	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30817570	30817832	30817701	9	10	1	6.451768616	0.00135978	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30823317	30823564	30823393	8	11	3	3.519146518	0.00788869	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30832670	30833072	30832875	14	24	2	9.775406994	4.09E-07	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	33088379	33088736	33088455	14	19	0	23.46097679	1.81E-07	DMD	ENSG00000198947
X	33884426	33884762	33884594	20	26	2	10.55743955	9.97E-08	FAM47A	ENSG00000185448
X	34487528	34487768	34487648	9	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000222668
X	38545166	38545502	38545328	8	11	4	2.815317214	0.0183428	MID1IP1	ENSG00000165175

X	39699574	39699759	39699710	8	8	1	5.278719777	0.00542188		ENSG00000214047
X	40158623	40158841	40158732	10	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000214045
X	40262384	40262591	40262528	11	11	2	4.692195357	0.00272444		ENSG00000216880
X	40937126	40937425	40937305	14	17	4	4.222975822	0.000640773		ENSG00000199564
X	41704340	41704607	41704473	11	11	1	7.038293036	0.000674435	CASK	ENSG00000147044
X	42664867	42665165	42665016	14	14	0	17.59573259	8.79E-06		ENSG00000102055
X	42720921	42721472	42721124	31	45	1	26.9801233	8.07E-15		ENSG00000102055
X	42920869	42921165	42921005	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000220898
X	44159959	44160154	44160046	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000200702
X	44419621	44419863	44419746	12	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000214017
X	44719893	44720143	44720018	18	21	0	25.80707446	3.84E-08		ENSG00000203505
X	46419226	46419557	46419386	19	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000219718
X	46703132	46703506	46703298	27	32	0	38.7106117	7.53E-12	PHF16	ENSG00000102221
X	47560169	47560612	47560435	47	62	0	73.90207688	5.82E-22	WASF4	ENSG00000188459
X	47563207	47563721	47563478	14	24	0	29.32622098	3.74E-09	ZNF81	ENSG00000197779
X	48374768	48375087	48374927	10	12	0	15.24963491	4.15E-05		ENSG00000216287
X	48659444	48659744	48659605	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	PIM2	ENSG00000102096
X	50297708	50297888	50297798	8	9	1	5.865244197	0.00272497	DGKK	ENSG00000204466
X	53427135	53427597	53427397	27	39	2	15.64065119	8.61E-12	SMC1A	ENSG00000072501
X	55952100	55952308	55952200	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000220365
X	56009115	56009523	56009293	9	15	3	4.692195357	0.000718455		ENSG00000220365
X	58507445	58507774	58507609	14	14	7	2.199466574	0.0303778		ENSG00000219753
X	58568337	58568665	58568501	13	13	10	1.49297125	0.157311		
X	58577958	58578289	58578131	23	23	34	0.804376347	0.799304		
X	61676849	61677183	61677016	34	34	39	1.026417734	0.457358		ENSG00000216395
X	61755870	61756199	61756034	24	24	43	0.666505022	0.951744		ENSG00000216395
X	62540942	62541228	62541055	21	23	1	14.07658607	1.14E-07	SPIN4	ENSG00000186767
X	63342434	63342676	63342505	8	9	5	1.955081399	0.0892323	FAM123B	ENSG00000184675
X	65774949	65775589	65775263	92	141	2	55.52431173	4.15E-45	EDA2R	ENSG00000131080
X	67258821	67259021	67258966	8	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000216699
X	69247753	69248079	69247903	21	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000219613
X	70669401	70669695	70669548	11	14	3	4.398933147	0.00132748	OGT	ENSG00000147162
X	71263237	71263639	71263401	13	21	0	25.80707446	3.84E-08	NHSL2	ENSG00000204131
X	71413739	71413963	71413851	9	10	0	12.90353723	0.000195991	RPS4X	ENSG00000198034

X	72508198	72508547	72508420	11	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000207486
X	77234500	77234778	77234639	10	11	0	14.07658607	9.02E-05	PGK1	ENSG00000102144
X	82035144	82035478	82035307	9	11	0	14.07658607	9.02E-05		ENSG00000217962
X	83876685	83877013	83876856	30	34	0	41.05670938	1.59E-12		ENSG00000219196
X	84145403	84145617	84145486	8	9	3	2.932622098	0.0242899	APOOL	ENSG00000155008
X	86407187	86407531	86407360	17	22	0	26.9801233	1.77E-08		ENSG00000200422
X	93502504	93502967	93502781	28	41	1	24.63402563	1.65E-13		ENSG00000209165
X	93542179	93542630	93542356	46	63	1	37.53756286	9.51E-21		ENSG00000209165
X	93995992	93996171	93996081	8	8	3	2.639359888	0.0415794		ENSG00000221665
X	94433194	94433552	94433373	32	38	1	22.87445237	1.58E-12		ENSG00000212098
X	95323133	95323327	95323230	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000218262
X	95548767	95549058	95548906	12	13	2	5.474227917	0.000747844		ENSG00000209276
X	96664656	96664843	96664749	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000209212
X	97506901	97507089	97506995	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000217946
X	99756666	99757244	99756954	94	113	5	22.28792795	3.26E-32	TSPAN6	ENSG00000000003
X	99961729	99962198	99962059	11	18	2	7.429309316	2.63E-05	CSTF2	ENSG00000101811
X	100138237	100138491	100138358	11	11	1	7.038293036	0.000674435	ARL13A	ENSG00000174225
X	100532469	100532956	100532777	9	19	3	5.865244197	5.72E-05	HNRNPH2	ENSG00000126945
X	102583526	102583861	102583697	13	17	0	21.11487911	8.57E-07	RAB40A	ENSG00000172476
X	102771146	102771440	102771293	8	9	0	11.73048839	0.000425898	TCEAL1	ENSG00000172465
X	102840905	102841167	102841036	8	10	2	4.301179077	0.00512919	MORF4L2	ENSG00000123562
X	102986719	102986951	102986835	9	10	6	1.843362462	0.0964212		ENSG00000208948
X	103288094	103288279	103288140	8	8	1	5.278719777	0.00542188	MCART6	ENSG00000176274
X	103563731	103564091	103563912	9	15	6	2.68125449	0.0103552	IL1RAPL2	ENSG00000189108
X	104053510	104053856	104053683	8	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000219091
X	104149014	104149351	104149176	16	21	0	25.80707446	3.84E-08	TEX13A	ENSG00000133149
X	104268288	104268480	104268384	10	10	1	6.451768616	0.00135978	TEX13A	ENSG00000133149
X	106419659	106419848	106419706	8	9	0	11.73048839	0.000425898	MYCL2	ENSG00000204053
X	106490788	106491188	106491009	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000215007
X	106502466	106502647	106502518	9	9	1	5.865244197	0.00272497		ENSG00000215007
X	106569405	106569617	106569511	12	12	1	7.624817456	0.000332769		ENSG00000207846
X	106623159	106623384	106623254	9	11	0	14.07658607	9.02E-05	FRMPD3	ENSG00000147234
X	106855725	106856146	106856013	8	14	4	3.519146518	0.00361132	TSC22D3	ENSG00000157514
X	107130682	107131168	107130957	51	68	0	80.94036991	5.52E-24	TEX13B	ENSG00000170925

X	107131243	107131564	107131401	11	15	3	4.692195357	0.000718455	TEX13B	ENSG00000170925
X	107252453	107252708	107252580	9	10	1	6.451768616	0.00135978	ATG4A	ENSG00000101844
X	107252720	107253120	107252920	64	76	1	45.16238031	4.73E-25	ATG4A	ENSG00000101844
X	107400087	107400560	107400342	48	60	1	35.7779896	9.32E-20		ENSG00000189372
X	107442843	107443241	107443062	41	49	1	29.32622098	3.92E-16		ENSG00000189372
X	107646049	107646553	107646387	25	35	0	42.22975822	7.34E-13	COL4A5	ENSG00000188153
X	108183913	108184249	108184081	21	24	23	1.221925874	0.24208		ENSG00000208893
X	108184256	108184641	108184463	29	33	35	1.107879459	0.335679		ENSG00000219692
X	108666624	108666917	108666749	12	15	1	9.384390715	3.90E-05	NXT2	ENSG00000101888
X	108893553	108894223	108893888	13	28	1	17.00920817	2.80E-09	ACSL4	ENSG00000068366
X	109135066	109135285	109135189	9	11	1	7.038293036	0.000674435	TMEM164	ENSG00000157600
X	109142774	109142959	109142866	8	8	3	2.639359888	0.0415794	TMEM164	ENSG00000157600
X	109303198	109303533	109303365	14	20	1	12.31701281	1.03E-06		ENSG00000212738
X	109543099	109543315	109543181	8	8	5	1.759573259	0.13508	RGAG1	ENSG00000181110
X	109552724	109552956	109552815	11	13	1	8.211341875	0.000163445	RGAG1	ENSG00000181110
X	113058620	113058832	113058726	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000201674
X	113200927	113201270	113201099	18	23	0	28.15317214	8.13E-09		ENSG00000212611
X	113401295	113401588	113401469	9	13	0	16.42268375	1.91E-05		ENSG00000219648
X	113485528	113485763	113485618	8	8	0	10.55743955	0.000925496		ENSG00000219648
X	114115880	114116079	114115979	8	8	3	2.639359888	0.0415794	IL13RA2	ENSG00000123496
X	114820122	114820362	114820281	11	12	1	7.624817456	0.000332769	ASSP5	ENSG00000218981
X	114923369	114923717	114923543	8	14	2	5.865244197	0.000387308		ENSG00000188612
X	115768033	115768410	115768199	49	55	1	32.8453675	4.16E-18		ENSG00000217238
X	117608844	117609074	117608959	9	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000206862
X	118033520	118033744	118033640	8	11	3	3.519146518	0.00788869	LONRF3	ENSG00000175556
X	118112286	118112664	118112490	10	16	2	6.647276756	0.000101928	KIAA1210	ENSG00000175553
X	118419524	118419725	118419672	8	10	1	6.451768616	0.00135978	SLC25A43	ENSG00000077713
X	118477682	118478022	118477845	25	29	2	11.73048839	1.18E-08	SLC25A5	ENSG00000005022
X	118961574	118961931	118961828	15	20	4	4.926805125	0.00010522	NKAP	ENSG00000101882
X	119263067	119263274	119263173	14	14	1	8.797866295	8.00E-05	ZBTB33	ENSG00000177485
X	119808045	119808233	119808167	9	9	3	2.932622098	0.0242899		ENSG00000181511
X	119975057	119975482	119975269	38	50	1	29.9127454	1.84E-16		ENSG00000215359
X	119975498	119975856	119975677	14	20	3	6.158506406	2.99E-05		ENSG00000215359
X	120784955	120785362	120785165	30	39	0	46.92195357	3.29E-14		ENSG00000213498

X	121200386	121200592	121200489	9	9	0	11.73048839	0.000425898		ENSG00000219462
X	121527598	121527779	121527688	8	9	2	3.910162798	0.00955088		ENSG00000217270
X	122393916	122394100	122394012	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000179101
X	122438379	122438615	122438491	9	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000179101
X	122531606	122531846	122531724	13	14	1	8.797866295	8.00E-05		ENSG00000207655
X	122694746	122694925	122694784	8	8	4	2.111487911	0.0804809	THOC2	ENSG00000125676
X	122764918	122765304	122765093	12	18	9	2.228792795	0.0164363		ENSG00000213737
X	122780018	122780229	122780084	8	8	2	3.519146518	0.017558		ENSG00000213737
X	122794990	122795178	122795084	10	10	4	2.580707446	0.0306059		ENSG00000199705
X	128450093	128450272	128450182	9	9	1	5.865244197	0.00272497	SMARCA1	ENSG00000102038
X	128468405	128468715	128468561	30	30	0	36.36451402	3.56E-11	SMARCA1	ENSG00000102038
X	128568656	128568927	128568788	9	10	1	6.451768616	0.00135978	APLN	ENSG00000171388
X	128933756	128934024	128933876	11	12	1	7.624817456	0.000332769	BCORL1	ENSG00000085185
X	128943758	128944369	128943914	9	21	5	4.301179077	0.000172642	BCORL1	ENSG00000085185
X	129127672	129127970	129127828	8	9	3	2.932622098	0.0242899	AIFM1	ENSG00000156709
X	130527653	130527903	130527778	12	15	0	18.76878143	4.04E-06		ENSG00000219078
X	130569539	130570036	130569742	38	49	1	29.32622098	3.92E-16		ENSG00000219221
X	131143080	131143298	131143200	8	8	1	5.278719777	0.00542188	RAP2C	ENSG00000123728
X	131150038	131150373	131150211	22	26	0	31.67231866	7.93E-10	RAP2C	ENSG00000123728
X	131168165	131168345	131168237	9	9	1	5.865244197	0.00272497	RAP2C	ENSG00000123728
X	131181049	131181255	131181178	8	8	4	2.111487911	0.0804809	RAP2C	ENSG00000123728
X	131232975	131233236	131233076	11	12	2	5.083211637	0.00143337	RAP2C	ENSG00000123728
X	131574770	131575025	131574884	9	10	1	6.451768616	0.00135978		ENSG00000206900
X	131839875	131840329	131840117	110	130	0	153.669398	6.98E-45		ENSG00000218958
X	131916153	131916393	131916273	12	13	2	5.474227917	0.000747844	HS6ST2	ENSG00000171004
X	132238688	132238950	132238793	10	13	1	8.211341875	0.000163445		ENSG00000202199
X	132747955	132748480	132748301	32	43	0	51.61414893	1.48E-15		ENSG00000219153
X	132754220	132754509	132754359	13	16	2	6.647276756	0.000101928		ENSG00000219153
X	133510132	133510329	133510260	8	8	4	2.111487911	0.0804809		ENSG00000199097
X	133680005	133680225	133680104	8	10	0	12.90353723	0.000195991		ENSG00000211558
X	134385144	134385469	134385306	13	16	0	19.94183027	1.86E-06	NCRNA0008	ENSG00000178947
X	134493424	134493603	134493518	8	8	0	10.55743955	0.000925496	DDX26B	ENSG00000165359
X	135790596	135790873	135790719	9	11	5	2.346097679	0.0364013	RBMX	ENSG00000147274
X	136211933	136212259	136212098	11	16	1	9.970915134	1.89E-05		ENSG00000217721

X	136347948	136348265	136348108	23	24	38	0.751954384	0.872183	ENSG00000134598
X	136411468	136411694	136411578	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	ENSG00000134598
X	136994961	136995286	136995131	16	19	0	23.46097679	1.81E-07	ENSG00000208536
X	137680511	137680866	137680688	24	29	1	17.59573259	1.33E-09	FGF13 ENSG00000129682
X	138590203	138590587	138590417	26	33	2	13.29455351	6.68E-10	MCF2 ENSG00000101977
X	138735706	138735885	138735752	8	8	0	10.55743955	0.000925496	ATP11C ENSG00000101974
X	139402092	139402402	139402249	14	17	5	3.519146518	0.00167472	SOX3 ENSG00000134595
X	139828290	139828533	139828362	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ENSG00000221081
X	141129679	141129882	141129778	9	9	1	5.865244197	0.00272497	MAGEC2 ENSG00000046774
X	148517871	148518060	148517965	8	8	0	10.55743955	0.000925496	TMEM185A ENSG00000155984
X	148859254	148859472	148859369	8	9	2	3.910162798	0.00955088	CXorf40B ENSG00000197021
X	150010064	150010332	150010155	9	10	2	4.301179077	0.00512919	ENSG00000212595
X	150462860	150463247	150463072	41	49	0	58.65244197	1.40E-17	PASD1 ENSG00000166049
X	150895136	150895503	150895333	11	18	0	22.28792795	3.94E-07	GABRE ENSG00000102287
X	151814732	151815276	151814944	10	26	1	15.83615933	1.23E-08	ZNF185 ENSG00000147394
X	152359924	152360423	152360157	72	94	4	22.28792795	3.15E-27	TREX2 ENSG00000183479
X	152430498	152430737	152430617	10	10	0	12.90353723	0.000195991	ATP2B3 ENSG00000067842
X	152586606	152586834	152586698	9	9	1	5.865244197	0.00272497	ENSG00000208378
X	152682641	152682844	152682742	8	8	4	2.111487911	0.0804809	PLXNB3 ENSG00000198753
X	152697415	152697735	152697582	22	26	1	15.83615933	1.23E-08	SRPK3 ENSG00000184343
X	152845959	152846166	152846062	8	9	0	11.73048839	0.000425898	ARHGAP4 ENSG00000089820
X	152957370	152957549	152957411	8	8	0	10.55743955	0.000925496	MECP2 ENSG00000169057
X	153255133	153255391	153255252	15	15	3	4.692195357	0.000718455	FLNA ENSG00000196924
X	153407107	153407383	153407239	9	13	0	16.42268375	1.91E-05	FAM3A ENSG00000071889
X	153408203	153408803	153408618	28	55	7	8.211341875	1.10E-12	FAM3A ENSG00000071889
X	153423441	153423683	153423528	9	11	4	2.815317214	0.0183428	IKBK ENSG00000073009
X	154097762	154098111	154098000	8	12	1	7.624817456	0.000332769	VBP1 ENSG00000155959
X	154703036	154703393	154703214	20	26	1	15.83615933	1.23E-08	ENSG00000219128
X	154850789	154851432	154851245	28	48	0	57.47939313	3.05E-17	ENSG00000220501
Y	10629205	10629716	10629538	32	50	57	1.031473979	0.437666	ENSG00000219584
Y	10630430	10630819	10630642	18	25	27	1.089259637	0.378702	ENSG00000219584
Y	10631179	10631451	10631315	9	9	11	0.977540699	0.526123	ENSG00000218597
Y	10632298	10632642	10632470	39	42	32	1.528518185	0.0323191	ENSG00000218597
Y	10633213	10633536	10633372	13	13	21	0.746485625	0.811212	ENSG00000218597



Y	10635033	10635411	10635233	19	24	32	0.888673363	0.675985	ENSG00000218597
Y	10636559	10636756	10636657	10	12	12	1.173048839	0.343543	ENSG00000218597
Y	10637386	10637716	10637551	14	15	21	0.853126429	0.691243	ENSG00000218597
Y	10639374	10639831	10639654	41	53	53	1.173048839	0.204123	ENSG00000218597
Y	10641281	10641805	10641560	10	20	22	1.071044592	0.412397	ENSG00000218597
Y	10641810	10642158	10641985	14	18	11	1.857327329	0.0427732	ENSG00000221022
Y	10643367	10643714	10643539	30	30	17	2.020250779	0.0073882	ENSG00000221022
Y	10644897	10645245	10645066	32	37	32	1.350783512	0.102597	ENSG00000223068
Y	10645298	10645635	10645466	24	27	17	1.824742639	0.0211436	ENSG00000223068
Y	10645748	10646275	10646007	18	29	32	1.066408036	0.401409	ENSG00000219313
Y	10646305	10646725	10646484	17	23	8	3.128130238	0.000832453	ENSG00000219313
Y	10647615	10648027	10647848	65	82	55	1.738625958	0.000594936	ENSG00000222088
Y	11243326	11243654	11243490	15	15	9	1.876878143	0.0544542	
Y	11247681	11248011	11247846	17	17	23	0.879786629	0.664328	
Y	11654845	11655123	11655012	9	10	3	3.225884308	0.0139466	ENSG00000221738
Y	11911064	11911276	11911170	8	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000206163
Y	11918275	11918466	11918437	12	13	16	0.966040221	0.542489	ENSG00000206163
Y	11920826	11921235	11921005	20	29	46	0.748754578	0.896605	ENSG00000206161
Y	11925824	11926074	11925913	8	10	6	1.843362462	0.0964212	ENSG00000206161
Y	11926668	11927003	11926832	12	13	4	3.28453675	0.00629037	ENSG00000206161
Y	11927668	11928274	11927847	25	38	42	1.063928017	0.391421	ENSG00000206161
Y	11928310	11928511	11928362	9	10	8	1.433726359	0.209175	ENSG00000206161
Y	11941765	11942160	11942023	12	20	31	0.769813301	0.829881	ENSG00000217642
Y	11944400	11944925	11944747	15	26	27	1.131154238	0.325317	ENSG00000217642
Y	11945270	11945626	11945448	38	43	47	1.075294769	0.365563	ENSG00000217642
Y	11948702	11949050	11948879	9	13	7	2.052835469	0.046392	ENSG00000217642
Y	12128537	12128861	12128699	14	14	14	1.173048839	0.332418	ENSG00000183704
Y	12312271	12312451	12312301	10	10	14	0.860235815	0.65444	ENSG00000220799
Y	12323530	12323858	12323694	8	11	22	0.612025481	0.924393	ENSG00000220799
Y	12327789	12328117	12327953	14	14	13	1.256838042	0.269506	ENSG00000220799
Y	12334099	12334427	12334263	11	12	23	0.635401455	0.914098	ENSG00000220799
Y	12361512	12361839	12361675	10	10	18	0.679133539	0.855647	ENSG00000220799
Y	12372450	12372774	12372612	10	10	23	0.537647385	0.963335	ENSG00000220799
Y	12372958	12373297	12373127	25	26	34	0.90492339	0.655516	ENSG00000220799

Y	57381664	57381994	57381829	22	23	31	0.879786629	0.686638	ENSG00000217042
Y	57395011	57395190	57395040	8	8	12	0.812110735	0.692685	ENSG00000217042
Y	57406313	57406493	57406460	8	8	7	1.319679944	0.283403	ENSG00000217042
c6_Q	31429415	31429659	31429537	20	20	1	12.31701281	1.03E-06	ENSG00000219118
c6_Q	31437989	31438176	31438082	11	11	0	14.07658607	9.02E-05	ENSG00000206450