

chr	start	end	maximum	p53 Height	p53 Area	IgG	Ratio p53/IgG	P-Value	Gene Symbol	Ensemble name
1	557268	557605	557436	16	16	29	0.588939038	0.963731		ENSG00000209350
1	559612	559960	559786	37	37	55	0.705242125	0.954002		ENSG00000212678
1	1176146	1176417	1176300	9	11	2	4.157216737	0.0052913	FAM132A	ENSG00000184163
1	1780686	1780956	1780821	10	10	2	3.810782009	0.00936112	GNB1	ENSG00000078369
1	1828844	1829117	1828998	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	CALML6	ENSG00000169885
1	3166769	3166950	3166859	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PRDM16	ENSG00000142611
1	3703040	3703226	3703131	8	8	2	3.117912553	0.0283184	LRRC47	ENSG00000130764
1	3763599	3763859	3763729	8	11	3	3.117912553	0.0146045	DFFB	ENSG00000169598
1	5043750	5044032	5043891	9	11	0	12.47165021	0.000193293	AJAP1	ENSG00000196581
1	6056905	6057212	6057063	11	13	1	7.27512929	0.000378098	KCNAB2	ENSG00000069424
1	6202976	6203155	6203053	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RNF207	ENSG00000158286
1	6397081	6397521	6397334	34	48	0	50.92590503	6.85E-16	HES2	ENSG00000069812
1	8684905	8685120	8685017	13	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000218821
1	8894217	8894454	8894330	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000218059
1	9163992	9164415	9164146	9	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000207865
1	9164532	9165093	9164833	78	117	1	61.31894687	1.85E-35		ENSG00000207865
1	9826195	9826383	9826280	9	9	2	3.464347281	0.0163838	CLSTN1	ENSG00000171603
1	9873836	9874100	9873972	8	11	2	4.157216737	0.0052913	CTNNBIP1	ENSG00000178585
1	9933110	9933425	9933286	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000202415
1	11020396	11020588	11020492	8	10	2	3.810782009	0.00936112	MASP2	ENSG00000009724
1	11062972	11063185	11063078	12	12	3	3.377738599	0.00867157	EXOSC10	ENSG00000171824
1	11541978	11542236	11542107	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	PTCHD2	ENSG00000204624
1	11890623	11890935	11890759	17	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000199347
1	11890963	11891320	11891141	8	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000199347
1	11892277	11892494	11892398	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000201801
1	12189743	12190123	12189944	30	37	0	39.493559	1.74E-12		ENSG00000219226
1	12511042	12511311	12511199	10	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000209463
1	12600928	12601325	12601116	24	33	1	17.66817113	5.50E-10	DHRS3	ENSG00000162496
1	12623171	12623460	12623314	18	21	0	22.86469205	1.55E-07	AADA4L4	ENSG00000204518
1	14932262	14932498	14932380	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000203390
1	15106515	15106882	15106713	8	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000189337
1	15245629	15245936	15245782	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000189337

1	15999322	15999509	15999455	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000197883
1	15999561	15999785	15999721	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000197883
1	16353766	16353960	16353920	9	9	0	10.39304184	0.000803859	EPHA2	ENSG00000142627
1	16383752	16384080	16383914	28	29	1	15.58956276	8.46E-09	ARHGEF19	ENSG00000142632
1	16566135	16566348	16566290	10	13	3	3.637564645	0.0050909	C1orf144	ENSG00000055070
1	16712957	16713336	16713157	20	30	14	2.147895314	0.00561491		ENSG00000206652
1	16758802	16759152	16758977	27	32	0	34.29703808	6.12E-11		ENSG00000209524
1	16811565	16811799	16811699	8	8	6	1.336248237	0.277651	NBPF1	ENSG00000179571
1	16820139	16820484	16820311	8	13	6	2.078608368	0.0483393	NBPF1	ENSG00000179571
1	16926395	16926650	16926522	14	17	5	3.117912553	0.00407023		ENSG00000209530
1	17104405	17104609	17104529	9	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000207005
1	17444363	17444651	17444499	8	11	1	6.235825105	0.0013754	PADI3	ENSG00000142619
1	17486583	17486825	17486704	9	10	1	5.716173013	0.00260397	PADI4	ENSG00000159339
1	17508787	17509220	17508966	17	24	2	8.660868202	1.80E-06	PADI4	ENSG00000159339
1	17611228	17611535	17611358	11	13	2	4.850086193	0.00164564	RCC2	ENSG00000179051
1	17719341	17719573	17719477	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ARHGEF10L	ENSG00000074964
1	18065669	18065848	18065758	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ACTL8	ENSG00000117148
1	18392167	18392377	18392260	9	9	0	10.39304184	0.000803859	IGSF21	ENSG00000117154
1	18865763	18866041	18865902	9	13	1	7.27512929	0.000378098	PAX7	ENSG00000009709
1	18867897	18868151	18868021	9	12	3	3.377738599	0.00867157	PAX7	ENSG00000009709
1	19102150	19102459	19102304	9	12	8	1.501217155	0.168286	ALDH4A1	ENSG00000159423
1	19197288	19197721	19197527	33	43	1	22.86469205	5.66E-13	IFFO2	ENSG00000169991
1	20174045	20174281	20174130	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000209591
1	20332765	20333075	20332931	10	14	0	15.58956276	2.28E-05	PLA2G2F	ENSG00000158786
1	20693059	20693238	20693092	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CAMK2N1	ENSG00000162545
1	21082977	21083221	21083082	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	EIF4G3	ENSG00000075151
1	21595728	21596042	21595885	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000182068
1	21847040	21847262	21847151	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RAP1GAP	ENSG00000076864
1	22154922	22155320	22155141	12	18	0	19.7467795	1.32E-06	HSPG2	ENSG00000142798
1	22242318	22242620	22242469	22	25	5	4.503651465	6.33E-05	CDC42	ENSG00000070831
1	22671738	22671990	22671834	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ZBTB40	ENSG00000184677
1	23016537	23016897	23016719	17	22	1	11.95199812	9.69E-07	EPHB2	ENSG00000133216
1	23175541	23175742	23175649	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000215906
1	23576432	23576892	23576611	21	32	4	6.859407616	3.06E-07		ENSG00000201405

1	23606530	23606755	23606620	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000220249
1	23651124	23651386	23651275	11	13	3	3.637564645	0.0050909	TCEA3	ENSG00000204219
1	23758370	23758590	23758440	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ID3	ENSG00000117318
1	23758651	23758972	23758811	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ID3	ENSG00000117318
1	23784724	23784915	23784819	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ID3	ENSG00000117318
1	23791364	23791614	23791489	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ID3	ENSG00000117318
1	23791645	23792137	23791837	84	99	2	34.64347281	1.54E-28	ID3	ENSG00000117318
1	23792472	23792709	23792590	10	12	1	6.755477198	0.000722752	MDS2	ENSG00000197880
1	23890470	23890700	23890585	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	RPL11	ENSG00000142676
1	24023995	24024178	24024100	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HMGCL	ENSG00000117305
1	24841825	24842195	24842019	8	13	9	1.455025858	0.177172	SRRM1	ENSG00000133226
1	25171197	25171729	25171550	41	53	2	18.70747532	8.04E-15	RUNX3	ENSG00000020633
1	25681479	25681672	25681575	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TMEM57	ENSG00000204178
1	26127661	26127883	26127772	8	8	1	4.676868829	0.0091584	STMN1	ENSG00000117632
1	26892043	26892311	26892177	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ARID1A	ENSG00000117713
1	26894584	26894803	26894711	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ARID1A	ENSG00000117713
1	27060280	27060688	27060481	16	24	1	12.9913023	2.52E-07	SFN	ENSG00000175793
1	27063994	27064248	27064122	9	11	1	6.235825105	0.0013754	SFN	ENSG00000175793
1	27340759	27340938	27340848	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLC9A1	ENSG00000090020
1	28384291	28384470	28384394	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PTAFR	ENSG00000169403
1	28441016	28441292	28441154	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	ATPIF1	ENSG00000130770
1	28459198	28459568	28459403	16	21	3	5.716173013	5.37E-05	SESN2	ENSG00000130766
1	28551409	28551722	28551565	29	32	0	34.29703808	6.12E-11	PHACTR4	ENSG00000204138
1	28637061	28637279	28637158	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PHACTR4	ENSG00000204138
1	29003213	29003499	29003368	9	10	2	3.810782009	0.00936112	OPRD1	ENSG00000116329
1	29438384	29438648	29438516	21	25	0	27.02190879	8.98E-09	PTPRU	ENSG00000060656
1	29955332	29955659	29955495	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000221126
1	30666131	30666372	30666274	13	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000217351
1	30993566	30993918	30993742	25	29	2	10.39304184	7.12E-08	LAPTM5	ENSG00000162511
1	31099596	31099875	31099735	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000222784
1	31983709	31983917	31983775	8	9	2	3.464347281	0.0163838	BAI2	ENSG00000121753
1	32465302	32465499	32465411	8	8	1	4.676868829	0.0091584	EIF3I	ENSG00000084623
1	33201913	33202168	33202053	13	15	0	16.62886695	1.12E-05	RNF19B	ENSG00000116514
1	34830568	34830797	34830691	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207941

1	35795820	35796010	35795860	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NCDN	ENSG00000020129
1	37338635	37338985	37338812	29	33	0	35.33634226	3.00E-11	GRIK3	ENSG00000163873
1	37716176	37716375	37716323	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ZC3H12A	ENSG00000163874
1	38072983	38073261	38073122	20	22	1	11.95199812	9.69E-07		ENSG00000217771
1	38185224	38185562	38185393	29	31	0	33.2577339	1.25E-10	INPP5B	ENSG00000204084
1	38228228	38228547	38228376	20	23	2	8.314433474	3.41E-06	SF3A3	ENSG00000183431
1	38525514	38525812	38525686	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000200796
1	38741135	38741449	38741292	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000200796
1	39585138	39585480	39585309	26	30	0	32.21842971	2.55E-10	MACF1	ENSG00000127603
1	39787266	39787534	39787391	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000220027
1	40215162	40215492	40215328	21	23	2	8.314433474	3.41E-06		ENSG00000217900
1	40345698	40345977	40345806	8	11	2	4.157216737	0.0052913	PPT1	ENSG00000131238
1	40382222	40382580	40382364	9	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000216766
1	40949783	40950117	40949946	15	19	1	10.39304184	7.23E-06	NFYC	ENSG00000066136
1	41137890	41138116	41137950	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CITED4	ENSG00000179862
1	41592057	41592249	41592149	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FOXO6	ENSG00000204060
1	41649599	41649791	41649756	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FOXO6	ENSG00000204060
1	41720493	41720965	41720694	43	62	7	8.184520451	3.80E-13	EDN2	ENSG00000127129
1	42028040	42028461	42028219	11	19	7	2.598260461	0.00730518	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42098597	42098800	42098698	9	9	3	2.598260461	0.0397929	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42120415	42120623	42120526	10	10	8	1.27026067	0.293854	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42158382	42158622	42158502	8	10	1	5.716173013	0.00260397	HIVEP3	ENSG00000127124
1	42404128	42404409	42404270	11	14	2	5.196520921	0.000907371	GUCA2A	ENSG00000197273
1	42412266	42412560	42412440	21	24	3	6.495651151	8.89E-06	GUCA2A	ENSG00000197273
1	42573604	42573799	42573702	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FOXJ3	ENSG00000198815
1	42771472	42771821	42771646	13	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000186409
1	43181614	43182009	43181881	8	14	5	2.598260461	0.0167748	SLC2A1	ENSG00000117394
1	43230671	43230936	43230801	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000207256
1	43233065	43233248	43233210	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000207256
1	43391060	43391453	43391277	19	26	0	28.06121297	4.41E-09	FAM183A	ENSG00000186973
1	43774776	43775069	43774923	18	21	1	11.43234603	1.90E-06	PTPRF	ENSG00000142949
1	43788528	43788805	43788636	9	11	0	12.47165021	0.000193293	PTPRF	ENSG00000142949
1	43888388	43888569	43888478	8	8	1	4.676868829	0.0091584	JMJD2A	ENSG00000066135
1	44968996	44969205	44969100	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000200169

1	44969417	44969630	44969478	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000200169
1	45013681	45013930	45013764	9	11	5	2.078608368	0.0614303	RPS8	ENSG00000142937
1	45037988	45038588	45038260	58	101	2	35.33634226	3.84E-29	PLK3	ENSG00000173846
1	45053316	45053522	45053409	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000202444
1	45057746	45058079	45057918	13	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000202444
1	45760161	45760489	45760325	8	13	6	2.078608368	0.0483393	PRDX1	ENSG00000117450
1	45806587	45806924	45806755	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	NASP	ENSG00000132780
1	45822225	45822503	45822343	11	12	3	3.377738599	0.00867157	NASP	ENSG00000132780
1	45851530	45851869	45851699	10	15	1	8.314433474	0.000102308	CCDC17	ENSG00000159588
1	45926415	45926740	45926567	8	12	3	3.377738599	0.00867157	TMEM69	ENSG00000159596
1	46195749	46196014	46195913	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	MAST2	ENSG00000086015
1	46259144	46259323	46259265	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000216741
1	46410193	46410490	46410341	10	11	0	12.47165021	0.000193293	TSPAN1	ENSG00000117472
1	46417863	46418067	46417965	9	11	3	3.117912553	0.0146045	TSPAN1	ENSG00000117472
1	46421792	46421981	46421886	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TSPAN1	ENSG00000117472
1	46579039	46579228	46579073	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NSUN4	ENSG00000117481
1	46608665	46608891	46608778	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000119916
1	46685182	46685409	46685310	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000213777
1	46842378	46842609	46842478	10	10	4	2.286469205	0.0509017	MKNK1	ENSG00000079277
1	47036314	47036531	47036429	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	CYP4B1	ENSG00000142973
1	47417397	47417679	47417535	11	12	2	4.503651465	0.002963	PDZK1IP1	ENSG00000162366
1	50377556	50377813	50377676	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	ELAVL4	ENSG00000162374
1	51571974	51572200	51572087	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TTC39A	ENSG00000085831
1	51805989	51806287	51806126	13	16	3	4.417042783	0.00097367	OSBPL9	ENSG00000117859
1	51808138	51808386	51808262	8	11	9	1.247165021	0.300052	OSBPL9	ENSG00000117859
1	51831002	51831259	51831139	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000218025
1	51930577	51930801	51930679	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219625
1	53476695	53476945	53476820	9	11	1	6.235825105	0.0013754	MAGOH	ENSG00000162385
1	55189118	55189350	55189242	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TMEM61	ENSG00000143001
1	55298364	55298581	55298517	11	11	0	12.47165021	0.000193293	PCSK9	ENSG00000169174
1	56303808	56303987	56303897	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000217577
1	56653084	56653288	56653200	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000216893
1	56677970	56678157	56678066	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000216893
1	56811605	56811969	56811739	10	15	0	16.62886695	1.12E-05	PPAP2B	ENSG00000162407

1	57057379	57057565	57057485	9	9	4	2.078608368	0.0785659	C1orf168	ENSG00000187889
1	58421652	58421831	58421738	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000216719
1	58445156	58445349	58445252	11	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000216719
1	60069781	60069967	60069874	8	9	3	2.598260461	0.0397929	HOOK1	ENSG00000134709
1	61318335	61318536	61318431	8	8	5	1.558956276	0.191397	NFIA	ENSG00000162599
1	61377784	61377983	61377921	10	12	2	4.503651465	0.002963	NFIA	ENSG00000162599
1	61691650	61691917	61691752	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000218038
1	63761403	63761705	63761554	15	19	4	4.157216737	0.000560204	EFCAB7	ENSG00000203965
1	64216891	64217153	64217012	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207190
1	65233666	65233863	65233755	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000185031
1	66420844	66421074	66420959	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PDE4B	ENSG00000184588
1	66509522	66509832	66509660	16	19	2	6.928694562	4.25E-05	PDE4B	ENSG00000184588
1	66638917	66639215	66639066	18	21	0	22.86469205	1.55E-07	PDE4B	ENSG00000184588
1	67384876	67385234	67385055	9	15	0	16.62886695	1.12E-05	C1orf141	ENSG00000203963
1	67614708	67615033	67614885	13	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000223263
1	67924852	67925241	67925046	87	100	5	17.49495377	2.02E-25	GADD45A	ENSG00000116717
1	67976870	67977055	67976980	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GADD45A	ENSG00000116717
1	68759726	68759909	68759857	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000218491
1	69293363	69294040	69293684	24	43	1	22.86469205	5.66E-13		
1	70649060	70649239	70649124	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CTH	ENSG00000116761
1	72239002	72239481	72239241	74	106	1	55.60277386	4.27E-32	NEGR1	ENSG00000172260
1	75330403	75330690	75330546	20	22	2	7.967998746	6.43E-06	LHX8	ENSG00000162624
1	76429350	76429611	76429485	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ST6GALNA(ENSG00000184005
1	76925622	76925844	76925733	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000220402
1	77157551	77157891	77157719	18	21	0	22.86469205	1.55E-07	ST6GALNA(ENSG00000117069
1	77969130	77969356	77969243	9	10	2	3.810782009	0.00936112	USP33	ENSG00000077254
1	78202440	78202619	78202529	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FUBP1	ENSG00000162613
1	78352581	78352835	78352708	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000202263
1	82112770	82113052	82112900	20	22	0	23.90399624	7.62E-08	LPHN2	ENSG00000117114
1	82184169	82184348	82184258	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LPHN2	ENSG00000117114
1	82464475	82464720	82464597	12	14	0	15.58956276	2.28E-05	LPHN2	ENSG00000117114
1	83249555	83250056	83249794	28	40	2	14.20382385	5.03E-11		
1	83304707	83304897	83304863	8	8	1	4.676868829	0.0091584		
1	83348594	83348779	83348686	9	9	2	3.464347281	0.0163838		

1	85463412	85463702	85463528	10	14	2	5.196520921	0.000907371	SYDE2	ENSG00000097096
1	85478592	85478809	85478717	8	9	0	10.39304184	0.000803859	C1orf52	ENSG00000162642
1	85546445	85546749	85546601	8	10	0	11.43234603	0.000394183	BCL10	ENSG00000142867
1	85762827	85763050	85762958	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CYR61	ENSG00000142871
1	85946562	85946775	85946666	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ZNHIT6	ENSG00000117174
1	86662169	86662446	86662307	18	19	1	10.39304184	7.23E-06	CLCA2	ENSG00000137975
1	87152126	87152333	87152232	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000183291
1	87331660	87331856	87331738	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HS2ST1	ENSG00000153936
1	87413001	87413335	87413168	26	32	1	17.14851904	1.09E-09		ENSG00000221222
1	87676142	87676321	87676185	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199318
1	87716503	87716872	87716702	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000199318
1	89040158	89040531	89040255	19	25	0	27.02190879	8.98E-09		ENSG00000207234
1	89854026	89854287	89854189	9	10	0	11.43234603	0.000394183	LRRRC8C	ENSG00000171488
1	91625225	91625842	91625520	287	468	309	1.572366653	1.97E-10		ENSG00000211233
1	91768072	91768406	91768245	51	55	1	29.10051716	1.38E-16		ENSG00000185636
1	91843173	91843363	91843258	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218593
1	93070074	93070253	93070163	8	8	5	1.558956276	0.191397	RPL5	ENSG00000122406
1	93461537	93461833	93461685	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000220257
1	93832344	93832569	93832409	9	10	2	3.810782009	0.00936112	BCAR3	ENSG00000137936
1	93867562	93867866	93867714	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	BCAR3	ENSG00000137936
1	93911569	93911818	93911659	9	9	0	10.39304184	0.000803859	BCAR3	ENSG00000137936
1	94199007	94199370	94199205	8	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000216267
1	94574121	94574326	94574223	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000178596
1	95075029	95075391	95075230	14	19	2	6.928694562	4.25E-05	SLC44A3	ENSG00000143036
1	99923962	99924157	99924059	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000220411
1	100668432	100668981	100668643	58	78	4	16.42100611	4.63E-20		ENSG00000216398
1	101765009	101765331	101765154	25	29	0	31.17912553	5.19E-10		ENSG00000173810
1	106546371	106546636	106546518	10	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000217439
1	106577801	106578097	106577949	8	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000217439
1	106580415	106580674	106580544	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000217439
1	106612292	106612716	106612471	10	19	13	1.484720263	0.123861		ENSG00000217439
1	106622928	106623267	106623097	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000217439
1	106636216	106636610	106636395	9	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000217439
1	106638916	106639195	106639095	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000217439

1	106639474	106639674	106639574	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000217439
1	106641236	106641479	106641357	13	13	6	2.078608368	0.0483393	ENSG00000217439
1	106650812	106651011	106650859	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000217439
1	106651456	106651674	106651516	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ENSG00000217439
1	106689572	106689893	106689732	9	11	3	3.117912553	0.0146045	ENSG00000217439
1	106699051	106699243	106699132	9	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000217439
1	106700171	106700396	106700325	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ENSG00000217439
1	106738963	106739159	106739061	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000217439
1	106758275	106758486	106758380	10	10	1	5.716173013	0.00260397	ENSG00000217439
1	106760872	106761054	106760933	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000217439
1	106762495	106762719	106762607	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000217439
1	106763515	106763833	106763675	9	12	3	3.377738599	0.00867157	ENSG00000217439
1	106783576	106783770	106783673	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000217439
1	106787490	106787704	106787656	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000220633
1	106809835	106810219	106810040	8	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000220633
1	106823985	106824283	106824134	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000220633
1	106830953	106831281	106831128	8	12	1	6.755477198	0.000722752	ENSG00000220633
1	106833163	106833645	106833467	23	31	14	2.21718226	0.00388768	ENSG00000220633
1	106834412	106834717	106834570	8	12	4	2.702190879	0.0203088	ENSG00000220633
1	106835586	106835808	106835685	10	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000220633
1	106837232	106837492	106837357	8	12	4	2.702190879	0.0203088	ENSG00000220633
1	106845564	106845811	106845709	9	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000220633
1	106847181	106847392	106847286	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000220633
1	106852742	106853046	106852917	8	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000220633
1	106854809	106855163	106854987	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ENSG00000220633
1	106877020	106877199	106877100	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000220633
1	106881478	106881727	106881575	8	10	18	0.601702422	0.917232	ENSG00000220633
1	106893113	106893309	106893264	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000220633
1	106893926	106894189	106894057	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000220633
1	106899734	106900078	106899906	15	21	11	1.905391004	0.031399	ENSG00000220633
1	106913885	106914132	106913976	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000220633
1	106915347	106915907	106915682	10	22	12	1.838768941	0.0349935	ENSG00000220633
1	106917774	106917970	106917872	9	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000220633
1	106920473	106920736	106920566	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000220633

1	106929014	106929212	106929171	10	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000220633
1	106938573	106938752	106938662	8	8	8	1.039304184	0.46786	ENSG00000220633
1	106945472	106945661	106945566	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000220633
1	106948064	106948433	106948243	10	17	15	1.169217207	0.323156	ENSG00000220633
1	106953847	106954137	106953991	10	13	15	0.909391161	0.604792	ENSG00000220633
1	106954832	106955024	106954946	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000220633
1	106958168	106958435	106958318	13	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000220633
1	106959611	106959948	106959779	13	19	3	5.196520921	0.000174201	ENSG00000220633
1	106960919	106961214	106961066	8	13	12	1.11925066	0.384109	ENSG00000220633
1	106962271	106962599	106962433	11	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000220633
1	106974112	106974399	106974255	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000220633
1	106982172	106982351	106982261	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000220633
1	106983963	106984156	106984072	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ENSG00000220633
1	106996503	106996829	106996666	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	ENSG00000220633
1	107003808	107004288	107004109	9	18	15	1.234173719	0.265435	ENSG00000220633
1	107019152	107019433	107019267	10	13	9	1.455025858	0.177172	ENSG00000220633
1	107026490	107026757	107026634	9	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000220633
1	107030913	107031102	107031006	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000220633
1	107033482	107033677	107033579	10	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000220633
1	107034920	107035105	107034944	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ENSG00000220633
1	107036106	107036359	107036227	11	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000220633
1	107038112	107038380	107038260	10	12	1	6.755477198	0.000722752	ENSG00000220633
1	107046275	107046509	107046392	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000220633
1	107050932	107051156	107051067	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000220633
1	107054474	107054653	107054563	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000220633
1	107062397	107062759	107062603	8	13	3	3.637564645	0.0050909	ENSG00000220633
1	107063711	107063891	107063807	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000220633
1	107066180	107066382	107066281	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000220633
1	107069452	107069734	107069590	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000220633
1	107080819	107081134	107080968	9	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000220633
1	107081367	107081575	107081471	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000220633
1	107088916	107089100	107089008	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000220633
1	107094070	107094375	107094222	21	23	8	2.771477825	0.00251818	ENSG00000220633
1	107097009	107097379	107097234	9	15	9	1.662886695	0.0970566	ENSG00000220633

1	107104820	107105090	107104952	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000220633
1	107116528	107116788	107116658	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000220633
1	107117051	107117301	107117183	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000220633
1	107128491	107128715	107128641	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000220633
1	107129465	107129689	107129575	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000220633
1	107129944	107130258	107130101	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000220633
1	107130883	107131118	107131000	10	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000220633
1	107131726	107131927	107131792	10	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000220633
1	107134144	107134335	107134252	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000220633
1	107136581	107136902	107136741	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000220633
1	107137857	107138132	107138022	12	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000220633
1	107144516	107144773	107144644	8	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000220633
1	107152688	107152873	107152780	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216572
1	107183680	107184106	107183822	11	17	14	1.247165021	0.261378		ENSG00000216572
1	107185065	107185306	107185163	10	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000216572
1	107214288	107214670	107214463	25	32	1	17.14851904	1.09E-09		ENSG00000216572
1	107220510	107220798	107220627	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000216572
1	107231884	107232136	107232010	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216572
1	107232503	107232718	107232631	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000216572
1	107242626	107242822	107242732	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000216572
1	107252901	107253102	107252991	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000216572
1	107270866	107271247	107271188	10	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000216572
1	107288873	107289186	107289009	8	11	5	2.078608368	0.0614303	PRMT6	ENSG00000198890
1	107298831	107299040	107298943	8	10	3	2.858086507	0.0242838	PRMT6	ENSG00000198890
1	107309626	107309934	107309780	8	14	10	1.417232979	0.185113	PRMT6	ENSG00000198890
1	107320057	107320331	107320194	10	12	7	1.688869299	0.11395	PRMT6	ENSG00000198890
1	107356214	107356411	107356301	10	10	3	2.858086507	0.0242838	PRMT6	ENSG00000198890
1	107386644	107386853	107386741	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PRMT6	ENSG00000198890
1	107391579	107391942	107391763	15	22	4	4.780799247	0.00010647	PRMT6	ENSG00000198890
1	107400531	107400969	107400744	12	23	16	1.467252966	0.109416	PRMT6	ENSG00000198890
1	107401493	107401933	107401754	9	16	8	1.963130126	0.0441028	PRMT6	ENSG00000198890
1	107414108	107414400	107414254	8	10	10	1.039304184	0.464387	PRMT6	ENSG00000198890
1	107417829	107418112	107417970	8	11	9	1.247165021	0.300052	PRMT6	ENSG00000198890
1	107421036	107421287	107421173	8	10	10	1.039304184	0.464387	PRMT6	ENSG00000198890

1	107421882	107422142	107422012	11	11	5	2.078608368	0.0614303	PRMT6	ENSG00000198890
1	107446802	107446989	107446873	9	9	6	1.484720263	0.204387	NTNG1	ENSG00000162631
1	107448318	107448512	107448417	10	10	7	1.429043253	0.21536	NTNG1	ENSG00000162631
1	107451339	107451738	107451499	10	17	14	1.247165021	0.261378	NTNG1	ENSG00000162631
1	107461630	107461878	107461749	9	10	7	1.429043253	0.21536	NTNG1	ENSG00000162631
1	107462120	107462327	107462241	9	9	6	1.484720263	0.204387	NTNG1	ENSG00000162631
1	107465995	107466257	107466126	12	15	11	1.385738912	0.19225	NTNG1	ENSG00000162631
1	107479548	107479951	107479772	11	18	13	1.41048425	0.160361	NTNG1	ENSG00000162631
1	107482627	107482848	107482746	8	9	14	0.692869456	0.822654	NTNG1	ENSG00000162631
1	107484857	107485365	107485198	10	20	12	1.67887599	0.0659142	NTNG1	ENSG00000162631
1	107485786	107485977	107485884	8	8	8	1.039304184	0.46786	NTNG1	ENSG00000162631
1	107486073	107486335	107486218	11	14	26	0.577391213	0.96085	NTNG1	ENSG00000162631
1	107486343	107486691	107486517	16	19	22	0.903742769	0.631776	NTNG1	ENSG00000162631
1	107487012	107487254	107487093	8	11	13	0.890832158	0.618492	NTNG1	ENSG00000162631
1	107491808	107492123	107491950	9	13	7	1.818782322	0.0805123	NTNG1	ENSG00000162631
1	107492245	107492475	107492314	8	8	4	1.870747532	0.118863	NTNG1	ENSG00000162631
1	107492948	107493318	107493189	9	14	8	1.73217364	0.0890835	NTNG1	ENSG00000162631
1	107496533	107496779	107496696	10	12	12	1.039304184	0.461227	NTNG1	ENSG00000162631
1	107513555	107513799	107513677	9	11	4	2.494330042	0.0324033	NTNG1	ENSG00000162631
1	107522885	107523301	107523042	10	18	7	2.468347438	0.0112499	NTNG1	ENSG00000162631
1	107539428	107539981	107539824	10	21	8	2.540521339	0.00602138	NTNG1	ENSG00000162631
1	107541196	107541501	107541359	11	14	7	1.948695345	0.0559175	NTNG1	ENSG00000162631
1	107545567	107545773	107545630	9	9	8	1.154782427	0.375434	NTNG1	ENSG00000162631
1	107550574	107550824	107550718	8	9	8	1.154782427	0.375434	NTNG1	ENSG00000162631
1	107551381	107551602	107551479	8	10	11	0.952695502	0.548138	NTNG1	ENSG00000162631
1	107551919	107552229	107552074	8	11	11	1.039304184	0.462773	NTNG1	ENSG00000162631
1	107570562	107570876	107570705	10	13	11	1.212521548	0.309909	NTNG1	ENSG00000162631
1	107592010	107592205	107592037	9	10	12	0.879411233	0.62639	NTNG1	ENSG00000162631
1	107592375	107592591	107592415	8	10	9	1.143234603	0.378307	NTNG1	ENSG00000162631
1	107595522	107595778	107595660	9	9	9	1.039304184	0.466079	NTNG1	ENSG00000162631
1	107596450	107596756	107596603	11	14	13	1.113540197	0.385405	NTNG1	ENSG00000162631
1	107598178	107598374	107598245	8	8	9	0.935373766	0.560286	NTNG1	ENSG00000162631
1	107598634	107598818	107598712	8	8	6	1.336248237	0.277651	NTNG1	ENSG00000162631
1	107604392	107604683	107604506	8	11	12	0.959357709	0.543005	NTNG1	ENSG00000162631

1	107604719	107604898	107604775	8	8	4	1.870747532	0.118863	NTNG1	ENSG00000162631
1	107606349	107606720	107606550	8	14	8	1.73217364	0.0890835	NTNG1	ENSG00000162631
1	107617739	107617977	107617839	9	11	5	2.078608368	0.0614303	NTNG1	ENSG00000162631
1	107619970	107620389	107620289	8	15	4	3.32577339	0.00462646	NTNG1	ENSG00000162631
1	107621232	107621506	107621333	10	13	22	0.632619938	0.917511	NTNG1	ENSG00000162631
1	107633374	107633588	107633496	8	8	8	1.039304184	0.46786	NTNG1	ENSG00000162631
1	107644342	107644550	107644418	8	9	10	0.944821986	0.553851	NTNG1	ENSG00000162631
1	107667937	107668266	107668101	9	13	8	1.616695398	0.123553	NTNG1	ENSG00000162631
1	107671178	107671366	107671267	8	8	9	0.935373766	0.560286	NTNG1	ENSG00000162631
1	107671638	107672050	107671817	21	33	4	7.067268453	1.67E-07	NTNG1	ENSG00000162631
1	107673899	107674124	107674038	9	11	5	2.078608368	0.0614303	NTNG1	ENSG00000162631
1	107683999	107684210	107684104	8	11	6	1.781664316	0.103344	NTNG1	ENSG00000162631
1	107689591	107689796	107689693	8	9	3	2.598260461	0.0397929	NTNG1	ENSG00000162631
1	107692514	107692928	107692687	8	13	8	1.616695398	0.123553	NTNG1	ENSG00000162631
1	107702598	107702808	107702703	10	12	10	1.228268581	0.305344	NTNG1	ENSG00000162631
1	107702812	107703104	107702952	8	12	14	0.900730293	0.611333	NTNG1	ENSG00000162631
1	107703963	107704254	107704077	11	14	5	2.598260461	0.0167748	NTNG1	ENSG00000162631
1	107712762	107712973	107712851	11	11	5	2.078608368	0.0614303	NTNG1	ENSG00000162631
1	107715147	107715363	107715255	8	10	4	2.286469205	0.0509017	NTNG1	ENSG00000162631
1	107721057	107721283	107721198	10	11	5	2.078608368	0.0614303	NTNG1	ENSG00000162631
1	107721608	107721931	107721776	9	14	15	0.974347673	0.530138	NTNG1	ENSG00000162631
1	107723544	107723792	107723679	9	13	14	0.970017239	0.534076	NTNG1	ENSG00000162631
1	107914470	107914805	107914637	14	16	12	1.359090087	0.198699		ENSG00000211552
1	107914887	107915118	107915064	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000211552
1	107970647	107971027	107970853	9	16	10	1.606197376	0.104477		ENSG00000211552
1	108014175	108014493	108014330	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000211552
1	108021859	108022195	108022033	16	19	6	2.969440526	0.0035096		ENSG00000211552
1	108027349	108027676	108027512	14	18	5	3.291129917	0.00248584	VAV3	ENSG00000134215
1	108035739	108035938	108035838	8	9	8	1.154782427	0.375434	VAV3	ENSG00000134215
1	108047529	108047791	108047673	8	11	3	3.117912553	0.0146045	VAV3	ENSG00000134215
1	108072095	108072391	108072243	9	12	5	2.251825733	0.0404733	VAV3	ENSG00000134215
1	108280725	108281083	108280848	8	13	5	2.425043097	0.0262442	VAV3	ENSG00000134215
1	108356648	108357181	108356872	9	18	4	3.9493559	0.000961379	VAV3	ENSG00000134215
1	108378570	108378884	108378713	15	18	5	3.291129917	0.00248584	VAV3	ENSG00000134215

1	108393860	108394071	108393953	9	9	1	5.196520921	0.00490062	VAV3	ENSG00000134215
1	108458677	108458880	108458778	8	10	2	3.810782009	0.00936112	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108462194	108462526	108462360	12	18	5	3.291129917	0.00248584	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108466877	108467063	108466978	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108469723	108469967	108469845	8	12	11	1.125912866	0.382541	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108543366	108543655	108543504	8	11	5	2.078608368	0.0614303	SLC25A24	ENSG00000085491
1	108898128	108898480	108898304	16	22	3	5.975999059	2.96E-05	FAM102B	ENSG00000162636
1	108903792	108904143	108903942	10	14	5	2.598260461	0.0167748	FAM102B	ENSG00000162636
1	108914312	108914550	108914472	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FAM102B	ENSG00000162636
1	108968266	108968572	108968393	8	10	5	1.905391004	0.0915982	C1orf59	ENSG00000162639
1	109030898	109031079	109030988	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PRPF38B	ENSG00000134186
1	109036345	109036527	109036468	8	8	5	1.558956276	0.191397	PRPF38B	ENSG00000134186
1	109174725	109174968	109174863	13	16	8	1.963130126	0.0441028	C1orf62	ENSG00000162641
1	109190027	109190620	109190272	39	66	0	69.63338034	1.84E-21	C1orf62	ENSG00000162641
1	109386096	109386311	109386209	8	9	3	2.598260461	0.0397929	WDR47	ENSG00000085433
1	109420148	109420412	109420280	8	10	5	1.905391004	0.0915982	TAF13	ENSG00000197780
1	109433360	109433646	109433501	9	13	5	2.425043097	0.0262442	TMEM167B	ENSG00000162647
1	109434703	109435067	109434888	15	21	8	2.540521339	0.00602138	TMEM167B	ENSG00000162647
1	109444087	109444446	109444266	15	22	7	2.98799953	0.00188278		ENSG00000219444
1	109456872	109457060	109456929	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C1orf194	ENSG00000179902
1	109496381	109496639	109496537	10	14	8	1.73217364	0.0890835	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109542165	109542685	109542295	21	32	4	6.859407616	3.06E-07	KIAA1324	ENSG00000116299
1	109558493	109558748	109558620	14	14	5	2.598260461	0.0167748	SARS	ENSG00000031698
1	109607290	109607652	109607469	12	18	0	19.7467795	1.32E-06	CELSR2	ENSG00000143126
1	109618910	109619334	109619156	13	24	1	12.9913023	2.52E-07	PSRC1	ENSG00000134222
1	109770783	109770995	109770889	8	9	5	1.73217364	0.133894	PSMA5	ENSG00000143106
1	109838121	109838415	109838268	8	13	2	4.850086193	0.00164564	CYB561D1	ENSG00000174151
1	109910433	109910612	109910522	9	9	1	5.196520921	0.00490062	GNAI3	ENSG00000065135
1	109999962	110000205	110000054	8	10	7	1.429043253	0.21536	GSTM4	ENSG00000168765
1	110164663	110164925	110164788	18	20	0	21.82538787	3.17E-07		ENSG00000219071
1	110292544	110292769	110292650	9	9	0	10.39304184	0.000803859	AHCYL1	ENSG00000168710
1	110324802	110325090	110324926	8	11	4	2.494330042	0.0324033	AHCYL1	ENSG00000168710
1	110326710	110326889	110326836	8	8	4	1.870747532	0.118863	AHCYL1	ENSG00000168710
1	110461060	110461302	110461165	8	8	3	2.338434415	0.0641221	UBL4B	ENSG00000186150

1	110558675	110558923	110558799	9	11	4	2.494330042	0.0324033	KCNC4	ENSG00000116396
1	110656732	110657021	110656876	8	11	3	3.117912553	0.0146045	RBM15	ENSG00000162775
1	110682365	110682569	110682453	8	8	6	1.336248237	0.277651	RBM15	ENSG00000162775
1	110751770	110752078	110751924	12	14	7	1.948695345	0.0559175	HBXIP	ENSG00000134248
1	111173690	111173869	111173779	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219348
1	111558606	111559096	111558808	86	114	1	59.75999059	1.53E-34	DENND2D	ENSG00000162777
1	111649175	111649367	111649271	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CHIA	ENSG00000134216
1	111708880	111709458	111709133	80	102	4	21.4096662	4.80E-27		ENSG00000217967
1	111857593	111857772	111857702	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ADORA3	ENSG00000121933
1	111920564	111921001	111920855	11	19	10	1.889643971	0.0394833	ADORA3	ENSG00000121933
1	112082610	112082854	112082732	17	19	0	20.78608368	6.46E-07	C1orf183	ENSG00000197852
1	112099808	112100067	112099937	19	20	5	3.637564645	0.000902929	DDX20	ENSG00000064703
1	112156497	112156700	112156608	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DDX20	ENSG00000064703
1	112172194	112172425	112172248	8	10	2	3.810782009	0.00936112	DDX20	ENSG00000064703
1	112172564	112172778	112172671	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DDX20	ENSG00000064703
1	112177715	112177982	112177838	10	12	4	2.702190879	0.0203088	DDX20	ENSG00000064703
1	112178591	112178819	112178705	8	10	8	1.27026067	0.293854	DDX20	ENSG00000064703
1	112184439	112184642	112184540	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DDX20	ENSG00000064703
1	112188655	112188869	112188751	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DDX20	ENSG00000064703
1	112192342	112192534	112192432	8	9	8	1.154782427	0.375434	DDX20	ENSG00000064703
1	112195735	112195977	112195850	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DDX20	ENSG00000064703
1	112208757	112208964	112208830	9	10	4	2.286469205	0.0509017	DDX20	ENSG00000064703
1	112209495	112209767	112209659	13	13	5	2.425043097	0.0262442	DDX20	ENSG00000064703
1	112228735	112229157	112228914	8	16	14	1.177878075	0.320433	KCND3	ENSG00000171385
1	112239953	112240657	112240179	13	34	18	1.914507708	0.00935224	KCND3	ENSG00000171385
1	112240779	112241068	112240952	8	11	12	0.959357709	0.543005	KCND3	ENSG00000171385
1	112242231	112242605	112242431	8	13	11	1.212521548	0.309909	KCND3	ENSG00000171385
1	112252087	112252339	112252213	10	10	6	1.63319229	0.146906	KCND3	ENSG00000171385
1	112298636	112298934	112298762	13	16	3	4.417042783	0.00097367	KCND3	ENSG00000171385
1	112319593	112319776	112319684	9	9	3	2.598260461	0.0397929	KCND3	ENSG00000171385
1	112320989	112321354	112321168	13	20	15	1.364086742	0.171319	KCND3	ENSG00000171385
1	112332200	112332437	112332315	8	9	8	1.154782427	0.375434	KCND3	ENSG00000171385
1	112335617	112335933	112335756	11	15	13	1.187776211	0.317363	KCND3	ENSG00000171385
1	112345848	112346049	112345921	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KCND3	ENSG00000171385

1	112735023	112735234	112735118	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CTTNBP2NL	ENSG00000143079
1	113031510	113032018	113031712	71	90	0	94.57668077	6.87E-29	MOV10	ENSG00000155363
1	113047941	113048191	113048066	10	11	1	6.235825105	0.0013754	RHOC	ENSG00000155366
1	113106811	113107628	113107370	57	93	0	97.69459332	8.10E-30		ENSG00000198789
1	113416921	113417281	113417100	10	17	5	3.117912553	0.00407023	LRIG2	ENSG00000198799
1	113733204	113733392	113733298	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MAGI3	ENSG00000081026
1	113735489	113735744	113735616	8	9	7	1.29913023	0.286504	MAGI3	ENSG00000081026
1	113877394	113877626	113877509	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000217056
1	113898472	113898651	113898586	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000217056
1	113939327	113939542	113939394	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000217056
1	114018780	114019102	114018954	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000217298
1	114051984	114052291	114052143	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000217298
1	114102796	114103065	114102891	12	15	9	1.662886695	0.0970566	PHTF1	ENSG00000116793
1	114103543	114103909	114103721	9	15	9	1.662886695	0.0970566	PHTF1	ENSG00000116793
1	114149013	114149197	114149112	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RSBN1	ENSG00000081019
1	114154033	114154390	114154290	10	14	11	1.29913023	0.246308	RSBN1	ENSG00000081019
1	114155620	114155878	114155749	8	9	16	0.611355402	0.899375	RSBN1	ENSG00000081019
1	114156351	114157192	114156590	27	64	26	2.502028592	1.20E-05	RSBN1	ENSG00000081019
1	114167296	114167503	114167451	9	10	1	5.716173013	0.00260397	RSBN1	ENSG00000081019
1	114179872	114180105	114179988	8	10	3	2.858086507	0.0242838	HIPK1	ENSG00000163349
1	114204811	114205045	114204874	8	11	9	1.247165021	0.300052	HIPK1	ENSG00000163349
1	114212487	114212803	114212645	8	9	12	0.799464757	0.707717	PTPN22	ENSG00000134242
1	114216729	114216934	114216802	8	8	11	0.779478138	0.719708	PTPN22	ENSG00000134242
1	114218592	114219001	114218768	12	19	14	1.385738912	0.166049	PTPN22	ENSG00000134242
1	114229350	114229566	114229458	9	10	5	1.905391004	0.0915982	C1orf178	ENSG00000188761
1	114234754	114234973	114234863	10	12	2	4.503651465	0.002963	C1orf178	ENSG00000188761
1	114239403	114239667	114239498	8	11	14	0.831443347	0.68719	C1orf178	ENSG00000188761
1	114247934	114248252	114248093	8	14	19	0.779478138	0.771518	AP4B1	ENSG00000134262
1	114248438	114249653	114249373	38	104	36	2.949376739	6.43E-10	AP4B1	ENSG00000134262
1	114255396	114255614	114255567	10	11	5	2.078608368	0.0614303	DCLRE1B	ENSG00000118655
1	114256888	114257106	114257010	8	8	10	0.850339787	0.645072	DCLRE1B	ENSG00000118655
1	114260369	114260763	114260654	12	18	4	3.9493559	0.000961379	DCLRE1B	ENSG00000118655
1	114261269	114261805	114261448	21	35	14	2.494330042	0.000827091	DCLRE1B	ENSG00000118655
1	114262465	114262646	114262555	8	8	6	1.336248237	0.277651	HIPK1	ENSG00000163349

1	114269074	114269300	114269154	9	11	6	1.781664316	0.103344	HIPK1	ENSG00000163349
1	114272680	114272987	114272833	10	13	18	0.765803083	0.780427	HIPK1	ENSG00000163349
1	114273017	114273275	114273144	10	10	17	0.635130335	0.889407	HIPK1	ENSG00000163349
1	114273402	114273787	114273640	23	31	15	2.078608368	0.00648505	HIPK1	ENSG00000163349
1	114274267	114274575	114274430	14	18	13	1.41048425	0.160361	HIPK1	ENSG00000163349
1	114274645	114274824	114274734	8	8	5	1.558956276	0.191397	HIPK1	ENSG00000163349
1	114274912	114275274	114275095	11	17	9	1.870747532	0.0498299	HIPK1	ENSG00000163349
1	114275846	114276366	114276187	10	22	9	2.390399624	0.00747467	HIPK1	ENSG00000163349
1	114276953	114277132	114277045	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HIPK1	ENSG00000163349
1	114279954	114280198	114280076	10	11	3	3.117912553	0.0146045	HIPK1	ENSG00000163349
1	114282003	114282259	114282150	10	12	6	1.930136342	0.071303	HIPK1	ENSG00000163349
1	114283583	114284003	114283797	8	16	7	2.208521392	0.0257604	HIPK1	ENSG00000163349
1	114291851	114292094	114291966	11	12	2	4.503651465	0.002963	HIPK1	ENSG00000163349
1	114311708	114311892	114311863	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OLFML3	ENSG00000116774
1	114313225	114313450	114313365	8	8	4	1.870747532	0.118863	OLFML3	ENSG00000116774
1	114317905	114318098	114318001	10	10	6	1.63319229	0.146906	OLFML3	ENSG00000116774
1	114319469	114319655	114319541	8	9	3	2.598260461	0.0397929	OLFML3	ENSG00000116774
1	114320763	114321445	114320958	15	33	35	0.981565063	0.531809	OLFML3	ENSG00000116774
1	114322053	114322298	114322175	14	16	6	2.524024447	0.0137633	OLFML3	ENSG00000116774
1	114322920	114323338	114323066	16	23	16	1.467252966	0.109416	OLFML3	ENSG00000116774
1	114328192	114328482	114328319	9	12	6	1.930136342	0.071303	OLFML3	ENSG00000116774
1	114329471	114329683	114329604	8	9	3	2.598260461	0.0397929	OLFML3	ENSG00000116774
1	114337758	114337937	114337847	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216343
1	114343894	114344252	114344073	8	13	14	0.970017239	0.534076		ENSG00000216343
1	114359411	114359590	114359500	8	8	12	0.719518281	0.783103		ENSG00000216343
1	114368388	114368567	114368457	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216343
1	114377168	114377418	114377293	8	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000216343
1	114377577	114377849	114377693	10	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000216343
1	114380728	114380919	114380783	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216343
1	114386823	114387099	114386961	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000216343
1	114394713	114394965	114394839	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000216343
1	114397460	114397769	114397614	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000216343
1	114407778	114408071	114407924	8	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000216343
1	114419080	114419293	114419186	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000216343

1	114428076	114428402	114428225	9	13	3	3.637564645	0.0050909	SYT6	ENSG00000134207
1	114431017	114431196	114431082	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SYT6	ENSG00000134207
1	114433959	114434224	114434091	8	11	17	0.692869456	0.843876	SYT6	ENSG00000134207
1	114434277	114434528	114434434	10	11	5	2.078608368	0.0614303	SYT6	ENSG00000134207
1	114435268	114435473	114435373	11	11	8	1.385738912	0.224757	SYT6	ENSG00000134207
1	114439469	114439779	114439624	8	11	4	2.494330042	0.0324033	SYT6	ENSG00000134207
1	114442002	114442233	114442117	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SYT6	ENSG00000134207
1	114451912	114452129	114452070	9	9	9	1.039304184	0.466079	SYT6	ENSG00000134207
1	114472942	114473165	114472994	8	10	11	0.952695502	0.548138	SYT6	ENSG00000134207
1	114494544	114494754	114494678	9	10	5	1.905391004	0.0915982	SYT6	ENSG00000134207
1	114498224	114498457	114498375	12	13	6	2.078608368	0.0483393	SYT6	ENSG00000134207
1	114498955	114499567	114499423	9	19	11	1.73217364	0.0607469	SYT6	ENSG00000134207
1	114504616	114504823	114504701	9	11	5	2.078608368	0.0614303	SYT6	ENSG00000134207
1	114514688	114514967	114514845	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SYT6	ENSG00000134207
1	114517139	114517354	114517246	11	11	6	1.781664316	0.103344	SYT6	ENSG00000134207
1	114517595	114518075	114517683	10	19	15	1.29913023	0.214784	SYT6	ENSG00000134207
1	114518291	114518660	114518481	9	16	14	1.177878075	0.320433	SYT6	ENSG00000134207
1	114521437	114521616	114521526	8	8	8	1.039304184	0.46786	SYT6	ENSG00000134207
1	114534213	114534442	114534327	8	10	8	1.27026067	0.293854	SYT6	ENSG00000134207
1	114534951	114535219	114535080	8	8	5	1.558956276	0.191397	SYT6	ENSG00000134207
1	114536278	114536504	114536379	9	10	5	1.905391004	0.0915982	SYT6	ENSG00000134207
1	114536605	114536797	114536686	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYT6	ENSG00000134207
1	114557800	114557996	114557898	9	9	7	1.29913023	0.286504	SYT6	ENSG00000134207
1	114559418	114559703	114559550	10	11	8	1.385738912	0.224757	SYT6	ENSG00000134207
1	114563029	114563338	114563183	8	12	4	2.702190879	0.0203088	SYT6	ENSG00000134207
1	114563406	114563846	114563541	10	17	18	0.984603964	0.519872	SYT6	ENSG00000134207
1	114564226	114564405	114564288	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SYT6	ENSG00000134207
1	114566944	114567224	114567052	9	10	4	2.286469205	0.0509017	SYT6	ENSG00000134207
1	114567729	114567964	114567846	8	9	6	1.484720263	0.204387	SYT6	ENSG00000134207
1	114568258	114568571	114568414	12	15	11	1.385738912	0.19225	SYT6	ENSG00000134207
1	114580319	114580506	114580396	8	8	12	0.719518281	0.783103	SYT6	ENSG00000134207
1	114593138	114593374	114593258	9	12	10	1.228268581	0.305344	SYT6	ENSG00000134207
1	114600485	114600826	114600655	10	16	10	1.606197376	0.104477	SYT6	ENSG00000134207
1	114601652	114601990	114601821	8	13	8	1.616695398	0.123553	SYT6	ENSG00000134207

1	114603800	114604226	114604102	8	16	16	1.039304184	0.455583	SYT6	ENSG00000134207
1	114606004	114606315	114606159	10	14	7	1.948695345	0.0559175	SYT6	ENSG00000134207
1	114613661	114613883	114613722	8	8	6	1.336248237	0.277651	SYT6	ENSG00000134207
1	114626997	114627252	114627101	16	16	15	1.104260696	0.387363	SYT6	ENSG00000134207
1	114636437	114636774	114636605	13	18	15	1.234173719	0.265435	SYT6	ENSG00000134207
1	114638166	114638418	114638278	8	9	5	1.73217364	0.133894	SYT6	ENSG00000134207
1	114644323	114644910	114644496	8	19	15	1.29913023	0.214784	SYT6	ENSG00000134207
1	114654910	114655116	114654988	8	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000216325
1	114659936	114660139	114660037	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000216325
1	114680446	114680870	114680657	57	74	14	5.196520921	4.53E-12		ENSG00000216325
1	114684102	114684334	114684189	8	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000216325
1	114690528	114691323	114690855	28	57	23	2.511651779	3.11E-05		ENSG00000216325
1	114691522	114691707	114691681	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000216325
1	114702324	114702642	114702483	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000216325
1	114729149	114729371	114729271	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000216325
1	114734839	114735046	114734909	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000216325
1	114751427	114751646	114751533	13	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000216325
1	114752134	114752473	114752303	11	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000216325
1	114754994	114755184	114755089	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000216325
1	114765582	114765773	114765654	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000216325
1	114778843	114779561	114779008	24	43	5	7.621564018	1.77E-09		ENSG00000216325
1	114780845	114781061	114780914	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000216325
1	114787877	114788175	114788055	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000216325
1	114791064	114791292	114791178	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000216325
1	114795090	114795308	114795199	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000216325
1	114797565	114797884	114797724	8	13	19	0.727512929	0.824686		ENSG00000216325
1	114798815	114799109	114798962	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000216325
1	114805459	114805660	114805597	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000216325
1	114806544	114806733	114806657	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000216325
1	114807280	114807473	114807376	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000216325
1	114832940	114833157	114833080	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000201114
1	114835974	114836243	114836108	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000201114
1	114841005	114841337	114841180	8	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000201114
1	114849409	114849697	114849553	16	19	9	2.078608368	0.0241848	TRIM33	ENSG00000197323

1	114853286	114853525	114853395	10	13	8	1.616695398	0.123553	TRIM33	ENSG00000197323
1	114853781	114854409	114854126	14	29	18	1.641006607	0.042208	TRIM33	ENSG00000197323
1	114855444	114856045	114855589	15	33	33	1.039304184	0.437085	TRIM33	ENSG00000197323
1	114856479	114856832	114856655	14	19	6	2.969440526	0.0035096	TRIM33	ENSG00000197323
1	114856837	114857313	114857134	10	20	12	1.67887599	0.0659142	TRIM33	ENSG00000197323
1	114858447	114858704	114858619	8	11	4	2.494330042	0.0324033	TRIM33	ENSG00000197323
1	114861580	114861844	114861704	15	18	9	1.97467795	0.0349428	TRIM33	ENSG00000197323
1	114866261	114866654	114866427	9	14	10	1.417232979	0.185113	TRIM33	ENSG00000197323
1	114873212	114873526	114873292	9	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000216823
1	114879250	114879456	114879353	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216823
1	114879772	114879952	114879862	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000216823
1	114890354	114890588	114890461	11	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000216823
1	114908191	114908498	114908344	10	14	7	1.948695345	0.0559175	BCAS2	ENSG00000116752
1	114908500	114908695	114908564	9	10	3	2.858086507	0.0242838	BCAS2	ENSG00000116752
1	114921822	114922018	114921920	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BCAS2	ENSG00000116752
1	114922435	114922614	114922557	8	8	4	1.870747532	0.118863	BCAS2	ENSG00000116752
1	114925110	114925434	114925256	8	11	19	0.623582511	0.908792	BCAS2	ENSG00000116752
1	114925578	114926547	114925897	19	60	27	2.264198401	9.31E-05	BCAS2	ENSG00000116752
1	114926640	114926943	114926781	9	11	7	1.558956276	0.158273	BCAS2	ENSG00000116752
1	114929413	114929600	114929515	9	10	2	3.810782009	0.00936112	BCAS2	ENSG00000116752
1	114931752	114931960	114931828	9	12	9	1.35109544	0.232899	BCAS2	ENSG00000116752
1	114938515	114938698	114938530	8	9	7	1.29913023	0.286504	BCAS2	ENSG00000116752
1	114942648	114942887	114942827	8	11	4	2.494330042	0.0324033	BCAS2	ENSG00000116752
1	114943350	114943643	114943496	8	10	2	3.810782009	0.00936112	BCAS2	ENSG00000116752
1	114945297	114945817	114945561	8	19	14	1.385738912	0.166049	BCAS2	ENSG00000116752
1	114949192	114949389	114949329	8	8	7	1.169217207	0.371848	BCAS2	ENSG00000116752
1	114953718	114954190	114954011	8	17	17	1.039304184	0.454282	BCAS2	ENSG00000116752
1	114954808	114955170	114954987	12	18	7	2.468347438	0.0112499	BCAS2	ENSG00000116752
1	114958514	114958693	114958667	8	8	2	3.117912553	0.0283184	BCAS2	ENSG00000116752
1	114964589	114964889	114964731	8	12	8	1.501217155	0.168286	BCAS2	ENSG00000116752
1	114965502	114965718	114965610	9	10	3	2.858086507	0.0242838	BCAS2	ENSG00000116752
1	114965754	114966080	114965917	9	11	9	1.247165021	0.300052	BCAS2	ENSG00000116752
1	114969826	114970024	114969905	8	8	8	1.039304184	0.46786	BCAS2	ENSG00000116752
1	114974618	114974915	114974766	9	12	18	0.711102863	0.834017	DENND2C	ENSG00000175984

1	114979486	114979696	114979629	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DENND2C	ENSG00000175984
1	115011102	115011315	115011204	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DENND2C	ENSG00000175984
1	115013484	115013915	115013609	9	16	11	1.472347594	0.147517	DENND2C	ENSG00000175984
1	115014045	115014235	115014150	8	9	7	1.29913023	0.286504	DENND2C	ENSG00000175984
1	115014242	115014865	115014696	12	28	20	1.435229588	0.100491	DENND2C	ENSG00000175984
1	115015603	115015820	115015719	8	9	5	1.73217364	0.133894	DENND2C	ENSG00000175984
1	115018895	115019140	115018971	9	12	11	1.125912866	0.382541	DENND2C	ENSG00000175984
1	115021382	115021666	115021497	9	12	7	1.688869299	0.11395	DENND2C	ENSG00000175984
1	115031832	115032071	115031960	10	11	7	1.558956276	0.158273	AMPD1	ENSG00000116748
1	115060047	115060282	115060164	9	9	6	1.484720263	0.204387	NRAS	ENSG00000213281
1	115060347	115061392	115061131	24	64	38	1.73217364	0.00281343	NRAS	ENSG00000213281
1	115063833	115064015	115063909	9	9	13	0.742360132	0.770276	NRAS	ENSG00000213281
1	115069070	115069354	115069209	9	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000201900
1	115071157	115071357	115071301	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000201900
1	115071363	115071647	115071505	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000201900
1	115074480	115074723	115074593	9	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000201900
1	115081413	115081772	115081592	9	16	5	2.944695189	0.00659886	CSDE1	ENSG00000009307
1	115082185	115082478	115082320	9	10	8	1.27026067	0.293854	CSDE1	ENSG00000009307
1	115085001	115085231	115085112	8	9	6	1.484720263	0.204387	CSDE1	ENSG00000009307
1	115086085	115086537	115086388	9	16	5	2.944695189	0.00659886	CSDE1	ENSG00000009307
1	115093021	115093218	115093146	8	10	4	2.286469205	0.0509017	CSDE1	ENSG00000009307
1	115094937	115095123	115095028	8	8	4	1.870747532	0.118863	CSDE1	ENSG00000009307
1	115097221	115097477	115097343	9	13	11	1.212521548	0.309909	CSDE1	ENSG00000009307
1	115099680	115100050	115099859	10	17	8	2.078608368	0.0303558	CSDE1	ENSG00000009307
1	115100116	115100313	115100241	8	9	9	1.039304184	0.466079	CSDE1	ENSG00000009307
1	115100872	115101258	115101051	8	15	10	1.511715177	0.140236	CSDE1	ENSG00000009307
1	115101266	115101559	115101430	10	12	6	1.930136342	0.071303	CSDE1	ENSG00000009307
1	115101571	115102555	115102376	16	61	42	1.498531614	0.0195387	CSDE1	ENSG00000009307
1	115112654	115112904	115112779	11	13	9	1.455025858	0.177172	CSDE1	ENSG00000009307
1	115115133	115115312	115115258	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000052723
1	115121523	115121757	115121640	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000052723
1	115124104	115124286	115124148	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000052723
1	115124376	115125081	115124744	13	31	18	1.750407047	0.0237314		ENSG00000052723
1	115143006	115143278	115143135	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000052723

1	115300802	115301042	115300887	13	17	6	2.672496474	0.00882337	TSHB	ENSG00000134200
1	115323506	115323731	115323602	8	9	11	0.86608682	0.635181	TSHB	ENSG00000134200
1	115381261	115381551	115381406	11	15	9	1.662886695	0.0970566	TSHB	ENSG00000134200
1	115385871	115386235	115386063	8	14	9	1.558956276	0.132279	TSHB	ENSG00000134200
1	115396641	115396878	115396759	12	13	5	2.425043097	0.0262442	TSHB	ENSG00000134200
1	115457009	115457240	115457184	8	10	7	1.429043253	0.21536	TSPAN2	ENSG00000134198
1	115554598	115554933	115554765	11	14	1	7.794781382	0.000197021	TSPAN2	ENSG00000134198
1	115803044	115803269	115803185	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000216304
1	115887630	115887809	115887685	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000219215
1	115969087	115969299	115969166	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207502
1	116026786	116027113	116026965	8	12	6	1.930136342	0.071303	VANGL1	ENSG00000173218
1	116055447	116055686	116055566	8	10	7	1.429043253	0.21536	CASQ2	ENSG00000118729
1	116057417	116057716	116057562	8	12	14	0.900730293	0.611333	CASQ2	ENSG00000118729
1	116058983	116059318	116059161	8	13	9	1.455025858	0.177172	CASQ2	ENSG00000118729
1	116115950	116116280	116116118	22	23	1	12.47165021	4.94E-07	CASQ2	ENSG00000118729
1	116155324	116155689	116155503	14	21	3	5.716173013	5.37E-05	NHLH2	ENSG00000177551
1	116183039	116183930	116183575	68	116	5	20.26643159	4.59E-30	NHLH2	ENSG00000177551
1	116184013	116184211	116184112	9	13	2	4.850086193	0.00164564	NHLH2	ENSG00000177551
1	116184835	116185020	116184927	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NHLH2	ENSG00000177551
1	116221652	116221944	116221798	16	20	1	10.91269393	3.71E-06		ENSG00000219640
1	116320121	116320343	116320232	8	8	4	1.870747532	0.118863	SLC22A15	ENSG00000163393
1	116325504	116325686	116325595	8	9	5	1.73217364	0.133894	SLC22A15	ENSG00000163393
1	116483196	116483677	116483344	17	26	6	4.008744711	0.000106454	C1orf161	ENSG00000173212
1	116497024	116497225	116497122	9	9	0	10.39304184	0.000803859	C1orf161	ENSG00000173212
1	116564489	116564735	116564623	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209230
1	116611545	116611818	116611669	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000209170
1	116656171	116656531	116656316	17	23	12	1.918715417	0.0250463		ENSG00000209170
1	116688677	116688912	116688794	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116720209	116720729	116720487	9	21	7	2.858086507	0.0029864	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116724040	116724224	116724120	8	8	6	1.336248237	0.277651	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116738887	116739108	116738965	8	9	5	1.73217364	0.133894	ATP1A1	ENSG00000163399
1	116773254	116773552	116773384	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000203865
1	116777030	116777315	116777186	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000203865
1	116793146	116793405	116793267	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000200547

1	116795877	116796066	116796032	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000200547
1	116796124	116796557	116796378	11	20	10	1.98412617	0.0277883		ENSG00000200547
1	116797661	116798085	116797840	12	20	16	1.283846345	0.219275		ENSG00000200547
1	116816400	116816639	116816520	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000200547
1	116829480	116829839	116829563	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000200547
1	116853426	116853680	116853537	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000177173
1	116918718	116919191	116918878	11	19	9	2.078608368	0.0241848	CD58	ENSG00000116815
1	117018910	117019220	117019057	14	19	7	2.598260461	0.00730518		ENSG00000211543
1	117222067	117222485	117222306	18	25	5	4.503651465	6.33E-05		ENSG00000221425
1	117222804	117223723	117223448	139	207	13	15.44109074	2.37E-48		ENSG00000221425
1	117223848	117224211	117223971	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000221425
1	117225183	117225410	117225285	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221425
1	117272031	117272267	117272142	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PTGFRN	ENSG00000134247
1	117357408	117357851	117357629	13	21	8	2.540521339	0.00602138	IGSF2	ENSG00000134256
1	117390847	117391026	117390930	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TTF2	ENSG00000116830
1	117613103	117613405	117613254	15	18	12	1.518983039	0.117837		ENSG00000223204
1	117675368	117675607	117675496	9	11	2	4.157216737	0.0052913	MAN1A2	ENSG00000198162
1	117710227	117710475	117710351	10	11	7	1.558956276	0.158273	MAN1A2	ENSG00000198162
1	117749216	117749506	117749361	9	12	2	4.503651465	0.002963	MAN1A2	ENSG00000198162
1	117879220	117879629	117879386	9	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000217774
1	117934620	117934879	117934783	11	14	2	5.196520921	0.000907371	FAM46C	ENSG00000183508
1	117935563	117935900	117935729	20	23	4	4.988660084	6.05E-05	FAM46C	ENSG00000183508
1	117968739	117968961	117968842	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213262
1	117971924	117972241	117972094	20	22	5	3.983999373	0.000317941		ENSG00000213262
1	118001365	118001597	118001459	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000213262
1	118016247	118016452	118016408	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000212266
1	118029780	118030066	118029902	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000212266
1	118191200	118191382	118191282	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000218616
1	118600047	118600226	118600078	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209185
1	118769474	118769709	118769606	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209180
1	119677251	119677430	119677340	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000194297
1	119702888	119703206	119703047	10	13	4	2.910051716	0.0125532	HAO2	ENSG00000116882
1	119718582	119718809	119718663	10	11	3	3.117912553	0.0146045	HAO2	ENSG00000116882
1	119971805	119971984	119971828	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ZNF697	ENSG00000143067

1	120019660	120019921	120019790	8	10	1	5.716173013	0.00260397	PHGDH	ENSG00000092621
1	120030966	120031161	120031063	8	8	7	1.169217207	0.371848	PHGDH	ENSG00000092621
1	120110872	120111098	120111005	8	8	3	2.338434415	0.0641221	HMGCS2	ENSG00000134240
1	120123936	120124481	120124181	10	21	13	1.63319229	0.0708832	HMGCS2	ENSG00000134240
1	120230383	120230562	120230425	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000219683
1	120292780	120293027	120292955	8	11	2	4.157216737	0.0052913	ADAM30	ENSG00000134249
1	120312884	120313223	120313053	8	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000209009
1	121053728	121053907	121053757	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216725
1	121185539	121187107	121186578	551	2524	2759	0.950812705	0.96656		ENSG00000216725
1	142310768	142311011	142310854	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000222289
1	142720879	142721142	142720973	10	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000196369
1	142721216	142722996	142722206	334	462	51	9.253804564	6.06E-88		ENSG00000196369
1	142724520	142724766	142724643	11	14	15	0.974347673	0.530138		ENSG00000196369
1	143245306	143245855	143245485	19	41	24	1.74603103	0.0119716		ENSG00000201699
1	143259989	143260234	143260111	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000201699
1	143642489	143644830	143644024	24	143	64	2.3024585	2.94E-09	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143658038	143658224	143658049	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222788
1	143698013	143698396	143698233	8	13	9	1.455025858	0.177172	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143698474	143698679	143698593	9	9	6	1.484720263	0.204387	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143699548	143699908	143699706	9	14	12	1.199197136	0.313881	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143700347	143701346	143700884	13	39	34	1.187776211	0.227496	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143703321	143703585	143703453	14	16	6	2.524024447	0.0137633	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143703877	143704242	143704089	16	23	16	1.467252966	0.109416	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143704329	143704893	143704470	10	22	23	0.995999843	0.506279	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143709348	143709789	143709527	8	16	2	5.889390377	0.000270741	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143713908	143714249	143714078	10	13	15	0.909391161	0.604792	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143715731	143716151	143715972	11	21	16	1.344981885	0.176214	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143716679	143716862	143716809	8	8	5	1.558956276	0.191397	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143723402	143723646	143723524	10	11	8	1.385738912	0.224757	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143723775	143724175	143724015	8	15	14	1.10859113	0.386477	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143725981	143726646	143726356	10	25	21	1.228268581	0.23714	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143729452	143729789	143729620	10	15	12	1.279143611	0.251893	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143732693	143732965	143732857	9	12	9	1.35109544	0.232899	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143735599	143736063	143735771	9	18	7	2.468347438	0.0112499	PDE4DIP	ENSG00000178104

1	143739686	143740370	143740191	11	29	17	1.73217364	0.029443	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143740675	143740972	143740823	10	16	6	2.524024447	0.0137633	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143741255	143741843	143741506	12	29	29	1.039304184	0.440902	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143745341	143745542	143745365	9	12	8	1.501217155	0.168286	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143745548	143745735	143745599	8	10	12	0.879411233	0.62639	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143749682	143750106	143749843	11	19	12	1.598929514	0.0887417	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143750296	143750828	143750542	9	21	20	1.08879486	0.389871	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143750893	143751751	143751187	20	50	43	1.204648032	0.181677	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143752121	143752780	143752575	11	26	17	1.558956276	0.0684939	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143756143	143756384	143756227	11	13	13	1.039304184	0.45974	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143757237	143757530	143757383	10	13	7	1.818782322	0.0805123	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143758398	143758662	143758499	8	10	10	1.039304184	0.464387	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143769378	143769705	143769541	10	15	14	1.10859113	0.386477	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143769871	143770808	143770477	20	57	39	1.506991067	0.0216314	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143772505	143772765	143772635	8	10	13	0.816596145	0.696946	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143773073	143773768	143773210	9	25	27	0.965068171	0.55304	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143774038	143774652	143774378	13	25	11	2.251825733	0.00731045	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143780891	143781185	143781021	9	13	9	1.455025858	0.177172	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143785012	143785267	143785138	12	13	11	1.212521548	0.309909	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143787680	143788051	143787878	8	13	9	1.455025858	0.177172	PDE4DIP	ENSG00000178104
1	143807538	143807869	143807703	18	22	17	1.327999791	0.180771		ENSG00000218759
1	143809406	143809696	143809551	9	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000218759
1	143811028	143811223	143811133	9	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000218759
1	143812736	143812941	143812824	8	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000218759
1	143821909	143822432	143822308	10	22	17	1.327999791	0.180771		ENSG00000218759
1	143824271	143824453	143824362	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000218759
1	143825754	143826087	143825920	16	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000218759
1	143826739	143826999	143826869	8	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000218759
1	143827554	143827733	143827643	8	8	16	0.550219862	0.934723		ENSG00000218759
1	143829435	143829684	143829543	11	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000177144
1	143920296	143920489	143920463	9	9	0	10.39304184	0.000803859	NOTCH2NL	ENSG00000213240
1	143988689	143988987	143988837	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000208961
1	144093562	144093818	144093698	12	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000201558
1	144094092	144094598	144094276	26	41	17	2.425043097	0.000462592		ENSG00000201558

1	144106723	144107418	144106976	20	41	24	1.74603103	0.0119716	ENSG00000201558
1	144107994	144108396	144108217	20	28	17	1.674434519	0.0394126	ENSG00000201558
1	144108568	144108788	144108678	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000201558
1	144108863	144109394	144109215	15	28	16	1.772930667	0.02708	ENSG00000201558
1	144110389	144111104	144110662	16	36	34	1.098692995	0.344552	HFE2 ENSG00000168509
1	144113445	144113660	144113541	8	10	12	0.879411233	0.62639	HFE2 ENSG00000168509
1	144127750	144127958	144127850	9	9	6	1.484720263	0.204387	HFE2 ENSG00000168509
1	144133079	144133557	144133228	9	15	10	1.511715177	0.140236	HFE2 ENSG00000168509
1	144144851	144145063	144144957	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TXNIP ENSG00000117289
1	144149460	144150071	144149757	13	29	14	2.078608368	0.00804141	TXNIP ENSG00000117289
1	144150515	144150810	144150635	8	11	7	1.558956276	0.158273	TXNIP ENSG00000117289
1	144151005	144151198	144151080	10	10	2	3.810782009	0.00936112	TXNIP ENSG00000117289
1	144151255	144151511	144151388	11	12	5	2.251825733	0.0404733	TXNIP ENSG00000117289
1	144151648	144152086	144151907	8	17	8	2.078608368	0.0303558	TXNIP ENSG00000117289
1	144166551	144167171	144166972	15	32	37	0.902553634	0.668358	POLR3GL ENSG00000121851
1	144168576	144169012	144168808	17	25	15	1.688869299	0.0455215	POLR3GL ENSG00000121851
1	144181469	144182228	144181648	16	43	19	2.286469205	0.000663983	POLR3GL ENSG00000121851
1	144187873	144188104	144187988	8	9	5	1.73217364	0.133894	LIX1L ENSG00000152022
1	144218623	144219400	144218803	15	45	24	1.912319699	0.00360474	RBM8A ENSG00000131795
1	144226458	144226815	144226636	15	21	14	1.524312804	0.0996258	GNRHR2 ENSG00000211451
1	144227011	144227812	144227606	12	35	30	1.206933891	0.220031	PEX11B ENSG00000131779
1	144235324	144235541	144235421	8	8	5	1.558956276	0.191397	ITGA10 ENSG00000143127
1	144236095	144236353	144236182	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ITGA10 ENSG00000143127
1	144246206	144246416	144246318	8	8	4	1.870747532	0.118863	ITGA10 ENSG00000143127
1	144249220	144249427	144249323	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ANKRD35 ENSG00000198483
1	144253464	144253740	144253569	9	12	5	2.251825733	0.0404733	ANKRD35 ENSG00000198483
1	144253879	144255223	144254715	16	62	38	1.67887599	0.00478657	ANKRD35 ENSG00000198483
1	144259259	144259443	144259368	8	8	4	1.870747532	0.118863	ANKRD35 ENSG00000198483
1	144272087	144272324	144272244	8	10	6	1.63319229	0.146906	ANKRD35 ENSG00000198483
1	144300717	144300930	144300823	9	10	11	0.952695502	0.548138	NUDT17 ENSG00000186364
1	144321627	144321866	144321746	8	9	7	1.29913023	0.286504	POLR3C ENSG00000186141
1	144322127	144322452	144322283	16	20	5	3.637564645	0.000902929	POLR3C ENSG00000186141
1	144380498	144380722	144380610	11	12	2	4.503651465	0.002963	CD160 ENSG00000117281
1	144388719	144388911	144388861	8	8	4	1.870747532	0.118863	CD160 ENSG00000117281

1	144395434	144395657	144395545	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CD160	ENSG00000117281
1	144405744	144406045	144405910	10	11	11	1.039304184	0.462773	CD160	ENSG00000117281
1	144425597	144425898	144425752	10	15	3	4.157216737	0.00170423	CD160	ENSG00000117281
1	145022615	145022960	145022788	14	18	9	1.97467795	0.0349428		ENSG00000200838
1	145091616	145091822	145091719	8	8	5	1.558956276	0.191397	PRKAB2	ENSG00000131791
1	145108974	145109229	145109101	10	12	6	1.930136342	0.071303	PRKAB2	ENSG00000131791
1	145110453	145110778	145110619	12	15	6	2.375552421	0.0212094	PRKAB2	ENSG00000131791
1	145163404	145163671	145163516	9	11	8	1.385738912	0.224757	FMO5	ENSG00000131781
1	145175904	145176164	145176009	10	11	3	3.117912553	0.0146045	CHD1L	ENSG00000131778
1	145180723	145180932	145180827	9	10	8	1.27026067	0.293854	CHD1L	ENSG00000131778
1	145181342	145181611	145181451	9	11	6	1.781664316	0.103344	CHD1L	ENSG00000131778
1	145212060	145212314	145212187	11	12	4	2.702190879	0.0203088	CHD1L	ENSG00000131778
1	145309304	145309532	145309473	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207209
1	145328323	145328568	145328445	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000207209
1	145417021	145417253	145417137	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000221166
1	145476810	145477120	145476969	13	14	4	3.117912553	0.00766354	BCL9	ENSG00000116128
1	145506208	145506442	145506359	8	10	3	2.858086507	0.0242838	BCL9	ENSG00000116128
1	145516131	145516317	145516233	8	10	2	3.810782009	0.00936112	BCL9	ENSG00000116128
1	145518665	145518966	145518808	10	13	3	3.637564645	0.0050909	BCL9	ENSG00000116128
1	145532588	145532791	145532657	9	9	4	2.078608368	0.0785659	BCL9	ENSG00000116128
1	145549797	145549991	145549868	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ACP6	ENSG00000162836
1	145550835	145551149	145550992	11	17	5	3.117912553	0.00407023	ACP6	ENSG00000162836
1	145563875	145564073	145564022	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ACP6	ENSG00000162836
1	145580452	145580764	145580628	10	13	8	1.616695398	0.123553	ACP6	ENSG00000162836
1	145608250	145608493	145608377	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ACP6	ENSG00000162836
1	145608990	145609224	145609149	12	13	6	2.078608368	0.0483393	ACP6	ENSG00000162836
1	145609229	145609477	145609353	8	10	11	0.952695502	0.548138	ACP6	ENSG00000162836
1	145655748	145656066	145655907	10	12	17	0.750608578	0.78992		ENSG00000208881
1	145680378	145680603	145680538	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GJA5	ENSG00000143140
1	145698294	145698483	145698388	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GJA5	ENSG00000143140
1	145829005	145829419	145829174	9	15	6	2.375552421	0.0212094	GJA8	ENSG00000121634
1	146193972	146194257	146194114	12	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000199879
1	146196852	146197031	146197023	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199879
1	146202196	146202785	146202541	20	41	14	2.910051716	6.65E-05		ENSG00000199879

1	146273164	146273612	146273290	12	21	11	1.905391004	0.031399		ENSG00000202408
1	146608132	146608375	146608248	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000207501
1	147489859	147490076	147489913	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000206737
1	147490163	147490789	147490495	32	58	43	1.393612429	0.0463307		ENSG00000206737
1	147491132	147491466	147491299	16	20	12	1.67887599	0.0659142		ENSG00000206737
1	147978403	147978629	147978516	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000212053
1	148087939	148088197	148088090	9	12	8	1.501217155	0.168286	HIST2H2BC	ENSG00000218157
1	148123872	148124374	148124016	12	23	15	1.558956276	0.0802366	HIST2H2BE	ENSG00000184678
1	148124713	148125296	148124952	12	26	11	2.338434415	0.00495238	HIST2H2BE	ENSG00000184678
1	148125950	148126214	148126070	10	11	7	1.558956276	0.158273	HIST2H2AB	ENSG00000184270
1	148126643	148126971	148126807	15	20	15	1.364086742	0.171319	HIST2H2AB	ENSG00000184270
1	148137640	148138049	148137870	13	23	14	1.662886695	0.0567474	BOLA1	ENSG00000178096
1	148166262	148166609	148166435	14	20	9	2.182538787	0.0165356	SF3B4	ENSG00000143368
1	148174766	148175067	148174916	9	12	11	1.125912866	0.382541	MTMR11	ENSG00000014914
1	148175343	148175653	148175487	10	14	9	1.558956276	0.132279	MTMR11	ENSG00000014914
1	148175763	148176408	148176117	21	34	11	3.031303871	0.000164745	MTMR11	ENSG00000014914
1	148177473	148178084	148177673	12	31	10	3.023430354	0.000301033	MTMR11	ENSG00000014914
1	148200654	148200950	148200771	9	12	7	1.688869299	0.11395	MTMR11	ENSG00000014914
1	148223405	148223598	148223501	8	8	4	1.870747532	0.118863	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148234641	148234926	148234783	8	12	5	2.251825733	0.0404733	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148247369	148247598	148247483	8	10	1	5.716173013	0.00260397	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148249111	148249697	148249316	13	28	4	6.027964269	3.34E-06	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148259782	148259978	148259880	12	12	4	2.702190879	0.0203088	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148261157	148261563	148261334	8	13	6	2.078608368	0.0483393	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148266781	148266963	148266823	8	8	3	2.338434415	0.0641221	OTUD7B	ENSG00000163113
1	148306107	148306883	148306339	13	37	14	2.632903933	0.000365839	VPS45	ENSG00000136631
1	148377046	148377324	148377217	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PLEKHO1	ENSG00000023902
1	148398259	148398476	148398351	10	12	7	1.688869299	0.11395	PLEKHO1	ENSG00000023902
1	148407925	148408129	148408019	8	9	5	1.73217364	0.133894	PLEKHO1	ENSG00000023902
1	148452399	148452964	148452745	14	27	17	1.616695398	0.0522299		ENSG00000222828
1	148472722	148473131	148472960	9	15	12	1.279143611	0.251893	ANP32E	ENSG00000143401
1	148473538	148474070	148473827	15	29	5	5.196520921	6.82E-06	ANP32E	ENSG00000143401
1	148474749	148475457	148475213	10	26	22	1.220052738	0.239999	ANP32E	ENSG00000143401
1	148478721	148478940	148478830	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000222222

1	148495013	148495249	148495130	12	14	12	1.199197136	0.313881	CA14	ENSG00000118298
1	148507425	148508260	148508081	10	36	17	2.13634749	0.00297834	APH1A	ENSG00000117362
1	148511824	148512038	148511931	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C1orf54	ENSG00000118292
1	148520323	148520609	148520466	11	16	6	2.524024447	0.0137633	C1orf51	ENSG00000159208
1	148520837	148521206	148520977	8	13	8	1.616695398	0.123553	C1orf51	ENSG00000159208
1	148521229	148521479	148521391	12	15	14	1.10859113	0.386477	C1orf51	ENSG00000159208
1	148521602	148522016	148521837	9	16	9	1.766817113	0.0700694	C1orf51	ENSG00000159208
1	148602440	148603472	148602693	12	43	27	1.63319229	0.019363	RPRD2	ENSG00000163125
1	148603833	148604026	148603958	8	8	10	0.850339787	0.645072	RPRD2	ENSG00000163125
1	148605098	148605277	148605140	8	9	5	1.73217364	0.133894	RPRD2	ENSG00000163125
1	148660024	148660207	148660101	9	9	3	2.598260461	0.0397929	RPRD2	ENSG00000163125
1	148669006	148669266	148669132	14	15	6	2.375552421	0.0212094	TARS2	ENSG00000143374
1	148691307	148691527	148691417	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TARS2	ENSG00000143374
1	148723880	148724111	148723995	8	10	1	5.716173013	0.00260397	TARS2	ENSG00000143374
1	148726127	148726666	148726355	19	35	14	2.494330042	0.000827091	TARS2	ENSG00000143374
1	148754427	148754836	148754657	9	16	17	0.981565063	0.523072	ECM1	ENSG00000143369
1	148776730	148776909	148776819	8	8	5	1.558956276	0.191397	ADAMTSL4	ENSG00000143382
1	148800064	148800599	148800420	12	26	12	2.158554844	0.00861404	C1orf138	ENSG00000203804
1	148803048	148803262	148803113	9	10	6	1.63319229	0.146906	C1orf138	ENSG00000203804
1	148807205	148807914	148807735	12	31	21	1.511715177	0.0647459		ENSG00000223014
1	148843562	148844117	148843938	11	24	19	1.29913023	0.189		ENSG00000208652
1	148852673	148852998	148852839	9	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000208652
1	148858838	148859101	148858969	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSA	ENSG00000143420
1	148859230	148859423	148859326	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSA	ENSG00000143420
1	148863161	148863804	148863535	25	44	6	6.681241184	4.26E-09	ENSA	ENSG00000143420
1	148866116	148866342	148866229	9	12	3	3.377738599	0.00867157	ENSA	ENSG00000143420
1	148868798	148869113	148868952	10	12	8	1.501217155	0.168286	ENSA	ENSG00000143420
1	148936033	148936380	148936206	8	13	9	1.455025858	0.177172	GOLPH3L	ENSG00000143457
1	148936400	148936709	148936554	13	16	4	3.533634226	0.00276486	GOLPH3L	ENSG00000143457
1	148986967	148987250	148987108	11	13	1	7.27512929	0.000378098	CTSS	ENSG00000163131
1	149052160	149052572	149052335	13	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000200175
1	149115086	149115317	149115165	10	12	2	4.503651465	0.002963	ARNT	ENSG00000143437
1	149145520	149145732	149145626	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000198962
1	149161610	149161859	149161762	11	12	10	1.228268581	0.305344	SETDB1	ENSG00000143379

1	149165305	149165702	149165503	14	24	20	1.237266886	0.234075	SETDB1	ENSG00000143379
1	149165830	149166068	149165949	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SETDB1	ENSG00000143379
1	149215204	149215383	149215303	8	8	4	1.870747532	0.118863	LASS2	ENSG00000143418
1	149218563	149218851	149218686	13	14	6	2.227080395	0.0322529	ANXA9	ENSG00000143412
1	149220169	149220500	149220334	11	15	9	1.662886695	0.0970566	ANXA9	ENSG00000143412
1	149220785	149220993	149220855	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ANXA9	ENSG00000143412
1	149234804	149235121	149234943	10	13	4	2.910051716	0.0125532	FAM63A	ENSG00000143409
1	149245832	149246079	149245975	8	10	7	1.429043253	0.21536	FAM63A	ENSG00000143409
1	149247192	149247800	149247624	17	29	13	2.227080395	0.00479511	PRUNE	ENSG00000143363
1	149252657	149252856	149252756	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PRUNE	ENSG00000143363
1	149263610	149263964	149263787	9	14	8	1.73217364	0.0890835	PRUNE	ENSG00000143363
1	149275493	149275720	149275672	9	12	5	2.251825733	0.0404733	BNIPL	ENSG00000163141
1	149281942	149282168	149282055	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C1orf56	ENSG00000143443
1	149285681	149286026	149285858	9	10	5	1.905391004	0.0915982	C1orf56	ENSG00000143443
1	149286614	149287118	149286988	10	19	10	1.889643971	0.0394833	C1orf56	ENSG00000143443
1	149287618	149287856	149287737	10	12	9	1.35109544	0.232899	C1orf56	ENSG00000143443
1	149295661	149295857	149295774	9	9	9	1.039304184	0.466079	MLLT11	ENSG00000213190
1	149297732	149298307	149297964	78	101	18	5.579422463	1.90E-16	MLLT11	ENSG00000213190
1	149300037	149300221	149300129	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CDC42SE1	ENSG00000197622
1	149309516	149310444	149309738	26	55	21	2.64550156	2.02E-05		ENSG00000143458
1	149357089	149357337	149357213	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000216764
1	149368702	149368909	149368863	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SEMA6C	ENSG00000143434
1	149385826	149386034	149385940	9	10	6	1.63319229	0.146906	SEMA6C	ENSG00000143434
1	149404936	149405593	149405167	14	33	13	2.524024447	0.0010017	SCNM1	ENSG00000163156
1	149429196	149429598	149429375	15	24	11	2.16521705	0.0106896	VPS72	ENSG00000163159
1	149434285	149434729	149434506	16	27	9	2.910051716	0.000869703	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149435283	149435776	149435462	13	25	9	2.702190879	0.00210968	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149437331	149437818	149437598	11	24	11	2.16521705	0.0106896	PIP5K1A	ENSG00000143398
1	149490894	149491083	149490988	10	10	2	3.810782009	0.00936112	PSMD4	ENSG00000159352
1	149493716	149493907	149493811	8	10	1	5.716173013	0.00260397	PSMD4	ENSG00000159352
1	149494372	149494559	149494465	8	8	9	0.935373766	0.560286	PSMD4	ENSG00000159352
1	149520262	149521124	149520716	14	42	15	2.793129995	8.70E-05	ZNF687	ENSG00000143373
1	149521134	149521588	149521313	10	19	7	2.598260461	0.00730518	ZNF687	ENSG00000143373
1	149529013	149529275	149529206	8	12	2	4.503651465	0.002963	ZNF687	ENSG00000143373

1	149530309	149530606	149530432	8	11	2	4.157216737	0.0052913	ZNF687	ENSG00000143373
1	149540023	149540297	149540160	15	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000222803
1	149550668	149550891	149550779	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000222803
1	149553543	149553908	149553757	9	14	3	3.897390691	0.00295882	PI4KB	ENSG00000143393
1	149565504	149566250	149566124	8	25	14	1.801460586	0.0308364	PI4KB	ENSG00000143393
1	149566446	149566999	149566614	15	32	15	2.14356488	0.00454085	PI4KB	ENSG00000143393
1	149576546	149576832	149576677	14	17	2	6.235825105	0.000146695	RFX5	ENSG00000143390
1	149580022	149580224	149580123	8	11	12	0.959357709	0.543005	RFX5	ENSG00000143390
1	149580244	149580551	149580361	8	12	12	1.039304184	0.461227	RFX5	ENSG00000143390
1	149586292	149586905	149586744	10	27	7	3.637564645	0.000166657	RFX5	ENSG00000143390
1	149587066	149587271	149587130	9	9	6	1.484720263	0.204387	RFX5	ENSG00000143390
1	149611599	149611993	149611875	12	18	18	1.039304184	0.453018	SELENBP1	ENSG00000143416
1	149631455	149631636	149631545	9	10	1	5.716173013	0.00260397	PSMB4	ENSG00000159377
1	149638382	149638787	149638608	15	23	9	2.494330042	0.00494866	PSMB4	ENSG00000159377
1	149663359	149663610	149663505	8	10	3	2.858086507	0.0242838	POGZ	ENSG00000143442
1	149682975	149683260	149683117	8	10	5	1.905391004	0.0915982	POGZ	ENSG00000143442
1	149751386	149751702	149751544	13	16	10	1.606197376	0.104477	CGN	ENSG00000143375
1	149752227	149752571	149752399	17	21	7	2.858086507	0.0029864	CGN	ENSG00000143375
1	149752597	149752889	149752756	12	14	2	5.196520921	0.000907371	CGN	ENSG00000143375
1	149753558	149753781	149753661	11	11	0	12.47165021	0.000193293	CGN	ENSG00000143375
1	149755327	149755506	149755419	8	8	9	0.935373766	0.560286	CGN	ENSG00000143375
1	149773784	149774142	149773943	9	14	7	1.948695345	0.0559175	TUFT1	ENSG00000143367
1	149778862	149779174	149779034	10	13	9	1.455025858	0.177172	TUFT1	ENSG00000143367
1	149779275	149779625	149779450	19	25	7	3.377738599	0.000449165	TUFT1	ENSG00000143367
1	149787785	149788203	149788024	16	23	14	1.662886695	0.0567474		ENSG00000207606
1	149807921	149808121	149808074	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000219893
1	149818157	149818448	149818299	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000219893
1	149821043	149821277	149821158	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000219893
1	149823154	149823486	149823320	10	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000219893
1	149833400	149833807	149833579	10	18	12	1.518983039	0.117837	SNX27	ENSG00000143376
1	149835622	149836117	149835801	13	28	4	6.027964269	3.34E-06	SNX27	ENSG00000143376
1	149842261	149842440	149842367	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SNX27	ENSG00000143376
1	149845554	149845813	149845684	9	9	9	1.039304184	0.466079	SNX27	ENSG00000143376
1	149854958	149855261	149855116	11	14	4	3.117912553	0.00766354	SNX27	ENSG00000143376

1	149859181	149859364	149859258	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SNX27	ENSG00000143376
1	149863990	149864175	149864109	8	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000206635
1	149931931	149932171	149932051	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000178796
1	149943788	149943967	149943847	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000178796
1	149953072	149953304	149953151	12	13	4	2.910051716	0.0125532	TNRC4	ENSG00000159409
1	149955990	149956430	149956103	11	19	4	4.157216737	0.000560204	TNRC4	ENSG00000159409
1	149962847	149963159	149963003	19	21	2	7.621564018	1.21E-05	TNRC4	ENSG00000159409
1	149974201	149974434	149974317	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000206980
1	149978948	149979471	149979240	19	29	11	2.598260461	0.00146165		ENSG00000206980
1	150022420	150022823	150022599	9	16	10	1.606197376	0.104477	TDRKH	ENSG00000182134
1	150027853	150028042	150027938	8	8	6	1.336248237	0.277651	TDRKH	ENSG00000182134
1	150029319	150029548	150029433	10	11	2	4.157216737	0.0052913	TDRKH	ENSG00000182134
1	150029686	150030169	150030042	13	24	18	1.367505506	0.148798	TDRKH	ENSG00000182134
1	150075595	150075862	150075728	10	14	10	1.417232979	0.185113	RORC	ENSG00000143365
1	150075867	150076337	150076046	15	29	13	2.227080395	0.00479511		ENSG00000201134
1	150097437	150097745	150097591	8	12	5	2.251825733	0.0404733	THEM5	ENSG00000196407
1	150110452	150110844	150110631	12	19	14	1.385738912	0.166049	THEM5	ENSG00000196407
1	150128212	150128415	150128344	9	10	1	5.716173013	0.00260397	THEM4	ENSG00000159445
1	150148666	150149161	150148982	12	26	16	1.650659587	0.048911	THEM4	ENSG00000159445
1	150157990	150158308	150158141	9	13	5	2.425043097	0.0262442	THEM4	ENSG00000159445
1	150163953	150164239	150164068	10	13	8	1.616695398	0.123553	THEM4	ENSG00000159445
1	150184393	150184643	150184547	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000215843
1	150184798	150185111	150184945	13	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000215843
1	150185186	150185365	150185323	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000215843
1	150186062	150186254	150186179	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000215843
1	150202035	150202227	150202168	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000215843
1	150202330	150202679	150202509	10	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000215843
1	150207098	150207317	150207207	8	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000215843
1	150210368	150210580	150210470	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000215843
1	150211640	150211948	150211784	13	15	13	1.187776211	0.317363	S100A10	ENSG00000197747
1	150212131	150212338	150212288	8	8	7	1.169217207	0.371848	S100A10	ENSG00000197747
1	150223882	150224079	150223980	8	8	5	1.558956276	0.191397	S100A10	ENSG00000197747
1	150224806	150225156	150224980	10	14	10	1.417232979	0.185113	S100A10	ENSG00000197747
1	150228664	150228875	150228743	8	10	5	1.905391004	0.0915982	S100A10	ENSG00000197747

1	150229157	150230368	150229597	26	85	29	2.979338661	1.56E-08	S100A10	ENSG00000197747
1	150231136	150232094	150231647	20	57	28	2.078608368	0.000430316	S100A10	ENSG00000197747
1	150233093	150233599	150233250	20	31	10	3.023430354	0.000301033	S100A10	ENSG00000197747
1	150240751	150241198	150240893	10	19	14	1.385738912	0.166049	S100A10	ENSG00000197747
1	150249299	150249529	150249391	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000216988
1	150257742	150258085	150257913	11	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000216988
1	150264133	150264545	150264436	9	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000216988
1	150268603	150268824	150268713	10	10	1	5.716173013	0.00260397	S100A11	ENSG00000163191
1	150270465	150270666	150270565	8	8	2	3.117912553	0.0283184	S100A11	ENSG00000163191
1	150273016	150273216	150273161	8	11	5	2.078608368	0.0614303	S100A11	ENSG00000163191
1	150273454	150274553	150274303	60	106	37	2.926461782	5.51E-10	S100A11	ENSG00000163191
1	150274906	150275494	150275147	10	25	17	1.501217155	0.0888464	S100A11	ENSG00000163191
1	150275629	150276394	150275973	11	29	12	2.398394271	0.00272121	S100A11	ENSG00000163191
1	150279428	150279728	150279578	10	14	2	5.196520921	0.000907371	S100A11	ENSG00000163191
1	150285046	150285361	150285184	9	13	7	1.818782322	0.0805123	S100A11	ENSG00000163191
1	150286466	150287234	150286966	34	65	21	3.117912553	2.87E-07	S100A11	ENSG00000163191
1	150287239	150287826	150287418	16	34	19	1.818782322	0.0141578	S100A11	ENSG00000163191
1	150291733	150292091	150291912	17	22	16	1.406117426	0.139742	S100A11	ENSG00000163191
1	150299828	150300075	150299909	10	14	11	1.29913023	0.246308		ENSG00000219550
1	150301414	150301636	150301522	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000219550
1	150367011	150367262	150367136	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000219179
1	150381156	150381417	150381286	8	11	13	0.890832158	0.618492	RPTN	ENSG00000215853
1	150406931	150407354	150407093	10	16	4	3.533634226	0.00276486	RPTN	ENSG00000215853
1	150424780	150425030	150424879	12	14	2	5.196520921	0.000907371	RPTN	ENSG00000215853
1	150446350	150446588	150446519	9	10	2	3.810782009	0.00936112	HRNR	ENSG00000197915
1	150570167	150570372	150570264	8	9	5	1.73217364	0.133894	FLG	ENSG00000143631
1	150603276	150603466	150603364	8	8	6	1.336248237	0.277651	FLG2	ENSG00000143520
1	150631762	150632244	150631999	14	25	9	2.702190879	0.00210968		ENSG00000183586
1	150632315	150632528	150632421	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000183586
1	150638332	150638589	150638448	13	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000183586
1	150667011	150667345	150667174	9	11	1	6.235825105	0.0013754	CRNN	ENSG00000143536
1	150677062	150677304	150677219	10	12	7	1.688869299	0.11395	CRNN	ENSG00000143536
1	150681577	150681795	150681627	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CRNN	ENSG00000143536
1	150699345	150699570	150699457	9	12	6	1.930136342	0.071303	CRNN	ENSG00000143536

1	150700601	150700906	150700753	14	17	4	3.741495063	0.00163722	CRNN	ENSG00000143536
1	150716728	150716958	150716843	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	LCE5A	ENSG00000186207
1	150893237	150893416	150893376	9	10	1	5.716173013	0.00260397	C1orf46	ENSG00000176075
1	151025110	151025368	151025239	8	11	1	6.235825105	0.0013754	LCE1E	ENSG00000186226
1	151204343	151204564	151204453	11	11	0	12.47165021	0.000193293	SPRR4	ENSG00000184148
1	151362048	151362227	151362127	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SPRR2F	ENSG00000213163
1	151579096	151579403	151579274	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000207321
1	151594675	151594872	151594773	8	9	8	1.154782427	0.375434	S100A9	ENSG00000163220
1	151603323	151603587	151603423	9	11	2	4.157216737	0.0052913	S100A9	ENSG00000163220
1	151604618	151604853	151604735	11	12	6	1.930136342	0.071303	S100A9	ENSG00000163220
1	151805695	151805971	151805843	10	13	2	4.850086193	0.00164564	S100A2	ENSG00000196754
1	151806627	151807055	151806780	20	27	1	14.55025858	3.30E-08	S100A2	ENSG00000196754
1	151807642	151807945	151807793	12	17	11	1.558956276	0.111389	S100A2	ENSG00000196754
1	151811736	151811922	151811866	10	10	5	1.905391004	0.0915982	S100A2	ENSG00000196754
1	151826588	151826798	151826691	9	9	0	10.39304184	0.000803859	S100A2	ENSG00000196754
1	151847342	151847636	151847459	10	11	10	1.133786383	0.380636	S100A16	ENSG00000188643
1	151865407	151865761	151865584	8	13	3	3.637564645	0.0050909	S100A13	ENSG00000189171
1	151866453	151866681	151866572	10	12	2	4.503651465	0.002963	S100A13	ENSG00000189171
1	151873175	151873587	151873379	12	20	13	1.558956276	0.0943292	S100A13	ENSG00000189171
1	151967150	151967403	151967276	8	9	2	3.464347281	0.0163838	INTS3	ENSG00000143624
1	152013856	152014219	152014075	14	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000216243
1	152014327	152014580	152014453	11	13	5	2.425043097	0.0262442	SLC27A3	ENSG00000143554
1	152035739	152035918	152035851	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219979
1	152036392	152036609	152036502	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000219979
1	152162138	152162367	152162252	8	8	9	0.935373766	0.560286	GATAD2B	ENSG00000143614
1	152162848	152163243	152163064	8	15	5	2.771477825	0.0105836	GATAD2B	ENSG00000143614
1	152203100	152203589	152203344	9	19	6	2.969440526	0.0035096	SLC39A1	ENSG00000143570
1	152216689	152216924	152216767	11	12	5	2.251825733	0.0404733	JTB	ENSG00000143543
1	152225905	152226270	152226091	11	17	3	4.676868829	0.000552213	RAB13	ENSG00000143545
1	152229586	152230019	152229833	12	20	10	1.98412617	0.0277883	RPS27	ENSG00000177954
1	152231910	152232108	152231997	8	9	5	1.73217364	0.133894	RPS27	ENSG00000177954
1	152422288	152422513	152422400	11	14	5	2.598260461	0.0167748	TPM3	ENSG00000143549
1	152459489	152459791	152459640	8	12	7	1.688869299	0.11395	C1orf43	ENSG00000143612
1	152511546	152512016	152511725	10	20	8	2.425043097	0.00917565	HAX1	ENSG00000143575

1	152592840	152593125	152592988	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ATP8B2	ENSG00000143515
1	152657315	152657657	152657486	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000219049
1	152717717	152717978	152717834	10	10	8	1.27026067	0.293854	SHE	ENSG00000169291
1	152718889	152719186	152719038	12	15	1	8.314433474	0.000102308	SHE	ENSG00000169291
1	152773441	152773637	152773590	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TDRD10	ENSG00000163239
1	152847242	152847434	152847338	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ADAR	ENSG00000160710
1	152867154	152867336	152867227	10	10	6	1.63319229	0.146906	ADAR	ENSG00000160710
1	152908850	152909102	152909005	9	11	7	1.558956276	0.158273	ADAR	ENSG00000160710
1	153052492	153053061	153052776	36	55	7	7.27512929	2.61E-11	KCNN3	ENSG00000143603
1	153099075	153099289	153099146	9	10	0	11.43234603	0.000394183	KCNN3	ENSG00000143603
1	153175629	153175853	153175741	8	10	6	1.63319229	0.146906	PMVK	ENSG00000163344
1	153176456	153176880	153176788	11	18	6	2.8209685	0.00559354	PMVK	ENSG00000163344
1	153211714	153212107	153211873	15	20	3	5.456346967	9.70E-05	SHC1	ENSG00000160691
1	153212818	153213184	153213005	10	17	2	6.235825105	0.000146695	SHC1	ENSG00000160691
1	153214085	153214420	153214245	10	13	5	2.425043097	0.0262442	CKS1B	ENSG00000173207
1	153222021	153222332	153222168	12	15	4	3.32577339	0.00462646	FLAD1	ENSG00000160688
1	153239792	153240037	153239914	10	12	8	1.501217155	0.168286	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153240039	153240839	153240354	17	45	13	3.414856605	4.95E-06	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153241182	153241434	153241339	9	11	8	1.385738912	0.224757	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153256555	153256941	153256734	10	17	1	9.353737658	2.73E-05	ZBTB7B	ENSG00000160685
1	153284132	153284410	153284271	10	12	2	4.503651465	0.002963	ADAM15	ENSG00000143537
1	153330543	153330794	153330649	8	10	5	1.905391004	0.0915982	EFNA3	ENSG00000143590
1	153356796	153357030	153356914	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000202027
1	153363656	153363861	153363760	8	8	3	2.338434415	0.0641221	EFNA1	ENSG00000169242
1	153368802	153369096	153368949	8	11	5	2.078608368	0.0614303	EFNA1	ENSG00000169242
1	153370529	153370708	153370618	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RAG1AP1	ENSG00000169241
1	153374245	153374440	153374342	8	8	4	1.870747532	0.118863	RAG1AP1	ENSG00000169241
1	153374570	153374900	153374691	11	15	3	4.157216737	0.00170423	RAG1AP1	ENSG00000169241
1	153379624	153379810	153379717	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DPM3	ENSG00000179085
1	153412289	153412577	153412433	12	17	9	1.870747532	0.0498299	KRTCAP2	ENSG00000163463
1	153416346	153416614	153416480	9	13	9	1.455025858	0.177172	TRIM46	ENSG00000163462
1	153429800	153430155	153429977	8	14	3	3.897390691	0.00295882	MUC1	ENSG00000185499
1	153477603	153477786	153477760	8	9	5	1.73217364	0.133894	GBA	ENSG00000177628
1	153487192	153487428	153487310	8	11	3	3.117912553	0.0146045	C1orf2	ENSG00000160767

1	153498855	153499044	153498968	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SCAMP3	ENSG00000116521
1	153514884	153515120	153515023	10	12	6	1.930136342	0.071303	HCN3	ENSG00000143630
1	153545237	153545425	153545331	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FDPS	ENSG00000160752
1	153799312	153799614	153799461	11	14	5	2.598260461	0.0167748	ASH1L	ENSG00000116539
1	153819574	153819753	153819650	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218745
1	153887909	153888194	153888051	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ERVK5	ENSG00000198358
1	154094837	154095020	154094913	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYT11	ENSG00000132718
1	154257467	154257730	154257597	8	9	5	1.73217364	0.133894	SSR2	ENSG00000163479
1	154290952	154291202	154291077	8	10	7	1.429043253	0.21536	ROBLD3	ENSG00000116586
1	154308873	154309052	154308962	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222611
1	154333017	154333396	154333217	9	16	3	4.417042783	0.00097367	LMNA	ENSG00000160789
1	154340326	154340542	154340403	8	11	1	6.235825105	0.0013754	LMNA	ENSG00000160789
1	154354374	154354602	154354517	10	12	2	4.503651465	0.002963	LMNA	ENSG00000160789
1	154359634	154360608	154360299	77	117	11	10.21982448	5.32E-25		ENSG00000203263
1	154366700	154366889	154366794	10	11	3	3.117912553	0.0146045	LMNA	ENSG00000160789
1	154382537	154382762	154382631	9	10	7	1.429043253	0.21536	SEMA4A	ENSG00000196189
1	154389854	154390063	154389958	9	10	3	2.858086507	0.0242838	SEMA4A	ENSG00000196189
1	154430312	154430614	154430466	9	11	4	2.494330042	0.0324033	SLC25A44	ENSG00000160785
1	154449505	154449922	154449610	9	16	4	3.533634226	0.00276486	PMF1	ENSG00000160783
1	154452709	154453428	154452885	68	132	154	0.891790042	0.834537		ENSG00000203262
1	154461915	154462097	154461997	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000203262
1	154519233	154519521	154519367	13	15	5	2.771477825	0.0105836	TMEM79	ENSG00000163472
1	154596341	154596564	154596452	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CCT3	ENSG00000163468
1	154604675	154604935	154604805	8	9	5	1.73217364	0.133894	CCT3	ENSG00000163468
1	154692890	154693503	154693021	13	30	8	3.579825523	9.27E-05	C1orf61	ENSG00000125462
1	154693520	154693804	154693652	13	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000206651
1	154708100	154708431	154708255	11	15	12	1.279143611	0.251893		ENSG00000206651
1	154708504	154708850	154708677	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000206651
1	154737629	154737860	154737775	12	12	6	1.930136342	0.071303	MEF2D	ENSG00000116604
1	154809172	154809355	154809277	8	8	3	2.338434415	0.0641221	IQGAP3	ENSG00000183856
1	154852955	154853196	154853075	11	12	7	1.688869299	0.11395	HAPLN2	ENSG00000132702
1	154896433	154896723	154896580	12	14	8	1.73217364	0.0890835	NES	ENSG00000132688
1	154942434	154942665	154942517	10	11	0	12.47165021	0.000193293	CRABP2	ENSG00000143320
1	154962267	154962587	154962387	8	12	4	2.702190879	0.0203088	ISG20L2	ENSG00000143319

1	154977358	154977721	154977490	8	13	20	0.692869456	0.861903	MRPL24	ENSG00000143314
1	155003427	155003683	155003561	10	13	7	1.818782322	0.0805123	PRCC	ENSG00000143294
1	155042540	155042768	155042642	8	8	5	1.558956276	0.191397	NTRK1	ENSG00000198400
1	155927830	155928063	155927924	8	10	3	2.858086507	0.0242838	FCRL3	ENSG00000160856
1	156361503	156361688	156361595	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000212882
1	158035312	158035558	158035443	8	12	2	4.503651465	0.002963	FCRL6	ENSG00000181036
1	158136952	158137139	158137021	10	11	4	2.494330042	0.0324033	CCDC19	ENSG00000213085
1	158182342	158182649	158182492	12	15	4	3.32577339	0.00462646	IGSF9	ENSG00000085552
1	158297978	158298206	158298102	8	8	4	1.870747532	0.118863	KCNJ10	ENSG00000177807
1	158345423	158345711	158345567	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ATP1A2	ENSG00000018625
1	158488452	158488684	158488555	8	10	3	2.858086507	0.0242838	WDR42A	ENSG00000132716
1	158651315	158651635	158651470	11	13	1	7.27512929	0.000378098	VANGL2	ENSG00000162738
1	159179306	159179490	159179413	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000219416
1	159233854	159234192	159234013	10	14	4	3.117912553	0.00766354	F11R	ENSG00000158769
1	159320009	159320299	159320134	10	13	3	3.637564645	0.0050909	PVRL4	ENSG00000143217
1	159325909	159326108	159325934	9	10	1	5.716173013	0.00260397	PVRL4	ENSG00000143217
1	159369265	159369601	159369433	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	DEDD	ENSG00000158796
1	159396102	159396347	159396214	9	9	6	1.484720263	0.204387	USP21	ENSG00000143258
1	159402055	159402392	159402216	8	12	5	2.251825733	0.0404733	PPOX	ENSG00000143224
1	159402599	159402784	159402737	8	9	5	1.73217364	0.133894	PPOX	ENSG00000143224
1	159435028	159435245	159435081	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ADAMTS4	ENSG00000158859
1	159438587	159438794	159438690	8	9	7	1.29913023	0.286504	NDUFS2	ENSG00000158864
1	159495076	159495255	159495165	8	8	4	1.870747532	0.118863	PCP4L1	ENSG00000173126
1	159618651	159618848	159618774	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000217421
1	159664465	159664754	159664560	9	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000208455
1	159960265	159960495	159960380	8	11	1	6.235825105	0.0013754	FCRLB	ENSG00000162746
1	160330866	160331174	160331019	16	19	5	3.464347281	0.00150447	NOS1AP	ENSG00000198929
1	160428694	160428900	160428777	9	9	0	10.39304184	0.000803859	NOS1AP	ENSG00000198929
1	160466582	160466792	160466687	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207729
1	160566364	160566576	160566510	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207729
1	160781843	160782079	160781976	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000219168
1	161558029	161558365	161558197	12	17	7	2.338434415	0.0171287	NUF2	ENSG00000143228
1	161646567	161646858	161646684	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000218131
1	162834575	162834983	162834744	10	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000215839

1	162984159	162984470	162984314	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000208426
1	163008608	163008955	163008823	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000208426
1	163398509	163398690	163398586	12	12	3	3.377738599	0.00867157	LMX1A	ENSG00000162761
1	163846838	163847095	163846959	13	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000208402
1	163866661	163866982	163866803	8	12	11	1.125912866	0.382541	MGST3	ENSG00000143198
1	164004697	164004931	164004814	11	11	4	2.494330042	0.0324033	TMCO1	ENSG00000143183
1	164094265	164094493	164094438	11	13	1	7.27512929	0.000378098	UCK2	ENSG00000143179
1	164123914	164124110	164124050	8	8	2	3.117912553	0.0283184	UCK2	ENSG00000143179
1	165001546	165001755	165001650	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000217857
1	165112279	165112473	165112407	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TADA1L	ENSG00000152382
1	165195480	165195659	165195549	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C1orf32	ENSG00000143195
1	165293052	165293335	165293204	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000208384
1	165458290	165458537	165458413	9	9	3	2.598260461	0.0397929	POU2F1	ENSG00000143190
1	165808932	165809190	165809079	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000217876
1	166039164	166039432	166039311	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000216870
1	166675145	166675339	166675230	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000215833
1	166859175	166859360	166859272	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000216686
1	166945868	166946157	166946010	13	15	1	8.314433474	0.000102308	DPT	ENSG00000143196
1	167097636	167097911	167097773	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000220043
1	167142890	167143283	167143104	12	18	9	1.97467795	0.0349428		ENSG00000220043
1	167175378	167175696	167175537	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000213063
1	167227550	167227957	167227790	40	48	7	6.365738128	1.63E-09		ENSG00000213063
1	167240069	167240368	167240226	11	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000213063
1	167267562	167267746	167267654	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ATP1B1	ENSG00000143153
1	167438788	167439143	167438965	33	38	0	40.53286319	8.52E-13	ATP1B1	ENSG00000143153
1	167603907	167604150	167604028	10	10	3	2.858086507	0.0242838	BLZF1	ENSG00000117475
1	167721989	167722168	167722033	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213062
1	167753520	167753715	167753635	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213062
1	167764836	167765639	167765416	21	47	19	2.494330042	0.000144216		ENSG00000213062
1	167820404	167820920	167820583	23	37	5	6.582259834	6.53E-08	F5	ENSG00000198734
1	168017109	168017444	168017314	13	18	7	2.468347438	0.0112499	C1orf156	ENSG00000171806
1	168030643	168030893	168030772	11	15	3	4.157216737	0.00170423	C1orf156	ENSG00000171806
1	168085267	168085446	168085356	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222641
1	168104847	168105158	168105002	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000208383

1	168127125	168127377	168127303	10	12	8	1.501217155	0.168286	SCYL3	ENSG00000000457
1	168129695	168130012	168129853	10	15	10	1.511715177	0.140236	SCYL3	ENSG00000000457
1	168130104	168130442	168130273	8	13	4	2.910051716	0.0125532	SCYL3	ENSG00000000457
1	168371808	168372172	168371987	11	18	5	3.291129917	0.00248584	METTLL11B	ENSG00000203740
1	168432604	168432800	168432727	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000217910
1	168534487	168534670	168534580	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000217933
1	168542819	168543005	168542912	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000217933
1	168767636	168767993	168767815	9	14	10	1.417232979	0.185113	SCYL1BP1	ENSG00000120370
1	168798705	168798902	168798829	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SCYL1BP1	ENSG00000120370
1	169117792	169118016	169117904	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C1orf129	ENSG00000117501
1	169638955	169639308	169639131	10	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000202082
1	169901704	169901932	169901776	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000213061
1	169990174	169990546	169990343	9	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000218993
1	170016904	170017214	170017059	10	12	10	1.228268581	0.305344	KIAA0859	ENSG00000010165
1	170146586	170146863	170146746	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DNM3	ENSG00000197959
1	170442801	170442983	170442849	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208024
1	170659138	170659465	170659306	21	24	1	12.9913023	2.52E-07	C1orf105	ENSG00000180999
1	170679657	170680016	170679824	9	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000212919
1	170711984	170712371	170712177	12	20	1	10.91269393	3.71E-06	C1orf105	ENSG00000180999
1	170768165	170768482	170768323	10	14	13	1.113540197	0.385405	C1orf9	ENSG00000094975
1	170834049	170834228	170834179	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FASLG	ENSG00000117560
1	170978433	170978737	170978585	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000219740
1	171878231	171878545	171878396	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000208338
1	171950511	171950753	171950598	9	10	4	2.286469205	0.0509017	KLHL20	ENSG00000076321
1	172060019	172060508	172060329	9	19	1	10.39304184	7.23E-06	CENPL	ENSG00000120334
1	172103851	172104190	172104020	10	15	9	1.662886695	0.0970566	ZBTB37	ENSG00000185278
1	172130004	172130236	172130120	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	SERPINC1	ENSG00000117601
1	172375385	172375597	172375440	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RABGAP1L	ENSG00000152061
1	173235157	173235422	173235273	10	13	5	2.425043097	0.0262442	CACYBP	ENSG00000116161
1	173259102	173259365	173259233	11	13	5	2.425043097	0.0262442	MRPS14	ENSG00000120333
1	173265528	173265735	173265631	8	9	1	5.196520921	0.00490062	MRPS14	ENSG00000120333
1	173555141	173555360	173555250	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000219660
1	173770827	173771058	173770942	9	11	1	6.235825105	0.0013754	TNR	ENSG00000116147
1	174030437	174030696	174030573	16	17	1	9.353737658	2.73E-05	TNR	ENSG00000116147

1	174443450	174443690	174443570	10	10	5	1.905391004	0.0915982	RFWD2	ENSG00000143207
1	174717133	174717312	174717222	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PAPPA2	ENSG00000116183
1	174795798	174796047	174795935	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000172760
1	174926568	174926765	174926601	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000172760
1	175128603	175128813	175128697	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000202609
1	175184828	175185137	175184982	12	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000202609
1	175252049	175252295	175252172	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000202609
1	175368155	175368341	175368248	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ASTN1	ENSG00000152092
1	175417539	175417795	175417667	14	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000222749
1	175492198	175492409	175492303	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222749
1	175676696	175676941	175676818	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000222749
1	175678231	175678514	175678372	11	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000222749
1	175684433	175684896	175684664	18	29	12	2.398394271	0.00272121		ENSG00000222749
1	175686806	175687070	175686963	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000222749
1	175821275	175821796	175821547	13	25	18	1.422205726	0.118245	SEC16B	ENSG00000120341
1	175846828	175847168	175846998	9	15	6	2.375552421	0.0212094	SEC16B	ENSG00000120341
1	175855942	175856198	175856071	8	8	7	1.169217207	0.371848	SEC16B	ENSG00000120341
1	176048980	176049350	176049171	18	25	1	13.5109544	1.28E-07	SEC16B	ENSG00000120341
1	176050827	176051037	176050948	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SEC16B	ENSG00000120341
1	176177565	176177813	176177689	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SEC16B	ENSG00000120341
1	176181738	176181998	176181862	12	15	4	3.32577339	0.00462646	SEC16B	ENSG00000120341
1	176290792	176291177	176291002	11	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000215831
1	176513916	176514228	176514077	14	16	1	8.834085566	5.30E-05	RASAL2	ENSG00000075391
1	176705869	176706048	176705958	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RASAL2	ENSG00000075391
1	176768126	176768314	176768261	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000135820
1	176891572	176891953	176891740	15	21	6	3.266384579	0.0013436	RALGPS2	ENSG00000116191
1	177261363	177261547	177261455	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FAM20B	ENSG00000116199
1	177274567	177275195	177274964	31	51	5	9.00730293	1.28E-11		ENSG00000217530
1	177374022	177374201	177374180	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000218381
1	177529187	177529462	177529366	18	19	4	4.157216737	0.000560204	SOAT1	ENSG00000057252
1	177601473	177601798	177601635	10	15	10	1.511715177	0.140236	C1orf125	ENSG00000162779
1	177997306	177997503	177997325	9	11	1	6.235825105	0.0013754	FAM163A	ENSG00000143340
1	178041366	178041545	178041468	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM163A	ENSG00000143340
1	178113528	178113795	178113666	8	9	7	1.29913023	0.286504	TOR1AIP2	ENSG00000169905

1	178118331	178118732	178118571	13	21	6	3.266384579	0.0013436	TOR1AIP1	ENSG00000143337
1	178189638	178189924	178189781	8	10	10	1.039304184	0.464387	CEP350	ENSG00000135837
1	178190107	178190596	178190393	15	24	14	1.73217364	0.0420666	CEP350	ENSG00000135837
1	178393557	178393781	178393672	8	9	4	2.078608368	0.0785659	QSOX1	ENSG00000116260
1	178403729	178403990	178403859	15	17	12	1.439036563	0.154203	QSOX1	ENSG00000116260
1	178467136	178467376	178467256	9	11	0	12.47165021	0.000193293	LHX4	ENSG00000121454
1	178492743	178493033	178492888	11	12	2	4.503651465	0.002963	LHX4	ENSG00000121454
1	178547319	178547530	178547440	9	12	6	1.930136342	0.071303	LHX4	ENSG00000121454
1	178600836	178601114	178600962	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000217496
1	178735592	178735936	178735763	13	17	4	3.741495063	0.00163722	ACBD6	ENSG00000135847
1	178738491	178738913	178738734	12	19	4	4.157216737	0.000560204	ACBD6	ENSG00000135847
1	178751380	178752230	178751993	54	124	13	9.279501645	2.11E-25		ENSG00000206905
1	178757775	178758306	178757902	23	39	2	13.85738912	9.79E-11		ENSG00000206905
1	178769349	178769571	178769415	12	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000206905
1	178791230	178791468	178791347	19	20	7	2.728173484	0.00469378		ENSG00000206905
1	178798354	178798561	178798524	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000206905
1	178821262	178821621	178821451	39	45	6	6.829713211	2.35E-09	XPR1	ENSG00000143324
1	178822665	178822916	178822753	8	9	1	5.196520921	0.00490062	XPR1	ENSG00000143324
1	178845473	178845743	178845642	10	10	5	1.905391004	0.0915982	XPR1	ENSG00000143324
1	178953306	178953501	178953422	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000206753
1	179048846	179049033	179048930	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000206753
1	179193003	179193182	179193092	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000220772
1	179257482	179258005	179257830	9	19	14	1.385738912	0.166049	STX6	ENSG00000135823
1	179269134	179269511	179269313	8	14	8	1.73217364	0.0890835	MR1	ENSG00000153029
1	179320065	179320359	179320218	20	21	8	2.540521339	0.00602138	IER5	ENSG00000162783
1	179323748	179324696	179323927	15	46	17	2.713738703	6.17E-05	IER5	ENSG00000162783
1	179325428	179325658	179325602	8	12	1	6.755477198	0.000722752	IER5	ENSG00000162783
1	179325840	179326266	179325985	14	22	9	2.390399624	0.00747467	IER5	ENSG00000162783
1	179328762	179329183	179329018	12	20	6	3.117912553	0.00218114	IER5	ENSG00000162783
1	179335034	179335213	179335123	8	9	3	2.598260461	0.0397929	IER5	ENSG00000162783
1	179335267	179336273	179335578	59	114	11	9.959998432	3.45E-24	IER5	ENSG00000162783
1	179340771	179341038	179340904	8	9	5	1.73217364	0.133894	IER5	ENSG00000162783
1	179353380	179353862	179353584	16	27	8	3.233390795	0.000398033	IER5	ENSG00000162783
1	179354955	179355558	179355297	37	58	10	5.5744449715	2.62E-10	IER5	ENSG00000162783

1	179362813	179363296	179363067	21	34	16	2.139743909	0.00367586	IER5	ENSG00000162783
1	179370254	179371468	179370910	981	1270	26	48.92428215	0	IER5	ENSG00000162783
1	179371517	179371744	179371637	8	11	5	2.078608368	0.0614303	IER5	ENSG00000162783
1	179371762	179372218	179371939	12	23	6	3.563328632	0.000497701	IER5	ENSG00000162783
1	179378293	179378508	179378386	11	11	7	1.558956276	0.158273	IER5	ENSG00000162783
1	179427351	179427588	179427469	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000179452
1	179543951	179544163	179544059	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000179452
1	179548383	179548598	179548427	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000179452
1	179660673	179660949	179660811	15	19	7	2.598260461	0.00730518		ENSG00000208272
1	179661399	179661685	179661574	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000208272
1	179712033	179712233	179712118	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179715119	179715317	179715215	8	9	8	1.154782427	0.375434	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179740830	179741030	179740932	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179757455	179758154	179757735	87	124	13	9.279501645	2.11E-25	CACNA1E	ENSG00000198216
1	179819540	179819740	179819657	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CACNA1E	ENSG00000198216
1	180382078	180382464	180382285	24	31	4	6.651546779	5.59E-07		ENSG00000217074
1	180480333	180480558	180480445	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000217074
1	180837166	180837477	180837321	9	11	4	2.494330042	0.0324033	RGS16	ENSG00000143333
1	180869369	180869774	180869615	17	22	8	2.655999582	0.0039122	RGS16	ENSG00000143333
1	180879242	180879907	180879645	131	192	6	28.65510108	2.69E-51	RGS8	ENSG00000135824
1	180882568	180882751	180882659	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RGS8	ENSG00000135824
1	180932766	180932947	180932815	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RGS8	ENSG00000135824
1	180996942	180997644	180997292	164	228	0	238.0006582	1.34E-71	NPL	ENSG00000135838
1	181018460	181018655	181018558	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NPL	ENSG00000135838
1	181098054	181098245	181098149	9	9	1	5.196520921	0.00490062	DHX9	ENSG00000135829
1	181126745	181126945	181126813	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000220174
1	181198296	181198679	181198475	17	23	5	4.157216737	0.000186738		ENSG00000176855
1	181395798	181396102	181395929	23	26	9	2.806121297	0.00135991	LAMC2	ENSG00000058085
1	181550043	181550333	181550188	9	12	3	3.377738599	0.00867157	NMNAT2	ENSG00000157064
1	181585123	181585545	181585272	14	21	6	3.266384579	0.0013436	NMNAT2	ENSG00000157064
1	181706301	181706482	181706391	8	8	4	1.870747532	0.118863	SMG7	ENSG00000116698
1	181706960	181707140	181707057	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SMG7	ENSG00000116698
1	181707270	181708152	181707711	12	38	23	1.688869299	0.019531	SMG7	ENSG00000116698
1	181933728	181934001	181933864	10	10	3	2.858086507	0.0242838	APOBEC4	ENSG00000173627

1	181955197	181955409	181955303	8	11	1	6.235825105	0.0013754	APOBEC4	ENSG00000173627
1	182040520	182040859	182040689	9	13	5	2.425043097	0.0262442	RGL1	ENSG00000143344
1	182151722	182152004	182151836	12	14	7	1.948695345	0.0559175	GLT25D2	ENSG00000198756
1	182261061	182261378	182261219	11	15	4	3.32577339	0.00462646	GLT25D2	ENSG00000198756
1	182261717	182261912	182261825	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GLT25D2	ENSG00000198756
1	182392335	182392613	182392474	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000199840
1	182430380	182430607	182430493	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000199840
1	182570238	182570443	182570327	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000222967
1	182644211	182644679	182644480	14	24	19	1.29913023	0.189		ENSG00000221414
1	182654288	182654601	182654444	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000221414
1	182659942	182660172	182660063	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000221414
1	182680781	182680960	182680822	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000221414
1	182693417	182693596	182693471	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000221414
1	182703842	182704037	182703937	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000221414
1	182777624	182777923	182777773	11	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000217919
1	182781336	182781607	182781476	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000217919
1	182807256	182807470	182807363	8	8	4	1.870747532	0.118863	C1orf21	ENSG00000116667
1	182826236	182826419	182826308	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C1orf21	ENSG00000116667
1	182833427	182833606	182833516	8	8	7	1.169217207	0.371848	C1orf21	ENSG00000116667
1	183141079	183141758	183141339	12	29	11	2.598260461	0.00146165	FAM129A	ENSG00000135842
1	183165742	183165971	183165856	11	12	5	2.251825733	0.0404733	FAM129A	ENSG00000135842
1	183217858	183218248	183218125	9	15	4	3.32577339	0.00462646	FAM129A	ENSG00000135842
1	183237085	183237346	183237215	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000201312
1	183255086	183255276	183255181	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000201312
1	183353723	183353902	183353812	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C1orf25	ENSG00000121486
1	183392707	183392992	183392853	10	13	7	1.818782322	0.0805123	C1orf26	ENSG00000116668
1	183553204	183553589	183553396	15	23	10	2.267572766	0.00903625	IVNS1ABP	ENSG00000116679
1	183659631	183659900	183659786	10	12	2	4.503651465	0.002963	IVNS1ABP	ENSG00000116679
1	183807801	183808010	183807856	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000207108
1	183872962	183873193	183873087	14	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000201596
1	183882021	183882376	183882198	13	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000201596
1	183888820	183888999	183888855	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000201596
1	183932594	183932774	183932653	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HMCN1	ENSG00000143341
1	183956004	183956190	183956029	9	9	0	10.39304184	0.000803859	HMCN1	ENSG00000143341

1	184318025	184318241	184318133	10	11	8	1.385738912	0.224757	PRG4	ENSG00000116690
1	184388287	184388980	184388582	22	49	12	3.997323786	2.85E-07	PRG4	ENSG00000116690
1	184448412	184448699	184448550	9	12	4	2.702190879	0.0203088	PRG4	ENSG00000116690
1	184553645	184553824	184553734	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000202025
1	184559440	184559619	184559513	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000202025
1	184610947	184611426	184611320	8	18	10	1.795161773	0.055383	TPR	ENSG00000047410
1	184611433	184611827	184611630	9	18	12	1.518983039	0.117837	C1orf27	ENSG00000157181
1	185163702	185163913	185163807	9	9	6	1.484720263	0.204387	PLA2G4A	ENSG00000116711
1	185643887	185644317	185644126	25	36	2	12.81808494	7.17E-10		ENSG00000203918
1	185644322	185644557	185644439	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000203918
1	185866390	185866923	185866630	19	35	0	37.41495063	7.22E-12		ENSG00000217211
1	185874442	185874880	185874667	52	66	1	34.81669017	6.47E-20		ENSG00000217712
1	186297639	186297927	186297783	12	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000150732
1	186725050	186725428	186725253	13	19	27	0.742360132	0.849695		ENSG00000217509
1	186735574	186735832	186735691	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000217509
1	186892655	186892852	186892747	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000217509
1	187005792	187005996	187005898	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000218573
1	187105661	187105873	187105743	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000218573
1	187387253	187387472	187387346	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000219973
1	187413580	187413791	187413708	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000219973
1	188445006	188445260	188445171	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000217253
1	188609532	188609717	188609624	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FAM5C	ENSG00000162670
1	188688609	188688789	188688694	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM5C	ENSG00000162670
1	188713825	188714013	188713928	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FAM5C	ENSG00000162670
1	188714157	188714383	188714270	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM5C	ENSG00000162670
1	188905554	188905740	188905647	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000218693
1	189301566	189301877	189301721	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000217637
1	189378245	189378511	189378385	11	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000217637
1	189944894	189945247	189945070	13	18	1	9.87338975	1.41E-05	RGS18	ENSG00000150681
1	190137364	190137808	190137586	21	31	2	11.0859113	1.93E-08	RGS18	ENSG00000150681
1	191137295	191137647	191137468	19	23	2	8.314433474	3.41E-06		ENSG00000223075
1	191295110	191295667	191295421	13	29	12	2.398394271	0.00272121	TROVE2	ENSG00000116747
1	191357557	191357741	191357660	10	10	2	3.810782009	0.00936112	CDC73	ENSG00000134371
1	192771063	192771486	192771285	58	69	2	24.25043097	1.48E-19		ENSG00000208230

1	193554339	193554692	193554515	9	14	0	15.58956276	2.28E-05		
1	194025170	194025359	194025218	8	10	1	5.716173013	0.00260397		
1	194598134	194598335	194598240	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KCNT2	ENSG00000162687
1	195366583	195366805	195366664	10	10	3	2.858086507	0.0242838	ASPM	ENSG00000066279
1	195437203	195437547	195437375	8	14	8	1.73217364	0.0890835	ZBTB41	ENSG00000177888
1	195458006	195458194	195458147	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216992
1	195671569	195671751	195671627	10	10	2	3.810782009	0.00936112	CRB1	ENSG00000134376
1	195721419	195721906	195721727	14	23	8	2.771477825	0.00251818	CRB1	ENSG00000134376
1	196391943	196392153	196392051	12	14	8	1.73217364	0.0890835	NEK7	ENSG00000151414
1	196581994	196582209	196582163	8	8	5	1.558956276	0.191397	NEK7	ENSG00000151414
1	196632466	196632671	196632525	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ATP6V1G3	ENSG00000151418
1	196641723	196641917	196641820	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ATP6V1G3	ENSG00000151418
1	196651745	196651963	196651838	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ATP6V1G3	ENSG00000151418
1	196659451	196659673	196659562	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ATP6V1G3	ENSG00000151418
1	196770055	196770296	196770175	11	12	4	2.702190879	0.0203088	ATP6V1G3	ENSG00000151418
1	196908029	196908276	196908152	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000219393
1	196935102	196935573	196935235	10	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000219393
1	196986493	196986772	196986645	9	10	12	0.879411233	0.62639		ENSG00000219393
1	197007448	197007667	197007565	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000207975
1	197045457	197045663	197045493	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207975
1	197126463	197126667	197126565	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000207759
1	197168237	197168471	197168355	8	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000177287
1	197168569	197168823	197168694	14	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000177287
1	197171183	197171514	197171348	12	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000177287
1	197172983	197173329	197173097	10	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000177287
1	197175109	197175353	197175231	9	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000177287
1	197764703	197764936	197764811	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208226
1	197766913	197767204	197767050	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000208226
1	198024373	198024559	198024456	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218096
1	198144673	198145227	198145048	23	37	5	6.582259834	6.53E-08		ENSG00000216458
1	198184707	198185162	198184920	131	169	5	29.44695189	1.12E-45		ENSG00000216458
1	198275347	198275594	198275470	10	13	2	4.850086193	0.00164564	NR5A2	ENSG00000116833
1	198330886	198331115	198331046	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000208220
1	198342806	198343254	198342968	10	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000221403

1	198375481	198375782	198375639	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000221403
1	198397666	198397876	198397771	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000220390
1	198419977	198420219	198420098	9	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000217193
1	198434976	198435174	198435099	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000217193
1	198500693	198500943	198500818	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000217193
1	198511985	198512164	198512061	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213045
1	198515444	198515816	198515683	10	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000213045
1	198531839	198532043	198531967	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000213045
1	198552400	198552632	198552516	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000213045
1	198555724	198556006	198555876	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000213045
1	198607882	198608182	198608023	9	9	5	1.73217364	0.133894	C1orf98	ENSG00000203721
1	198612741	198612985	198612863	8	10	5	1.905391004	0.0915982	C1orf98	ENSG00000203721
1	198646263	198646662	198646538	12	19	9	2.078608368	0.0241848	ZNF281	ENSG00000162702
1	198713418	198713669	198713543	9	11	13	0.890832158	0.618492	ZNF281	ENSG00000162702
1	198724501	198724713	198724603	11	11	6	1.781664316	0.103344	ZNF281	ENSG00000162702
1	198745962	198746187	198746074	11	13	6	2.078608368	0.0483393	ZNF281	ENSG00000162702
1	198890222	198890425	198890320	9	10	2	3.810782009	0.00936112	DDX59	ENSG00000118197
1	198905031	198905238	198905137	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DDX59	ENSG00000118197
1	198905892	198906281	198906052	8	15	2	5.542955649	0.000497081	DDX59	ENSG00000118197
1	198993547	198993726	198993636	8	8	9	0.935373766	0.560286	CAMSAP1L1	ENSG00000118200
1	199038679	199038953	199038793	12	14	11	1.29913023	0.246308	RPL34P1	ENSG00000218506
1	199215383	199215616	199215488	9	9	2	3.464347281	0.0163838	KIF21B	ENSG00000116852
1	199278686	199279045	199278865	11	18	8	2.194086611	0.0206188	KIF21B	ENSG00000116852
1	199285691	199285872	199285742	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KIF21B	ENSG00000116852
1	199349940	199350505	199350294	12	29	3	7.794781382	4.12E-07		ENSG00000217218
1	199384921	199385157	199385039	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TMEM9	ENSG00000116857
1	199385407	199385601	199385521	10	11	4	2.494330042	0.0324033	TMEM9	ENSG00000116857
1	199390197	199390547	199390439	9	14	11	1.29913023	0.246308	TMEM9	ENSG00000116857
1	199406218	199406504	199406370	11	14	2	5.196520921	0.000907371	TMEM9	ENSG00000116857
1	199406634	199407033	199406765	15	20	2	7.27512929	2.27E-05	TMEM9	ENSG00000116857
1	199409506	199409824	199409684	8	11	6	1.781664316	0.103344	TMEM9	ENSG00000116857
1	199420761	199420957	199420912	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TMEM9	ENSG00000116857
1	199517759	199517948	199517853	9	10	5	1.905391004	0.0915982	PKP1	ENSG00000081277
1	199518085	199518366	199518215	10	11	4	2.494330042	0.0324033	PKP1	ENSG00000081277

1	199524519	199524713	199524616	10	10	1	5.716173013	0.00260397	PKP1	ENSG00000081277
1	199545182	199545460	199545326	12	14	9	1.558956276	0.132279	PKP1	ENSG00000081277
1	199610784	199611222	199611068	8	14	2	5.196520921	0.000907371	TNNT2	ENSG00000118194
1	199611907	199612106	199612006	8	8	5	1.558956276	0.191397	TNNT2	ENSG00000118194
1	199616859	199617062	199616926	10	12	7	1.688869299	0.11395	TNNT2	ENSG00000118194
1	199635964	199636213	199636048	11	11	4	2.494330042	0.0324033	LAD1	ENSG00000159166
1	199671506	199671751	199671628	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TNNI1	ENSG00000159173
1	199696891	199697424	199697031	14	24	6	3.711800658	0.000299603	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199702151	199702333	199702242	8	9	4	2.078608368	0.0785659	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199704700	199705163	199704879	92	102	6	15.29261871	4.99E-25	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199705170	199705455	199705339	11	14	3	3.897390691	0.00295882	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199715999	199716279	199716147	9	12	6	1.930136342	0.071303	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199716281	199716635	199716458	16	22	5	3.983999373	0.000317941	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199717878	199718342	199718206	9	17	7	2.338434415	0.0171287	PHLDA3	ENSG00000174307
1	199748636	199748969	199748803	18	22	11	1.991999686	0.0221672	CSRP1	ENSG00000159176
1	199758924	199759271	199759101	10	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000218820
1	199766420	199766795	199766635	13	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000218820
1	199774121	199774329	199774189	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000218820
1	199776521	199777053	199776742	12	27	10	2.64550156	0.00175911		ENSG00000218820
1	199786412	199786608	199786508	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000218820
1	199792648	199792921	199792787	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000218820
1	199795529	199795898	199795724	10	14	11	1.29913023	0.246308		ENSG00000218820
1	199809867	199810076	199809976	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NAV1	ENSG00000134369
1	199830278	199830724	199830550	8	17	6	2.672496474	0.00882337	NAV1	ENSG00000134369
1	199875647	199875834	199875716	8	9	3	2.598260461	0.0397929	NAV1	ENSG00000134369
1	199886262	199886540	199886422	10	13	2	4.850086193	0.00164564	NAV1	ENSG00000134369
1	199945455	199945634	199945544	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000184965
1	199975268	199975587	199975434	10	14	8	1.73217364	0.0890835	NAV1	ENSG00000134369
1	199977450	199977696	199977590	8	9	8	1.154782427	0.375434	NAV1	ENSG00000134369
1	200254268	200254832	200254653	20	41	16	2.56769269	0.000253248	ELF3	ENSG00000163435
1	200254840	200255090	200254954	8	10	6	1.63319229	0.146906	ELF3	ENSG00000163435
1	200258778	200259020	200258899	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000220486
1	200270576	200270844	200270674	8	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000217849
1	200281968	200282650	200282147	31	58	29	2.043964896	0.000488218		ENSG00000217849

1	200292316	200293220	200292517	66	134	22	6.10026369	2.76E-22		ENSG00000217849
1	200293938	200294244	200294091	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000217849
1	200294464	200294674	200294548	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000217849
1	200322710	200322925	200322792	14	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000216268
1	200337051	200337230	200337140	8	8	8	1.039304184	0.46786		ENSG00000216268
1	200341662	200342080	200341915	9	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000216268
1	200342145	200342429	200342287	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000216268
1	200342853	200343489	200343310	13	32	10	3.117912553	0.000190324		ENSG00000216268
1	200343855	200344281	200344121	8	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000216268
1	200350837	200351042	200350939	10	10	3	2.858086507	0.0242838	GPR37L1	ENSG00000170075
1	200354729	200355013	200354857	17	20	6	3.117912553	0.00218114	GPR37L1	ENSG00000170075
1	200368278	200368753	200368603	10	18	5	3.291129917	0.00248584	GPR37L1	ENSG00000170075
1	200392631	200392868	200392716	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PTPN7	ENSG00000143851
1	200435997	200436475	200436249	11	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000208212
1	200472862	200473455	200473085	78	98	8	11.43234603	3.69E-22		ENSG00000208209
1	200503848	200504182	200504015	10	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000208209
1	200510393	200510603	200510478	8	8	8	1.039304184	0.46786		ENSG00000208209
1	200551463	200551665	200551585	8	8	9	0.935373766	0.560286	UBE2T	ENSG00000077152
1	200584185	200584695	200584347	10	19	12	1.598929514	0.0887417	PPP1R12B	ENSG00000077157
1	200589962	200590274	200590111	12	16	5	2.944695189	0.00659886	PPP1R12B	ENSG00000077157
1	200811981	200812333	200812154	9	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000212880
1	200907195	200907431	200907342	9	11	5	2.078608368	0.0614303	SYT2	ENSG00000143858
1	200921475	200921697	200921586	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SYT2	ENSG00000143858
1	200955473	200955670	200955571	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SYT2	ENSG00000143858
1	201030093	201030302	201030235	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000216668
1	201044095	201044452	201044273	12	18	8	2.194086611	0.0206188	JARID1B	ENSG00000117139
1	201072073	201072704	201072388	10	28	20	1.435229588	0.100491		ENSG00000184774
1	201073792	201073975	201073883	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000184774
1	201080027	201080313	201080146	13	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000220471
1	201088082	201088360	201088221	16	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000220471
1	201096503	201096682	201096540	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000220471
1	201107216	201107408	201107314	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000217627
1	201124710	201124970	201124840	10	13	10	1.32275078	0.240023	RABIF	ENSG00000183155
1	201162585	201163319	201162742	19	45	12	3.677537883	2.09E-06	KLHL12	ENSG00000117153

1	201180532	201180965	201180812	9	16	8	1.963130126	0.0441028	ADIPOR1	ENSG00000159346
1	201192713	201192912	201192871	8	8	5	1.558956276	0.191397	ADIPOR1	ENSG00000159346
1	201194963	201195238	201195091	15	16	5	2.944695189	0.00659886	ADIPOR1	ENSG00000159346
1	201196891	201197099	201197012	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ADIPOR1	ENSG00000159346
1	201201133	201201339	201201268	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CYB5R1	ENSG00000159348
1	201238158	201238804	201238434	53	81	5	14.20382385	5.65E-20		ENSG00000218804
1	201242862	201243155	201243008	13	16	11	1.472347594	0.147517	TMEM183B	ENSG00000163444
1	201261565	201261754	201261615	8	9	4	2.078608368	0.0785659	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201261902	201262128	201262015	8	9	5	1.73217364	0.133894	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201262561	201262746	201262653	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201275252	201275460	201275361	10	10	5	1.905391004	0.0915982	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201290326	201290531	201290428	9	10	5	1.905391004	0.0915982	PPFIA4	ENSG00000143847
1	201313397	201313672	201313534	9	12	1	6.755477198	0.000722752	MYOG	ENSG00000122180
1	201357616	201357895	201357755	8	11	7	1.558956276	0.158273	ADORA1	ENSG00000163485
1	201399179	201399373	201399239	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MYBPH	ENSG00000133055
1	201402325	201402566	201402445	13	13	5	2.425043097	0.0262442	MYBPH	ENSG00000133055
1	201452040	201452288	201452211	10	12	14	0.900730293	0.611333	CHIT1	ENSG00000133063
1	201453034	201453335	201453175	8	13	4	2.910051716	0.0125532	CHIT1	ENSG00000133063
1	201462002	201462274	201462124	13	15	7	2.078608368	0.038229	CHIT1	ENSG00000133063
1	201464646	201464833	201464765	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CHIT1	ENSG00000133063
1	201488577	201488853	201488726	14	18	0	19.7467795	1.32E-06	NECAP1	ENSG00000219801
1	201502983	201503344	201503162	11	17	14	1.247165021	0.261378	NECAP1	ENSG00000219801
1	201504880	201505107	201504993	8	10	7	1.429043253	0.21536	NECAP1	ENSG00000219801
1	201509030	201509217	201509078	8	8	5	1.558956276	0.191397	NECAP1	ENSG00000219801
1	201516990	201517256	201517105	10	12	5	2.251825733	0.0404733	BTG2	ENSG00000159388
1	201518043	201518250	201518174	8	8	4	1.870747532	0.118863	BTG2	ENSG00000159388
1	201525067	201525292	201525179	10	11	1	6.235825105	0.0013754	BTG2	ENSG00000159388
1	201539331	201539540	201539396	10	11	4	2.494330042	0.0324033	BTG2	ENSG00000159388
1	201541090	201541484	201541306	32	41	6	6.235825105	2.48E-08	BTG2	ENSG00000159388
1	201542076	201542721	201542428	48	81	7	10.65286789	2.80E-18	BTG2	ENSG00000159388
1	201552437	201553033	201552616	19	34	8	4.041738494	1.22E-05		ENSG00000202300
1	201562964	201563157	201563000	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000202300
1	201563224	201563446	201563381	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000202300
1	201563623	201563979	201563754	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000202300

1	201575878	201576190	201576012	12	14	13	1.113540197	0.385405	FMOD	ENSG00000122176
1	201578325	201578615	201578495	9	11	4	2.494330042	0.0324033	FMOD	ENSG00000122176
1	201646280	201646491	201646383	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000219588
1	201660616	201660874	201660745	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PRELP	ENSG00000188783
1	201723084	201723956	201723497	11	34	16	2.139743909	0.00367586	OPTC	ENSG00000188770
1	201762579	201762769	201762731	8	8	1	4.676868829	0.0091584	OPTC	ENSG00000188770
1	201808468	201808732	201808560	10	13	1	7.27512929	0.000378098	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201829389	201829797	201829618	11	18	13	1.41048425	0.160361	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201861479	201861674	201861584	10	10	6	1.63319229	0.146906	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201861939	201862147	201862024	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201924460	201924704	201924598	8	11	1	6.235825105	0.0013754	ATP2B4	ENSG00000058668
1	201968929	201969144	201969036	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000221643
1	202031811	202032013	202031912	10	11	2	4.157216737	0.0052913	ZC3H11A	ENSG00000058673
1	202074787	202075252	202074966	13	24	8	2.886956067	0.00160675		ENSG00000216908
1	202096761	202096940	202096810	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SNRPEL1	ENSG00000182004
1	202097097	202097506	202097294	12	21	5	3.810782009	0.000537724	SNRPEL1	ENSG00000182004
1	202106613	202106872	202106742	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000216997
1	202165579	202165920	202165703	11	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000218299
1	202169966	202170145	202170055	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000218299
1	202231950	202232185	202232067	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000211554
1	202235901	202236134	202235987	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000211554
1	202239346	202239572	202239447	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000211554
1	202254161	202254385	202254301	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000211554
1	202316033	202316476	202316280	9	19	4	4.157216737	0.000560204	SOX13	ENSG00000143842
1	202320056	202320602	202320230	12	25	8	3.00243431	0.0010168	SOX13	ENSG00000143842
1	202320761	202321156	202320933	9	16	9	1.766817113	0.0700694	SOX13	ENSG00000143842
1	202338751	202338954	202338802	9	10	4	2.286469205	0.0509017	SOX13	ENSG00000143842
1	202363433	202363828	202363531	13	19	9	2.078608368	0.0241848	ETNK2	ENSG00000143845
1	202364548	202364740	202364644	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ETNK2	ENSG00000143845
1	202376969	202377334	202377145	14	18	7	2.468347438	0.0112499	ETNK2	ENSG00000143845
1	202384813	202385339	202384996	14	25	8	3.00243431	0.0010168	ETNK2	ENSG00000143845
1	202386475	202386840	202386628	9	16	9	1.766817113	0.0700694	ETNK2	ENSG00000143845
1	202398174	202398427	202398300	11	13	8	1.616695398	0.123553	REN	ENSG00000143839
1	202419761	202419988	202419901	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000218951

1	202424444	202424637	202424540	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000218951
1	202442847	202443155	202442998	12	14	4	3.117912553	0.00766354	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202449822	202450187	202450016	10	16	9	1.766817113	0.0700694	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202462012	202462410	202462239	9	15	7	2.078608368	0.038229	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202492242	202492448	202492345	10	10	4	2.286469205	0.0509017	GOLT1A	ENSG00000174567
1	202522291	202522637	202522516	9	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000219133
1	202522647	202523291	202522982	16	30	16	1.895201748	0.0144147		ENSG00000219133
1	202524149	202524365	202524234	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000219133
1	202549818	202550072	202549945	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000219133
1	202550245	202550643	202550473	9	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000219133
1	202554351	202554530	202554483	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000219133
1	202555259	202555812	202555438	18	33	11	2.944695189	0.000258336		ENSG00000219133
1	202556293	202556624	202556458	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000219133
1	202566111	202566291	202566200	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000219133
1	202572726	202572944	202572847	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000219133
1	202599431	202599691	202599561	10	13	5	2.425043097	0.0262442	PLEKHA6	ENSG00000143850
1	202601705	202602024	202601878	8	12	5	2.251825733	0.0404733	PLEKHA6	ENSG00000143850
1	202613910	202614180	202614045	9	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000220782
1	202616193	202616632	202616384	17	26	7	3.507651622	0.000274507		ENSG00000220782
1	202619274	202619549	202619411	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000220782
1	202634141	202634666	202634440	18	31	10	3.023430354	0.000301033		ENSG00000220782
1	202646579	202646810	202646683	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202647181	202647599	202647436	13	18	10	1.795161773	0.055383	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202652867	202653283	202653021	15	22	12	1.838768941	0.0349935	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202653308	202653673	202653474	14	20	9	2.182538787	0.0165356	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202654535	202654841	202654688	8	12	1	6.755477198	0.000722752	PPP1R15B	ENSG00000158615
1	202667074	202667450	202667316	8	13	9	1.455025858	0.177172	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202678831	202679316	202679010	10	20	8	2.425043097	0.00917565	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202714185	202714371	202714233	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202715415	202715822	202715594	14	22	16	1.406117426	0.139742	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202730705	202731085	202730908	11	16	12	1.359090087	0.198699	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202736164	202736455	202736311	10	10	6	1.63319229	0.146906	PIK3C2B	ENSG00000133056
1	202738994	202739251	202739143	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MDM4	ENSG00000198625
1	202742214	202742545	202742379	16	21	26	0.846840446	0.721382	MDM4	ENSG00000198625

1	202742755	202743053	202742894	14	16	17	0.981565063	0.523072	MDM4	ENSG00000198625
1	202745143	202745548	202745305	33	42	0	44.69007992	4.92E-14	MDM4	ENSG00000198625
1	202751806	202752421	202752242	21	38	11	3.377738599	2.57E-05	MDM4	ENSG00000198625
1	202760583	202761212	202760818	189	240	13	17.89087917	9.23E-58	MDM4	ENSG00000198625
1	202797310	202797564	202797435	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000200408
1	202797658	202797891	202797820	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000200408
1	202801375	202801783	202801707	8	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000200408
1	202856886	202857119	202857002	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LRRN2	ENSG00000170382
1	202883367	202883588	202883477	8	9	7	1.29913023	0.286504	LRRN2	ENSG00000170382
1	202944529	202944736	202944597	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000208201
1	202967048	202967261	202967165	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000221071
1	203140259	203140545	203140402	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NFASC	ENSG00000163531
1	203160319	203160626	203160482	13	17	10	1.700679574	0.0766266	NFASC	ENSG00000163531
1	203211384	203211836	203211676	9	16	9	1.766817113	0.0700694	NFASC	ENSG00000163531
1	203224983	203225323	203225177	9	13	14	0.970017239	0.534076	NFASC	ENSG00000163531
1	203235178	203235416	203235333	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CNTN2	ENSG00000184144
1	203239262	203239483	203239372	11	11	8	1.385738912	0.224757	CNTN2	ENSG00000184144
1	203249621	203250216	203250037	50	68	7	8.963998589	9.54E-15	CNTN2	ENSG00000184144
1	203297348	203297593	203297470	12	15	11	1.385738912	0.19225	CNTN2	ENSG00000184144
1	203326609	203326825	203326755	8	10	5	1.905391004	0.0915982	TMEM81	ENSG00000174529
1	203357674	203358250	203358071	22	37	12	3.037966077	9.04E-05	RBBP5	ENSG00000117222
1	203373849	203374085	203373967	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000217567
1	203447272	203447659	203447445	37	44	7	5.846086036	1.65E-08	RIPK5	ENSG00000133059
1	203542911	203543090	203543000	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NUAK2	ENSG00000163545
1	203557501	203557806	203557660	8	9	5	1.73217364	0.133894	NUAK2	ENSG00000163545
1	203570500	203570706	203570585	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NUAK2	ENSG00000163545
1	203571399	203571779	203571600	10	17	13	1.336248237	0.204556	NUAK2	ENSG00000163545
1	203601732	203602036	203601893	8	12	7	1.688869299	0.11395	KLHDC8A	ENSG00000162873
1	203651587	203651791	203651713	9	9	3	2.598260461	0.0397929	LEMD1	ENSG00000186007
1	203666587	203666789	203666688	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LEMD1	ENSG00000186007
1	203689276	203689586	203689431	9	9	0	10.39304184	0.000803859	LEMD1	ENSG00000186007
1	203705372	203705596	203705549	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LEMD1	ENSG00000186007
1	203713772	203714262	203713978	8	18	3	4.936694875	0.000311102	PCTK3	ENSG00000117266
1	203779013	203779666	203779192	12	28	18	1.586306386	0.0554746	MFSD4	ENSG00000174514

1	203799683	203799869	203799748	8	9	6	1.484720263	0.204387	MFSD4	ENSG00000174514
1	203801168	203801453	203801277	9	12	1	6.755477198	0.000722752	MFSD4	ENSG00000174514
1	203801594	203801783	203801688	9	10	6	1.63319229	0.146906	MFSD4	ENSG00000174514
1	203813834	203814067	203813936	9	9	4	2.078608368	0.0785659	MFSD4	ENSG00000174514
1	203827691	203828022	203827849	15	18	9	1.97467795	0.0349428		ENSG00000206762
1	203866672	203867228	203866832	12	24	6	3.711800658	0.000299603	ELK4	ENSG00000158711
1	203867693	203868086	203867814	19	25	4	5.404381758	1.92E-05	ELK4	ENSG00000158711
1	203869389	203869568	203869478	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ELK4	ENSG00000158711
1	203871570	203871828	203871699	12	14	2	5.196520921	0.000907371	ELK4	ENSG00000158711
1	203907721	203908254	203908075	10	22	7	2.98799953	0.00188278	SLC45A3	ENSG00000158715
1	203917264	203917503	203917383	9	11	4	2.494330042	0.0324033	SLC45A3	ENSG00000158715
1	203946898	203947137	203946989	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000201944
1	203984650	203985045	203984866	10	17	13	1.336248237	0.204556	NUCKS1	ENSG00000069275
1	203985053	203985259	203985166	8	9	5	1.73217364	0.133894	NUCKS1	ENSG00000069275
1	203985266	203985525	203985407	13	17	6	2.672496474	0.00882337	NUCKS1	ENSG00000069275
1	203985536	203986531	203986343	15	51	9	5.404381758	3.86E-09	NUCKS1	ENSG00000069275
1	204005682	204005887	204005784	8	10	2	3.810782009	0.00936112	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204006437	204006650	204006543	11	12	11	1.125912866	0.382541	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204011001	204011506	204011349	9	18	1	9.87338975	1.41E-05	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204027392	204027682	204027537	10	12	4	2.702190879	0.0203088	RAB7L1	ENSG00000117280
1	204034363	204034615	204034489	9	12	9	1.35109544	0.232899	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204036811	204037117	204036964	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204047537	204047718	204047615	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC41A1	ENSG00000133065
1	204154998	204155211	204155156	9	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204159887	204160066	204159976	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204175494	204175826	204175656	8	12	5	2.251825733	0.0404733	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204182807	204183083	204182945	19	19	4	4.157216737	0.000560204	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204184425	204184858	204184679	8	18	3	4.936694875	0.000311102	SLC26A9	ENSG00000174502
1	204366009	204366334	204366183	9	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000219978
1	204394683	204394864	204394799	8	8	6	1.336248237	0.277651	AVPR1B	ENSG00000198049
1	204477051	204477252	204477151	8	10	4	2.286469205	0.0509017	CTSE	ENSG00000196188
1	204655785	204656004	204655922	8	8	4	1.870747532	0.118863	IKBKE	ENSG00000143466
1	204664901	204665180	204665040	10	12	4	2.702190879	0.0203088	IKBKE	ENSG00000143466
1	204685642	204685844	204685743	8	9	0	10.39304184	0.000803859	IKBKE	ENSG00000143466

1	204689656	204690044	204689835	8	15	10	1.511715177	0.140236	IKBKE	ENSG00000143466
1	204704450	204704637	204704543	8	8	3	2.338434415	0.0641221	IKBKE	ENSG00000143466
1	204730108	204730332	204730211	10	12	4	2.702190879	0.0203088	C1orf147	ENSG00000162888
1	204750215	204750438	204750326	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RASSF5	ENSG00000136653
1	204761164	204761407	204761271	9	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000218386
1	204823586	204823789	204823687	8	8	5	1.558956276	0.191397	RASSF5	ENSG00000136653
1	204826667	204827134	204826883	20	32	13	2.449788434	0.00149869	LGTN	ENSG00000143486
1	204830749	204830960	204830814	9	9	0	10.39304184	0.000803859	LGTN	ENSG00000143486
1	204847968	204848157	204848062	8	9	7	1.29913023	0.286504	LGTN	ENSG00000143486
1	204852082	204852915	204852458	15	37	16	2.323150529	0.00121592	LGTN	ENSG00000143486
1	204874758	204875063	204874910	9	9	6	1.484720263	0.204387	DYRK3	ENSG00000143479
1	204887013	204887439	204887230	11	19	1	10.39304184	7.23E-06	DYRK3	ENSG00000143479
1	204903730	204903999	204903864	11	14	2	5.196520921	0.000907371	MAPKAPK2	ENSG00000162889
1	204940535	204940743	204940639	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000216783
1	204942173	204942392	204942336	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000216783
1	204954732	204954996	204954859	10	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000216783
1	204978533	204978879	204978706	9	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000199349
1	204979028	204979424	204979191	16	20	7	2.728173484	0.00469378		ENSG00000199349
1	205001499	205001749	205001624	9	10	5	1.905391004	0.0915982	IL10	ENSG00000136634
1	205010592	205010803	205010697	8	8	0	9.353737658	0.00163931	IL10	ENSG00000136634
1	205050076	205050294	205050161	8	8	4	1.870747532	0.118863	IL19	ENSG00000142224
1	205065372	205065683	205065527	11	14	1	7.794781382	0.000197021	IL19	ENSG00000142224
1	205066430	205066930	205066668	28	45	4	9.561598495	9.80E-11	IL19	ENSG00000142224
1	205087877	205088229	205088053	17	23	6	3.563328632	0.000497701	IL20	ENSG00000162891
1	205096425	205096747	205096586	15	19	2	6.928694562	4.25E-05	IL20	ENSG00000162891
1	205096868	205097066	205096965	11	11	5	2.078608368	0.0614303	IL20	ENSG00000162891
1	205104018	205104286	205104149	10	12	7	1.688869299	0.11395	IL20	ENSG00000162891
1	205104870	205105626	205105164	25	62	34	1.870747532	0.00114471	IL20	ENSG00000162891
1	205113636	205114157	205113911	14	25	7	3.377738599	0.000449165	IL20	ENSG00000162891
1	205116336	205116600	205116465	11	13	2	4.850086193	0.00164564	IL20	ENSG00000162891
1	205124672	205124906	205124809	10	10	7	1.429043253	0.21536	IL24	ENSG00000162892
1	205135251	205136131	205135567	15	48	21	2.314813865	0.000307138	IL24	ENSG00000162892
1	205136323	205136561	205136421	9	11	7	1.558956276	0.158273	IL24	ENSG00000162892
1	205136564	205136748	205136594	9	10	5	1.905391004	0.0915982	IL24	ENSG00000162892

1	205138692	205139037	205138869	8	12	2	4.503651465	0.002963	IL24	ENSG00000162892
1	205139554	205139800	205139677	8	11	5	2.078608368	0.0614303	IL24	ENSG00000162892
1	205141500	205141748	205141631	8	9	6	1.484720263	0.204387	IL24	ENSG00000162892
1	205143399	205144090	205143793	34	61	36	1.741536741	0.00319059		ENSG00000217798
1	205148605	205148912	205148736	11	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000217798
1	205148991	205149382	205149203	10	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000217798
1	205157990	205158188	205158113	10	10	7	1.429043253	0.21536	FAIM3	ENSG00000162894
1	205158344	205158523	205158430	8	8	4	1.870747532	0.118863	FAIM3	ENSG00000162894
1	205173298	205173487	205173404	9	9	5	1.73217364	0.133894	FAIM3	ENSG00000162894
1	205175113	205175363	205175238	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PIGR	ENSG00000162896
1	205201654	205202055	205201854	39	51	5	9.00730293	1.28E-11	FCAMR	ENSG00000162897
1	205219415	205219644	205219506	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FCAMR	ENSG00000162897
1	205222094	205222374	205222234	11	12	4	2.702190879	0.0203088	FCAMR	ENSG00000162897
1	205268318	205268616	205268463	11	13	2	4.850086193	0.00164564	C1orf116	ENSG00000182795
1	205272758	205273171	205272930	14	19	6	2.969440526	0.0035096	C1orf116	ENSG00000182795
1	205291621	205291826	205291711	9	9	0	10.39304184	0.000803859	YOD1	ENSG00000180667
1	205394917	205395242	205395079	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000217797
1	205480696	205480997	205480832	17	21	3	5.716173013	5.37E-05		ENSG00000218808
1	205481662	205481880	205481771	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000218808
1	205488814	205488993	205488903	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218808
1	205491123	205491337	205491230	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000218808
1	205556233	205556882	205556703	14	30	14	2.147895314	0.00561491	CD55	ENSG00000196352
1	205561024	205561732	205561458	18	40	5	7.101911926	1.09E-08	CD55	ENSG00000196352
1	206037358	206037619	206037488	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207966
1	206453803	206454030	206453916	10	11	0	12.47165021	0.000193293	PLXNA2	ENSG00000076356
1	207623887	207624382	207624066	52	62	1	32.7380818	1.05E-18		ENSG00000207623
1	207638706	207638913	207638809	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000207623
1	208056424	208056666	208056533	10	10	0	11.43234603	0.000394183	IRF6	ENSG00000117595
1	208561472	208561883	208561628	44	55	2	19.40034477	2.07E-15	HHAT	ENSG00000054392
1	208569060	208569339	208569199	11	14	3	3.897390691	0.00295882	HHAT	ENSG00000054392
1	208859458	208859637	208859547	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HHAT	ENSG00000054392
1	209817263	209817751	209817479	24	42	1	22.34503996	1.13E-12	SLC30A1	ENSG00000170385
1	210836158	210836705	210836526	54	68	4	14.34239774	3.43E-17	ATF3	ENSG00000162772
1	212456847	212457048	212456974	11	11	3	3.117912553	0.0146045	SMYD2	ENSG00000143499

1	212679379	212679885	212679611	238	282	2	98.04102805	2.76E-84		ENSG00000213036
1	212879905	212880085	212879946	9	9	4	2.078608368	0.0785659	CENPF	ENSG00000117724
1	212954213	212954459	212954361	8	10	0	11.43234603	0.000394183	CENPF	ENSG00000117724
1	213017629	213017808	213017765	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000185221
1	213044910	213045173	213045060	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000185221
1	213048969	213049272	213049120	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000185221
1	213103095	213103307	213103178	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000185221
1	213241571	213242023	213241847	28	41	4	8.730155148	1.21E-09	KCNK2	ENSG00000082482
1	213243774	213244056	213243927	9	12	6	1.930136342	0.071303	KCNK2	ENSG00000082482
1	213354005	213354425	213354153	10	17	6	2.672496474	0.00882337	KCNK2	ENSG00000082482
1	213433319	213433596	213433457	9	9	1	5.196520921	0.00490062	KCNK2	ENSG00000082482
1	213456658	213456872	213456765	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KCNK2	ENSG00000082482
1	213507658	213507914	213507803	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000217162
1	213722102	213722434	213722263	10	13	8	1.616695398	0.123553	KCTD3	ENSG00000136636
1	213763564	213763772	213763668	8	9	4	2.078608368	0.0785659	KCTD3	ENSG00000136636
1	213771887	213772101	213771994	9	10	4	2.286469205	0.0509017	KCTD3	ENSG00000136636
1	213807011	213807385	213807198	8	16	7	2.208521392	0.0257604	KCTD3	ENSG00000136636
1	213807986	213808338	213808162	8	13	8	1.616695398	0.123553	KCTD3	ENSG00000136636
1	213810327	213810589	213810458	8	11	1	6.235825105	0.0013754	KCTD3	ENSG00000136636
1	213886980	213887229	213887104	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000202498
1	213931371	213931568	213931449	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000202498
1	214007278	214007535	214007406	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000202498
1	214153069	214153249	214153159	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000202498
1	214327885	214328087	214328008	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000216335
1	214778125	214778396	214778266	8	9	1	5.196520921	0.00490062	USH2A	ENSG00000042781
1	214862042	214862258	214862150	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ESRRG	ENSG00000196482
1	214946455	214946697	214946562	11	11	3	3.117912553	0.0146045	ESRRG	ENSG00000196482
1	215074586	215074773	215074679	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ESRRG	ENSG00000196482
1	215124614	215124942	215124790	8	12	6	1.930136342	0.071303	ESRRG	ENSG00000196482
1	215137616	215137804	215137761	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ESRRG	ENSG00000196482
1	215318226	215318662	215318396	18	26	5	4.676868829	3.65E-05	ESRRG	ENSG00000196482
1	215359653	215359875	215359764	9	10	10	1.039304184	0.464387	ESRRG	ENSG00000196482
1	215366290	215366588	215366459	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ESRRG	ENSG00000196482
1	215413713	215413956	215413789	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ESRRG	ENSG00000196482

1	215516237	215516465	215516351	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000201753
1	215531337	215531530	215531433	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000201753
1	215551092	215551380	215551243	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000201753
1	215612149	215612459	215612273	9	13	12	1.11925066	0.384109		ENSG00000201753
1	215664833	215665154	215665007	11	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000201753
1	215733361	215733587	215733468	8	9	5	1.73217364	0.133894	GPATCH2	ENSG00000092978
1	215739210	215739504	215739366	9	12	5	2.251825733	0.0404733	GPATCH2	ENSG00000092978
1	215814622	215814945	215814783	18	21	8	2.540521339	0.00602138	GPATCH2	ENSG00000092978
1	215914964	215915143	215915059	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SPATA17	ENSG00000162814
1	216193312	216193717	216193569	13	21	16	1.344981885	0.176214	UBBP2	ENSG00000220297
1	216194028	216194231	216194129	8	9	9	1.039304184	0.466079	UBBP2	ENSG00000220297
1	216417919	216418211	216418050	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000201493
1	216440793	216440982	216440881	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000201493
1	216457804	216458024	216457934	8	10	0	11.43234603	0.000394183	RRP15	ENSG00000067533
1	216478616	216478795	216478733	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RRP15	ENSG00000067533
1	216498250	216498582	216498427	8	9	3	2.598260461	0.0397929	RRP15	ENSG00000067533
1	216524669	216525459	216525272	15	38	15	2.533303949	0.00045729	RRP15	ENSG00000067533
1	216601946	216602183	216602031	8	9	6	1.484720263	0.204387	TGFB2	ENSG00000092969
1	216606731	216606952	216606906	10	10	3	2.858086507	0.0242838	TGFB2	ENSG00000092969
1	216620409	216621054	216620588	19	35	12	2.878073126	0.000220273	TGFB2	ENSG00000092969
1	216621491	216621876	216621697	9	15	8	1.847651883	0.0631662	TGFB2	ENSG00000092969
1	216649775	216650159	216649845	9	16	9	1.766817113	0.0700694	TGFB2	ENSG00000092969
1	216681038	216681240	216681140	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222824
1	216699729	216700335	216700083	8	22	11	1.991999686	0.0221672		ENSG00000222824
1	216733125	216733369	216733242	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222824
1	216761642	216761858	216761750	8	8	11	0.779478138	0.719708		ENSG00000222824
1	216814134	216814333	216814233	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000212610
1	216840792	216841443	216841173	172	217	6	32.36690174	1.01E-58		ENSG00000212610
1	216859016	216859312	216859157	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000212610
1	216874210	216874405	216874282	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212610
1	216916820	216917002	216916911	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000212610
1	216949800	216949979	216949889	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000212610
1	217051720	217052044	217051872	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000218763
1	217056993	217057182	217057064	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000218763

1	217307264	217307453	217307358	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LYPLAL1	ENSG00000143353
1	217361916	217362111	217362012	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LYPLAL1	ENSG00000143353
1	217414580	217414782	217414704	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LYPLAL1	ENSG00000143353
1	217467013	217467228	217467120	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000220015
1	217519352	217519547	217519522	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000220015
1	217618459	217618681	217618514	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222634
1	217656563	217656786	217656674	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000222634
1	217670467	217670661	217670564	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222634
1	217753331	217753530	217753381	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217759183	217759500	217759341	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217770801	217770983	217770925	8	9	6	1.484720263	0.204387	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217770997	217771337	217771167	10	16	11	1.472347594	0.147517	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217777321	217777539	217777440	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217784076	217784276	217784205	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	217825750	217826255	217825992	28	44	7	5.846086036	1.65E-08	ZC3H11B	ENSG00000215817
1	218576349	218576616	218576491	17	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000218105
1	220127134	220127331	220127232	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000200033
1	221045849	221046161	221046019	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	DISP1	ENSG00000154309
1	221661759	221661977	221661868	10	10	0	11.43234603	0.000394183	C1orf65	ENSG00000178395
1	221730956	221731135	221731015	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000218790
1	221962389	221962758	221962585	20	25	1	13.5109544	1.28E-07	CAPN2	ENSG00000162909
1	222584699	222584881	222584836	8	8	6	1.336248237	0.277651	NVL	ENSG00000143748
1	224075133	224075514	224075310	27	34	2	12.12521548	2.69E-09	EPHX1	ENSG00000143819
1	224080750	224080936	224080857	8	9	1	5.196520921	0.00490062	EPHX1	ENSG00000143819
1	224733966	224734145	224734021	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000177770
1	226042007	226042333	226042170	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000185888
1	226200809	226201055	226200949	8	10	1	5.716173013	0.00260397	WNT9A	ENSG00000143816
1	226923809	226923989	226923893	8	8	4	1.870747532	0.118863	RHOA	ENSG00000116574
1	227240538	227240724	227240631	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000181413
1	227826278	227826490	227826384	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TAF5L	ENSG00000135801
1	228439440	228439619	228439529	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000203257
1	228830198	228830491	228830344	21	23	1	12.47165021	4.94E-07	COG2	ENSG00000135775
1	229374005	229374296	229374150	19	21	3	5.716173013	5.37E-05	TRIM67	ENSG00000119283
1	229980491	229980678	229980536	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DISC1	ENSG00000162946

1	230580590	230580804	230580711	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SIPA1L2	ENSG00000116991
1	231155173	231155653	231155433	54	69	1	36.37564645	7.95E-21	C1orf57	ENSG00000135778
1	232595592	232595898	232595745	16	19	7	2.598260461	0.00730518	C1orf31	ENSG00000168275
1	232820753	232821252	232820957	100	122	0	127.8344147	8.58E-39	IRF2BP2	ENSG00000168264
1	233899938	233900207	233900041	11	12	3	3.377738599	0.00867157	GNG4	ENSG00000168243
1	233904987	233905349	233905166	36	43	0	45.72938411	2.41E-14	GNG4	ENSG00000168243
1	235024823	235025091	235024950	8	11	4	2.494330042	0.0324033	MTR	ENSG00000116984
1	239338266	239338445	239338312	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RGS7	ENSG00000182901
1	241663006	241663268	241663177	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000217361
1	242469357	242469706	242469531	37	42	1	22.34503996	1.13E-12	C1orf100	ENSG00000173728
1	242957694	242957883	242957851	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000218614
1	242965256	242965797	242965530	97	124	0	129.913023	2.06E-39		ENSG00000218614
1	243199654	243199833	243199743	8	8	3	2.338434415	0.0641221	EFCAB2	ENSG00000203666
1	243719765	243720063	243719894	14	17	2	6.235825105	0.000146695	KIF26B	ENSG00000162849
1	244231087	244231422	244231254	12	17	0	18.70747532	2.69E-06	SMYD3	ENSG00000185420
1	244242265	244242444	244242354	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SMYD3	ENSG00000185420
1	245620120	245620321	245620220	8	9	3	2.598260461	0.0397929	NLRP3	ENSG00000162711
1	247087141	247087333	247087240	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SH3BP5L	ENSG00000175137
1	247134654	247135105	247134833	12	19	7	2.598260461	0.00730518	ZNF692	ENSG00000171163
10	234937	235121	235029	8	8	10	0.850339787	0.645072	ZMYND11	ENSG00000015171
10	270710	270943	270833	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000201861
10	271298	271603	271450	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000201861
10	406434	406713	406573	9	12	4	2.702190879	0.0203088	DIP2C	ENSG00000151240
10	409427	409840	409601	12	21	2	7.621564018	1.21E-05	DIP2C	ENSG00000151240
10	471208	471431	471372	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209361
10	472227	472439	472333	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209361
10	556389	556672	556540	17	20	5	3.637564645	0.000902929	DIP2C	ENSG00000151240
10	582844	583123	582975	20	20	6	3.117912553	0.00218114	DIP2C	ENSG00000151240
10	609027	609208	609117	8	8	5	1.558956276	0.191397	C10orf108	ENSG00000180525
10	648434	648718	648576	8	10	6	1.63319229	0.146906	C10orf108	ENSG00000180525
10	649342	649655	649498	9	13	11	1.212521548	0.309909	C10orf108	ENSG00000180525
10	1024162	1024488	1024327	10	15	0	16.62886695	1.12E-05	GTPBP4	ENSG00000107937
10	1757152	1757554	1757352	39	51	3	13.5109544	2.96E-13	ADARB2	ENSG00000185736
10	3127575	3127780	3127717	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PFKP	ENSG00000067057

10	3159268	3159551	3159387	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	PFKP	ENSG00000067057
10	3272633	3272820	3272726	8	8	4	1.870747532	0.118863	PITRM1	ENSG00000107959
10	3499615	3499821	3499727	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PITRM1	ENSG00000107959
10	4554669	4554918	4554793	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000207124
10	4639761	4639985	4639873	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207124
10	4681065	4681245	4681155	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207124
10	4943362	4943544	4943495	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000151631
10	5122015	5122332	5122183	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000209373
10	5361195	5361465	5361330	11	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000216680
10	5525568	5526039	5525841	16	28	15	1.883738834	0.0179382	CALML5	ENSG00000178372
10	5532692	5532893	5532792	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CALML5	ENSG00000178372
10	5535462	5535718	5535583	20	22	2	7.967998746	6.43E-06	CALML5	ENSG00000178372
10	5895258	5895462	5895360	9	10	4	2.286469205	0.0509017	GDI2	ENSG00000057608
10	5895872	5896067	5895969	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GDI2	ENSG00000057608
10	5955518	5955777	5955624	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ANKRD16	ENSG00000134461
10	6060224	6060510	6060355	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	IL15RA	ENSG00000134470
10	6655431	6655804	6655636	10	16	0	17.66817113	5.48E-06	PRKCQ	ENSG00000065675
10	6783248	6783511	6783379	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PRKCQ	ENSG00000065675
10	7314149	7314337	7314264	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000220641
10	7315300	7315865	7315582	12	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000220641
10	7493136	7493375	7493255	9	10	4	2.286469205	0.0509017	SFMBT2	ENSG00000198879
10	7900103	7900498	7900412	9	14	9	1.558956276	0.132279	TAF3	ENSG00000165632
10	8132637	8132816	8132727	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000197308
10	8135948	8136150	8136049	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000197308
10	8136513	8136715	8136680	8	8	5	1.558956276	0.191397	GATA3	ENSG00000107485
10	8142305	8142504	8142433	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GATA3	ENSG00000107485
10	8166765	8167008	8166878	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GATA3	ENSG00000107485
10	8382962	8383162	8383045	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000217532
10	8489505	8489810	8489647	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000220584
10	8590487	8590682	8590566	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000220584
10	8710290	8710721	8710469	11	22	8	2.655999582	0.0039122		ENSG00000219750
10	8760863	8761101	8760982	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000212505
10	8808039	8808330	8808180	12	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000212505
10	8845476	8845704	8845586	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000212505

10	8846137	8846503	8846306	52	58	2	20.43964896	2.70E-16		ENSG00000212505
10	8943598	8943908	8943753	16	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000212505
10	8972707	8972975	8972812	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000212505
10	9053462	9053766	9053614	19	22	7	2.98799953	0.00188278		ENSG00000212505
10	9057601	9057916	9057758	12	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000212505
10	9074862	9075041	9074951	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212505
10	9120202	9120395	9120290	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000212505
10	9144188	9144403	9144280	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000212505
10	9151165	9151451	9151308	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000212505
10	9231242	9231706	9231340	11	20	7	2.728173484	0.00469378		ENSG00000212505
10	9269986	9270266	9270126	11	13	2	4.850086193	0.00164564		
10	9270289	9270944	9270691	53	76	17	4.445912344	4.14E-11		
10	9291092	9291352	9291222	11	11	10	1.133786383	0.380636		
10	9397251	9397541	9397396	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000203336
10	10039597	10039777	10039749	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000218997
10	11153550	11154089	11153910	18	29	6	4.45416079	2.16E-05	CUGBP2	ENSG00000048740
10	11670129	11670414	11670271	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000181437
10	11769358	11769646	11769502	14	16	3	4.417042783	0.00097367	ECHDC3	ENSG00000134463
10	11793844	11794105	11793974	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ECHDC3	ENSG00000134463
10	11956514	11956936	11956788	11	19	6	2.969440526	0.0035096	C10orf47	ENSG00000148426
10	12124916	12125102	12125011	9	9	2	3.464347281	0.0163838	UPF2	ENSG00000151461
10	12277956	12278189	12278108	8	11	5	2.078608368	0.0614303	NUDT5	ENSG00000165609
10	12687800	12688003	12687901	12	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000221331
10	12747810	12748119	12747974	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000221331
10	12802694	12802897	12802794	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000221331
10	12955158	12955400	12955281	9	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000212499
10	12957223	12957419	12957324	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000212499
10	12963867	12964198	12964032	10	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000212499
10	13243065	13243449	13243286	11	18	1	9.87338975	1.41E-05	MCM10	ENSG00000065328
10	13353476	13353699	13353594	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PHYH	ENSG00000107537
10	13431138	13431318	13431159	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SEPHS1	ENSG00000086475
10	13573720	13573959	13573842	13	15	8	1.847651883	0.0631662	BEND7	ENSG00000165626
10	13594134	13594315	13594218	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000202508
10	13611694	13611915	13611845	11	12	1	6.755477198	0.000722752	BEND7	ENSG00000165626

10	13668667	13669068	13668813	14	20	11	1.818782322	0.04395	PRPF18	ENSG00000165630
10	13742486	13742720	13742626	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000222235
10	13840330	13840742	13840540	64	81	3	21.30573578	5.68E-22		ENSG00000199407
10	13841103	13841369	13841238	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000199407
10	13953031	13953254	13953159	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000215227
10	14156478	14156670	14156574	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FRMD4A	ENSG00000151474
10	14734052	14734293	14734174	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000201766
10	14735253	14735481	14735327	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000201766
10	14735919	14736278	14736099	15	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000201766
10	15041715	15041947	15041818	8	9	1	5.196520921	0.00490062	MEIG1	ENSG00000197889
10	15166253	15166442	15166362	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ACBD7	ENSG00000176244
10	15205777	15206336	15206082	55	69	0	72.7512929	2.17E-22	RPP38	ENSG00000152464
10	16278876	16279254	16279052	12	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000201260
10	16519057	16519267	16519136	8	10	0	11.43234603	0.000394183	PTER	ENSG00000165983
10	16872175	16872354	16872264	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RSU1	ENSG00000148484
10	17329321	17329649	17329480	36	40	1	21.30573578	4.48E-12	VIM	ENSG0000026025
10	17430573	17430794	17430683	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000204832
10	17470157	17470589	17470333	15	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000204832
10	17536613	17536851	17536732	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ST8SIA6	ENSG00000148488
10	19538232	19538483	19538357	9	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000204741
10	19561365	19561649	19561498	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000204741
10	19575281	19575663	19575459	16	22	12	1.838768941	0.0349935		ENSG00000204741
10	20202934	20203164	20203049	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PLXDC2	ENSG00000120594
10	20381686	20381865	20381734	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PLXDC2	ENSG00000120594
10	21513214	21513512	21513343	11	14	2	5.196520921	0.000907371	NEBL	ENSG00000078114
10	21638381	21638560	21638470	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000207264
10	21663989	21664224	21664082	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000207264
10	21679525	21679707	21679681	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000207264
10	21693383	21693763	21693507	13	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000216589
10	21756679	21757124	21756880	36	47	1	24.94330042	3.55E-14		ENSG00000216589
10	21826202	21826381	21826304	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C10orf114	ENSG00000204682
10	21862666	21862854	21862784	9	10	2	3.810782009	0.00936112	MLLT10	ENSG00000078403
10	22558357	22558763	22558522	11	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000218957
10	22961956	22962375	22962196	11	19	11	1.73217364	0.0607469	PIP4K2A	ENSG00000150867

10	22962769	22962983	22962896	8	10	0	11.43234603	0.000394183	PIP4K2A	ENSG00000150867
10	23010686	23010878	23010804	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PIP4K2A	ENSG00000150867
10	23012370	23012590	23012499	9	10	5	1.905391004	0.0915982	PIP4K2A	ENSG00000150867
10	23507396	23507577	23507531	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209517
10	24567468	24567708	24567622	10	12	3	3.377738599	0.00867157	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24584871	24585357	24585144	110	138	8	16.05147573	2.06E-33		ENSG00000207930
10	24591949	24592145	24592021	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207930
10	24617667	24618137	24617918	23	36	4	7.690850963	2.68E-08		ENSG00000207930
10	24744658	24744839	24744748	9	11	1	6.235825105	0.0013754	KIAA1217	ENSG00000120549
10	24867072	24867251	24867161	9	10	2	3.810782009	0.00936112	KIAA1217	ENSG00000120549
10	25085221	25085596	25085391	21	26	1	14.03060649	6.50E-08	ARHGAP21	ENSG00000107863
10	25345178	25345548	25345340	13	18	2	6.582259834	7.91E-05	THNSL1	ENSG00000185875
10	25509832	25510022	25509969	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GPR158	ENSG00000151025
10	25713664	25713843	25713805	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000209533
10	25832529	25832770	25832662	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222543
10	25837138	25837339	25837214	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000222543
10	26562039	26562239	26562169	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GAD2	ENSG00000136750
10	27152394	27152573	27152483	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000206605
10	27189945	27190238	27190091	9	12	6	1.930136342	0.071303	ABI1	ENSG00000136754
10	27429483	27429662	27429570	8	8	5	1.558956276	0.191397	ANKRD26	ENSG00000107890
10	27571009	27571250	27571076	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	ACBD5	ENSG00000107897
10	28194168	28194484	28194323	28	31	5	5.542955649	2.18E-06		ENSG00000219432
10	28474883	28475075	28474979	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MPP7	ENSG00000150054
10	28613104	28613296	28613259	10	10	3	2.858086507	0.0242838	MPP7	ENSG00000150054
10	28704534	28704880	28704743	9	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000209609
10	28739526	28739712	28739593	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209609
10	28740718	28740967	28740852	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209609
10	28992897	28993211	28993054	10	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000207483
10	29007595	29007850	29007669	8	12	5	2.251825733	0.0404733	BAMBI	ENSG00000095739
10	29043397	29043597	29043467	8	8	2	3.117912553	0.0283184	BAMBI	ENSG00000095739
10	29126952	29127140	29127040	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000201001
10	29232081	29232383	29232230	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000216946
10	29298837	29299057	29298943	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000216946
10	29320812	29321012	29320966	9	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000216946

10	29421017	29421611	29421270	24	36	2	12.81808494	7.17E-10		ENSG00000216946
10	29435250	29435601	29435425	10	14	3	3.897390691	0.00295882	LYZL1	ENSG00000120563
10	29453781	29454231	29454013	10	19	7	2.598260461	0.00730518	LYZL1	ENSG00000120563
10	29459156	29459440	29459298	10	11	0	12.47165021	0.000193293	LYZL1	ENSG00000120563
10	29461531	29461859	29461703	9	14	5	2.598260461	0.0167748	LYZL1	ENSG00000120563
10	29470141	29470321	29470231	8	8	5	1.558956276	0.191397	LYZL1	ENSG00000120563
10	29470737	29471073	29470905	8	13	4	2.910051716	0.0125532	LYZL1	ENSG00000120563
10	29475622	29475926	29475774	8	12	2	4.503651465	0.002963	LYZL1	ENSG00000120563
10	29959666	29959875	29959710	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SVIL	ENSG00000197321
10	29963158	29963380	29963269	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	SVIL	ENSG00000197321
10	30133158	30133380	30133269	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	SVIL	ENSG00000197321
10	30141160	30141371	30141265	8	9	5	1.73217364	0.133894	SVIL	ENSG00000197321
10	30280763	30280995	30280830	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000220159
10	30559129	30559464	30559296	29	29	1	15.58956276	8.46E-09		ENSG00000200887
10	30968990	30969204	30969074	10	11	3	3.117912553	0.0146045	LYZL2	ENSG00000151033
10	31412744	31412944	31412827	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ZNF438	ENSG00000183621
10	32088949	32089129	32088999	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000222412
10	32271950	32272133	32272041	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ARHGAP12	ENSG00000165322
10	32399639	32399898	32399737	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000206660
10	32500130	32500454	32500292	14	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000217094
10	32747707	32747886	32747752	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209712
10	32775442	32775636	32775531	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CCDC7	ENSG00000216937
10	33116485	33116664	33116574	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C10orf68	ENSG00000150076
10	33361682	33361864	33361841	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216573
10	33602294	33602595	33602444	10	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000209716
10	33620227	33620507	33620376	15	17	2	6.235825105	0.000146695		ENSG00000209716
10	33659521	33659704	33659612	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NRP1	ENSG00000099250
10	33838148	33838415	33838281	11	14	6	2.227080395	0.0322529	NRP1	ENSG00000099250
10	34033425	34033815	34033601	13	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000219446
10	35048327	35048699	35048520	11	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000215184
10	35061044	35061223	35061133	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000215184
10	35234928	35235289	35235110	8	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000223047
10	35283103	35283350	35283226	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000213724
10	35635855	35636072	35635964	9	12	3	3.377738599	0.00867157	CCNY	ENSG00000108100

10	36150202	36150410	36150308	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000218744
10	36384792	36385109	36384950	10	14	2	5.196520921	0.000907371	ENSG00000218744
10	36402839	36403059	36402949	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ENSG00000218688
10	38305530	38305852	38305691	12	15	4	3.32577339	0.00462646	ZNF25 ENSG00000175395
10	38844156	38844487	38844321	11	14	3	3.897390691	0.00295882	ENSG00000219057
10	38912033	38912328	38912179	10	12	5	2.251825733	0.0404733	ENSG00000215151
10	39118679	39119008	39118843	10	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000217685
10	39122206	39122534	39122370	17	17	26	0.692869456	0.890806	ENSG00000217685
10	39134174	39134646	39134352	26	34	27	1.29913023	0.148943	ENSG00000217685
10	39160360	39160689	39160524	12	15	11	1.385738912	0.19225	ENSG00000217685
10	39163576	39163760	39163606	12	13	17	0.808347699	0.728863	ENSG00000217685
10	41675742	41675924	41675805	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000220883
10	41684605	41684944	41684774	15	18	15	1.234173719	0.265435	ENSG00000220883
10	41699742	41700090	41699916	170	172	209	0.856188685	0.935434	ENSG00000220883
10	41700103	41700438	41700270	15	16	26	0.654376709	0.9196	ENSG00000220883
10	41701019	41701209	41701194	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ENSG00000220883
10	41704506	41704760	41704633	9	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000220883
10	41705018	41705372	41705195	88	91	80	1.180444259	0.137479	ENSG00000220883
10	41707048	41707240	41707149	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000220883
10	41712575	41712763	41712722	9	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000220883
10	41714317	41714574	41714430	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000220883
10	41715972	41716625	41716447	18	34	32	1.102292317	0.343693	ENSG00000220883
10	41716715	41717064	41716889	78	79	105	0.784380516	0.950715	ENSG00000220883
10	41718211	41718883	41718704	35	56	58	1.004073534	0.491713	ENSG00000220883
10	41719204	41719537	41719370	45	48	38	1.305792437	0.105214	ENSG00000220883
10	41719547	41719965	41719722	23	30	32	0.976316052	0.539065	ENSG00000220883
10	41721689	41722024	41721863	23	25	23	1.125912866	0.336929	ENSG00000220883
10	41722111	41722290	41722191	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000220883
10	41722971	41723306	41723138	28	29	25	1.199197136	0.247521	ENSG00000220883
10	41727266	41727761	41727443	22	29	27	1.113540197	0.340649	ENSG00000220883
10	41847287	41847466	41847315	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000220883
10	41849144	41850098	41849612	59	99	124	0.831443347	0.916674	ENSG00000220883
10	41850477	41850827	41850652	19	21	36	0.61796465	0.966476	ENSG00000220883
10	41850908	41851247	41851077	27	27	30	0.93872636	0.597175	ENSG00000220883

10	41851776	41852125	41851950	96	98	64	1.582940219	0.0017662		ENSG00000220883
10	41852436	41852926	41852615	19	26	19	1.403060649	0.122336		ENSG00000220883
10	41854731	41854910	41854759	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000220883
10	42117147	42117478	42117312	23	25	27	0.965068171	0.55304		ENSG00000219859
10	42119844	42120024	42119993	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000219859
10	42137065	42137396	42137230	27	29	12	2.398394271	0.00272121		ENSG00000215146
10	42137410	42137733	42137578	15	15	15	1.039304184	0.456923		ENSG00000215146
10	42456344	42456632	42456506	25	26	1	14.03060649	6.50E-08	ZNF33B	ENSG00000196693
10	42598087	42598293	42598188	8	9	6	1.484720263	0.204387	BMS1	ENSG00000165733
10	42841645	42842117	42841780	15	26	4	5.612242595	1.08E-05	RET	ENSG00000165731
10	43165436	43165891	43165715	19	27	4	5.820103432	6.01E-06		ENSG00000209850
10	43389899	43390189	43390044	10	10	1	5.716173013	0.00260397	ZNF239	ENSG00000196793
10	43669526	43669817	43669672	13	16	1	8.834085566	5.30E-05	C10orf136	ENSG00000204187
10	43728139	43728580	43728359	19	29	4	6.235825105	1.85E-06	C10orf136	ENSG00000204187
10	43989078	43989299	43989134	8	10	0	11.43234603	0.000394183	CXCL12	ENSG00000107562
10	44154645	44155079	44154938	12	18	10	1.795161773	0.055383	CXCL12	ENSG00000107562
10	45253673	45254407	45254028	188	248	0	258.7867419	8.69E-78	8-Mar	ENSG00000165406
10	45286162	45286428	45286302	14	14	8	1.73217364	0.0890835	8-Mar	ENSG00000165406
10	45350697	45350957	45350828	9	9	3	2.598260461	0.0397929	8-Mar	ENSG00000165406
10	46410720	46411200	46410946	10	19	10	1.889643971	0.0394833	GPRIN2	ENSG00000204175
10	46477357	46477536	46477453	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PPYR1	ENSG00000204174
10	47952184	47952450	47952333	14	15	4	3.32577339	0.00462646	ZNF488	ENSG00000165388
10	47952804	47953068	47952936	10	10	1	5.716173013	0.00260397	ZNF488	ENSG00000165388
10	47962630	47963160	47962904	93	119	3	31.17912553	2.99E-33	ZNF488	ENSG00000165388
10	49129553	49129996	49129791	45	59	7	7.794781382	2.35E-12	FRMPD2	ENSG00000170324
10	49295349	49296015	49295606	84	108	6	16.18345087	9.60E-27	MAPK8	ENSG00000107643
10	49354457	49354695	49354579	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ARHGAP22	ENSG00000128805
10	49467472	49467831	49467651	14	21	1	11.43234603	1.90E-06	ARHGAP22	ENSG00000128805
10	49826774	49826996	49826943	10	11	1	6.235825105	0.0013754	LRRRC18	ENSG00000165383
10	50297159	50297425	50297287	14	14	3	3.897390691	0.00295882	DRGX	ENSG00000165606
10	50661784	50661989	50661886	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000218816
10	51235051	51235256	51235140	8	8	4	1.870747532	0.118863	NCOA4	ENSG00000138293
10	51740545	51740815	51740665	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000217121
10	52009811	52010157	52009969	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000209947

10	53129333	53129563	53129450	10	11	1	6.235825105	0.0013754	CSTF2T	ENSG00000177613
10	53744154	53744480	53744318	13	17	4	3.741495063	0.00163722	DKK1	ENSG00000107984
10	53749011	53749247	53749131	9	10	1	5.716173013	0.00260397	DKK1	ENSG00000107984
10	53873176	53873849	53873440	55	77	6	11.58081805	5.57E-18		ENSG00000216209
10	53881778	53881968	53881873	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216209
10	55049321	55049882	55049658	56	76	3	20.00660555	1.67E-20		ENSG00000217935
10	58013125	58013470	58013297	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	ZWINT	ENSG00000122952
10	58175254	58175511	58175417	8	11	1	6.235825105	0.0013754	ZWINT	ENSG00000122952
10	59053822	59054163	59053992	25	27	0	29.10051716	2.16E-09		ENSG00000218583
10	59619187	59619417	59619271	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000180221
10	59669507	59669703	59669591	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000210008
10	60766910	60767407	60767165	34	49	3	12.9913023	1.10E-12	FAM13C1	ENSG00000148541
10	61295062	61295282	61295194	8	9	8	1.154782427	0.375434	CCDC6	ENSG00000108091
10	61395127	61395611	61395359	53	69	6	10.39304184	9.03E-16	CCDC6	ENSG00000108091
10	61858412	61858803	61858553	11	16	2	5.889390377	0.000270741	ANK3	ENSG00000151150
10	61917905	61918246	61918072	35	39	0	41.57216737	4.18E-13	ANK3	ENSG00000151150
10	61924674	61924935	61924801	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ANK3	ENSG00000151150
10	62187110	62187496	62187282	8	13	1	7.27512929	0.000378098	CDC2	ENSG00000170312
10	62190415	62190874	62190665	165	189	3	49.36694875	2.50E-54	CDC2	ENSG00000170312
10	62394032	62394228	62394148	10	11	4	2.494330042	0.0324033	RHOBTB1	ENSG00000072422
10	62497542	62497721	62497592	8	8	6	1.336248237	0.277651	RHOBTB1	ENSG00000072422
10	62701363	62701556	62701435	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TMEM26	ENSG00000196932
10	62977275	62977506	62977390	9	11	0	12.47165021	0.000193293	TMEM26	ENSG00000196932
10	63264410	63264607	63264447	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ARID5B	ENSG00000150347
10	63330882	63331126	63330981	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ARID5B	ENSG00000150347
10	63332255	63332509	63332382	10	12	3	3.377738599	0.00867157	ARID5B	ENSG00000150347
10	63542078	63542333	63542219	11	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000221094
10	63766217	63766413	63766351	11	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000223151
10	65002822	65003023	65002922	8	8	0	9.353737658	0.00163931	REEP3	ENSG00000165476
10	65059191	65059463	65059327	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000220039
10	65137096	65137290	65137235	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000220039
10	65141995	65142188	65142089	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000220039
10	65352907	65353086	65352996	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213609
10	66849098	66849407	66849246	32	34	0	36.37564645	1.47E-11		ENSG00000219519

10	67045093	67045466	67045270	9	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000219519
10	68057056	68057235	68057145	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000210060
10	69194146	69194431	69194317	12	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000213606
10	69583416	69583847	69583595	13	21	8	2.540521339	0.00602138		ENSG00000222371
10	69762909	69763108	69762998	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PBLD	ENSG00000108187
10	70030068	70030518	70030213	10	17	5	3.117912553	0.00407023		ENSG00000216826
10	70330934	70331180	70331079	8	10	2	3.810782009	0.00936112	DDX50	ENSG00000107625
10	70418477	70418777	70418612	8	11	2	4.157216737	0.0052913	KIAA1279	ENSG00000198954
10	70643446	70643703	70643574	13	14	2	5.196520921	0.000907371	HKDC1	ENSG00000156510
10	70815941	70816151	70816037	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221774
10	70855670	70855921	70855779	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000217700
10	70888572	70888842	70888707	9	11	1	6.235825105	0.0013754	TSPAN15	ENSG00000099282
10	71694980	71695255	71695117	10	12	2	4.503651465	0.002963	NPFFR1	ENSG00000148734
10	72296722	72297056	72296889	17	20	1	10.91269393	3.71E-06	PCBD1	ENSG00000166228
10	72506845	72507058	72506916	8	10	3	2.858086507	0.0242838	UNC5B	ENSG00000107731
10	72705282	72705497	72705399	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SLC29A3	ENSG00000198246
10	72942514	72943030	72942745	22	33	2	11.77878075	5.19E-09	CDH23	ENSG00000107736
10	73360465	73360690	73360537	8	11	0	12.47165021	0.000193293	CHST3	ENSG00000122863
10	73478334	73478513	73478423	8	8	5	1.558956276	0.191397	SPOCK2	ENSG00000107742
10	73645760	73645955	73645862	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C10orf104	ENSG00000166295
10	73700455	73700668	73700564	8	10	3	2.858086507	0.0242838	DDIT4	ENSG00000168209
10	73702834	73703025	73702955	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DDIT4	ENSG00000168209
10	73703205	73703449	73703316	11	12	1	6.755477198	0.000722752	DDIT4	ENSG00000168209
10	73727860	73728642	73728123	82	114	4	23.90399624	1.42E-30	DDIT4	ENSG00000168209
10	73761259	73761958	73761807	12	29	2	10.39304184	7.12E-08	DNAJB12	ENSG00000148719
10	73784409	73784683	73784546	10	11	5	2.078608368	0.0614303	DNAJB12	ENSG00000148719
10	74336429	74336614	74336521	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000217814
10	74540111	74540325	74540222	10	11	3	3.117912553	0.0146045	NUDT13	ENSG00000166321
10	74676924	74677241	74677133	8	12	6	1.930136342	0.071303	DNAJC9	ENSG00000213551
10	74682429	74682622	74682525	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MRPS16	ENSG00000182180
10	74789097	74789342	74789219	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TTC18	ENSG00000156042
10	75031451	75031666	75031561	8	10	2	3.810782009	0.00936112	USP54	ENSG00000166348
10	75268671	75268997	75268836	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000214633
10	75304521	75304701	75304611	9	9	2	3.464347281	0.0163838	CAMK2G	ENSG00000148660

10	75305869	75306174	75306004	16	18	1	9.87338975	1.41E-05	CAMK2G	ENSG00000148660
10	75317239	75317944	75317663	48	72	7	9.483650681	7.97E-16	CAMK2G	ENSG00000148660
10	75318143	75319199	75318899	14	46	9	4.884729666	6.07E-08	CAMK2G	ENSG00000148660
10	75336590	75336810	75336691	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PLAU	ENSG00000122861
10	75580701	75580914	75580830	8	9	4	2.078608368	0.0785659	AP3M1	ENSG00000185009
10	76509617	76509875	76509741	8	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000217937
10	76595846	76596122	76596003	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000218910
10	78968996	78969253	78969106	11	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000199592
10	79012445	79012773	79012572	10	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000199592
10	79036662	79036893	79036758	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000199592
10	79089013	79089461	79089192	10	18	1	9.87338975	1.41E-05	KCNMA1	ENSG00000156113
10	79276632	79276858	79276698	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000204049
10	79459319	79459654	79459478	8	11	4	2.494330042	0.0324033	POLR3A	ENSG00000148606
10	79836703	79837013	79836853	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000201393
10	80063822	80064001	80063911	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000223243
10	80245792	80246001	80245901	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000223243
10	80349847	80350099	80349954	15	15	3	4.157216737	0.00170423	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80377617	80377834	80377736	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80394436	80394676	80394556	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80516680	80516867	80516773	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80529663	80530109	80529877	17	28	0	30.13982134	1.06E-09	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80667501	80667717	80667649	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80668448	80668638	80668537	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80669967	80670210	80670107	11	11	5	2.078608368	0.0614303	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80690669	80690894	80690787	13	15	1	8.314433474	0.000102308	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80694601	80694973	80694780	12	18	6	2.8209685	0.00559354	ZMIZ1	ENSG00000108175
10	80778242	80778456	80778343	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PPIF	ENSG00000108179
10	80804478	80804664	80804571	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PPIF	ENSG00000108179
10	82161556	82161800	82161678	14	14	2	5.196520921	0.000907371	C10orf57	ENSG00000122378
10	82179513	82179761	82179610	14	14	0	15.58956276	2.28E-05	C10orf57	ENSG00000122378
10	82210432	82210817	82210682	15	21	5	3.810782009	0.000537724	TSPAN14	ENSG00000108219
10	82220854	82221167	82221010	15	19	2	6.928694562	4.25E-05	TSPAN14	ENSG00000108219
10	82368860	82369087	82368970	10	11	0	12.47165021	0.000193293	SH2D4B	ENSG00000178217
10	82449344	82449688	82449509	11	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000220228

10	82497236	82497519	82497386	14	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000217745
10	82555139	82555332	82555235	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218551
10	82645421	82645600	82645503	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000220859
10	82646338	82646529	82646433	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000220859
10	82695046	82695345	82695190	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000220859
10	82798336	82798565	82798450	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000219745
10	82866169	82866495	82866332	14	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000219745
10	82927737	82928073	82927905	23	27	0	29.10051716	2.16E-09		ENSG00000219745
10	83081073	83081252	83081162	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219745
10	83161491	83161680	83161558	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000219745
10	83933036	83933242	83933139	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000221378
10	84442292	84442496	84442389	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000207275
10	84638561	84638771	84638666	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000200774
10	85356055	85356274	85356207	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000211570
10	85733379	85733748	85733569	25	32	1	17.14851904	1.09E-09		ENSG00000200789
10	86041189	86041524	86041356	9	12	2	4.503651465	0.002963	KIAA1128	ENSG00000107771
10	86274662	86275172	86274993	63	75	3	19.7467795	3.28E-20		ENSG00000178429
10	86277241	86277475	86277328	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000178429
10	86861769	86861948	86861858	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000223064
10	87297880	87298181	87298030	23	26	2	9.353737658	4.98E-07		ENSG00000210526
10	87392189	87392485	87392337	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000210532
10	87970184	87970505	87970334	12	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000199104
10	88257241	88257470	88257394	8	9	4	2.078608368	0.0785659	WAPAL	ENSG00000062650
10	88306302	88306696	88306473	13	19	1	10.39304184	7.23E-06	WAPAL	ENSG00000062650
10	88718055	88718422	88718270	35	41	7	5.456346967	9.08E-08	C10orf116	ENSG00000148671
10	89254427	89254615	89254521	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MINPP1	ENSG00000107789
10	89403967	89404152	89404089	10	10	1	5.716173013	0.00260397	PAPSS2	ENSG00000198682
10	89592010	89592375	89592221	19	24	2	8.660868202	1.80E-06		ENSG00000213478
10	89592734	89593296	89593016	129	158	5	27.54156088	2.04E-42		ENSG00000213478
10	89612046	89612287	89612166	11	14	5	2.598260461	0.0167748	PTENP1	ENSG00000171862
10	89612923	89613177	89613051	11	12	2	4.503651465	0.002963	PTENP1	ENSG00000171862
10	89881662	89881947	89881821	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000216533
10	90010492	90010740	90010638	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000216533
10	90601361	90601763	90601665	9	13	5	2.425043097	0.0262442	ANKRD22	ENSG00000152766

10	90714503	90714682	90714592	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ACTA2	ENSG00000107796
10	90740368	90740770	90740547	15	22	4	4.780799247	0.00010647	FAS	ENSG00000026103
10	90740845	90741259	90741023	42	52	1	27.54156088	1.11E-15	FAS	ENSG00000026103
10	91012142	91012336	91012220	8	9	5	1.73217364	0.133894	LIPA	ENSG00000107798
10	91028017	91028248	91028086	8	11	2	4.157216737	0.0052913	IFIT2	ENSG00000119922
10	91394960	91395229	91395094	13	15	2	5.542955649	0.000497081	PANK1	ENSG00000152782
10	91801302	91801654	91801469	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000148667
10	92662139	92662337	92662262	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ANKRD1	ENSG00000148677
10	92727102	92727376	92727237	13	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000201604
10	92756098	92756489	92756269	8	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000186773
10	92988086	92988337	92988211	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	PCGF5	ENSG00000180628
10	93016626	93016808	93016721	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PCGF5	ENSG00000180628
10	93421318	93421598	93421458	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000213449
10	93872920	93873205	93873089	9	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000214549
10	93923937	93924140	93924038	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221042
10	94342626	94342933	94342779	9	13	4	2.910051716	0.0125532	KIF11	ENSG00000138160
10	94642142	94642411	94642282	12	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000219151
10	94887882	94888215	94888048	38	42	2	14.89669331	1.32E-11		ENSG00000218488
10	95165692	95165876	95165784	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FER1L3	ENSG00000138119
10	95184800	95185229	95184970	15	25	5	4.503651465	6.33E-05	FER1L3	ENSG00000138119
10	95195266	95195815	95195398	11	24	13	1.855900329	0.0279411	FER1L3	ENSG00000138119
10	95214400	95214628	95214489	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FER1L3	ENSG00000138119
10	95215620	95215976	95215798	10	16	4	3.533634226	0.00276486	FER1L3	ENSG00000138119
10	95218211	95218522	95218370	12	16	4	3.533634226	0.00276486	FER1L3	ENSG00000138119
10	95219526	95219823	95219650	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FER1L3	ENSG00000138119
10	95225394	95225642	95225561	9	9	5	1.73217364	0.133894	FER1L3	ENSG00000138119
10	95232045	95232249	95232143	9	10	0	11.43234603	0.000394183	FER1L3	ENSG00000138119
10	95452247	95452617	95452426	24	32	6	4.899576869	4.19E-06	C10orf4	ENSG00000148690
10	96294937	96295201	96295075	9	12	2	4.503651465	0.002963	HELLS	ENSG00000119969
10	96484397	96484712	96484554	18	21	2	7.621564018	1.21E-05	CYP2C19	ENSG00000165841
10	96737869	96738223	96738045	11	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000218402
10	97044833	97045145	97044989	21	25	2	9.00730293	9.47E-07	PDLIM1	ENSG00000107438
10	97262085	97262366	97262219	11	12	1	6.755477198	0.000722752	SORBS1	ENSG00000095637
10	97979909	97980099	97980025	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216429

10	97988689	97988948	97988828	15	16	7	2.208521392	0.0257604	BLNK	ENSG00000095585
10	98013561	98013740	98013653	8	8	0	9.353737658	0.00163931	BLNK	ENSG00000095585
10	98551357	98551672	98551514	10	13	11	1.212521548	0.309909		ENSG00000207976
10	98785690	98785942	98785768	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C10orf12	ENSG00000155640
10	99077586	99077927	99077756	15	20	5	3.637564645	0.000902929	FRAT2	ENSG00000181274
10	99086786	99087111	99086948	8	13	6	2.078608368	0.0483393	FRAT2	ENSG00000181274
10	99087134	99087458	99087296	13	17	5	3.117912553	0.00407023	FRAT2	ENSG00000181274
10	99195533	99195750	99195641	9	11	2	4.157216737	0.0052913	EXOSC1	ENSG00000171311
10	99299678	99300236	99299946	56	78	4	16.42100611	4.63E-20	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99316256	99316465	99316348	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99321367	99321596	99321481	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99324607	99324830	99324710	10	12	4	2.702190879	0.0203088	ANKRD2	ENSG00000165887
10	99344969	99345157	99345063	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C10orf65	ENSG00000155252
10	99401444	99401881	99401695	68	86	2	30.13982134	1.24E-24	PI4K2A	ENSG00000043822
10	99451248	99451427	99451337	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MARVELD1	ENSG00000155254
10	99619239	99619472	99619355	8	9	4	2.078608368	0.0785659	GOLGA7B	ENSG00000155265
10	100758832	100759145	100758969	26	28	2	10.04660711	1.36E-07		ENSG00000217480
10	101200754	101201084	101200921	9	12	3	3.377738599	0.00867157	GOT1	ENSG00000120053
10	101361953	101362217	101362085	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC25A28	ENSG00000155287
10	101481969	101482345	101482145	11	17	10	1.700679574	0.0766266	CUTC	ENSG00000119929
10	101595693	101595897	101595795	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000218314
10	101717433	101717630	101717499	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DNMBP	ENSG00000107554
10	101793186	101793536	101793359	22	26	1	14.03060649	6.50E-08		ENSG00000210842
10	102017320	102017605	102017449	8	12	8	1.501217155	0.168286	CWF19L1	ENSG00000095485
10	102035693	102036220	102035956	31	53	3	14.03060649	7.92E-14	BLOC1S2	ENSG00000196072
10	102268456	102268713	102268604	8	12	3	3.377738599	0.00867157	SEC31B	ENSG00000075826
10	102406197	102406392	102406294	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PAX2	ENSG00000075891
10	102420596	102420828	102420742	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PAX2	ENSG00000075891
10	102737089	102737365	102737203	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MRPL43	ENSG00000055950
10	102816496	102816703	102816599	8	9	0	10.39304184	0.000803859	KAZALD1	ENSG00000107821
10	102817578	102817798	102817699	9	10	1	5.716173013	0.00260397	KAZALD1	ENSG00000107821
10	102971333	102971667	102971499	15	20	6	3.117912553	0.00218114	LBX1	ENSG00000138136
10	103352585	103352771	103352721	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000166171
10	103568223	103568421	103568307	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MGEA5	ENSG00000198408

10	103580403	103580684	103580543	9	12	7	1.688869299	0.11395	KCNIP2	ENSG00000120049
10	103640026	103640222	103640166	9	9	1	5.196520921	0.00490062	KCNIP2	ENSG00000120049
10	103643575	103643984	103643747	11	17	7	2.338434415	0.0171287	KCNIP2	ENSG00000120049
10	103804243	103804460	103804351	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C10orf76	ENSG00000120029
10	103882618	103882821	103882715	8	9	8	1.154782427	0.375434	PPRC1	ENSG00000148840
10	103979626	103979850	103979762	10	10	2	3.810782009	0.00936112	ELOVL3	ENSG00000119915
10	104514657	104514966	104514824	8	11	1	6.235825105	0.0013754	C10orf26	ENSG00000166272
10	104568930	104569202	104569063	11	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000203886
10	104792079	104792354	104792208	15	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000210987
10	105117518	105117775	105117646	8	11	5	2.078608368	0.0614303	TAF5	ENSG00000148835
10	105292448	105292627	105292537	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NEURL	ENSG00000107954
10	105573969	105574296	105574143	10	14	2	5.196520921	0.000907371	SH3PXD2A	ENSG00000107957
10	105639938	105640260	105640099	9	14	8	1.73217364	0.0890835	OBFC1	ENSG00000107960
10	105681476	105681735	105681605	11	11	5	2.078608368	0.0614303	OBFC1	ENSG00000107960
10	105698354	105698570	105698462	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SLK	ENSG00000065613
10	105733099	105733293	105733196	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SLK	ENSG00000065613
10	106248742	106248925	106248821	8	10	0	11.43234603	0.000394183	CCDC147	ENSG00000120051
10	107701924	107702250	107702102	15	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000213260
10	109789599	109789961	109789782	25	33	2	11.77878075	5.19E-09		ENSG00000217870
10	111634024	111634268	111634146	11	11	5	2.078608368	0.0614303	XPNPEP1	ENSG00000108039
10	111640847	111641170	111641008	15	18	1	9.87338975	1.41E-05	XPNPEP1	ENSG00000108039
10	111881902	111882140	111882023	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000216242
10	111925153	111925489	111925321	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	MXI1	ENSG00000119950
10	111966973	111967331	111967163	18	23	6	3.563328632	0.000497701	MXI1	ENSG00000119950
10	112379624	112379843	112379733	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000223302
10	112544111	112544344	112544227	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RBM20	ENSG00000203867
10	112572572	112573003	112572702	9	18	14	1.316451967	0.209896	RBM20	ENSG00000203867
10	112668924	112669131	112669029	9	10	0	11.43234603	0.000394183	NCRNA0008	ENSG00000214413
10	113110079	113110326	113110202	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000219328
10	114112203	114112504	114112350	11	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000219383
10	114465901	114466193	114466048	15	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000203854
10	114474238	114474576	114474404	9	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000203854
10	114561665	114561956	114561790	13	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000203854
10	114736531	114736760	114736645	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000219783

10	115456822	115457003	115456914	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211077
10	115924394	115924731	115924562	9	15	5	2.771477825	0.0105836	C10orf118	ENSG00000165813
10	116016180	116016587	116016349	13	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000219906
10	116099262	116099848	116099524	8	20	11	1.818782322	0.04395	AFAP1L2	ENSG00000169129
10	116239711	116239943	116239827	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ABLIM1	ENSG00000099204
10	116529533	116529790	116529646	12	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000220318
10	116569215	116569412	116569323	9	9	0	10.39304184	0.000803859	FAM160B1	ENSG00000151553
10	116687793	116688164	116687870	10	15	4	3.32577339	0.00462646	TRUB1	ENSG00000165832
10	117423280	117423483	117423381	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000203279
10	117794053	117794307	117794153	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000222696
10	118384095	118384301	118384202	11	13	4	2.910051716	0.0125532	PNLIPRP2	ENSG00000165862
10	118410058	118410244	118410151	9	9	3	2.598260461	0.0397929	C10orf82	ENSG00000165863
10	118739848	118740135	118739984	20	24	0	25.98260461	1.83E-08	KIAA1598	ENSG00000187164
10	118754900	118755153	118755026	8	9	2	3.464347281	0.0163838	KIAA1598	ENSG00000187164
10	118966338	118966697	118966517	25	32	2	11.43234603	1.00E-08	KCNK18	ENSG00000186795
10	119803977	119804186	119804081	9	10	2	3.810782009	0.00936112	CASC2	ENSG00000177640
10	120159603	120159782	120159694	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C10orf84	ENSG00000165669
10	120272384	120272596	120272505	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000203278
10	120616551	120616736	120616643	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000217638
10	120753152	120753567	120753361	23	33	1	17.66817113	5.50E-10		ENSG00000215925
10	120756367	120756722	120756517	11	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000215925
10	120775928	120776168	120776034	8	10	0	11.43234603	0.000394183	NANOS1	ENSG00000188613
10	121074675	121075005	121074836	18	22	5	3.983999373	0.000317941		ENSG00000211177
10	121096575	121096790	121096682	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000211177
10	121346353	121346571	121346464	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TIAL1	ENSG00000151923
10	121346576	121346967	121346788	10	18	2	6.582259834	7.91E-05	TIAL1	ENSG00000151923
10	121403888	121404099	121403987	11	12	2	4.503651465	0.002963	BAG3	ENSG00000151929
10	121413458	121413936	121413757	9	19	22	0.903742769	0.631776	BAG3	ENSG00000151929
10	121535791	121535970	121535861	8	8	2	3.117912553	0.0283184	INPP5F	ENSG00000198825
10	121621445	121621646	121621579	8	8	4	1.870747532	0.118863	C10orf119	ENSG00000197771
10	121894826	121895005	121894910	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221402
10	121971340	121971561	121971439	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000221402
10	123074430	123074613	123074521	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000222979
10	123261681	123261882	123261761	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FGFR2	ENSG00000066468

10	123360466	123360841	123360645	24	34	0	36.37564645	1.47E-11	FGFR2	ENSG00000066468
10	123744145	123744403	123744298	8	10	3	2.858086507	0.0242838	TACC2	ENSG00000138162
10	123744608	123744832	123744706	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TACC2	ENSG00000138162
10	124225846	124226108	124225968	9	9	0	10.39304184	0.000803859	HTRA1	ENSG00000166033
10	124792995	124793174	124793083	8	8	5	1.558956276	0.191397	ACADSB	ENSG00000196177
10	125288279	125288741	125288570	29	40	4	8.522294311	2.26E-09	GPR26	ENSG00000154478
10	125333510	125333689	125333547	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GPR26	ENSG00000154478
10	125837622	125837941	125837781	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000182022
10	125931563	125931837	125931700	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000182022
10	126208774	126208970	126208875	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000203273
10	126369527	126369775	126369651	9	10	7	1.429043253	0.21536	FAM53B	ENSG00000189319
10	126372031	126372259	126372135	11	11	3	3.117912553	0.0146045	FAM53B	ENSG00000189319
10	126406027	126406344	126406185	10	14	3	3.897390691	0.00295882	FAM53B	ENSG00000189319
10	126743291	126743635	126743460	17	21	5	3.810782009	0.000537724	CTBP2	ENSG00000175029
10	126743742	126744013	126743877	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	CTBP2	ENSG00000175029
10	126975175	126975410	126975297	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212946
10	127127128	127127361	127127277	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000220396
10	127134404	127134754	127134579	9	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000220396
10	127193686	127194028	127193857	8	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000220396
10	127217555	127217762	127217660	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000220396
10	127270504	127270754	127270648	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000214297
10	127303406	127303682	127303544	12	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000214297
10	127312182	127312361	127312326	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000214297
10	127515309	127515498	127515372	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000215972
10	127571404	127571717	127571560	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000222629
10	127607361	127607658	127607533	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000220675
10	127646137	127646534	127646320	32	43	2	15.24312804	6.77E-12	FANK1	ENSG00000203780
10	128072597	128072790	128072693	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ADAM12	ENSG00000148848
10	129263019	129263378	129263200	15	21	1	11.43234603	1.90E-06	NPS	ENSG00000214285
10	129551364	129551966	129551628	63	81	0	85.22294311	4.19E-26	CLRN3	ENSG00000180745
10	129627997	129628410	129628158	19	32	1	17.14851904	1.09E-09	PTPRE	ENSG00000132334
10	129900205	129900482	129900343	12	12	4	2.702190879	0.0203088	MKI67	ENSG00000148773
10	130080316	130080518	130080392	9	9	3	2.598260461	0.0397929	MKI67	ENSG00000148773
10	131377935	131378315	131378127	9	17	7	2.338434415	0.0171287	MGMT	ENSG00000170430

10	132078200	132078467	132078333	18	20	0	21.82538787	3.17E-07		ENSG00000222997
10	132478674	132478853	132478823	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000211268
10	132782792	132783349	132783118	124	148	2	51.61877448	2.30E-43	TCERG1L	ENSG00000176769
10	132817853	132818153	132818032	11	15	7	2.078608368	0.038229	TCERG1L	ENSG00000176769
10	133459668	133460185	133459983	27	41	2	14.55025858	2.58E-11		ENSG00000189275
10	134045072	134045509	134045307	22	32	1	17.14851904	1.09E-09	PWWP2B	ENSG00000171813
10	134254822	134255001	134254892	8	8	2	3.117912553	0.0283184	INPP5A	ENSG00000068383
10	134526887	134527213	134527050	15	19	2	6.928694562	4.25E-05	C10orf92	ENSG00000108046
10	134567775	134567985	134567901	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000203775
10	134908460	134908864	134908704	11	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000199089
10	134921126	134921357	134921241	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199089
10	134982186	134982413	134982297	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000198050
10	135023649	135023887	135023805	9	11	7	1.558956276	0.158273	C10orf125	ENSG00000148803
10	135349106	135349435	135349270	10	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000203766
10	135374099	135374330	135374214	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213147
11	696822	697132	696977	17	21	2	7.621564018	1.21E-05	EPS8L2	ENSG00000177106
11	794249	794645	794399	21	28	4	6.027964269	3.34E-06	LRDD	ENSG00000177595
11	1098705	1099062	1098883	11	14	1	7.794781382	0.000197021	MUC2	ENSG00000198788
11	1633111	1633426	1633268	19	23	0	24.94330042	3.74E-08	FAM99A	ENSG00000205866
11	1774347	1774705	1774526	17	23	5	4.157216737	0.000186738		ENSG00000216482
11	1805081	1805288	1805174	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SYT8	ENSG00000149043
11	1808470	1808891	1808665	43	55	1	29.10051716	1.38E-16	SYT8	ENSG00000149043
11	2978309	2978507	2978421	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NAP1L4	ENSG00000205531
11	3593859	3594155	3594007	19	22	1	11.95199812	9.69E-07	TRPC2	ENSG00000215103
11	4072350	4072546	4072422	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RRM1	ENSG00000167325
11	4441928	4442434	4442221	78	94	5	16.45564958	1.08E-23	OR52K3P	ENSG00000205512
11	4487129	4487308	4487211	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OR52K1	ENSG00000196778
11	5598332	5598589	5598460	10	11	1	6.235825105	0.0013754	TRIM34	ENSG00000121236
11	5668123	5668569	5668379	21	36	0	38.45425482	3.54E-12	TRIM22	ENSG00000132274
11	5785458	5785774	5785632	24	28	3	7.534955336	7.67E-07	OR52N2	ENSG00000180988
11	5786415	5786629	5786515	9	9	1	5.196520921	0.00490062	OR52N2	ENSG00000180988
11	7549590	7549789	7549670	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PPFIBP2	ENSG00000166387
11	7551446	7551655	7551488	8	10	8	1.27026067	0.293854	PPFIBP2	ENSG00000166387
11	7575538	7575857	7575710	18	20	5	3.637564645	0.000902929	CYB5R2	ENSG00000166394

11	7578098	7578526	7578273	15	25	6	3.860272684	0.00017915	CYB5R2	ENSG00000166394
11	7589911	7590133	7590054	11	11	5	2.078608368	0.0614303	CYB5R2	ENSG00000166394
11	7965245	7965424	7965334	9	9	3	2.598260461	0.0397929	EIF3F	ENSG00000175390
11	8306944	8307199	8307071	9	10	1	5.716173013	0.00260397	LMO1	ENSG00000166407
11	9054484	9054673	9054568	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SCUBE2	ENSG00000175356
11	9054822	9055047	9054931	9	11	6	1.781664316	0.103344	SCUBE2	ENSG00000175356
11	9117110	9117323	9117216	12	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000212788
11	9587945	9588461	9588220	18	35	1	18.70747532	1.40E-10		ENSG00000209446
11	9780451	9780751	9780622	16	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000201564
11	9802784	9802963	9802877	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000215043
11	10022703	10023061	10022882	38	44	0	46.76868829	1.18E-14		ENSG00000215043
11	10366393	10366582	10366420	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000209450
11	10372977	10373283	10373135	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000209450
11	10878139	10878318	10878228	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222048
11	11823306	11823561	11823439	8	9	2	3.464347281	0.0163838	USP47	ENSG00000170242
11	12226658	12226904	12226782	13	15	4	3.32577339	0.00462646	MICALCL	ENSG00000133808
11	12552037	12552216	12552093	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TEAD1	ENSG00000187079
11	12701915	12702109	12702060	8	10	3	2.858086507	0.0242838	TEAD1	ENSG00000187079
11	13322483	13322693	13322579	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222162
11	16934849	16935172	16935016	15	17	10	1.700679574	0.0766266		ENSG00000209522
11	16964968	16965202	16965082	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000209522
11	16977770	16977969	16977905	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PLEKHA7	ENSG00000166689
11	17055716	17055997	17055856	8	11	4	2.494330042	0.0324033	RPS13	ENSG00000110700
11	17090899	17091131	17091015	17	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000201586
11	17216657	17216856	17216756	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000197149
11	17347966	17348276	17348133	14	18	0	19.7467795	1.32E-06	KCNJ11	ENSG00000187486
11	17356858	17357139	17356979	23	25	2	9.00730293	9.47E-07	KCNJ11	ENSG00000187486
11	17449669	17449886	17449777	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ABCC8	ENSG00000006071
11	17789508	17789732	17789622	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000205289
11	18372304	18372502	18372403	9	11	0	12.47165021	0.000193293	LDHA	ENSG00000134333
11	18374055	18374334	18374208	9	10	4	2.286469205	0.0509017	LDHA	ENSG00000134333
11	19289574	19289861	19289702	9	12	4	2.702190879	0.0203088	E2F8	ENSG00000129173
11	19781847	19782027	19781923	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NAV2	ENSG00000166833
11	20462115	20462407	20462262	14	14	1	7.794781382	0.000197021	PRMT3	ENSG00000185238

11	28118029	28118213	28118121	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	METT5D1	ENSG00000169519
11	28118831	28119142	28118980	16	18	1	9.87338975	1.41E-05	METT5D1	ENSG00000169519
11	28499235	28499587	28499411	58	63	2	22.1718226	8.95E-18		ENSG00000216849
11	30176022	30176303	30176171	11	11	1	6.235825105	0.0013754	FSHB	ENSG00000131808
11	30499889	30500106	30499997	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MPPED2	ENSG00000066382
11	31232724	31232912	31232807	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000188512
11	33039577	33039879	33039728	17	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000213713
11	33807759	33807938	33807848	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LMO2	ENSG00000135363
11	33949246	33949439	33949342	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LMO2	ENSG00000135363
11	34241602	34241831	34241716	14	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000201867
11	34247629	34247846	34247737	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000201867
11	34491121	34491310	34491215	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ELF5	ENSG00000135374
11	34491656	34492099	34491830	8	16	6	2.524024447	0.0137633	ELF5	ENSG00000135374
11	34548768	34549023	34548919	8	11	7	1.558956276	0.158273	EHF	ENSG00000135373
11	34552003	34552203	34552103	8	10	6	1.63319229	0.146906	EHF	ENSG00000135373
11	34610093	34610468	34610298	14	19	7	2.598260461	0.00730518	EHF	ENSG00000135373
11	34643682	34643896	34643749	8	8	3	2.338434415	0.0641221	EHF	ENSG00000135373
11	34646273	34646666	34646487	9	17	1	9.353737658	2.73E-05	EHF	ENSG00000135373
11	34663519	34663884	34663698	32	39	2	13.85738912	9.79E-11	EHF	ENSG00000135373
11	35284088	35284487	35284308	9	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000198603
11	36572475	36572773	36572624	13	15	2	5.542955649	0.000497081	C11orf74	ENSG00000166352
11	37966195	37966402	37966298	8	8	2	3.117912553	0.0283184		
11	42750033	42750257	42750116	10	10	0	11.43234603	0.000394183		
11	43717136	43717344	43717259	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HSD17B12	ENSG00000149084
11	44957054	44957352	44957203	10	14	1	7.794781382	0.000197021	TP53I11	ENSG00000175274
11	45318353	45318600	45318476	8	9	6	1.484720263	0.204387	SYT13	ENSG00000019505
11	45784988	45785178	45785083	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC35C1	ENSG00000181830
11	46214234	46214499	46214383	9	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000206837
11	46221360	46221712	46221536	8	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000206837
11	46286715	46286899	46286766	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DGKZ	ENSG00000149091
11	46316853	46317049	46316967	9	9	6	1.484720263	0.204387	DGKZ	ENSG00000149091
11	46317556	46317757	46317606	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DGKZ	ENSG00000149091
11	46323311	46323506	46323360	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DGKZ	ENSG00000149091
11	46441397	46441628	46441509	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222006

11	46528254	46528506	46528380	9	9	0	10.39304184	0.000803859	AMBRA1	ENSG00000110497
11	46572094	46572400	46572247	9	12	6	1.930136342	0.071303	AMBRA1	ENSG00000110497
11	46635601	46635814	46635661	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KIAA0652	ENSG00000175224
11	46635913	46636173	46636032	10	12	5	2.251825733	0.0404733	KIAA0652	ENSG00000175224
11	46678460	46678809	46678634	10	16	11	1.472347594	0.147517	ARHGAP1	ENSG00000175220
11	46678967	46679219	46679071	9	11	8	1.385738912	0.224757	ZNF408	ENSG00000175213
11	46719890	46720072	46719981	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000212135
11	46914637	46914858	46914747	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C11orf49	ENSG00000149179
11	46965447	46965674	46965588	8	9	2	3.464347281	0.0163838	C11orf49	ENSG00000149179
11	47141350	47141604	47141477	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ARFGAP2	ENSG00000149182
11	47154930	47155130	47154978	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ARFGAP2	ENSG00000149182
11	47155205	47155673	47155384	11	18	3	4.936694875	0.000311102	ARFGAP2	ENSG00000149182
11	47167822	47168013	47167992	9	11	0	12.47165021	0.000193293	PACSIN3	ENSG00000165912
11	47192196	47193826	47193125	325	426	14	29.58552578	5.73E-111	DDB2	ENSG00000134574
11	47226818	47227257	47227037	13	22	10	2.173090567	0.0132845	NR1H3	ENSG0000025434
11	47332879	47333209	47333044	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000203453
11	47333443	47333707	47333609	11	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000203453
11	47378713	47378913	47378852	8	9	3	2.598260461	0.0397929	SLC39A13	ENSG00000165915
11	47387904	47388178	47388041	8	11	2	4.157216737	0.0052913	SLC39A13	ENSG00000165915
11	47501741	47501988	47501864	8	11	2	4.157216737	0.0052913	CUGBP1	ENSG00000149187
11	47556992	47557320	47557152	18	22	10	2.173090567	0.0132845	NDUFS3	ENSG00000213619
11	48028185	48028367	48028276	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PTPRJ	ENSG00000149177
11	48087473	48087656	48087564	8	9	7	1.29913023	0.286504	OR4B1	ENSG00000175619
11	48772885	48773067	48772918	9	9	14	0.692869456	0.822654		ENSG00000214907
11	48791572	48791751	48791725	12	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000214907
11	48815934	48816113	48815963	8	8	19	0.467686883	0.977188		ENSG00000214907
11	48820165	48820499	48820332	50	52	46	1.171981314	0.213329		ENSG00000214907
11	48838307	48838634	48838470	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000214907
11	48896243	48896422	48896272	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000214907
11	48914373	48914705	48914539	34	34	18	1.914507708	0.00935224		ENSG00000214907
11	50651572	50651893	50651739	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000214883
11	50726273	50726602	50726437	17	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000214883
11	50737885	50738213	50738044	14	14	12	1.199197136	0.313881		ENSG00000214883
11	51428561	51428890	51428725	8	8	8	1.039304184	0.46786	OR4C46	ENSG00000185926

11	51429781	51429961	51429934	9	9	8	1.154782427	0.375434	OR4C46	ENSG00000185926
11	51435326	51435657	51435491	13	13	8	1.616695398	0.123553	OR4C46	ENSG00000185926
11	51435885	51436217	51436051	27	30	23	1.342434571	0.13686	OR4C46	ENSG00000185926
11	51437367	51437546	51437517	9	10	3	2.858086507	0.0242838	OR4C46	ENSG00000185926
11	51447736	51448074	51447905	12	12	12	1.039304184	0.461227	OR4C46	ENSG00000185926
11	57181257	57181497	57181344	10	10	4	2.286469205	0.0509017	CLP1	ENSG00000172409
11	57265266	57265535	57265385	11	14	2	5.196520921	0.000907371	C11orf31	ENSG00000211450
11	58102049	58102374	58102215	10	14	6	2.227080395	0.0322529	CNTF	ENSG00000186660
11	59080293	59080719	59080540	8	13	4	2.910051716	0.0125532	OR4D9	ENSG00000172742
11	59097595	59097844	59097718	9	9	0	10.39304184	0.000803859	OSBP	ENSG00000110048
11	59894803	59895053	59894928	9	10	2	3.810782009	0.00936112	MS4A7	ENSG00000166927
11	60087592	60088117	60087879	26	43	2	15.24312804	6.77E-12	MS4A13	ENSG00000204979
11	60396198	60396447	60396322	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ZP1	ENSG00000149506
11	60466352	60466543	60466447	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SLC15A3	ENSG00000110446
11	60682713	60682960	60682836	15	17	6	2.672496474	0.00882337	VPS37C	ENSG00000167987
11	60824752	60824982	60824827	11	11	1	6.235825105	0.0013754	VWCE	ENSG00000167992
11	60886156	60886448	60886302	8	11	5	2.078608368	0.0614303	CYBASC3	ENSG00000162144
11	60970325	60970556	60970424	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000209851
11	61005419	61005616	61005520	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C11orf66	ENSG00000162148
11	61105487	61105700	61105601	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000011347
11	61150805	61151161	61150982	13	18	9	1.97467795	0.0349428		ENSG00000213553
11	61199737	61199938	61199837	8	9	0	10.39304184	0.000803859	DAGLA	ENSG00000134780
11	61304974	61305153	61305063	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C11orf9	ENSG00000124920
11	61316125	61316343	61316182	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000207601
11	61340406	61340592	61340499	12	12	6	1.930136342	0.071303	FADS2	ENSG00000134824
11	61344192	61344531	61344361	27	32	3	8.57425952	6.31E-08	FADS1	ENSG00000149485
11	61495825	61496105	61495965	8	10	6	1.63319229	0.146906	FTH1	ENSG00000167996
11	61523071	61523544	61523224	24	34	5	6.062607741	3.83E-07	FTH1	ENSG00000167996
11	61620317	61620535	61620426	9	10	0	11.43234603	0.000394183	INCENP	ENSG00000149503
11	61746942	61747252	61747097	25	27	0	29.10051716	2.16E-09	SCGB2A1	ENSG00000124939
11	62032735	62032934	62032794	11	13	2	4.850086193	0.00164564	AHNAK	ENSG00000124942
11	62097408	62097587	62097497	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EEF1G	ENSG00000186676
11	62123923	62124318	62124120	17	25	3	6.755477198	4.84E-06	MTA2	ENSG00000149480
11	62189226	62189610	62189405	13	20	4	4.365077574	0.000324139		ENSG00000214756

11	62195574	62195835	62195693	14	14	1	7.794781382	0.000197021	C11orf83	ENSG00000204922
11	62245871	62246081	62245971	10	10	4	2.286469205	0.0509017	HNRNPUL2	ENSG00000214753
11	62285634	62285829	62285734	9	10	3	2.858086507	0.0242838	POLR2G	ENSG00000168002
11	62355842	62356049	62355922	8	9	6	1.484720263	0.204387	STX5	ENSG00000162236
11	62365307	62366093	62365555	26	65	40	1.673026248	0.00419693		ENSG00000222328
11	62433230	62433474	62433352	9	12	4	2.702190879	0.0203088	CHRM1	ENSG00000168539
11	62433528	62433745	62433636	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CHRM1	ENSG00000168539
11	62559743	62560101	62559921	9	13	4	2.910051716	0.0125532	SLC22A8	ENSG00000149452
11	63069913	63070112	63070029	9	9	1	5.196520921	0.00490062	RARRES3	ENSG00000133321
11	63166213	63166393	63166256	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000196566
11	63315530	63315864	63315697	10	16	1	8.834085566	5.30E-05	C11orf84	ENSG00000168005
11	63328413	63328668	63328548	9	12	7	1.688869299	0.11395	C11orf84	ENSG00000168005
11	63371414	63371793	63371593	12	19	4	4.157216737	0.000560204	MARK2	ENSG00000072518
11	63485961	63486252	63486103	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000207200
11	63510218	63510484	63510365	8	11	3	3.117912553	0.0146045	OTUB1	ENSG00000167770
11	63547597	63547776	63547744	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OTUB1	ENSG00000167770
11	63690557	63690828	63690688	11	12	2	4.503651465	0.002963	MACROD1	ENSG00000133315
11	63728635	63728875	63728758	14	17	2	6.235825105	0.000146695	FERMT3	ENSG00000149781
11	63825065	63825288	63825132	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000219435
11	64327484	64327698	64327615	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MAP4K2	ENSG00000168067
11	64366797	64367356	64367215	19	38	1	20.26643159	1.78E-11	CDC42BPG	ENSG00000171219
11	64400945	64401156	64401050	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EHD1	ENSG00000110047
11	64565090	64565490	64565360	14	22	3	5.975999059	2.96E-05	SAC3D1	ENSG00000168061
11	64608022	64608220	64608152	8	9	7	1.29913023	0.286504	CDCA5	ENSG00000146670
11	64620028	64620296	64620171	10	13	13	1.039304184	0.45974	C11orf2	ENSG00000149823
11	64646226	64646507	64646296	9	13	2	4.850086193	0.00164564	MRPL49	ENSG00000149792
11	64906803	64907042	64906922	9	11	10	1.133786383	0.380636	SLC25A45	ENSG00000162241
11	64942772	64943222	64943043	8	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000207727
11	64944036	64944497	64944215	22	34	3	9.093911612	1.78E-08		ENSG00000207727
11	64944882	64945812	64945375	273	334	17	19.34260565	8.67E-81		ENSG00000207727
11	64946197	64946524	64946360	10	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000207727
11	64946561	64946954	64946820	17	23	4	4.988660084	6.05E-05		ENSG00000207727
11	64950952	64951450	64951131	8	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000207727
11	64952607	64952861	64952734	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000207727

11	64953310	64953580	64953426	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000207727
11	64954080	64954323	64954201	11	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000207727
11	64978919	64979213	64979050	9	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000173727
11	64992914	64993105	64993042	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000173727
11	64996136	64996480	64996307	16	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000173727
11	65011555	65011972	65011642	12	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000173727
11	65013535	65013818	65013682	9	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000173727
11	65021129	65021361	65021245	9	10	7	1.429043253	0.21536	SCYL1	ENSG00000142186
11	65021442	65021822	65021635	11	20	3	5.456346967	9.70E-05	SCYL1	ENSG00000142186
11	65022889	65023238	65023063	15	20	10	1.98412617	0.0277883	SCYL1	ENSG00000142186
11	65023436	65023632	65023509	8	9	3	2.598260461	0.0397929	SCYL1	ENSG00000142186
11	65023950	65024195	65024055	10	12	5	2.251825733	0.0404733	SCYL1	ENSG00000142186
11	65024839	65025124	65024983	9	12	1	6.755477198	0.000722752	SCYL1	ENSG00000142186
11	65026540	65026876	65026711	11	12	3	3.377738599	0.00867157	SCYL1	ENSG00000142186
11	65028274	65028566	65028420	10	12	5	2.251825733	0.0404733	SCYL1	ENSG00000142186
11	65031627	65031948	65031787	12	14	8	1.73217364	0.0890835	SCYL1	ENSG00000142186
11	65034759	65035075	65034917	9	14	3	3.897390691	0.00295882	SCYL1	ENSG00000142186
11	65064487	65064775	65064656	10	13	3	3.637564645	0.0050909	SCYL1	ENSG00000142186
11	65073183	65073465	65073354	8	11	1	6.235825105	0.0013754	LTBP3	ENSG00000168056
11	65076986	65077165	65077077	8	8	4	1.870747532	0.118863	LTBP3	ENSG00000168056
11	65094286	65094720	65094465	9	16	2	5.889390377	0.000270741	SSSCA1	ENSG00000173465
11	65098366	65098545	65098455	9	9	7	1.29913023	0.286504	EHBP1L1	ENSG00000173442
11	65099338	65099610	65099452	8	11	8	1.385738912	0.224757	EHBP1L1	ENSG00000173442
11	65138274	65138462	65138368	9	9	1	5.196520921	0.00490062	MAP3K11	ENSG00000173327
11	65139295	65139506	65139400	8	9	7	1.29913023	0.286504	PCNXL3	ENSG00000197136
11	65169487	65169670	65169585	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SIPA1	ENSG00000213445
11	65235829	65236254	65236083	10	17	3	4.676868829	0.000552213	KAT5	ENSG00000172977
11	65266613	65266795	65266704	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214659
11	65308065	65308340	65308202	9	11	2	4.157216737	0.0052913	OVOL1	ENSG00000172818
11	65313013	65313218	65313170	8	8	1	4.676868829	0.0091584	OVOL1	ENSG00000172818
11	65317267	65317549	65317408	20	22	1	11.95199812	9.69E-07	OVOL1	ENSG00000172818
11	65383649	65383901	65383765	8	10	5	1.905391004	0.0915982	MUS81	ENSG00000172732
11	65384339	65384584	65384433	10	12	4	2.702190879	0.0203088	MUS81	ENSG00000172732
11	65423084	65423393	65423262	20	23	2	8.314433474	3.41E-06	FOSL1	ENSG00000175592

11	65494108	65494287	65494193	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SART1	ENSG00000175467
11	65513123	65513426	65513271	11	15	8	1.847651883	0.0631662	BANF1	ENSG00000175334
11	65526073	65526437	65526252	15	22	6	3.414856605	0.000820885	EIF1AD	ENSG00000175376
11	65569237	65569451	65569344	10	10	6	1.63319229	0.146906	GAL3ST3	ENSG00000175229
11	65569985	65570168	65570079	9	9	0	10.39304184	0.000803859	GAL3ST3	ENSG00000175229
11	65575879	65576480	65576107	8	22	12	1.838768941	0.0349935	SF3B2	ENSG00000087365
11	65584298	65584477	65584387	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210095
11	65637256	65637512	65637384	10	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000210102
11	65806613	65806852	65806690	8	9	8	1.154782427	0.375434	CNIH2	ENSG00000174871
11	65868972	65869282	65869147	14	18	1	9.87338975	1.41E-05	BRMS1	ENSG00000174744
11	65872083	65872288	65872216	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000174684
11	65896388	65896584	65896414	9	12	4	2.702190879	0.0203088	SLC29A2	ENSG00000174669
11	65913041	65913246	65913173	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000202317
11	65945683	65946010	65945821	15	20	6	3.117912553	0.00218114	NPAS4	ENSG00000174576
11	65982699	65982878	65982788	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PELI3	ENSG00000174516
11	66035021	66035250	66035142	8	10	2	3.810782009	0.00936112	BBS1	ENSG00000174483
11	66140230	66140934	66140499	11	33	12	2.718180174	0.000523509	RBM4	ENSG00000173933
11	66142973	66143673	66143445	47	69	4	14.55025858	1.78E-17	RBM4	ENSG00000173933
11	66160694	66160928	66160811	9	10	6	1.63319229	0.146906	RBM4	ENSG00000173933
11	66162450	66162964	66162710	11	22	17	1.327999791	0.180771	RBM4	ENSG00000173933
11	66202130	66202815	66202636	9	26	12	2.158554844	0.00861404	RBM4B	ENSG00000173914
11	66218738	66219109	66218941	21	27	6	4.157216737	6.29E-05	RBM4B	ENSG00000173914
11	66242736	66243073	66242904	10	16	12	1.359090087	0.198699	SPTBN2	ENSG00000173898
11	66244146	66244894	66244661	18	44	14	3.117912553	1.75E-05	SPTBN2	ENSG00000173898
11	66273087	66273455	66273265	11	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000213410
11	66292120	66292329	66292224	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000213409
11	66312087	66312295	66312191	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213409
11	66313815	66314137	66313976	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000213409
11	66367728	66367924	66367858	9	9	3	2.598260461	0.0397929	RCE1	ENSG00000173653
11	66380097	66380310	66380203	8	10	3	2.858086507	0.0242838	LRFN4	ENSG00000173621
11	66380496	66380779	66380651	14	15	0	16.62886695	1.12E-05	LRFN4	ENSG00000173621
11	66386701	66386880	66386790	10	10	2	3.810782009	0.00936112	LRFN4	ENSG00000173621
11	66404910	66405141	66405025	8	10	7	1.429043253	0.21536	PC	ENSG00000173599
11	66474019	66474278	66474144	10	13	7	1.818782322	0.0805123	PC	ENSG00000173599

11	66551794	66552163	66551969	15	22	14	1.593599749	0.0756559	SYT12	ENSG00000173227
11	66555106	66555494	66555280	14	23	8	2.771477825	0.00251818	SYT12	ENSG00000173227
11	66578310	66578499	66578404	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RHOD	ENSG00000173156
11	66578986	66579691	66579165	15	35	13	2.672496474	0.00043826	RHOD	ENSG00000173156
11	66581248	66581484	66581419	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RHOD	ENSG00000173156
11	66581560	66582074	66581895	23	41	5	7.27512929	5.94E-09	RHOD	ENSG00000173156
11	66595834	66596075	66595986	9	11	1	6.235825105	0.0013754	RHOD	ENSG00000173156
11	66605557	66605930	66605770	14	24	7	3.247825576	0.000729793	RHOD	ENSG00000173156
11	66644931	66645160	66645045	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FBXL11	ENSG00000173120
11	66763979	66764267	66764123	11	14	6	2.227080395	0.0322529	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66776796	66777060	66776950	12	14	5	2.598260461	0.0167748	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66786664	66786884	66786785	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ADRBK1	ENSG00000173020
11	66836815	66836994	66836904	8	9	6	1.484720263	0.204387	SSH3	ENSG00000172830
11	66837002	66837193	66837049	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SSH3	ENSG00000172830
11	66841674	66842024	66841897	9	13	5	2.425043097	0.0262442	SSH3	ENSG00000172830
11	66870028	66870267	66870147	10	10	3	2.858086507	0.0242838	POLD4	ENSG00000175482
11	66875341	66875622	66875477	8	12	2	4.503651465	0.002963	POLD4	ENSG00000175482
11	66902759	66902938	66902848	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CLCF1	ENSG00000175505
11	66926139	66926350	66926287	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PPP1CA	ENSG00000172531
11	66952177	66952576	66952356	8	15	10	1.511715177	0.140236	RPS6KB2	ENSG00000175634
11	66988041	66988485	66988206	18	27	9	2.910051716	0.000869703	TMEM134	ENSG00000172663
11	66988512	66988723	66988574	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TMEM134	ENSG00000172663
11	66988918	66989129	66989010	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TMEM134	ENSG00000172663
11	67060169	67060360	67060306	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CABP2	ENSG00000167791
11	67106608	67106896	67106757	10	15	5	2.771477825	0.0105836	GSTP1	ENSG00000084207
11	67180448	67180725	67180584	13	13	1	7.27512929	0.000378098	ACY3	ENSG00000132744
11	67198705	67199171	67198868	14	25	12	2.078608368	0.0124196	ALDH3B2	ENSG00000132746
11	67652276	67652556	67652416	10	11	2	4.157216737	0.0052913	CHKA	ENSG00000110721
11	67687916	67688098	67687961	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CHKA	ENSG00000110721
11	67722373	67722696	67722534	17	20	0	21.82538787	3.17E-07	SUV420H1	ENSG00000110066
11	67795229	67795408	67795313	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C11orf24	ENSG00000171067
11	67806244	67806480	67806362	11	13	5	2.425043097	0.0262442	C11orf24	ENSG00000171067
11	67861319	67861757	67861538	19	28	4	6.027964269	3.34E-06	LRP5	ENSG00000162337
11	67983948	67984406	67984227	10	18	14	1.316451967	0.209896		ENSG00000210241

11	68069892	68070194	68070043	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000212093
11	68156957	68157154	68157055	9	9	2	3.464347281	0.0163838	GAL	ENSG00000069482
11	68287198	68287597	68287422	14	22	6	3.414856605	0.000820885	MTL5	ENSG00000132749
11	68427759	68427948	68427835	8	9	7	1.29913023	0.286504	MRPL21	ENSG00000197345
11	68646781	68647105	68646937	13	17	7	2.338434415	0.0171287	TPCN2	ENSG00000162341
11	68655677	68656022	68655849	9	14	4	3.117912553	0.00766354	TPCN2	ENSG00000162341
11	68673736	68674029	68673882	15	17	0	18.70747532	2.69E-06	TPCN2	ENSG00000162341
11	68775388	68775729	68775558	9	11	0	12.47165021	0.000193293	MYEOV	ENSG00000172927
11	68978608	68978787	68978732	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MYEOV	ENSG00000172927
11	69017747	69017999	69017847	8	8	5	1.558956276	0.191397	CCND1	ENSG00000110092
11	69025563	69025865	69025717	12	14	0	15.58956276	2.28E-05	CCND1	ENSG00000110092
11	69034528	69034838	69034663	14	18	1	9.87338975	1.41E-05	CCND1	ENSG00000110092
11	69039298	69039504	69039401	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CCND1	ENSG00000110092
11	69162361	69162673	69162528	8	12	3	3.377738599	0.00867157	CCND1	ENSG00000110092
11	69176284	69176593	69176438	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000204579
11	69178161	69178564	69178412	10	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000204579
11	69418273	69418543	69418390	9	10	9	1.143234603	0.378307	FGF3	ENSG00000186895
11	69572545	69572790	69572667	14	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000202070
11	69587371	69587661	69587516	14	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000202070
11	69707325	69707536	69707446	9	11	3	3.117912553	0.0146045	FADD	ENSG00000168040
11	69757304	69757587	69757450	10	13	4	2.910051716	0.0125532	FADD	ENSG00000168040
11	69895129	69895317	69895236	8	9	5	1.73217364	0.133894	CTTN	ENSG00000085733
11	70048846	70049180	70049013	18	22	1	11.95199812	9.69E-07	CTTN	ENSG00000085733
11	70167660	70168083	70167839	22	31	3	8.314433474	1.18E-07	SHANK2	ENSG00000162105
11	70216125	70216328	70216226	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000207196
11	70293292	70293611	70293451	14	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000207196
11	70329620	70329921	70329795	14	16	5	2.944695189	0.00659886	C11orf76	ENSG00000171671
11	70501928	70502107	70502017	8	8	4	1.870747532	0.118863	SHANK2	ENSG00000162105
11	70568776	70568965	70568870	13	13	6	2.078608368	0.0483393	SHANK2	ENSG00000162105
11	70672608	70672964	70672785	15	19	6	2.969440526	0.0035096	SHANK2	ENSG00000162105
11	70687921	70688214	70688067	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000172900
11	70809131	70809356	70809243	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000172900
11	70836109	70836313	70836177	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DHCR7	ENSG00000172893
11	70841296	70841578	70841434	9	12	5	2.251825733	0.0404733	NADSYN1	ENSG00000172890

11	70870030	70870421	70870178	9	16	6	2.524024447	0.0137633	NADSYN1	ENSG00000172890
11	71413862	71414126	71413959	12	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000206783
11	71441510	71441750	71441632	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000206783
11	71469354	71469615	71469436	8	11	6	1.781664316	0.103344	LRR51	ENSG00000184154
11	71470452	71470872	71470707	13	23	8	2.771477825	0.00251818	LRR51	ENSG00000184154
11	71501245	71501639	71501498	8	14	5	2.598260461	0.0167748	C11orf51	ENSG00000110200
11	71594722	71594903	71594780	8	8	5	1.558956276	0.191397	FOLR2	ENSG00000165457
11	71609216	71609463	71609359	9	9	0	10.39304184	0.000803859	FOLR2	ENSG00000165457
11	71807061	71807241	71807159	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CLPB	ENSG00000162129
11	71823273	71823504	71823381	9	10	8	1.27026067	0.293854	CLPB	ENSG00000162129
11	71880476	71880673	71880548	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CLPB	ENSG00000162129
11	72141314	72141494	72141404	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ARAP1	ENSG00000186635
11	72169258	72169601	72169429	9	13	11	1.212521548	0.309909	STARD10	ENSG00000214530
11	72174961	72175375	72175203	9	16	4	3.533634226	0.00276486	STARD10	ENSG00000214530
11	72181954	72182199	72182105	14	17	2	6.235825105	0.000146695	STARD10	ENSG00000214530
11	72201741	72201960	72201850	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ATG16L2	ENSG00000168010
11	72220267	72220482	72220411	9	11	5	2.078608368	0.0614303	FCHSD2	ENSG00000137478
11	72574097	72574331	72574214	9	10	9	1.143234603	0.378307	P2RY2	ENSG00000175591
11	72574768	72575339	72575215	12	23	7	3.117912553	0.00117689	P2RY2	ENSG00000175591
11	72576530	72577016	72576773	31	45	4	9.561598495	9.80E-11	P2RY2	ENSG00000175591
11	72580989	72581321	72581155	9	11	10	1.133786383	0.380636	P2RY2	ENSG00000175591
11	72582580	72582987	72582808	22	30	15	2.013651857	0.00918451	P2RY2	ENSG00000175591
11	72583223	72583641	72583462	13	23	3	6.235825105	1.63E-05	P2RY2	ENSG00000175591
11	72584070	72584515	72584249	12	24	6	3.711800658	0.000299603	P2RY2	ENSG00000175591
11	72616558	72616884	72616712	19	22	4	4.780799247	0.00010647	P2RY2	ENSG00000175591
11	72631394	72631814	72631567	13	19	2	6.928694562	4.25E-05	P2RY6	ENSG00000171631
11	72638312	72638636	72638474	8	13	3	3.637564645	0.0050909	P2RY6	ENSG00000171631
11	72644559	72644817	72644709	8	9	1	5.196520921	0.00490062	P2RY6	ENSG00000171631
11	72660624	72661030	72660851	17	25	6	3.860272684	0.00017915	P2RY6	ENSG00000171631
11	72664032	72664419	72664274	11	16	8	1.963130126	0.0441028	P2RY6	ENSG00000171631
11	72696074	72696280	72696172	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ARHGEF17	ENSG00000110237
11	72696576	72696821	72696678	10	12	4	2.702190879	0.0203088	ARHGEF17	ENSG00000110237
11	72706434	72706638	72706536	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ARHGEF17	ENSG00000110237
11	72801960	72802140	72802050	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RELT	ENSG00000054967

11	73049713	73049997	73049879	9	11	4	2.494330042	0.0324033	PLEKHB1	ENSG00000021300
11	73176431	73176918	73176610	8	17	10	1.700679574	0.0766266	MRPL48	ENSG00000175581
11	73377988	73378192	73378134	8	8	3	2.338434415	0.0641221	UCP2	ENSG00000175567
11	73425342	73425618	73425449	9	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000204552
11	73457700	73458393	73457967	16	34	9	3.637564645	3.15E-05		ENSG00000204552
11	73458532	73458738	73458649	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000204552
11	73479340	73479605	73479472	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000204552
11	73523975	73524251	73524113	15	17	4	3.741495063	0.00163722	C2CD3	ENSG00000168014
11	73527263	73527581	73527410	12	17	3	4.676868829	0.000552213	C2CD3	ENSG00000168014
11	73559618	73560063	73559925	11	19	13	1.484720263	0.123861		ENSG00000214517
11	73760391	73760643	73760555	9	11	4	2.494330042	0.0324033	PGM2L1	ENSG00000165434
11	73806018	73806331	73806174	13	15	5	2.771477825	0.0105836	PGM2L1	ENSG00000165434
11	73921234	73921489	73921410	10	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000210380
11	74482183	74482396	74482309	8	10	2	3.810782009	0.00936112	OR2AT4	ENSG00000171561
11	74587306	74587585	74587445	18	20	2	7.27512929	2.27E-05	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74603082	74603388	74603228	10	13	4	2.910051716	0.0125532	SLCO2B1	ENSG00000137491
11	74646283	74646485	74646384	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000199090
11	74714828	74715013	74714902	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000199090
11	74717500	74717727	74717613	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000199090
11	74723358	74723548	74723427	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000199090
11	74731697	74732002	74731849	15	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000199090
11	74732187	74732605	74732426	10	17	9	1.870747532	0.0498299	ARRB1	ENSG00000137486
11	74739895	74740105	74740026	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ARRB1	ENSG00000137486
11	74745075	74745254	74745202	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ARRB1	ENSG00000137486
11	74761089	74761331	74761210	10	12	13	0.965068171	0.538344	ARRB1	ENSG00000137486
11	74788013	74788449	74788137	11	20	9	2.182538787	0.0165356	RPS3	ENSG00000149273
11	74889477	74889753	74889617	25	26	2	9.353737658	4.98E-07	GDPD5	ENSG00000158555
11	74896970	74897250	74897142	9	12	7	1.688869299	0.11395	GDPD5	ENSG00000158555
11	74964628	74964807	74964717	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SERPINH1	ENSG00000149257
11	75336306	75336486	75336396	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210489
11	75372114	75372340	75372259	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210489
11	75484686	75484968	75484845	9	11	4	2.494330042	0.0324033	WNT11	ENSG00000085741
11	75540968	75541156	75541062	9	9	3	2.598260461	0.0397929	WNT11	ENSG00000085741
11	75624176	75624725	75624500	17	29	19	1.558956276	0.0586429	WNT11	ENSG00000085741

11	75833153	75833591	75833322	9	17	5	3.117912553	0.00407023	C11orf30	ENSG00000158636
11	75834247	75834448	75834297	8	9	2	3.464347281	0.0163838	C11orf30	ENSG00000158636
11	76154866	76155178	76155022	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TSKU	ENSG00000182704
11	76160716	76160920	76160818	8	9	7	1.29913023	0.286504	TSKU	ENSG00000182704
11	76161311	76161567	76161442	17	19	8	2.309564854	0.0138337	TSKU	ENSG00000182704
11	76162611	76162799	76162705	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TSKU	ENSG00000182704
11	76171704	76171905	76171785	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TSKU	ENSG00000182704
11	76173365	76173576	76173441	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TSKU	ENSG00000182704
11	76177256	76177496	76177377	8	10	6	1.63319229	0.146906	TSKU	ENSG00000182704
11	76489942	76490166	76490054	10	10	2	3.810782009	0.00936112	MYO7A	ENSG00000137474
11	76502338	76502535	76502384	10	10	4	2.286469205	0.0509017	MYO7A	ENSG00000137474
11	76860549	76860829	76860689	9	13	4	2.910051716	0.0125532	PAK1	ENSG00000149269
11	77026381	77026763	77026513	12	20	7	2.728173484	0.00469378	CLNS1A	ENSG00000074201
11	77209353	77209705	77209531	8	13	6	2.078608368	0.0483393	RSF1	ENSG00000048649
11	77383318	77383739	77383560	10	20	13	1.558956276	0.0943292	INTS4	ENSG00000149262
11	77434897	77435254	77435075	9	15	5	2.771477825	0.0105836	THRSP	ENSG00000151365
11	77450787	77450966	77450839	8	8	1	4.676868829	0.0091584	THRSP	ENSG00000151365
11	77468520	77468756	77468638	9	10	9	1.143234603	0.378307	NDUFC2	ENSG00000151366
11	77545183	77545487	77545354	9	11	8	1.385738912	0.224757	ALG8	ENSG00000159063
11	77617204	77617459	77617290	9	11	0	12.47165021	0.000193293	USP35	ENSG00000118369
11	77648589	77649075	77648873	12	23	12	1.918715417	0.0250463	USP35	ENSG00000118369
11	77963252	77963731	77963509	11	24	16	1.528388506	0.0846311	NARS2	ENSG00000137513
11	78096211	78096424	78096343	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210533
11	78104324	78104508	78104416	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000210533
11	78189893	78190097	78189995	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000210533
11	78296264	78296719	78296409	12	23	3	6.235825105	1.63E-05	ODZ4	ENSG00000149256
11	78448624	78449243	78448933	18	34	15	2.273477903	0.00217414	ODZ4	ENSG00000149256
11	78465218	78465516	78465368	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ODZ4	ENSG00000149256
11	78544722	78545008	78544854	17	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000212701
11	78549608	78549789	78549700	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000212701
11	78557426	78557731	78557578	15	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000212701
11	78698091	78698288	78698185	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000211997
11	78882372	78882714	78882543	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000211997
11	79328753	79329110	79328931	12	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000221551

11	79389145	79389349	79389247	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221551
11	79670002	79670247	79670120	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000200146
11	80109130	80109339	80109234	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000200146
11	80304903	80305148	80305065	12	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000200146
11	80307283	80307484	80307425	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200146
11	80460384	80460582	80460483	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000210551
11	81997357	81997552	81997483	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM181B	ENSG00000182103
11	82180630	82180855	82180742	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000212700
11	82320399	82320620	82320509	10	10	1	5.716173013	0.00260397	C11orf82	ENSG00000165490
11	82460593	82460916	82460754	11	13	1	7.27512929	0.000378098	RAB30	ENSG00000137502
11	82481504	82481866	82481687	14	21	13	1.63319229	0.0708832	RAB30	ENSG00000137502
11	82549183	82549505	82549344	19	23	5	4.157216737	0.000186738	PCF11	ENSG00000165494
11	82583979	82584212	82584095	12	14	3	3.897390691	0.00295882	ANKRD42	ENSG00000137494
11	82674270	82674651	82674525	16	21	6	3.266384579	0.0013436	CCDC90B	ENSG00000137500
11	83050367	83050790	83050546	27	39	1	20.78608368	8.93E-12	DLG2	ENSG00000150672
11	83050866	83051045	83050909	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DLG2	ENSG00000150672
11	83564735	83564975	83564855	10	11	0	12.47165021	0.000193293	DLG2	ENSG00000150672
11	83786808	83786987	83786943	8	8	2	3.117912553	0.0283184	DLG2	ENSG00000150672
11	84073186	84073501	84073343	8	11	1	6.235825105	0.0013754	DLG2	ENSG00000150672
11	84657823	84658169	84657996	11	14	1	7.794781382	0.000197021	DLG2	ENSG00000150672
11	84673075	84673456	84673245	18	25	3	6.755477198	4.84E-06	DLG2	ENSG00000150672
11	84872516	84872944	84872755	200	245	203	1.253278575	0.00838743		ENSG00000210598
11	85016237	85016485	85016364	9	9	1	5.196520921	0.00490062	DLG2	ENSG00000150672
11	85017329	85017663	85017496	8	12	8	1.501217155	0.168286	TMEM126B	ENSG00000171204
11	85124946	85125129	85125022	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYTL2	ENSG00000137501
11	85189407	85189586	85189565	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SYTL2	ENSG00000137501
11	85195439	85196014	85195793	31	53	6	8.017489421	1.90E-11	CCDC83	ENSG00000150676
11	85198796	85199015	85198905	10	10	3	2.858086507	0.0242838	CCDC83	ENSG00000150676
11	85202912	85203238	85203075	8	11	3	3.117912553	0.0146045	CCDC83	ENSG00000150676
11	85216019	85216293	85216156	10	11	6	1.781664316	0.103344	CCDC83	ENSG00000150676
11	85216362	85217056	85216807	16	36	13	2.746732487	0.000287048	CCDC83	ENSG00000150676
11	85217061	85217366	85217225	12	17	10	1.700679574	0.0766266	CCDC83	ENSG00000150676
11	85219199	85219476	85219337	8	12	8	1.501217155	0.168286	CCDC83	ENSG00000150676
11	85219899	85220253	85220088	16	21	3	5.716173013	5.37E-05	CCDC83	ENSG00000150676

11	85430659	85430847	85430786	8	8	5	1.558956276	0.191397	PICALM	ENSG00000073921
11	85536631	85536848	85536696	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000200877
11	85690850	85691046	85690950	11	11	3	3.117912553	0.0146045	C11orf73	ENSG00000149196
11	85703446	85703627	85703528	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210623
11	85723852	85724564	85724289	93	162	11	14.11721517	1.85E-37		ENSG00000222550
11	85912837	85913142	85913005	13	18	5	3.291129917	0.00248584	ME3	ENSG00000151376
11	86094726	86095024	86094875	8	12	4	2.702190879	0.0203088	ME3	ENSG00000151376
11	86095097	86095438	86095276	20	25	7	3.377738599	0.000449165	ME3	ENSG00000151376
11	86153812	86153994	86153903	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PRSS23	ENSG00000150687
11	86393960	86394251	86394105	14	15	2	5.542955649	0.000497081	TMEM135	ENSG00000166575
11	86992922	86993203	86993069	14	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000223015
11	87791486	87791672	87791512	8	10	6	1.63319229	0.146906	CTSC	ENSG00000109861
11	93678070	93678345	93678225	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000183560
11	94408206	94408510	94408341	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000180771
11	94438226	94438547	94438398	14	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000180771
11	95209323	95209585	95209440	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000210880
11	95518124	95518334	95518200	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MAML2	ENSG00000184384
11	100410051	100410437	100410225	24	30	7	4.027303714	3.60E-05	TMEM133	ENSG00000170647
11	100712308	100712510	100712361	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PGR	ENSG00000082175
11	101632200	101632589	101632396	42	54	0	57.16173013	9.52E-18		ENSG00000212466
11	102485034	102485287	102485160	12	14	1	7.794781382	0.000197021	DYNC2H1	ENSG00000187240
11	103234658	103234837	103234683	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DDI1	ENSG00000170967
11	105463866	105464045	105463921	8	8	0	9.353737658	0.00163931	AASDHPPT	ENSG00000149313
11	105606073	105606258	105606165	8	9	1	5.196520921	0.00490062	AASDHPPT	ENSG00000149313
11	106534909	106535509	106535209	59	92	6	13.80789845	3.45E-22	GUCY1A2	ENSG00000152402
11	107711243	107711480	107711361	12	14	0	15.58956276	2.28E-05	ATM	ENSG00000149311
11	107873484	107873780	107873632	8	12	4	2.702190879	0.0203088	KDELC2	ENSG00000178202
11	108324215	108324519	108324367	14	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000203334
11	108718342	108718521	108718366	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C11orf87	ENSG00000185742
11	109398513	109398763	109398648	16	17	0	18.70747532	2.69E-06	ZC3H12C	ENSG00000149289
11	110710720	110710935	110710826	8	9	3	2.598260461	0.0397929	POU2AF1	ENSG00000110777
11	110802630	110802892	110802756	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	POU2AF1	ENSG00000110777
11	110886288	110886684	110886462	49	56	2	19.7467795	1.05E-15	BTG4	ENSG00000137707
11	111254500	111254739	111254668	8	10	7	1.429043253	0.21536	FDXACB1	ENSG00000137702

11	112720281	112720594	112720438	8	12	0	13.5109544	9.48E-05	TTC12	ENSG00000149292
11	112760546	112760893	112760719	16	20	2	7.27512929	2.27E-05	ANKK1	ENSG00000170209
11	112822815	112823266	112822994	21	32	3	8.57425952	6.31E-08	DRD2	ENSG00000149295
11	113351033	113351312	113351172	8	8	1	4.676868829	0.0091584	HTR3A	ENSG00000166736
11	114864952	114865175	114865055	9	9	0	10.39304184	0.000803859	CADM1	ENSG00000182985
11	116447281	116447465	116447373	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000160584
11	116559863	116560145	116559993	9	12	3	3.377738599	0.00867157	SIDT2	ENSG00000149577
11	117132347	117132526	117132436	8	8	2	3.117912553	0.0283184	DSCAML1	ENSG00000177103
11	117283543	117283771	117283615	8	10	2	3.810782009	0.00936112	TMPRSS13	ENSG00000137747
11	117305232	117305540	117305378	10	14	3	3.897390691	0.00295882	TMPRSS13	ENSG00000137747
11	117433778	117434141	117433962	17	24	9	2.598260461	0.0032455		ENSG00000222925
11	117450902	117451102	117451004	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117452707	117453091	117452912	10	18	12	1.518983039	0.117837	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117468918	117469178	117469048	11	12	4	2.702190879	0.0203088	TMPRSS4	ENSG00000137648
11	117574160	117574502	117574324	11	16	4	3.533634226	0.00276486	AMICA1	ENSG00000160593
11	117617595	117617918	117617747	9	13	7	1.818782322	0.0805123	MPZL3	ENSG00000160588
11	117735314	117735622	117735489	9	11	9	1.247165021	0.300052	UBE4A	ENSG00000110344
11	117777110	117777502	117777376	9	15	6	2.375552421	0.0212094	ATP5L	ENSG00000167283
11	117791718	117791950	117791823	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ATP5L	ENSG00000167283
11	117811339	117811564	117811437	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000175913
11	117997067	117997353	117997210	11	12	2	4.503651465	0.002963	PHLDB1	ENSG00000019144
11	117999233	117999596	117999449	13	18	3	4.936694875	0.000311102	PHLDB1	ENSG00000019144
11	118038919	118039149	118039052	8	8	7	1.169217207	0.371848	TREH	ENSG00000118094
11	118066251	118066550	118066424	11	15	1	8.314433474	0.000102308	TREH	ENSG00000118094
11	118246136	118246379	118246291	8	10	1	5.716173013	0.00260397	CXCR5	ENSG00000160683
11	118283365	118283559	118283462	9	10	3	2.858086507	0.0242838	BCL9L	ENSG00000186174
11	118285178	118285539	118285336	9	14	3	3.897390691	0.00295882	BCL9L	ENSG00000186174
11	118287928	118288591	118288412	12	29	19	1.558956276	0.0586429	BCL9L	ENSG00000186174
11	118293483	118293720	118293601	8	11	9	1.247165021	0.300052	BCL9L	ENSG00000186174
11	118301813	118302005	118301920	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000223272
11	118304413	118304624	118304534	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000223272
11	118305517	118305737	118305683	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000223272
11	118306085	118306391	118306238	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000223272
11	118364132	118364447	118364284	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000200242

11	118394329	118394656	118394491	11	16	7	2.208521392	0.0257604	TRAPPC4	ENSG00000196655
11	118407522	118407715	118407618	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SLC37A4	ENSG00000137700
11	118471539	118471742	118471671	8	11	4	2.494330042	0.0324033	H2AFX	ENSG00000188486
11	118477896	118478332	118478075	9	18	13	1.41048425	0.160361	DPAGT1	ENSG00000172269
11	118482977	118483217	118483097	9	10	9	1.143234603	0.378307	C2CD2L	ENSG00000172375
11	118532213	118532392	118532292	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ABCG4	ENSG00000172350
11	118988828	118989071	118988962	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000199217
11	119072268	119072727	119072447	91	115	1	60.27964269	7.57E-35	PVRL1	ENSG00000110400
11	119221634	119222008	119221829	45	55	2	19.40034477	2.07E-15	PVRL1	ENSG00000110400
11	119400700	119401296	119401045	33	54	7	7.145216267	4.74E-11	TRIM29	ENSG00000137699
11	119612582	119612793	119612687	10	13	3	3.637564645	0.0050909	POU2F3	ENSG00000137709
11	120633899	120634096	120633997	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SC5DL	ENSG00000109929
11	120858544	120858747	120858645	10	10	0	11.43234603	0.000394183	SORL1	ENSG00000137642
11	120864623	120864883	120864753	10	11	3	3.117912553	0.0146045	SORL1	ENSG00000137642
11	124499409	124499718	124499545	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000187686
11	124676012	124676358	124676185	8	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000222844
11	128699659	128699922	128699795	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000166080
11	129001020	129001402	129001223	17	23	1	12.47165021	4.94E-07	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129017160	129017346	129017253	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TMEM45B	ENSG00000151715
11	129221600	129221863	129221738	8	11	2	4.157216737	0.0052913	TMEM45B	ENSG00000151715
12	490206	490385	490273	8	8	2	3.117912553	0.0283184	B4GALNT3	ENSG00000139044
12	503584	504305	504024	72	112	10	10.67648844	2.07E-24	B4GALNT3	ENSG00000139044
12	577752	577979	577857	9	10	0	11.43234603	0.000394183	NINJ2	ENSG00000171840
12	730879	731096	730960	9	9	3	2.598260461	0.0397929	WNK1	ENSG00000060237
12	827312	827561	827436	14	14	1	7.794781382	0.000197021	WNK1	ENSG00000060237
12	929080	929426	929258	12	16	2	5.889390377	0.000270741	RAD52	ENSG00000002016
12	1512990	1513169	1513011	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FBXL14	ENSG00000171823
12	1545900	1546180	1546038	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FBXL14	ENSG00000171823
12	1584695	1584971	1584853	8	10	1	5.716173013	0.00260397	FBXL14	ENSG00000171823
12	1983782	1984329	1984108	154	205	2	71.36555398	9.96E-61	DCP1B	ENSG00000151065
12	2676607	2676867	2676737	17	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000216217
12	3279417	3279647	3279553	11	11	0	12.47165021	0.000193293	TSPAN9	ENSG00000011105
12	3294634	3295075	3294812	13	20	3	5.456346967	9.70E-05	TSPAN9	ENSG00000011105
12	3295081	3295260	3295106	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TSPAN9	ENSG00000011105

12	3788683	3788957	3788820	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000118976
12	4092377	4092715	4092546	16	21	2	7.621564018	1.21E-05	CCND2	ENSG00000118971
12	4300635	4301327	4300814	22	46	2	16.28243222	9.05E-13	C12orf5	ENSG00000078237
12	4362692	4363004	4362848	10	11	0	12.47165021	0.000193293	FGF23	ENSG00000118972
12	4462361	4462694	4462515	15	18	0	19.7467795	1.32E-06	FGF6	ENSG00000111241
12	4517776	4518060	4517908	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000047621
12	5257478	5257736	5257607	13	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000212729
12	6214930	6215269	6215031	16	21	3	5.716173013	5.37E-05		ENSG00000202318
12	6301279	6301646	6301445	9	14	5	2.598260461	0.0167748	PLEKHG6	ENSG00000008323
12	6316075	6316269	6316172	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TNFRSF1A	ENSG00000067182
12	6487106	6487378	6487242	17	20	0	21.82538787	3.17E-07	NCAPD2	ENSG00000010292
12	6593353	6593565	6593416	8	11	1	6.235825105	0.0013754	CHD4	ENSG00000111642
12	6732983	6733311	6733161	9	12	4	2.702190879	0.0203088	MLF2	ENSG00000089693
12	6743910	6744165	6744037	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PTMS	ENSG00000159335
12	6923203	6923569	6923382	11	18	13	1.41048425	0.160361	C12orf57	ENSG00000111678
12	6942390	6942650	6942512	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000207713
12	7016990	7017291	7017116	8	11	0	12.47165021	0.000193293	LPCAT3	ENSG00000111684
12	7020348	7020584	7020515	8	8	5	1.558956276	0.191397	C1S	ENSG00000182326
12	8993956	8994144	8994060	9	10	4	2.286469205	0.0509017	M6PR	ENSG00000003056
12	9175970	9176341	9176180	11	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000211542
12	9416024	9416232	9416128	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000186611
12	9692381	9692629	9692466	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000214774
12	9954925	9955369	9955132	17	28	2	10.04660711	1.36E-07	CLEC2A	ENSG00000188393
12	10962786	10962999	10962903	10	10	0	11.43234603	0.000394183	TAS2R13	ENSG00000212128
12	11243722	11243905	11243854	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TAS2R42	ENSG00000186136
12	11679696	11679925	11679833	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ETV6	ENSG00000139083
12	12091339	12091559	12091449	12	12	0	13.5109544	9.48E-05	BCL2L14	ENSG00000121380
12	12143409	12143588	12143498	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000198134
12	12513639	12513977	12513813	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	DUSP16	ENSG00000111266
12	12769535	12769855	12769710	8	10	3	2.858086507	0.0242838	APOLD1	ENSG00000178878
12	12916543	12916859	12916702	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	GPRC5A	ENSG00000013588
12	12927625	12927984	12927809	13	19	4	4.157216737	0.000560204	GPRC5A	ENSG00000013588
12	12935012	12935231	12935121	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GPRC5A	ENSG00000013588
12	12960495	12960706	12960651	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000207817

12	13106108	13106296	13106269	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000199690
12	14252130	14252324	14252227	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209525
12	14361465	14361913	14361644	13	23	0	24.94330042	3.74E-08	ATF7IP	ENSG00000171681
12	14815267	14815451	14815326	8	8	9	0.935373766	0.560286	HIST4H4	ENSG00000197837
12	15265052	15265464	15265231	8	15	5	2.771477825	0.0105836	RERG	ENSG00000134533
12	15579548	15579918	15579727	17	24	0	25.98260461	1.83E-08		ENSG00000200105
12	15980924	15981336	15981099	66	78	3	20.52625764	4.32E-21	DERA	ENSG00000023697
12	18305529	18305797	18305663	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PIK3C2G	ENSG00000139144
12	18393950	18394170	18394060	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209542
12	18947516	18947725	18947640	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CAPZA3	ENSG00000177938
12	19125620	19125810	19125738	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PLEKHA5	ENSG00000052126
12	19475974	19476413	19476234	97	113	0	118.480677	5.24E-36	AEBP2	ENSG00000139154
12	20595492	20595898	20595674	102	152	129	1.223181078	0.0451499		ENSG00000209580
12	21863062	21863270	21863140	10	11	0	12.47165021	0.000193293	KCNJ8	ENSG00000121361
12	22320358	22320537	22320447	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ST8SIA1	ENSG00000111728
12	22875197	22875610	22875432	47	58	2	20.43964896	2.70E-16	ETNK1	ENSG00000139163
12	25098363	25098622	25098482	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000212652
12	25173022	25173362	25173189	11	14	3	3.897390691	0.00295882	CASC1	ENSG00000118307
12	25179647	25180265	25180086	23	43	5	7.621564018	1.77E-09	CASC1	ENSG00000118307
12	25700087	25700308	25700197	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000209624
12	25755486	25755804	25755645	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222950
12	26088321	26088505	26088414	9	9	0	10.39304184	0.000803859	BHLHB3	ENSG00000123095
12	26876282	26876461	26876377	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ITPR2	ENSG00000123104
12	27057094	27057555	27057262	26	36	1	19.22712741	7.03E-11	TM7SF3	ENSG00000064115
12	27428206	27428480	27428329	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ARNTL2	ENSG00000029153
12	27568094	27568397	27568245	12	18	1	9.87338975	1.41E-05	PPFIBP1	ENSG00000110841
12	28728536	28728715	28728624	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000202187
12	29007916	29008095	29008005	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222481
12	29177870	29178077	29177969	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000222481
12	31504288	31504467	31504411	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209704
12	31777148	31777515	31777323	14	19	2	6.928694562	4.25E-05	AMN1	ENSG00000151743
12	31793500	31793860	31793679	14	21	3	5.716173013	5.37E-05	AMN1	ENSG00000151743
12	32003284	32003529	32003447	13	15	3	4.157216737	0.00170423	C12orf35	ENSG00000174718
12	32293076	32293359	32293219	11	14	2	5.196520921	0.000907371	BICD1	ENSG00000151746

12	32937244	32937623	32937423	12	20	7	2.728173484	0.00469378	PKP2	ENSG00000057294
12	32938934	32939134	32939066	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PKP2	ENSG00000057294
12	32941252	32941541	32941372	9	11	1	6.235825105	0.0013754	PKP2	ENSG00000057294
12	33065469	33065805	33065642	12	14	2	5.196520921	0.000907371	PKP2	ENSG00000057294
12	33471475	33471724	33471579	9	11	4	2.494330042	0.0324033	SYT10	ENSG00000110975
12	34066542	34066722	34066632	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ALG10	ENSG00000139133
12	34263742	34264085	34263913	36	36	47	0.801130309	0.847038		ENSG00000209793
12	34724577	34724909	34724743	13	13	16	0.855897563	0.670115		ENSG00000209793
12	34730068	34730248	34730219	11	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000209793
12	34737558	34737894	34737726	18	18	20	0.940322833	0.578675		ENSG00000209793
12	36411022	36411203	36411112	12	12	19	0.67554772	0.870684		ENSG00000209796
12	36730910	36731098	36731060	13	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000209796
12	36818870	36819064	36818997	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000209796
12	36829769	36830249	36830074	13	18	13	1.41048425	0.160361		ENSG00000199843
12	38699032	38699245	38699161	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000219786
12	38708489	38708737	38708580	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000219786
12	38787514	38787786	38787677	9	10	3	2.858086507	0.0242838	SLC2A13	ENSG00000151229
12	39089503	39089873	39089684	14	22	0	23.90399624	7.62E-08		ENSG00000214639
12	39154692	39155145	39154938	58	78	7	10.26312882	1.86E-17		ENSG00000214639
12	40259312	40259560	40259433	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000209871
12	40693891	40694113	40693968	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222884
12	40824150	40824365	40824257	8	8	6	1.336248237	0.277651	GLT8D3	ENSG00000151233
12	41016469	41016659	41016564	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PPHLN1	ENSG00000134283
12	41061530	41061740	41061635	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199886
12	41300088	41300333	41300210	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213677
12	42212230	42212409	42212319	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ADAMTS20	ENSG00000173157
12	42266717	42267196	42266896	49	61	0	64.43685942	6.49E-20		ENSG00000214615
12	42438761	42439110	42438911	9	13	6	2.078608368	0.0483393	PUS7L	ENSG00000129317
12	42439547	42439726	42439596	8	8	1	4.676868829	0.0091584	IRAK4	ENSG00000198001
12	43176718	43177043	43176870	8	11	4	2.494330042	0.0324033	NELL2	ENSG00000184613
12	43628780	43629114	43628947	17	21	11	1.905391004	0.031399		ENSG00000201788
12	43895436	43895817	43895609	11	17	5	3.117912553	0.00407023	PLEKHA9	ENSG00000134297
12	43956376	43956678	43956527	9	11	10	1.133786383	0.380636	ANO6	ENSG00000177119
12	43979235	43979440	43979287	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ANO6	ENSG00000177119

12	44325123	44325345	44325235	16	17	1	9.353737658	2.73E-05	ARID2	ENSG00000189079
12	44407519	44407698	44407608	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ARID2	ENSG00000189079
12	44558778	44559036	44558911	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209242
12	44670604	44670823	44670687	8	9	3	2.598260461	0.0397929	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44670835	44671033	44670964	9	10	9	1.143234603	0.378307	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44672008	44672288	44672148	8	10	6	1.63319229	0.146906	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44751366	44751705	44751536	41	44	2	15.58956276	3.47E-12	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44751741	44751920	44751872	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44752093	44752442	44752361	8	13	13	1.039304184	0.45974	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44787664	44788076	44787859	38	51	1	27.02190879	2.22E-15	SFRS2IP	ENSG00000139218
12	44834164	44834555	44834378	8	15	6	2.375552421	0.0212094	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44840780	44841083	44840930	13	17	5	3.117912553	0.00407023	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44844074	44844559	44844380	17	26	4	5.612242595	1.08E-05	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44881452	44881697	44881541	12	13	7	1.818782322	0.0805123	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44890013	44890390	44890211	16	23	3	6.235825105	1.63E-05	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44939143	44939457	44939300	15	19	5	3.464347281	0.00150447	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44940652	44940853	44940709	8	9	11	0.86608682	0.635181	SLC38A1	ENSG00000111371
12	44941163	44941464	44941313	10	14	7	1.948695345	0.0559175	SLC38A1	ENSG00000111371
12	45021768	45021950	45021891	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45045459	45045638	45045548	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45052536	45052740	45052660	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45063485	45063718	45063601	10	12	1	6.755477198	0.000722752	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45065493	45065679	45065586	10	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45135837	45136115	45135976	22	26	5	4.676868829	3.65E-05	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45142396	45143127	45142498	10	29	13	2.227080395	0.00479511	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45153858	45154060	45153983	9	10	7	1.429043253	0.21536	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45173687	45174206	45173860	11	23	4	4.988660084	6.05E-05	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45257559	45257826	45257730	14	16	4	3.533634226	0.00276486	SLC38A2	ENSG00000134294
12	45358071	45358250	45358160	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SLC38A4	ENSG00000139209
12	45450614	45450811	45450739	8	10	6	1.63319229	0.146906	SLC38A4	ENSG00000139209
12	45464855	45465219	45465019	9	13	1	7.27512929	0.000378098	SLC38A4	ENSG00000139209
12	45748533	45748713	45748623	9	9	0	10.39304184	0.000803859	FAM113B	ENSG00000179715
12	45760802	45760981	45760891	8	8	2	3.117912553	0.0283184	AMIGO2	ENSG00000139211
12	45768520	45768766	45768694	9	10	1	5.716173013	0.00260397	AMIGO2	ENSG00000139211

12	45927509	45927723	45927599	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	FAM113B	ENSG00000179715
12	46029269	46029458	46029363	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000199566
12	46050571	46051020	46050750	16	27	10	2.64550156	0.00175911		ENSG00000199566
12	46236336	46236733	46236511	59	65	3	17.14851904	2.72E-17	RPAP3	ENSG00000005175
12	46296265	46296468	46296360	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RPAP3	ENSG00000005175
12	46432704	46432901	46432802	11	11	2	4.157216737	0.0052913	RAPGEF3	ENSG00000079337
12	46434269	46434491	46434380	10	12	2	4.503651465	0.002963	RAPGEF3	ENSG00000079337
12	46448455	46448796	46448625	34	36	4	7.690850963	2.68E-08	SLC48A1	ENSG00000211584
12	46516094	46516318	46516206	9	10	2	3.810782009	0.00936112	HDAC7	ENSG00000061273
12	46584747	46585071	46584900	11	12	3	3.377738599	0.00867157	VDR	ENSG00000111424
12	46629626	46629815	46629728	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TMEM106C	ENSG00000134291
12	46701804	46702348	46702087	11	25	10	2.456537163	0.00405907	COL2A1	ENSG00000139219
12	46703108	46703411	46703259	8	12	5	2.251825733	0.0404733	COL2A1	ENSG00000139219
12	46704035	46704264	46704104	8	8	0	9.353737658	0.00163931	COL2A1	ENSG00000139219
12	46785950	46786481	46786374	8	18	6	2.8209685	0.00559354	SENP1	ENSG00000079387
12	47282192	47282633	47282425	31	40	5	7.101911926	1.09E-08	LALBA	ENSG00000167531
12	47474970	47475223	47475096	10	11	6	1.781664316	0.103344	ADCY6	ENSG00000174233
12	47498205	47498452	47498352	10	13	2	4.850086193	0.00164564	CACNB3	ENSG00000167535
12	47532442	47532674	47532556	8	10	3	2.858086507	0.0242838	DDX23	ENSG00000174243
12	47533297	47533764	47533679	10	19	5	3.464347281	0.00150447	DDX23	ENSG00000174243
12	47675489	47675750	47675614	10	11	6	1.781664316	0.103344	DDN	ENSG00000181418
12	47740452	47741123	47740954	11	26	4	5.612242595	1.08E-05	MLL2	ENSG00000167548
12	47810145	47810466	47810290	10	13	9	1.455025858	0.177172	TUBA1B	ENSG00000123416
12	47944776	47944985	47944864	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TUBA1C	ENSG00000167553
12	47969127	47969374	47969250	11	11	4	2.494330042	0.0324033	PRPH	ENSG00000135406
12	48003342	48003527	48003448	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TROAP	ENSG00000135451
12	48083956	48084242	48084089	14	18	8	2.194086611	0.0206188	SPATS2	ENSG00000123352
12	48084253	48084561	48084342	9	13	2	4.850086193	0.00164564	SPATS2	ENSG00000123352
12	48248083	48248481	48248262	8	15	5	2.771477825	0.0105836	MCRS1	ENSG00000187778
12	48325387	48325571	48325479	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PRPF40B	ENSG00000110844
12	48421104	48421445	48421281	8	13	6	2.078608368	0.0483393	TMBIM6	ENSG00000139644
12	48443169	48443348	48443245	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TMBIM6	ENSG00000139644
12	48508634	48508844	48508792	9	11	1	6.235825105	0.0013754	KIAA1602	ENSG00000167566
12	48549210	48549472	48549370	9	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000214531

12	48705550	48705739	48705701	8	8	12	0.719518281	0.783103	RACGAP1	ENSG00000161800
12	48764973	48765296	48765141	8	12	11	1.125912866	0.382541	SMARCD1	ENSG00000066117
12	48791689	48791904	48791787	11	14	5	2.598260461	0.0167748	C12orf62	ENSG00000178449
12	48847666	48847898	48847743	10	11	5	2.078608368	0.0614303	LASS5	ENSG00000139624
12	48850420	48850776	48850598	106	109	1	57.16173013	5.17E-33	LASS5	ENSG00000139624
12	48882221	48882575	48882398	12	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000221604
12	48904410	48904701	48904552	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000221604
12	48962701	48962955	48962813	10	10	1	5.716173013	0.00260397	LIMA1	ENSG00000050405
12	49098469	49098697	49098543	10	11	2	4.157216737	0.0052913	LARP4	ENSG00000161813
12	49184804	49185013	49184908	8	8	4	1.870747532	0.118863	DIP2B	ENSG00000066084
12	49212564	49212856	49212721	9	10	1	5.716173013	0.00260397	DIP2B	ENSG00000066084
12	49259912	49260092	49260002	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000207136
12	49300488	49300667	49300577	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207136
12	49385440	49385648	49385544	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000200428
12	49608411	49608747	49608575	21	25	1	13.5109544	1.28E-07	METTL7A	ENSG00000185432
12	49666949	49667213	49667057	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000206830
12	49708119	49708359	49708255	10	11	6	1.781664316	0.103344	SLC11A2	ENSG00000110911
12	49728176	49728554	49728354	10	16	1	8.834085566	5.30E-05	LETMD1	ENSG00000050426
12	49728686	49728935	49728811	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LETMD1	ENSG00000050426
12	50068226	50068471	50068348	13	13	3	3.637564645	0.0050909	SLC4A8	ENSG00000050438
12	50072672	50073006	50072827	9	14	1	7.794781382	0.000197021	GALNT6	ENSG00000139629
12	50110337	50110533	50110441	8	8	4	1.870747532	0.118863	SLC4A8	ENSG00000050438
12	50211994	50212241	50212122	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC4A8	ENSG00000050438
12	50705644	50705872	50705754	8	10	2	3.810782009	0.00936112	NR4A1	ENSG00000123358
12	50731507	50731686	50731651	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NR4A1	ENSG00000123358
12	50749644	50750019	50749861	14	19	11	1.73217364	0.0607469	C12orf44	ENSG00000123395
12	50836944	50837123	50837046	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KRT80	ENSG00000167767
12	50844003	50844302	50844141	13	16	2	5.889390377	0.000270741	KRT80	ENSG00000167767
12	50856070	50856587	50856248	51	63	3	16.62886695	1.03E-16	KRT80	ENSG00000167767
12	50872169	50872511	50872336	9	14	9	1.558956276	0.132279	KRT80	ENSG00000167767
12	50895648	50896099	50895852	12	24	9	2.598260461	0.0032455	KRT7	ENSG00000135480
12	50897347	50897792	50897569	15	24	14	1.73217364	0.0420666	KRT7	ENSG00000135480
12	50908521	50908923	50908651	13	21	3	5.716173013	5.37E-05	KRT7	ENSG00000135480
12	50915875	50916406	50916054	9	21	4	4.572938411	0.000186332	KRT7	ENSG00000135480

12	50927182	50927368	50927258	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000135477	
12	50927591	50927846	50927737	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000135477	
12	51007640	51007990	51007815	11	15	6	2.375552421	0.0212094	KRT83	ENSG00000170523
12	51014235	51014429	51014332	9	9	2	3.464347281	0.0163838	KRT83	ENSG00000170523
12	51018379	51018558	51018539	8	8	5	1.558956276	0.191397	KRT83	ENSG00000170523
12	51018636	51019018	51018839	20	27	4	5.820103432	6.01E-06	KRT83	ENSG00000170523
12	51024560	51025042	51024739	14	23	5	4.157216737	0.000186738	KRT85	ENSG00000135443
12	51263013	51263292	51263151	13	15	5	2.771477825	0.0105836	KRT74	ENSG00000170484
12	51335749	51336126	51335948	8	14	3	3.897390691	0.00295882	KRT2	ENSG00000172867
12	51368829	51369008	51368918	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KRT1	ENSG00000167768
12	51421485	51421788	51421636	11	14	7	1.948695345	0.0559175	ENSG00000214466	
12	51461691	51461870	51461737	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KRT76	ENSG00000185069
12	51480887	51481218	51481052	18	24	7	3.247825576	0.000729793	KRT3	ENSG00000186442
12	51540117	51540678	51540292	18	39	8	4.619129708	8.77E-07	KRT78	ENSG00000170423
12	51551520	51551818	51551649	11	14	5	2.598260461	0.0167748	KRT78	ENSG00000170423
12	51554563	51554792	51554649	8	10	4	2.286469205	0.0509017	KRT78	ENSG00000170423
12	51559556	51559848	51559702	9	14	6	2.227080395	0.0322529	KRT8	ENSG00000170421
12	51560079	51560319	51560177	9	12	4	2.702190879	0.0203088	KRT8	ENSG00000170421
12	51575241	51576085	51575537	23	54	18	3.008512112	4.02E-06	KRT8	ENSG00000170421
12	51578283	51578496	51578389	9	9	4	2.078608368	0.0785659	KRT8	ENSG00000170421
12	51581609	51581794	51581757	8	9	3	2.598260461	0.0397929	KRT8	ENSG00000170421
12	51583437	51583670	51583553	8	8	7	1.169217207	0.371848	KRT8	ENSG00000170421
12	51584037	51584246	51584172	8	9	4	2.078608368	0.0785659	KRT8	ENSG00000170421
12	51584280	51584529	51584427	12	13	4	2.910051716	0.0125532	KRT8	ENSG00000170421
12	51585134	51585516	51585337	15	22	5	3.983999373	0.000317941	KRT8	ENSG00000170421
12	51587242	51587678	51587365	13	19	12	1.598929514	0.0887417	KRT8	ENSG00000170421
12	51596588	51596891	51596739	15	16	5	2.944695189	0.00659886	KRT8	ENSG00000170421
12	51625482	51625727	51625604	11	12	8	1.501217155	0.168286	KRT18	ENSG00000111057
12	51626061	51626483	51626218	12	21	13	1.63319229	0.0708832	KRT18	ENSG00000111057
12	51627103	51627295	51627186	9	11	6	1.781664316	0.103344	KRT18	ENSG00000111057
12	51628755	51628999	51628858	12	12	2	4.503651465	0.002963	KRT18	ENSG00000111057
12	51633302	51633542	51633422	9	12	9	1.35109544	0.232899	KRT18	ENSG00000111057
12	51649876	51650652	51650473	20	50	24	2.120180536	0.000696689	KRT18	ENSG00000111057
12	51651771	51652377	51652198	24	57	12	4.636895591	4.53E-09	KRT18	ENSG00000111057

12	51656152	51656501	51656330	15	20	5	3.637564645	0.000902929	KRT18	ENSG00000111057
12	51656712	51657008	51656860	15	16	4	3.533634226	0.00276486	KRT18	ENSG00000111057
12	51660949	51661290	51661172	10	15	11	1.385738912	0.19225	EIF4B	ENSG00000063046
12	51686287	51686720	51686496	8	17	7	2.338434415	0.0171287	EIF4B	ENSG00000063046
12	51733610	51734047	51733770	11	18	5	3.291129917	0.00248584	TENC1	ENSG00000111077
12	51741492	51741786	51741625	9	12	6	1.930136342	0.071303	TENC1	ENSG00000111077
12	51746404	51746603	51746486	8	10	8	1.27026067	0.293854	SPRYD3	ENSG00000167778
12	51759460	51759639	51759519	8	8	4	1.870747532	0.118863	SPRYD3	ENSG00000167778
12	51797863	51798114	51797988	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SOAT2	ENSG00000167780
12	51861802	51862021	51861918	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CSAD	ENSG00000139631
12	51887259	51887438	51887348	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ITGB7	ENSG00000139626
12	51931603	51931823	51931721	9	11	2	4.157216737	0.0052913	MFSD5	ENSG00000182544
12	51948530	51948828	51948679	11	14	4	3.117912553	0.00766354	ESPL1	ENSG00000135476
12	51960157	51960388	51960254	8	8	4	1.870747532	0.118863	ESPL1	ENSG00000135476
12	52001435	52001844	52001639	11	20	9	2.182538787	0.0165356	AAAS	ENSG00000094914
12	52004813	52004996	52004926	8	9	2	3.464347281	0.0163838	AAAS	ENSG00000094914
12	52032697	52032963	52032792	12	13	4	2.910051716	0.0125532	SP7	ENSG00000170374
12	52050856	52051154	52050992	12	14	5	2.598260461	0.0167748	SP1	ENSG00000185591
12	52051170	52051467	52051302	9	13	7	1.818782322	0.0805123	SP1	ENSG00000185591
12	52059282	52059509	52059443	8	11	4	2.494330042	0.0324033	SP1	ENSG00000185591
12	52101480	52101911	52101746	16	24	9	2.598260461	0.0032455	AMHR2	ENSG00000135409
12	52121105	52121569	52121344	9	20	6	3.117912553	0.00218114	PRR13	ENSG00000205352
12	52131851	52132097	52131967	11	13	7	1.818782322	0.0805123	PCBP2	ENSG00000197111
12	52179917	52180214	52180063	8	12	1	6.755477198	0.000722752	MAP3K12	ENSG00000139625
12	52205719	52205898	52205808	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NPFF	ENSG00000139574
12	52223694	52223935	52223766	9	10	8	1.27026067	0.293854	NPFF	ENSG00000139574
12	52306556	52306904	52306747	8	12	8	1.501217155	0.168286	ATF7	ENSG00000170653
12	52356021	52356344	52356182	9	14	6	2.227080395	0.0322529	ATP5G2	ENSG00000135390
12	52407540	52407806	52407642	8	11	11	1.039304184	0.462773	CALCOCO1	ENSG00000012822
12	52484525	52484888	52484804	10	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000223213
12	52500722	52500901	52500796	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000223213
12	52505199	52505696	52505466	15	27	13	2.078608368	0.00998554		ENSG00000223213
12	52516271	52516682	52516503	9	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000223213
12	52547659	52547966	52547825	13	16	8	1.963130126	0.0441028	HOXC13	ENSG00000123364

12	52720834	52721073	52720953	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000207571
12	52902048	52902314	52902153	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SMUG1	ENSG00000123415
12	52961572	52961776	52961620	9	10	1	5.716173013	0.00260397	HNRNPA1	ENSG00000135486
12	53534061	53534318	53534205	10	12	7	1.688869299	0.11395	MUCL1	ENSG00000172551
12	53572267	53572478	53572427	13	14	4	3.117912553	0.00766354	MUCL1	ENSG00000172551
12	53615313	53615559	53615462	11	12	4	2.702190879	0.0203088	KIAA0748	ENSG00000135426
12	53852767	53853005	53852929	10	11	0	12.47165021	0.000193293	OR9K2	ENSG00000170605
12	54361587	54361887	54361738	8	9	2	3.464347281	0.0163838	METTTL7B	ENSG00000170439
12	54416440	54416665	54416596	8	10	0	11.43234603	0.000394183	GDF11	ENSG00000135414
12	54608076	54608335	54608205	9	12	4	2.702190879	0.0203088	WIBG	ENSG00000170473
12	54613405	54613642	54613523	10	11	3	3.117912553	0.0146045	DGKA	ENSG00000065357
12	54636221	54636500	54636360	9	13	7	1.818782322	0.0805123	SILV	ENSG00000185664
12	54646485	54646713	54646639	10	13	5	2.425043097	0.0262442	SILV	ENSG00000185664
12	54709168	54709504	54709336	11	16	1	8.834085566	5.30E-05	IKZF4	ENSG00000123411
12	54721782	54722439	54722110	9	26	11	2.338434415	0.00495238	RPS26	ENSG00000197728
12	54784106	54784537	54784285	13	23	5	4.157216737	0.000186738	PA2G4	ENSG00000170515
12	54806171	54806594	54806429	12	22	6	3.414856605	0.000820885	FAM62A	ENSG00000139641
12	55148431	55148635	55148574	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SPRYD4	ENSG00000176422
12	55274152	55274354	55274253	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000201579
12	55316976	55317474	55317225	10	21	13	1.63319229	0.0708832	BAZ2A	ENSG00000076108
12	55667676	55668010	55667843	8	12	1	6.755477198	0.000722752	GPR182	ENSG00000166856
12	55711471	55711850	55711650	62	71	0	74.82990127	5.22E-23	TAC3	ENSG00000166863
12	55776066	55776528	55776297	49	62	4	13.09523272	1.75E-15	NAB2	ENSG00000166886
12	55792181	55792413	55792336	8	10	1	5.716173013	0.00260397	STAT6	ENSG00000166888
12	55807592	55808101	55807855	22	33	0	35.33634226	3.00E-11	LRP1	ENSG00000123384
12	55893388	55893671	55893560	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	NXPH4	ENSG00000182379
12	56139208	56139429	56139313	9	9	6	1.484720263	0.204387	GLI1	ENSG00000111087
12	56142507	56142947	56142748	13	22	8	2.655999582	0.0039122	GLI1	ENSG00000111087
12	56202195	56202653	56202374	9	17	2	6.235825105	0.000146695	MBD6	ENSG00000166987
12	56422011	56422215	56422105	9	9	8	1.154782427	0.375434	AGAP2	ENSG00000135439
12	56434323	56434508	56434415	8	8	5	1.558956276	0.191397	9-Mar	ENSG00000139266
12	56451985	56452261	56452123	9	11	1	6.235825105	0.0013754	METTTL1	ENSG00000037897
12	56462605	56463049	56462809	8	17	12	1.439036563	0.154203	TSFM	ENSG00000123297
12	56499723	56499915	56499789	9	10	0	11.43234603	0.000394183	AVIL	ENSG00000135407

12	56586988	56587306	56587145	12	14	0	15.58956276	2.28E-05	XRCC6BP1	ENSG00000166896
12	56621161	56621473	56621335	8	11	2	4.157216737	0.0052913	XRCC6BP1	ENSG00000166896
12	56621562	56621748	56621655	11	11	2	4.157216737	0.0052913	XRCC6BP1	ENSG00000166896
12	56706537	56706724	56706630	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000213368
12	56747735	56748017	56747912	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000213368
12	56856444	56856623	56856547	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213368
12	56971520	56971699	56971609	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213368
12	57021860	57022055	57021978	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000213368
12	57568210	57568425	57568317	11	12	1	6.755477198	0.000722752	LRIG3	ENSG00000139263
12	57587010	57587289	57587149	15	17	4	3.741495063	0.00163722	LRIG3	ENSG00000139263
12	57642127	57642412	57642270	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LRIG3	ENSG00000139263
12	58037829	58038246	58038044	33	46	1	24.42364833	7.10E-14		ENSG00000212599
12	59601247	59601465	59601356	15	16	0	17.66817113	5.48E-06		
12	59724026	59724268	59724119	8	9	1	5.196520921	0.00490062		
12	60673825	60674004	60673914	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213363
12	60782781	60782960	60782870	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM19A2	ENSG00000198673
12	60872781	60873299	60873052	31	59	7	7.794781382	2.35E-12	USP15	ENSG00000135655
12	60939980	60940303	60940145	10	13	6	2.078608368	0.0483393	USP15	ENSG00000135655
12	61104184	61104366	61104276	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MON2	ENSG00000061987
12	61282401	61282585	61282475	9	10	3	2.858086507	0.0242838	C12orf61	ENSG00000221949
12	61405086	61405297	61405182	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213352
12	61405369	61405633	61405498	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000213352
12	61482384	61482643	61482513	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000213352
12	61493354	61493538	61493451	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000200296
12	61571817	61571996	61571850	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200296
12	61956784	61957007	61956895	8	9	2	3.464347281	0.0163838	AVPR1A	ENSG00000166148
12	62135465	62135679	62135572	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210536
12	62486116	62486415	62486283	11	11	5	2.078608368	0.0614303	TMEM5	ENSG00000118600
12	62598266	62598480	62598344	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62614792	62615069	62614953	10	12	3	3.377738599	0.00867157	SRGAP1	ENSG00000196935
12	62705345	62705588	62705456	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000212298
12	62760611	62760913	62760769	11	14	10	1.417232979	0.185113		ENSG00000212298
12	62824058	62824250	62824154	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212298
12	62850146	62850350	62850248	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000212298

12	63084138	63084364	63084250	8	11	3	3.117912553	0.0146045	XPOT	ENSG00000184575
12	63133026	63133227	63133127	11	12	2	4.503651465	0.002963	TBK1	ENSG00000183735
12	63202274	63202631	63202452	22	28	5	5.023303557	1.20E-05		ENSG00000223294
12	63280209	63280548	63280328	9	13	3	3.637564645	0.0050909	RASSF3	ENSG00000153179
12	63289030	63289229	63289129	8	9	8	1.154782427	0.375434	RASSF3	ENSG00000153179
12	63289827	63290042	63289978	9	11	3	3.117912553	0.0146045	RASSF3	ENSG00000153179
12	63305431	63305808	63305610	9	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000207546
12	63314010	63314543	63314189	9	23	7	3.117912553	0.00117689		ENSG00000207546
12	63314576	63315215	63314910	41	63	6	9.502209684	3.93E-14		ENSG00000207546
12	63315404	63315707	63315555	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207546
12	63336606	63336810	63336669	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207546
12	63349360	63349570	63349465	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207546
12	63352986	63353241	63353113	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000207546
12	63376390	63376571	63376480	8	9	2	3.464347281	0.0163838	GNS	ENSG00000135677
12	63378150	63378452	63378301	11	13	7	1.818782322	0.0805123	GNS	ENSG00000135677
12	63387404	63387744	63387574	24	26	1	14.03060649	6.50E-08	GNS	ENSG00000135677
12	63388744	63388923	63388833	8	8	3	2.338434415	0.0641221	GNS	ENSG00000135677
12	63460203	63460410	63460321	8	9	7	1.29913023	0.286504	TBC1D30	ENSG00000111490
12	63461655	63462005	63461830	10	16	8	1.963130126	0.0441028	TBC1D30	ENSG00000111490
12	63476270	63476513	63476381	10	11	5	2.078608368	0.0614303	TBC1D30	ENSG00000111490
12	63569963	63570348	63570142	18	25	6	3.860272684	0.00017915		ENSG00000210581
12	63663830	63664260	63664009	14	25	6	3.860272684	0.00017915		ENSG00000210581
12	63729861	63730040	63729950	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207099
12	63849429	63849832	63849608	8	14	4	3.117912553	0.00766354	LEMD3	ENSG00000174106
12	63850339	63850542	63850400	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LEMD3	ENSG00000174106
12	63850969	63851187	63851078	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LEMD3	ENSG00000174106
12	64287479	64287909	64287738	16	22	11	1.991999686	0.0221672		ENSG00000213344
12	64294650	64294945	64294797	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000213344
12	64311751	64311971	64311911	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213344
12	64319728	64320006	64319866	15	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000213344
12	64400983	64401240	64401111	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213344
12	64673431	64673610	64673512	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213343
12	64810801	64811167	64810980	8	15	8	1.847651883	0.0631662	LLPH	ENSG00000139233
12	64818260	64818536	64818398	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000214287

12	64825128	64825469	64825298	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000214287
12	64849795	64850184	64849937	8	16	4	3.533634226	0.00276486	TMBIM4	ENSG00000155957
12	65016160	65016347	65016278	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210604
12	65089516	65089809	65089692	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000210604
12	65136715	65136912	65136845	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210604
12	65229056	65229257	65229131	10	11	0	12.47165021	0.000193293	GRIP1	ENSG00000155974
12	65314713	65314897	65314832	9	11	1	6.235825105	0.0013754	GRIP1	ENSG00000155974
12	65368991	65369224	65369046	8	12	5	2.251825733	0.0404733	GRIP1	ENSG00000155974
12	65596363	65596542	65596481	10	10	1	5.716173013	0.00260397	GRIP1	ENSG00000155974
12	65635200	65635383	65635277	9	10	2	3.810782009	0.00936112	GRIP1	ENSG00000155974
12	65754131	65754609	65754432	11	21	11	1.905391004	0.031399	CAND1	ENSG00000111530
12	65949101	65949494	65949315	9	16	10	1.606197376	0.104477	CAND1	ENSG00000111530
12	66035921	66036146	66036030	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000210608
12	66057138	66057897	66057758	15	38	10	3.684805744	1.08E-05		ENSG00000210608
12	66163374	66163645	66163552	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000210608
12	66163870	66164306	66164047	12	24	5	4.330434101	0.000108998		ENSG00000210608
12	66164492	66164750	66164598	11	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000210608
12	66199933	66200118	66200029	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DYRK2	ENSG00000127334
12	66211309	66211491	66211373	8	9	0	10.39304184	0.000803859	DYRK2	ENSG00000127334
12	66273191	66273469	66273339	16	19	3	5.196520921	0.000174201	DYRK2	ENSG00000127334
12	66275482	66275713	66275553	12	13	4	2.910051716	0.0125532	DYRK2	ENSG00000127334
12	66371049	66371238	66371093	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DYRK2	ENSG00000127334
12	66459279	66459480	66459379	8	8	4	1.870747532	0.118863	DYRK2	ENSG00000127334
12	66605659	66605987	66605828	11	15	3	4.157216737	0.00170423	IFNG	ENSG00000111537
12	66722147	66722715	66722352	33	52	4	11.01662435	1.13E-12	IFNG	ENSG00000111537
12	67012442	67012826	67012647	10	17	5	3.117912553	0.00407023	MDM1	ENSG00000111554
12	67017086	67017302	67017194	8	11	5	2.078608368	0.0614303	MDM1	ENSG00000111554
12	67039008	67039317	67039168	9	13	10	1.32275078	0.240023	MDM1	ENSG00000111554
12	67264916	67265240	67265078	8	12	9	1.35109544	0.232899	RAP1B	ENSG00000127314
12	67366727	67367202	67366906	22	40	15	2.663216972	0.00020177	NUP107	ENSG00000111581
12	67426905	67427249	67427080	11	16	2	5.889390377	0.000270741	SLC35E3	ENSG00000175782
12	67461424	67461651	67461536	14	15	3	4.157216737	0.00170423	MDM2	ENSG00000135679
12	67467542	67467937	67467742	37	47	5	8.314433474	1.52E-10	MDM2	ENSG00000135679
12	67479990	67480609	67480454	20	42	4	8.938015984	6.48E-10	MDM2	ENSG00000135679

12	67484373	67484660	67484538	9	12	6	1.930136342	0.071303	MDM2	ENSG00000135679
12	67484889	67485101	67484987	9	9	6	1.484720263	0.204387	MDM2	ENSG00000135679
12	67487613	67488034	67487855	12	21	5	3.810782009	0.000537724	MDM2	ENSG00000135679
12	67488136	67488457	67488296	8	11	7	1.558956276	0.158273	MDM2	ENSG00000135679
12	67488690	67489439	67489016	592	713	6	106.0090268	3.59E-209	MDM2	ENSG00000135679
12	67548202	67548582	67548415	9	15	3	4.157216737	0.00170423	MDM2	ENSG00000135679
12	67835150	67835363	67835266	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000221422
12	67837207	67837413	67837282	13	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000221422
12	67971190	67971395	67971292	8	8	6	1.336248237	0.277651	CPSF6	ENSG00000111605
12	68041719	68042003	68041859	9	11	1	6.235825105	0.0013754	YEATS4	ENSG00000127337
12	68084965	68085179	68085115	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000223320
12	68096298	68096716	68096425	9	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000223320
12	68106863	68107082	68106972	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000223320
12	68120110	68120407	68120258	10	12	4	2.702190879	0.0203088	FRS2	ENSG00000166225
12	68120450	68120692	68120587	9	10	8	1.27026067	0.293854	FRS2	ENSG00000166225
12	68147376	68147628	68147487	9	10	5	1.905391004	0.0915982	FRS2	ENSG00000166225
12	68150030	68150547	68150368	12	20	14	1.455025858	0.129498	FRS2	ENSG00000166225
12	68246721	68246913	68246817	10	11	0	12.47165021	0.000193293	CCT2	ENSG00000166226
12	68266118	68266326	68266213	10	10	3	2.858086507	0.0242838	CCT2	ENSG00000166226
12	68445615	68445878	68445746	8	10	0	11.43234603	0.000394183	RAB3IP	ENSG00000127328
12	68467470	68467666	68467602	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RAB3IP	ENSG00000127328
12	68615462	68615710	68615613	9	9	9	1.039304184	0.466079	C12orf28	ENSG00000166268
12	68771060	68771496	68771292	46	60	1	31.69877762	4.25E-18	CNOT2	ENSG00000111596
12	68923253	68923439	68923377	8	8	4	1.870747532	0.118863	CNOT2	ENSG00000111596
12	69200867	69201172	69201018	12	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000218665
12	69211885	69212064	69212016	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PTPRB	ENSG00000127329
12	69325936	69326197	69326105	9	10	2	3.810782009	0.00936112	PTPRB	ENSG00000127329
12	69413537	69413732	69413634	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PTPRR	ENSG00000153233
12	69472721	69472955	69472838	8	10	0	11.43234603	0.000394183	PTPRR	ENSG00000153233
12	69897121	69897428	69897274	14	15	9	1.662886695	0.0970566	TSPAN8	ENSG00000127324
12	70135327	70135757	70135503	11	17	6	2.672496474	0.00882337	TSPAN8	ENSG00000127324
12	70138688	70138982	70138835	12	12	1	6.755477198	0.000722752	TSPAN8	ENSG00000127324
12	70316808	70317191	70317018	12	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000212461
12	70343806	70344034	70343882	10	11	7	1.558956276	0.158273	ZFC3H1	ENSG00000133858

12	70344149	70344356	70344252	8	9	6	1.484720263	0.204387	THAP2	ENSG00000173451
12	70344385	70344579	70344521	10	12	3	3.377738599	0.00867157	THAP2	ENSG00000173451
12	70366015	70366210	70366080	8	9	7	1.29913023	0.286504	TMEM19	ENSG00000139291
12	70405810	70406070	70405940	17	17	3	4.676868829	0.000552213	RAB21	ENSG00000080371
12	70434613	70434947	70434779	8	12	8	1.501217155	0.168286	RAB21	ENSG00000080371
12	70661300	70661487	70661393	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TPH2	ENSG00000139287
12	70748115	70748308	70748211	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TPH2	ENSG00000139287
12	70813355	70813560	70813427	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TRHDE	ENSG00000072657
12	71250820	71251103	71250997	13	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000216084
12	71298823	71299059	71298964	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000216084
12	71450355	71450558	71450496	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000216084
12	71655087	71655519	71655354	22	29	1	15.58956276	8.46E-09		ENSG00000216084
12	71870833	71871056	71870944	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000216084
12	72063805	72064222	72064063	19	27	6	4.157216737	6.29E-05		ENSG00000210684
12	72371608	72371798	72371703	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000210684
12	72441097	72441314	72441202	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000201809
12	72585117	72585325	72585260	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000215944
12	72702085	72702298	72702127	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000215944
12	72791795	72792018	72791880	12	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000215944
12	73388514	73388792	73388635	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000188646
12	73473185	73473421	73473303	12	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000188646
12	73551943	73552374	73552095	12	20	11	1.818782322	0.04395		ENSG00000210718
12	73577542	73577765	73577653	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210718
12	73738681	73738888	73738784	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000210718
12	73857975	73858354	73858176	43	51	0	54.04381758	8.07E-17	KCNC2	ENSG00000166006
12	74014365	74014614	74014459	9	11	6	1.781664316	0.103344	GLIPR1L1	ENSG00000173401
12	74071062	74071387	74071229	10	13	12	1.11925066	0.384109	GLIPR1L2	ENSG00000180481
12	74191472	74191908	74191729	16	23	6	3.563328632	0.000497701	KRR1	ENSG00000111615
12	74264330	74264529	74264429	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KRR1	ENSG00000111615
12	74400906	74401312	74401109	18	26	12	2.158554844	0.00861404	KRR1	ENSG00000111615
12	74446877	74447104	74446968	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000210725
12	74464798	74465028	74464913	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000210725
12	74497112	74497340	74497226	11	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000210725
12	74588996	74589423	74589299	10	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000210725

12	74624005	74624272	74624142	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210725
12	74657920	74658170	74658084	11	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000198923
12	74677207	74677400	74677303	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000198923
12	74695265	74695533	74695399	12	12	0	13.5109544	9.48E-05	PHLDA1	ENSG00000139289
12	74716127	74716306	74716216	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PHLDA1	ENSG00000139289
12	74765015	74765346	74765180	9	14	7	1.948695345	0.0559175	NAP1L1	ENSG00000187109
12	74782121	74782311	74782220	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NAP1L1	ENSG00000187109
12	75153952	75154159	75154045	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000223273
12	75266140	75266657	75266368	13	24	2	8.660868202	1.80E-06	BBS10	ENSG00000179941
12	75341039	75341318	75341177	13	15	1	8.314433474	0.000102308	OSBPL8	ENSG00000091039
12	75373695	75373874	75373784	8	8	2	3.117912553	0.0283184	OSBPL8	ENSG00000091039
12	75462604	75462872	75462703	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	OSBPL8	ENSG00000091039
12	75539552	75539786	75539705	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213272
12	75542406	75542589	75542497	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000213272
12	75768269	75768479	75768374	8	10	2	3.810782009	0.00936112	CSRP2	ENSG00000175183
12	75845133	75845353	75845230	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CSRP2	ENSG00000175183
12	75870944	75871196	75871033	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CSRP2	ENSG00000175183
12	75983782	75984224	75983988	74	95	6	14.25331453	4.89E-23	E2F7	ENSG00000165891
12	76082451	76082674	76082553	13	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000210743
12	76246262	76246576	76246419	13	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000210743
12	76329645	76329837	76329694	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210743
12	76548338	76548640	76548509	14	17	3	4.676868829	0.000552213	NAV3	ENSG00000067798
12	76604737	76604988	76604862	9	13	1	7.27512929	0.000378098	NAV3	ENSG00000067798
12	77037257	77037565	77037411	8	13	3	3.637564645	0.0050909	NAV3	ENSG00000067798
12	77075120	77075705	77075340	61	87	1	45.72938411	2.67E-26	NAV3	ENSG00000067798
12	77559776	77559970	77559875	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213271
12	77644964	77645230	77645097	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000213271
12	77663931	77664409	77664171	75	101	4	21.20180536	9.43E-27		ENSG00000213271
12	77940735	77940971	77940850	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SYT1	ENSG00000067715
12	77976229	77976580	77976382	10	15	3	4.157216737	0.00170423	SYT1	ENSG00000067715
12	78030142	78030367	78030254	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221776
12	78247082	78247310	78247172	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221776
12	78325981	78326172	78326102	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000221788
12	78333979	78334273	78334126	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000221788

12	78338180	78338434	78338307	8	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000221788
12	78450838	78451122	78451014	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000210752
12	78465473	78465736	78465649	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000210752
12	78467490	78467705	78467619	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210752
12	78478321	78478611	78478466	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000210752
12	78537017	78537206	78537176	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PAWR	ENSG00000177425
12	78656147	78656405	78656276	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PAWR	ENSG00000177425
12	78851634	78851856	78851725	8	10	6	1.63319229	0.146906	PPP1R12A	ENSG00000058272
12	78853301	78853573	78853401	8	10	5	1.905391004	0.0915982	PPP1R12A	ENSG00000058272
12	79048055	79048290	79048211	9	12	7	1.688869299	0.11395	C12orf64	ENSG00000165899
12	79360833	79361048	79360940	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000222880
12	79390815	79391063	79390946	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000222880
12	79422396	79422617	79422484	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000222880
12	79695946	79696392	79696168	102	124	10	11.81027482	1.04E-27		ENSG00000207763
12	79755243	79755501	79755373	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000207763
12	79843175	79843547	79843382	11	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000208022
12	79993623	79993802	79993706	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ACSS3	ENSG00000111058
12	79995843	79996101	79995952	10	13	4	2.910051716	0.0125532	ACSS3	ENSG00000111058
12	80015421	80015604	80015512	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ACSS3	ENSG00000111058
12	80018759	80018988	80018886	10	10	4	2.286469205	0.0509017	ACSS3	ENSG00000111058
12	80247615	80247815	80247715	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ACSS3	ENSG00000111058
12	80309646	80309850	80309752	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ACSS3	ENSG00000111058
12	80716645	80716825	80716748	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PPFIA2	ENSG00000139220
12	80756897	80757098	80756951	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PPFIA2	ENSG00000139220
12	81078355	81078534	81078444	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000221121
12	81276245	81276657	81276405	12	18	5	3.291129917	0.00248584	C12orf26	ENSG00000127720
12	81545913	81546142	81546044	9	9	4	2.078608368	0.0785659	TMTC2	ENSG00000179104
12	81568729	81568910	81568819	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TMTC2	ENSG00000179104
12	81591094	81591300	81591195	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TMTC2	ENSG00000179104
12	81600815	81601031	81600938	12	12	6	1.930136342	0.071303	TMTC2	ENSG00000179104
12	81603685	81603943	81603814	8	8	5	1.558956276	0.191397	TMTC2	ENSG00000179104
12	81604070	81604392	81604213	9	13	7	1.818782322	0.0805123	TMTC2	ENSG00000179104
12	81604449	81604666	81604557	11	12	4	2.702190879	0.0203088	TMTC2	ENSG00000179104
12	81814943	81815273	81815108	11	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000212029

12	81827021	81827249	81827135	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000212029
12	81882400	81882650	81882525	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000212029
12	81913644	81913832	81913738	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000212029
12	82741621	82741912	82741741	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000221148
12	83994645	83994898	83994783	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LRRIQ1	ENSG00000133640
12	84047631	84047812	84047721	8	10	3	2.858086507	0.0242838	LRRIQ1	ENSG00000133640
12	84366048	84366349	84366198	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000213268
12	84665315	84665503	84665386	8	10	0	11.43234603	0.000394183	RASSF9	ENSG00000198774
12	86037705	86037929	86037841	9	10	6	1.63319229	0.146906		
12	86149745	86150112	86149924	28	35	1	18.70747532	1.40E-10		
12	86357992	86358346	86358169	13	19	6	2.969440526	0.0035096		ENSG00000205071
12	86362013	86362192	86362132	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000205071
12	86511938	86512133	86511987	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000205071
12	86970676	86970949	86970812	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000210797
12	87060084	87060290	87060187	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TMTC3	ENSG00000139324
12	87060442	87060645	87060543	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TMTC3	ENSG00000139324
12	87062720	87063036	87062878	16	17	1	9.353737658	2.73E-05	TMTC3	ENSG00000139324
12	87343066	87343305	87343151	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000199245
12	87408545	87408749	87408643	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000205065
12	87463211	87463457	87463334	9	12	6	1.930136342	0.071303	KITLG	ENSG00000049130
12	87476240	87476528	87476384	10	14	2	5.196520921	0.000907371	KITLG	ENSG00000049130
12	87477362	87478169	87477803	555	672	6	99.92167371	1.23E-196	KITLG	ENSG00000049130
12	87681531	87681771	87681661	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000210830
12	87699860	87700277	87700098	43	53	3	14.03060649	7.92E-14		ENSG00000210830
12	87783594	87783802	87783698	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210830
12	87802048	87802241	87802105	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210830
12	87844037	87844268	87844098	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000210830
12	88018449	88018785	88018608	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000210830
12	88035388	88035921	88035633	12	24	6	3.711800658	0.000299603	DUSP6	ENSG00000139318
12	88143760	88144064	88143912	14	19	7	2.598260461	0.00730518	DUSP6	ENSG00000139318
12	88237004	88237360	88237150	12	17	5	3.117912553	0.00407023	DUSP6	ENSG00000139318
12	88410608	88410831	88410719	8	9	2	3.464347281	0.0163838	WDR51B	ENSG00000139323
12	88485739	88486107	88485931	10	15	2	5.542955649	0.000497081	WDR51B	ENSG00000139323
12	88532313	88532526	88532419	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ATP2B1	ENSG00000070961

12	88680497	88680980	88680801	8	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000210846
12	88687188	88687454	88687305	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000210846
12	88836574	88836840	88836717	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000210846
12	88869272	88869476	88869374	11	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000210846
12	88942131	88942650	88942471	15	28	5	5.023303557	1.20E-05		ENSG00000210846
12	88943566	88943751	88943658	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210846
12	89008931	89009110	89009078	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210846
12	89021008	89021224	89021085	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210846
12	89152331	89152779	89152603	62	73	1	38.45425482	4.86E-22		
12	90306694	90306906	90306800	10	10	3	2.858086507	0.0242838	DCN	ENSG00000011465
12	90340769	90341090	90340925	13	15	3	4.157216737	0.00170423	DCN	ENSG00000011465
12	90341454	90342017	90341809	13	28	9	3.013982134	0.000552057	DCN	ENSG00000011465
12	90343049	90343300	90343130	8	10	1	5.716173013	0.00260397	DCN	ENSG00000011465
12	90343975	90344176	90344075	8	8	4	1.870747532	0.118863	DCN	ENSG00000011465
12	90534431	90534684	90534543	8	10	1	5.716173013	0.00260397	DCN	ENSG00000011465
12	90536369	90536622	90536469	9	9	2	3.464347281	0.0163838	DCN	ENSG00000011465
12	90820854	90821217	90821026	15	20	1	10.91269393	3.71E-06	BTG1	ENSG00000133639
12	90952665	90953213	90952975	115	145	7	18.96730136	2.07E-36	BTG1	ENSG00000133639
12	91063522	91063859	91063690	11	16	3	4.417042783	0.00097367	BTG1	ENSG00000133639
12	91107051	91107249	91107180	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000223333
12	91278268	91278447	91278338	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CLLU1	ENSG00000205056
12	91439324	91439551	91439463	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CLLU1OS	ENSG00000205057
12	91452283	91452575	91452406	14	14	1	7.794781382	0.000197021	CLLU1OS	ENSG00000205057
12	91461356	91461581	91461462	12	13	4	2.910051716	0.0125532	CLLU1OS	ENSG00000205057
12	91492421	91492627	91492555	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000214215
12	91510206	91510630	91510385	22	32	3	8.57425952	6.31E-08		ENSG00000214215
12	91539264	91539542	91539403	13	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000214215
12	91702364	91702964	91702559	45	65	5	11.43234603	1.81E-15	PLEKHG7	ENSG00000187510
12	91703054	91703382	91703218	8	12	3	3.377738599	0.00867157	PLEKHG7	ENSG00000187510
12	91787704	91787936	91787809	10	10	4	2.286469205	0.0509017	EEA1	ENSG00000102189
12	91891544	91891925	91891729	48	59	0	62.35825105	2.70E-19		ENSG00000202534
12	91946776	91946973	91946874	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000207365
12	92062986	92063510	92063162	12	25	14	1.801460586	0.0308364		ENSG00000221617
12	92295280	92295482	92295418	9	10	2	3.810782009	0.00936112	NUDT4	ENSG00000173598

12	92385457	92385646	92385507	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MRPL42	ENSG00000198015
12	92442731	92442924	92442827	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000214214
12	92459710	92459992	92459829	12	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000214214
12	92542995	92543371	92543199	21	29	4	6.235825105	1.85E-06		ENSG00000220515
12	92595050	92595507	92595328	12	23	5	4.157216737	0.000186738	CRADD	ENSG00000169372
12	92660015	92660209	92660175	8	8	4	1.870747532	0.118863	CRADD	ENSG00000169372
12	92975685	92975995	92975856	16	19	6	2.969440526	0.0035096		ENSG00000210951
12	93037845	93038115	93038008	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PLXNC1	ENSG00000136040
12	93391197	93391573	93391394	11	18	2	6.582259834	7.91E-05	CCDC41	ENSG00000173588
12	93508287	93508495	93508391	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000187738
12	93629023	93629263	93629143	9	11	5	2.078608368	0.0614303	TMCC3	ENSG00000057704
12	93921442	93921735	93921584	8	11	9	1.247165021	0.300052	NDUFA12	ENSG00000184752
12	93991356	93991793	93991535	9	16	6	2.524024447	0.0137633	NR2C1	ENSG00000120798
12	94035159	94035339	94035249	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213243
12	94136144	94136324	94136255	8	8	2	3.117912553	0.0283184	VEZT	ENSG00000028203
12	94236232	94236451	94236341	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000199172
12	94391841	94392083	94391990	8	10	5	1.905391004	0.0915982	METAP2	ENSG00000111142
12	94588432	94588611	94588586	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000216285
12	94635960	94636179	94636066	10	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000216285
12	94639243	94639601	94639410	28	33	6	5.048048895	2.40E-06		ENSG00000216285
12	94663670	94663936	94663803	9	10	0	11.43234603	0.000394183	NTN4	ENSG00000074527
12	94860763	94861115	94861004	8	13	4	2.910051716	0.0125532	AMDHD1	ENSG00000139344
12	94948320	94948621	94948456	8	10	5	1.905391004	0.0915982	LTA4H	ENSG00000111144
12	94953751	94954089	94953920	11	16	13	1.262012224	0.256887	LTA4H	ENSG00000111144
12	94965473	94965753	94965613	11	13	3	3.637564645	0.0050909	LTA4H	ENSG00000111144
12	95090355	95090536	95090465	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ELK3	ENSG00000111145
12	96405378	96405651	96405508	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000221479
12	96486493	96486972	96486824	18	25	10	2.456537163	0.00405907		ENSG00000207586
12	96512672	96512904	96512788	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207586
12	96639350	96639530	96639390	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000206899
12	96793156	96793431	96793319	10	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000206899
12	96920919	96921272	96921050	8	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000206899
12	97263275	97263706	97263472	28	40	4	8.522294311	2.26E-09		ENSG00000201296
12	97408848	97409160	97408990	11	14	6	2.227080395	0.0322529	TMPO	ENSG00000120802

12	97433522	97433874	97433698	9	14	2	5.196520921	0.000907371	TMPO	ENSG00000120802
12	97434334	97434579	97434511	8	12	7	1.688869299	0.11395	TMPO	ENSG00000120802
12	97511532	97511749	97511640	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SLC25A3	ENSG00000075415
12	97661369	97661633	97661521	8	11	4	2.494330042	0.0324033	APAF1	ENSG00000120868
12	98308525	98308735	98308608	11	11	1	6.235825105	0.0013754	ANKS1B	ENSG00000185046
12	98415156	98415393	98415291	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	ANKS1B	ENSG00000185046
12	98471581	98471780	98471671	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ANKS1B	ENSG00000185046
12	98824808	98825078	98824943	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ANKS1B	ENSG00000185046
12	98877485	98877746	98877615	8	12	3	3.377738599	0.00867157	ANKS1B	ENSG00000185046
12	98878151	98878452	98878301	10	14	4	3.117912553	0.00766354	ANKS1B	ENSG00000185046
12	99046504	99046748	99046633	8	10	1	5.716173013	0.00260397	UHRF1BP1L	ENSG00000111647
12	99066772	99067028	99066919	9	11	0	12.47165021	0.000193293	UHRF1BP1L	ENSG00000111647
12	99067062	99067320	99067210	15	17	1	9.353737658	2.73E-05	UHRF1BP1L	ENSG00000111647
12	99118552	99118770	99118677	13	14	4	3.117912553	0.00766354	ACTR6	ENSG00000075089
12	99147097	99147419	99147267	14	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000206790
12	99147833	99148157	99147991	16	21	8	2.540521339	0.00602138		ENSG00000206790
12	99184407	99184680	99184543	10	11	5	2.078608368	0.0614303	DEPDC4	ENSG00000166153
12	99184863	99185084	99184973	8	12	10	1.228268581	0.305344	DEPDC4	ENSG00000166153
12	99185714	99185920	99185817	9	10	3	2.858086507	0.0242838	SCYL2	ENSG00000136021
12	99536251	99536443	99536347	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GAS2L3	ENSG00000139354
12	99844643	99844829	99844736	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ANO4	ENSG00000151572
12	99870502	99870702	99870602	10	10	2	3.810782009	0.00936112	ANO4	ENSG00000151572
12	100139303	100139503	100139403	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC5A8	ENSG00000139357
12	100198033	100198235	100198134	8	11	3	3.117912553	0.0146045	UTP20	ENSG00000120800
12	100334669	100334877	100334775	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222890
12	100773073	100773823	100773442	101	147	0	153.8170193	1.57E-46		ENSG00000211206
12	100795148	100795565	100795415	11	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000136048
12	100812601	100813021	100812846	14	20	5	3.637564645	0.000902929		ENSG00000211214
12	100857785	100857990	100857892	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000211222
12	100872720	100872916	100872818	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211222
12	100979737	100980135	100979956	9	18	6	2.8209685	0.00559354	CCDC53	ENSG00000120860
12	101399700	101400028	101399873	13	14	4	3.117912553	0.00766354	IGF1	ENSG00000017427
12	101465961	101466182	101466071	9	9	6	1.484720263	0.204387	IGF1	ENSG00000017427
12	101794907	101795114	101794989	8	10	1	5.716173013	0.00260397	PAH	ENSG00000171759

12	102441646	102442489	102441877	93	121	10	11.52682823	7.00E-27	C12orf42	ENSG00000179088
12	102442536	102442720	102442607	8	9	0	10.39304184	0.000803859	C12orf42	ENSG00000179088
12	102673915	102674128	102674021	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000211247
12	102795945	102796147	102796056	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000187809
12	102847339	102847572	102847452	9	10	14	0.762156402	0.758589		ENSG00000214198
12	102874905	102875301	102875191	9	15	5	2.771477825	0.0105836	C12orf73	ENSG00000204954
12	103095577	103096136	103096046	11	22	11	1.991999686	0.0221672		ENSG00000222492
12	103119108	103119412	103119249	11	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000222492
12	103125867	103126046	103125915	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RPL18AP3	ENSG00000218754
12	103137539	103137718	103137571	8	8	5	1.558956276	0.191397	RPL18AP3	ENSG00000218754
12	103137804	103138254	103138091	14	21	13	1.63319229	0.0708832	RPL18AP3	ENSG00000218754
12	103204836	103205095	103204965	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TXNRD1	ENSG00000198431
12	103299851	103300061	103299956	8	10	7	1.429043253	0.21536	TXNRD1	ENSG00000198431
12	103313110	103313289	103313140	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CHST11	ENSG00000171310
12	103375333	103375572	103375418	10	12	5	2.251825733	0.0404733	CHST11	ENSG00000171310
12	103396834	103397026	103396965	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CHST11	ENSG00000171310
12	103714918	103715166	103715042	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000211260
12	104149614	104149834	104149771	10	10	2	3.810782009	0.00936112	APPL2	ENSG00000136044
12	104798686	104798865	104798799	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NUAK1	ENSG00000074590
12	104873304	104873675	104873497	21	27	2	9.700172386	2.61E-07	NUAK1	ENSG00000074590
12	104950111	104950336	104950223	9	11	3	3.117912553	0.0146045	NUAK1	ENSG00000074590
12	105055128	105055342	105055245	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NUAK1	ENSG00000074590
12	105067021	105067313	105067167	9	13	3	3.637564645	0.0050909	NUAK1	ENSG00000074590
12	105263783	105263986	105263896	8	9	4	2.078608368	0.0785659	POLR3B	ENSG00000013503
12	105275475	105275773	105275624	12	15	7	2.078608368	0.038229	POLR3B	ENSG00000013503
12	105296722	105296901	105296887	8	8	2	3.117912553	0.0283184	POLR3B	ENSG00000013503
12	105641268	105641447	105641357	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RFX4	ENSG00000111783
12	106010153	106010348	106010288	11	11	2	4.157216737	0.0052913	CRY1	ENSG00000008405
12	106011937	106012217	106012103	9	9	6	1.484720263	0.204387	CRY1	ENSG00000008405
12	106090488	106090690	106090589	9	10	3	2.858086507	0.0242838	CRY1	ENSG00000008405
12	106177939	106178118	106178008	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000211275
12	106437021	106437229	106437125	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000211282
12	106438108	106438287	106438197	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211282
12	106603674	106603859	106603766	8	8	10	0.850339787	0.645072	PWP1	ENSG00000136045

12	106679494	106679788	106679641	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PRDM4	ENSG00000110851
12	106691495	106691924	106691659	48	60	2	21.13251841	6.92E-17	ASCL4	ENSG00000187855
12	107150619	107150816	107150694	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000214163
12	107155261	107155496	107155357	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000214163
12	107370111	107370369	107370214	10	10	1	5.716173013	0.00260397	FICD	ENSG00000198855
12	107479182	107479487	107479358	12	16	4	3.533634226	0.00276486	SART3	ENSG00000075856
12	107480542	107481078	107480915	10	21	7	2.858086507	0.0029864	ISCU	ENSG00000136003
12	107535911	107536090	107536084	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SELPLG	ENSG00000110876
12	107536110	107536312	107536183	10	10	4	2.286469205	0.0509017	SELPLG	ENSG00000110876
12	107716402	107716614	107716501	11	12	1	6.755477198	0.000722752	SSH1	ENSG00000084112
12	107829829	107830163	107830018	9	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000201324
12	108038523	108038790	108038656	16	17	11	1.558956276	0.111389	UNG	ENSG00000076248
12	108065148	108065330	108065239	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ACACB	ENSG00000076555
12	108225006	108225340	108225173	8	12	7	1.688869299	0.11395	FOXN4	ENSG00000139445
12	108234123	108234329	108234226	8	10	11	0.952695502	0.548138	FOXN4	ENSG00000139445
12	108399557	108399851	108399704	8	11	7	1.558956276	0.158273	UBE3B	ENSG00000151148
12	108439175	108439473	108439333	8	8	0	9.353737658	0.00163931	UBE3B	ENSG00000151148
12	108697586	108697836	108697727	8	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000211357
12	108699819	108700000	108699909	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211357
12	108706144	108706375	108706276	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000211357
12	108739830	108740055	108739942	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TRPV4	ENSG00000111199
12	108743118	108743504	108743297	34	43	1	22.86469205	5.66E-13	TRPV4	ENSG00000111199
12	108767443	108767694	108767568	10	13	4	2.910051716	0.0125532	TRPV4	ENSG00000111199
12	108787195	108787494	108787345	13	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000211363
12	108822265	108822545	108822408	9	12	1	6.755477198	0.000722752	TCHP	ENSG00000139437
12	108970709	108971057	108970941	13	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000174456
12	109263018	109263409	109263197	12	20	2	7.27512929	2.27E-05		ENSG00000223337
12	109277358	109277582	109277417	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000223337
12	109390278	109390647	109390430	8	14	4	3.117912553	0.00766354	GPN3	ENSG00000111231
12	109424324	109424532	109424440	8	9	5	1.73217364	0.133894	RAD9B	ENSG00000151164
12	110056918	110057312	110057008	10	15	6	2.375552421	0.0212094	CUX2	ENSG00000111249
12	110675339	110675518	110675443	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ALDH2	ENSG00000111275
12	110680390	110680924	110680670	25	46	3	12.21182416	7.85E-12	ALDH2	ENSG00000111275
12	110933042	110933248	110933145	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TMEM116	ENSG00000198270

12	110935137	110935399	110935268	9	11	10	1.133786383	0.380636	TMEM116	ENSG00000198270
12	111309701	111309880	111309776	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RPL6	ENSG00000089009
12	111854752	111854974	111854852	12	13	6	2.078608368	0.0483393	OAS3	ENSG00000111331
12	112038520	112038921	112038706	79	91	0	95.61598495	3.37E-29	RASAL1	ENSG00000111344
12	112082268	112082565	112082413	10	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000199899
12	112107274	112107459	112107316	8	10	2	3.810782009	0.00936112	DDX54	ENSG00000123064
12	112137080	112137309	112137135	8	10	0	11.43234603	0.000394183	IQCD	ENSG00000166578
12	112168172	112168499	112168338	10	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000186815
12	112257410	112257609	112257479	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC24A6	ENSG00000089060
12	112344384	112344591	112344492	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SDSL	ENSG00000139410
12	112762489	112762846	112762649	12	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000211425
12	112888290	112888668	112888517	9	15	4	3.32577339	0.00462646	RBM19	ENSG00000122965
12	113191358	113191706	113191535	31	35	2	12.47165021	1.39E-09	TBX5	ENSG00000089225
12	113231136	113231315	113231225	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TBX5	ENSG00000089225
12	113558206	113558462	113558334	13	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000199220
12	113703093	113703422	113703265	17	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000209253
12	113735415	113735672	113735543	13	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000209253
12	114217063	114217242	114217152	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222458
12	114397312	114397528	114397479	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222458
12	114574649	114574833	114574741	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222458
12	114795161	114795436	114795298	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000200112
12	115159376	115159566	115159506	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MED13L	ENSG00000123066
12	115179485	115179685	115179585	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MED13L	ENSG00000123066
12	115312229	115312511	115312341	8	10	4	2.286469205	0.0509017	MED13L	ENSG00000123066
12	115312707	115313102	115312884	17	24	4	5.196520921	3.42E-05	MED13L	ENSG00000123066
12	115328863	115329143	115329008	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000196668
12	115348603	115348892	115348747	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000196668
12	115349469	115349682	115349597	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000196668
12	115356466	115356686	115356557	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000196668
12	115417576	115417785	115417680	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000196668
12	115528727	115528928	115528827	9	9	3	2.598260461	0.0397929	MAP1LC3B2	ENSG00000171471
12	116227003	116227220	116227081	11	11	0	12.47165021	0.000193293	NOS1	ENSG00000089250
12	116380530	116380711	116380620	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NOS1	ENSG00000089250
12	116598654	116598892	116598773	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KSR2	ENSG00000171435

12	116779169	116779570	116779342	11	18	4	3.9493559	0.000961379	KSR2	ENSG00000171435
12	116891678	116891932	116891803	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RFC5	ENSG00000111445
12	116957061	116957264	116957162	9	9	3	2.598260461	0.0397929	RFC5	ENSG00000111445
12	116977443	116977626	116977502	8	9	5	1.73217364	0.133894	WSB2	ENSG00000176871
12	117194057	117194236	117194164	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TAOK3	ENSG00000135090
12	117298392	117298652	117298522	9	9	5	1.73217364	0.133894	SUDS3	ENSG00000111707
12	117465550	117465930	117465729	15	22	1	11.95199812	9.69E-07	SUDS3	ENSG00000111707
12	118037457	118037818	118037619	9	13	4	2.910051716	0.0125532	HSPB8	ENSG00000152137
12	118093412	118093708	118093590	10	13	2	4.850086193	0.00164564	HSPB8	ENSG00000152137
12	118292106	118292466	118292275	25	29	1	15.58956276	8.46E-09	CCDC60	ENSG00000183273
12	118310196	118310566	118310387	28	35	3	9.353737658	9.45E-09	CCDC60	ENSG00000183273
12	118401513	118401789	118401626	14	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000222647
12	118590083	118590344	118590213	12	12	1	6.755477198	0.000722752	PRKAB1	ENSG00000111725
12	118896654	118896838	118896686	9	9	4	2.078608368	0.0785659	CCDC64	ENSG00000135127
12	119123406	119123729	119123567	14	18	7	2.468347438	0.0112499	RPLP0	ENSG00000089157
12	119154028	119154221	119154188	12	12	5	2.251825733	0.0404733	PXN	ENSG00000089159
12	119188083	119188272	119188177	11	11	2	4.157216737	0.0052913	PXN	ENSG00000089159
12	119213419	119214158	119213841	36	76	35	2.222956172	1.90E-05	RNU4-1B	ENSG00000202538
12	119214639	119215642	119215307	24	77	27	2.895204513	1.17E-07		ENSG00000200795
12	119268735	119268957	119268802	11	11	3	3.117912553	0.0146045	PLA2G1B	ENSG00000170890
12	119316924	119317153	119317038	8	9	8	1.154782427	0.375434	MSI1	ENSG00000135097
12	119368116	119368780	119368523	118	160	4	33.46559473	3.07E-44	TRIAP1	ENSG00000170855
12	119396762	119397121	119396941	13	20	7	2.728173484	0.00469378	DYNLL1	ENSG00000088986
12	119847995	119848455	119848181	27	39	3	10.39304184	7.32E-10		ENSG00000174074
12	119948403	119948639	119948495	8	10	2	3.810782009	0.00936112	C12orf43	ENSG00000157895
12	120155373	120155711	120155544	10	13	2	4.850086193	0.00164564	P2RX4	ENSG00000135124
12	120274675	120274854	120274764	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ANAPC5	ENSG00000089053
12	120321824	120322030	120321893	8	10	4	2.286469205	0.0509017	RNF34	ENSG00000170633
12	120695548	120695836	120695692	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000184314
12	120923733	120924064	120923899	19	24	2	8.660868202	1.80E-06	BCL7A	ENSG00000110987
12	120986560	120986783	120986671	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MLXIP	ENSG00000175727
12	121450912	121451091	121450971	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CLIP1	ENSG00000130779
12	121471732	121471969	121471807	8	10	5	1.905391004	0.0915982	CLIP1	ENSG00000130779
12	121577250	121577444	121577293	9	10	7	1.429043253	0.21536	RSRC2	ENSG00000111011

12	121634826	121635005	121634915	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KNTC1	ENSG00000184445
12	121776499	121776793	121776663	8	12	5	2.251825733	0.0404733	GPR81	ENSG00000196917
12	121803097	121803495	121803221	11	17	3	4.676868829	0.000552213	DENR	ENSG00000139726
12	121886755	121887046	121886915	9	11	4	2.494330042	0.0324033	HIP1R	ENSG00000130787
12	121997313	121997670	121997491	9	15	2	5.542955649	0.000497081	ABCB9	ENSG00000150967
12	122145585	122145862	122145709	8	11	2	4.157216737	0.0052913	PITPNM2	ENSG00000090975
12	122415703	122416303	122416127	12	25	8	3.00243431	0.0010168	SBNO1	ENSG00000139697
12	122496453	122496752	122496602	8	13	10	1.32275078	0.240023	RILPL2	ENSG00000150977
12	122508548	122508767	122508647	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000184209
12	122652485	122652672	122652578	9	9	2	3.464347281	0.0163838	DDX55	ENSG00000111364
12	122840486	122840689	122840587	9	9	2	3.464347281	0.0163838	DNAH10	ENSG00000197653
12	123304610	123304817	123304745	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM101A	ENSG00000178882
12	123323987	123324494	123324315	54	65	0	68.59407616	3.75E-21	FAM101A	ENSG00000178882
12	123569531	123569809	123569672	11	14	3	3.897390691	0.00295882	NCOR2	ENSG00000196498
12	123610014	123610302	123610109	8	13	6	2.078608368	0.0483393	NCOR2	ENSG00000196498
12	123622627	123622879	123622758	8	11	2	4.157216737	0.0052913	NCOR2	ENSG00000196498
12	123659620	123659942	123659772	11	16	3	4.417042783	0.00097367	NCOR2	ENSG00000196498
12	123733649	123733912	123733817	9	12	5	2.251825733	0.0404733	SCARB1	ENSG00000073060
12	123888938	123889128	123889033	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SCARB1	ENSG00000073060
12	123957303	123957522	123957412	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000209201
12	123964612	123964792	123964725	8	8	1	4.676868829	0.0091584	UBC	ENSG00000150991
12	123965096	123965423	123965303	9	13	8	1.616695398	0.123553	UBC	ENSG00000150991
12	123967514	123968017	123967768	14	25	10	2.456537163	0.00405907	UBC	ENSG00000150991
12	123988430	123988722	123988576	8	9	1	5.196520921	0.00490062	UBC	ENSG00000150991
12	123988987	123990292	123989267	166	236	15	15.39469323	1.02E-54	UBC	ENSG00000150991
12	123990398	123990960	123990781	12	26	18	1.476905946	0.0928898	UBC	ENSG00000150991
12	123991173	123991480	123991313	14	18	7	2.468347438	0.0112499	UBC	ENSG00000150991
12	124043872	124044061	124043951	8	8	1	4.676868829	0.0091584	BRI3BP	ENSG00000184992
12	124099888	124100071	124099979	9	9	7	1.29913023	0.286504	AACS	ENSG00000081760
12	124245620	124245841	124245675	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000222916
12	124279034	124279279	124279153	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000222916
12	124832746	124832936	124832841	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TMEM132B	ENSG00000139364
12	125946626	125946829	125946727	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000189238
12	126216412	126216608	126216561	9	9	14	0.692869456	0.822654		ENSG00000208959

12	126216756	126217061	126216908	30	35	36	1.011214882	0.481494		ENSG00000208959
12	127773896	127774151	127774023	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221749
12	129148554	129148765	129148693	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000214039
12	129198970	129199175	129199109	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FZD10	ENSG00000111432
12	129869089	129869429	129869265	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000208928
12	130333426	130333624	130333582	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212251
12	130696819	130697015	130696925	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212154
12	130734334	130734619	130734477	9	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000212154
12	130771375	130771724	130771549	12	17	0	18.70747532	2.69E-06	SFRS8	ENSG00000061936
12	130834561	130834862	130834715	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000200516
12	130922742	130923065	130922874	9	13	8	1.616695398	0.123553	ULK1	ENSG00000177169
12	131209444	131209710	131209556	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	NOC4L	ENSG00000184967
12	131610533	131610774	131610653	12	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000204586
12	131701690	131701896	131701793	10	10	7	1.429043253	0.21536	P2RX2	ENSG00000187848
12	131710078	131710291	131710184	8	9	1	5.196520921	0.00490062	P2RX2	ENSG00000187848
12	131848983	131849236	131849109	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ANKLE2	ENSG00000176915
13	18821171	18821419	18821295	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000219123
13	19266780	19267060	19266935	15	19	6	2.969440526	0.0035096	PSPC1	ENSG00000121390
13	19335656	19335861	19335751	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ZMYM5	ENSG00000132950
13	19429541	19429769	19429648	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ZMYM2	ENSG00000121741
13	19475114	19475297	19475187	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZMYM2	ENSG00000121741
13	19494214	19494582	19494419	9	14	7	1.948695345	0.0559175	ZMYM2	ENSG00000121741
13	19593356	19593632	19593494	9	12	7	1.688869299	0.11395	GJA3	ENSG00000121743
13	19599960	19600140	19600107	8	9	3	2.598260461	0.0397929	GJA3	ENSG00000121743
13	19834752	19835196	19834970	20	31	4	6.651546779	5.59E-07	GJB6	ENSG00000121742
13	19880396	19880727	19880564	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	CRYL1	ENSG00000165475
13	20486817	20487084	20486933	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000201821
13	20596985	20597209	20597125	9	10	6	1.63319229	0.146906	SAP18	ENSG00000150459
13	20705282	20705647	20705468	30	36	5	6.409042469	1.18E-07		ENSG00000215572
13	21023127	21023357	21023223	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207518
13	21110876	21111176	21111030	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000218366
13	21231799	21231978	21231888	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000222286
13	21394361	21394568	21394519	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000209405
13	21406525	21406728	21406641	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000209405

13	22451030	22451560	22451296	13	26	12	2.158554844	0.00861404		ENSG00000223116
13	22684856	22685156	22685009	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000219054
13	22871404	22871830	22871623	25	34	0	36.37564645	1.47E-11	SACS	ENSG00000151835
13	23101720	23101908	23101814	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TNFRSF19	ENSG00000127863
13	23167159	23167354	23167296	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MIPEP	ENSG00000027001
13	23220844	23221092	23220968	15	15	2	5.542955649	0.000497081	MIPEP	ENSG00000027001
13	23224016	23224286	23224151	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MIPEP	ENSG00000027001
13	23260956	23261165	23261101	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000217247
13	23387551	23387790	23387706	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000205863
13	23599218	23599710	23599464	9	20	4	4.365077574	0.000324139		ENSG00000218467
13	24121654	24122120	24121887	31	46	2	16.28243222	9.05E-13	ATP12A	ENSG00000075673
13	24515552	24515746	24515629	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PABPC3	ENSG00000151846
13	24535145	24535324	24535234	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PABPC3	ENSG00000151846
13	25058536	25058715	25058672	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000199767
13	25121240	25121449	25121318	10	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000199767
13	25131228	25131597	25131407	21	28	4	6.027964269	3.34E-06		ENSG00000199767
13	25271377	25271556	25271487	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000180803
13	25275658	25275869	25275781	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000180803
13	25460975	25461221	25461069	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000223158
13	25694333	25694551	25694442	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RNF6	ENSG00000127870
13	26073756	26073938	26073807	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000217615
13	26144960	26145139	26145049	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GPR12	ENSG00000132975
13	26386863	26387411	26387052	21	36	4	7.690850963	2.68E-08		ENSG00000218019
13	26395668	26395981	26395820	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000218019
13	26444325	26444563	26444444	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000218572
13	26465314	26465589	26465451	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000218572
13	26494943	26495146	26495052	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000220716
13	26545216	26545441	26545353	8	8	3	2.338434415	0.0641221	USP12	ENSG00000152484
13	26644337	26644572	26644448	8	10	4	2.286469205	0.0509017	USP12	ENSG00000152484
13	26714982	26715215	26715150	8	10	2	3.810782009	0.00936112	RPL21	ENSG00000122026
13	26723223	26723715	26723610	12	21	11	1.905391004	0.031399	RPL21	ENSG00000122026
13	26724247	26724426	26724398	9	9	5	1.73217364	0.133894	RPL21	ENSG00000122026
13	26754478	26754670	26754574	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RASL11A	ENSG00000122035
13	26807587	26808086	26807715	18	27	2	9.700172386	2.61E-07		ENSG00000209438

13	26846775	26846965	26846870	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000201242
13	26847968	26848269	26848118	11	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000201242
13	26855401	26855580	26855490	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000201242
13	26878619	26878798	26878647	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000201242
13	26896407	26896606	26896582	8	9	6	1.484720263	0.204387	GTF3A	ENSG00000122034
13	26898082	26898736	26898582	10	26	12	2.158554844	0.00861404	GTF3A	ENSG00000122034
13	26922674	26922889	26922827	10	10	0	11.43234603	0.000394183	MTIF3	ENSG00000122033
13	26931571	26932008	26931743	23	39	46	0.884514199	0.717474	MTIF3	ENSG00000122033
13	27243090	27243442	27243266	22	28	2	10.04660711	1.36E-07	GSX1	ENSG00000169840
13	27298578	27298811	27298699	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000207330
13	27796305	27796553	27796429	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000200840
13	28037298	28037502	28037444	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000216743
13	28100344	28100523	28100471	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000216743
13	28322204	28322541	28322372	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000220482
13	28597404	28597583	28597470	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221670
13	29313742	29314039	29313911	10	14	6	2.227080395	0.0322529	UBL3	ENSG00000122042
13	29322498	29322752	29322625	8	9	4	2.078608368	0.0785659	UBL3	ENSG00000122042
13	29381409	29381601	29381423	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000122043
13	29381869	29382059	29381979	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000122043
13	29383873	29384152	29384014	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000122043
13	29390874	29391192	29391033	15	21	9	2.286469205	0.0111772		ENSG00000122043
13	29393318	29393559	29393450	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000122043
13	29393621	29393904	29393762	11	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000122043
13	29397524	29397751	29397637	10	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000122043
13	29544696	29545005	29544834	12	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000122043
13	29587243	29587476	29587370	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209486
13	29604722	29604993	29604850	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000209486
13	29703324	29703662	29703494	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000209486
13	29807267	29807486	29807376	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KATNAL1	ENSG00000102781
13	29814315	29814508	29814401	8	8	7	1.169217207	0.371848	KATNAL1	ENSG00000102781
13	29867662	29867866	29867824	9	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000169697
13	29893427	29893635	29893526	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000169697
13	29894596	29895042	29894863	9	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000169697
13	29903312	29903687	29903491	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000169697

13	29952629	29952858	29952765	8	10	3	2.858086507	0.0242838	HMGB1	ENSG00000189403
13	29958611	29958934	29958763	14	16	9	1.766817113	0.0700694	HMGB1	ENSG00000189403
13	30035069	30035248	30035110	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000220290
13	30089010	30089233	30089121	12	12	6	1.930136342	0.071303	HMGB1	ENSG00000189403
13	30089844	30090273	30090030	16	28	10	2.739983758	0.00114395	USPL1	ENSG00000132952
13	30162721	30163001	30162861	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30175174	30175364	30175269	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30211043	30211231	30211137	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30215731	30216097	30215891	8	14	2	5.196520921	0.000907371	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30274956	30275284	30275116	10	13	1	7.27512929	0.000378098	ALOX5AP	ENSG00000132965
13	30337519	30337730	30337580	8	10	6	1.63319229	0.146906	C13orf33	ENSG00000102802
13	30388313	30388586	30388449	9	10	1	5.716173013	0.00260397	C13orf33	ENSG00000102802
13	30504619	30505010	30504798	9	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000218269
13	30547055	30547394	30547224	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000218269
13	30566914	30567150	30566997	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000218269
13	30896368	30896566	30896467	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000219235
13	31214314	31214525	31214419	8	9	6	1.484720263	0.204387	RXFP2	ENSG00000133105
13	31637866	31638178	31638022	19	23	0	24.94330042	3.74E-08	FRY	ENSG00000073910
13	31757330	31757859	31757610	13	24	3	6.495651151	8.89E-06	FRY	ENSG00000073910
13	31761701	31761899	31761800	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FRY	ENSG00000073910
13	31853780	31853987	31853862	12	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000215515
13	32010727	32010931	32010829	8	9	8	1.154782427	0.375434	N4BP2L2	ENSG00000139617
13	32405455	32405777	32405616	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000218413
13	32457046	32457345	32457195	13	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000218413
13	32588615	32588831	32588730	8	9	4	2.078608368	0.0785659	STARD13	ENSG00000133121
13	32592088	32592603	32592424	19	32	9	3.429703808	8.38E-05	STARD13	ENSG00000133121
13	32700593	32700796	32700710	8	8	4	1.870747532	0.118863	STARD13	ENSG00000133121
13	32757760	32758013	32757888	8	11	6	1.781664316	0.103344	STARD13	ENSG00000133121
13	32817765	32818146	32817944	17	22	9	2.390399624	0.00747467	STARD13	ENSG00000133121
13	32862364	32862582	32862531	8	9	1	5.196520921	0.00490062	STARD13	ENSG00000133121
13	33014928	33015190	33015056	10	13	4	2.910051716	0.0125532	STARD13	ENSG00000133121
13	33114919	33115146	33115073	8	11	3	3.117912553	0.0146045	RFC3	ENSG00000133119
13	33121329	33121532	33121437	10	10	2	3.810782009	0.00936112	RFC3	ENSG00000133119
13	33290012	33290270	33290165	10	12	3	3.377738599	0.00867157	RFC3	ENSG00000133119

13	33413016	33413469	33413201	37	50	2	17.66817113	6.11E-14	ENSG00000222132
13	33923657	33923897	33923777	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ENSG00000220002
13	34172904	34173105	34173004	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ENSG00000220002
13	35037117	35037333	35037197	8	8	2	3.117912553	0.0283184 NBEA	ENSG00000172915
13	35071532	35071771	35071651	8	10	3	2.858086507	0.0242838 NBEA	ENSG00000172915
13	35102781	35103051	35102933	8	10	2	3.810782009	0.00936112 NBEA	ENSG00000172915
13	35478593	35478776	35478709	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ENSG00000209518
13	35573209	35573388	35573352	8	8	3	2.338434415	0.0641221 DCLK1	ENSG00000133083
13	35573410	35573736	35573576	8	13	2	4.850086193	0.00164564 DCLK1	ENSG00000133083
13	35587502	35587745	35587631	12	12	3	3.377738599	0.00867157 DCLK1	ENSG00000133083
13	36193483	36193669	36193590	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ENSG00000222602
13	36472644	36472896	36472770	9	12	4	2.702190879	0.0203088 EXOSC8	ENSG00000120699
13	37387127	37387567	37387305	21	32	4	6.859407616	3.06E-07 TRPC4	ENSG00000133107
13	37818897	37819166	37819031	13	16	0	17.66817113	5.48E-06 UFM1	ENSG00000120686
13	37821413	37821726	37821565	9	11	2	4.157216737	0.0052913 UFM1	ENSG00000120686
13	38109001	38109271	38109136	11	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000216558
13	38141322	38141570	38141404	8	10	3	2.858086507	0.0242838 FREM2	ENSG00000150893
13	38142776	38142955	38142867	8	8	1	4.676868829	0.0091584 FREM2	ENSG00000150893
13	38153774	38153962	38153808	8	10	6	1.63319229	0.146906 FREM2	ENSG00000150893
13	38156991	38157206	38157098	9	10	6	1.63319229	0.146906 FREM2	ENSG00000150893
13	38158197	38158511	38158354	11	15	12	1.279143611	0.251893 FREM2	ENSG00000150893
13	38183274	38183542	38183408	8	9	1	5.196520921	0.00490062 FREM2	ENSG00000150893
13	38393270	38393551	38393391	15	18	2	6.582259834	7.91E-05	ENSG00000217780
13	38564561	38564805	38564685	8	9	1	5.196520921	0.00490062 NHLRC3	ENSG00000188811
13	39308385	39308564	39308401	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ENSG00000216930
13	39755849	39756123	39755962	9	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000207458
13	39805385	39805722	39805553	14	18	0	19.7467795	1.32E-06	ENSG00000207458
13	39857562	39858121	39857864	15	29	2	10.39304184	7.12E-08	ENSG00000215483
13	40243237	40243466	40243351	10	11	7	1.558956276	0.158273 MRPS31	ENSG00000102738
13	40247717	40247963	40247865	8	8	4	1.870747532	0.118863 MRPS31	ENSG00000102738
13	40278491	40278729	40278624	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ENSG00000207652
13	40466050	40466414	40466235	15	22	8	2.655999582	0.0039122	ENSG00000220844
13	40491298	40491477	40491370	8	8	5	1.558956276	0.191397 ELF1	ENSG00000120690
13	40533400	40533840	40533620	19	29	8	3.464347281	0.000151572 WBP4	ENSG00000120688

13	40534165	40534465	40534291	8	11	4	2.494330042	0.0324033	WBP4	ENSG00000120688
13	40617635	40617986	40617810	24	29	3	7.794781382	4.12E-07	KBTBD6	ENSG00000165572
13	40859477	40859656	40859640	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000218901
13	40874687	40875015	40874850	20	24	2	8.660868202	1.80E-06		ENSG00000218901
13	41030033	41030212	41030095	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221194
13	41275201	41275512	41275360	18	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000223066
13	41432476	41432655	41432554	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KIAA0564	ENSG00000102763
13	41511122	41511427	41511292	10	11	0	12.47165021	0.000193293	DGKH	ENSG00000102780
13	41576622	41576806	41576767	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000220384
13	42475449	42475767	42475608	9	13	2	4.850086193	0.00164564	EPSTI1	ENSG00000133106
13	43593175	43593354	43593264	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000139656
13	43783209	43783503	43783331	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	SERP2	ENSG00000151778
13	43875641	43876007	43875804	10	17	12	1.439036563	0.154203	SERP2	ENSG00000151778
13	43907468	43907986	43907788	8	19	6	2.969440526	0.0035096	TSC22D1	ENSG00000102804
13	43908718	43909052	43908885	10	16	7	2.208521392	0.0257604	TSC22D1	ENSG00000102804
13	43909269	43909606	43909438	11	16	4	3.533634226	0.00276486	TSC22D1	ENSG00000102804
13	44049612	44049841	44049761	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TSC22D1	ENSG00000102804
13	44231220	44231538	44231379	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000209569
13	44233634	44233813	44233723	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000209569
13	44282200	44282478	44282331	9	11	12	0.959357709	0.543005	NUFIP1	ENSG00000083635
13	44389789	44390319	44390142	12	26	21	1.275509681	0.196223	NUFIP1	ENSG00000083635
13	44390488	44390854	44390577	9	13	8	1.616695398	0.123553	NUFIP1	ENSG00000083635
13	44592385	44592826	44592526	14	19	2	6.928694562	4.25E-05	GTF2F2	ENSG00000188342
13	44690795	44690975	44690910	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KCTD4	ENSG00000180332
13	44783217	44783527	44783377	11	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000221163
13	44806516	44806703	44806609	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000209605
13	44993479	44993791	44993612	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000200709
13	44997026	44997330	44997172	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000200709
13	44999984	45000178	45000051	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000200709
13	45245453	45245720	45245563	9	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000209627
13	45329661	45329873	45329767	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000215475
13	45524614	45524927	45524758	11	15	15	1.039304184	0.456923	ZC3H13	ENSG00000123200
13	45573369	45573593	45573447	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CPB2	ENSG00000080618
13	45575448	45575627	45575520	8	8	4	1.870747532	0.118863	CPB2	ENSG00000080618

13	45592211	45592638	45592390	15	26	15	1.753825811	0.0337197	CPB2	ENSG00000080618
13	45593810	45594195	45593979	10	15	11	1.385738912	0.19225	CPB2	ENSG00000080618
13	45607314	45607696	45607488	15	22	12	1.838768941	0.0349935	CPB2	ENSG00000080618
13	45619083	45619262	45619172	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209631
13	45647802	45648162	45647944	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000222074
13	45654317	45654592	45654431	9	10	6	1.63319229	0.146906	LCP1	ENSG00000136167
13	45698751	45698966	45698858	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000209633
13	45708545	45708729	45708599	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209633
13	45728259	45728456	45728357	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000214554
13	45998927	45999112	45999019	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000217737
13	46013684	46013866	46013811	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LRCH1	ENSG00000136141
13	46018598	46018806	46018702	9	9	10	0.944821986	0.553851	LRCH1	ENSG00000136141
13	46023627	46024073	46023786	15	23	14	1.662886695	0.0567474	LRCH1	ENSG00000136141
13	46024504	46024705	46024604	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LRCH1	ENSG00000136141
13	46026536	46026783	46026659	8	9	8	1.154782427	0.375434	LRCH1	ENSG00000136141
13	46028310	46028657	46028483	9	13	12	1.11925066	0.384109	LRCH1	ENSG00000136141
13	46031753	46031999	46031904	8	10	6	1.63319229	0.146906	LRCH1	ENSG00000136141
13	46035935	46036237	46036095	8	11	2	4.157216737	0.0052913	LRCH1	ENSG00000136141
13	46041663	46041842	46041698	8	8	4	1.870747532	0.118863	LRCH1	ENSG00000136141
13	46055386	46055731	46055558	10	16	3	4.417042783	0.00097367	LRCH1	ENSG00000136141
13	46063770	46064052	46063886	9	11	4	2.494330042	0.0324033	LRCH1	ENSG00000136141
13	46072434	46072634	46072567	8	9	6	1.484720263	0.204387	LRCH1	ENSG00000136141
13	46087653	46088314	46087926	34	58	8	6.813216319	1.87E-11	LRCH1	ENSG00000136141
13	46089591	46089943	46089767	10	16	10	1.606197376	0.104477	LRCH1	ENSG00000136141
13	46095065	46095281	46095186	9	10	1	5.716173013	0.00260397	LRCH1	ENSG00000136141
13	46102819	46103038	46102928	8	8	3	2.338434415	0.0641221	LRCH1	ENSG00000136141
13	46120406	46120713	46120559	12	15	6	2.375552421	0.0212094	LRCH1	ENSG00000136141
13	46127774	46128038	46127906	8	10	7	1.429043253	0.21536	LRCH1	ENSG00000136141
13	46131551	46132242	46132063	11	31	16	1.956337288	0.0103735	LRCH1	ENSG00000136141
13	46137812	46138079	46137916	9	11	5	2.078608368	0.0614303	LRCH1	ENSG00000136141
13	46144671	46144879	46144820	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LRCH1	ENSG00000136141
13	46156739	46156927	46156877	8	8	8	1.039304184	0.46786	ESD	ENSG00000139684
13	46157151	46157506	46157330	11	15	7	2.078608368	0.038229	ESD	ENSG00000139684
13	46183114	46183377	46183257	10	10	6	1.63319229	0.146906	ESD	ENSG00000139684

13	46224106	46224285	46224157	8	10	6	1.63319229	0.146906	ESD	ENSG00000139684
13	46271844	46272027	46271928	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ESD	ENSG00000139684
13	46273777	46273999	46273851	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ESD	ENSG00000139684
13	46377441	46377900	46377743	9	18	12	1.518983039	0.117837	HTR2A	ENSG00000102468
13	46384483	46384677	46384580	8	8	4	1.870747532	0.118863	HTR2A	ENSG00000102468
13	46502593	46502806	46502729	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209653
13	46522160	46522402	46522255	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000209653
13	46684599	46684792	46684695	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000220245
13	46700993	46701172	46701081	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000220245
13	46702324	46702504	46702357	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000220245
13	46709517	46709768	46709637	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000220245
13	46730809	46731081	46730941	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000220245
13	46871847	46872026	46871936	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000209657
13	47103757	47104140	47104015	12	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000218471
13	47538659	47539086	47538877	52	72	0	75.86920545	2.56E-23	MED4	ENSG00000136146
13	47544457	47544791	47544626	38	42	0	44.69007992	4.92E-14	MED4	ENSG00000136146
13	47567233	47567426	47567342	9	9	3	2.598260461	0.0397929	MED4	ENSG00000136146
13	49685710	49686123	49685944	15	23	3	6.235825105	1.63E-05		ENSG00000220558
13	49829698	49830048	49829956	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000217189
13	50001389	50001871	50001699	61	87	2	30.48625607	6.20E-25		ENSG00000221198
13	50203546	50203884	50203713	17	21	1	11.43234603	1.90E-06		ENSG00000200711
13	51289798	51290099	51289920	8	9	0	10.39304184	0.000803859	DHRS12	ENSG00000102796
13	51298822	51299057	51298927	13	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000180358
13	51329219	51329426	51329322	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CCDC70	ENSG00000123171
13	51331236	51331442	51331347	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CCDC70	ENSG00000123171
13	51683524	51683831	51683677	23	25	1	13.5109544	1.28E-07		ENSG00000220040
13	59403847	59404034	59403938	9	9	1	5.196520921	0.00490062	DIAPH3	ENSG00000139734
13	61106697	61106895	61106751	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209865
13	63068048	63068259	63068158	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000215432
13	68416465	68416849	68416680	9	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000219035
13	71569713	71570107	71569897	26	34	1	18.18782322	2.77E-10		ENSG00000200037
13	72253987	72254216	72254066	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DIS3	ENSG00000083520
13	72432769	72432987	72432878	8	9	5	1.73217364	0.133894	PIBF1	ENSG00000083535
13	72574743	72574928	72574857	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000118928

13	72871541	72871779	72871635	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000218304
13	72985949	72986215	72986082	21	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000218304
13	73075883	73076135	73076009	16	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000218304
13	74654183	74654362	74654272	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000219076
13	75994230	75994527	75994378	18	20	4	4.365077574	0.000324139	KCTD12	ENSG00000178695
13	76527379	76527567	76527473	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FBXL3	ENSG00000005812
13	76799275	76799615	76799445	11	15	1	8.314433474	0.000102308	MYCBP2	ENSG00000005810
13	78866032	78866328	78866188	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000209123
13	79103509	79103696	79103602	8	8	4	1.870747532	0.118863	NDFIP2	ENSG00000102471
13	80614884	80615118	80615023	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222486
13	83413785	83414216	83414002	40	50	3	13.25112835	5.72E-13		ENSG00000220449
13	84580560	84580878	84580719	22	25	0	27.02190879	8.98E-09		ENSG00000207012
13	85214044	85214223	85214119	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLITRK6	ENSG00000184564
13	87856006	87856251	87856148	12	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000218326
13	88688807	88689065	88688936	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000216336
13	90042225	90042571	90042400	21	25	0	27.02190879	8.98E-09		ENSG00000209120
13	93795633	93795910	93795782	23	25	2	9.00730293	9.47E-07		ENSG00000212057
13	96591894	96592098	96592008	9	9	10	0.944821986	0.553851	MBNL2	ENSG00000139793
13	96670769	96671024	96670913	8	10	2	3.810782009	0.00936112	MBNL2	ENSG00000139793
13	97866772	97866996	97866884	10	13	5	2.425043097	0.0262442	STK24	ENSG00000102572
13	98109767	98110215	98110062	18	27	2	9.700172386	2.61E-07		ENSG00000223127
13	98173737	98173917	98173827	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SLC15A1	ENSG00000088386
13	99060997	99061183	99061090	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CLYBL	ENSG00000125246
13	99500737	99501000	99500868	12	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000220223
13	102137926	102138166	102138040	15	15	1	8.314433474	0.000102308	C13orf39	ENSG00000139780
13	102296091	102296283	102296187	8	8	5	1.558956276	0.191397	ERCC5	ENSG00000134899
13	103333695	103333874	103333724	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219505
13	106358455	106358670	106358536	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000196777
13	106655747	106655955	106655825	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221316
13	108093994	108094195	108094105	8	9	0	10.39304184	0.000803859	MYO16	ENSG00000041515
13	108369495	108370227	108369870	11	31	17	1.847651883	0.0159688	MYO16	ENSG00000041515
13	109450689	109450923	109450806	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000201161
13	109573249	109573633	109573428	17	24	1	12.9913023	2.52E-07		ENSG00000222584
13	111916639	111916842	111916740	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SOX1	ENSG00000182968

13	112212411	112212759	112212583	11	14	8	1.73217364	0.0890835	TUBGCP3	ENSG00000126216
13	113573219	113573980	113573537	122	166	0	173.5637988	2.07E-52	GAS6	ENSG00000183087
13	113925195	113925388	113925336	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RASA3	ENSG00000185989
13	114127669	114127923	114127796	19	20	0	21.82538787	3.17E-07	ZNF828	ENSG00000198824
14	18076308	18076629	18076468	14	14	16	0.917033104	0.598778		ENSG00000215398
14	18086404	18086583	18086433	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000215398
14	20151292	20151496	20151394	8	10	5	1.905391004	0.0915982	RNASE12	ENSG00000206171
14	20289941	20290318	20290110	34	41	0	43.65077574	1.00E-13	FAM12A	ENSG00000181562
14	20358267	20358733	20358500	18	33	0	35.33634226	3.00E-11	RNASE1	ENSG00000129538
14	20635051	20635563	20635384	24	36	5	6.409042469	1.18E-07	ZNF219	ENSG00000165804
14	20636755	20636934	20636813	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZNF219	ENSG00000165804
14	21014985	21015249	21015117	9	11	6	1.781664316	0.103344	TOX4	ENSG00000092203
14	21095529	21095765	21095664	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000215307
14	21922330	21922563	21922446	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000211821
14	22011878	22012076	22011971	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000211831
14	22075814	22076068	22075916	18	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000211882
14	22437476	22437685	22437572	8	8	0	9.353737658	0.00163931	REM2	ENSG00000139890
14	22468671	22468969	22468827	9	12	10	1.228268581	0.305344	PRMT5	ENSG00000100462
14	22525893	22526108	22526023	8	10	4	2.286469205	0.0509017	JUB	ENSG00000129474
14	22610400	22610858	22610579	8	17	4	3.741495063	0.00163722	ACIN1	ENSG00000100813
14	23170893	23171277	23171065	34	41	2	14.55025858	2.58E-11	DHRS2	ENSG00000100867
14	23209542	23209957	23209743	26	36	1	19.22712741	7.03E-11	DHRS2	ENSG00000100867
14	23727945	23728171	23728056	8	11	3	3.117912553	0.0146045	IPO4	ENSG00000196497
14	23810146	23810335	23810224	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RABGGTA	ENSG00000100949
14	23871316	23871511	23871413	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ADCY4	ENSG00000129467
14	23935376	23935738	23935559	16	23	3	6.235825105	1.63E-05	KIAA1305	ENSG00000205978
14	23982021	23982249	23982190	8	9	2	3.464347281	0.0163838	C14orf124	ENSG00000100445
14	24939741	24939974	24939853	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000179020
14	25416062	25416241	25416197	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000212270
14	28290494	28290727	28290640	12	12	2	4.503651465	0.002963	FOXG1	ENSG00000176165
14	29792015	29792266	29792140	18	20	0	21.82538787	3.17E-07	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29809112	29809349	29809216	8	9	2	3.464347281	0.0163838	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29834919	29835236	29835077	11	15	2	5.542955649	0.000497081	KIAA1333	ENSG00000092140
14	29912194	29912442	29912364	9	11	3	3.117912553	0.0146045	KIAA1333	ENSG00000092140

14	30149711	30149905	30149788	8	9	3	2.598260461	0.0397929	SCFD1	ENSG00000092108
14	30768752	30768996	30768860	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000202402
14	30980387	30980682	30980534	9	11	1	6.235825105	0.0013754	C14orf126	ENSG00000129480
14	30988966	30989167	30989066	10	10	1	5.716173013	0.00260397	C14orf126	ENSG00000129480
14	31559833	31560470	31560012	17	30	2	10.73947657	3.71E-08	C14orf128	ENSG00000176127
14	31745037	31745272	31745180	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000202337
14	31791152	31791374	31791329	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000202337
14	31847068	31847443	31847247	11	17	2	6.235825105	0.000146695	AKAP6	ENSG00000151320
14	31884126	31884793	31884458	87	127	7	16.62886695	3.17E-31	AKAP6	ENSG00000151320
14	31908218	31908397	31908307	8	8	0	9.353737658	0.00163931	AKAP6	ENSG00000151320
14	32099174	32099526	32099357	10	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000209554
14	32247701	32247896	32247777	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000209554
14	32284099	32284284	32284256	8	8	5	1.558956276	0.191397	NPAS3	ENSG00000151322
14	32284589	32284773	32284627	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NPAS3	ENSG00000151322
14	32342612	32342865	32342729	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NPAS3	ENSG00000151322
14	32532847	32533150	32533025	9	13	1	7.27512929	0.000378098	NPAS3	ENSG00000151322
14	33014583	33014830	33014748	9	10	6	1.63319229	0.146906	NPAS3	ENSG00000151322
14	33059043	33059341	33059192	8	10	1	5.716173013	0.00260397	NPAS3	ENSG00000151322
14	33215045	33215224	33215134	8	8	5	1.558956276	0.191397	EGLN3	ENSG00000129521
14	33219539	33219752	33219688	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EGLN3	ENSG00000129521
14	33236148	33236403	33236275	8	11	2	4.157216737	0.0052913	EGLN3	ENSG00000129521
14	33277671	33277895	33277795	9	9	1	5.196520921	0.00490062	EGLN3	ENSG00000129521
14	33314647	33314872	33314777	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EGLN3	ENSG00000129521
14	33320258	33320579	33320418	14	17	4	3.741495063	0.00163722	EGLN3	ENSG00000129521
14	33331760	33331984	33331874	9	11	6	1.781664316	0.103344	EGLN3	ENSG00000129521
14	33378939	33379158	33379043	12	13	3	3.637564645	0.0050909	EGLN3	ENSG00000129521
14	33718605	33718967	33718802	9	14	8	1.73217364	0.0890835	EGLN3	ENSG00000129521
14	33766875	33767058	33766948	9	9	5	1.73217364	0.133894	C14orf147	ENSG00000165389
14	33795045	33795256	33795132	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C14orf147	ENSG00000165389
14	33836459	33837439	33836915	157	215	5	37.41495063	2.09E-59	C14orf147	ENSG00000165389
14	33870684	33870914	33870780	11	13	5	2.425043097	0.0262442	C14orf147	ENSG00000165389
14	33900313	33900575	33900437	11	13	4	2.910051716	0.0125532	C14orf147	ENSG00000165389
14	33907234	33907474	33907354	14	16	2	5.889390377	0.000270741	C14orf147	ENSG00000165389
14	33907592	33907885	33907738	11	14	9	1.558956276	0.132279	C14orf147	ENSG00000165389

14	34078462	34078721	34078628	9	11	0	12.47165021	0.000193293	EAPP	ENSG00000129518
14	34239160	34239357	34239262	13	14	3	3.897390691	0.00295882	CFL2	ENSG00000165410
14	34262049	34262286	34262140	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CFL2	ENSG00000165410
14	34381953	34382207	34382080	9	10	2	3.810782009	0.00936112	BAZ1A	ENSG00000198604
14	34521726	34521935	34521855	9	10	5	1.905391004	0.0915982	SRP54	ENSG00000100883
14	34753374	34753637	34753505	11	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000203598
14	34831159	34831407	34831283	11	14	2	5.196520921	0.000907371	PSMA6	ENSG00000100902
14	34875741	34876087	34875911	22	27	11	2.425043097	0.00332497	PSMA6	ENSG00000100902
14	34876105	34876389	34876247	8	12	13	0.965068171	0.538344	PSMA6	ENSG00000100902
14	34880546	34881006	34880683	10	18	5	3.291129917	0.00248584	PSMA6	ENSG00000100902
14	34942681	34942918	34942769	9	10	2	3.810782009	0.00936112	NFKBIA	ENSG00000100906
14	34943688	34944022	34943855	9	14	5	2.598260461	0.0167748	NFKBIA	ENSG00000100906
14	35208903	35209125	35209014	10	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000209579
14	35747772	35748030	35747903	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000212071
14	35859775	35860126	35859964	8	12	4	2.702190879	0.0203088	MBIP	ENSG00000151332
14	35943535	35943802	35943643	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000188831
14	36187264	36187490	36187396	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000212929
14	36222096	36222392	36222244	11	11	3	3.117912553	0.0146045	PAX9	ENSG00000198807
14	36359889	36360285	36360088	46	59	3	15.58956276	1.49E-15	PAX9	ENSG00000198807
14	36438760	36439073	36438916	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PAX9	ENSG00000198807
14	36736455	36736751	36736623	14	15	3	4.157216737	0.00170423	MIPOL1	ENSG00000151338
14	36975538	36975747	36975642	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000207046
14	37085859	37086107	37086011	11	12	8	1.501217155	0.168286	FOXA1	ENSG00000129514
14	37105748	37106188	37106029	9	15	7	2.078608368	0.038229	FOXA1	ENSG00000129514
14	37123992	37124199	37124095	12	12	3	3.377738599	0.00867157	FOXA1	ENSG00000129514
14	37129378	37129616	37129497	10	11	5	2.078608368	0.0614303	FOXA1	ENSG00000129514
14	37131942	37132214	37132065	10	12	3	3.377738599	0.00867157	FOXA1	ENSG00000129514
14	37133075	37133527	37133348	18	30	16	1.895201748	0.0144147	FOXA1	ENSG00000129514
14	37134335	37134591	37134471	8	10	10	1.039304184	0.464387	FOXA1	ENSG00000129514
14	37134676	37135344	37134963	19	47	34	1.425331453	0.0534913	FOXA1	ENSG00000129514
14	37135378	37135575	37135448	8	9	15	0.649565115	0.865365	FOXA1	ENSG00000129514
14	37136088	37136277	37136198	9	9	6	1.484720263	0.204387	FOXA1	ENSG00000129514
14	37138987	37139263	37139128	9	12	5	2.251825733	0.0404733	FOXA1	ENSG00000129514
14	37140274	37140667	37140442	10	16	4	3.533634226	0.00276486	FOXA1	ENSG00000129514

14	37150597	37150783	37150689	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FOXA1	ENSG00000129514
14	37155800	37156240	37155973	28	42	5	7.448346654	3.24E-09	FOXA1	ENSG00000129514
14	37180059	37180499	37180238	25	38	28	1.397684937	0.083712	FOXA1	ENSG00000129514
14	37185876	37186095	37185985	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FOXA1	ENSG00000129514
14	37189182	37190007	37189550	15	43	35	1.27026067	0.141946	FOXA1	ENSG00000129514
14	37194946	37195138	37194987	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FOXA1	ENSG00000129514
14	37245213	37245401	37245256	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000200385
14	37358681	37358877	37358773	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000201431
14	37413668	37413939	37413843	17	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000201431
14	37442563	37442843	37442703	11	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000201431
14	37476065	37476339	37476197	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000201431
14	37584925	37585151	37585002	10	11	0	12.47165021	0.000193293	SSTR1	ENSG00000139874
14	37724529	37724795	37724625	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SSTR1	ENSG00000139874
14	38562571	38563288	38562905	49	73	1	38.45425482	4.86E-22		ENSG00000199285
14	38709062	38709480	38709301	12	21	4	4.572938411	0.000186332	TRAPPC6B	ENSG00000182400
14	38726926	38727422	38727140	10	21	2	7.621564018	1.21E-05	PNN	ENSG00000100941
14	38805514	38805703	38805608	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CTAGE5	ENSG00000150527
14	39207271	39207533	39207422	11	12	1	6.755477198	0.000722752	FBXO33	ENSG00000165355
14	39760381	39760651	39760512	9	10	4	2.286469205	0.0509017		
14	39932414	39932680	39932551	10	12	1	6.755477198	0.000722752		
14	39986099	39986381	39986210	11	13	1	7.27512929	0.000378098		
14	40988019	40988350	40988184	13	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000221695
14	41732007	41732554	41732240	11	21	3	5.716173013	5.37E-05		ENSG00000222084
14	43160199	43160537	43160368	12	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000205898
14	43647482	43647839	43647678	24	28	1	15.06991067	1.67E-08		ENSG00000205898
14	43973201	43973442	43973291	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FSCB	ENSG00000189139
14	44305982	44306184	44306029	9	10	7	1.429043253	0.21536	C14orf28	ENSG00000179476
14	44323369	44323555	44323462	9	9	0	10.39304184	0.000803859	C14orf28	ENSG00000179476
14	44342133	44342318	44342223	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C14orf28	ENSG00000179476
14	44499141	44499320	44499251	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KLHL28	ENSG00000179454
14	44500650	44501271	44501054	13	27	13	2.078608368	0.00998554	FAM179B	ENSG00000198718
14	44623086	44623317	44623201	10	11	7	1.558956276	0.158273	PRPF39	ENSG00000185246
14	44651853	44652154	44652019	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000214921
14	44652311	44652600	44652455	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000214921

14	44673294	44673506	44673410	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FKBP3	ENSG00000100442
14	44674412	44674906	44674727	10	17	7	2.338434415	0.0171287	FANCM	ENSG00000187790
14	45066317	45066533	45066463	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000199739
14	45254343	45254557	45254450	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000199739
14	45324222	45324699	45324518	128	167	2	58.20103432	3.84E-49		
14	45332037	45332468	45332216	57	72	1	37.93460272	9.77E-22		
14	45587076	45587353	45587205	8	11	2	4.157216737	0.0052913		
14	46604426	46604605	46604505	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MDGA2	ENSG00000139915
14	48593086	48593274	48593192	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209067
14	49008392	49008571	49008482	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209067
14	49156353	49156677	49156528	10	13	1	7.27512929	0.000378098	RPL36AL	ENSG00000165502
14	49224651	49224872	49224784	8	9	2	3.464347281	0.0163838	POLE2	ENSG00000100479
14	49398551	49398944	49398695	11	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000222619
14	49399349	49399665	49399507	10	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000222619
14	49416242	49416499	49416370	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ARF6	ENSG00000165527
14	49487256	49487714	49487468	26	37	2	13.16451967	3.70E-10		ENSG00000175860
14	49509263	49509507	49509371	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000175860
14	49535818	49536012	49535915	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000175860
14	49537554	49537749	49537650	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000175860
14	49537949	49538430	49538242	9	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000175860
14	49618446	49618642	49618590	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000168260
14	49857600	49857862	49857754	13	13	6	2.078608368	0.0483393	ATP5S	ENSG00000125375
14	50136459	50137091	50136835	172	244	7	31.82869064	1.62E-65		ENSG00000223050
14	50137264	50137467	50137365	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000223050
14	50300256	50300435	50300359	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NIN	ENSG00000100503
14	50487357	50487544	50487450	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PYGL	ENSG00000100504
14	50491784	50492107	50491938	12	14	4	3.117912553	0.00766354	PYGL	ENSG00000100504
14	50492257	50492499	50492383	10	12	5	2.251825733	0.0404733	PYGL	ENSG00000100504
14	50501280	50501459	50501375	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PYGL	ENSG00000100504
14	50631614	50631800	50631707	10	10	3	2.858086507	0.0242838	TRIM9	ENSG00000100505
14	50659942	50660278	50660110	25	29	1	15.58956276	8.46E-09	TRIM9	ENSG00000100505
14	50873908	50874153	50874030	14	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000201820
14	50931774	50932215	50931915	15	22	2	7.967998746	6.43E-06	FRMD6	ENSG00000139926
14	51069800	51070030	51069915	9	10	4	2.286469205	0.0509017	FRMD6	ENSG00000139926

14	51071183	51071465	51071324	11	13	4	2.910051716	0.0125532	FRMD6	ENSG00000139926
14	51101079	51101265	51101235	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000223144
14	51101537	51101814	51101677	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000223144
14	51167704	51168005	51167854	8	11	0	12.47165021	0.000193293	FRMD6	ENSG00000139926
14	52319790	52319969	52319912	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GNPNAT1	ENSG00000100522
14	52437165	52437434	52437316	14	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000214855
14	52460037	52460228	52460117	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214855
14	52479849	52480029	52479939	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000214855
14	52486545	52486744	52486644	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FERMT2	ENSG00000073712
14	52497603	52497839	52497699	12	13	7	1.818782322	0.0805123	FERMT2	ENSG00000073712
14	52616138	52616398	52616285	8	8	5	1.558956276	0.191397	DDHD1	ENSG00000100523
14	52688105	52688327	52688198	10	13	4	2.910051716	0.0125532	DDHD1	ENSG00000100523
14	52924793	52925090	52924952	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000219652
14	52926588	52926791	52926658	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000219652
14	53061780	53061981	53061826	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000219652
14	53091120	53091435	53091277	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000219652
14	53135698	53135894	53135796	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219652
14	53175576	53175773	53175718	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000219652
14	53188647	53188880	53188736	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000219652
14	53191931	53192205	53192068	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000219652
14	53475064	53475310	53475186	9	11	3	3.117912553	0.0146045	BMP4	ENSG00000125378
14	53500207	53500416	53500292	10	10	5	1.905391004	0.0915982	BMP4	ENSG00000125378
14	53877007	53877199	53877106	8	8	5	1.558956276	0.191397	CDKN3	ENSG00000100526
14	54046195	54046464	54046336	9	12	5	2.251825733	0.0404733	CGRRF1	ENSG00000100532
14	54046787	54046991	54046835	10	10	5	1.905391004	0.0915982	CGRRF1	ENSG00000100532
14	54309537	54309945	54309784	11	17	8	2.078608368	0.0303558	SAMD4A	ENSG00000020577
14	54310099	54310279	54310155	8	8	5	1.558956276	0.191397	SAMD4A	ENSG00000020577
14	54310507	54310796	54310679	9	11	8	1.385738912	0.224757	SAMD4A	ENSG00000020577
14	54438709	54438905	54438824	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GCH1	ENSG00000131979
14	54563529	54563760	54563644	8	10	10	1.039304184	0.464387	SOCS4	ENSG00000180008
14	54587680	54587947	54587844	8	11	4	2.494330042	0.0324033	MAPK1IP1L	ENSG00000168175
14	54588749	54588928	54588838	8	8	5	1.558956276	0.191397	MAPK1IP1L	ENSG00000168175
14	54658768	54659066	54658891	14	16	4	3.533634226	0.00276486	LGALS3	ENSG00000131981
14	54727578	54727776	54727616	8	10	11	0.952695502	0.548138	DLGAP5	ENSG00000126787

14	54749285	54749528	54749364	8	10	1	5.716173013	0.00260397	UBE2L7P	ENSG00000131982
14	54807624	54807901	54807747	9	10	2	3.810782009	0.00936112	FBXO34	ENSG00000178974
14	54853246	54853449	54853347	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000209119
14	54891237	54891425	54891346	9	10	6	1.63319229	0.146906	KIAA0831	ENSG00000126775
14	54948165	54948460	54948325	11	15	6	2.375552421	0.0212094	KIAA0831	ENSG00000126775
14	54984858	54985104	54984944	9	10	4	2.286469205	0.0509017	TBPL2	ENSG00000182521
14	55113844	55114034	55113935	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C14orf33	ENSG00000186615
14	55226440	55226707	55226574	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000200742
14	55242373	55242955	55242776	13	32	12	2.638233698	0.000799104		ENSG00000200742
14	55268741	55268953	55268810	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000177350
14	55277044	55277232	55277144	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000177350
14	55299246	55299439	55299342	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000177350
14	55325973	55326222	55326097	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000177350
14	55478794	55479111	55478950	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000213622
14	55585016	55585195	55585086	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000212522
14	55956278	55956554	55956416	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C14orf101	ENSG00000070269
14	56037872	56038051	56037961	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C14orf101	ENSG00000070269
14	56061837	56062074	56061963	9	9	0	10.39304184	0.000803859	C14orf101	ENSG00000070269
14	56092521	56092700	56092610	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C14orf101	ENSG00000070269
14	56115864	56116198	56116031	11	17	4	3.741495063	0.00163722	C14orf101	ENSG00000070269
14	56122237	56122500	56122368	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C14orf101	ENSG00000070269
14	56202568	56203483	56202930	77	121	3	31.69877762	7.54E-34	C14orf101	ENSG00000070269
14	56203510	56203747	56203668	8	11	3	3.117912553	0.0146045	C14orf101	ENSG00000070269
14	56261718	56261897	56261751	8	9	3	2.598260461	0.0397929	OTX2	ENSG00000165588
14	56383905	56384335	56384184	11	19	7	2.598260461	0.00730518		ENSG00000200818
14	56533274	56533538	56533378	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000213618
14	56545979	56546233	56546106	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213618
14	56603432	56603622	56603540	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213618
14	56609946	56610125	56610035	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000213618
14	56805306	56805777	56805521	11	20	11	1.818782322	0.04395	C14orf108	ENSG00000053770
14	57010585	57010820	57010744	8	10	1	5.716173013	0.00260397	C14orf105	ENSG00000100557
14	57014741	57014940	57014840	9	9	5	1.73217364	0.133894	C14orf105	ENSG00000100557
14	57037541	57037958	57037720	10	20	3	5.456346967	9.70E-05	C14orf105	ENSG00000100557
14	57073765	57074019	57073892	9	13	2	4.850086193	0.00164564	C14orf105	ENSG00000100557

14	57219916	57220103	57220063	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC35F4	ENSG00000151812
14	57251162	57251368	57251265	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SLC35F4	ENSG00000151812
14	57408028	57408247	57408133	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000209817
14	57409213	57409394	57409327	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209817
14	57602640	57602930	57602769	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	C14orf37	ENSG00000139971
14	57707718	57707953	57707835	11	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000223002
14	57745294	57745550	57745429	11	13	2	4.850086193	0.00164564	ACTR10	ENSG00000131966
14	57776288	57776475	57776381	8	9	11	0.86608682	0.635181	PSMA3	ENSG00000100567
14	57834276	57834571	57834419	10	12	3	3.377738599	0.00867157	ARID4A	ENSG00000032219
14	57835012	57835213	57835085	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ARID4A	ENSG00000032219
14	57955098	57955350	57955246	8	9	2	3.464347281	0.0163838	KIAA0586	ENSG00000100578
14	57963463	57963698	57963526	8	11	2	4.157216737	0.0052913	TIMM9	ENSG00000100575
14	57963764	57964167	57963988	16	24	23	1.082608525	0.390382	TIMM9	ENSG00000100575
14	58037801	58038016	58037908	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KIAA0586	ENSG00000100578
14	58102835	58103040	58102937	9	9	1	5.196520921	0.00490062	DACT1	ENSG00000165617
14	58204448	58204666	58204557	8	11	7	1.558956276	0.158273	DACT1	ENSG00000165617
14	58276698	58276906	58276802	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000221427
14	58629165	58629392	58629278	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000214813
14	58724659	58724898	58724757	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DAAM1	ENSG00000100592
14	58725177	58725470	58725323	9	14	3	3.897390691	0.00295882	DAAM1	ENSG00000100592
14	58776853	58777044	58776948	8	8	5	1.558956276	0.191397	DAAM1	ENSG00000100592
14	58781050	58781345	58781211	14	16	1	8.834085566	5.30E-05	DAAM1	ENSG00000100592
14	58790962	58791217	58791058	14	16	6	2.524024447	0.0137633	DAAM1	ENSG00000100592
14	58848157	58848386	58848271	8	11	2	4.157216737	0.0052913	DAAM1	ENSG00000100592
14	58886253	58886432	58886304	8	8	4	1.870747532	0.118863	DAAM1	ENSG00000100592
14	58916871	58917057	58916964	8	8	4	1.870747532	0.118863	GPR135	ENSG00000181619
14	58987398	58987674	58987510	9	12	6	1.930136342	0.071303	GPR135	ENSG00000181619
14	59043674	59043920	59043797	8	11	9	1.247165021	0.300052	C14orf100	ENSG00000050130
14	59472043	59472502	59472208	14	21	1	11.43234603	1.90E-06	LRR9	ENSG00000131951
14	59627608	59627907	59627763	8	10	1	5.716173013	0.00260397	C14orf135	ENSG00000126773
14	59628079	59628348	59628213	11	13	9	1.455025858	0.177172	C14orf135	ENSG00000126773
14	59628450	59628681	59628565	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C14orf135	ENSG00000126773
14	59697940	59698220	59698053	9	10	1	5.716173013	0.00260397	DHRS7	ENSG00000100612
14	59701293	59701597	59701445	8	12	9	1.35109544	0.232899	DHRS7	ENSG00000100612

14	59759113	59759647	59759392	11	21	17	1.27026067	0.223413	PPM1A	ENSG00000100614
14	59769879	59770083	59769971	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PPM1A	ENSG00000100614
14	59772615	59772794	59772724	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PPM1A	ENSG00000100614
14	59784645	59785079	59784770	11	21	8	2.540521339	0.00602138	PPM1A	ENSG00000100614
14	59885051	59885288	59885185	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PPM1A	ENSG00000100614
14	59886396	59886696	59886517	9	13	6	2.078608368	0.0483393	PPM1A	ENSG00000100614
14	60098645	60098890	60098717	14	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000209837
14	60153098	60153497	60153277	30	38	14	2.702190879	0.00024101	SIX1	ENSG00000126778
14	60186981	60187193	60187087	9	10	9	1.143234603	0.378307	SIX1	ENSG00000126778
14	60193272	60193498	60193385	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SIX1	ENSG00000126778
14	60194061	60194327	60194181	11	12	6	1.930136342	0.071303	SIX1	ENSG00000126778
14	60223557	60223736	60223646	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SIX4	ENSG00000100625
14	60261224	60261467	60261345	9	10	6	1.63319229	0.146906	SIX4	ENSG00000100625
14	60270958	60271290	60271123	16	21	4	4.572938411	0.000186332	MNAT1	ENSG0000020426
14	60398849	60399203	60399026	23	26	2	9.353737658	4.98E-07		ENSG00000214775
14	60399348	60399572	60399460	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000214775
14	60415636	60415928	60415788	16	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000214775
14	60436837	60437256	60437015	8	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000214775
14	60517512	60517691	60517610	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SLC38A6	ENSG00000139974
14	60662093	60662604	60662391	23	38	3	10.1332158	1.39E-09	SLC38A6	ENSG00000139974
14	60732609	60732789	60732699	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TMEM30B	ENSG00000182107
14	60789300	60789538	60789419	10	11	4	2.494330042	0.0324033	TMEM30B	ENSG00000182107
14	60806053	60806282	60806115	9	11	10	1.133786383	0.380636	TMEM30B	ENSG00000182107
14	60892302	60892823	60892481	21	30	8	3.579825523	9.27E-05	PRKCH	ENSG0000027075
14	60956004	60956216	60956075	13	13	1	7.27512929	0.000378098	PRKCH	ENSG0000027075
14	60975230	60975716	60975537	12	25	10	2.456537163	0.00405907	PRKCH	ENSG0000027075
14	60993198	60993398	60993298	8	9	4	2.078608368	0.0785659	PRKCH	ENSG0000027075
14	61008760	61009034	61008935	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PRKCH	ENSG0000027075
14	61019152	61019373	61019264	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PRKCH	ENSG0000027075
14	61021673	61022013	61021844	13	16	2	5.889390377	0.000270741	PRKCH	ENSG0000027075
14	61061846	61062057	61061951	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	HIF1A	ENSG00000100644
14	61062981	61063235	61063137	9	9	4	2.078608368	0.0785659	HIF1A	ENSG00000100644
14	61095992	61096246	61096094	8	12	3	3.377738599	0.00867157	HIF1A	ENSG00000100644
14	61123629	61123966	61123797	12	18	1	9.87338975	1.41E-05	HIF1A	ENSG00000100644

14	61176827	61177070	61176912	8	9	5	1.73217364	0.133894	HIF1A	ENSG00000100644
14	61357457	61357636	61357508	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000213572
14	61450304	61450523	61450403	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213572
14	61606277	61606456	61606326	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000186369
14	61610109	61610358	61610233	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000186369
14	61616493	61616676	61616592	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000186369
14	62228717	62228964	62228805	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	KCNH5	ENSG00000140015
14	62271389	62271682	62271521	10	13	1	7.27512929	0.000378098	KCNH5	ENSG00000140015
14	62282252	62282449	62282333	8	9	0	10.39304184	0.000803859	KCNH5	ENSG00000140015
14	62539350	62539551	62539475	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KCNH5	ENSG00000140015
14	62979748	62980089	62979914	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000221675
14	63041125	63041342	63041233	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000221675
14	63078743	63078939	63078807	10	10	3	2.858086507	0.0242838	PPP2R5E	ENSG00000154001
14	63079656	63080048	63079835	9	17	6	2.672496474	0.00882337	PPP2R5E	ENSG00000154001
14	63100116	63100427	63100271	12	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000205767
14	63101879	63102250	63102082	38	44	0	46.76868829	1.18E-14		ENSG00000205767
14	63177782	63178502	63177953	13	32	12	2.638233698	0.000799104	WDR89	ENSG00000140006
14	63178993	63179191	63179092	8	8	5	1.558956276	0.191397	WDR89	ENSG00000140006
14	63192699	63192920	63192809	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000209942
14	63214391	63214805	63214532	21	30	13	2.301316408	0.00328017		ENSG00000209942
14	63226261	63226470	63226416	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000209942
14	63264705	63265002	63264853	11	14	2	5.196520921	0.000907371	SGPP1	ENSG00000126821
14	63285217	63285463	63285360	8	8	5	1.558956276	0.191397	SGPP1	ENSG00000126821
14	63309871	63310533	63310197	97	118	5	20.61286632	1.20E-30	SGPP1	ENSG00000126821
14	63390523	63390782	63390639	9	11	6	1.781664316	0.103344	SYNE2	ENSG00000054654
14	63596993	63597332	63597153	21	24	5	4.330434101	0.000108998	SYNE2	ENSG00000054654
14	63750339	63750579	63750459	8	10	6	1.63319229	0.146906	ESR2	ENSG00000140009
14	63771431	63771650	63771523	10	11	4	2.494330042	0.0324033	ESR2	ENSG00000140009
14	63875252	63875618	63875405	13	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000214770
14	63880685	63880962	63880823	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000214770
14	63924448	63925048	63924627	11	25	16	1.589524046	0.0646994	MTHFD1	ENSG00000100714
14	63966569	63966756	63966662	9	9	2	3.464347281	0.0163838	AKAP5	ENSG00000179841
14	64031966	64032146	64032045	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZBTB25	ENSG00000089775
14	64038336	64038583	64038480	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ZBTB25	ENSG00000089775

14	64040843	64041065	64040938	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ZBTB25	ENSG00000089775
14	64041666	64042045	64041893	16	22	10	2.173090567	0.0132845	ZBTB1	ENSG00000126804
14	64075562	64075987	64075690	8	14	17	0.86608682	0.662567	HSPA2	ENSG00000126803
14	64076688	64076929	64076784	8	9	12	0.799464757	0.707717	HSPA2	ENSG00000126803
14	64147673	64148016	64147847	9	13	7	1.818782322	0.0805123	C14orf50	ENSG00000165807
14	64233892	64234166	64234029	9	11	1	6.235825105	0.0013754	PLEKHG3	ENSG00000126822
14	64298609	64298826	64298717	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SPTB	ENSG00000070182
14	64358723	64358914	64358818	8	8	4	1.870747532	0.118863	SPTB	ENSG00000070182
14	64389304	64389654	64389479	9	12	2	4.503651465	0.002963	SPTB	ENSG00000070182
14	64400183	64400382	64400341	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SPTB	ENSG00000070182
14	64475092	64475360	64475238	12	14	5	2.598260461	0.0167748	GPX2	ENSG00000176153
14	64497480	64497691	64497583	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RAB15	ENSG00000139998
14	64503454	64503778	64503616	18	20	8	2.425043097	0.00917565	RAB15	ENSG00000139998
14	64523013	64523601	64523192	12	24	10	2.362054964	0.00608507	FNTB	ENSG00000125954
14	64541998	64542256	64542127	26	27	1	14.55025858	3.30E-08	FNTB	ENSG00000125954
14	64639246	64639731	64639407	15	22	8	2.655999582	0.0039122	MAX	ENSG00000125952
14	64763294	64763820	64763429	20	32	15	2.14356488	0.00454085		ENSG00000214760
14	64773491	64773670	64773545	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214760
14	64791507	64792301	64791902	17	47	13	3.563328632	1.91E-06		ENSG00000214760
14	64871381	64871661	64871521	13	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000213511
14	64948988	64949185	64949086	9	9	3	2.598260461	0.0397929	FUT8	ENSG00000033170
14	65135991	65136201	65136074	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FUT8	ENSG00000033170
14	65495714	65495959	65495850	11	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000197907
14	65550649	65550954	65550813	11	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000197907
14	65640983	65641226	65641120	13	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000200860
14	65654105	65654463	65654306	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000200860
14	65955498	65955677	65955593	10	10	1	5.716173013	0.00260397	C14orf53	ENSG00000196553
14	66039945	66040343	66040177	33	40	1	21.30573578	4.48E-12	GPHN	ENSG00000171723
14	66044400	66044657	66044528	10	11	7	1.558956276	0.158273	GPHN	ENSG00000171723
14	66098340	66098544	66098442	9	10	1	5.716173013	0.00260397	GPHN	ENSG00000171723
14	66191315	66191502	66191408	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GPHN	ENSG00000171723
14	66468578	66469760	66469269	281	367	6	54.63770569	8.38E-104	FAM71D	ENSG00000172717
14	66796684	66796890	66796811	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000199386
14	66896353	66896848	66896597	9	18	8	2.194086611	0.0206188	EIF2S1	ENSG00000134001

14	66948670	66948912	66948757	9	10	1	5.716173013	0.00260397	PLEK2	ENSG00000100558
14	66972814	66973111	66972962	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PLEK2	ENSG00000100558
14	66976637	66976893	66976774	10	12	1	6.755477198	0.000722752	PLEK2	ENSG00000100558
14	66977156	66977384	66977270	13	16	4	3.533634226	0.00276486	PLEK2	ENSG00000100558
14	67014364	67015395	67014664	102	167	20	8.314433474	7.02E-32	C14orf83	ENSG00000198133
14	67016411	67016902	67016728	32	45	16	2.812234851	4.80E-05	C14orf83	ENSG00000198133
14	67065434	67065647	67065540	10	10	3	2.858086507	0.0242838	PLEKHH1	ENSG00000054690
14	67083733	67083953	67083819	9	10	3	2.858086507	0.0242838	PLEKHH1	ENSG00000054690
14	67107871	67108054	67107981	8	9	5	1.73217364	0.133894	PIGH	ENSG00000100564
14	67155178	67155435	67155319	8	11	1	6.235825105	0.0013754	ARG2	ENSG00000081181
14	67232018	67232329	67232168	9	11	2	4.157216737	0.0052913	RDH11	ENSG00000072042
14	67264873	67265336	67265052	8	17	6	2.672496474	0.00882337	RDH12	ENSG00000139988
14	67280500	67280822	67280657	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000210035
14	67356017	67356226	67356122	11	12	2	4.503651465	0.002963	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67429012	67429330	67429173	10	12	5	2.251825733	0.0404733	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67478296	67478542	67478425	10	12	8	1.501217155	0.168286	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67513838	67514584	67514252	10	27	5	4.850086193	2.10E-05	RAD51L1	ENSG00000182185
14	67674267	67674601	67674433	17	21	7	2.858086507	0.0029864		ENSG00000210045
14	67676831	67677148	67676991	14	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000210045
14	67831946	67832150	67832046	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000219350
14	67934169	67934566	67934348	10	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000213482
14	67995344	67995917	67995522	9	21	12	1.758822466	0.048324		ENSG00000213482
14	68005176	68005477	68005308	10	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000213482
14	68063789	68063968	68063890	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213482
14	68205508	68206027	68205680	9	19	7	2.598260461	0.00730518		ENSG00000207089
14	68311278	68311675	68311476	16	25	6	3.860272684	0.00017915	ZFP36L1	ENSG00000185650
14	68328274	68328492	68328391	10	11	3	3.117912553	0.0146045	ZFP36L1	ENSG00000185650
14	68329316	68330139	68329841	16	41	11	3.637564645	6.05E-06	ZFP36L1	ENSG00000185650
14	68331997	68332352	68332260	8	12	8	1.501217155	0.168286	C14orf181	ENSG00000221899
14	68361274	68361655	68361443	16	22	12	1.838768941	0.0349935	C14orf181	ENSG00000221899
14	68376921	68377104	68377012	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000214730
14	68390147	68390527	68390349	10	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000214730
14	68399687	68399946	68399816	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000214730
14	68463198	68463449	68463320	8	11	7	1.558956276	0.158273	ACTN1	ENSG00000072110

14	68480916	68481120	68480983	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ACTN1	ENSG00000072110
14	68524756	68525204	68524934	22	34	0	36.37564645	1.47E-11	ACTN1	ENSG00000072110
14	68550461	68550640	68550608	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ACTN1	ENSG00000072110
14	68592786	68593085	68592958	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	ACTN1	ENSG00000072110
14	68727771	68728180	68727950	14	22	8	2.655999582	0.0039122	EXDL2	ENSG00000081177
14	68750898	68751149	68751058	11	12	1	6.755477198	0.000722752	EXDL2	ENSG00000081177
14	68871951	68872293	68872122	8	13	8	1.616695398	0.123553	ERH	ENSG00000100632
14	68887620	68888204	68888085	9	21	1	11.43234603	1.90E-06	ERH	ENSG00000100632
14	68893623	68893826	68893702	9	11	8	1.385738912	0.224757	ERH	ENSG00000100632
14	68893870	68894415	68894170	20	34	16	2.139743909	0.00367586	ERH	ENSG00000100632
14	68934709	68934916	68934806	9	10	7	1.429043253	0.21536	ERH	ENSG00000100632
14	68935214	68935538	68935368	9	13	4	2.910051716	0.0125532	SLC39A9	ENSG00000029364
14	68946928	68947157	68947075	10	10	5	1.905391004	0.0915982	SLC39A9	ENSG00000029364
14	68964215	68964449	68964391	12	15	3	4.157216737	0.00170423	SLC39A9	ENSG00000029364
14	69038078	69038327	69038202	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000175985
14	69068152	69068445	69068298	9	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000214724
14	69071813	69072120	69071971	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000214724
14	69076635	69076908	69076774	13	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000214724
14	69140154	69140376	69140265	9	10	2	3.810782009	0.00936112	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69149273	69149669	69149491	15	22	6	3.414856605	0.000820885	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69156505	69156796	69156650	9	13	12	1.11925066	0.384109	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69179873	69180261	69180197	9	14	0	15.58956276	2.28E-05	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69194600	69194862	69194731	8	9	5	1.73217364	0.133894	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69199716	69200054	69199877	16	19	7	2.598260461	0.00730518	KIAA0247	ENSG00000100647
14	69245379	69245593	69245497	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SFRS5	ENSG00000100650
14	69249178	69249474	69249326	13	15	3	4.157216737	0.00170423	SFRS5	ENSG00000100650
14	69249592	69250134	69249801	36	52	10	5.007556524	7.24E-09	SFRS5	ENSG00000100650
14	69276032	69276267	69276095	8	11	1	6.235825105	0.0013754	SFRS5	ENSG00000100650
14	69303390	69303734	69303601	15	20	13	1.558956276	0.0943292	SFRS5	ENSG00000100650
14	69322646	69322859	69322767	10	10	1	5.716173013	0.00260397	SLC10A1	ENSG00000100652
14	69334352	69334533	69334471	10	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC10A1	ENSG00000100652
14	69355226	69355422	69355324	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000221060
14	69535110	69535319	69535182	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000210090
14	69535496	69536273	69535991	27	55	7	7.27512929	2.61E-11		ENSG00000210090

14	69547519	69547959	69547763	58	74	2	25.98260461	4.79E-21		ENSG00000210090
14	69896060	69896371	69896215	16	21	11	1.905391004	0.031399	COX16	ENSG00000133983
14	69931190	69931384	69931278	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYNJ2BP	ENSG00000213463
14	69962502	69962681	69962628	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SYNJ2BP	ENSG00000213463
14	69983554	69984055	69983876	21	33	1	17.66817113	5.50E-10		ENSG00000213462
14	70201355	70201573	70201492	9	10	5	1.905391004	0.0915982	TTC9	ENSG00000133985
14	70201939	70202280	70202109	16	19	7	2.598260461	0.00730518	TTC9	ENSG00000133985
14	70202294	70202646	70202470	11	16	12	1.359090087	0.198699	TTC9	ENSG00000133985
14	70316086	70316337	70316211	10	11	2	4.157216737	0.0052913	MAP3K9	ENSG00000006432
14	70354136	70354547	70354315	18	26	8	3.117912553	0.000638503	MAP3K9	ENSG00000006432
14	70401505	70401871	70401692	37	44	1	23.38434415	2.83E-13	PCNX	ENSG00000100731
14	70508926	70509135	70509030	8	9	11	0.86608682	0.635181	PCNX	ENSG00000100731
14	70612904	70613380	70613144	50	66	4	13.92667607	1.28E-16	PCNX	ENSG00000100731
14	70703040	70703290	70703165	13	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000207444
14	70856556	70856875	70856699	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000207444
14	70924901	70925096	70925030	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000207444
14	70947262	70947485	70947408	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207444
14	71008055	71008385	71008220	10	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000210153
14	71008461	71008718	71008625	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000210153
14	71130358	71130569	71130509	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71175132	71175359	71175220	9	12	1	6.755477198	0.000722752	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71183608	71183807	71183707	8	9	10	0.944821986	0.553851	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71276051	71276245	71276151	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SIPA1L1	ENSG00000197555
14	71289472	71290033	71289778	16	28	10	2.739983758	0.00114395	RGS6	ENSG00000182732
14	71291048	71291281	71291164	9	9	3	2.598260461	0.0397929	RGS6	ENSG00000182732
14	71310183	71310881	71310660	87	131	3	34.29703808	7.63E-37	RGS6	ENSG00000182732
14	71322661	71322964	71322812	10	14	1	7.794781382	0.000197021	RGS6	ENSG00000182732
14	71335378	71335664	71335546	13	17	5	3.117912553	0.00407023	RGS6	ENSG00000182732
14	71340022	71340550	71340391	10	20	9	2.182538787	0.0165356	RGS6	ENSG00000182732
14	71855122	71855301	71855199	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000200298
14	71902402	71902581	71902451	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200298
14	71940598	71941028	71940849	17	26	4	5.612242595	1.08E-05	DPF3	ENSG00000205683
14	71953435	71953730	71953582	11	14	3	3.897390691	0.00295882	DPF3	ENSG00000205683
14	71990120	71990338	71990280	9	9	1	5.196520921	0.00490062	DPF3	ENSG00000205683

14	72009324	72009513	72009434	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DPF3	ENSG00000205683
14	72032214	72032477	72032393	9	12	3	3.377738599	0.00867157	DPF3	ENSG00000205683
14	72036921	72037245	72037083	14	18	7	2.468347438	0.0112499	DPF3	ENSG00000205683
14	72048196	72048423	72048298	8	9	0	10.39304184	0.000803859	DPF3	ENSG00000205683
14	72199007	72199246	72199126	9	9	5	1.73217364	0.133894	DPF3	ENSG00000205683
14	72203092	72203312	72203167	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DPF3	ENSG00000205683
14	72391393	72391736	72391564	8	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000206751
14	72445571	72445919	72445745	9	14	2	5.196520921	0.000907371	DPF3	ENSG00000205683
14	72460632	72461135	72460904	23	38	3	10.1332158	1.39E-09	WDR21A	ENSG00000119599
14	72462889	72463080	72462967	8	8	6	1.336248237	0.277651	WDR21A	ENSG00000119599
14	72538638	72538867	72538752	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZFYVE1	ENSG00000165861
14	72563424	72563635	72563549	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ZFYVE1	ENSG00000165861
14	72591421	72591606	72591513	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RBM25	ENSG00000119707
14	72594727	72594961	72594863	10	12	7	1.688869299	0.11395	RBM25	ENSG00000119707
14	72616210	72616393	72616301	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209100
14	72673510	72673804	72673657	9	11	4	2.494330042	0.0324033	PSEN1	ENSG00000080815
14	72685855	72686122	72686026	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PSEN1	ENSG00000080815
14	72995177	72995403	72995290	14	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000221236
14	73096235	73096446	73096340	8	9	0	10.39304184	0.000803859	HEATR4	ENSG00000187105
14	73198773	73199278	73199012	11	21	10	2.078608368	0.0193227	DNAL1	ENSG00000119661
14	73277366	73277551	73277471	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C14orf43	ENSG00000156030
14	73288823	73289446	73289211	14	30	10	2.928948156	0.00047305	C14orf43	ENSG00000156030
14	73293046	73293332	73293194	16	18	13	1.41048425	0.160361	C14orf43	ENSG00000156030
14	73296462	73296692	73296577	13	14	5	2.598260461	0.0167748	C14orf43	ENSG00000156030
14	73300042	73300271	73300156	8	10	6	1.63319229	0.146906	C14orf43	ENSG00000156030
14	73313858	73314404	73314141	26	41	8	4.850086193	2.97E-07	C14orf43	ENSG00000156030
14	73321951	73322188	73322102	8	10	1	5.716173013	0.00260397	C14orf43	ENSG00000156030
14	73362106	73362312	73362200	9	12	7	1.688869299	0.11395	PTGR2	ENSG00000140043
14	73387912	73388254	73388079	15	19	4	4.157216737	0.000560204	PTGR2	ENSG00000140043
14	73486320	73486679	73486416	8	14	6	2.227080395	0.0322529	COQ6	ENSG00000119723
14	73608150	73608388	73608269	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000198671
14	73620547	73620765	73620662	8	8	5	1.558956276	0.191397	ALDH6A1	ENSG00000119711
14	73621182	73621409	73621294	9	9	9	1.039304184	0.466079	LIN52	ENSG00000205659
14	73744542	73744749	73744682	8	9	4	2.078608368	0.0785659	VSX2	ENSG00000119614

14	73754113	73754481	73754271	8	13	6	2.078608368	0.0483393	VSX2	ENSG00000119614
14	73788041	73788269	73788144	12	12	7	1.688869299	0.11395	VSX2	ENSG00000119614
14	73839361	73839618	73839489	9	12	10	1.228268581	0.305344	ABCD4	ENSG00000119688
14	73950678	73950884	73950744	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TMEM90A	ENSG00000183379
14	74167713	74168064	74167888	9	11	5	2.078608368	0.0614303	LTBP2	ENSG00000119681
14	74193132	74193330	74193231	9	9	0	10.39304184	0.000803859	LTBP2	ENSG00000119681
14	74199354	74199533	74199460	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000222604
14	74249525	74249862	74249693	10	15	12	1.279143611	0.251893	FCF1	ENSG00000119616
14	74299497	74299739	74299622	10	11	3	3.117912553	0.0146045	YLPM1	ENSG00000119596
14	74330327	74330622	74330464	13	15	2	5.542955649	0.000497081	YLPM1	ENSG00000119596
14	74340775	74340955	74340884	8	9	10	0.944821986	0.553851	YLPM1	ENSG00000119596
14	74418182	74418399	74418268	11	11	3	3.117912553	0.0146045	DLSTP	ENSG00000119689
14	74442196	74442406	74442360	9	10	4	2.286469205	0.0509017	RPS6KL1	ENSG00000198208
14	74481786	74482002	74481869	8	10	5	1.905391004	0.0915982	PGF	ENSG00000119630
14	74483229	74483531	74483380	10	12	5	2.251825733	0.0404733	PGF	ENSG00000119630
14	74489454	74489878	74489648	28	40	2	14.20382385	5.03E-11	PGF	ENSG00000119630
14	74538825	74539134	74538979	9	13	1	7.27512929	0.000378098	EIF2B2	ENSG00000119718
14	74696457	74696674	74696550	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TMED10	ENSG00000170348
14	74713025	74713299	74713162	11	12	9	1.35109544	0.232899	TMED10	ENSG00000170348
14	74736999	74737321	74737160	17	21	16	1.344981885	0.176214		ENSG00000210276
14	74742581	74742793	74742687	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210276
14	74749476	74749726	74749648	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000210276
14	74788734	74788946	74788840	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FOS	ENSG00000170345
14	74791479	74791888	74791658	39	46	16	2.873370392	3.13E-05	FOS	ENSG00000170345
14	74792125	74792310	74792195	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FOS	ENSG00000170345
14	74792611	74792811	74792711	10	10	1	5.716173013	0.00260397	FOS	ENSG00000170345
14	74795023	74795874	74795670	13	43	14	3.048625607	2.75E-05	FOS	ENSG00000170345
14	74796440	74797050	74796648	26	48	10	4.62962773	6.26E-08	FOS	ENSG00000170345
14	74800361	74800824	74800598	19	30	12	2.478340747	0.00182253	FOS	ENSG00000170345
14	74803947	74804134	74804051	8	9	5	1.73217364	0.133894	FOS	ENSG00000170345
14	74809925	74810234	74810079	8	12	4	2.702190879	0.0203088	FOS	ENSG00000170345
14	74832654	74833030	74832833	9	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000119660
14	74839945	74840130	74840037	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000119660
14	74844318	74844526	74844381	12	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000119660

14	74885016	74885264	74885157	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000119660
14	74892299	74892478	74892317	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000119660
14	75054746	75055110	75054931	11	17	8	2.078608368	0.0303558	BATF	ENSG00000156127
14	75057385	75057837	75057666	20	28	11	2.511651779	0.00221344	BATF	ENSG00000156127
14	75058667	75058876	75058822	8	9	7	1.29913023	0.286504	BATF	ENSG00000156127
14	75090862	75091070	75090932	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75097124	75097349	75097236	8	8	4	1.870747532	0.118863	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75108300	75108536	75108418	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75113818	75114171	75113994	11	16	5	2.944695189	0.00659886	FLVCR2	ENSG00000119686
14	75170864	75171221	75170987	9	14	4	3.117912553	0.00766354	C14orf1	ENSG00000133935
14	75196896	75197335	75197156	13	23	3	6.235825105	1.63E-05	TLL5	ENSG00000119685
14	75252706	75252962	75252834	8	8	4	1.870747532	0.118863	TLL5	ENSG00000119685
14	75331183	75331373	75331278	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TLL5	ENSG00000119685
14	75514693	75514903	75514791	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TGFB3	ENSG00000119699
14	75608605	75608795	75608700	8	10	2	3.810782009	0.00936112	C14orf118	ENSG00000089916
14	75705583	75705786	75705659	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C14orf118	ENSG00000089916
14	75912158	75912337	75912286	8	8	5	1.558956276	0.191397	ESRRB	ENSG00000119715
14	75930411	75930590	75930500	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ESRRB	ENSG00000119715
14	76183761	76183985	76183873	12	12	6	1.930136342	0.071303	VASH1	ENSG00000071246
14	76187678	76188026	76187852	13	19	10	1.889643971	0.0394833	VASH1	ENSG00000071246
14	76190015	76190434	76190194	11	20	3	5.456346967	9.70E-05	VASH1	ENSG00000071246
14	76241387	76241632	76241509	9	10	3	2.858086507	0.0242838	VASH1	ENSG00000071246
14	76312686	76312896	76312783	8	10	3	2.858086507	0.0242838	VASH1	ENSG00000071246
14	76320914	76321183	76321056	14	17	5	3.117912553	0.00407023	VASH1	ENSG00000071246
14	76348947	76349183	76349078	8	9	9	1.039304184	0.466079	ANGEL1	ENSG00000013523
14	76402629	76402889	76402759	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000213379
14	76412195	76412403	76412328	11	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000213379
14	76441119	76441349	76441232	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210304
14	76449491	76449744	76449617	11	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000210304
14	76450806	76451238	76450982	14	22	6	3.414856605	0.000820885		ENSG00000210304
14	76492759	76493009	76492908	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000214657
14	76495385	76495702	76495547	25	27	3	7.27512929	1.42E-06		ENSG00000214657
14	76497934	76498245	76498112	10	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000214657
14	76543930	76544288	76544109	18	24	8	2.886956067	0.00160675	C14orf4	ENSG00000119669

14	76545227	76545492	76545359	9	12	1	6.755477198	0.000722752	C14orf4	ENSG00000119669
14	76563986	76564238	76564098	9	12	12	1.039304184	0.461227	C14orf4	ENSG00000119669
14	76564891	76565228	76565053	17	21	12	1.758822466	0.048324	C14orf4	ENSG00000119669
14	76565290	76565651	76565531	12	18	1	9.87338975	1.41E-05	C14orf4	ENSG00000119669
14	76569324	76569646	76569495	22	26	14	1.870747532	0.0223642	C14orf4	ENSG00000119669
14	76570329	76570638	76570489	10	13	11	1.212521548	0.309909	C14orf4	ENSG00000119669
14	76576408	76576927	76576543	14	25	11	2.251825733	0.00731045	C14orf4	ENSG00000119669
14	76582874	76583274	76583036	9	15	8	1.847651883	0.0631662	C14orf4	ENSG00000119669
14	76604143	76604616	76604468	15	23	4	4.988660084	6.05E-05	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76606645	76606851	76606806	9	9	4	2.078608368	0.0785659	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76612565	76612756	76612626	9	9	6	1.484720263	0.204387	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76622513	76622775	76622644	9	9	9	1.039304184	0.466079	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76624311	76624918	76624556	23	40	17	2.367303975	0.000680164	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76625316	76625495	76625370	8	8	6	1.336248237	0.277651	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76633985	76634359	76634161	12	18	10	1.795161773	0.055383	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76634830	76635140	76635001	8	10	4	2.286469205	0.0509017	KIAA1737	ENSG00000198894
14	76669861	76670251	76670017	11	15	3	4.157216737	0.00170423	ZDHHC22	ENSG00000177108
14	76740624	76740999	76740877	9	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000201384
14	76744881	76745079	76745000	11	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000201384
14	76910517	76910772	76910668	11	12	1	6.755477198	0.000722752	TMED8	ENSG00000100580
14	76913736	76913916	76913826	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C14orf174	ENSG00000100583
14	76936366	76936629	76936498	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000200854
14	76993503	76994211	76993909	11	31	7	4.157216737	2.13E-05	AHSA1	ENSG00000100591
14	77174636	77174815	77174742	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SPTLC2	ENSG00000100596
14	77204510	77204729	77204619	9	11	6	1.781664316	0.103344	ALKBH1	ENSG00000100601
14	77243614	77243932	77243773	9	14	4	3.117912553	0.00766354	ALKBH1	ENSG00000100601
14	77297007	77297204	77297105	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SNW1	ENSG00000100603
14	77334204	77334407	77334305	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ADCK1	ENSG00000063761
14	77671524	77671760	77671642	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000199454
14	78010706	78010885	78010793	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000205585
14	78576869	78577199	78577034	20	23	3	6.235825105	1.63E-05	NRXN3	ENSG00000021645
14	78613233	78613467	78613350	8	10	6	1.63319229	0.146906	NRXN3	ENSG00000021645
14	78620886	78621065	78620966	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NRXN3	ENSG00000021645
14	78643352	78643531	78643441	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NRXN3	ENSG00000021645

14	78695806	78696230	78695985	21	31	2	11.0859113	1.93E-08	NRXN3	ENSG00000021645
14	78747151	78747369	78747236	10	10	0	11.43234603	0.000394183	NRXN3	ENSG00000021645
14	78861265	78861476	78861370	10	11	12	0.959357709	0.543005	NRXN3	ENSG00000021645
14	78879173	78879367	78879270	10	10	4	2.286469205	0.0509017	NRXN3	ENSG00000021645
14	78892286	78892623	78892473	11	16	6	2.524024447	0.0137633	NRXN3	ENSG00000021645
14	78949478	78949807	78949642	15	19	11	1.73217364	0.0607469	NRXN3	ENSG00000021645
14	78974238	78974417	78974310	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NRXN3	ENSG00000021645
14	79068030	79068227	79068079	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NRXN3	ENSG00000021645
14	79080149	79080428	79080288	10	14	5	2.598260461	0.0167748	NRXN3	ENSG00000021645
14	79200178	79200405	79200307	9	12	1	6.755477198	0.000722752	NRXN3	ENSG00000021645
14	79365999	79366228	79366147	8	10	11	0.952695502	0.548138	DIO2	ENSG00000211448
14	79534044	79534354	79534214	12	15	8	1.847651883	0.0631662	DIO2	ENSG00000211448
14	79539150	79539584	79539405	11	20	9	2.182538787	0.0165356	DIO2	ENSG00000211448
14	80029488	80029743	80029621	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DIO2	ENSG00000211448
14	80119570	80119779	80119687	10	10	4	2.286469205	0.0509017	C14orf145	ENSG00000100629
14	80478095	80478306	80478253	9	9	10	0.944821986	0.553851	C14orf145	ENSG00000100629
14	80506480	80506679	80506579	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TSHR	ENSG00000165409
14	80706407	80706811	80706586	11	18	10	1.795161773	0.055383		ENSG00000210351
14	80756753	80756932	80756842	8	8	7	1.169217207	0.371848	GTF2A1	ENSG00000165417
14	80835188	80835430	80835309	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000205579
14	80856830	80857051	80856940	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000205579
14	80907941	80908231	80908094	17	18	7	2.468347438	0.0112499	STON2	ENSG00000140022
14	80919229	80919542	80919385	11	15	5	2.771477825	0.0105836	STON2	ENSG00000140022
14	80937033	80937212	80937122	8	8	0	9.353737658	0.00163931	STON2	ENSG00000140022
14	81341980	81342159	81342085	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222877
14	81345880	81346147	81346029	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222877
14	81350632	81350829	81350739	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222877
14	84080327	84080527	84080427	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210433
14	84733928	84734158	84734024	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000222836
14	86750568	86750820	86750673	11	14	2	5.196520921	0.000907371		
14	86769547	86769824	86769685	13	16	0	17.66817113	5.48E-06		
14	87307212	87307711	87307397	81	110	94	1.214344889	0.0816878	GALC	ENSG00000054983
14	87435461	87435691	87435597	8	10	2	3.810782009	0.00936112	GALC	ENSG00000054983
14	87676846	87677146	87676998	8	9	3	2.598260461	0.0397929	KCNK10	ENSG00000100433

14	87921454	87921796	87921625	11	16	6	2.524024447	0.0137633	SPATA7	ENSG00000042317
14	87999311	87999611	87999461	8	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000222990
14	88023981	88024533	88024321	45	58	6	8.759849553	8.79E-13		ENSG00000222990
14	88028350	88028610	88028480	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000222990
14	88096013	88096383	88096230	12	17	7	2.338434415	0.0171287	ZC3H14	ENSG00000100722
14	88203641	88203854	88203768	10	12	3	3.377738599	0.00867157	ZC3H14	ENSG00000100722
14	88360100	88360289	88360194	9	9	4	2.078608368	0.0785659	TTC8	ENSG00000165533
14	88548081	88548275	88548180	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TTC8	ENSG00000165533
14	88597694	88597873	88597783	8	8	5	1.558956276	0.191397	TTC8	ENSG00000165533
14	88750407	88750960	88750567	15	27	6	4.157216737	6.29E-05		ENSG00000214598
14	88952291	88952828	88952497	8	20	6	3.117912553	0.00218114	FOXN3	ENSG00000053254
14	88960942	88961148	88961045	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FOXN3	ENSG00000053254
14	88964818	88965338	88965068	50	69	0	72.7512929	2.17E-22	FOXN3	ENSG00000053254
14	89190375	89190593	89190522	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000201027
14	89443793	89443972	89443882	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210535
14	89490581	89491092	89490836	15	26	3	7.015303244	2.63E-06	C14orf143	ENSG00000140025
14	89640224	89640463	89640361	8	9	5	1.73217364	0.133894	KCNK13	ENSG00000152315
14	89792480	89792776	89792617	19	22	6	3.414856605	0.000820885	PSMC1	ENSG00000100764
14	89794534	89794736	89794635	10	10	1	5.716173013	0.00260397	PSMC1	ENSG00000100764
14	89824633	89824868	89824750	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000205533
14	89867920	89868274	89868097	8	12	2	4.503651465	0.002963	C14orf102	ENSG00000119720
14	89919435	89919676	89919605	10	13	7	1.818782322	0.0805123	CALM1	ENSG00000198668
14	89933285	89933466	89933375	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CALM1	ENSG00000198668
14	89935685	89935978	89935847	13	18	8	2.194086611	0.0206188	CALM1	ENSG00000198668
14	89990240	89990455	89990395	10	12	4	2.702190879	0.0203088	CALM1	ENSG00000198668
14	90044995	90045381	90045202	18	25	8	3.00243431	0.0010168	CALM1	ENSG00000198668
14	90111258	90111437	90111347	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CALM1	ENSG00000198668
14	90136117	90136326	90136221	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213315
14	90252221	90252467	90252352	14	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000213315
14	90252599	90252810	90252682	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213315
14	90333695	90334046	90333854	10	15	1	8.314433474	0.000102308	TTC7B	ENSG00000165914
14	90364084	90364285	90364231	8	10	9	1.143234603	0.378307	TTC7B	ENSG00000165914
14	90419829	90420195	90420000	18	24	2	8.660868202	1.80E-06	TTC7B	ENSG00000165914
14	90652080	90652538	90652215	13	21	5	3.810782009	0.000537724	C14orf159	ENSG00000133943

14	90663498	90664056	90663777	12	23	9	2.494330042	0.00494866		ENSG00000221102
14	90676812	90677095	90676951	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000221102
14	90694103	90694820	90694420	27	46	7	6.105912082	5.22E-09		ENSG00000221102
14	90709293	90709483	90709388	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221102
14	90812407	90812835	90812625	21	31	11	2.771477825	0.000623099	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90813789	90813973	90813898	9	9	3	2.598260461	0.0397929	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90822563	90822810	90822686	13	14	11	1.29913023	0.246308	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90862011	90862252	90862121	10	13	7	1.818782322	0.0805123	CCDC88C	ENSG00000015133
14	90932152	90932699	90932315	22	37	7	4.936694875	8.45E-07	CCDC88C	ENSG00000015133
14	91044852	91045829	91045663	48	81	12	6.555611008	7.12E-15	SMEK1	ENSG00000100796
14	91046475	91046717	91046596	8	11	3	3.117912553	0.0146045	SMEK1	ENSG00000100796
14	91365686	91365881	91365836	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TC2N	ENSG00000165929
14	91372951	91373206	91373048	10	13	4	2.910051716	0.0125532	TC2N	ENSG00000165929
14	91394753	91395105	91394929	10	14	3	3.897390691	0.00295882	TC2N	ENSG00000165929
14	91408776	91408992	91408908	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TC2N	ENSG00000165929
14	91444457	91444662	91444530	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FBLN5	ENSG00000140092
14	91447724	91447953	91447832	9	10	8	1.27026067	0.293854	FBLN5	ENSG00000140092
14	91639461	91639947	91639699	40	53	2	18.70747532	8.04E-15	ATXN3	ENSG00000066427
14	91657762	91658124	91657945	13	19	6	2.969440526	0.0035096	NDUFB1	ENSG00000183648
14	91789380	91789731	91789555	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000201097
14	91799943	91800142	91800042	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000201097
14	91884170	91884520	91884323	14	19	7	2.598260461	0.00730518	SLC24A4	ENSG00000140090
14	92134645	92134944	92134794	32	34	3	9.093911612	1.78E-08	RIN3	ENSG00000100599
14	92149226	92149418	92149326	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RIN3	ENSG00000100599
14	92217206	92217617	92217357	8	16	11	1.472347594	0.147517	LGMN	ENSG00000100600
14	92329010	92329194	92329102	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GOLGA5	ENSG00000066455
14	92416939	92417315	92417146	8	14	7	1.948695345	0.0559175	CHGA	ENSG00000100604
14	92451892	92452211	92452062	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	CHGA	ENSG00000100604
14	92453061	92453325	92453208	10	10	7	1.429043253	0.21536	CHGA	ENSG00000100604
14	92462043	92462300	92462171	8	8	5	1.558956276	0.191397	CHGA	ENSG00000100604
14	92509703	92509914	92509752	9	11	6	1.781664316	0.103344	CHGA	ENSG00000100604
14	92510319	92510588	92510424	10	12	7	1.688869299	0.11395	CHGA	ENSG00000100604
14	92547720	92548158	92547979	21	37	4	7.8987118	1.45E-08	CHGA	ENSG00000100604
14	92552905	92553106	92553013	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CHGA	ENSG00000100604

14	92553347	92553738	92553572	14	19	6	2.969440526	0.0035096	CHGA	ENSG00000100604
14	92554481	92554709	92554619	9	12	4	2.702190879	0.0203088	CHGA	ENSG00000100604
14	92569193	92569488	92569340	9	15	2	5.542955649	0.000497081	ITPK1	ENSG00000100605
14	92569518	92569734	92569626	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ITPK1	ENSG00000100605
14	92579613	92579862	92579747	8	10	9	1.143234603	0.378307	ITPK1	ENSG00000100605
14	92585492	92585699	92585614	10	11	3	3.117912553	0.0146045	ITPK1	ENSG00000100605
14	92635449	92635644	92635567	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ITPK1	ENSG00000100605
14	92648854	92649256	92649005	16	21	13	1.63319229	0.0708832	ITPK1	ENSG00000100605
14	92649490	92649744	92649609	11	13	11	1.212521548	0.309909	ITPK1	ENSG00000100605
14	92668633	92668863	92668748	11	14	4	3.117912553	0.00766354	ITPK1	ENSG00000100605
14	92671509	92671908	92671729	8	16	11	1.472347594	0.147517	ITPK1	ENSG00000100605
14	92671931	92672386	92672110	10	18	8	2.194086611	0.0206188	ITPK1	ENSG00000100605
14	92675233	92675646	92675474	12	19	10	1.889643971	0.0394833	ITPK1	ENSG00000100605
14	92692889	92693082	92692985	8	8	5	1.558956276	0.191397	MOAP1	ENSG00000165943
14	92710892	92711100	92710996	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MOAP1	ENSG00000165943
14	92755253	92755537	92755398	9	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000213263
14	92771906	92772103	92772019	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213263
14	92798629	92798869	92798750	9	10	8	1.27026067	0.293854	BTBD7	ENSG00000011114
14	92869327	92869756	92869593	8	13	7	1.818782322	0.0805123	KIAA1409	ENSG00000133958
14	93535660	93535879	93535701	9	11	7	1.558956276	0.158273	C14orf48	ENSG00000175699
14	93537875	93538169	93538022	8	9	4	2.078608368	0.0785659	C14orf48	ENSG00000175699
14	93631906	93632104	93631970	8	9	1	5.196520921	0.00490062	IFI27L1	ENSG00000165948
14	93672797	93673076	93672936	10	13	7	1.818782322	0.0805123	IFI27L2	ENSG00000119632
14	93709781	93709960	93709870	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PPP4R4	ENSG00000119698
14	93822636	93822818	93822765	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SERPINA10	ENSG00000140093
14	93856383	93856569	93856476	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SERPINA6	ENSG00000170099
14	93870915	93871295	93871157	11	18	1	9.87338975	1.41E-05	SERPINA6	ENSG00000170099
14	94001801	94002002	94001901	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SERPINA9	ENSG00000170054
14	94161290	94161479	94161384	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SERPINA3	ENSG00000196136
14	94217542	94217762	94217652	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SERPINA13	ENSG00000187483
14	94592433	94592781	94592607	10	15	4	3.32577339	0.00462646	DICER1	ENSG00000100697
14	94595044	94595223	94595105	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DICER1	ENSG00000100697
14	94694199	94694410	94694301	10	13	6	2.078608368	0.0483393	DICER1	ENSG00000100697
14	94732413	94732644	94732479	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000198411

14	94733765	94733984	94733925	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000198411
14	94748666	94748903	94748784	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000198411
14	94777325	94777993	94777845	8	23	11	2.078608368	0.0154752		ENSG00000198411
14	94801617	94801945	94801788	18	22	6	3.414856605	0.000820885	CLMN	ENSG00000165959
14	94808991	94809362	94809130	9	15	6	2.375552421	0.0212094	CLMN	ENSG00000165959
14	94843548	94843766	94843625	9	12	5	2.251825733	0.0404733	CLMN	ENSG00000165959
14	94876314	94876542	94876482	8	9	8	1.154782427	0.375434	CLMN	ENSG00000165959
14	94968389	94968694	94968537	10	11	2	4.157216737	0.0052913	C14orf49	ENSG00000176438
14	95097133	95097389	95097219	9	12	6	1.930136342	0.071303	GLRX5	ENSG00000182512
14	95141291	95141480	95141332	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TCL6	ENSG00000187621
14	95277139	95277560	95277355	16	24	9	2.598260461	0.0032455	TCL1A	ENSG00000100721
14	95310384	95310582	95310483	10	10	5	1.905391004	0.0915982	TCL1A	ENSG00000100721
14	95536028	95536237	95536132	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95560694	95560890	95560867	8	9	2	3.464347281	0.0163838	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95601671	95602389	95602001	27	58	14	4.087929791	2.08E-08	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95619716	95620328	95619895	15	29	8	3.464347281	0.000151572	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95631907	95632385	95632206	23	40	8	4.73460795	5.11E-07	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95653274	95653541	95653385	11	14	8	1.73217364	0.0890835	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95752150	95752430	95752310	10	11	3	3.117912553	0.0146045	BDKRB2	ENSG00000168398
14	95799947	95800201	95800069	8	12	8	1.501217155	0.168286	BDKRB1	ENSG00000100739
14	95898038	95898360	95898208	9	11	8	1.385738912	0.224757	ATG2B	ENSG00000066739
14	96016476	96016775	96016601	23	26	3	7.015303244	2.63E-06	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96038164	96038399	96038281	12	14	7	1.948695345	0.0559175	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96110827	96111265	96111125	21	27	7	3.637564645	0.000166657	PAPOLA	ENSG00000090060
14	96120357	96120568	96120462	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000223299
14	96243175	96243354	96243238	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000223299
14	96332995	96333325	96333160	8	12	7	1.688869299	0.11395	VRK1	ENSG00000100749
14	96416277	96416471	96416374	9	9	3	2.598260461	0.0397929	VRK1	ENSG00000100749
14	96490626	96490805	96490763	9	9	1	5.196520921	0.00490062	VRK1	ENSG00000100749
14	96594431	96594718	96594574	10	10	2	3.810782009	0.00936112	VRK1	ENSG00000100749
14	96632883	96633062	96632982	8	8	2	3.117912553	0.0283184	VRK1	ENSG00000100749
14	96815843	96816070	96815956	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000210655
14	96868178	96868516	96868347	9	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000210655
14	97034787	97034999	97034893	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000210655

14	97036190	97036574	97036373	12	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000210655
14	97117129	97117381	97117271	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000222491
14	97226160	97226440	97226295	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000197176
14	97513540	97513719	97513598	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000205477
14	97514446	97514776	97514616	13	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000205477
14	97613266	97613730	97613498	24	38	5	6.755477198	3.60E-08		ENSG00000222066
14	97769802	97770275	97770038	19	30	0	32.21842971	2.55E-10		ENSG00000222066
14	97811161	97811378	97811244	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000222066
14	97948368	97948594	97948481	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210657
14	98085944	98086290	98086117	9	13	1	7.27512929	0.000378098	C14orf177	ENSG00000176605
14	98150823	98151032	98150881	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C14orf177	ENSG00000176605
14	98326936	98327134	98327011	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C14orf177	ENSG00000176605
14	98344619	98344922	98344770	13	14	3	3.897390691	0.00295882	C14orf177	ENSG00000176605
14	98355550	98355798	98355656	8	10	8	1.27026067	0.293854	C14orf177	ENSG00000176605
14	98439522	98439829	98439658	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000218496
14	98442537	98442716	98442676	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000218496
14	98449833	98450199	98450012	8	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000218496
14	98540334	98540567	98540450	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000220591
14	98768791	98769046	98768928	10	12	3	3.377738599	0.00867157	BCL11B	ENSG00000127152
14	98802658	98802956	98802835	9	13	4	2.910051716	0.0125532	BCL11B	ENSG00000127152
14	98810793	98811045	98810919	12	14	3	3.897390691	0.00295882	BCL11B	ENSG00000127152
14	98929196	98929531	98929377	10	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000216173
14	98951879	98952083	98951981	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000199789
14	98977860	98978043	98977955	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199789
14	99009530	99009725	99009627	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SETD3	ENSG00000183576
14	99077848	99078168	99078008	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000200506
14	99099330	99099586	99099458	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000200506
14	99102214	99102453	99102333	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000200506
14	99110139	99110586	99110318	8	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000200506
14	99115286	99115701	99115381	11	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000200506
14	99131023	99131226	99131128	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000205476
14	99158097	99158388	99158222	16	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000205476
14	99190761	99191055	99190922	20	23	16	1.467252966	0.109416	HHIPL1	ENSG00000182218
14	99478423	99478765	99478594	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000199836

14	99498155	99498708	99498530	11	24	7	3.247825576	0.000729793		ENSG00000213220
14	99518650	99518868	99518759	10	10	7	1.429043253	0.21536	EVL	ENSG00000196405
14	99547943	99548201	99548070	9	9	2	3.464347281	0.0163838	EVL	ENSG00000196405
14	99561194	99561592	99561397	11	20	6	3.117912553	0.00218114	EVL	ENSG00000196405
14	99567705	99567989	99567810	10	15	1	8.314433474	0.000102308	EVL	ENSG00000196405
14	99595567	99595878	99595732	22	26	7	3.507651622	0.000274507	EVL	ENSG00000196405
14	99632650	99633026	99632847	25	32	9	3.429703808	8.38E-05		ENSG00000199082
14	99635434	99635746	99635590	11	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000199082
14	99644360	99644781	99644602	8	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000199082
14	99686073	99686266	99686169	10	10	3	2.858086507	0.0242838	DEGS2	ENSG00000168350
14	99692227	99692529	99692352	11	14	13	1.113540197	0.385405	DEGS2	ENSG00000168350
14	99728979	99729189	99729064	9	10	6	1.63319229	0.146906	DEGS2	ENSG00000168350
14	99782895	99783190	99783042	12	15	9	1.662886695	0.0970566	YY1	ENSG00000100811
14	99807386	99807722	99807554	10	15	5	2.771477825	0.0105836	YY1	ENSG00000100811
14	99830467	99830663	99830568	8	10	2	3.810782009	0.00936112	SLC25A29	ENSG00000197119
14	99841093	99841305	99841199	8	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC25A29	ENSG00000197119
14	99856381	99856912	99856750	21	32	7	4.28712976	1.26E-05		ENSG00000223312
14	99913991	99914254	99914122	8	10	5	1.905391004	0.0915982	WDR25	ENSG00000176473
14	99934227	99934467	99934337	11	11	0	12.47165021	0.000193293	WDR25	ENSG00000176473
14	100022548	100022784	100022647	9	11	1	6.235825105	0.0013754	BEGAIN	ENSG00000183092
14	100084104	100084506	100084342	15	22	6	3.414856605	0.000820885	BEGAIN	ENSG00000183092
14	100191096	100191275	100191201	9	9	1	5.196520921	0.00490062	C14orf70	ENSG00000196273
14	100239976	100240342	100240103	14	18	3	4.936694875	0.000311102	DLK1	ENSG00000185559
14	100248522	100248875	100248698	13	19	0	20.78608368	6.46E-07	DLK1	ENSG00000185559
14	100252066	100252252	100252159	9	10	2	3.810782009	0.00936112	DLK1	ENSG00000185559
14	100353646	100353855	100353766	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000214548
14	100584775	100584969	100584868	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207587
14	100884352	100884531	100884441	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000206761
14	101162810	101162989	101162899	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DIO3	ENSG00000197406
14	101201750	101201999	101201861	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101246152	101246555	101246397	8	13	8	1.616695398	0.123553	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101309058	101309240	101309149	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101345847	101346086	101345977	9	10	2	3.810782009	0.00936112	PPP2R5C	ENSG00000078304
14	101346209	101346739	101346404	16	28	13	2.152844382	0.00695052	PPP2R5C	ENSG00000078304

14	101516105	101516622	101516264	10	19	5	3.464347281	0.00150447	DYNC1H1	ENSG00000197102
14	101562982	101563215	101563151	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000211198
14	101571668	101571992	101571837	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000211198
14	101622932	101623137	101623035	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HSP90AA2	ENSG00000080824
14	101633553	101633872	101633699	19	23	9	2.494330042	0.00494866	HSP90AA2	ENSG00000080824
14	101768046	101768225	101768135	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RAGE	ENSG00000080823
14	101815608	101815984	101815854	10	14	6	2.227080395	0.0322529	RAGE	ENSG00000080823
14	101853087	101853324	101853206	8	11	9	1.247165021	0.300052	ZNF839	ENSG00000022976
14	102017950	102018233	102018091	14	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000212330
14	102060657	102060948	102060802	10	14	11	1.29913023	0.246308	ANKRD9	ENSG00000156381
14	102068513	102068732	102068622	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ANKRD9	ENSG00000156381
14	102240041	102240226	102240133	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000202459
14	102262399	102262746	102262572	17	22	8	2.655999582	0.0039122		ENSG00000202459
14	102399717	102399910	102399791	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000206969
14	102479772	102480028	102479913	8	8	3	2.338434415	0.0641221	AMN	ENSG00000166126
14	102523285	102523728	102523553	38	50	2	17.66817113	6.11E-14		ENSG00000213176
14	102524177	102524424	102524300	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213176
14	102639719	102639939	102639804	9	10	3	2.858086507	0.0242838	C14orf73	ENSG00000205436
14	102722907	102723086	102722996	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TNFAIP2	ENSG00000185215
14	102780085	102780543	102780345	62	75	0	78.987118	3.02E-24		ENSG00000199528
14	102828985	102829256	102829104	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000199528
14	102869792	102870249	102870126	12	21	6	3.266384579	0.0013436	EIF5	ENSG00000100664
14	102893961	102894304	102894116	19	24	1	12.9913023	2.52E-07		ENSG00000213173
14	102927234	102927450	102927314	10	10	4	2.286469205	0.0509017	MARK3	ENSG00000075413
14	103036284	103036627	103036453	8	12	4	2.702190879	0.0203088	CKB	ENSG00000166165
14	103064959	103065201	103065080	8	10	8	1.27026067	0.293854	C14orf172	ENSG00000166166
14	103097905	103098084	103098023	8	9	2	3.464347281	0.0163838	BAG5	ENSG00000166170
14	103163257	103163499	103163378	14	14	5	2.598260461	0.0167748	KLC1	ENSG00000126214
14	103166172	103166351	103166261	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KLC1	ENSG00000126214
14	103166900	103167090	103167010	9	9	0	10.39304184	0.000803859	KLC1	ENSG00000126214
14	103170983	103171215	103171083	9	9	5	1.73217364	0.133894	KLC1	ENSG00000126214
14	103229670	103230001	103229835	9	11	2	4.157216737	0.0052913	XRCC3	ENSG00000126215
14	103296453	103296689	103296571	9	10	7	1.429043253	0.21536	ZFYVE21	ENSG00000100711
14	103380766	103380953	103380859	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PPP1R13B	ENSG00000088808

14	103391609	103391844	103391723	8	10	7	1.429043253	0.21536	PPP1R13B	ENSG00000088808
14	103457331	103457618	103457507	9	13	4	2.910051716	0.0125532	C14orf2	ENSG00000156411
14	103614167	103614449	103614308	11	14	12	1.199197136	0.313881		ENSG00000166183
14	103972338	103972567	103972454	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213159
14	104218966	104219155	104219095	8	9	2	3.464347281	0.0163838	INF2	ENSG00000203485
14	104225322	104225633	104225470	8	12	3	3.377738599	0.00867157	INF2	ENSG00000203485
14	104311810	104312285	104312106	8	16	4	3.533634226	0.00276486	AKT1	ENSG00000142208
14	104342421	104342727	104342564	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000179627
14	104520133	104520393	104520263	16	18	2	6.582259834	7.91E-05	C14orf79	ENSG00000140104
14	104558752	104559021	104558886	10	12	3	3.377738599	0.00867157	CDCA4	ENSG00000170779
14	104702592	104702824	104702743	11	11	6	1.781664316	0.103344	JAG2	ENSG00000184916
14	104731865	104732097	104731976	8	11	2	4.157216737	0.0052913	NUDT14	ENSG00000183828
14	104785612	104785799	104785705	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BTBD6	ENSG00000184887
14	104791109	104791288	104791231	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BTBD6	ENSG00000184887
14	104810309	104810641	104810475	12	16	4	3.533634226	0.00276486	BTBD6	ENSG00000184887
14	104846678	104846961	104846800	10	13	7	1.818782322	0.0805123	PACS2	ENSG00000179364
14	104891718	104891910	104891800	8	9	7	1.29913023	0.286504	PACS2	ENSG00000179364
14	104908219	104908508	104908334	13	15	8	1.847651883	0.0631662	MTA1	ENSG00000182979
14	104960107	104960377	104960242	9	12	11	1.125912866	0.382541	MTA1	ENSG00000182979
14	104986081	104986289	104986221	8	9	8	1.154782427	0.375434	CRIP2	ENSG00000182809
14	105004604	105004892	105004740	12	15	0	16.62886695	1.12E-05	CRIP2	ENSG00000182809
14	105011170	105011601	105011422	9	18	6	2.8209685	0.00559354	CRIP2	ENSG00000182809
14	105017351	105017586	105017468	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CRIP2	ENSG00000182809
14	105027050	105027671	105027357	13	26	7	3.507651622	0.000274507	C14orf80	ENSG00000185347
14	105105544	105105874	105105709	11	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000219311
14	105119999	105120274	105120136	14	15	6	2.375552421	0.0212094	IGHA2	ENSG00000211890
14	105225176	105225395	105225306	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000183545
14	105580855	105581034	105580953	8	8	2	3.117912553	0.0283184	IGHV3-6	ENSG00000218874
14	105738164	105738500	105738325	16	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000211946
14	106078382	106078661	106078537	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000211965
14	106138913	106139540	106139196	27	43	6	6.532769158	7.68E-09	IGHV7-56	ENSG00000218845
14	106323185	106323595	106323364	9	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000211978
15	19180726	19180995	19180862	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000187646
15	19988190	19988418	19988340	11	11	6	1.781664316	0.103344	VSIG6	ENSG00000189039

15	23878430	23878718	23878573	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212604
15	24635127	24635407	24635267	10	10	1	5.716173013	0.00260397	GABRA5	ENSG00000186297
15	25329666	25329943	25329837	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000200326
15	25613407	25613679	25613529	15	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000210015
15	27825872	27826152	27826012	16	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000212769
15	29230206	29230592	29230385	50	57	0	60.27964269	1.12E-18	TRPM1	ENSG00000134160
15	29477497	29477750	29477623	8	10	0	11.43234603	0.000394183	KLF13	ENSG00000169926
15	29478196	29478449	29478307	8	10	0	11.43234603	0.000394183	KLF13	ENSG00000169926
15	31225038	31225479	31225219	56	70	1	36.89529854	3.95E-21		ENSG00000206125
15	32043569	32043825	32043697	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CHRM5	ENSG00000184984
15	32811878	32812402	32812080	32	43	3	11.43234603	5.53E-11	GJD2	ENSG00000159248
15	34085328	34085647	34085487	8	13	1	7.27512929	0.000378098	ATPBD4	ENSG00000134146
15	34960113	34960378	34960245	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212511
15	36494051	36494239	36494145	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FAM98B	ENSG00000171262
15	37353545	37353877	37353711	11	15	0	16.62886695	1.12E-05	C15orf54	ENSG00000175746
15	38081964	38082223	38082093	10	12	2	4.503651465	0.002963	SRP14	ENSG00000140319
15	38184321	38184657	38184487	8	12	5	2.251825733	0.0404733	BMF	ENSG00000104081
15	38500412	38500592	38500502	8	8	3	2.338434415	0.0641221	IVD	ENSG00000128928
15	38758672	38758917	38758740	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RAD51	ENSG00000051180
15	39097945	39098234	39098076	13	17	2	6.235825105	0.000146695	CHAC1	ENSG00000128965
15	39853918	39854202	39854077	10	12	3	3.377738599	0.00867157	MAPKBP1	ENSG00000137802
15	40110765	40111057	40110911	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	PLA2G4E	ENSG00000188089
15	40136552	40136731	40136641	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PLA2G4E	ENSG00000188089
15	40570563	40570794	40570660	9	11	1	6.235825105	0.0013754	SNAP23	ENSG00000092531
15	40750933	40751300	40751082	23	30	0	32.21842971	2.55E-10	STARD9	ENSG00000166917
15	41298801	41299095	41298948	8	11	1	6.235825105	0.0013754	EPB42	ENSG00000166947
15	41856924	41857137	41857002	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ELL3	ENSG00000128886
15	42001402	42001687	42001544	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000218054
15	42506562	42506831	42506692	8	9	13	0.742360132	0.770276	CTDSPL2	ENSG00000137770
15	43162828	43163051	43162939	13	14	1	7.794781382	0.000197021	DUOX2	ENSG00000140279
15	43279823	43280162	43279993	8	12	7	1.688869299	0.11395	SHF	ENSG00000138606
15	43739956	43740196	43740065	10	10	2	3.810782009	0.00936112	SQRDL	ENSG00000137767
15	46947529	46947779	46947635	15	16	0	17.66817113	5.48E-06	SHC4	ENSG00000185634
15	47235043	47235305	47235174	11	13	1	7.27512929	0.000378098	GALK2	ENSG00000156958

15	47345485	47345847	47345663	29	35	0	37.41495063	7.22E-12		ENSG00000210823
15	47533022	47533222	47533123	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47534552	47534780	47534660	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47540176	47540365	47540270	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47547335	47547534	47547434	10	12	5	2.251825733	0.0404733	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47548045	47548376	47548210	9	13	14	0.970017239	0.534076	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47573478	47573812	47573644	10	14	9	1.558956276	0.132279	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47573814	47574026	47573944	8	9	10	0.944821986	0.553851	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47585898	47586152	47586025	12	14	6	2.227080395	0.0322529	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47601366	47601605	47601491	8	10	13	0.816596145	0.696946	FGF7P2	ENSG00000140285
15	47635312	47635504	47635408	11	11	5	2.078608368	0.0614303	C15orf33	ENSG00000166262
15	47686753	47686984	47686878	8	11	5	2.078608368	0.0614303	C15orf33	ENSG00000166262
15	47700109	47700755	47700524	56	79	35	2.309564854	6.58E-06	DTWD1	ENSG00000104047
15	47700767	47701018	47700882	9	12	4	2.702190879	0.0203088	DTWD1	ENSG00000104047
15	47701132	47701391	47701260	9	12	9	1.35109544	0.232899	DTWD1	ENSG00000104047
15	47701453	47701742	47701597	10	12	13	0.965068171	0.538344	DTWD1	ENSG00000104047
15	47702080	47702469	47702179	9	15	17	0.923825942	0.593214	DTWD1	ENSG00000104047
15	47704950	47705708	47705347	292	357	11	31.00590816	3.71E-94	DTWD1	ENSG00000104047
15	47710625	47710892	47710753	11	12	5	2.251825733	0.0404733	DTWD1	ENSG00000104047
15	47717374	47717562	47717419	9	10	3	2.858086507	0.0242838	DTWD1	ENSG00000104047
15	47723467	47723814	47723640	8	11	4	2.494330042	0.0324033	DTWD1	ENSG00000104047
15	47731411	47731667	47731539	8	10	11	0.952695502	0.548138	DTWD1	ENSG00000104047
15	47734592	47734774	47734698	8	8	8	1.039304184	0.46786	DTWD1	ENSG00000104047
15	47742775	47742955	47742845	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DTWD1	ENSG00000104047
15	47747089	47747316	47747239	8	9	6	1.484720263	0.204387	DTWD1	ENSG00000104047
15	47750239	47750427	47750333	8	10	1	5.716173013	0.00260397	DTWD1	ENSG00000104047
15	47754560	47754933	47754727	11	17	15	1.169217207	0.323156	DTWD1	ENSG00000104047
15	47757230	47757444	47757337	9	11	8	1.385738912	0.224757	DTWD1	ENSG00000104047
15	47767369	47767554	47767490	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DTWD1	ENSG00000104047
15	47768880	47769310	47769099	20	30	15	2.013651857	0.00918451	DTWD1	ENSG00000104047
15	47786460	47786816	47786638	10	15	5	2.771477825	0.0105836	DTWD1	ENSG00000104047
15	47792175	47792368	47792271	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000214966
15	47795855	47796195	47796025	8	13	18	0.765803083	0.780427		ENSG00000214966
15	47796269	47796480	47796390	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000214966

15	47804004	47804203	47804148	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000214966
15	47810057	47810273	47810165	9	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000214966
15	47828550	47828744	47828647	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ENSG00000214966
15	47856976	47857284	47857128	9	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000214966
15	47880091	47880366	47880228	8	9	15	0.649565115	0.865365	ENSG00000214966
15	47880665	47881010	47880844	9	14	5	2.598260461	0.0167748	ENSG00000214966
15	47881789	47882068	47881928	13	16	3	4.417042783	0.00097367	ENSG00000214966
15	47887906	47888181	47888043	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000214966
15	47889731	47890001	47889866	11	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000214966
15	47892415	47892676	47892545	8	12	3	3.377738599	0.00867157	ENSG00000214966
15	47894731	47894927	47894829	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000214966
15	47896228	47896587	47896502	10	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000214966
15	47904770	47905019	47904894	9	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000214966
15	47909308	47909747	47909568	10	18	12	1.518983039	0.117837	ENSG00000214966
15	47912126	47912438	47912276	19	22	9	2.390399624	0.00747467	ENSG00000214966
15	47931830	47932054	47931942	10	12	6	1.930136342	0.071303	ATP8B4
15	47938870	47939177	47939023	13	16	10	1.606197376	0.104477	ATP8B4
15	47941537	47941824	47941680	9	12	5	2.251825733	0.0404733	ATP8B4
15	47945740	47946079	47945909	16	22	9	2.390399624	0.00747467	ATP8B4
15	47946964	47947228	47947096	10	13	4	2.910051716	0.0125532	ATP8B4
15	47954651	47954855	47954725	8	8	6	1.336248237	0.277651	ATP8B4
15	47955098	47955419	47955258	10	14	10	1.417232979	0.185113	ATP8B4
15	47956199	47956575	47956430	13	18	23	0.822782479	0.740651	ATP8B4
15	47957881	47958074	47957977	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ATP8B4
15	47974621	47974960	47974790	12	16	9	1.766817113	0.0700694	ATP8B4
15	47981932	47982246	47982089	9	15	9	1.662886695	0.0970566	ATP8B4
15	47982467	47982708	47982577	8	9	13	0.742360132	0.770276	ATP8B4
15	47985937	47986134	47986043	10	10	5	1.905391004	0.0915982	ATP8B4
15	47996821	47997110	47996964	8	10	14	0.762156402	0.758589	ATP8B4
15	48005999	48006224	48006098	9	10	11	0.952695502	0.548138	ATP8B4
15	48006308	48006508	48006408	13	14	6	2.227080395	0.0322529	ATP8B4
15	48007070	48007387	48007225	8	13	11	1.212521548	0.309909	ATP8B4
15	48007572	48007912	48007742	8	13	5	2.425043097	0.0262442	ATP8B4
15	48014717	48014896	48014806	8	8	5	1.558956276	0.191397	ATP8B4

15	48022881	48023281	48023020	9	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000201086
15	48057945	48058233	48058077	8	11	13	0.890832158	0.618492	ENSG00000201086
15	48062811	48063018	48062893	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000201086
15	48063910	48064295	48064116	20	26	17	1.558956276	0.0684939	ENSG00000201086
15	48065751	48065995	48065884	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000201086
15	48066723	48067098	48066899	9	14	9	1.558956276	0.132279	ENSG00000201086
15	48071618	48071878	48071740	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000201086
15	48076299	48076529	48076417	9	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000201086
15	48083015	48083625	48083349	26	50	25	2.038635131	0.00111243	ENSG00000201086
15	48089238	48089437	48089337	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000201086
15	48091248	48091462	48091362	11	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000201086
15	48091754	48091942	48091784	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000201086
15	48093305	48093525	48093374	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000201086
15	48093534	48093739	48093636	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ENSG00000201086
15	48095031	48095243	48095093	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000201086
15	48095830	48096096	48095963	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000201086
15	48098620	48098886	48098744	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000201086
15	48104773	48105088	48104932	8	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000201086
15	48112763	48112949	48112843	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000201086
15	48114050	48114262	48114156	8	8	8	1.039304184	0.46786	ENSG00000201086
15	48119953	48120178	48120065	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000201086
15	48126403	48126735	48126576	9	14	5	2.598260461	0.0167748	ENSG00000201086
15	48127273	48127516	48127386	8	8	8	1.039304184	0.46786	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48131391	48131736	48131568	14	19	13	1.484720263	0.123861	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48135874	48136159	48136016	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48137578	48137912	48137781	9	13	7	1.818782322	0.0805123	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48138061	48138329	48138199	11	12	3	3.377738599	0.00867157	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48139137	48139720	48139556	10	22	10	2.173090567	0.0132845	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48148542	48148938	48148780	8	14	5	2.598260461	0.0167748	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48154269	48154450	48154359	8	8	7	1.169217207	0.371848	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48157550	48157729	48157638	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48163625	48163880	48163752	9	10	13	0.816596145	0.696946	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48178412	48178639	48178531	8	9	8	1.154782427	0.375434	ATP8B4 ENSG00000104043
15	48179949	48180279	48180071	9	13	12	1.11925066	0.384109	ATP8B4 ENSG00000104043

15	48188140	48188503	48188269	9	15	7	2.078608368	0.038229	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48188994	48189215	48189104	12	13	14	0.970017239	0.534076	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48192010	48192251	48192130	9	12	11	1.125912866	0.382541	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48192315	48192509	48192417	10	11	12	0.959357709	0.543005	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48194890	48195126	48194984	9	10	8	1.27026067	0.293854	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48196108	48196332	48196249	8	10	12	0.879411233	0.62639	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48206820	48207194	48207015	10	15	11	1.385738912	0.19225	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48214089	48214482	48214374	8	15	6	2.375552421	0.0212094	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48224941	48225373	48225119	13	22	12	1.838768941	0.0349935	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48226938	48227342	48227117	10	18	10	1.795161773	0.055383	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48228635	48229069	48228908	14	23	13	1.781664316	0.0385539	ATP8B4	ENSG00000104043
15	48246070	48246267	48246203	9	10	7	1.429043253	0.21536	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48259528	48259770	48259649	10	11	6	1.781664316	0.103344	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48260224	48260569	48260396	10	15	10	1.511715177	0.140236	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48261314	48261568	48261469	10	13	11	1.212521548	0.309909	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48261903	48262213	48262058	10	14	5	2.598260461	0.0167748	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48262217	48262431	48262358	9	9	5	1.73217364	0.133894	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48262949	48263208	48263078	9	13	20	0.692869456	0.861903	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48267162	48267506	48267334	10	16	7	2.208521392	0.0257604	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48271073	48271263	48271168	9	10	7	1.429043253	0.21536	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48272354	48273043	48272655	28	58	30	1.978030544	0.000758522	SLC27A2	ENSG00000140284
15	48283333	48283533	48283433	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000200605
15	48285177	48285631	48285356	14	25	14	1.801460586	0.0308364		ENSG00000200605
15	48286116	48286411	48286269	12	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000200605
15	48287672	48287860	48287766	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000200605
15	48298288	48298474	48298381	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000200605
15	48306499	48306812	48306655	12	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000200605
15	48307019	48307246	48307128	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000200605
15	48308201	48308920	48308552	20	41	37	1.148704625	0.267139		ENSG00000200605
15	48310122	48310343	48310232	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000200605
15	48310990	48311280	48311151	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000200605
15	48314282	48314478	48314380	8	8	13	0.668124118	0.835294		ENSG00000210855
15	48314776	48314984	48314880	11	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000210855
15	48321677	48321881	48321828	8	9	12	0.799464757	0.707717		ENSG00000210855

15	48325493	48325732	48325612	9	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000210855
15	48325869	48326092	48325980	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000210855
15	48326375	48326577	48326511	8	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000210855
15	48327255	48327717	48327486	20	30	15	2.013651857	0.00918451		ENSG00000210855
15	48330800	48330984	48330916	9	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000210855
15	48334380	48334631	48334454	9	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000210855
15	48335572	48335963	48335686	14	21	21	1.039304184	0.449418	HDC	ENSG00000140287
15	48337468	48337769	48337607	10	12	16	0.794762023	0.738004	HDC	ENSG00000140287
15	48342031	48342292	48342136	9	10	3	2.858086507	0.0242838	HDC	ENSG00000140287
15	48347972	48348151	48348061	9	9	1	5.196520921	0.00490062	HDC	ENSG00000140287
15	48350832	48351017	48350924	8	8	11	0.779478138	0.719708	HDC	ENSG00000140287
15	48372653	48372834	48372753	8	8	6	1.336248237	0.277651	HDC	ENSG00000140287
15	48384892	48385082	48384918	8	9	5	1.73217364	0.133894	HDC	ENSG00000140287
15	48393937	48394126	48394001	8	9	12	0.799464757	0.707717		ENSG00000207498
15	48395612	48395890	48395721	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000207498
15	48400167	48400400	48400247	9	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000207498
15	48404635	48404859	48404749	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000207498
15	48424544	48424812	48424675	11	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000207498
15	48433461	48433717	48433561	9	10	15	0.714521627	0.810948	GABPB1	ENSG00000104064
15	48434308	48435398	48435067	17	62	30	2.11213431	0.0002047	GABPB1	ENSG00000104064
15	48438277	48438723	48438456	17	26	13	2.004372355	0.0142124	GABPB1	ENSG00000104064
15	48448778	48449009	48448893	8	11	11	1.039304184	0.462773	GABPB1	ENSG00000104064
15	48470176	48470815	48470518	10	26	17	1.558956276	0.0684939	USP8	ENSG00000138592
15	48470817	48470996	48470906	8	8	3	2.338434415	0.0641221	USP8	ENSG00000138592
15	48484449	48484776	48484614	9	14	3	3.897390691	0.00295882	USP8	ENSG00000138592
15	48488847	48489072	48488959	8	10	3	2.858086507	0.0242838	USP8	ENSG00000138592
15	48503406	48504159	48503585	18	46	28	1.68438954	0.0121295	USP8	ENSG00000138592
15	48549661	48549883	48549778	9	9	15	0.649565115	0.865365	USP8	ENSG00000138592
15	48560155	48560464	48560346	11	15	3	4.157216737	0.00170423	USP8	ENSG00000138592
15	48563848	48564086	48564018	8	11	7	1.558956276	0.158273	USP8	ENSG00000138592
15	48582885	48583152	48583020	11	15	7	2.078608368	0.038229	USP8	ENSG00000138592
15	48620396	48620725	48620569	8	11	3	3.117912553	0.0146045	USP50	ENSG00000170236
15	48621313	48621539	48621426	8	8	4	1.870747532	0.118863	USP50	ENSG00000170236
15	48642186	48642492	48642339	8	13	5	2.425043097	0.0262442	USP50	ENSG00000170236

15	48646289	48646474	48646454	8	8	6	1.336248237	0.277651	USP50	ENSG00000170236
15	48658519	48658757	48658645	10	11	3	3.117912553	0.0146045	USP50	ENSG00000170236
15	48666636	48666964	48666800	8	9	5	1.73217364	0.133894	USP50	ENSG00000170236
15	48677486	48677703	48677609	14	14	3	3.897390691	0.00295882	USP50	ENSG00000170236
15	48754964	48755300	48755132	9	14	11	1.29913023	0.246308	TRPM7	ENSG00000092439
15	48765065	48765336	48765200	12	12	6	1.930136342	0.071303	TRPM7	ENSG00000092439
15	48765917	48766253	48766095	18	22	14	1.593599749	0.0756559	TRPM7	ENSG00000092439
15	48766390	48766821	48766549	12	21	15	1.429043253	0.134782	TRPM7	ENSG00000092439
15	48766831	48767088	48766937	13	14	10	1.417232979	0.185113	TRPM7	ENSG00000092439
15	48795940	48796178	48796059	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222751
15	48797196	48797424	48797335	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222751
15	48832238	48832497	48832367	12	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000138600
15	48832664	48832957	48832816	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000138600
15	48844305	48845034	48844673	21	46	21	2.220331666	0.000637679		ENSG00000138600
15	48845116	48845723	48845444	12	25	9	2.702190879	0.00210968		ENSG00000138600
15	48857591	48857963	48857806	19	26	13	2.004372355	0.0142124		ENSG00000138600
15	48861607	48861892	48861749	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000138600
15	48870431	48870642	48870536	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000138600
15	48877328	48878335	48877594	192	254	24	10.60090268	3.60E-52		ENSG00000138600
15	48879143	48879345	48879249	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000138600
15	48889421	48889612	48889518	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000138600
15	48895456	48896229	48895859	34	66	38	1.785471291	0.00162115		ENSG00000138600
15	48897099	48897280	48897161	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000138600
15	48897489	48897709	48897599	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000138600
15	48900378	48900561	48900469	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000138600
15	48905818	48906066	48905942	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000138600
15	48934015	48934862	48934314	27	55	28	2.006932218	0.000830536	AP4E1	ENSG00000081014
15	48936075	48936759	48936590	11	27	13	2.078608368	0.00998554	AP4E1	ENSG00000081014
15	48937002	48937712	48937214	13	32	4	6.859407616	3.06E-07	AP4E1	ENSG00000081014
15	48942615	48942902	48942770	11	15	8	1.847651883	0.0631662	AP4E1	ENSG00000081014
15	48949598	48949838	48949718	8	9	6	1.484720263	0.204387	AP4E1	ENSG00000081014
15	48956416	48956881	48956643	16	26	31	0.876912905	0.694502	AP4E1	ENSG00000081014
15	48965378	48965746	48965549	22	27	9	2.910051716	0.000869703	AP4E1	ENSG00000081014
15	48970323	48970565	48970482	10	11	4	2.494330042	0.0324033	AP4E1	ENSG00000081014

15	48977647	48977864	48977755	9	9	0	10.39304184	0.000803859	AP4E1	ENSG00000081014
15	48981368	48981654	48981511	12	13	2	4.850086193	0.00164564	AP4E1	ENSG00000081014
15	48982049	48982228	48982138	8	8	4	1.870747532	0.118863	AP4E1	ENSG00000081014
15	48987215	48987546	48987380	18	23	12	1.918715417	0.0250463	AP4E1	ENSG00000081014
15	48987849	48988234	48988063	31	40	18	2.242709029	0.00117575	AP4E1	ENSG00000081014
15	49030076	49030341	49030214	9	10	2	3.810782009	0.00936112	AP4E1	ENSG00000081014
15	49035013	49035426	49035247	8	15	10	1.511715177	0.140236	AP4E1	ENSG00000081014
15	49036637	49036823	49036734	9	9	1	5.196520921	0.00490062	AP4E1	ENSG00000081014
15	49059785	49060091	49059938	9	12	1	6.755477198	0.000722752	AP4E1	ENSG00000081014
15	49073155	49073335	49073173	8	9	5	1.73217364	0.133894	AP4E1	ENSG00000081014
15	49117082	49117371	49117226	19	19	0	20.78608368	6.46E-07	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49123431	49123661	49123589	11	11	10	1.133786383	0.380636	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49125505	49125727	49125616	10	11	4	2.494330042	0.0324033	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49128822	49129027	49128856	8	8	7	1.169217207	0.371848	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49131817	49132060	49131952	9	11	7	1.558956276	0.158273	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49135046	49135229	49135128	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49153113	49153309	49153156	9	9	4	2.078608368	0.0785659	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49158800	49159005	49158912	12	13	5	2.425043097	0.0262442	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49159795	49160248	49160004	17	27	7	3.637564645	0.000166657	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49170769	49170948	49170841	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49172161	49172445	49172294	8	11	2	4.157216737	0.0052913	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49174903	49175121	49175028	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49197088	49197269	49197219	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49205425	49205719	49205557	8	11	5	2.078608368	0.0614303	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49212444	49212748	49212596	16	18	4	3.9493559	0.000961379	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49224398	49224671	49224534	10	11	8	1.385738912	0.224757	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49240587	49240769	49240687	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49242396	49242733	49242558	12	17	12	1.439036563	0.154203	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49246068	49246333	49246200	10	13	9	1.455025858	0.177172	TNFAIP8L3	ENSG00000183578
15	49263223	49263506	49263377	9	10	7	1.429043253	0.21536	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49269006	49269278	49269102	13	16	6	2.524024447	0.0137633	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49270498	49270714	49270623	9	10	4	2.286469205	0.0509017	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49272105	49272507	49272337	15	22	22	1.039304184	0.448275	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49279349	49279567	49279469	9	9	6	1.484720263	0.204387	CYP19A1	ENSG00000137869

15	49281361	49281573	49281467	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49286248	49286484	49286366	8	10	7	1.429043253	0.21536	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49299141	49299486	49299313	11	16	5	2.944695189	0.00659886	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49307327	49307598	49307474	9	10	5	1.905391004	0.0915982	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49309328	49309628	49309478	10	12	9	1.35109544	0.232899	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49319725	49320117	49319952	9	15	3	4.157216737	0.00170423	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49323259	49323552	49323387	8	11	9	1.247165021	0.300052	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49358116	49358296	49358195	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49360941	49361220	49361080	12	14	9	1.558956276	0.132279	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49365748	49366196	49365972	10	19	16	1.222710805	0.269115	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49381584	49381784	49381684	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49387763	49387986	49387874	9	12	6	1.930136342	0.071303	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49389888	49390098	49389993	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49399363	49399543	49399453	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49400873	49401119	49400996	14	14	7	1.948695345	0.0559175	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49418971	49419172	49419130	9	11	7	1.558956276	0.158273	CYP19A1	ENSG00000137869
15	49419746	49420031	49419888	9	12	8	1.501217155	0.168286	GLDN	ENSG00000186417
15	49421833	49422048	49421942	8	9	2	3.464347281	0.0163838	GLDN	ENSG00000186417
15	49428722	49428936	49428803	9	11	10	1.133786383	0.380636	GLDN	ENSG00000186417
15	49433502	49433681	49433546	8	8	4	1.870747532	0.118863	GLDN	ENSG00000186417
15	49445045	49445247	49445104	11	12	11	1.125912866	0.382541	GLDN	ENSG00000186417
15	49452903	49453234	49453062	8	12	7	1.688869299	0.11395	GLDN	ENSG00000186417
15	49455105	49455290	49455197	10	10	7	1.429043253	0.21536	GLDN	ENSG00000186417
15	49458473	49458708	49458590	8	10	1	5.716173013	0.00260397	GLDN	ENSG00000186417
15	49460668	49461045	49460847	18	26	20	1.336248237	0.156853	GLDN	ENSG00000186417
15	49461554	49461771	49461687	11	11	7	1.558956276	0.158273	GLDN	ENSG00000186417
15	49462356	49462695	49462568	8	12	10	1.228268581	0.305344	GLDN	ENSG00000186417
15	49463838	49464087	49463938	8	10	3	2.858086507	0.0242838	GLDN	ENSG00000186417
15	49481700	49481958	49481801	9	10	7	1.429043253	0.21536	GLDN	ENSG00000186417
15	49482832	49483025	49482928	9	10	6	1.63319229	0.146906	GLDN	ENSG00000186417
15	49485688	49485963	49485805	8	11	7	1.558956276	0.158273	GLDN	ENSG00000186417
15	49486482	49486689	49486585	8	9	3	2.598260461	0.0397929	GLDN	ENSG00000186417
15	49486885	49487071	49487028	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GLDN	ENSG00000186417
15	49491888	49492104	49492030	8	10	6	1.63319229	0.146906	GLDN	ENSG00000186417

15	49505205	49505666	49505361	11	20	8	2.425043097	0.00917565	GLDN	ENSG00000186417
15	49539839	49540018	49539918	9	9	8	1.154782427	0.375434	GLDN	ENSG00000186417
15	49552199	49552453	49552298	8	11	6	1.781664316	0.103344	GLDN	ENSG00000186417
15	49560528	49560881	49560704	9	14	12	1.199197136	0.313881	GLDN	ENSG00000186417
15	49564023	49564260	49564116	9	10	2	3.810782009	0.00936112	GLDN	ENSG00000186417
15	49568302	49568527	49568414	8	8	5	1.558956276	0.191397	GLDN	ENSG00000186417
15	49578991	49579407	49579142	13	19	16	1.222710805	0.269115	GLDN	ENSG00000186417
15	49579434	49579641	49579528	8	11	4	2.494330042	0.0324033	DMXL2	ENSG00000104093
15	49616442	49616645	49616543	8	9	6	1.484720263	0.204387	DMXL2	ENSG00000104093
15	49637385	49637635	49637508	9	10	9	1.143234603	0.378307	DMXL2	ENSG00000104093
15	49639130	49639321	49639230	9	10	5	1.905391004	0.0915982	DMXL2	ENSG00000104093
15	49656098	49656333	49656237	8	10	7	1.429043253	0.21536	DMXL2	ENSG00000104093
15	49656500	49656876	49656679	11	18	11	1.645564958	0.0828462	DMXL2	ENSG00000104093
15	49701376	49702281	49701660	13	40	21	1.936885071	0.00493425	DMXL2	ENSG00000104093
15	49707764	49708020	49707892	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DMXL2	ENSG00000104093
15	49717680	49717907	49717766	8	10	0	11.43234603	0.000394183	DMXL2	ENSG00000104093
15	49722345	49722553	49722399	8	9	6	1.484720263	0.204387	DMXL2	ENSG00000104093
15	49724103	49724418	49724260	11	15	4	3.32577339	0.00462646	DMXL2	ENSG00000104093
15	49725628	49725825	49725712	9	11	5	2.078608368	0.0614303	DMXL2	ENSG00000104093
15	49729351	49729663	49729516	9	14	11	1.29913023	0.246308	DMXL2	ENSG00000104093
15	49743005	49743191	49743098	8	8	5	1.558956276	0.191397	SCG3	ENSG00000104112
15	49752630	49752853	49752751	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SCG3	ENSG00000104112
15	49757296	49757501	49757398	8	9	7	1.29913023	0.286504	SCG3	ENSG00000104112
15	49765790	49766064	49765927	8	10	2	3.810782009	0.00936112	SCG3	ENSG00000104112
15	49785607	49785811	49785709	11	11	3	3.117912553	0.0146045	SCG3	ENSG00000104112
15	49787497	49787930	49787676	9	16	12	1.359090087	0.198699	SCG3	ENSG00000104112
15	49798598	49798914	49798712	8	12	7	1.688869299	0.11395	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49799669	49800058	49799929	9	13	11	1.212521548	0.309909	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49805728	49806290	49806039	21	37	21	1.795161773	0.0125164	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49808560	49808831	49808731	8	10	13	0.816596145	0.696946	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49809969	49810295	49810137	12	15	7	2.078608368	0.038229	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49810392	49810653	49810490	11	12	6	1.930136342	0.071303	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49810736	49810974	49810869	9	11	2	4.157216737	0.0052913	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49816232	49816524	49816376	12	17	12	1.439036563	0.154203	LYSMD2	ENSG00000140280

15	49818084	49818278	49818128	8	9	7	1.29913023	0.286504	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49818579	49818792	49818685	14	14	10	1.417232979	0.185113	LYSMD2	ENSG00000140280
15	49830749	49830952	49830850	13	13	12	1.11925066	0.384109	TMOD2	ENSG00000128872
15	49831477	49831732	49831604	10	10	13	0.816596145	0.696946	TMOD2	ENSG00000128872
15	49831961	49832239	49832099	11	11	12	0.959357709	0.543005	TMOD2	ENSG00000128872
15	49840689	49840946	49840817	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TMOD2	ENSG00000128872
15	49855333	49856065	49855782	16	33	25	1.359090087	0.117005	TMOD2	ENSG00000128872
15	49856382	49856843	49856644	12	23	9	2.494330042	0.00494866	TMOD2	ENSG00000128872
15	49860573	49860874	49860723	13	17	3	4.676868829	0.000552213	TMOD2	ENSG00000128872
15	49863625	49863861	49863746	13	15	5	2.771477825	0.0105836	TMOD2	ENSG00000128872
15	49881044	49881249	49881116	11	11	10	1.133786383	0.380636	TMOD3	ENSG00000138594
15	49887763	49887950	49887867	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TMOD3	ENSG00000138594
15	49904884	49905075	49905002	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TMOD3	ENSG00000138594
15	49908662	49909275	49908825	12	30	19	1.610921486	0.0449624	TMOD3	ENSG00000138594
15	49909860	49910460	49909998	10	21	19	1.143234603	0.33145	TMOD3	ENSG00000138594
15	49933629	49933813	49933721	8	8	4	1.870747532	0.118863	TMOD3	ENSG00000138594
15	49943837	49944465	49944173	46	71	14	4.988660084	2.30E-11		ENSG00000207484
15	49952962	49953296	49953132	8	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000207484
15	49963677	49963856	49963766	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000207484
15	49967459	49967646	49967553	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000207484
15	49983234	49983422	49983413	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000202323
15	49997003	49997476	49997239	11	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000202323
15	50003976	50004279	50004127	12	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000202323
15	50005005	50005283	50005167	12	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000202323
15	50013708	50013905	50013806	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000202323
15	50028267	50028457	50028327	11	11	7	1.558956276	0.158273	LEO1	ENSG00000166477
15	50030582	50030777	50030679	9	10	7	1.429043253	0.21536	LEO1	ENSG00000166477
15	50045234	50045478	50045372	9	11	12	0.959357709	0.543005	LEO1	ENSG00000166477
15	50050658	50051532	50051231	20	54	29	1.905391004	0.0017409	LEO1	ENSG00000166477
15	50061606	50061990	50061767	10	16	12	1.359090087	0.198699	LEO1	ENSG00000166477
15	50069385	50069579	50069445	8	8	4	1.870747532	0.118863	LEO1	ENSG00000166477
15	50074074	50074336	50074205	10	11	6	1.781664316	0.103344	LEO1	ENSG00000166477
15	50084360	50084652	50084509	15	17	10	1.700679574	0.0766266	MAPK6	ENSG00000069956
15	50085942	50086169	50086100	10	11	4	2.494330042	0.0324033	MAPK6	ENSG00000069956

15	50088661	50088997	50088829	11	15	12	1.279143611	0.251893	MAPK6	ENSG00000069956
15	50098086	50098630	50098455	11	21	17	1.27026067	0.223413	MAPK6	ENSG00000069956
15	50099755	50099985	50099843	10	12	11	1.125912866	0.382541	MAPK6	ENSG00000069956
15	50100199	50100411	50100273	8	10	9	1.143234603	0.378307	MAPK6	ENSG00000069956
15	50100587	50100846	50100716	10	14	5	2.598260461	0.0167748	MAPK6	ENSG00000069956
15	50100903	50101220	50101079	10	14	6	2.227080395	0.0322529	MAPK6	ENSG00000069956
15	50117838	50118055	50117972	11	11	11	1.039304184	0.462773	MAPK6	ENSG00000069956
15	50133907	50134086	50134024	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MAPK6	ENSG00000069956
15	50136896	50137077	50136986	9	9	4	2.078608368	0.0785659	MAPK6	ENSG00000069956
15	50138615	50138853	50138723	8	8	10	0.850339787	0.645072	MAPK6	ENSG00000069956
15	50140843	50141030	50140903	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MAPK6	ENSG00000069956
15	50146991	50147341	50147166	10	15	4	3.32577339	0.00462646	MAPK6	ENSG00000069956
15	50147523	50147828	50147673	9	14	8	1.73217364	0.0890835	MAPK6	ENSG00000069956
15	50151099	50151278	50151188	8	9	6	1.484720263	0.204387	MAPK6	ENSG00000069956
15	50158426	50158719	50158567	16	18	15	1.234173719	0.265435	MAPK6	ENSG00000069956
15	50159071	50159324	50159197	11	12	7	1.688869299	0.11395	MAPK6	ENSG00000069956
15	50159557	50159840	50159728	8	10	6	1.63319229	0.146906	MAPK6	ENSG00000069956
15	50164789	50164998	50164855	8	9	8	1.154782427	0.375434	MAPK6	ENSG00000069956
15	50182728	50182907	50182817	8	8	4	1.870747532	0.118863	BCL2L10	ENSG00000137875
15	50185108	50185459	50185286	8	13	13	1.039304184	0.45974	BCL2L10	ENSG00000137875
15	50202394	50202612	50202491	8	10	7	1.429043253	0.21536	BCL2L10	ENSG00000137875
15	50217004	50217271	50217135	8	10	7	1.429043253	0.21536	BCL2L10	ENSG00000137875
15	50219382	50219678	50219530	22	25	10	2.456537163	0.00405907		ENSG00000206995
15	50222060	50222301	50222202	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000206995
15	50232604	50232783	50232693	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000206995
15	50233878	50234064	50233971	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000206995
15	50250884	50251169	50251019	10	13	10	1.32275078	0.240023	GNB5	ENSG00000069966
15	50254124	50254381	50254267	9	9	4	2.078608368	0.0785659	GNB5	ENSG00000069966
15	50256045	50256304	50256156	8	11	8	1.385738912	0.224757	GNB5	ENSG00000069966
15	50257379	50257845	50257558	14	23	14	1.662886695	0.0567474	GNB5	ENSG00000069966
15	50259968	50260314	50260141	9	13	12	1.11925066	0.384109	GNB5	ENSG00000069966
15	50263141	50263618	50263306	12	21	21	1.039304184	0.449418	GNB5	ENSG00000069966
15	50264775	50265092	50264933	10	12	7	1.688869299	0.11395	GNB5	ENSG00000069966
15	50287833	50288057	50287945	9	10	11	0.952695502	0.548138	GNB5	ENSG00000069966

15	50292801	50293008	50292875	10	11	3	3.117912553	0.0146045	GNB5	ENSG00000069966
15	50293390	50293627	50293465	9	11	7	1.558956276	0.158273	GNB5	ENSG00000069966
15	50296064	50296263	50296161	8	8	4	1.870747532	0.118863	GNB5	ENSG00000069966
15	50296646	50296988	50296820	8	13	12	1.11925066	0.384109	GNB5	ENSG00000069966
15	50303166	50303381	50303277	9	10	3	2.858086507	0.0242838	GNB5	ENSG00000069966
15	50304970	50305232	50305132	9	11	5	2.078608368	0.0614303	GNB5	ENSG00000069966
15	50308468	50308688	50308613	11	12	7	1.688869299	0.11395	GNB5	ENSG00000069966
15	50315491	50315670	50315596	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000221052
15	50333921	50334147	50334030	8	9	15	0.649565115	0.865365		ENSG00000221052
15	50335895	50336176	50336035	10	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000221052
15	50345600	50345808	50345712	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000221052
15	50355704	50355885	50355839	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000221052
15	50366600	50366869	50366734	12	12	5	2.251825733	0.0404733	MYO5C	ENSG00000128833
15	50367442	50367621	50367548	9	9	5	1.73217364	0.133894	MYO5C	ENSG00000128833
15	50367680	50368175	50367978	16	30	17	1.789912762	0.021784	MYO5C	ENSG00000128833
15	50371861	50372068	50372017	8	8	5	1.558956276	0.191397	MYO5C	ENSG00000128833
15	50375942	50376195	50376058	8	11	6	1.781664316	0.103344	MYO5C	ENSG00000128833
15	50380820	50381004	50380961	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MYO5C	ENSG00000128833
15	50382236	50382481	50382358	11	11	4	2.494330042	0.0324033	MYO5C	ENSG00000128833
15	50392907	50393098	50392945	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MYO5C	ENSG00000128833
15	50393722	50394047	50393899	9	13	6	2.078608368	0.0483393	MYO5C	ENSG00000128833
15	50410910	50411415	50411070	17	31	12	2.558287223	0.00121125	MYO5A	ENSG00000197535
15	50415971	50416260	50416094	11	12	6	1.930136342	0.071303	MYO5A	ENSG00000197535
15	50416999	50417274	50417135	10	12	2	4.503651465	0.002963	MYO5A	ENSG00000197535
15	50419779	50420484	50420305	38	60	10	5.763414113	8.52E-11	MYO5A	ENSG00000197535
15	50429885	50430139	50430002	10	14	1	7.794781382	0.000197021	MYO5A	ENSG00000197535
15	50439403	50439993	50439689	8	21	16	1.344981885	0.176214	MYO5A	ENSG00000197535
15	50441195	50441487	50441341	9	12	11	1.125912866	0.382541	MYO5A	ENSG00000197535
15	50441545	50441733	50441633	8	8	9	0.935373766	0.560286	MYO5A	ENSG00000197535
15	50447045	50447235	50447170	8	8	5	1.558956276	0.191397	MYO5A	ENSG00000197535
15	50447756	50448127	50447948	8	15	10	1.511715177	0.140236	MYO5A	ENSG00000197535
15	50458907	50459107	50458963	8	9	6	1.484720263	0.204387	MYO5A	ENSG00000197535
15	50471766	50471975	50471836	8	10	10	1.039304184	0.464387	MYO5A	ENSG00000197535
15	50492869	50493222	50493045	9	15	3	4.157216737	0.00170423	MYO5A	ENSG00000197535

15	50509670	50509929	50509801	9	10	2	3.810782009	0.00936112	MYO5A	ENSG00000197535
15	50560248	50560635	50560456	9	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000174057
15	50561837	50562022	50561888	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000174057
15	50578953	50579136	50579064	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000174057
15	50590443	50590648	50590543	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000174057
15	50599795	50599995	50599880	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MYO5A	ENSG00000197535
15	50605209	50605430	50605326	9	10	4	2.286469205	0.0509017	MYO5A	ENSG00000197535
15	50607125	50607324	50607222	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MYO5A	ENSG00000197535
15	50607476	50607812	50607633	10	13	7	1.818782322	0.0805123	MYO5A	ENSG00000197535
15	50609223	50609411	50609282	8	9	8	1.154782427	0.375434	MYO5A	ENSG00000197535
15	50627994	50628232	50628113	10	11	3	3.117912553	0.0146045	MYO5A	ENSG00000197535
15	50632959	50633293	50633132	13	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000128989
15	50637623	50638015	50637786	26	32	12	2.638233698	0.000799104		ENSG00000128989
15	50639833	50640137	50640004	11	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000128989
15	50644474	50644779	50644622	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000128989
15	50644843	50645136	50644968	13	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000128989
15	50647515	50647822	50647665	14	17	14	1.247165021	0.261378		ENSG00000128989
15	50647892	50648226	50648059	9	13	20	0.692869456	0.861903		ENSG00000128989
15	50648556	50648833	50648690	9	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000128989
15	50662294	50662524	50662404	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000128989
15	50672656	50672892	50672762	8	9	5	1.73217364	0.133894	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50709173	50709392	50709326	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50712671	50712862	50712700	9	9	4	2.078608368	0.0785659	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50732827	50733445	50733248	10	26	23	1.169217207	0.28753	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50733791	50734103	50733954	14	17	12	1.439036563	0.154203	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50739175	50739372	50739282	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50741152	50741331	50741239	8	8	6	1.336248237	0.277651	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50742646	50742832	50742746	8	9	4	2.078608368	0.0785659	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50743020	50743927	50743281	88	139	10	13.2275078	6.98E-32	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50743979	50744200	50744079	9	11	6	1.781664316	0.103344	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50746318	50746506	50746458	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50749380	50749647	50749488	11	14	5	2.598260461	0.0167748	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50757420	50758476	50758127	18	54	33	1.681227357	0.00759532	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50758806	50759174	50758949	11	17	13	1.336248237	0.204556	KIAA1370	ENSG00000047346

15	50759587	50759778	50759693	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50774672	50775166	50774851	13	23	25	0.959357709	0.559486	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50788376	50788781	50788479	9	17	6	2.672496474	0.00882337	KIAA1370	ENSG00000047346
15	50789268	50789770	50789591	10	22	13	1.707428303	0.0525925	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50789866	50790112	50789989	11	12	6	1.930136342	0.071303	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50790673	50790959	50790816	9	13	8	1.616695398	0.123553	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50794946	50795126	50795055	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50795149	50795452	50795316	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50797056	50797324	50797190	9	10	10	1.039304184	0.464387	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50800708	50801231	50800969	8	19	8	2.309564854	0.0138337	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50806734	50807035	50806884	11	15	9	1.662886695	0.0970566	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50809713	50810211	50809874	13	24	13	1.855900329	0.0279411	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50813680	50813995	50813837	9	12	7	1.688869299	0.11395	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50814976	50815304	50815148	14	17	13	1.336248237	0.204556	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50841047	50841273	50841160	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50843953	50844164	50844041	8	9	6	1.484720263	0.204387	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50848340	50848526	50848428	8	8	7	1.169217207	0.371848	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50859932	50860433	50860248	11	22	20	1.138285535	0.33303	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50865841	50866026	50865888	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50866629	50867024	50866846	12	19	7	2.598260461	0.00730518	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50869324	50869770	50869503	9	18	6	2.8209685	0.00559354	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50882578	50882946	50882767	8	15	8	1.847651883	0.0631662	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50883784	50884486	50884190	9	24	13	1.855900329	0.0279411	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50888752	50889146	50888967	8	16	9	1.766817113	0.0700694	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50901373	50901983	50901767	8	21	0	22.86469205	1.55E-07	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50915108	50915408	50915257	8	11	2	4.157216737	0.0052913	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50916418	50916731	50916589	8	11	3	3.117912553	0.0146045	ONECUT1	ENSG00000169856
15	50926494	50926675	50926584	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000214896
15	50937208	50937426	50937256	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000214896
15	50946346	50946559	50946433	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000214896
15	50956249	50956537	50956387	9	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000214896
15	50969255	50969536	50969434	10	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000214896
15	50995768	50995999	50995891	12	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000221274
15	51002851	51003184	51003006	9	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000221274

15	51003327	51003526	51003426	8	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000221274
15	51011519	51011910	51011646	8	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000221274
15	51014214	51014428	51014321	10	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000221274
15	51020605	51020870	51020737	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ENSG00000221274
15	51027255	51027434	51027344	8	8	14	0.623582511	0.877092	ENSG00000221274
15	51038896	51039084	51038990	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000221274
15	51039784	51040179	51040005	10	18	13	1.41048425	0.160361	ENSG00000221274
15	51040472	51040676	51040639	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000221274
15	51054113	51054345	51054227	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000221274
15	51058658	51058883	51058770	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000221274
15	51100567	51100746	51100656	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ENSG00000221274
15	51119526	51119736	51119573	10	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000221274
15	51147573	51147849	51147711	8	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000221274
15	51151269	51152180	51151836	36	99	34	2.969440526	1.33E-09	ENSG00000221274
15	51158871	51159192	51159031	13	17	11	1.558956276	0.111389	ENSG00000221274
15	51160041	51160232	51160136	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000221274
15	51160361	51160568	51160438	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000221274
15	51163388	51163705	51163544	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000221274
15	51192323	51192518	51192420	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000221274
15	51193159	51193482	51193332	10	13	2	4.850086193	0.00164564	ENSG00000221274
15	51207516	51207761	51207638	8	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000221274
15	51212212	51212464	51212348	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000221274
15	51213611	51213830	51213770	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000221274
15	51213875	51214294	51214019	9	16	6	2.524024447	0.0137633	ENSG00000221274
15	51244562	51244774	51244668	8	8	8	1.039304184	0.46786	ENSG00000221274
15	51245221	51245733	51245502	8	18	4	3.9493559	0.000961379	ENSG00000221274
15	51272716	51273010	51272839	12	15	12	1.279143611	0.251893	ENSG00000221274
15	51276497	51276742	51276601	12	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000221274
15	51276798	51277221	51277042	16	25	12	2.078608368	0.0124196	ENSG00000221274
15	51316544	51316822	51316683	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000221274
15	51326629	51326861	51326747	10	10	2	3.810782009	0.00936112	ENSG00000221274
15	51346273	51346452	51346319	8	8	9	0.935373766	0.560286	ENSG00000221274
15	51367312	51367491	51367396	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000221274
15	51403830	51404114	51403987	10	13	3	3.637564645	0.0050909	ENSG00000210932

15	51410469	51410686	51410607	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000210932
15	51427889	51428211	51428050	9	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000210932
15	51435160	51435378	51435211	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000210932
15	51444991	51445398	51445237	11	17	10	1.700679574	0.0766266		ENSG00000210932
15	51456040	51456248	51456151	8	9	11	0.86608682	0.635181		ENSG00000210932
15	51464092	51464310	51464161	9	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000210932
15	51470202	51470408	51470305	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000210932
15	51477496	51477746	51477592	12	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000210932
15	51521256	51521758	51521560	10	20	5	3.637564645	0.000902929		ENSG00000210932
15	51523828	51524129	51523978	9	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000210932
15	51527717	51527965	51527826	9	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000210932
15	51543693	51544072	51543871	16	22	6	3.414856605	0.000820885		ENSG00000210932
15	51564808	51565009	51564908	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000210932
15	51590838	51591094	51590989	9	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000210932
15	51592788	51592989	51592888	13	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000210932
15	51601388	51601808	51601536	9	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000210932
15	51666353	51666598	51666475	12	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000210932
15	51716300	51716557	51716388	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000210932
15	51724558	51724819	51724677	10	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000210932
15	51755341	51755791	51755498	17	25	3	6.755477198	4.84E-06		ENSG00000210932
15	51796378	51796698	51796497	8	12	12	1.039304184	0.461227	WDR72	ENSG00000166415
15	51841939	51842171	51842042	10	11	7	1.558956276	0.158273	WDR72	ENSG00000166415
15	51847450	51847662	51847556	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000206641
15	51866027	51866244	51866134	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000206641
15	51891109	51891498	51891330	8	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000206641
15	51916733	51917019	51916876	18	21	7	2.858086507	0.0029864		ENSG00000206641
15	51920788	51920967	51920877	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000206641
15	51989570	51989977	51989796	82	99	4	20.78608368	3.63E-26		ENSG00000206641
15	52057892	52058100	52057985	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000206641
15	52107218	52107413	52107364	8	8	1	4.676868829	0.0091584	UNC13C	ENSG00000137766
15	52116270	52116486	52116363	8	8	4	1.870747532	0.118863	UNC13C	ENSG00000137766
15	52140707	52140984	52140835	9	12	2	4.503651465	0.002963	UNC13C	ENSG00000137766
15	52162411	52162674	52162542	14	15	5	2.771477825	0.0105836	UNC13C	ENSG00000137766
15	52163625	52163824	52163663	8	9	2	3.464347281	0.0163838	UNC13C	ENSG00000137766

15	52227161	52227435	52227279	9	10	8	1.27026067	0.293854	UNC13C	ENSG00000137766
15	53187672	53187851	53187774	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C15orf15	ENSG00000137876
15	53728011	53728209	53728103	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PYGO1	ENSG00000171016
15	53816867	53817137	53817002	8	10	6	1.63319229	0.146906	PRTG	ENSG00000166450
15	53854817	53855328	53854996	8	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000221218
15	54072974	54073184	54073084	9	9	0	10.39304184	0.000803859	NEDD4	ENSG00000069869
15	54284594	54285134	54284822	37	52	1	27.54156088	1.11E-15	RFX7	ENSG00000181827
15	54319865	54320253	54320103	31	38	2	13.5109544	1.90E-10	RFX7	ENSG00000181827
15	54325608	54325803	54325705	8	8	6	1.336248237	0.277651	RFX7	ENSG00000181827
15	54329375	54329562	54329425	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RFX7	ENSG00000181827
15	54448821	54449074	54448939	8	10	3	2.858086507	0.0242838	TEX9	ENSG00000151575
15	55585386	55585692	55585539	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	GRINL1A	ENSG00000137878
15	57245146	57245595	57245393	72	87	1	45.72938411	2.67E-26		ENSG00000221096
15	57245600	57245812	57245706	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000221096
15	57335987	57336243	57336115	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000215983
15	57608480	57608664	57608572	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000201704
15	58138633	58139053	58138887	19	26	1	14.03060649	6.50E-08	FOXB1	ENSG00000171956
15	58396419	58396772	58396623	42	46	1	24.42364833	7.10E-14	ANXA2P2	ENSG00000182718
15	58988476	58988784	58988606	8	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000212625
15	59488622	59488810	59488716	9	9	2	3.464347281	0.0163838	RORA	ENSG00000069667
15	60341892	60342490	60342219	48	74	0	77.94781382	6.15E-24		ENSG00000166104
15	60377414	60377593	60377503	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000166104
15	60546117	60546340	60546228	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000182015
15	60960487	60960671	60960511	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000211137
15	60975483	60975663	60975633	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000213712
15	60976230	60976884	60976506	10	25	5	4.503651465	6.33E-05		ENSG00000213712
15	61079695	61079895	61079805	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TPM1	ENSG00000140416
15	61236158	61236963	61236556	318	479	5	83.14433474	2.14E-139	RPS27L	ENSG00000185088
15	61268277	61268573	61268450	8	12	4	2.702190879	0.0203088	RAB8B	ENSG00000166128
15	61458772	61459193	61458950	16	24	12	1.998661893	0.0177296	CA12	ENSG00000074410
15	61465138	61465371	61465303	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	CA12	ENSG00000074410
15	61467003	61467292	61467147	14	17	4	3.741495063	0.00163722	CA12	ENSG00000074410
15	61468679	61468896	61468831	8	8	8	1.039304184	0.46786	CA12	ENSG00000074410
15	61493000	61493179	61493089	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CA12	ENSG00000074410

15	61507674	61507919	61507796	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	CA12	ENSG00000074410
15	61539884	61540198	61540041	8	12	4	2.702190879	0.0203088	USP3	ENSG00000140455
15	61585160	61585365	61585262	8	8	3	2.338434415	0.0641221	USP3	ENSG00000140455
15	61936795	61936981	61936883	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000199156
15	62175128	62175352	62175225	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SNX1	ENSG00000028528
15	62232960	62233214	62233066	8	9	11	0.86608682	0.635181	SNX22	ENSG00000157734
15	62434001	62434790	62434356	20	39	8	4.619129708	8.77E-07	CSNK1G1	ENSG00000169118
15	62435193	62435769	62435486	11	26	8	3.117912553	0.000638503	CSNK1G1	ENSG00000169118
15	62466767	62467234	62466982	18	28	6	4.305688763	3.69E-05	TRIP4	ENSG00000103671
15	62539585	62539853	62539725	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000206781
15	62594342	62594797	62594621	14	19	2	6.928694562	4.25E-05	ZNF609	ENSG00000180357
15	62648616	62648795	62648639	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ZNF609	ENSG00000180357
15	62651133	62651559	62651359	17	28	6	4.305688763	3.69E-05	ZNF609	ENSG00000180357
15	62846343	62846648	62846495	21	22	3	5.975999059	2.96E-05		ENSG00000221033
15	62915092	62915310	62915214	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PLEKHO2	ENSG00000169094
15	63265031	63265240	63265132	9	10	10	1.039304184	0.464387	CLPX	ENSG00000166855
15	63375396	63375994	63375763	17	37	21	1.795161773	0.0125164		ENSG00000199568
15	63383222	63383753	63383390	19	30	9	3.221842971	0.000217846	RNU5B-1	ENSG00000200156
15	63383996	63384415	63384175	23	33	24	1.413453691	0.0918299	RNU5B-1	ENSG00000200156
15	63384479	63384800	63384639	16	20	8	2.425043097	0.00917565	RNU5B-1	ENSG00000200156
15	63444634	63444952	63444795	9	13	8	1.616695398	0.123553	PUNC	ENSG00000174498
15	63612871	63613074	63613012	11	11	2	4.157216737	0.0052913	PTPLAD1	ENSG00000074696
15	63638493	63638714	63638567	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000207449
15	63670738	63670917	63670893	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C15orf44	ENSG00000138614
15	63690458	63690950	63690603	19	28	8	3.348869038	0.000246424	C15orf44	ENSG00000138614
15	63871615	63872070	63871909	9	15	7	2.078608368	0.038229	DENND4A	ENSG00000174485
15	63911918	63912343	63912164	11	21	8	2.540521339	0.00602138	RAB11A	ENSG00000103769
15	63912354	63912584	63912420	8	10	13	0.816596145	0.696946	RAB11A	ENSG00000103769
15	63916229	63916496	63916382	10	11	6	1.781664316	0.103344	RAB11A	ENSG00000103769
15	63948368	63948586	63948460	8	10	7	1.429043253	0.21536	RAB11A	ENSG00000103769
15	63948846	63949044	63948910	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RAB11A	ENSG00000103769
15	63950040	63950241	63950081	8	9	3	2.598260461	0.0397929	RAB11A	ENSG00000103769
15	64031973	64032169	64032111	9	10	8	1.27026067	0.293854	RAB11A	ENSG00000103769
15	64372637	64372816	64372674	8	8	2	3.117912553	0.0283184	DIS3L	ENSG00000166938

15	64735335	64735731	64735607	12	18	9	1.97467795	0.0349428	SMAD6	ENSG00000137834
15	64853677	64854125	64853980	9	17	8	2.078608368	0.0303558	SMAD6	ENSG00000137834
15	65011161	65011410	65011285	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000213670
15	65011473	65011665	65011569	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213670
15	65026143	65026473	65026308	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000213670
15	65103049	65103458	65103310	18	24	3	6.495651151	8.89E-06		ENSG00000205438
15	65103756	65104141	65103956	15	24	3	6.495651151	8.89E-06		ENSG00000205438
15	65116755	65116981	65116868	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000205438
15	65127852	65128404	65128225	19	31	3	8.314433474	1.18E-07		ENSG00000205438
15	65161803	65162002	65161859	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SMAD3	ENSG00000166949
15	65205381	65205717	65205547	10	13	5	2.425043097	0.0262442	SMAD3	ENSG00000166949
15	65226470	65226684	65226592	10	10	3	2.858086507	0.0242838	SMAD3	ENSG00000166949
15	65919599	65919914	65919761	8	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000206625
15	65994785	65995265	65994925	8	18	10	1.795161773	0.055383		ENSG00000206625
15	66003510	66003699	66003663	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000206625
15	66016588	66016892	66016745	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000206625
15	66122097	66122343	66122220	13	15	6	2.375552421	0.0212094	PIAS1	ENSG00000033800
15	66332273	66332553	66332413	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213656
15	66351345	66351593	66351469	11	13	1	7.27512929	0.000378098	FEM1B	ENSG00000169018
15	66356971	66357230	66357100	9	13	6	2.078608368	0.0483393	FEM1B	ENSG00000169018
15	66771125	66771429	66771292	14	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000214746
15	66849038	66849217	66849127	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000214746
15	66901371	66901698	66901536	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ANP32A	ENSG00000140350
15	66955277	66955533	66955369	9	11	1	6.235825105	0.0013754	NOX5	ENSG00000137808
15	67138564	67138765	67138664	9	9	5	1.73217364	0.133894	TMEM84	ENSG00000212766
15	67239649	67239859	67239754	8	11	3	3.117912553	0.0146045	GLCE	ENSG00000138604
15	67467557	67467864	67467685	12	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000207395
15	67470555	67470760	67470657	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000207395
15	67487181	67487411	67487296	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000207395
15	67501350	67501572	67501461	11	11	5	2.078608368	0.0614303	KIF23	ENSG00000137807
15	67537070	67537272	67537183	9	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000207119
15	67539171	67539411	67539291	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000207119
15	67547120	67547517	67547338	11	20	11	1.818782322	0.04395		ENSG00000207119
15	67562063	67562450	67562238	17	23	13	1.781664316	0.0385539		ENSG00000207119

15	67602865	67603277	67602953	10	17	9	1.870747532	0.0498299		ENSG00000207119
15	67648375	67648604	67648489	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000207119
15	67655534	67655730	67655581	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000207119
15	67655837	67656016	67655931	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207119
15	67673793	67674089	67673969	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000207119
15	67683337	67683686	67683507	13	17	13	1.336248237	0.204556		ENSG00000207119
15	67927937	67928209	67928073	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000215958
15	67996313	67996492	67996454	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000215958
15	68030977	68031210	68031093	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207965
15	68067005	68067509	68067330	12	22	7	2.98799953	0.00188278		ENSG00000207965
15	68088062	68088250	68088159	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000207965
15	68088376	68088678	68088506	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000207965
15	68171288	68171638	68171463	16	21	8	2.540521339	0.00602138	TLE3	ENSG00000140332
15	68172876	68173325	68173147	16	28	9	3.013982134	0.000552057	TLE3	ENSG00000140332
15	68177412	68177695	68177553	8	12	4	2.702190879	0.0203088	TLE3	ENSG00000140332
15	68180884	68181132	68180992	8	12	4	2.702190879	0.0203088	TLE3	ENSG00000140332
15	68275890	68276369	68276069	22	31	7	4.157216737	2.13E-05		ENSG00000200216
15	68289772	68290013	68289845	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000200216
15	68368700	68368898	68368805	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000200216
15	68368938	68369363	68369117	10	19	11	1.73217364	0.0607469		ENSG00000200216
15	68370866	68371266	68371087	9	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000200216
15	68387875	68388064	68387981	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200216
15	68403484	68403887	68403670	16	25	15	1.688869299	0.0455215		ENSG00000200216
15	68454634	68454902	68454768	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000200216
15	68457606	68457841	68457723	11	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000200216
15	68498272	68498594	68498433	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000200216
15	68500488	68500777	68500632	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000200216
15	68506578	68506758	68506684	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000200216
15	68514755	68515087	68514917	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000200216
15	68517217	68517612	68517414	9	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000200216
15	68542269	68542756	68542444	14	23	5	4.157216737	0.000186738	UACA	ENSG00000137831
15	68575024	68575238	68575147	9	9	2	3.464347281	0.0163838	UACA	ENSG00000137831
15	68587287	68587486	68587386	8	8	3	2.338434415	0.0641221	UACA	ENSG00000137831
15	68605905	68606425	68606044	10	20	5	3.637564645	0.000902929	UACA	ENSG00000137831

15	68843101	68843415	68843261	10	13	5	2.425043097	0.0262442	UACA	ENSG00000137831
15	68904586	68904929	68904753	11	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000156577
15	68971618	68972101	68971922	14	23	12	1.918715417	0.0250463	THAP10	ENSG00000129028
15	69175915	69176395	69176114	19	32	16	2.017472828	0.00740095	THSD4	ENSG00000187720
15	69182428	69182825	69182601	22	30	3	8.054607428	2.21E-07	THSD4	ENSG00000187720
15	69194576	69194762	69194682	9	9	4	2.078608368	0.0785659	THSD4	ENSG00000187720
15	69416760	69417063	69416932	26	29	8	3.464347281	0.000151572		ENSG00000175333
15	69443415	69443874	69443650	31	43	6	6.532769158	7.68E-09		ENSG00000175333
15	69591606	69591808	69591669	8	8	5	1.558956276	0.191397	THSD4	ENSG00000187720
15	69689270	69689599	69689439	12	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000203497
15	70054950	70055175	70055071	10	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000214713
15	70197576	70198038	70197725	11	19	5	3.464347281	0.00150447	SENP8	ENSG00000166192
15	70234647	70235260	70234965	11	24	4	5.196520921	3.42E-05	SENP8	ENSG00000166192
15	70301854	70302093	70302010	10	14	4	3.117912553	0.00766354	PKM2	ENSG00000067225
15	70310408	70310635	70310538	10	10	3	2.858086507	0.0242838	PKM2	ENSG00000067225
15	70310677	70310970	70310823	8	11	2	4.157216737	0.0052913	PKM2	ENSG00000067225
15	70455214	70455494	70455370	11	13	5	2.425043097	0.0262442	HEXA	ENSG00000213614
15	70455506	70455699	70455624	8	11	4	2.494330042	0.0324033	HEXA	ENSG00000213614
15	70765337	70765531	70765454	10	10	8	1.27026067	0.293854	HIGD2BP	ENSG00000175202
15	70765850	70766096	70765978	9	12	2	4.503651465	0.002963	BBS4	ENSG00000140463
15	70801641	70801901	70801778	8	12	5	2.251825733	0.0404733	BBS4	ENSG00000140463
15	71245116	71245631	71245330	111	142	0	148.6204983	5.55E-45	NEO1	ENSG00000067141
15	71284966	71285186	71285076	8	8	6	1.336248237	0.277651	NEO1	ENSG00000067141
15	71345063	71345285	71345174	8	10	7	1.429043253	0.21536	HCN4	ENSG00000138622
15	71411996	71412227	71412112	9	11	3	3.117912553	0.0146045	HCN4	ENSG00000138622
15	71715853	71716332	71716031	19	28	4	6.027964269	3.34E-06	NPTN	ENSG00000156642
15	71726742	71727246	71727067	9	19	0	20.78608368	6.46E-07	NPTN	ENSG00000156642
15	71789463	71789990	71789728	25	36	11	3.204521235	6.58E-05	CD276	ENSG00000103855
15	71828689	71828939	71828826	9	10	2	3.810782009	0.00936112	C15orf59	ENSG00000205363
15	72074431	72074701	72074551	9	12	3	3.377738599	0.00867157	PML	ENSG00000140464
15	72223862	72224072	72223967	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ISLR2	ENSG00000167178
15	72224908	72225280	72225087	13	20	0	21.82538787	3.17E-07	ISLR2	ENSG00000167178
15	72269482	72269696	72269589	8	10	2	3.810782009	0.00936112	STRA6	ENSG00000137868
15	72281347	72281542	72281395	9	9	4	2.078608368	0.0785659	STRA6	ENSG00000137868

15	72319374	72319775	72319516	13	19	12	1.598929514	0.0887417	CCDC33	ENSG00000140481
15	72376753	72377017	72376856	15	19	3	5.196520921	0.000174201	CCDC33	ENSG00000140481
15	72382187	72382378	72382282	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CCDC33	ENSG00000140481
15	72540538	72540822	72540680	8	12	7	1.688869299	0.11395	UBL7	ENSG00000138629
15	72620092	72620432	72620217	9	14	3	3.897390691	0.00295882	ARID3B	ENSG00000179361
15	72622989	72623186	72623087	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ARID3B	ENSG00000179361
15	72625614	72626017	72625774	8	15	5	2.771477825	0.0105836	ARID3B	ENSG00000179361
15	72721677	72722156	72721916	15	26	8	3.117912553	0.000638503		ENSG00000214697
15	72775318	72775552	72775435	8	10	3	2.858086507	0.0242838	EDC3	ENSG00000179151
15	72850494	72850701	72850597	8	9	7	1.29913023	0.286504	CSK	ENSG00000103653
15	72868618	72868959	72868788	14	19	1	10.39304184	7.23E-06	CSK	ENSG00000103653
15	72879073	72879527	72879311	31	45	2	15.93599749	1.77E-12	LMAN1L	ENSG00000140506
15	72895034	72895348	72895208	8	12	5	2.251825733	0.0404733	CPLX3	ENSG00000213578
15	72896878	72897104	72896991	12	12	1	6.755477198	0.000722752	CPLX3	ENSG00000213578
15	72908409	72908622	72908570	11	12	12	1.039304184	0.461227	CPLX3	ENSG00000213578
15	73052304	73052496	73052376	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199580
15	73102809	73102992	73102916	8	8	4	1.870747532	0.118863	PPCDC	ENSG00000138621
15	73115648	73115911	73115790	9	13	4	2.910051716	0.0125532	PPCDC	ENSG00000138621
15	73393013	73393192	73393071	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000217988
15	73447090	73447309	73447256	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MAN2C1	ENSG00000140400
15	73447896	73448203	73448034	13	15	8	1.847651883	0.0631662	MAN2C1	ENSG00000140400
15	73489586	73489792	73489641	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SIN3A	ENSG00000169375
15	73717732	73718015	73717873	8	9	1	5.196520921	0.00490062	IMP3	ENSG00000177971
15	73726162	73726427	73726310	8	11	4	2.494330042	0.0324033	IMP3	ENSG00000177971
15	73773880	73774220	73774050	8	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000198165
15	73800531	73800750	73800631	10	10	4	2.286469205	0.0509017	ODF3L1	ENSG00000182950
15	73983085	73983775	73983524	35	64	6	9.650681711	2.10E-14	FBXO22	ENSG00000167196
15	74230320	74230541	74230413	8	11	2	4.157216737	0.0052913	C15orf27	ENSG00000169758
15	74390593	74390834	74390713	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ETFA	ENSG00000140374
15	74390851	74391186	74391028	15	17	3	4.676868829	0.000552213	ETFA	ENSG00000140374
15	74392161	74392535	74392396	10	14	2	5.196520921	0.000907371	ETFA	ENSG00000140374
15	75010621	75010855	75010748	8	10	5	1.905391004	0.0915982	RCN2	ENSG00000117906
15	75205203	75205417	75205250	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TSPAN3	ENSG00000140391
15	75392039	75392322	75392180	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000186690

15	75576295	75576630	75576457	8	13	8	1.616695398	0.123553	HMG20A	ENSG00000140382
15	75582659	75582931	75582817	10	13	6	2.078608368	0.0483393	HMG20A	ENSG00000140382
15	75583574	75583753	75583735	8	9	0	10.39304184	0.000803859	HMG20A	ENSG00000140382
15	75584985	75585314	75585149	27	32	5	5.716173013	1.22E-06	HMG20A	ENSG00000140382
15	75909749	75909928	75909838	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209296
15	75982256	75982502	75982344	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000209296
15	76086407	76086594	76086487	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000221476
15	76132906	76133085	76132944	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221476
15	76146883	76147062	76146972	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TBC1D2B	ENSG00000167202
15	76189423	76189612	76189517	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SH2D7	ENSG00000183476
15	76211132	76211444	76211278	8	11	5	2.078608368	0.0614303	CIB2	ENSG00000136425
15	76289298	76289482	76289417	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ACSBG1	ENSG00000103740
15	76296197	76296606	76296335	12	20	4	4.365077574	0.000324139	ACSBG1	ENSG00000103740
15	76320345	76320535	76320440	8	9	7	1.29913023	0.286504	ACSBG1	ENSG00000103740
15	76449704	76449894	76449718	9	10	2	3.810782009	0.00936112	CRABP1	ENSG00000166426
15	76536558	76536806	76536632	12	15	7	2.078608368	0.038229	IREB2	ENSG00000136381
15	76561806	76562012	76561905	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000188266
15	77031354	77031645	77031499	12	14	2	5.196520921	0.000907371	CTSH	ENSG00000103811
15	77050813	77051061	77050961	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000177699
15	77216515	77216694	77216604	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RASGRF1	ENSG00000058335
15	77400383	77400562	77400427	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TMED3	ENSG00000166557
15	77654507	77654765	77654636	9	9	1	5.196520921	0.00490062	KIAA1024	ENSG00000169330
15	77675435	77675693	77675578	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000213527
15	77932935	77933166	77933060	13	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000209163
15	77944800	77945008	77944904	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MTHFS	ENSG00000136371
15	78002950	78003444	78003274	10	19	4	4.157216737	0.000560204	ST20	ENSG00000180953
15	78073199	78073383	78073312	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000180725
15	78074207	78074393	78074296	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000180725
15	78082544	78082989	78082759	81	97	0	101.8518101	4.69E-31		ENSG00000180725
15	78247768	78248103	78247947	14	18	4	3.9493559	0.000961379	FAH	ENSG00000103876
15	78282087	78282331	78282209	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FAH	ENSG00000103876
15	78564724	78565185	78565007	38	54	2	19.05391004	4.08E-15	ARNT2	ENSG00000172379
15	78616705	78616884	78616794	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222139
15	78716112	78716308	78716210	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000222139

15	78775737	78775952	78775841	9	11	1	6.235825105	0.0013754	FAM108C1	ENSG00000136379
15	78780300	78780525	78780370	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FAM108C1	ENSG00000136379
15	78822579	78822873	78822723	10	12	10	1.228268581	0.305344	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78828950	78829497	78829322	16	31	15	2.078608368	0.00648505	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78855914	78856121	78856009	8	8	7	1.169217207	0.371848	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78884447	78884790	78884618	15	21	4	4.572938411	0.000186332	KIAA1199	ENSG00000103888
15	78904214	78904456	78904334	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208003
15	78985894	78986184	78986039	10	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000208003
15	79022643	79022882	79022781	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MESDC2	ENSG00000117899
15	79067793	79067981	79067840	8	8	4	1.870747532	0.118863	MESDC2	ENSG00000117899
15	79361345	79361746	79361567	11	17	5	3.117912553	0.00407023	IL16	ENSG00000172349
15	79383479	79383760	79383619	10	11	4	2.494330042	0.0324033	IL16	ENSG00000172349
15	79512470	79512718	79512594	11	13	3	3.637564645	0.0050909	TMC3	ENSG00000188869
15	79560122	79560311	79560173	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TMC3	ENSG00000188869
15	79627300	79627524	79627364	8	10	0	11.43234603	0.000394183	TMC3	ENSG00000188869
15	80098169	80098348	80098258	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222521
15	80101146	80101838	80101607	94	135	1	70.67268453	5.72E-41		ENSG00000222521
15	80102314	80102524	80102412	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000222521
15	80166895	80167093	80166994	9	9	1	5.196520921	0.00490062	MEX3B	ENSG00000183496
15	80170393	80170674	80170533	8	10	1	5.716173013	0.00260397	MEX3B	ENSG00000183496
15	81207849	81208396	81208081	28	45	2	15.93599749	1.77E-12		ENSG00000222483
15	81402443	81402708	81402575	10	10	3	2.858086507	0.0242838	HOMER2	ENSG00000103942
15	81471157	81471594	81471372	10	21	8	2.540521339	0.00602138	C15orf40	ENSG00000169609
15	81670314	81670708	81670563	12	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000166503
15	81812620	81812880	81812708	8	10	0	11.43234603	0.000394183	BNC1	ENSG00000169594
15	81840298	81840653	81840519	17	21	2	7.621564018	1.21E-05	SH3GL3	ENSG00000140600
15	82147246	82147425	82147354	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000212374
15	82223588	82223767	82223677	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212374
15	82328420	82328599	82328509	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000200444
15	82480935	82481151	82481017	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000221484
15	82932117	82932575	82932416	13	21	0	22.86469205	1.55E-07	ZSCAN2	ENSG00000176371
15	82953157	82953402	82953276	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ZSCAN2	ENSG00000176371
15	82998380	82998690	82998485	8	13	17	0.808347699	0.728863	WDR73	ENSG00000177082
15	83002506	83002863	83002684	8	14	2	5.196520921	0.000907371	NMB	ENSG00000197696

15	83060302	83060667	83060629	8	15	11	1.385738912	0.19225	SEC11A	ENSG00000140612
15	83079739	83080058	83079882	11	14	3	3.897390691	0.00295882	SEC11A	ENSG00000140612
15	83092224	83092404	83092314	8	8	6	1.336248237	0.277651	SEC11A	ENSG00000140612
15	83170710	83171033	83170871	9	13	12	1.11925066	0.384109	ALPK3	ENSG00000136383
15	83189619	83189898	83189758	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000200991
15	83203404	83203710	83203557	8	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000200991
15	83215359	83215637	83215498	10	12	1	6.755477198	0.000722752	SLC28A1	ENSG00000156222
15	83234337	83234736	83234557	21	30	4	6.443685942	1.02E-06	SLC28A1	ENSG00000156222
15	83259101	83259584	83259421	10	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000207037
15	83271081	83271264	83271211	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000207037
15	83272449	83272736	83272592	13	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000207037
15	83324472	83324823	83324644	14	18	12	1.518983039	0.117837	PDE8A	ENSG00000073417
15	83325331	83325510	83325437	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PDE8A	ENSG00000073417
15	83407605	83407825	83407715	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PDE8A	ENSG00000073417
15	83675363	83675671	83675524	11	14	5	2.598260461	0.0167748	AKAP13	ENSG00000170776
15	83746607	83746799	83746703	9	10	2	3.810782009	0.00936112	AKAP13	ENSG00000170776
15	84133418	84133625	84133577	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KLHL25	ENSG00000183655
15	84169946	84170143	84170002	8	8	6	1.336248237	0.277651	KLHL25	ENSG00000183655
15	84184964	84185199	84185081	9	10	5	1.905391004	0.0915982	KLHL25	ENSG00000183655
15	85203419	85203680	85203549	8	10	3	2.858086507	0.0242838		
15	85208794	85208991	85208895	8	9	3	2.598260461	0.0397929		
15	85211101	85211350	85211225	8	10	2	3.810782009	0.00936112		
15	85260400	85260592	85260464	8	8	8	1.039304184	0.46786		
15	85316437	85316623	85316543	8	8	3	2.338434415	0.0641221		
15	85390011	85390348	85390179	9	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000207150
15	85466793	85466989	85466891	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000207150
15	85534544	85534772	85534632	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000207150
15	85710267	85710588	85710436	11	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000207150
15	85822233	85822449	85822367	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207150
15	85864987	85865261	85865111	11	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000207150
15	85867101	85867345	85867223	10	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000207150
15	85867406	85867621	85867513	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000207150
15	85871608	85871892	85871750	8	11	8	1.385738912	0.224757	TMEM83	ENSG00000219654
15	85900880	85901138	85901022	10	11	5	2.078608368	0.0614303	TMEM83	ENSG00000219654

15	86036984	86037163	86037073	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TMEM83	ENSG00000219654
15	86075902	86076123	86076012	8	9	6	1.484720263	0.204387	TMEM83	ENSG00000219654
15	86138883	86139075	86138979	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TMEM83	ENSG00000219654
15	86149366	86149621	86149493	9	11	8	1.385738912	0.224757	TMEM83	ENSG00000219654
15	86224970	86225149	86225098	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TMEM83	ENSG00000219654
15	86840099	86840309	86840173	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000198469
15	86965026	86965770	86965543	125	163	5	28.4076477	6.74E-44	AEN	ENSG00000181026
15	87001758	87001985	87001827	8	9	7	1.29913023	0.286504	ISG20	ENSG00000172183
15	87048534	87048762	87048651	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ISG20	ENSG00000172183
15	87257858	87258164	87258011	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	MFGE8	ENSG00000140545
15	87361835	87362095	87361953	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000214448
15	87411525	87411808	87411694	14	17	4	3.741495063	0.00163722	ABHD2	ENSG00000140526
15	87465754	87466034	87465894	13	16	5	2.944695189	0.00659886	ABHD2	ENSG00000140526
15	87505207	87505387	87505260	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000213485
15	87515796	87516015	87515907	13	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000213485
15	87539814	87539994	87539913	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213485
15	87551035	87551459	87551310	11	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000213485
15	87644782	87644972	87644877	8	9	4	2.078608368	0.0785659	POLG	ENSG00000140521
15	87679050	87679588	87679322	15	28	22	1.310427015	0.164056	POLG	ENSG00000140521
15	87722673	87722955	87722814	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000207819
15	87723705	87723985	87723841	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207819
15	87724139	87724361	87724241	14	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000207819
15	87745503	87745759	87745657	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000207819
15	87755717	87756178	87755889	27	40	6	6.087353079	4.45E-08		ENSG00000207819
15	87760436	87760791	87760613	11	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000207819
15	87785579	87785840	87785674	14	16	3	4.417042783	0.00097367	RHCG	ENSG00000140519
15	87919583	87919845	87919714	11	12	3	3.377738599	0.00867157	C15orf42	ENSG00000140534
15	88024105	88024381	88024245	10	10	2	3.810782009	0.00936112	PLIN	ENSG00000166819
15	88034798	88035078	88034931	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PEX11A	ENSG00000166821
15	88166233	88166412	88166383	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ANPEP	ENSG00000166825
15	88250313	88250822	88250467	19	30	10	2.928948156	0.00047305		ENSG00000214445
15	88253982	88254214	88254098	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000214445
15	88261095	88261288	88261191	9	12	2	4.503651465	0.002963	C15orf38	ENSG00000214446
15	88302283	88302768	88302514	23	36	6	5.493464974	4.44E-07	ZNF710	ENSG00000140548

15	88415579	88415814	88415754	11	11	4	2.494330042	0.0324033	IDH2	ENSG00000182054
15	88442405	88442701	88442537	10	13	3	3.637564645	0.0050909	IDH2	ENSG00000182054
15	88448970	88449191	88449043	11	13	5	2.425043097	0.0262442	IDH2	ENSG00000182054
15	88498761	88498993	88498864	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000208939
15	88609406	88609585	88609517	8	9	4	2.078608368	0.0785659	NGRN	ENSG00000182768
15	88664286	88664510	88664414	11	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000221309
15	88678573	88678874	88678723	19	24	2	8.660868202	1.80E-06		ENSG00000173683
15	88757023	88757222	88757122	9	10	2	3.810782009	0.00936112	IQGAP1	ENSG00000140575
15	88795716	88795922	88795819	9	10	2	3.810782009	0.00936112	IQGAP1	ENSG00000140575
15	88823910	88824453	88824083	11	21	9	2.286469205	0.0111772	CRTC3	ENSG00000140577
15	88833723	88834281	88833945	27	39	14	2.771477825	0.000157826	CRTC3	ENSG00000140577
15	89251879	89252059	89251982	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MAN2A2	ENSG00000196547
15	89274123	89274438	89274284	8	10	3	2.858086507	0.0242838	UNC45A	ENSG00000140553
15	89278562	89278813	89278687	11	12	4	2.702190879	0.0203088	UNC45A	ENSG00000140553
15	89484137	89484316	89484269	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SV2B	ENSG00000185518
15	89775215	89775945	89775766	15	40	9	4.261147155	1.49E-06	SV2B	ENSG00000185518
15	89835393	89835727	89835560	14	17	2	6.235825105	0.000146695	SV2B	ENSG00000185518
15	89875256	89875454	89875385	10	10	4	2.286469205	0.0509017	SV2B	ENSG00000185518
15	89916335	89916629	89916513	10	13	4	2.910051716	0.0125532	SLCO3A1	ENSG00000176463
15	90426524	90426730	90426627	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000221154
15	90532456	90532733	90532594	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000213443
15	90671974	90672192	90672083	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213443
15	90813989	90814300	90814155	8	11	0	12.47165021	0.000193293	C15orf32	ENSG00000183643
15	90967694	90967910	90967831	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FAM174B	ENSG00000185442
15	90989233	90989461	90989347	10	11	4	2.494330042	0.0324033	FAM174B	ENSG00000185442
15	90989698	90989937	90989817	9	11	6	1.781664316	0.103344	FAM174B	ENSG00000185442
15	90998460	90998709	90998554	9	10	7	1.429043253	0.21536	FAM174B	ENSG00000185442
15	91038326	91038552	91038439	12	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000157576
15	91146503	91146818	91146677	17	20	0	21.82538787	3.17E-07		ENSG00000213440
15	91153982	91154163	91154019	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000213440
15	91155009	91155227	91155118	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213440
15	91164777	91165020	91164876	11	14	5	2.598260461	0.0167748	CHD2	ENSG00000173575
15	91213565	91213841	91213703	13	15	5	2.771477825	0.0105836	CHD2	ENSG00000173575
15	91214525	91214752	91214663	9	10	2	3.810782009	0.00936112	CHD2	ENSG00000173575

15	91226375	91226574	91226419	10	11	9	1.247165021	0.300052	CHD2	ENSG00000173575
15	91262121	91262460	91262290	12	16	1	8.834085566	5.30E-05	CHD2	ENSG00000173575
15	91277533	91277808	91277648	8	12	1	6.755477198	0.000722752	CHD2	ENSG00000173575
15	91286984	91287172	91287078	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CHD2	ENSG00000173575
15	91293920	91294530	91294339	104	123	3	32.21842971	1.90E-34	CHD2	ENSG00000173575
15	92373707	92373925	92373785	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000212022
15	92972186	92972365	92972275	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000176070
15	93136697	93136880	93136747	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000176070
15	93591403	93591680	93591541	22	23	5	4.157216737	0.000186738		ENSG00000176070
15	93603758	93603961	93603859	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000176070
15	94239773	94240041	94239916	8	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000208900
15	94255934	94256268	94256101	9	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000208900
15	94368804	94368983	94368928	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208900
15	94544914	94545094	94545016	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000205148
15	94670346	94670572	94670459	9	11	7	1.558956276	0.158273	NR2F2	ENSG00000185551
15	96553173	96553352	96553236	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222361
15	96789553	96789783	96789642	8	11	2	4.157216737	0.0052913	FAM169B	ENSG00000185087
15	97110014	97110227	97110120	9	9	0	10.39304184	0.000803859	IGF1R	ENSG00000140443
15	97110363	97110555	97110459	8	8	1	4.676868829	0.0091584	IGF1R	ENSG00000140443
15	97140346	97140658	97140502	12	15	5	2.771477825	0.0105836	IGF1R	ENSG00000140443
15	97183267	97183457	97183353	9	9	3	2.598260461	0.0397929	IGF1R	ENSG00000140443
15	97214007	97214215	97214111	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000183571
15	97221132	97221471	97221239	9	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000183571
15	97234331	97234699	97234378	9	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000183571
15	97458345	97458529	97458398	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYNM	ENSG00000182253
15	97481484	97481664	97481574	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SYNM	ENSG00000182253
15	97516733	97516912	97516822	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SYNM	ENSG00000182253
15	97621995	97622288	97622141	11	12	4	2.702190879	0.0203088	HSP90B2P	ENSG00000205141
15	97923310	97923668	97923489	10	13	4	2.910051716	0.0125532	MEF2A	ENSG00000068305
15	98325592	98325877	98325713	14	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000208876
15	98529562	98529741	98529714	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000208876
15	98566969	98567148	98567040	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ADAMTS17	ENSG00000140470
15	98599543	98599874	98599695	9	13	1	7.27512929	0.000378098	ADAMTS17	ENSG00000140470
15	98604954	98605197	98605075	9	12	5	2.251825733	0.0404733	ADAMTS17	ENSG00000140470

15	98683543	98683742	98683642	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ADAMTS17	ENSG00000140470
15	98707923	98708169	98708011	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000189419
15	98708230	98708440	98708321	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000189419
15	98821333	98821702	98821427	9	13	6	2.078608368	0.0483393	LASS3	ENSG00000154227
15	98959855	98960191	98960023	10	13	11	1.212521548	0.309909	LINS1	ENSG00000140471
15	99235203	99235546	99235381	35	39	2	13.85738912	9.79E-11	ALDH1A3	ENSG00000184254
15	99397216	99397462	99397310	8	11	3	3.117912553	0.0146045	LRRK1	ENSG00000154237
15	99610648	99610860	99610771	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CHSY1	ENSG00000131873
15	99821097	99821339	99821176	9	11	0	12.47165021	0.000193293	PCSK6	ENSG00000140479
16	67129	67329	67267	8	8	5	1.558956276	0.191397	MPG	ENSG00000103152
16	317154	317409	317317	9	9	2	3.464347281	0.0163838	AXIN1	ENSG00000103126
16	583543	583811	583681	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	RAB40C	ENSG00000197562
16	626645	626875	626707	8	10	6	1.63319229	0.146906	C16orf13	ENSG00000130731
16	663268	663499	663421	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	RHBDL1	ENSG00000103269
16	680316	680574	680445	10	11	5	2.078608368	0.0614303	WDR24	ENSG00000127580
16	702686	703058	702848	8	13	2	4.850086193	0.00164564	METRNL	ENSG00000103260
16	1068647	1068853	1068750	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SSTR5	ENSG00000162009
16	1073075	1073396	1073244	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	SSTR5	ENSG00000162009
16	1287047	1287275	1287154	9	9	1	5.196520921	0.00490062	UBE2I	ENSG00000103275
16	1299174	1299353	1299196	8	8	2	3.117912553	0.0283184	UBE2I	ENSG00000103275
16	1410532	1410967	1410793	8	16	5	2.944695189	0.00659886	UNKL	ENSG00000059145
16	1691452	1691783	1691581	12	16	9	1.766817113	0.0700694	MAPK8IP3	ENSG00000138834
16	1826406	1826585	1826500	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FAHD1	ENSG00000180185
16	1903375	1903603	1903489	9	11	1	6.235825105	0.0013754	HS3ST6	ENSG00000162040
16	2188449	2188760	2188589	11	14	3	3.897390691	0.00295882	CASKIN1	ENSG00000167971
16	2241556	2241778	2241667	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DCI	ENSG00000167969
16	2511335	2511560	2511447	8	10	3	2.858086507	0.0242838	AMDHD2	ENSG00000162066
16	2523307	2523548	2523427	8	11	0	12.47165021	0.000193293	CEMP1	ENSG00000205923
16	2593268	2593481	2593374	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000215154
16	2730054	2730487	2730336	21	29	1	15.58956276	8.46E-09		ENSG00000205913
16	2857979	2858624	2858318	9	23	5	4.157216737	0.000186738	PRSS22	ENSG00000005001
16	2894015	2894394	2894281	9	16	2	5.889390377	0.000270741	FLYWCH1	ENSG00000059122
16	2901770	2901959	2901834	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FLYWCH1	ENSG00000059122
16	2906037	2906265	2906151	10	11	1	6.235825105	0.0013754	FLYWCH1	ENSG00000059122

16	2958604	2958845	2958704	8	9	5	1.73217364	0.133894	PAQR4	ENSG00000162073
16	2999858	3000131	3000037	13	17	8	2.078608368	0.0303558	CLDN9	ENSG00000213937
16	3090264	3090507	3090385	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	ZSCAN10	ENSG00000130182
16	3102285	3102627	3102460	16	20	3	5.456346967	9.70E-05	ZNF205	ENSG00000122386
16	3116132	3116312	3116222	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNF213	ENSG00000085644
16	3119641	3119830	3119771	12	12	5	2.251825733	0.0404733	ZNF213	ENSG00000085644
16	3165600	3165800	3165648	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000209496
16	3173465	3173644	3173562	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209496
16	3179520	3179883	3179704	11	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000209499
16	3213382	3213608	3213507	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000203581
16	3504014	3504265	3504139	11	13	3	3.637564645	0.0050909	CLUAP1	ENSG00000103351
16	3543262	3543441	3543389	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NLRC3	ENSG00000167984
16	3636080	3636259	3636169	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DNASE1	ENSG00000213918
16	3636403	3636793	3636641	14	21	5	3.810782009	0.000537724	DNASE1	ENSG00000213918
16	4130605	4131129	4130869	241	275	1	143.4239774	5.42E-84	ADCY9	ENSG00000162104
16	4132553	4132760	4132685	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ADCY9	ENSG00000162104
16	4142155	4142679	4142466	26	40	3	10.65286789	3.85E-10	ADCY9	ENSG00000162104
16	4167201	4167380	4167290	9	9	10	0.944821986	0.553851	ADCY9	ENSG00000162104
16	4243998	4244310	4244162	10	13	7	1.818782322	0.0805123	SRL	ENSG00000185739
16	4615896	4616202	4616055	18	21	1	11.43234603	1.90E-06	MGRN1	ENSG00000102858
16	4813255	4813434	4813350	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ROGDI	ENSG00000067836
16	4887374	4887670	4887516	12	13	2	4.850086193	0.00164564	PPL	ENSG00000118898
16	4935867	4936129	4935997	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000200980
16	4946130	4946439	4946284	9	12	1	6.755477198	0.000722752	SEC14L5	ENSG00000103184
16	5321384	5321708	5321538	13	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000215086
16	5395741	5396165	5395953	34	45	1	23.90399624	1.42E-13		ENSG00000215086
16	5622294	5622479	5622346	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221257
16	8470398	8470604	8470458	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C16orf68	ENSG00000067365
16	8672309	8672489	8672394	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ABAT	ENSG00000183044
16	8913280	8913497	8913381	14	14	0	15.58956276	2.28E-05	USP7	ENSG00000187555
16	9054637	9054857	9054698	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209566
16	10042801	10043008	10042904	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213855
16	10370382	10370741	10370595	22	27	4	5.820103432	6.01E-06	ATF7IP2	ENSG00000166669
16	10595818	10596348	10596151	33	47	7	6.235825105	2.92E-09	EMP2	ENSG00000213853

16	10629449	10629780	10629601	8	13	1	7.27512929	0.000378098	EMP2	ENSG00000213853
16	10825974	10826170	10826045	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FAM18A	ENSG00000166676
16	10837858	10838037	10837922	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM18A	ENSG00000166676
16	10959476	10959715	10959595	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CLEC16A	ENSG00000038532
16	11270784	11271016	11270900	11	11	0	12.47165021	0.000193293	TNP2	ENSG00000178279
16	11298292	11298518	11298405	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209625
16	11358684	11358865	11358774	10	10	3	2.858086507	0.0242838	C16orf75	ENSG00000175643
16	11397664	11397852	11397758	10	10	3	2.858086507	0.0242838	C16orf75	ENSG00000175643
16	11498729	11499078	11498903	23	29	7	3.897390691	6.03E-05		ENSG00000188897
16	11508638	11508978	11508808	9	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000188897
16	11563904	11564266	11564049	9	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000209636
16	11578003	11578225	11578100	8	10	3	2.858086507	0.0242838	LITAF	ENSG00000189067
16	11585530	11585776	11585667	12	13	2	4.850086193	0.00164564	LITAF	ENSG00000189067
16	11783114	11783293	11783207	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ZC3H7A	ENSG00000122299
16	11881510	11881712	11881611	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000203550
16	12216696	12216904	12216799	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000205782
16	12290712	12290940	12290821	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000205782
16	12322252	12322431	12322307	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000205782
16	12352249	12352447	12352324	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000205782
16	12539943	12540239	12540121	17	21	0	22.86469205	1.55E-07	SNX29	ENSG00000048471
16	12804879	12805079	12804962	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000103381
16	12900775	12901254	12900953	9	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000199474
16	12941366	12941560	12941493	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000199474
16	12941633	12941864	12941748	12	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000199474
16	13454694	13455118	13454901	49	61	0	64.43685942	6.49E-20	ERCC4	ENSG00000175595
16	13455335	13455612	13455480	11	12	4	2.702190879	0.0203088	ERCC4	ENSG00000175595
16	13849374	13849580	13849477	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ERCC4	ENSG00000175595
16	13959247	13959495	13959380	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ERCC4	ENSG00000175595
16	14076530	14076741	14076634	9	9	2	3.464347281	0.0163838	MKL2	ENSG00000186260
16	14098554	14098877	14098715	13	18	6	2.8209685	0.00559354	MKL2	ENSG00000186260
16	14310921	14311185	14311053	16	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000199130
16	14379641	14379859	14379714	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000199130
16	14488056	14488629	14488342	36	50	50	1.039304184	0.423013		ENSG00000212739
16	14631778	14631992	14631910	8	8	1	4.676868829	0.0091584	BFAR	ENSG00000103429

16	15428940	15429224	15429082	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	C16orf45	ENSG00000166780
16	15435417	15435617	15435517	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C16orf45	ENSG00000166780
16	16012850	16013099	16012990	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ABCC1	ENSG00000103222
16	16150120	16150345	16150232	13	13	2	4.850086193	0.00164564	ABCC6	ENSG00000091262
16	16196338	16196517	16196427	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ABCC6	ENSG00000091262
16	16828404	16828739	16828571	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000205748
16	16829562	16829744	16829672	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000205748
16	16862896	16863383	16863186	51	66	4	13.92667607	1.28E-16		ENSG00000205748
16	16969730	16969920	16969825	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000205748
16	17155853	17156065	17155983	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000205748
16	17317043	17317241	17317142	9	9	1	5.196520921	0.00490062	XYLT1	ENSG00000103489
16	17516811	17517076	17516914	8	10	3	2.858086507	0.0242838	XYLT1	ENSG00000103489
16	17634510	17634816	17634663	15	20	5	3.637564645	0.000902929	XYLT1	ENSG00000103489
16	18010953	18011213	18011091	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000221687
16	18720560	18720845	18720702	13	14	3	3.897390691	0.00295882	ARL6IP1	ENSG00000170540
16	18902589	18902813	18902690	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TMC7	ENSG00000170537
16	18917544	18917754	18917649	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207167
16	19005197	19005533	19005365	9	15	5	2.771477825	0.0105836	COQ7	ENSG00000167186
16	19029711	19030214	19029942	13	21	3	5.716173013	5.37E-05	ITPRIPL2	ENSG00000205730
16	19635154	19635394	19635300	8	12	9	1.35109544	0.232899	IQCK	ENSG00000174628
16	19805119	19805319	19805220	10	10	3	2.858086507	0.0242838	GPRC5B	ENSG00000167191
16	20003523	20003761	20003642	8	10	1	5.716173013	0.00260397	GPR139	ENSG00000180269
16	20068683	20068881	20068752	9	11	4	2.494330042	0.0324033	GPR139	ENSG00000180269
16	20102746	20103010	20102878	10	10	2	3.810782009	0.00936112	GPR139	ENSG00000180269
16	20660436	20660756	20660596	9	14	6	2.227080395	0.0322529	THUMPD1	ENSG00000066654
16	20725314	20725625	20725469	11	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000005189
16	20784404	20785055	20784759	84	118	1	61.83859896	9.15E-36	DCUN1D3	ENSG00000188215
16	20787979	20788165	20788072	9	9	1	5.196520921	0.00490062	DCUN1D3	ENSG00000188215
16	20820288	20820624	20820456	11	14	6	2.227080395	0.0322529	LYRM1	ENSG00000102897
16	20832941	20833200	20833070	8	9	1	5.196520921	0.00490062	LYRM1	ENSG00000102897
16	20920069	20920249	20920159	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LYRM1	ENSG00000102897
16	21078428	21078757	21078601	8	12	11	1.125912866	0.382541	DNAH3	ENSG00000158486
16	21498113	21498439	21498276	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000209776
16	21871591	21872313	21872134	11	32	12	2.638233698	0.000799104	UQCRC2	ENSG00000140740

16	21955664	21955852	21955758	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ENSG00000185716
16	21996770	21996968	21996868	8	9	3	2.598260461	0.0397929	VWA3A ENSG00000175267
16	22107312	22107644	22107478	9	12	3	3.377738599	0.00867157	EEF2K ENSG00000103319
16	22114555	22114998	22114892	12	19	10	1.889643971	0.0394833	EEF2K ENSG00000103319
16	22129737	22129928	22129848	11	11	0	12.47165021	0.000193293	EEF2K ENSG00000103319
16	22151665	22151925	22151795	10	12	2	4.503651465	0.002963	EEF2K ENSG00000103319
16	22215774	22216140	22215949	10	17	7	2.338434415	0.0171287	POLR3E ENSG00000058600
16	22216995	22217212	22217144	8	9	5	1.73217364	0.133894	POLR3E ENSG00000058600
16	22217283	22217501	22217402	11	14	6	2.227080395	0.0322529	POLR3E ENSG00000058600
16	22287385	22287718	22287560	8	12	2	4.503651465	0.002963	CDR2 ENSG00000140743
16	22559863	22560086	22559964	8	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000198064
16	22592703	22592887	22592734	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000198064
16	22599580	22599874	22599727	9	12	10	1.228268581	0.305344	HS3ST2 ENSG00000122254
16	22604231	22604480	22604369	10	10	1	5.716173013	0.00260397	HS3ST2 ENSG00000122254
16	22817777	22818080	22817928	9	12	8	1.501217155	0.168286	HS3ST2 ENSG00000122254
16	22945690	22945894	22945810	9	9	2	3.464347281	0.0163838	USP31 ENSG00000103404
16	23001107	23001415	23001270	16	16	5	2.944695189	0.00659886	USP31 ENSG00000103404
16	23203444	23203809	23203623	10	17	7	2.338434415	0.0171287	SCNN1B ENSG00000168447
16	23343295	23343591	23343453	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000209795
16	23371685	23372119	23371906	9	17	4	3.741495063	0.00163722	COG7 ENSG00000168434
16	23405398	23405628	23405480	9	10	3	2.858086507	0.0242838	GGA2 ENSG00000103365
16	23476208	23476500	23476364	10	11	4	2.494330042	0.0324033	EARS2 ENSG00000103356
16	23560106	23560383	23560242	10	12	2	4.503651465	0.002963	PALB2 ENSG00000083093
16	23712427	23712630	23712528	10	10	3	2.858086507	0.0242838	ENSG00000166869
16	23915574	23915818	23915694	8	11	2	4.157216737	0.0052913	PRKCB ENSG00000166501
16	24300538	24300993	24300789	31	42	5	7.448346654	3.24E-09	ENSG00000201541
16	24457938	24458203	24458075	10	11	8	1.385738912	0.224757	RBBP6 ENSG00000122257
16	24772527	24772727	24772627	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SLC5A11 ENSG00000158865
16	24883361	24883554	24883457	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ARHGAP17 ENSG00000140750
16	25183469	25183669	25183599	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZKSCAN2 ENSG00000155592
16	25332912	25333107	25332963	8	9	5	1.73217364	0.133894	ZKSCAN2 ENSG00000155592
16	25472390	25473018	25472806	76	104	4	21.82538787	1.24E-27	HS3ST4 ENSG00000182601
16	25487785	25488266	25487963	15	24	2	8.660868202	1.80E-06	HS3ST4 ENSG00000182601
16	25633393	25633720	25633553	8	11	2	4.157216737	0.0052913	HS3ST4 ENSG00000182601

16	26941902	26942196	26942064	18	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000213704
16	27028793	27028999	27028915	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000213704
16	27122202	27122410	27122272	9	9	4	2.078608368	0.0785659	JMJD5	ENSG00000155666
16	27327638	27327954	27327780	15	18	2	6.582259834	7.91E-05	IL21R	ENSG00000103522
16	27394843	27395087	27394962	8	8	2	3.117912553	0.0283184	IL21R	ENSG00000103522
16	27498586	27498765	27498675	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KIAA0556	ENSG00000047578
16	27561716	27561945	27561823	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000221528
16	27594400	27594579	27594489	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221528
16	27642742	27643367	27642957	42	72	3	18.96730136	2.48E-19		ENSG00000201371
16	27715516	27715912	27715761	10	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000212382
16	27816828	27817114	27816971	19	21	4	4.572938411	0.000186332	GSG1L	ENSG00000169181
16	27839191	27839758	27839542	13	28	8	3.348869038	0.000246424	GSG1L	ENSG00000169181
16	27841388	27841583	27841494	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GSG1L	ENSG00000169181
16	27912375	27912791	27912554	24	32	4	6.859407616	3.06E-07		ENSG00000207266
16	27989203	27989413	27989350	10	10	4	2.286469205	0.0509017	GSG1L	ENSG00000169181
16	28105648	28105835	28105670	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000200138
16	28455985	28456237	28456096	18	19	4	4.157216737	0.000560204		ENSG00000176046
16	28782170	28782537	28782325	12	17	3	4.676868829	0.000552213	SH2B1	ENSG00000178188
16	28818826	28819354	28818993	13	25	1	13.5109544	1.28E-07	ATP2A1	ENSG00000196296
16	28843478	28843737	28843591	11	12	5	2.251825733	0.0404733	RABEP2	ENSG00000177548
16	28844190	28844401	28844295	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RABEP2	ENSG00000177548
16	28864394	28864627	28864516	10	11	9	1.247165021	0.300052	NFATC2IP	ENSG00000176953
16	28869364	28869588	28869476	9	10	5	1.905391004	0.0915982	NFATC2IP	ENSG00000176953
16	29637884	29638117	29637986	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000222375
16	29648295	29648490	29648392	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222375
16	29657464	29657690	29657577	14	14	6	2.227080395	0.0322529	C16orf54	ENSG00000185905
16	29709079	29709308	29709199	10	10	8	1.27026067	0.293854	KIF22	ENSG00000079616
16	29734703	29735035	29734858	10	14	5	2.598260461	0.0167748	C16orf53	ENSG00000185928
16	29782080	29782554	29782335	8	18	14	1.316451967	0.209896	CDIPT	ENSG00000103502
16	29844097	29844300	29844226	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KCTD13	ENSG00000174943
16	29914804	29915278	29915137	9	18	8	2.194086611	0.0206188	INO80E	ENSG00000169592
16	29971704	29971966	29971845	8	12	7	1.688869299	0.11395	ALDOA	ENSG00000149925
16	29983658	29984049	29983794	8	14	9	1.558956276	0.132279	ALDOA	ENSG00000149925
16	30008787	30009111	30008945	9	13	5	2.425043097	0.0262442	TBX6	ENSG00000149922

16	30023361	30023673	30023517	10	12	5	2.251825733	0.0404733	YPEL3	ENSG00000090238
16	30043193	30043382	30043287	8	10	2	3.810782009	0.00936112	MAPK3	ENSG00000102882
16	30101553	30101800	30101685	10	12	5	2.251825733	0.0404733	CORO1A	ENSG00000102879
16	30274036	30274535	30274221	11	22	14	1.593599749	0.0756559	CD2BP2	ENSG00000169217
16	30289724	30290222	30289905	8	18	10	1.795161773	0.055383	TBC1D10B	ENSG00000169221
16	30325962	30326198	30326137	8	9	6	1.484720263	0.204387	ZNF771	ENSG00000179965
16	30348916	30349342	30349091	18	25	13	1.930136342	0.0200308		ENSG00000179958
16	30363246	30363632	30363351	8	13	4	2.910051716	0.0125532	SEPHS2	ENSG00000179918
16	30446050	30446231	30446140	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZNF768	ENSG00000169957
16	30446242	30446499	30446370	9	14	4	3.117912553	0.00766354	ZNF768	ENSG00000169957
16	30446552	30447039	30446860	16	26	4	5.612242595	1.08E-05	ZNF768	ENSG00000169957
16	30490636	30490822	30490699	8	10	7	1.429043253	0.21536	ZNF785	ENSG00000197162
16	30504447	30504712	30504579	8	10	6	1.63319229	0.146906	ZNF785	ENSG00000197162
16	30528909	30529400	30529224	14	26	2	9.353737658	4.98E-07	ZNF689	ENSG00000156853
16	30547680	30547904	30547777	10	10	6	1.63319229	0.146906	ZNF689	ENSG00000156853
16	30577175	30577496	30577343	12	16	14	1.177878075	0.320433	FBRS	ENSG00000156860
16	30612814	30613035	30612973	8	9	5	1.73217364	0.133894	SRCAP	ENSG00000080603
16	30616708	30616974	30616840	8	11	4	2.494330042	0.0324033	SRCAP	ENSG00000080603
16	30706234	30706568	30706334	10	14	4	3.117912553	0.00766354	ZNF629	ENSG00000102870
16	30724218	30724582	30724376	11	17	11	1.558956276	0.111389		ENSG00000183355
16	30811188	30811391	30811289	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CTF1	ENSG00000150281
16	30815935	30816123	30816007	8	10	5	1.905391004	0.0915982	CTF1	ENSG00000150281
16	30841330	30841822	30841506	12	22	10	2.173090567	0.0132845		ENSG00000212972
16	30841926	30842281	30842144	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000212972
16	30856534	30856743	30856644	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ORAI3	ENSG00000175938
16	30868925	30869361	30869104	18	28	10	2.739983758	0.00114395	ORAI3	ENSG00000175938
16	30875738	30876399	30876235	8	24	4	5.196520921	3.42E-05	SETD1A	ENSG00000099381
16	30921241	30921475	30921353	8	8	4	1.870747532	0.118863	STX1B	ENSG00000099365
16	30993067	30993453	30993274	11	19	18	1.094004404	0.389177	ZNF646	ENSG00000167395
16	31008155	31008392	31008273	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000151006
16	31013576	31013838	31013698	11	11	5	2.078608368	0.0614303	VKORC1	ENSG00000167397
16	31098759	31099069	31098914	9	13	5	2.425043097	0.0262442	FUS	ENSG00000089280
16	31192394	31192981	31192721	45	65	1	34.29703808	1.30E-19	ITGAM	ENSG00000169896
16	31349602	31350044	31349922	8	15	5	2.771477825	0.0105836	COX6A2	ENSG00000156885

16	31370588	31370887	31370715	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ARMC5	ENSG00000140691
16	31378120	31378345	31378178	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ARMC5	ENSG00000140691
16	31427202	31427386	31427303	8	9	0	10.39304184	0.000803859	C16orf58	ENSG00000140688
16	31792498	31792802	31792641	11	14	5	2.598260461	0.0167748	ZNF267	ENSG00000185947
16	33526534	33526784	33526659	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000185520
16	33796733	33797066	33796899	46	46	49	0.976945933	0.546418		ENSG00000207986
16	33830002	33830186	33830165	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000207986
16	33842759	33842943	33842795	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207986
16	33857518	33858015	33857840	36	46	36	1.320197207	0.101366		ENSG00000207986
16	33858418	33858763	33858590	23	27	15	1.818782322	0.0247174		ENSG00000207986
16	33858777	33859156	33858854	12	17	14	1.247165021	0.261378		ENSG00000207986
16	33860100	33860425	33860262	11	12	16	0.794762023	0.738004		ENSG00000207986
16	33860534	33861262	33860713	44	65	69	0.979915374	0.547652		ENSG00000207986
16	33861266	33861446	33861278	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000207986
16	33863157	33863500	33863332	15	18	17	1.097043306	0.388692		ENSG00000207986
16	33863820	33864216	33863978	21	32	15	2.14356488	0.00454085		ENSG00000207986
16	33864459	33865161	33864787	46	88	91	1.00541383	0.485864		ENSG00000207986
16	33865946	33866152	33865997	9	10	16	0.672490943	0.854309		ENSG00000207986
16	33866510	33867090	33866800	22	42	55	0.798037141	0.869285		ENSG00000207986
16	33868476	33868826	33868651	31	34	20	1.73217364	0.0207704		ENSG00000207986
16	33869921	33871753	33870864	146	579	431	1.395362099	6.65E-08		ENSG00000200002
16	33872367	33872622	33872454	13	15	21	0.755857589	0.807439		ENSG00000200434
16	33872805	33873142	33872973	29	35	23	1.558956276	0.0432947		ENSG00000200434
16	33878598	33878826	33878703	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000200434
16	33881683	33881872	33881843	12	14	14	1.039304184	0.458308		ENSG00000200434
16	33881988	33882323	33882157	9	14	17	0.86608682	0.662567		ENSG00000200434
16	33883341	33883525	33883366	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000200434
16	33930057	33930517	33930236	55	61	61	1.039304184	0.415193		ENSG00000200434
16	34400489	34400936	34400668	13	21	1	11.43234603	1.90E-06		ENSG00000221532
16	44944292	44944475	44944314	8	8	11	0.779478138	0.719708		ENSG00000199448
16	44946431	44946763	44946608	11	14	14	1.039304184	0.458308		ENSG00000199448
16	44949109	44949446	44949277	21	24	19	1.29913023	0.189		ENSG00000199448
16	44949510	44949761	44949635	13	18	19	0.987338975	0.516858		ENSG00000199448
16	44951696	44952109	44951955	17	25	26	1.000811437	0.499519		ENSG00000199448

16	44961162	44961341	44961336	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000199448
16	44962319	44962498	44962470	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199448
16	44974399	44974923	44974750	15	28	40	0.735117594	0.900826		ENSG00000199448
16	44984450	44984707	44984550	11	11	11	1.039304184	0.462773		ENSG00000199448
16	44984875	44985381	44985104	16	30	26	1.193275174	0.249725		ENSG00000199448
16	46096077	46096416	46096246	22	27	17	1.616695398	0.0522299		ENSG00000210173
16	49595280	49595498	49595389	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199771
16	51633134	51633391	51633262	9	12	3	3.377738599	0.00867157	CHD9	ENSG00000177200
16	51643876	51644365	51644053	25	34	0	36.37564645	1.47E-11	CHD9	ENSG00000177200
16	51969551	51969878	51969730	14	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000202193
16	52041221	52041611	52041432	48	59	0	62.35825105	2.70E-19	RBL2	ENSG00000103479
16	52323934	52324467	52324113	9	19	6	2.969440526	0.0035096	FTO	ENSG00000140718
16	52346528	52346714	52346578	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FTO	ENSG00000140718
16	52672147	52672419	52672283	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FTO	ENSG00000140718
16	52686297	52686551	52686424	8	9	7	1.29913023	0.286504	FTO	ENSG00000140718
16	52758005	52758216	52758119	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FTO	ENSG00000140718
16	52763401	52763604	52763502	9	10	6	1.63319229	0.146906	FTO	ENSG00000140718
16	52770270	52770539	52770404	9	10	0	11.43234603	0.000394183	FTO	ENSG00000140718
16	52771605	52771864	52771709	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FTO	ENSG00000140718
16	52785198	52785405	52785271	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FTO	ENSG00000140718
16	52785539	52785789	52785644	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FTO	ENSG00000140718
16	52930637	52930903	52930792	15	16	2	5.889390377	0.000270741	IRX3	ENSG00000177508
16	54962270	54962662	54962418	11	18	4	3.9493559	0.000961379	AMFR	ENSG00000159461
16	54964473	54964759	54964616	8	11	1	6.235825105	0.0013754	AMFR	ENSG00000159461
16	55042658	55042941	55042773	9	11	1	6.235825105	0.0013754	NUDT21	ENSG00000167005
16	64360454	64360872	64360625	60	69	0	72.7512929	2.17E-22		
16	64480919	64481114	64481016	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000201999
16	64683717	64684050	64683873	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000201999
16	64867473	64867653	64867550	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000201999
16	65519305	65519740	65519484	21	31	2	11.0859113	1.93E-08	RRAD	ENSG00000166592
16	65764621	65764806	65764714	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NOL3	ENSG00000140939
16	65815447	65815641	65815544	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LRRC29	ENSG00000125122
16	65818284	65818679	65818569	9	15	5	2.771477825	0.0105836	TMEM208	ENSG00000168701
16	66019561	66019750	66019655	8	8	3	2.338434415	0.0641221	HSD11B2	ENSG00000176387

16	66135888	66136187	66136037	17	18	0	19.7467795	1.32E-06	FAM65A	ENSG00000039523
16	66259875	66260056	66259897	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C16orf86	ENSG00000159761
16	66268005	66268263	66268136	14	14	0	15.58956276	2.28E-05	C16orf86	ENSG00000159761
16	66408032	66408229	66408180	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TSNAXIP1	ENSG00000102904
16	66437974	66438298	66438129	8	11	1	6.235825105	0.0013754	NUTF2	ENSG00000102898
16	66462064	66462319	66462179	8	8	0	9.353737658	0.00163931	EDC4	ENSG00000038358
16	66553027	66553534	66553206	9	20	3	5.456346967	9.70E-05	SLC12A4	ENSG00000124067
16	66557501	66558298	66557752	47	85	3	22.34503996	3.77E-23	SLC12A4	ENSG00000124067
16	66683017	66683474	66683245	31	44	6	6.681241184	4.26E-09		ENSG00000201850
16	66829204	66829438	66829341	11	12	5	2.251825733	0.0404733	RBM35B	ENSG00000103067
16	66867125	66867449	66867287	17	20	2	7.27512929	2.27E-05		ENSG00000210531
16	66969223	66969502	66969362	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000214388
16	67039930	67040113	67040028	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SMPD3	ENSG00000103056
16	67236390	67236589	67236489	9	10	0	11.43234603	0.000394183	CDH3	ENSG00000062038
16	67250078	67250355	67250248	11	15	4	3.32577339	0.00462646	CDH3	ENSG00000062038
16	67336204	67336549	67336376	33	37	9	3.9493559	6.99E-06		ENSG00000200558
16	67346822	67347106	67346954	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000200558
16	67521877	67522083	67521980	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000203389
16	67528130	67528646	67528354	43	68	4	14.34239774	3.43E-17		ENSG00000203389
16	67852322	67852575	67852436	10	10	2	3.810782009	0.00936112	VPS4A	ENSG00000132612
16	67930952	67931162	67931058	9	9	4	2.078608368	0.0785659	NIP7	ENSG00000132603
16	68317725	68318157	68317989	11	20	5	3.637564645	0.000902929	NQO1	ENSG00000181019
16	68843333	68843525	68843429	12	12	2	4.503651465	0.002963	EXOSC6	ENSG00000157344
16	69186034	69186303	69186149	9	12	5	2.251825733	0.0404733	IL34	ENSG00000157368
16	69276417	69276597	69276486	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000132613
16	69298603	69298979	69298755	13	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000177242
16	69306640	69306864	69306699	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000177242
16	69370457	69370750	69370597	8	11	11	1.039304184	0.462773	VAC14	ENSG00000103043
16	69439142	69439454	69439298	9	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000221725
16	69509526	69509705	69509615	8	8	4	1.870747532	0.118863	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69524993	69525249	69525121	8	8	3	2.338434415	0.0641221	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69530839	69531294	69530970	13	21	9	2.286469205	0.0111772	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69531310	69531510	69531410	9	11	2	4.157216737	0.0052913	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69531628	69531808	69531718	8	9	7	1.29913023	0.286504	HYDIN2	ENSG00000157423

16	69541057	69541490	69541205	8	15	7	2.078608368	0.038229	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69557686	69557901	69557829	11	12	5	2.251825733	0.0404733	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69565781	69566095	69565946	8	10	4	2.286469205	0.0509017	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69566269	69566491	69566380	9	9	5	1.73217364	0.133894	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69568447	69568643	69568545	9	10	2	3.810782009	0.00936112	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69569015	69569325	69569151	8	13	3	3.637564645	0.0050909	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69576344	69576593	69576504	8	11	3	3.117912553	0.0146045	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69578560	69579059	69578716	12	22	21	1.086545284	0.390103	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69583784	69584055	69583888	9	10	3	2.858086507	0.0242838	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69591014	69591580	69591193	12	23	33	0.733626483	0.881043	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69610516	69610872	69610638	10	15	20	0.791850807	0.763134	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69616800	69616997	69616860	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69625716	69625904	69625800	8	9	3	2.598260461	0.0397929	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69629064	69629348	69629221	9	12	6	1.930136342	0.071303	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69629514	69629911	69629693	10	17	12	1.439036563	0.154203	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69660518	69660717	69660617	8	9	13	0.742360132	0.770276	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69683251	69683510	69683380	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69725848	69726331	69726119	18	28	17	1.674434519	0.0394126	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69757757	69758004	69757880	8	10	4	2.286469205	0.0509017	HYDIN2	ENSG00000157423
16	69881082	69881284	69881183	11	11	3	3.117912553	0.0146045	FTSJD1	ENSG00000180917
16	70059235	70059427	70059331	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ZNF23	ENSG00000167377
16	70202423	70202788	70202599	16	22	3	5.975999059	2.96E-05	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70222221	70222463	70222342	9	11	3	3.117912553	0.0146045	MARVELD3	ENSG00000140832
16	70400153	70400601	70400347	11	20	17	1.212521548	0.272468	AP1G1	ENSG00000166747
16	70400670	70400943	70400811	14	15	5	2.771477825	0.0105836	AP1G1	ENSG00000166747
16	70437055	70437401	70437254	12	16	5	2.944695189	0.00659886	AP1G1	ENSG00000166747
16	70486778	70487098	70486942	16	20	5	3.637564645	0.000902929	KIAA0174	ENSG00000182149
16	70552880	70553177	70553010	9	11	7	1.558956276	0.158273	PKD1L3	ENSG00000187008
16	70641563	70641742	70641587	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HP	ENSG00000197711
16	70685072	70685397	70685218	11	15	7	2.078608368	0.038229	DHX38	ENSG00000140829
16	71071989	71072198	71072116	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000221286
16	71256423	71256806	71256696	10	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000221286
16	71408631	71408859	71408745	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221799
16	71428320	71428520	71428428	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000221799

16	71519078	71519260	71519174	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000221799
16	71544343	71544563	71544435	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221799
16	71575337	71575668	71575502	18	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000221799
16	71578842	71579400	71579227	11	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000221799
16	71584628	71584868	71584748	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000221799
16	71587851	71588312	71588145	15	25	12	2.078608368	0.0124196		ENSG00000221799
16	71588452	71589097	71588671	14	31	15	2.078608368	0.00648505		ENSG00000221799
16	71591048	71591346	71591175	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000221799
16	71606949	71607390	71607128	13	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000221799
16	71625066	71625245	71625155	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZFH3	ENSG00000140836
16	71638820	71639205	71639026	12	19	6	2.969440526	0.0035096	ZFH3	ENSG00000140836
16	71642294	71642493	71642379	9	9	6	1.484720263	0.204387	ZFH3	ENSG00000140836
16	71646353	71646749	71646570	11	18	2	6.582259834	7.91E-05	ZFH3	ENSG00000140836
16	71652583	71652801	71652692	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ZFH3	ENSG00000140836
16	71661823	71662211	71661978	8	14	4	3.117912553	0.00766354	ZFH3	ENSG00000140836
16	72156098	72156278	72156120	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000184543
16	72156845	72157034	72156939	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000184543
16	72559481	72559660	72559570	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000184543
16	72582398	72582598	72582466	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000184543
16	72699389	72699646	72699483	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222127
16	72887659	72887838	72887748	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PSMD7	ENSG00000103035
16	72889647	72889826	72889736	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PSMD7	ENSG00000103035
16	72895816	72896182	72896037	10	14	3	3.897390691	0.00295882	PSMD7	ENSG00000103035
16	72901249	72901553	72901401	9	11	2	4.157216737	0.0052913	PSMD7	ENSG00000103035
16	73022699	73023268	73022931	48	62	5	10.91269393	1.23E-14		ENSG00000140839
16	73067732	73068036	73067888	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207525
16	73070857	73071095	73070976	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207525
16	73071401	73071580	73071519	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000207525
16	73077366	73077666	73077516	10	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000207525
16	73249848	73250041	73249958	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	RFWD3	ENSG00000168411
16	73258340	73258622	73258504	10	14	5	2.598260461	0.0167748	RFWD3	ENSG00000168411
16	73321371	73322021	73321516	28	56	5	9.87338975	5.54E-13	MLKL	ENSG00000168404
16	73330969	73331245	73331107	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	FA2H	ENSG00000103089
16	73335281	73335597	73335438	8	11	4	2.494330042	0.0324033	FA2H	ENSG00000103089

16	73404568	73404958	73404714	15	21	14	1.524312804	0.0996258	FA2H	ENSG00000103089
16	73428486	73428739	73428613	13	15	5	2.771477825	0.0105836	FA2H	ENSG00000103089
16	73439224	73439435	73439329	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FA2H	ENSG00000103089
16	73459144	73459561	73459316	13	20	3	5.456346967	9.70E-05	FA2H	ENSG00000103089
16	73488690	73488896	73488794	8	9	2	3.464347281	0.0163838	WDR59	ENSG00000103091
16	73576352	73576743	73576564	9	17	2	6.235825105	0.000146695	WDR59	ENSG00000103091
16	73589878	73590119	73589998	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73594962	73595199	73595080	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73621289	73621534	73621414	10	12	4	2.702190879	0.0203088	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73636220	73636785	73636606	24	37	17	2.194086611	0.00208015	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73644116	73644324	73644194	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ZNRF1	ENSG00000186187
16	73678613	73679041	73678792	27	38	3	10.1332158	1.39E-09	LDHD	ENSG00000166816
16	73688149	73688397	73688266	10	11	11	1.039304184	0.462773	LDHD	ENSG00000166816
16	73700418	73700665	73700543	10	13	1	7.27512929	0.000378098	LDHD	ENSG00000166816
16	73701930	73702179	73702092	8	11	6	1.781664316	0.103344	LDHD	ENSG00000166816
16	73739652	73739966	73739809	9	11	9	1.247165021	0.300052	ZFP1	ENSG00000184517
16	73775905	73776163	73776064	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213318
16	73780301	73780861	73780597	10	23	3	6.235825105	1.63E-05		ENSG00000213318
16	73790835	73791094	73790957	11	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000213318
16	73843220	73843454	73843337	8	8	11	0.779478138	0.719708	BCAR1	ENSG00000050820
16	73896657	73897456	73896864	30	58	20	2.919949851	2.96E-06	BCAR1	ENSG00000050820
16	74024973	74025744	74025542	10	29	16	1.834066207	0.0198505	CFDP1	ENSG00000153774
16	74056161	74056455	74056331	18	22	9	2.390399624	0.00747467	TMEM170A	ENSG00000166822
16	74076239	74076538	74076371	8	11	6	1.781664316	0.103344	CHST6	ENSG00000183196
16	74077392	74077840	74077523	25	36	2	12.81808494	7.17E-10	CHST6	ENSG00000183196
16	74083302	74083718	74083547	10	16	11	1.472347594	0.147517	CHST6	ENSG00000183196
16	74108662	74108990	74108837	10	13	11	1.212521548	0.309909	CHST5	ENSG00000135702
16	74111332	74111707	74111505	9	13	2	4.850086193	0.00164564	CHST5	ENSG00000135702
16	74112802	74113042	74112922	9	10	9	1.143234603	0.378307	CHST5	ENSG00000135702
16	74146632	74147053	74146926	10	18	12	1.518983039	0.117837		ENSG00000205084
16	74156439	74156641	74156540	9	10	2	3.810782009	0.00936112	GABARAPL2	ENSG00000034713
16	74157351	74157552	74157501	9	9	6	1.484720263	0.204387	GABARAPL2	ENSG00000034713
16	74214672	74214924	74214833	8	11	0	12.47165021	0.000193293	ADAT1	ENSG00000065457
16	74239047	74239357	74239225	8	12	9	1.35109544	0.232899	TERF2IP	ENSG00000166848

16	74239859	74240072	74239965	12	12	4	2.702190879	0.0203088	TERF2IP	ENSG00000166848
16	74240966	74241145	74241066	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TERF2IP	ENSG00000166848
16	74259912	74260115	74260013	10	10	2	3.810782009	0.00936112	TERF2IP	ENSG00000166848
16	74361315	74361560	74361493	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000213308
16	74537536	74537720	74537628	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000199299
16	74748093	74748272	74748182	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213307
16	74752366	74752547	74752456	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213307
16	76313830	76314243	76313997	9	14	6	2.227080395	0.0322529	NUDT7	ENSG00000140876
16	76382964	76383163	76383109	8	9	5	1.73217364	0.133894	VAT1L	ENSG00000171724
16	76428898	76429094	76429040	8	9	1	5.196520921	0.00490062	VAT1L	ENSG00000171724
16	76488044	76488528	76488349	8	17	10	1.700679574	0.0766266	VAT1L	ENSG00000171724
16	76496686	76496952	76496829	14	14	5	2.598260461	0.0167748	VAT1L	ENSG00000171724
16	76497023	76497366	76497200	8	12	2	4.503651465	0.002963	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76510097	76510484	76510359	10	16	8	1.963130126	0.0441028	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76551084	76551266	76551228	8	8	5	1.558956276	0.191397	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76566401	76566650	76566561	9	11	8	1.385738912	0.224757	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76583016	76583593	76583240	110	141	4	29.51623883	1.42E-38	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76587107	76587820	76587407	81	114	10	10.86545284	5.87E-25	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76634993	76635194	76635093	11	11	2	4.157216737	0.0052913	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76642036	76642601	76642334	8	18	9	1.97467795	0.0349428	CLEC3A	ENSG00000166509
16	76690479	76691239	76690952	10	30	9	3.221842971	0.000217846	WVWX	ENSG00000186153
16	76789463	76789809	76789636	8	12	2	4.503651465	0.002963	WVWX	ENSG00000186153
16	77107981	77108162	77108084	8	8	2	3.117912553	0.0283184	WVWX	ENSG00000186153
16	77266778	77266958	77266868	10	11	2	4.157216737	0.0052913	WVWX	ENSG00000186153
16	77283826	77284131	77283975	8	8	3	2.338434415	0.0641221	WVWX	ENSG00000186153
16	77339936	77340115	77340025	8	9	2	3.464347281	0.0163838	WVWX	ENSG00000186153
16	77516482	77516892	77516713	12	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000222244
16	77579785	77579964	77579854	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222244
16	77629247	77629447	77629400	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000222244
16	77882263	77882517	77882393	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222244
16	78054767	78054968	78054908	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MAF	ENSG00000178573
16	78359042	78359332	78359183	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000221330
16	78615318	78615735	78615497	9	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000221330
16	78618368	78618777	78618586	16	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000221330

16	78696675	78696904	78696771	9	11	2	4.157216737	0.0052913	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	78994490	78994709	78994543	9	11	2	4.157216737	0.0052913	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79132056	79132423	79132213	9	15	11	1.385738912	0.19225	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79134425	79134721	79134566	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79161633	79161883	79161758	9	10	0	11.43234603	0.000394183	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79199056	79199256	79199219	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79205275	79205701	79205522	24	35	12	2.878073126	0.000220273	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79206378	79206671	79206534	8	10	6	1.63319229	0.146906	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79207172	79207595	79207315	18	26	14	1.870747532	0.0223642	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79211280	79211670	79211459	11	18	10	1.795161773	0.055383	DYNLRB2	ENSG00000168589
16	79292409	79292588	79292498	8	8	4	1.870747532	0.118863	CDYL2	ENSG00000166446
16	79309826	79310176	79310001	17	23	5	4.157216737	0.000186738	CDYL2	ENSG00000166446
16	79342530	79342726	79342628	9	10	6	1.63319229	0.146906	CDYL2	ENSG00000166446
16	79342750	79342958	79342806	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CDYL2	ENSG00000166446
16	79345813	79346124	79345964	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CDYL2	ENSG00000166446
16	79429127	79429427	79429301	9	12	7	1.688869299	0.11395	CDYL2	ENSG00000166446
16	79443863	79444067	79443965	9	10	4	2.286469205	0.0509017	CDYL2	ENSG00000166446
16	79598036	79598312	79598174	10	14	7	1.948695345	0.0559175	CENPN	ENSG00000166451
16	79668131	79668421	79668290	10	12	5	2.251825733	0.0404733	C16orf46	ENSG00000166455
16	79687574	79687909	79687748	8	12	6	1.930136342	0.071303	GCSH	ENSG00000140905
16	79766485	79766898	79766648	9	15	5	2.771477825	0.0105836	PKD1L2	ENSG00000166473
16	79851967	79852182	79852096	8	10	5	1.905391004	0.0915982	BCMO1	ENSG00000135697
16	79868830	79869127	79868978	11	14	6	2.227080395	0.0322529	GAN	ENSG00000127688
16	79905585	79906028	79905872	10	18	6	2.8209685	0.00559354	GAN	ENSG00000127688
16	79911626	79911810	79911673	8	8	3	2.338434415	0.0641221	GAN	ENSG00000127688
16	79919871	79920086	79920030	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GAN	ENSG00000127688
16	79972348	79972545	79972405	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000153815
16	79996772	79997068	79996925	12	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000153815
16	80090761	80091208	80091022	34	46	6	6.978185237	1.30E-09		ENSG00000213288
16	80099296	80099489	80099392	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000213288
16	80192856	80193156	80193006	9	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000153815
16	80329149	80329449	80329299	12	12	3	3.377738599	0.00867157	PLCG2	ENSG00000197943
16	80402168	80402440	80402286	11	14	2	5.196520921	0.000907371	PLCG2	ENSG00000197943
16	80419739	80419932	80419881	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PLCG2	ENSG00000197943

16	80729665	80729900	80729817	14	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000210850
16	80741603	80741972	80741793	8	15	2	5.542955649	0.000497081	MPHOSPH6	ENSG00000135698
16	80743791	80744075	80743968	9	12	2	4.503651465	0.002963	MPHOSPH6	ENSG00000135698
16	80761723	80761925	80761807	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MPHOSPH6	ENSG00000135698
16	80787913	80788092	80788051	8	8	4	1.870747532	0.118863	MPHOSPH6	ENSG00000135698
16	80920998	80921298	80921165	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000210858
16	80959172	80959362	80959267	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000210858
16	81078529	81078715	81078649	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210858
16	81200223	81200491	81200357	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210858
16	81666170	81666349	81666259	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000210864
16	81993367	81993701	81993546	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222299
16	82223152	82223341	82223281	8	9	2	3.464347281	0.0163838	HSBP1	ENSG00000166530
16	82227781	82228375	82228212	40	54	1	28.58086507	2.76E-16	HSBP1	ENSG00000166530
16	82291127	82291467	82291297	9	12	3	3.377738599	0.00867157	HSBP1	ENSG00000166530
16	82393278	82393517	82393341	8	10	3	2.858086507	0.0242838	HSBP1	ENSG00000166530
16	82417328	82417644	82417501	8	12	5	2.251825733	0.0404733	HSBP1	ENSG00000166530
16	82438630	82439162	82438946	41	59	8	6.928694562	1.04E-11	HSBP1	ENSG00000166530
16	82470024	82470262	82470133	11	12	4	2.702190879	0.0203088	MLYCD	ENSG00000103150
16	82477680	82477928	82477804	9	10	0	11.43234603	0.000394183	MLYCD	ENSG00000103150
16	82478344	82478588	82478444	8	9	6	1.484720263	0.204387	MLYCD	ENSG00000103150
16	82548117	82548438	82548275	11	14	8	1.73217364	0.0890835	OSGIN1	ENSG00000140961
16	82604946	82605143	82605044	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000199350
16	82605456	82605668	82605560	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000199350
16	82687769	82688070	82687934	14	17	4	3.741495063	0.00163722	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82694755	82694974	82694858	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82694978	82695181	82695079	9	11	3	3.117912553	0.0146045	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82707941	82708143	82708042	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MBTPS1	ENSG00000140943
16	82947326	82947505	82947415	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ATP2C2	ENSG00000064270
16	82971000	82971195	82971054	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ATP2C2	ENSG00000064270
16	83102555	83102833	83102694	11	12	3	3.377738599	0.00867157	KIAA1609	ENSG00000140950
16	83307273	83307491	83307382	9	9	6	1.484720263	0.204387	USP10	ENSG00000103194
16	83317044	83317486	83317307	9	19	6	2.969440526	0.0035096	USP10	ENSG00000103194
16	83321650	83321910	83321780	10	11	4	2.494330042	0.0324033	USP10	ENSG00000103194
16	83327336	83327686	83327511	12	18	3	4.936694875	0.000311102	USP10	ENSG00000103194

16	83345477	83345700	83345588	9	9	7	1.29913023	0.286504	USP10	ENSG00000103194
16	83347042	83347221	83347170	8	8	2	3.117912553	0.0283184	USP10	ENSG00000103194
16	83378502	83378719	83378610	8	8	5	1.558956276	0.191397	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83432866	83433174	83433014	9	12	4	2.702190879	0.0203088	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83433716	83434038	83433949	13	18	2	6.582259834	7.91E-05	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83442560	83442854	83442707	8	14	2	5.196520921	0.000907371	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83443311	83443492	83443441	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CRISPLD2	ENSG00000103196
16	83476136	83476336	83476194	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213275
16	83543450	83543691	83543539	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000213275
16	83590252	83590460	83590384	9	10	9	1.143234603	0.378307	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83591681	83592322	83592144	8	20	12	1.67887599	0.0659142	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83607012	83607262	83607135	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ZDHHC7	ENSG00000153786
16	83620549	83621052	83620728	12	24	3	6.495651151	8.89E-06	KIAA0513	ENSG00000135709
16	83725132	83725322	83725227	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FAM92B	ENSG00000153789
16	83735205	83735577	83735406	9	16	7	2.208521392	0.0257604	FAM92B	ENSG00000153789
16	83738534	83738805	83738684	11	14	7	1.948695345	0.0559175	FAM92B	ENSG00000153789
16	83742829	83743011	83742968	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FAM92B	ENSG00000153789
16	83811721	83811944	83811774	8	10	5	1.905391004	0.0915982	TMEM148	ENSG00000179219
16	83824743	83824928	83824835	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TMEM148	ENSG00000179219
16	83836920	83837138	83837029	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TMEM148	ENSG00000179219
16	83868044	83868327	83868164	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TMEM148	ENSG00000179219
16	83897265	83897480	83897372	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000220991
16	83907504	83907858	83907636	8	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000220991
16	83921956	83922250	83922086	15	17	13	1.336248237	0.204556		ENSG00000220991
16	83940554	83940850	83940702	9	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000220991
16	83942110	83942500	83942289	13	20	14	1.455025858	0.129498		ENSG00000220991
16	83944908	83945353	83945087	13	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000220991
16	83956380	83956795	83956593	20	31	5	5.542955649	2.18E-06		ENSG00000220991
16	83975893	83976363	83976184	25	40	3	10.65286789	3.85E-10		ENSG00000220991
16	84007648	84007898	84007750	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000220991
16	84027270	84027623	84027504	8	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000220991
16	84049997	84050430	84050205	16	26	10	2.551019361	0.00268348		ENSG00000220991
16	84057313	84057566	84057485	8	11	6	1.781664316	0.103344	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84083132	84083458	84083293	14	16	7	2.208521392	0.0257604	KIAA0182	ENSG00000131149

16	84106248	84106633	84106376	11	15	5	2.771477825	0.0105836	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84114860	84115041	84114990	8	9	6	1.484720263	0.204387	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84136391	84136577	84136467	9	10	5	1.905391004	0.0915982	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84145338	84145616	84145440	9	13	9	1.455025858	0.177172	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84148775	84149014	84148894	10	11	6	1.781664316	0.103344	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84149423	84149641	84149532	11	12	1	6.755477198	0.000722752	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84155572	84155920	84155746	9	12	7	1.688869299	0.11395	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84161552	84161836	84161694	9	14	4	3.117912553	0.00766354	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84202970	84203341	84203183	12	17	3	4.676868829	0.000552213	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84204372	84204551	84204461	8	8	4	1.870747532	0.118863	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84213137	84213388	84213262	9	9	4	2.078608368	0.0785659	KIAA0182	ENSG00000131149
16	84299043	84299305	84299132	8	12	6	1.930136342	0.071303	GINS2	ENSG00000131153
16	84337423	84337707	84337565	9	13	7	1.818782322	0.0805123	C16orf74	ENSG00000154102
16	84344387	84344612	84344499	10	12	4	2.702190879	0.0203088	C16orf74	ENSG00000154102
16	84369068	84369272	84369161	9	10	3	2.858086507	0.0242838	COX4NB	ENSG00000131148
16	84370880	84371162	84371014	8	11	3	3.117912553	0.0146045	COX4NB	ENSG00000131148
16	84412407	84412640	84412523	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000214259
16	84482533	84482933	84482695	15	22	4	4.780799247	0.00010647	IRF8	ENSG00000140968
16	84485485	84485704	84485573	10	11	13	0.890832158	0.618492	IRF8	ENSG00000140968
16	84501019	84501222	84501084	8	8	1	4.676868829	0.0091584	IRF8	ENSG00000140968
16	84551292	84551562	84551427	11	11	5	2.078608368	0.0614303	IRF8	ENSG00000140968
16	84716547	84716760	84716654	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000199949
16	84726421	84726632	84726526	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000199949
16	84778901	84779122	84779050	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199949
16	85093448	85093914	85093691	25	40	9	4.261147155	1.49E-06	FOXF1	ENSG00000103241
16	85100032	85100272	85100210	8	10	0	11.43234603	0.000394183	FOXF1	ENSG00000103241
16	85136787	85136966	85136906	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MTHFSD	ENSG00000103248
16	85154946	85155157	85155050	10	13	7	1.818782322	0.0805123	MTHFSD	ENSG00000103248
16	85216382	85216582	85216438	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FOXL1	ENSG00000176678
16	85225422	85225606	85225549	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FOXL1	ENSG00000176678
16	85267349	85267534	85267442	10	10	1	5.716173013	0.00260397	FOXL1	ENSG00000176678
16	85353240	85353424	85353332	9	9	6	1.484720263	0.204387	FOXL1	ENSG00000176678
16	85435874	85436155	85436023	20	21	6	3.266384579	0.0013436	FOXL1	ENSG00000176678
16	85468555	85468841	85468694	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FOXL1	ENSG00000176678

16	85661230	85661409	85661249	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210934
16	85798049	85798279	85798164	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000210934
16	85831892	85832262	85832085	10	16	10	1.606197376	0.104477		ENSG00000210934
16	85869730	85870033	85869880	15	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000210934
16	85888745	85888974	85888856	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210934
16	85954536	85954799	85954667	10	12	3	3.377738599	0.00867157	FBXO31	ENSG00000103264
16	85975064	85975280	85975186	9	10	10	1.039304184	0.464387	FBXO31	ENSG00000103264
16	86007954	86008136	86008063	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000218256
16	86207749	86207940	86207844	9	9	2	3.464347281	0.0163838	JPH3	ENSG00000154118
16	86252774	86253098	86252936	8	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000205047
16	86297675	86297961	86297803	13	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000205047
16	86325710	86325903	86325806	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86349207	86349447	86349347	9	12	3	3.377738599	0.00867157	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86356482	86356711	86356596	10	12	1	6.755477198	0.000722752	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86359842	86360094	86359954	8	8	7	1.169217207	0.371848	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86368817	86369301	86369030	15	26	12	2.158554844	0.00861404	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86370162	86370381	86370286	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86380650	86381648	86380846	27	80	14	5.612242595	1.66E-13	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86381658	86381918	86381788	14	16	6	2.524024447	0.0137633	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86395802	86395981	86395900	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86397848	86398237	86398021	15	20	10	1.98412617	0.0277883	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86399898	86400137	86400017	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KLHDC4	ENSG00000104731
16	86444054	86444348	86444182	12	15	6	2.375552421	0.0212094	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86444547	86445082	86444805	17	34	13	2.598260461	0.000664816	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86445420	86445648	86445534	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SLC7A5	ENSG00000103257
16	86536593	86536785	86536683	9	9	4	2.078608368	0.0785659	BANP	ENSG00000172530
16	86536917	86537183	86537044	13	15	2	5.542955649	0.000497081	BANP	ENSG00000172530
16	86541893	86542190	86542028	13	16	12	1.359090087	0.198699	BANP	ENSG00000172530
16	87104338	87104725	87104460	16	22	3	5.975999059	2.96E-05	ZFPM1	ENSG00000179588
16	87119202	87119381	87119310	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C16orf85	ENSG00000205036
16	87244217	87244488	87244336	11	12	2	4.503651465	0.002963	CYBA	ENSG00000051523
16	87282008	87282264	87282143	9	10	3	2.858086507	0.0242838	SNAI3	ENSG00000185669
16	87341573	87341833	87341703	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000182376
16	87358965	87359179	87359061	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000182376

16	87364740	87365317	87365028	16	32	6	4.899576869	4.19E-06		ENSG00000182376
16	87405841	87406134	87405975	8	11	3	3.117912553	0.0146045	APRT	ENSG00000198931
16	87511493	87511703	87511598	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000205018
16	87520964	87521464	87521212	9	21	6	3.266384579	0.0013436		ENSG00000205018
16	87522424	87522630	87522527	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000205018
16	87692098	87692310	87692265	8	8	5	1.558956276	0.191397	ACSF3	ENSG00000176715
16	87716189	87716569	87716308	17	23	4	4.988660084	6.05E-05	ACSF3	ENSG00000176715
16	87744095	87744324	87744238	11	13	2	4.850086193	0.00164564	C16orf81	ENSG00000180422
16	87747895	87748187	87748033	13	16	3	4.417042783	0.00097367	C16orf81	ENSG00000180422
16	87764057	87764337	87764196	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CDH15	ENSG00000129910
16	87810249	87810466	87810310	10	13	6	2.078608368	0.0483393	ZNF778	ENSG00000170100
16	87883380	87883639	87883503	11	12	8	1.501217155	0.168286	ANKRD11	ENSG00000167522
16	87998533	87998732	87998632	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000210946
16	88035826	88036424	88036146	45	65	6	9.799153737	1.12E-14	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88052327	88052837	88052571	158	181	0	189.1533615	4.72E-57	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88070320	88070672	88070611	8	13	6	2.078608368	0.0483393	ANKRD11	ENSG00000167522
16	88124490	88124754	88124622	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SPG7	ENSG00000197912
16	88154442	88154783	88154613	13	17	3	4.676868829	0.000552213	RPL13	ENSG00000167526
16	88194509	88194705	88194607	8	9	6	1.484720263	0.204387	DPEP1	ENSG00000015413
16	88238289	88238471	88238390	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CHMP1A	ENSG00000131165
16	88261647	88261838	88261742	10	11	0	12.47165021	0.000193293	C16orf55	ENSG00000167523
16	88299901	88300204	88300052	11	13	2	4.850086193	0.00164564	SPATA2L	ENSG00000158792
16	88511775	88512018	88511896	11	11	6	1.781664316	0.103344	MC1R	ENSG00000198211
16	88594315	88594501	88594383	10	10	2	3.810782009	0.00936112	DBNDD1	ENSG00000003249
16	88616228	88616595	88616424	8	14	8	1.73217364	0.0890835	GAS8	ENSG00000141013
16	88675929	88676153	88676019	10	12	4	2.702190879	0.0203088	PRDM7	ENSG00000126856
17	198928	199184	199056	9	11	3	3.117912553	0.0146045	RPH3AL	ENSG00000181031
17	276317	276587	276437	9	9	4	2.078608368	0.0785659	C17orf97	ENSG00000187624
17	482094	482276	482100	8	9	0	10.39304184	0.000803859	VPS53	ENSG00000141252
17	692268	692490	692319	8	10	2	3.810782009	0.00936112	NXN	ENSG00000167693
17	733400	733598	733499	8	8	5	1.558956276	0.191397	NXN	ENSG00000167693
17	846950	847323	847108	11	15	4	3.32577339	0.00462646	TIMM22	ENSG00000177370
17	1563943	1564223	1564060	12	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000199060
17	1620235	1620548	1620391	18	21	3	5.716173013	5.37E-05	SERPINF1	ENSG00000132386

17	1758879	1759074	1758960	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000212735
17	1847297	1847786	1847560	49	63	2	22.1718226	8.95E-18	DPH1	ENSG00000108963
17	1861548	1861865	1861689	12	15	6	2.375552421	0.0212094	DPH1	ENSG00000108963
17	1862031	1862303	1862167	9	11	5	2.078608368	0.0614303	DPH1	ENSG00000108963
17	1951475	1951809	1951648	19	21	7	2.858086507	0.0029864	SMG6	ENSG00000070366
17	1988887	1989070	1988978	9	9	5	1.73217364	0.133894	SMG6	ENSG00000070366
17	2020254	2020549	2020401	8	11	2	4.157216737	0.0052913	SMG6	ENSG00000070366
17	2028360	2028668	2028505	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SMG6	ENSG00000070366
17	2081871	2082058	2081956	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SMG6	ENSG00000070366
17	2196540	2196801	2196670	14	16	4	3.533634226	0.00276486	SGSM2	ENSG00000141258
17	2197761	2198161	2197909	10	15	7	2.078608368	0.038229	SGSM2	ENSG00000141258
17	2203143	2203392	2203260	10	12	1	6.755477198	0.000722752	SGSM2	ENSG00000141258
17	2266170	2266370	2266276	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000205821
17	2486174	2486363	2486266	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209044
17	2776057	2776376	2776227	12	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000203592
17	2825490	2825692	2825585	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000203592
17	2854525	2854858	2854691	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000203592
17	3413319	3413511	3413415	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TRPV3	ENSG00000167723
17	3839377	3839592	3839512	11	11	1	6.235825105	0.0013754	ATP2A3	ENSG00000074370
17	3854589	3854803	3854758	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ATP2A3	ENSG00000074370
17	4011401	4011847	4011668	13	23	1	12.47165021	4.94E-07	CYB5D2	ENSG00000167740
17	4065485	4065671	4065578	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207390
17	4069315	4069675	4069494	33	40	1	21.30573578	4.48E-12		ENSG00000207390
17	4257355	4257577	4257405	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SPNS3	ENSG00000182557
17	4263214	4263527	4263361	8	11	7	1.558956276	0.158273	SPNS3	ENSG00000182557
17	4365773	4366050	4365911	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	SPNS2	ENSG00000183018
17	4410500	4410872	4410703	11	17	0	18.70747532	2.69E-06	GGT6	ENSG00000167741
17	4429796	4430033	4429914	12	13	2	4.850086193	0.00164564	SMTNL2	ENSG00000188176
17	4581297	4581544	4581417	10	14	12	1.199197136	0.313881	MED11	ENSG00000161920
17	4581555	4581907	4581731	11	17	9	1.870747532	0.0498299	MED11	ENSG00000161920
17	4640482	4640825	4640661	12	17	3	4.676868829	0.000552213	GLTPD2	ENSG00000182327
17	4646277	4646468	4646370	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PSMB6	ENSG00000142507
17	4703854	4704205	4704029	19	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000216765
17	4781135	4781361	4781248	8	10	0	11.43234603	0.000394183	RNF167	ENSG00000108523

17	4811067	4811302	4811170	10	10	0	11.43234603	0.000394183	SPAG7	ENSG00000091640
17	5728126	5728361	5728243	8	9	6	1.484720263	0.204387	WSCD1	ENSG00000179314
17	6037053	6037319	6037197	12	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000206618
17	6056075	6056254	6056178	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000206618
17	6396100	6396450	6396275	11	15	3	4.157216737	0.00170423	PITPNM3	ENSG00000091622
17	6396477	6396717	6396597	11	11	0	12.47165021	0.000193293	PITPNM3	ENSG00000091622
17	7035619	7035841	7035708	8	8	4	1.870747532	0.118863	ASGR1	ENSG00000141505
17	7078597	7078827	7078667	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DVL2	ENSG00000004975
17	7106621	7106813	7106717	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CLDN7	ENSG00000181885
17	7151168	7151390	7151241	11	12	4	2.702190879	0.0203088	EIF5AL1	ENSG00000132507
17	7159513	7159704	7159608	9	11	4	2.494330042	0.0324033	GPS2	ENSG00000132522
17	7198456	7198674	7198565	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TMEM95	ENSG00000182896
17	7200013	7200302	7200157	9	12	3	3.377738599	0.00867157	TMEM95	ENSG00000182896
17	7327622	7327875	7327784	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ZBTB4	ENSG00000174282
17	7328077	7328656	7328394	14	27	11	2.425043097	0.00332497	POLR2A	ENSG00000181222
17	7404983	7405255	7405128	9	10	3	2.858086507	0.0242838	SENP3	ENSG00000161956
17	7417695	7417936	7417805	8	10	0	11.43234603	0.000394183	EIF4A1	ENSG00000161960
17	7427603	7428246	7428067	12	27	5	4.850086193	2.10E-05	MPDU1	ENSG00000129255
17	7458968	7459147	7459057	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FXR2	ENSG00000129245
17	7680871	7681127	7680999	10	12	10	1.228268581	0.305344	JMJD3	ENSG00000132510
17	7683360	7683601	7683513	11	11	6	1.781664316	0.103344	JMJD3	ENSG00000132510
17	7731768	7732066	7731913	8	12	9	1.35109544	0.232899	CHD3	ENSG00000170004
17	7795976	7796225	7796101	12	14	1	7.794781382	0.000197021	CNTROB	ENSG00000170037
17	7832844	7833027	7832935	8	9	0	10.39304184	0.000803859	GUCY2D	ENSG00000132518
17	7963746	7963928	7963862	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ALOXE3	ENSG00000179148
17	7982721	7983097	7982918	11	18	6	2.8209685	0.00559354	PER1	ENSG00000179094
17	7983427	7983647	7983537	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PER1	ENSG00000179094
17	8017235	8017842	8017603	22	38	16	2.38428607	0.000829296		ENSG00000200463
17	8020695	8021028	8020864	9	14	1	7.794781382	0.000197021	TMEM107	ENSG00000179029
17	8029767	8030041	8029904	9	10	7	1.429043253	0.21536	C17orf59	ENSG00000196544
17	8030269	8030509	8030389	9	11	5	2.078608368	0.0614303	C17orf59	ENSG00000196544
17	8030817	8031082	8030929	10	13	9	1.455025858	0.177172	C17orf59	ENSG00000196544
17	8031594	8031869	8031731	11	15	7	2.078608368	0.038229	C17orf59	ENSG00000196544
17	8052762	8052954	8052894	8	9	1	5.196520921	0.00490062	AURKB	ENSG00000178999

17	8065411	8065764	8065585	8	13	4	2.910051716	0.0125532	C17orf44	ENSG00000178977
17	8070103	8070326	8070251	8	9	10	0.944821986	0.553851	C17orf44	ENSG00000178977
17	8070731	8070910	8070786	8	8	6	1.336248237	0.277651	C17orf44	ENSG00000178977
17	8093050	8093245	8093220	8	10	6	1.63319229	0.146906	PFAS	ENSG00000178921
17	9143777	9143994	9143885	8	9	2	3.464347281	0.0163838	STX8	ENSG00000170310
17	9963864	9964129	9964026	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000221486
17	10049700	10050097	10049873	23	33	0	35.33634226	3.00E-11	GAS7	ENSG00000007237
17	10141256	10141501	10141384	13	15	0	16.62886695	1.12E-05	MYH13	ENSG00000006788
17	10195746	10196063	10195897	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	MYH13	ENSG00000006788
17	10581168	10581347	10581257	8	9	5	1.73217364	0.133894	TMEM220	ENSG00000187824
17	10720180	10720359	10720269	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199374
17	11986442	11987024	11986852	11	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000211589
17	12393518	12393727	12393622	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000179136
17	12862265	12862544	12862404	14	16	1	8.834085566	5.30E-05	ELAC2	ENSG00000006744
17	13019322	13019546	13019448	10	11	1	6.235825105	0.0013754	ELAC2	ENSG00000006744
17	13331602	13331790	13331696	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221698
17	15807727	15808200	15807966	30	41	3	10.91269393	2.02E-10	ADORA2B	ENSG00000170425
17	16061041	16061287	16061164	12	15	5	2.771477825	0.0105836	PIGL	ENSG00000108474
17	16282861	16283072	16282993	9	10	5	1.905391004	0.0915982	C17orf45	ENSG00000175061
17	16307861	16308145	16307998	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212381
17	16354417	16354605	16354511	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C17orf76	ENSG00000181350
17	16380936	16381205	16381050	8	8	6	1.336248237	0.277651	ZNF287	ENSG00000141040
17	17033568	17033935	17033779	20	26	1	14.03060649	6.50E-08		ENSG00000209051
17	17382698	17382885	17382765	10	11	1	6.235825105	0.0013754	PEMT	ENSG00000133027
17	17541363	17541707	17541535	9	14	3	3.897390691	0.00295882	RAI1	ENSG00000108557
17	17554903	17555232	17555067	13	15	3	4.157216737	0.00170423	RAI1	ENSG00000108557
17	17655806	17656219	17655939	11	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000207839
17	17684413	17684610	17684548	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SREBF1	ENSG00000072310
17	17851024	17851243	17851133	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000220352
17	17882573	17882808	17882743	9	12	5	2.251825733	0.0404733	ATPAF2	ENSG00000171953
17	17931745	17932155	17931924	12	21	6	3.266384579	0.0013436	DRG2	ENSG00000108591
17	18027437	18027661	18027549	8	9	7	1.29913023	0.286504	ALKBH5	ENSG00000091542
17	19597045	19597424	19597234	45	55	4	11.64020686	1.64E-13		ENSG00000219014
17	19597714	19598057	19597885	11	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000219014

17	19802017	19802298	19802149	14	16	4	3.533634226	0.00276486	AKAP10	ENSG00000108599
17	19830756	19831172	19830935	21	29	0	31.17912553	5.19E-10	AKAP10	ENSG00000108599
17	20067785	20068030	20067907	8	11	0	12.47165021	0.000193293	SPECC1	ENSG00000128487
17	20752630	20752843	20752736	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000205212
17	20942752	20942933	20942887	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DHRS7B	ENSG00000109016
17	20963536	20963790	20963663	8	11	1	6.235825105	0.0013754	DHRS7B	ENSG00000109016
17	20970581	20971025	20970740	9	15	3	4.157216737	0.00170423	DHRS7B	ENSG00000109016
17	21149953	21150132	21150042	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MAP2K3	ENSG00000034152
17	21164420	21164705	21164562	8	12	3	3.377738599	0.00867157	MAP2K3	ENSG00000034152
17	21180373	21180586	21180499	12	13	2	4.850086193	0.00164564	MAP2K3	ENSG00000034152
17	21240052	21240561	21240298	17	33	6	5.048048895	2.40E-06	KCNJ12	ENSG00000184185
17	21944681	21945026	21944853	54	54	85	0.664671281	0.991843		ENSG00000209244
17	22289016	22289421	22289195	12	19	12	1.598929514	0.0887417		ENSG00000210006
17	22592876	22593090	22592983	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000213664
17	22682361	22682718	22682539	41	46	0	48.84729666	2.85E-15	WSB1	ENSG00000109046
17	22683628	22683918	22683733	12	17	0	18.70747532	2.69E-06	WSB1	ENSG00000109046
17	23225102	23225308	23225205	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000205191
17	23633796	23634150	23633973	22	26	1	14.03060649	6.50E-08		ENSG00000203478
17	23686576	23686765	23686670	8	9	4	2.078608368	0.0785659	IFT20	ENSG00000109083
17	23849146	23849371	23849260	12	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000203466
17	23876548	23876732	23876640	9	9	3	2.598260461	0.0397929	FOXN1	ENSG00000109101
17	24076618	24076901	24076743	12	15	4	3.32577339	0.00462646	TLCD1	ENSG00000160606
17	24080067	24080361	24080206	8	12	5	2.251825733	0.0404733	NEK8	ENSG00000160602
17	24094120	24094759	24094334	117	155	4	32.42629055	9.56E-43	TRAF4	ENSG00000076604
17	24205751	24205988	24205869	9	11	6	1.781664316	0.103344	ERAL1	ENSG00000132591
17	24230262	24230441	24230351	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000207618
17	24253537	24253743	24253598	9	9	2	3.464347281	0.0163838	DHRS13	ENSG00000167536
17	24300073	24300377	24300239	9	12	3	3.377738599	0.00867157	PHF12	ENSG00000109118
17	24300425	24300646	24300535	8	11	3	3.117912553	0.0146045	PHF12	ENSG00000109118
17	24302884	24303173	24303051	9	11	6	1.781664316	0.103344	PHF12	ENSG00000109118
17	24303538	24303814	24303664	11	13	13	1.039304184	0.45974	PHF12	ENSG00000109118
17	24467389	24467568	24467483	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TIAF1	ENSG00000221995
17	24502779	24502988	24502865	8	8	6	1.336248237	0.277651	MYO18A	ENSG00000196535
17	24943079	24943391	24943235	10	12	2	4.503651465	0.002963	ANKRD13B	ENSG00000198720

17	25355177	25355418	25355311	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000207011
17	25391823	25392168	25391995	8	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000207011
17	25588028	25588208	25588101	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC6A4	ENSG00000108576
17	25823706	25823913	25823782	9	9	0	10.39304184	0.000803859	GOSR1	ENSG00000108587
17	26423307	26423665	26423486	37	42	2	14.89669331	1.32E-11	NF1	ENSG00000196712
17	26625452	26625745	26625603	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000210267
17	26917766	26918055	26917925	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000221038
17	27508317	27508675	27508496	11	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000214708
17	28173777	28174129	28173956	19	23	19	1.247165021	0.230782		ENSG00000201178
17	28934580	28934979	28934854	17	23	0	24.94330042	3.74E-08	ACCN1	ENSG00000108684
17	29557798	29558194	29558015	20	29	1	15.58956276	8.46E-09	CCL2	ENSG00000108691
17	30502096	30502618	30502297	78	115	99	1.205592854	0.0847006	UNC45B	ENSG00000141161
17	30510765	30511028	30510896	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	UNC45B	ENSG00000141161
17	32351222	32351475	32351392	11	12	2	4.503651465	0.002963	LHX1	ENSG00000132130
17	32357575	32357852	32357713	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LHX1	ENSG00000132130
17	32925537	32925716	32925626	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DUSP14	ENSG00000161326
17	33729882	33730176	33730029	11	16	3	4.417042783	0.00097367	GPR179	ENSG00000188888
17	34027735	34027914	34027761	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000017373
17	34103627	34103806	34103752	8	9	0	10.39304184	0.000803859	MLLT6	ENSG00000108292
17	34162351	34162595	34162526	10	13	4	2.910051716	0.0125532	PSMB3	ENSG00000108294
17	34281288	34281498	34281395	8	9	1	5.196520921	0.00490062	LASP1	ENSG00000002834
17	34456399	34456999	34456655	244	295	5	51.27233976	1.72E-83		ENSG00000214553
17	34562747	34563042	34562894	9	13	5	2.425043097	0.0262442	PLXDC1	ENSG00000161381
17	35031809	35032015	35031905	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000214546
17	35073096	35073298	35073197	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TCAP	ENSG00000173991
17	35113234	35113541	35113382	9	12	4	2.702190879	0.0203088	ERBB2	ENSG00000141736
17	35159820	35160259	35159993	18	25	0	27.02190879	8.98E-09	GRB7	ENSG00000141738
17	35222237	35222565	35222401	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000218970
17	35282601	35282858	35282729	10	10	5	1.905391004	0.0915982	ZBPB2	ENSG00000186075
17	35390456	35390635	35390509	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PSMD3	ENSG00000108344
17	35485390	35485594	35485529	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210504
17	35604130	35604323	35604237	9	9	0	10.39304184	0.000803859	RAPGEFL1	ENSG00000108352
17	35721436	35721660	35721539	10	12	3	3.377738599	0.00867157	RARA	ENSG00000131759
17	35724330	35724756	35724490	11	19	1	10.39304184	7.23E-06	RARA	ENSG00000131759

17	35732248	35732469	35732366	9	11	6	1.781664316	0.103344	RARA	ENSG00000131759
17	35881104	35881399	35881281	9	12	1	6.755477198	0.000722752	TNS4	ENSG00000131746
17	35911207	35911398	35911285	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TNS4	ENSG00000131746
17	35943186	35943396	35943283	8	11	4	2.494330042	0.0324033	TNS4	ENSG00000131746
17	35947778	35948135	35947956	20	26	2	9.353737658	4.98E-07	CCR7	ENSG00000126353
17	35957336	35957606	35957476	14	15	2	5.542955649	0.000497081	CCR7	ENSG00000126353
17	35992022	35992440	35992261	23	31	2	11.0859113	1.93E-08	CCR7	ENSG00000126353
17	36025428	36025738	36025583	10	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000198587
17	36027693	36027933	36027829	9	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000198587
17	36104473	36104687	36104580	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000220264
17	36106479	36106658	36106568	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KRT24	ENSG00000167916
17	36129683	36129877	36129780	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KRT24	ENSG00000167916
17	36320275	36320474	36320355	9	9	9	1.039304184	0.466079	KRT20	ENSG00000171431
17	36419180	36419402	36419291	8	10	5	1.905391004	0.0915982	KRTAP3-1	ENSG00000213418
17	36732693	36732872	36732729	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212732
17	36929330	36929730	36929502	12	20	7	2.728173484	0.00469378	KRT15	ENSG00000171346
17	36932617	36932806	36932711	10	10	2	3.810782009	0.00936112	KRT15	ENSG00000171346
17	36940062	36940299	36940202	9	10	4	2.286469205	0.0509017	KRT19	ENSG00000171345
17	36945785	36946141	36945963	23	29	3	7.794781382	4.12E-07	KRT19	ENSG00000171345
17	36949126	36949355	36949260	9	10	4	2.286469205	0.0509017	KRT19	ENSG00000171345
17	36950194	36950373	36950283	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KRT19	ENSG00000171345
17	36958949	36959325	36959118	12	18	2	6.582259834	7.91E-05	KRT19	ENSG00000171345
17	37055563	37055777	37055670	9	10	6	1.63319229	0.146906	KRT42P	ENSG00000214514
17	37181997	37182396	37182176	12	19	5	3.464347281	0.00150447	JUP	ENSG00000173801
17	37187358	37187618	37187510	10	12	11	1.125912866	0.382541	JUP	ENSG00000173801
17	37202990	37203217	37203126	11	12	7	1.688869299	0.11395	JUP	ENSG00000173801
17	37211377	37211566	37211501	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000141696
17	37425352	37425608	37425473	8	10	2	3.810782009	0.00936112	NKIRAS2	ENSG00000168256
17	37457033	37457215	37457124	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNF385C	ENSG00000187595
17	37728317	37728655	37728486	9	15	4	3.32577339	0.00462646	STAT5A	ENSG00000126561
17	37792898	37793098	37793003	8	9	1	5.196520921	0.00490062	STAT3	ENSG00000168610
17	37813108	37813300	37813204	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221020
17	38014666	38014896	38014809	9	11	3	3.117912553	0.0146045	FAM134C	ENSG00000141699
17	38073028	38073389	38073207	10	17	3	4.676868829	0.000552213	TUBG2	ENSG00000037042

17	38178801	38179116	38178937	11	15	7	2.078608368	0.038229	VPS25	ENSG00000131475
17	38247111	38247338	38247224	9	9	2	3.464347281	0.0163838	AOC2	ENSG00000131480
17	38369981	38370213	38370100	10	11	5	2.078608368	0.0614303	AARSD1	ENSG00000108825
17	38403657	38403890	38403773	9	11	4	2.494330042	0.0324033	RPL27	ENSG00000131469
17	38737151	38737990	38737351	17	54	45	1.242646307	0.137202	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38748695	38748973	38748834	10	13	23	0.606260774	0.937372	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38755556	38756835	38756004	22	78	90	0.902253083	0.749269	TMEM106A	ENSG00000184988
17	38793847	38794310	38794177	21	30	13	2.301316408	0.00328017		ENSG00000210609
17	38800580	38801101	38800759	10	22	12	1.838768941	0.0349935		ENSG00000210609
17	38819021	38819393	38819185	12	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000222944
17	38821431	38822104	38821610	15	35	30	1.206933891	0.220031		ENSG00000204733
17	38953554	38953790	38953673	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ETV4	ENSG00000175832
17	38980977	38981190	38981042	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ETV4	ENSG00000175832
17	39193377	39193568	39193472	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SOST	ENSG00000167941
17	39255597	39255776	39255650	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MPP3	ENSG00000161647
17	39272674	39273103	39272936	14	22	4	4.780799247	0.00010647	MPP3	ENSG00000161647
17	39305127	39305586	39305373	62	80	1	42.09181946	3.61E-24	CD300LG	ENSG00000161649
17	39447744	39448056	39447900	11	17	4	3.741495063	0.00163722	TMEM101	ENSG00000091947
17	39503264	39503706	39503443	9	17	5	3.117912553	0.00407023	G6PC3	ENSG00000141349
17	39585622	39586141	39585963	41	54	0	57.16173013	9.52E-18	C17orf53	ENSG00000125319
17	39626495	39626772	39626633	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ATXN7L3	ENSG00000087152
17	39655559	39655917	39655764	11	16	9	1.766817113	0.0700694	UBTF	ENSG00000108312
17	39818089	39818334	39818238	10	12	3	3.377738599	0.00867157	ITGA2B	ENSG00000005961
17	40362535	40362726	40362630	8	9	2	3.464347281	0.0163838	KIF18B	ENSG00000186185
17	40480162	40480428	40480262	17	20	2	7.27512929	2.27E-05	DCAKD	ENSG00000172992
17	40483433	40483688	40483549	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DCAKD	ENSG00000172992
17	40493644	40493855	40493766	10	12	1	6.755477198	0.000722752	DCAKD	ENSG00000172992
17	40560384	40560769	40560607	16	21	1	11.43234603	1.90E-06	PLCD3	ENSG00000161714
17	40565560	40565829	40565694	9	11	1	6.235825105	0.0013754	PLCD3	ENSG00000161714
17	40568211	40568496	40568353	10	13	5	2.425043097	0.0262442	ACBD4	ENSG00000181513
17	40580910	40581169	40581061	11	12	5	2.251825733	0.0404733	HEXIM1	ENSG00000186834
17	40581174	40581356	40581240	8	10	0	11.43234603	0.000394183	HEXIM1	ENSG00000186834
17	40581511	40581819	40581665	10	14	4	3.117912553	0.00766354	HEXIM1	ENSG00000186834
17	40717326	40717570	40717454	9	10	3	2.858086507	0.0242838	MAP3K14	ENSG00000006062

17	40752533	40752807	40752701	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MAP3K14	ENSG00000006062
17	41081891	41082109	41082021	9	11	2	4.157216737	0.0052913	C17orf69	ENSG00000167159
17	41646053	41646369	41646211	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000207064
17	42349856	42350076	42350015	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210709
17	42355275	42355456	42355361	8	10	7	1.429043253	0.21536	GOSR2	ENSG00000108433
17	42532568	42532831	42532699	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000221016
17	42567778	42568310	42568141	20	41	32	1.32275078	0.112657		ENSG00000221016
17	42568486	42569316	42568934	38	73	88	0.864140558	0.824653		ENSG00000221016
17	42569389	42569865	42569568	40	50	67	0.779478138	0.912636		ENSG00000221016
17	42571094	42571305	42571188	13	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000221016
17	42574093	42574429	42574261	22	22	27	0.853714151	0.715539		ENSG00000221016
17	42576116	42576442	42576279	13	13	14	0.970017239	0.534076		ENSG00000221016
17	42590429	42590811	42590605	18	22	24	0.956159849	0.562938	CDC27	ENSG00000004897
17	42604172	42604497	42604334	15	15	27	0.593888105	0.956572	CDC27	ENSG00000004897
17	42613787	42613983	42613958	11	11	25	0.479678854	0.986393	CDC27	ENSG00000004897
17	42621378	42621612	42621495	14	16	11	1.472347594	0.147517	CDC27	ENSG00000004897
17	43153328	43153515	43153421	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TBX21	ENSG00000073861
17	43243208	43243412	43243347	8	9	3	2.598260461	0.0397929	OSBPL7	ENSG00000006025
17	43379280	43379669	43379459	8	14	6	2.227080395	0.0322529	PNPO	ENSG00000108439
17	43450602	43450793	43450697	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207947
17	43480218	43480449	43480327	10	11	4	2.494330042	0.0324033	NFE2L1	ENSG00000082641
17	43991485	43991672	43991591	8	8	1	4.676868829	0.0091584	HOXB2	ENSG00000173917
17	44110934	44111372	44111108	22	30	2	10.73947657	3.71E-08	C17orf92	ENSG00000159182
17	44340439	44340705	44340560	8	10	4	2.286469205	0.0509017	UBE2Z	ENSG00000159202
17	44533727	44534096	44533917	9	16	1	8.834085566	5.30E-05	B4GALNT2	ENSG00000167080
17	44624861	44625114	44625020	9	11	7	1.558956276	0.158273	GNGT2	ENSG00000167083
17	44658255	44658486	44658394	8	10	0	11.43234603	0.000394183	PHOSPHO1	ENSG00000173868
17	44940703	44940982	44940839	9	11	10	1.133786383	0.380636	NGFR	ENSG00000064300
17	45140650	45140917	45140783	15	15	4	3.32577339	0.00462646	SLC35B1	ENSG00000121073
17	45220796	45221015	45220850	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MYST2	ENSG00000136504
17	45319554	45319953	45319733	16	24	2	8.660868202	1.80E-06	TAC4	ENSG00000176358
17	45494762	45495387	45495023	29	45	6	6.829713211	2.35E-09	ITGA3	ENSG00000005884
17	45564012	45564278	45564109	8	10	2	3.810782009	0.00936112	SAMD14	ENSG00000167100
17	45584453	45584714	45584572	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PPP1R9B	ENSG00000108819

17	45610818	45611125	45610960	9	13	4	2.910051716	0.0125532	HILS1	ENSG00000188662
17	45713678	45713857	45713767	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TMEM92	ENSG00000167105
17	45803906	45804463	45804143	52	69	8	8.083476989	2.59E-14	MRPL27	ENSG00000108826
17	45805353	45805586	45805506	11	11	5	2.078608368	0.0614303	MRPL27	ENSG00000108826
17	45914967	45915183	45915086	8	10	2	3.810782009	0.00936112	RSAD1	ENSG00000136444
17	45966726	45966990	45966858	11	13	1	7.27512929	0.000378098	EPN3	ENSG00000049283
17	46140352	46140604	46140471	10	13	8	1.616695398	0.123553	ANKRD40	ENSG00000154945
17	46215643	46215822	46215732	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C17orf73	ENSG00000167117
17	46219406	46219803	46219624	18	29	2	10.39304184	7.12E-08	C17orf73	ENSG00000167117
17	46238142	46238510	46238321	12	18	0	19.7467795	1.32E-06	WFIKKN2	ENSG00000173714
17	46300178	46300536	46300357	10	14	4	3.117912553	0.00766354	TOB1	ENSG00000141232
17	46336861	46337294	46337022	13	19	8	2.309564854	0.0138337	TOB1	ENSG00000141232
17	46381377	46381629	46381503	8	10	0	11.43234603	0.000394183	TOB1	ENSG00000141232
17	46381865	46382269	46382067	33	44	5	7.794781382	9.60E-10	TOB1	ENSG00000141232
17	46386408	46387159	46386795	106	140	4	29.308378	2.83E-38	TOB1	ENSG00000141232
17	46585547	46586354	46586011	12	38	14	2.702190879	0.00024101	NME2	ENSG0000011052
17	47040664	47040890	47040802	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000187504
17	47046339	47046625	47046477	17	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000187504
17	47139575	47139786	47139731	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000187504
17	49742019	49742350	49742184	11	12	5	2.251825733	0.0404733	KIF2B	ENSG00000141200
17	50401050	50401240	50401145	10	11	3	3.117912553	0.0146045	STXBP4	ENSG00000166263
17	50741256	50741660	50741311	8	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000204772
17	50865605	50865899	50865750	8	11	6	1.781664316	0.103344	MMD	ENSG00000108960
17	51604996	51605251	51605123	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ANKFN1	ENSG00000153930
17	51655197	51655421	51655309	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ANKFN1	ENSG00000153930
17	51791951	51792140	51792033	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ANKFN1	ENSG00000153930
17	51911296	51911482	51911465	9	10	4	2.286469205	0.0509017	NOG	ENSG00000183691
17	52109254	52109444	52109426	8	10	5	1.905391004	0.0915982	NOG	ENSG00000183691
17	52149823	52150278	52150059	43	55	4	11.64020686	1.64E-13	C17orf67	ENSG00000214226
17	52319021	52319200	52319171	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212469
17	52519365	52519660	52519495	8	9	4	2.078608368	0.0785659	AKAP1	ENSG00000121057
17	52546412	52546687	52546549	8	10	5	1.905391004	0.0915982	AKAP1	ENSG00000121057
17	52599042	52599321	52599174	13	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000210853
17	52628583	52628893	52628738	10	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000210853

17	52685473	52685689	52685581	9	11	1	6.235825105	0.0013754	MSI2	ENSG00000153944
17	52685738	52685981	52685836	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MSI2	ENSG00000153944
17	52767869	52768060	52767964	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000197862
17	52775341	52775610	52775475	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000197862
17	52788691	52788966	52788793	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000197862
17	52789979	52790238	52790108	12	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000197862
17	52790455	52790765	52790601	18	22	9	2.390399624	0.00747467		ENSG00000197862
17	52802361	52802747	52802534	10	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000197862
17	52804582	52804811	52804696	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000197862
17	52808077	52808871	52808372	13	36	10	3.495841347	2.87E-05		ENSG00000197862
17	52816584	52816845	52816732	11	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000197862
17	52829171	52829404	52829299	11	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000197862
17	52840301	52840515	52840462	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000197862
17	52840603	52840878	52840748	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000197862
17	52877389	52877810	52877655	8	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000197862
17	52890940	52891200	52891092	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000210857
17	52956016	52956249	52956132	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000210857
17	52956300	52957044	52956517	155	210	4	43.85863657	2.98E-59		ENSG00000210857
17	53015354	53015627	53015479	13	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000210857
17	53163848	53164027	53163932	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000166329
17	53282303	53282874	53282576	16	33	15	2.208521392	0.00315413	MRPS23	ENSG00000181610
17	53290307	53290554	53290464	9	11	3	3.117912553	0.0146045	MRPS23	ENSG00000181610
17	53332141	53332528	53332349	9	16	10	1.606197376	0.104477	CUEDC1	ENSG00000180891
17	53333551	53334283	53333967	62	95	8	11.0859113	2.48E-21	CUEDC1	ENSG00000180891
17	53390234	53390425	53390330	9	11	1	6.235825105	0.0013754	CUEDC1	ENSG00000180891
17	53420967	53421205	53421066	8	9	12	0.799464757	0.707717	VEZF1	ENSG00000136451
17	53439752	53440044	53439924	10	15	3	4.157216737	0.00170423	SFRS1	ENSG00000136450
17	53455351	53455666	53455502	11	15	10	1.511715177	0.140236	SFRS1	ENSG00000136450
17	53525403	53525706	53525549	16	20	3	5.456346967	9.70E-05	DYNLL2	ENSG00000121083
17	53545451	53545736	53545586	9	12	8	1.501217155	0.168286	DYNLL2	ENSG00000121083
17	53651095	53651329	53651221	8	11	7	1.558956276	0.158273	MKS1	ENSG00000011143
17	53651549	53651809	53651684	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MKS1	ENSG00000011143
17	53784283	53784666	53784524	10	16	7	2.208521392	0.0257604	SUPT4H1	ENSG00000213246
17	53820116	53820694	53820295	31	45	13	3.414856605	4.95E-06	RNF43	ENSG00000108375

17	53821037	53821379	53821208	8	12	9	1.35109544	0.232899	RNF43	ENSG00000108375
17	53823762	53824175	53824008	18	24	10	2.362054964	0.00608507	RNF43	ENSG00000108375
17	53825116	53825348	53825271	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RNF43	ENSG00000108375
17	53849741	53850262	53850013	15	28	16	1.772930667	0.02708	RNF43	ENSG00000108375
17	53946424	53946742	53946583	9	12	8	1.501217155	0.168286	MTMR4	ENSG00000108389
17	53949946	53950206	53950076	9	11	4	2.494330042	0.0324033	MTMR4	ENSG00000108389
17	53950550	53950896	53950778	9	13	10	1.32275078	0.240023	MTMR4	ENSG00000108389
17	53951064	53951316	53951190	10	11	7	1.558956276	0.158273	MTMR4	ENSG00000108389
17	53951393	53951645	53951519	8	10	2	3.810782009	0.00936112	MTMR4	ENSG00000108389
17	53976767	53976988	53976860	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C17orf47	ENSG00000181013
17	53992652	53992888	53992762	8	10	5	1.905391004	0.0915982	C17orf47	ENSG00000181013
17	53993004	53993258	53993108	8	10	4	2.286469205	0.0509017	C17orf47	ENSG00000181013
17	53993661	53993865	53993815	10	12	6	1.930136342	0.071303	C17orf47	ENSG00000181013
17	53997451	53997762	53997606	9	13	9	1.455025858	0.177172	C17orf47	ENSG00000181013
17	53998455	53998868	53998582	12	17	9	1.870747532	0.0498299	C17orf47	ENSG00000181013
17	54000884	54001250	54000960	8	14	13	1.113540197	0.385405	C17orf47	ENSG00000181013
17	54001521	54001824	54001659	11	15	10	1.511715177	0.140236	C17orf47	ENSG00000181013
17	54003777	54003967	54003899	8	9	5	1.73217364	0.133894	C17orf47	ENSG00000181013
17	54007104	54007479	54007283	8	15	13	1.187776211	0.317363	C17orf47	ENSG00000181013
17	54007916	54008279	54008058	8	14	20	0.742360132	0.815839	C17orf47	ENSG00000181013
17	54009394	54009573	54009466	8	8	8	1.039304184	0.46786	C17orf47	ENSG00000181013
17	54009977	54010335	54010156	20	23	9	2.494330042	0.00494866	C17orf47	ENSG00000181013
17	54010411	54010681	54010546	9	11	16	0.733626483	0.800067	C17orf47	ENSG00000181013
17	54011044	54011252	54011115	8	9	5	1.73217364	0.133894	C17orf47	ENSG00000181013
17	54012232	54012451	54012318	8	9	11	0.86608682	0.635181	C17orf47	ENSG00000181013
17	54014142	54014547	54014253	8	14	16	0.917033104	0.598778	C17orf47	ENSG00000181013
17	54019139	54019351	54019245	9	12	5	2.251825733	0.0404733	C17orf47	ENSG00000181013
17	54019908	54020442	54020200	15	31	21	1.511715177	0.0647459	C17orf47	ENSG00000181013
17	54025502	54025709	54025605	8	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000212195
17	54027656	54028173	54027929	10	23	21	1.133786383	0.33446		ENSG00000212195
17	54030053	54030278	54030167	9	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000212195
17	54031248	54031585	54031416	8	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000212195
17	54038571	54038824	54038747	9	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000212195
17	54039512	54039865	54039686	8	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000212195

17	54041077	54041348	54041230	12	13	17	0.808347699	0.728863	ENSG00000212195
17	54044226	54044449	54044365	8	9	19	0.519652092	0.96137	ENSG00000212195
17	54048293	54048592	54048464	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000212195
17	54049743	54050057	54049900	8	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000212195
17	54053725	54053959	54053842	8	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000212195
17	54059320	54059663	54059489	11	16	21	0.803098688	0.755224	ENSG00000212195
17	54060416	54060789	54060649	14	19	11	1.73217364	0.0607469	ENSG00000212195
17	54061297	54061500	54061419	13	14	11	1.29913023	0.246308	ENSG00000212195
17	54062593	54063271	54062901	11	31	24	1.330309356	0.140086	ENSG00000212195
17	54063312	54064912	54064068	118	311	193	1.671458276	5.78E-09	ENSG00000212195
17	54064942	54065123	54065032	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000212195
17	54065284	54066028	54065749	15	39	37	1.094004404	0.345548	ENSG00000212195
17	54066742	54067122	54066943	15	21	26	0.846840446	0.721382	ENSG00000212195
17	54068495	54069020	54068841	11	21	16	1.344981885	0.176214	ENSG00000212195
17	54069596	54070077	54069770	14	24	20	1.237266886	0.234075	ENSG00000212195
17	54070535	54070775	54070655	10	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212195
17	54071910	54072529	54072220	60	85	44	1.986225774	6.08E-05	ENSG00000212195
17	54072562	54073504	54072741	20	66	49	1.392667607	0.036902	ENSG00000212195
17	54074186	54074463	54074331	10	13	20	0.692869456	0.861903	ENSG00000212195
17	54074537	54074894	54074715	11	17	22	0.813368492	0.747743	ENSG00000212195
17	54075100	54075935	54075668	18	47	33	1.467252966	0.0416852	ENSG00000212195
17	54076604	54076816	54076737	10	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212195
17	54078544	54078997	54078723	16	28	23	1.255825889	0.202607	ENSG00000202077
17	54079080	54079279	54079201	10	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000202077
17	54080633	54080887	54080771	9	10	15	0.714521627	0.810948	ENSG00000202077
17	54080960	54081161	54081060	9	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000202077
17	54081692	54081938	54081801	10	12	15	0.84443465	0.678289	ENSG00000202077
17	54083220	54083399	54083309	8	8	16	0.550219862	0.934723	ENSG00000202077
17	54083566	54084527	54083816	15	45	35	1.327999791	0.0993631	ENSG00000202077
17	54085985	54086264	54086097	8	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000202077
17	54090976	54092517	54091590	127	340	156	2.257342209	8.44E-19	ENSG00000202077
17	54092827	54093104	54092964	11	16	15	1.104260696	0.387363	ENSG00000202077
17	54093576	54093781	54093738	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000202077
17	54093802	54094169	54093981	12	19	12	1.598929514	0.0887417	ENSG00000202077

17	54094176	54094543	54094355	8	15	11	1.385738912	0.19225	ENSG00000202077
17	54094753	54095127	54094912	10	16	12	1.359090087	0.198699	ENSG00000202077
17	54096329	54098122	54097447	15	83	68	1.265239876	0.0728551	ENSG00000199426
17	54099458	54099890	54099713	14	21	18	1.203404845	0.275531	ENSG00000199426
17	54100166	54101445	54100458	22	73	31	2.403390926	6.85E-06	ENSG00000199426
17	54102220	54102443	54102272	10	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000199426
17	54102580	54102888	54102734	8	11	24	0.498866008	0.980815	ENSG00000199426
17	54103633	54104297	54103889	15	39	22	1.807485538	0.0101335	ENSG00000199426
17	54105353	54105601	54105491	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000206917
17	54109502	54109904	54109646	10	20	22	0.948929907	0.57038	ENSG00000206917
17	54110014	54110225	54110093	9	10	22	0.497058523	0.977096	ENSG00000206917
17	54110395	54110625	54110510	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000206917
17	54111442	54112411	54111970	36	88	83	1.101167529	0.262962	ENSG00000200997
17	54112472	54112787	54112638	11	15	23	0.692869456	0.877389	ENSG00000200997
17	54114090	54114375	54114222	8	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000200997
17	54114902	54115277	54115048	13	20	16	1.283846345	0.219275	ENSG00000200997
17	54118526	54119641	54119112	17	63	59	1.10859113	0.282764	TEX14 ENSG00000121101
17	54119669	54120322	54119947	14	34	23	1.515651935	0.0555079	TEX14 ENSG00000121101
17	54120658	54121067	54120790	11	19	22	0.903742769	0.631776	TEX14 ENSG00000121101
17	54121955	54122251	54122121	13	15	17	0.923825942	0.593214	TEX14 ENSG00000121101
17	54124126	54124478	54124302	10	16	16	1.039304184	0.455583	TEX14 ENSG00000121101
17	54124516	54126517	54125806	128	377	149	2.619046544	3.06E-26	RAD51C ENSG00000108384
17	54126714	54126960	54126837	8	12	9	1.35109544	0.232899	RAD51C ENSG00000108384
17	54127130	54127651	54127337	11	26	27	1.002186178	0.497439	RAD51C ENSG00000108384
17	54128736	54129609	54129430	16	37	43	0.897580886	0.688768	RAD51C ENSG00000108384
17	54129797	54130045	54129937	9	11	10	1.133786383	0.380636	RAD51C ENSG00000108384
17	54131637	54132106	54131927	9	19	13	1.484720263	0.123861	RAD51C ENSG00000108384
17	54132483	54132704	54132629	8	9	7	1.29913023	0.286504	RAD51C ENSG00000108384
17	54134331	54134781	54134510	10	18	18	1.039304184	0.453018	RAD51C ENSG00000108384
17	54135515	54135889	54135694	11	18	12	1.518983039	0.117837	RAD51C ENSG00000108384
17	54138835	54139161	54139013	13	18	9	1.97467795	0.0349428	RAD51C ENSG00000108384
17	54139251	54139662	54139409	10	16	15	1.104260696	0.387363	RAD51C ENSG00000108384
17	54141159	54141375	54141267	8	9	13	0.742360132	0.770276	RAD51C ENSG00000108384
17	54142519	54142719	54142571	8	9	5	1.73217364	0.133894	RAD51C ENSG00000108384

17	54142912	54143192	54143085	11	13	17	0.808347699	0.728863	RAD51C	ENSG00000108384
17	54143410	54143682	54143570	14	17	16	1.100439724	0.388093	RAD51C	ENSG00000108384
17	54147271	54147615	54147443	9	14	9	1.558956276	0.132279	RAD51C	ENSG00000108384
17	54147752	54147951	54147868	8	8	8	1.039304184	0.46786	RAD51C	ENSG00000108384
17	54150110	54150328	54150266	9	11	15	0.779478138	0.747877	RAD51C	ENSG00000108384
17	54150723	54151233	54150967	11	20	16	1.283846345	0.219275	RAD51C	ENSG00000108384
17	54152980	54153372	54153112	11	18	11	1.645564958	0.0828462	RAD51C	ENSG00000108384
17	54156299	54156782	54156540	9	19	22	0.903742769	0.631776	RAD51C	ENSG00000108384
17	54156821	54157274	54157095	11	20	13	1.558956276	0.0943292	PPM1E	ENSG00000175175
17	54157482	54157999	54157661	11	21	21	1.039304184	0.449418	PPM1E	ENSG00000175175
17	54158236	54158415	54158329	8	8	4	1.870747532	0.118863	PPM1E	ENSG00000175175
17	54162236	54162486	54162347	8	11	13	0.890832158	0.618492	PPM1E	ENSG00000175175
17	54162765	54163125	54162963	13	19	5	3.464347281	0.00150447	PPM1E	ENSG00000175175
17	54170898	54171122	54171017	8	10	4	2.286469205	0.0509017	PPM1E	ENSG00000175175
17	54171845	54172094	54172003	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PPM1E	ENSG00000175175
17	54173407	54174052	54173560	13	27	28	1.003466109	0.495433	PPM1E	ENSG00000175175
17	54180127	54180466	54180296	11	16	13	1.262012224	0.256887	PPM1E	ENSG00000175175
17	54183583	54183826	54183749	12	14	13	1.113540197	0.385405	PPM1E	ENSG00000175175
17	54185151	54185940	54185299	15	35	21	1.700679574	0.0223996	PPM1E	ENSG00000175175
17	54187284	54187524	54187404	8	10	3	2.858086507	0.0242838	PPM1E	ENSG00000175175
17	54187754	54188148	54187933	11	20	17	1.212521548	0.272468	PPM1E	ENSG00000175175
17	54188235	54188658	54188387	14	21	13	1.63319229	0.0708832	PPM1E	ENSG00000175175
17	54189047	54189792	54189370	19	45	34	1.365942642	0.0802807	PPM1E	ENSG00000175175
17	54189935	54190174	54190097	10	12	12	1.039304184	0.461227	PPM1E	ENSG00000175175
17	54192347	54192757	54192526	13	21	19	1.143234603	0.33145	PPM1E	ENSG00000175175
17	54192880	54193168	54193030	8	13	23	0.606260774	0.937372	PPM1E	ENSG00000175175
17	54193326	54193727	54193548	9	16	14	1.177878075	0.320433	PPM1E	ENSG00000175175
17	54195439	54196188	54195972	20	46	33	1.436685196	0.0517913	PPM1E	ENSG00000175175
17	54199718	54199957	54199837	9	9	6	1.484720263	0.204387	PPM1E	ENSG00000175175
17	54204893	54205189	54205039	8	10	7	1.429043253	0.21536	PPM1E	ENSG00000175175
17	54207355	54207567	54207438	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PPM1E	ENSG00000175175
17	54209486	54209776	54209543	9	13	9	1.455025858	0.177172	PPM1E	ENSG00000175175
17	54215772	54216039	54215901	14	16	9	1.766817113	0.0700694	PPM1E	ENSG00000175175
17	54221851	54222087	54221969	9	12	14	0.900730293	0.611333	PPM1E	ENSG00000175175

17	54222287	54222540	54222413	8	10	14	0.762156402	0.758589	PPM1E	ENSG00000175175
17	54222803	54223099	54222922	8	11	11	1.039304184	0.462773	PPM1E	ENSG00000175175
17	54237300	54237487	54237376	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000210940
17	54242848	54243027	54242937	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000210940
17	54246120	54246433	54246276	9	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000210940
17	54254812	54255327	54254991	10	20	15	1.364086742	0.171319		ENSG00000210940
17	54255610	54255789	54255699	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000210940
17	54263855	54264116	54263985	9	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000210940
17	54265484	54265785	54265615	10	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000210940
17	54287092	54287290	54287191	8	9	11	0.86608682	0.635181		ENSG00000210940
17	54292209	54292492	54292350	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000210940
17	54297961	54298194	54298077	12	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000210940
17	54298697	54299097	54298876	16	23	18	1.312805285	0.185024		ENSG00000210940
17	54301763	54302032	54301871	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000210940
17	54302310	54302503	54302359	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000210940
17	54302960	54303320	54303154	14	19	17	1.154782427	0.327751		ENSG00000210940
17	54304491	54304718	54304581	9	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000210940
17	54304896	54305166	54305005	9	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000210940
17	54306077	54306472	54306217	8	15	13	1.187776211	0.317363		ENSG00000210940
17	54310057	54310301	54310207	10	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000210940
17	54316340	54316704	54316519	11	17	21	0.850339787	0.697991		ENSG00000210940
17	54317640	54318279	54317977	11	30	22	1.400801292	0.107495		ENSG00000210940
17	54318991	54319179	54319085	8	8	11	0.779478138	0.719708		ENSG00000210940
17	54319695	54319950	54319822	8	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000210940
17	54320045	54320315	54320174	14	15	13	1.187776211	0.317363		ENSG00000210940
17	54326439	54326719	54326579	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000210952
17	54333063	54333312	54333219	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000210952
17	54334392	54334821	54334642	9	17	12	1.439036563	0.154203		ENSG00000210952
17	54335453	54335646	54335521	11	12	17	0.750608578	0.78992		ENSG00000210952
17	54341640	54341857	54341717	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000210952
17	54342694	54343021	54342857	8	12	13	0.965068171	0.538344		ENSG00000210952
17	54343147	54343474	54343317	10	13	12	1.11925066	0.384109		ENSG00000210952
17	54343888	54344561	54344379	25	44	16	2.751099311	7.34E-05		ENSG00000210952
17	54344879	54345065	54344907	10	11	11	1.039304184	0.462773		ENSG00000210952

17	54345529	54345956	54345777	15	27	16	1.711795127	0.0365811	ENSG00000210952
17	54346432	54346611	54346541	8	8	18	0.492301982	0.967211	ENSG00000210952
17	54346633	54346877	54346694	9	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000210952
17	54353100	54353326	54353213	10	10	11	0.952695502	0.548138	ENSG00000210952
17	54357888	54358232	54358060	8	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000210952
17	54362649	54362879	54362746	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000210952
17	54372166	54372366	54372266	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ENSG00000210952
17	54380059	54380603	54380238	10	25	18	1.422205726	0.118245	ENSG00000210961
17	54387442	54387621	54387531	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000210961
17	54392074	54392651	54392472	44	68	32	2.173090567	6.92E-05	ENSG00000210961
17	54393362	54393541	54393451	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000210961
17	54396389	54396745	54396567	12	16	20	0.841341482	0.704984	ENSG00000210961
17	54397366	54397977	54397813	15	30	33	0.947600874	0.586988	ENSG00000210961
17	54398868	54399208	54399038	11	17	12	1.439036563	0.154203	ENSG00000210961
17	54399240	54399508	54399380	8	9	12	0.799464757	0.707717	ENSG00000210961
17	54400241	54400537	54400384	9	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000210961
17	54400807	54401159	54400983	13	19	10	1.889643971	0.0394833	ENSG00000210961
17	54401252	54401999	54401542	15	38	31	1.266651975	0.159121	ENSG00000210961
17	54402034	54402469	54402294	13	22	28	0.824275732	0.75853	ENSG00000216168
17	54403119	54403417	54403268	12	18	18	1.039304184	0.453018	ENSG00000216168
17	54404860	54405210	54405035	11	16	20	0.841341482	0.704984	ENSG00000216168
17	54406518	54406740	54406633	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000216168
17	54407115	54407813	54407268	11	30	34	0.920526563	0.632962	ENSG00000216168
17	54408185	54409078	54408443	11	36	51	0.7395049	0.922273	ENSG00000216168
17	54410007	54410450	54410290	9	17	11	1.558956276	0.111389	ENSG00000216168
17	54411102	54411546	54411277	12	23	22	1.084491323	0.39027	ENSG00000216168
17	54411740	54412000	54411898	8	11	19	0.623582511	0.908792	ENSG00000216168
17	54412421	54412783	54412567	12	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000216168
17	54414050	54414481	54414318	8	16	28	0.60924728	0.952249	ENSG00000216168
17	54414774	54415267	54414953	14	26	15	1.753825811	0.0337197	ENSG00000216168
17	54415552	54415775	54415663	12	14	11	1.29913023	0.246308	ENSG00000216168
17	54416352	54416596	54416474	8	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000216168
17	54416606	54417093	54416785	8	18	15	1.234173719	0.265435	ENSG00000216168
17	54417404	54417821	54417567	11	18	35	0.548521653	0.985681	ENSG00000216168

17	54418995	54419786	54419119	13	37	28	1.361846862	0.102919	ENSG00000216168
17	54420023	54420551	54420268	14	27	22	1.265239876	0.199511	ENSG00000216168
17	54420716	54421082	54420903	11	18	12	1.518983039	0.117837	ENSG00000216168
17	54423885	54424405	54424242	12	26	19	1.403060649	0.122336	ENSG00000216168
17	54424685	54425126	54424947	14	20	14	1.455025858	0.129498	ENSG00000216168
17	54425386	54425997	54425771	14	28	27	1.076422191	0.390384	ENSG00000216168
17	54426132	54426384	54426287	10	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000216168
17	54427446	54427669	54427557	9	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000216168
17	54429171	54430301	54429858	10	46	61	0.787859624	0.893281	ENSG00000216168
17	54430780	54431054	54430908	10	13	19	0.727512929	0.824686	ENSG00000216168
17	54431363	54431771	54431539	13	20	16	1.283846345	0.219275	ENSG00000216168
17	54431817	54432300	54432058	12	21	17	1.27026067	0.223413	ENSG00000216168
17	54432876	54433150	54432996	10	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000216168
17	54433505	54433941	54433794	10	17	19	0.935373766	0.583208	ENSG00000216168
17	54434277	54434524	54434400	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000216168
17	54434539	54435143	54434912	12	29	31	0.974347673	0.541653	ENSG00000216168
17	54435644	54435945	54435767	8	11	16	0.733626483	0.800067	ENSG00000216168
17	54436830	54437416	54437208	26	46	52	0.921647107	0.65928	ENSG00000216168
17	54437627	54437873	54437760	12	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000216168
17	54438196	54438474	54438349	10	11	13	0.890832158	0.618492	ENSG00000216168
17	54439566	54439750	54439720	8	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000216168
17	54439823	54440115	54439969	9	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000216168
17	54440125	54440368	54440286	8	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000216168
17	54442164	54442517	54442340	9	15	21	0.755857589	0.807439	ENSG00000216168
17	54443399	54443964	54443751	11	23	30	0.804622594	0.791126	ENSG00000216168
17	54444418	54444691	54444554	10	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000216168
17	54445843	54446183	54446013	15	19	16	1.222710805	0.269115	ENSG00000216168
17	54446731	54447013	54446878	12	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000216168
17	54447118	54447304	54447247	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000216168
17	54447719	54448028	54447873	10	14	15	0.974347673	0.530138	ENSG00000216168
17	54448790	54449112	54448943	12	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000216168
17	54450062	54450513	54450334	8	17	8	2.078608368	0.0303558	ENSG00000216168
17	54452278	54452613	54452445	12	16	12	1.359090087	0.198699	ENSG00000216168
17	54454405	54454704	54454578	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000216168

17	54457643	54457948	54457782	10	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000216168
17	54458829	54459026	54458947	8	9	15	0.649565115	0.865365	ENSG00000216168
17	54459109	54459724	54459242	10	25	28	0.931789958	0.604671	ENSG00000216168
17	54459826	54460481	54460133	13	32	24	1.371881523	0.113959	ENSG00000216168
17	54460566	54460910	54460738	11	17	20	0.890832158	0.642922	ENSG00000216168
17	54461209	54461699	54461383	9	17	19	0.935373766	0.583208	ENSG00000216168
17	54461813	54462004	54461957	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000216168
17	54463027	54463226	54463126	8	9	12	0.799464757	0.707717	ENSG00000216168
17	54463979	54464282	54464130	8	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000216168
17	54465128	54465309	54465218	8	8	10	0.850339787	0.645072	ENSG00000216168
17	54465399	54465662	54465530	10	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000216168
17	54471062	54471428	54471231	11	17	11	1.558956276	0.111389	ENSG00000216168
17	54472402	54472814	54472534	13	18	21	0.897580886	0.637183	ENSG00000216168
17	54473637	54474241	54474070	12	26	31	0.876912905	0.694502	ENSG00000216168
17	54475448	54475691	54475527	8	10	19	0.571617301	0.938875	ENSG00000216168
17	54475713	54476030	54475871	9	13	20	0.692869456	0.861903	ENSG00000216168
17	54476045	54476226	54476101	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000216168
17	54476957	54477162	54477026	9	9	11	0.86608682	0.635181	ENSG00000216168
17	54478497	54478688	54478600	10	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000216168
17	54479644	54480173	54479916	10	20	25	0.839437995	0.727499	TRIM37 ENSG00000108395
17	54480176	54480680	54480501	11	20	21	0.992063085	0.511305	TRIM37 ENSG00000108395
17	54481675	54482545	54482042	11	38	29	1.35109544	0.105472	TRIM37 ENSG00000108395
17	54483272	54483629	54483485	13	18	13	1.41048425	0.160361	TRIM37 ENSG00000108395
17	54484060	54484451	54484211	10	18	21	0.897580886	0.637183	TRIM37 ENSG00000108395
17	54486283	54486524	54486425	8	11	9	1.247165021	0.300052	TRIM37 ENSG00000108395
17	54488955	54489301	54489124	8	12	13	0.965068171	0.538344	TRIM37 ENSG00000108395
17	54489306	54489495	54489354	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TRIM37 ENSG00000108395
17	54491787	54492887	54492252	13	52	47	1.147565037	0.244189	TRIM37 ENSG00000108395
17	54493138	54493617	54493317	8	18	9	1.97467795	0.0349428	TRIM37 ENSG00000108395
17	54494434	54494620	54494579	8	9	12	0.799464757	0.707717	TRIM37 ENSG00000108395
17	54494626	54494993	54494829	15	20	22	0.948929907	0.57038	TRIM37 ENSG00000108395
17	54498049	54498724	54498449	10	27	42	0.676756213	0.949127	TRIM37 ENSG00000108395
17	54498731	54498955	54498858	8	10	15	0.714521627	0.810948	TRIM37 ENSG00000108395
17	54499309	54499639	54499470	13	18	21	0.897580886	0.637183	TRIM37 ENSG00000108395

17	54500266	54500482	54500374	8	11	10	1.133786383	0.380636	TRIM37	ENSG00000108395
17	54500819	54501320	54501184	12	23	16	1.467252966	0.109416	TRIM37	ENSG00000108395
17	54503696	54504035	54503826	13	18	8	2.194086611	0.0206188	TRIM37	ENSG00000108395
17	54506227	54506803	54506512	8	21	19	1.143234603	0.33145	TRIM37	ENSG00000108395
17	54507033	54507374	54507203	9	15	10	1.511715177	0.140236	TRIM37	ENSG00000108395
17	54511663	54512038	54511859	9	16	18	0.929903744	0.58804	TRIM37	ENSG00000108395
17	54513221	54513444	54513274	10	12	7	1.688869299	0.11395	TRIM37	ENSG00000108395
17	54513473	54513678	54513575	9	10	6	1.63319229	0.146906	TRIM37	ENSG00000108395
17	54515475	54515743	54515649	10	12	5	2.251825733	0.0404733	TRIM37	ENSG00000108395
17	54516034	54516413	54516195	10	16	8	1.963130126	0.0441028	TRIM37	ENSG00000108395
17	54516698	54517087	54516877	12	21	17	1.27026067	0.223413	TRIM37	ENSG00000108395
17	54518821	54519356	54518977	10	20	14	1.455025858	0.129498	TRIM37	ENSG00000108395
17	54519572	54519943	54519723	8	13	21	0.66137539	0.892612	TRIM37	ENSG00000108395
17	54520380	54520670	54520526	12	15	15	1.039304184	0.456923	TRIM37	ENSG00000108395
17	54522043	54522305	54522174	10	13	23	0.606260774	0.937372	TRIM37	ENSG00000108395
17	54522523	54522830	54522674	9	11	5	2.078608368	0.0614303	TRIM37	ENSG00000108395
17	54523101	54523541	54523230	12	19	15	1.29913023	0.214784	TRIM37	ENSG00000108395
17	54523810	54524053	54523931	8	10	7	1.429043253	0.21536	TRIM37	ENSG00000108395
17	54525177	54526160	54525347	19	61	47	1.342434571	0.0613871	TRIM37	ENSG00000108395
17	54526477	54527333	54526873	14	42	40	1.090001949	0.346256	TRIM37	ENSG00000108395
17	54527438	54528045	54527608	15	36	25	1.479009801	0.0604746	TRIM37	ENSG00000108395
17	54528336	54528515	54528410	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TRIM37	ENSG00000108395
17	54529204	54529451	54529363	8	10	10	1.039304184	0.464387	TRIM37	ENSG00000108395
17	54531222	54531547	54531357	8	12	4	2.702190879	0.0203088	TRIM37	ENSG00000108395
17	54531688	54532113	54531934	8	16	10	1.606197376	0.104477	TRIM37	ENSG00000108395
17	54532185	54532380	54532300	8	10	14	0.762156402	0.758589	TRIM37	ENSG00000108395
17	54532657	54532868	54532739	12	15	15	1.039304184	0.456923	TRIM37	ENSG00000108395
17	54533451	54533748	54533600	9	12	9	1.35109544	0.232899	TRIM37	ENSG00000108395
17	54534147	54534592	54534316	9	16	26	0.654376709	0.9196	TRIM37	ENSG00000108395
17	54534612	54535042	54534863	10	19	18	1.094004404	0.389177	TRIM37	ENSG00000108395
17	54535998	54536466	54536172	15	26	34	0.801748942	0.808783	TRIM37	ENSG00000108395
17	54536470	54536761	54536615	9	13	21	0.66137539	0.892612	TRIM37	ENSG00000108395
17	54537310	54537708	54537509	11	20	30	0.70404477	0.896995	TRIM37	ENSG00000108395
17	54537997	54539936	54539254	42	223	142	1.62800096	1.94E-06	TRIM37	ENSG00000108395

17	54540417	54541021	54540719	19	36	19	1.922712741	0.00754839	TRIM37	ENSG00000108395
17	54541805	54542099	54541953	12	13	10	1.32275078	0.240023	TRIM37	ENSG00000108395
17	54543254	54543543	54543398	11	13	14	0.970017239	0.534076	TRIM37	ENSG00000108395
17	54543630	54543974	54543802	10	15	14	1.10859113	0.386477	TRIM37	ENSG00000108395
17	54544157	54544469	54544319	14	14	6	2.227080395	0.0322529	TRIM37	ENSG00000108395
17	54545027	54545235	54545142	8	9	7	1.29913023	0.286504	TRIM37	ENSG00000108395
17	54546036	54546356	54546212	15	19	23	0.86608682	0.685164	TRIM37	ENSG00000108395
17	54546726	54546993	54546875	14	17	19	0.935373766	0.583208	TRIM37	ENSG00000108395
17	54549509	54550055	54549688	11	26	22	1.220052738	0.239999	TRIM37	ENSG00000108395
17	54550600	54550849	54550724	9	11	12	0.959357709	0.543005	TRIM37	ENSG00000108395
17	54551310	54551701	54551489	11	19	8	2.309564854	0.0138337	TRIM37	ENSG00000108395
17	54553317	54553613	54553481	10	13	7	1.818782322	0.0805123	TRIM37	ENSG00000108395
17	54554035	54554388	54554211	14	20	15	1.364086742	0.171319	TRIM37	ENSG00000108395
17	54572047	54572246	54572121	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000211514
17	54586870	54587562	54587311	14	36	19	1.922712741	0.00754839	FAM33A	ENSG00000182628
17	54587912	54588168	54588048	8	10	9	1.143234603	0.378307	PRR11	ENSG00000068489
17	54641943	54642280	54642104	18	22	9	2.390399624	0.00747467	C17orf71	ENSG00000167447
17	54652757	54653010	54652883	10	11	8	1.385738912	0.224757	GDPD1	ENSG00000153982
17	54729048	54729238	54729184	8	8	6	1.336248237	0.277651	YPEL2	ENSG00000175155
17	54759558	54759795	54759676	8	10	1	5.716173013	0.00260397	YPEL2	ENSG00000175155
17	54761430	54761675	54761557	8	9	7	1.29913023	0.286504	YPEL2	ENSG00000175155
17	54763393	54763682	54763525	8	11	4	2.494330042	0.0324033	YPEL2	ENSG00000175155
17	54801366	54801574	54801486	8	10	1	5.716173013	0.00260397	YPEL2	ENSG00000175155
17	54839082	54839469	54839230	15	22	10	2.173090567	0.0132845	YPEL2	ENSG00000175155
17	54850897	54851354	54851099	16	24	9	2.598260461	0.0032455	YPEL2	ENSG00000175155
17	54855270	54855487	54855378	8	9	4	2.078608368	0.0785659	YPEL2	ENSG00000175155
17	54946389	54946671	54946536	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000200889
17	54997437	54997907	54997728	9	17	5	3.117912553	0.00407023	DHX40	ENSG00000108406
17	55051224	55051441	55051389	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CLTC	ENSG00000141367
17	55051460	55051692	55051560	8	11	4	2.494330042	0.0324033	CLTC	ENSG00000141367
17	55051708	55052004	55051843	8	11	8	1.385738912	0.224757	CLTC	ENSG00000141367
17	55113656	55113870	55113741	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PTRH2	ENSG00000141378
17	55139162	55139548	55139336	9	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000214225
17	55218532	55218713	55218622	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000199004

17	55261666	55262309	55262034	13	29	30	1.005778243	0.491622	ENSG00000199004
17	55262329	55262518	55262388	8	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000199004
17	55262532	55263219	55262711	13	34	26	1.347246165	0.119935	ENSG00000199004
17	55263226	55263421	55263291	8	9	18	0.547002202	0.94615	ENSG00000199004
17	55264482	55264837	55264734	8	13	9	1.455025858	0.177172	ENSG00000199004
17	55264962	55265574	55265104	21	38	28	1.397684937	0.083712	ENSG00000199004
17	55266038	55266247	55266142	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000199004
17	55268087	55268359	55268185	12	14	18	0.820503303	0.720361	ENSG00000199004
17	55268722	55269118	55268901	8	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000199004
17	55269207	55270794	55269619	108	326	140	2.410301193	3.19E-20	ENSG00000199004
17	55270872	55271186	55271007	12	16	14	1.177878075	0.320433	ENSG00000199004
17	55271315	55272591	55271582	19	72	77	0.972682121	0.568134	ENSG00000199004
17	55272599	55273122	55272943	10	23	33	0.733626483	0.881043	ENSG00000199004
17	55273171	55273443	55273287	10	13	15	0.909391161	0.604792	ENSG00000199004
17	55274283	55274662	55274487	13	19	10	1.889643971	0.0394833	ENSG00000199004
17	55274917	55275096	55274979	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000199004
17	55275145	55275915	55275492	34	67	33	2.078608368	0.000155503	ENSG00000199004
17	55276097	55276482	55276291	17	25	8	3.00243431	0.0010168	ENSG00000199004
17	55276719	55279400	55277968	72	370	208	1.844889246	2.28E-13	ENSG00000201524
17	55279584	55280378	55279981	43	80	58	1.426841338	0.0180389	ENSG00000201524
17	55280698	55280957	55280830	11	13	21	0.66137539	0.892612	ENSG00000201524
17	55281620	55282225	55281922	16	28	28	1.039304184	0.441896	ENSG00000201524
17	55283513	55284600	55284049	12	50	75	0.697427808	0.978156	ENSG00000201524
17	55285119	55285964	55285506	54	97	33	2.995641472	1.55E-09	ENSG00000201524
17	55286044	55286337	55286207	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ENSG00000201524
17	55286939	55287118	55286999	8	8	10	0.850339787	0.645072	ENSG00000201524
17	55287554	55288199	55287817	17	34	16	2.139743909	0.00367586	ENSG00000201524
17	55288318	55288638	55288478	10	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000201524
17	55288772	55289979	55289598	35	104	96	1.125019993	0.201097	ENSG00000201524
17	55290110	55290827	55290369	15	33	37	0.929903744	0.622229	ENSG00000201524
17	55290836	55291105	55291004	8	11	22	0.542245661	0.962988	ENSG00000201524
17	55291240	55292785	55291816	28	88	65	1.401485945	0.0180835	ENSG00000201524
17	55293603	55293808	55293756	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000201524
17	55294372	55294784	55294613	11	16	6	2.524024447	0.0137633	ENSG00000201524

17	55295765	55296089	55295974	10	15	11	1.385738912	0.19225	ENSG00000201524
17	55297197	55297526	55297375	12	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000201524
17	55298389	55298942	55298771	8	19	25	0.799464757	0.777638	ENSG00000201524
17	55299698	55300056	55299877	14	20	15	1.364086742	0.171319	ENSG00000201524
17	55301584	55301886	55301708	22	25	16	1.589524046	0.0646994	ENSG00000201524
17	55301900	55302357	55302079	15	26	13	2.004372355	0.0142124	ENSG00000201524
17	55302451	55303292	55302911	15	49	38	1.332441262	0.0878461	TUBD1 ENSG00000108423
17	55303551	55304109	55303730	12	25	22	1.1748656	0.285497	TUBD1 ENSG00000108423
17	55306406	55306914	55306735	10	25	23	1.125912866	0.336929	TUBD1 ENSG00000108423
17	55308144	55308512	55308323	10	17	18	0.984603964	0.519872	TUBD1 ENSG00000108423
17	55309300	55309644	55309472	8	13	14	0.970017239	0.534076	TUBD1 ENSG00000108423
17	55309979	55310711	55310441	18	35	33	1.100439724	0.344144	TUBD1 ENSG00000108423
17	55311339	55311657	55311498	14	17	6	2.672496474	0.00882337	TUBD1 ENSG00000108423
17	55313025	55313258	55313141	12	13	16	0.855897563	0.670115	TUBD1 ENSG00000108423
17	55316043	55316223	55316133	9	9	6	1.484720263	0.204387	TUBD1 ENSG00000108423
17	55317426	55317714	55317580	8	11	12	0.959357709	0.543005	TUBD1 ENSG00000108423
17	55317835	55318172	55318001	13	18	26	0.731362204	0.856292	TUBD1 ENSG00000108423
17	55318175	55318604	55318447	17	27	32	0.881833853	0.689746	TUBD1 ENSG00000108423
17	55319634	55319929	55319793	8	12	22	0.5874328	0.943388	TUBD1 ENSG00000108423
17	55320546	55320808	55320688	10	12	15	0.84443465	0.678289	TUBD1 ENSG00000108423
17	55322832	55323319	55323128	11	24	22	1.129678461	0.335754	TUBD1 ENSG00000108423
17	55323707	55324073	55323910	11	16	12	1.359090087	0.198699	TUBD1 ENSG00000108423
17	55324195	55326702	55325147	36	195	193	1.05001866	0.314976	TUBD1 ENSG00000108423
17	55330119	55330372	55330245	10	13	12	1.11925066	0.384109	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55331360	55331755	55331617	10	18	26	0.731362204	0.856292	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55331995	55332316	55332151	8	12	12	1.039304184	0.461227	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55334979	55335181	55335045	9	10	5	1.905391004	0.0915982	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55336027	55336214	55336120	8	8	5	1.558956276	0.191397	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55337108	55337328	55337173	9	9	5	1.73217364	0.133894	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55337430	55337741	55337585	9	12	15	0.84443465	0.678289	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55337854	55338214	55338120	9	14	10	1.417232979	0.185113	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55339748	55339937	55339842	8	9	14	0.692869456	0.822654	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55342575	55342827	55342701	11	13	17	0.808347699	0.728863	RPS6KB1 ENSG00000108443
17	55343243	55343433	55343413	9	11	6	1.781664316	0.103344	RPS6KB1 ENSG00000108443

17	55344217	55344481	55344349	9	13	9	1.455025858	0.177172	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55344750	55345461	55344918	16	37	27	1.41048425	0.0812201	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55346566	55346890	55346717	11	15	22	0.722994215	0.845414	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55347475	55347654	55347578	8	8	7	1.169217207	0.371848	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55348575	55349020	55348842	9	17	25	0.719518281	0.863101	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55351659	55352481	55351853	10	29	23	1.29913023	0.167378	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55352602	55352982	55352806	8	14	7	1.948695345	0.0559175	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55353086	55353365	55353226	9	12	6	1.930136342	0.071303	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55353462	55353748	55353605	9	13	23	0.606260774	0.937372	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55355837	55356030	55355933	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RPS6KB1	ENSG00000108443
17	55373092	55373360	55373227	9	11	2	4.157216737	0.0052913	RNFT1	ENSG00000189050
17	55376465	55376779	55376640	12	13	14	0.970017239	0.534076	RNFT1	ENSG00000189050
17	55377517	55377711	55377574	8	9	14	0.692869456	0.822654	RNFT1	ENSG00000189050
17	55378021	55378269	55378147	8	11	13	0.890832158	0.618492	RNFT1	ENSG00000189050
17	55378658	55379226	55378834	12	24	23	1.082608525	0.390382	RNFT1	ENSG00000189050
17	55379807	55380103	55379964	8	12	6	1.930136342	0.071303	RNFT1	ENSG00000189050
17	55380447	55380644	55380555	9	10	12	0.879411233	0.62639	RNFT1	ENSG00000189050
17	55383710	55384241	55384023	10	24	24	1.039304184	0.446062	RNFT1	ENSG00000189050
17	55385996	55386283	55386148	8	11	10	1.133786383	0.380636	RNFT1	ENSG00000189050
17	55389321	55389750	55389497	10	17	22	0.813368492	0.747743	RNFT1	ENSG00000189050
17	55390976	55391349	55391192	11	16	10	1.606197376	0.104477	RNFT1	ENSG00000189050
17	55394918	55395611	55395097	10	30	34	0.920526563	0.632962	RNFT1	ENSG00000189050
17	55395634	55395907	55395732	10	14	16	0.917033104	0.598778	RNFT1	ENSG00000189050
17	55395936	55396907	55396621	37	111	70	1.639465755	0.000466198	RNFT1	ENSG00000189050
17	55396916	55397583	55397142	33	68	23	2.98799953	3.33E-07	RNFT1	ENSG00000189050
17	55400603	55401063	55400899	14	21	13	1.63319229	0.0708832	RNFT1	ENSG00000189050
17	55404247	55404554	55404406	8	11	8	1.385738912	0.224757	RNFT1	ENSG00000189050
17	55404912	55405162	55405034	9	10	20	0.54439743	0.955421	RNFT1	ENSG00000189050
17	55406179	55406435	55406297	9	11	9	1.247165021	0.300052	RNFT1	ENSG00000189050
17	55466774	55466956	55466865	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000204471
17	55468281	55468639	55468452	9	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000204471
17	55468709	55469834	55469424	57	112	61	1.894215691	1.69E-05		ENSG00000204471
17	55469838	55470235	55470056	11	19	23	0.86608682	0.685164		ENSG00000204471
17	55470240	55470711	55470477	12	25	19	1.35109544	0.152941		ENSG00000204471

17	55471177	55471710	55471356	15	28	22	1.310427015	0.164056	ENSG00000204471
17	55471975	55472763	55472245	14	38	52	0.764771003	0.900635	ENSG00000204471
17	55473019	55473409	55473180	12	20	23	0.909391161	0.626666	ENSG00000204471
17	55473603	55473805	55473775	10	12	19	0.67554772	0.870684	ENSG00000204471
17	55473870	55474086	55473954	9	9	14	0.692869456	0.822654	ENSG00000204471
17	55475934	55476168	55476040	12	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000204471
17	55476469	55476700	55476584	8	11	16	0.733626483	0.800067	ENSG00000204471
17	55476994	55477304	55477145	10	14	15	0.974347673	0.530138	ENSG00000204471
17	55478546	55478868	55478694	9	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000204471
17	55478914	55479237	55479075	8	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000204471
17	55479867	55480322	55480046	10	20	13	1.558956276	0.0943292	ENSG00000204471
17	55481566	55481792	55481614	9	12	10	1.228268581	0.305344	HEATR6 ENSG00000068097
17	55482060	55482261	55482164	8	9	18	0.547002202	0.94615	HEATR6 ENSG00000068097
17	55482671	55482862	55482753	8	8	8	1.039304184	0.46786	HEATR6 ENSG00000068097
17	55483817	55484069	55483960	11	14	13	1.113540197	0.385405	HEATR6 ENSG00000068097
17	55484307	55484635	55484440	9	14	12	1.199197136	0.313881	HEATR6 ENSG00000068097
17	55485779	55485970	55485810	8	9	6	1.484720263	0.204387	HEATR6 ENSG00000068097
17	55486627	55487010	55486863	8	16	9	1.766817113	0.0700694	HEATR6 ENSG00000068097
17	55487376	55487557	55487492	8	8	11	0.779478138	0.719708	HEATR6 ENSG00000068097
17	55487756	55488044	55487913	9	11	6	1.781664316	0.103344	HEATR6 ENSG00000068097
17	55489111	55489599	55489420	13	24	29	0.86608682	0.704588	HEATR6 ENSG00000068097
17	55490409	55490761	55490582	8	13	23	0.606260774	0.937372	HEATR6 ENSG00000068097
17	55490825	55491138	55490983	11	14	22	0.677807077	0.884881	HEATR6 ENSG00000068097
17	55491174	55491569	55491333	12	21	16	1.344981885	0.176214	HEATR6 ENSG00000068097
17	55492020	55492289	55492152	12	15	19	0.831443347	0.712423	HEATR6 ENSG00000068097
17	55493277	55493883	55493720	12	26	29	0.935373766	0.600845	HEATR6 ENSG00000068097
17	55495098	55495576	55495277	8	15	18	0.875203524	0.655562	HEATR6 ENSG00000068097
17	55495652	55495979	55495815	8	14	19	0.779478138	0.771518	HEATR6 ENSG00000068097
17	55496988	55497176	55497082	8	8	10	0.850339787	0.645072	HEATR6 ENSG00000068097
17	55498012	55498272	55498142	9	12	17	0.750608578	0.78992	HEATR6 ENSG00000068097
17	55498702	55499030	55498903	11	16	15	1.104260696	0.387363	HEATR6 ENSG00000068097
17	55499477	55499889	55499650	12	19	18	1.094004404	0.389177	HEATR6 ENSG00000068097
17	55500972	55501261	55501116	9	11	17	0.692869456	0.843876	HEATR6 ENSG00000068097
17	55501533	55501902	55501712	9	17	13	1.336248237	0.204556	HEATR6 ENSG00000068097

17	55503303	55503901	55503696	12	26	20	1.336248237	0.156853	HEATR6	ENSG00000068097
17	55503908	55504120	55504014	8	10	12	0.879411233	0.62639	HEATR6	ENSG00000068097
17	55504722	55505364	55505185	12	27	30	0.93872636	0.597175	HEATR6	ENSG00000068097
17	55505471	55506175	55505697	13	33	46	0.751837069	0.900185	HEATR6	ENSG00000068097
17	55506276	55506501	55506386	8	10	20	0.54439743	0.955421	HEATR6	ENSG00000068097
17	55506554	55507023	55506729	12	21	24	0.914587682	0.621823	HEATR6	ENSG00000068097
17	55507090	55507280	55507194	8	9	12	0.799464757	0.707717	HEATR6	ENSG00000068097
17	55508180	55508706	55508543	9	20	20	1.039304184	0.450588	HEATR6	ENSG00000068097
17	55508782	55511311	55510911	34	170	116	1.518983039	0.000214104	HEATR6	ENSG00000068097
17	55511446	55512386	55511613	22	55	61	0.93872636	0.635158	HEATR6	ENSG00000068097
17	55513199	55513430	55513315	8	9	11	0.86608682	0.635181	HEATR6	ENSG00000068097
17	55513810	55513989	55513899	8	8	14	0.623582511	0.877092	HEATR6	ENSG00000068097
17	55514144	55514529	55514312	13	19	22	0.903742769	0.631776	HEATR6	ENSG00000068097
17	55514627	55514967	55514821	16	20	8	2.425043097	0.00917565	HEATR6	ENSG00000068097
17	55515438	55515983	55515714	13	25	26	1.000811437	0.499519	HEATR6	ENSG00000068097
17	55517470	55518062	55517883	11	26	37	0.738452973	0.889183	HEATR6	ENSG00000068097
17	55518143	55518676	55518322	12	22	30	0.771096653	0.831099	HEATR6	ENSG00000068097
17	55519707	55520175	55519886	11	23	16	1.467252966	0.109416	HEATR6	ENSG00000068097
17	55520223	55520849	55520599	12	30	26	1.193275174	0.249725	HEATR6	ENSG00000068097
17	55520911	55521204	55521057	8	10	12	0.879411233	0.62639	HEATR6	ENSG00000068097
17	55521517	55521780	55521609	11	14	20	0.742360132	0.815839	HEATR6	ENSG00000068097
17	55521802	55522017	55521904	8	9	28	0.358380753	0.998772	HEATR6	ENSG00000068097
17	55522661	55522889	55522775	8	12	17	0.750608578	0.78992	HEATR6	ENSG00000068097
17	55523115	55523490	55523311	10	19	24	0.831443347	0.733913	HEATR6	ENSG00000068097
17	55523511	55524835	55524662	15	69	59	1.212521548	0.135757	HEATR6	ENSG00000068097
17	55526984	55527578	55527317	11	24	22	1.129678461	0.335754	HEATR6	ENSG00000068097
17	55527600	55527812	55527689	9	11	21	0.566893191	0.949414	HEATR6	ENSG00000068097
17	55538296	55538702	55538523	11	19	12	1.598929514	0.0887417	HEATR6	ENSG00000068097
17	55538757	55539016	55538863	8	11	18	0.656402643	0.879847	HEATR6	ENSG00000068097
17	55539799	55540053	55539912	9	11	4	2.494330042	0.0324033	HEATR6	ENSG00000068097
17	55541372	55541639	55541493	11	13	8	1.616695398	0.123553	HEATR6	ENSG00000068097
17	55559712	55559938	55559856	8	10	10	1.039304184	0.464387	CA4	ENSG00000167434
17	55560950	55561683	55561117	11	30	20	1.534210939	0.0617334	CA4	ENSG00000167434
17	55564025	55564240	55564144	10	11	22	0.542245661	0.962988	CA4	ENSG00000167434

17	55564460	55564666	55564496	9	12	13	0.965068171	0.538344	CA4	ENSG00000167434
17	55564678	55564951	55564814	8	11	19	0.623582511	0.908792	CA4	ENSG00000167434
17	55565420	55565834	55565680	12	19	15	1.29913023	0.214784	CA4	ENSG00000167434
17	55566482	55566891	55566729	10	16	16	1.039304184	0.455583	CA4	ENSG00000167434
17	55567007	55568529	55567912	23	88	92	0.994602929	0.51497	CA4	ENSG00000167434
17	55569122	55569417	55569269	8	10	26	0.423420223	0.994643	CA4	ENSG00000167434
17	55570994	55571193	55571086	8	10	6	1.63319229	0.146906	CA4	ENSG00000167434
17	55571412	55571885	55571587	13	24	15	1.623912788	0.0607838	CA4	ENSG00000167434
17	55571911	55572687	55572186	29	71	45	1.626736984	0.00439438	CA4	ENSG00000167434
17	55573771	55574020	55573851	10	14	10	1.417232979	0.185113	CA4	ENSG00000167434
17	55574438	55575583	55575175	36	110	90	1.267722686	0.0460233	CA4	ENSG00000167434
17	55575632	55575935	55575777	13	16	22	0.768181354	0.79945	CA4	ENSG00000167434
17	55577130	55577552	55577395	13	22	21	1.086545284	0.390103	CA4	ENSG00000167434
17	55578158	55578539	55578303	8	14	16	0.917033104	0.598778	CA4	ENSG00000167434
17	55579077	55579363	55579207	11	14	14	1.039304184	0.458308	CA4	ENSG00000167434
17	55579506	55580076	55579791	14	29	47	0.649565115	0.9706	CA4	ENSG00000167434
17	55580514	55581629	55581169	12	46	56	0.856970117	0.785056	CA4	ENSG00000167434
17	55582809	55584036	55583523	14	72	72	1.039304184	0.408073	CA4	ENSG00000167434
17	55584178	55584636	55584442	9	19	17	1.154782427	0.327751	CA4	ENSG00000167434
17	55586091	55586273	55586182	9	9	10	0.944821986	0.553851	CA4	ENSG00000167434
17	55586709	55587732	55587103	12	43	53	0.846840446	0.79538	CA4	ENSG00000167434
17	55587795	55587974	55587937	8	8	13	0.668124118	0.835294	CA4	ENSG00000167434
17	55588027	55588211	55588116	9	11	13	0.890832158	0.618492	CA4	ENSG00000167434
17	55588282	55588528	55588405	14	16	9	1.766817113	0.0700694	CA4	ENSG00000167434
17	55589157	55589536	55589357	13	20	10	1.98412617	0.0277883		ENSG00000221779
17	55590486	55590819	55590660	16	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000221779
17	55590878	55591664	55591057	10	30	18	1.695706827	0.0317992		ENSG00000221779
17	55591733	55592002	55591880	17	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000221779
17	55592824	55593310	55592990	9	18	17	1.097043306	0.388692		ENSG00000221779
17	55593360	55593765	55593586	15	22	18	1.258105065	0.227238		ENSG00000221779
17	55593794	55594633	55594205	10	34	33	1.069871954	0.389489		ENSG00000221779
17	55595752	55596122	55595931	8	15	20	0.791850807	0.763134		ENSG00000221779
17	55596799	55597031	55596905	10	14	19	0.779478138	0.771518		ENSG00000221779
17	55597252	55597492	55597344	9	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000221779

17	55597696	55598244	55597875	9	22	27	0.853714151	0.715539	ENSG00000221779
17	55598248	55598536	55598421	9	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000221779
17	55599444	55600323	55599884	16	48	33	1.497820736	0.0333225	ENSG00000221779
17	55602376	55602876	55602647	9	23	23	1.039304184	0.447157	ENSG00000221779
17	55602974	55603851	55603623	14	45	45	1.039304184	0.426858	ENSG00000221779
17	55606700	55607125	55606946	15	23	11	2.078608368	0.0154752	ENSG00000221779
17	55608573	55608831	55608704	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000221779
17	55621898	55622152	55622076	9	11	16	0.733626483	0.800067	ENSG00000221779
17	55624022	55624241	55624122	9	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000221779
17	55650924	55651148	55651038	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ENSG00000222433
17	55653308	55653597	55653458	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000222433
17	55656970	55657317	55657139	8	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000222433
17	55661288	55661905	55661726	16	35	33	1.100439724	0.344144	ENSG00000211027
17	55662518	55662906	55662806	13	19	16	1.222710805	0.269115	ENSG00000221009
17	55663283	55663872	55663577	16	34	46	0.773949924	0.877125	ENSG00000221009
17	55665186	55665422	55665303	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000221009
17	55667859	55668234	55668025	9	15	15	1.039304184	0.456923	ENSG00000221009
17	55668695	55668986	55668840	10	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000221009
17	55669682	55669929	55669788	8	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000221009
17	55671069	55671553	55671248	11	20	13	1.558956276	0.0943292	ENSG00000221009
17	55672775	55672982	55672846	8	11	11	1.039304184	0.462773	ENSG00000221009
17	55673852	55674248	55673983	9	16	15	1.104260696	0.387363	ENSG00000221009
17	55675078	55675290	55675184	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000221009
17	55676616	55676876	55676746	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000221009
17	55676943	55677162	55677094	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000221009
17	55679175	55679354	55679299	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000221009
17	55681013	55681411	55681266	11	18	29	0.658225983	0.927623	ENSG00000221009
17	55681859	55682057	55681958	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000221009
17	55682766	55683004	55682908	11	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000221009
17	55684651	55684959	55684805	8	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000221009
17	55686425	55686636	55686511	10	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000221009
17	55687900	55688298	55688098	9	17	14	1.247165021	0.261378	ENSG00000212648
17	55688401	55688657	55688529	9	10	15	0.714521627	0.810948	ENSG00000212648
17	55689006	55689475	55689296	11	22	19	1.195199812	0.27834	ENSG00000212648

17	55689641	55689979	55689810	15	19	20	0.989813509	0.514009	ENSG00000212648
17	55690030	55690279	55690140	9	11	25	0.479678854	0.986393	ENSG00000212648
17	55690403	55690788	55690570	11	17	19	0.935373766	0.583208	ENSG00000212648
17	55691158	55691461	55691328	10	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000212648
17	55692142	55692432	55692281	8	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000212648
17	55693022	55693281	55693180	11	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000212648
17	55700340	55700592	55700463	8	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000212648
17	55701516	55701810	55701663	13	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000212648
17	55702073	55702742	55702424	11	27	19	1.455025858	0.0967688	ENSG00000212648
17	55703423	55703832	55703602	9	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000212648
17	55704715	55705210	55705051	10	20	12	1.67887599	0.0659142	ENSG00000212648
17	55705281	55705863	55705460	17	30	16	1.895201748	0.0144147	ENSG00000212648
17	55706537	55706837	55706696	8	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000212648
17	55706970	55707346	55707125	12	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000212648
17	55708480	55709010	55708855	9	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000212648
17	55709186	55709580	55709401	16	24	13	1.855900329	0.0279411	ENSG00000212648
17	55710432	55710634	55710533	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000212648
17	55712975	55713218	55713144	8	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000212648
17	55713695	55714339	55713906	12	30	22	1.400801292	0.107495	ENSG00000212648
17	55715118	55715559	55715443	11	20	22	0.948929907	0.57038	ENSG00000212648
17	55715566	55715822	55715694	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000212648
17	55715877	55716146	55716011	11	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000212648
17	55716931	55717342	55717093	8	16	27	0.631006112	0.93773	ENSG00000212648
17	55718243	55718578	55718410	10	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000212648
17	55719516	55719848	55719682	15	19	24	0.831443347	0.733913	ENSG00000212648
17	55720649	55720995	55720859	8	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000212648
17	55721535	55722181	55721820	10	28	19	1.506991067	0.0757238	ENSG00000212648
17	55722219	55722625	55722529	8	15	15	1.039304184	0.456923	ENSG00000212648
17	55722792	55723211	55723032	8	18	23	0.822782479	0.740651	ENSG00000212648
17	55723301	55723524	55723370	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000212648
17	55724137	55724845	55724361	14	35	37	0.984603964	0.527342	ENSG00000212648
17	55724991	55725187	55725071	10	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000212648
17	55725666	55726094	55725868	16	28	34	0.861137753	0.726418	ENSG00000212648
17	55726454	55726639	55726528	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000212648

17	55727199	55727455	55727327	12	14	11	1.29913023	0.246308	ENSG00000212648
17	55728520	55728727	55728564	14	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000212648
17	55728958	55729254	55729106	10	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000212648
17	55731377	55731868	55731689	9	20	21	0.992063085	0.511305	ENSG00000212648
17	55732077	55732590	55732256	9	22	13	1.707428303	0.0525925	ENSG00000212648
17	55732927	55733159	55733037	8	11	11	1.039304184	0.462773	ENSG00000212648
17	55733298	55733529	55733420	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000212648
17	55734672	55734988	55734833	15	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000212648
17	55735224	55735600	55735421	11	18	22	0.85855563	0.691398	ENSG00000212648
17	55735781	55736173	55736017	14	20	12	1.67887599	0.0659142	ENSG00000212648
17	55736312	55736566	55736430	11	13	12	1.11925066	0.384109	ENSG00000212648
17	55739628	55739989	55739820	8	13	2	4.850086193	0.00164564	ENSG00000212648
17	55740227	55740497	55740375	10	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000212648
17	55740980	55741253	55741100	10	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000212648
17	55741353	55741640	55741492	10	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000212648
17	55744053	55744339	55744193	8	11	18	0.656402643	0.879847	ENSG00000212648
17	55746649	55746892	55746770	9	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000212648
17	55747817	55748280	55748000	19	32	25	1.319116849	0.143169	ENSG00000212648
17	55748424	55748718	55748595	9	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000212648
17	55750138	55750387	55750275	10	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000212648
17	55752490	55752779	55752609	12	16	10	1.606197376	0.104477	ENSG00000212648
17	55752924	55753317	55753138	10	18	25	0.759491519	0.823082	ENSG00000212648
17	55753377	55754198	55754019	12	34	36	0.98312558	0.529542	ENSG00000212648
17	55754262	55754450	55754357	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000212648
17	55756115	55756348	55756200	9	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000212648
17	55757146	55757450	55757309	11	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000212648
17	55758862	55759187	55759024	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000212648
17	55759769	55760122	55759996	8	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000212648
17	55761832	55762025	55761927	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000212648
17	55762106	55762384	55762245	8	12	15	0.84443465	0.678289	ENSG00000212648
17	55765268	55765609	55765433	9	11	13	0.890832158	0.618492	ENSG00000212648
17	55765816	55766395	55766095	9	22	16	1.406117426	0.139742	ENSG00000212648
17	55767615	55767982	55767794	8	16	14	1.177878075	0.320433	USP32 ENSG00000170832
17	55776869	55777194	55777031	15	18	18	1.039304184	0.453018	USP32 ENSG00000170832

17	55777339	55777858	55777598	28	51	24	2.161752703	0.000492894	USP32	ENSG00000170832
17	55778074	55778418	55778243	11	14	13	1.113540197	0.385405	USP32	ENSG00000170832
17	55778748	55779409	55779067	17	34	22	1.581549846	0.0410466	USP32	ENSG00000170832
17	55780171	55780429	55780300	8	10	7	1.429043253	0.21536	USP32	ENSG00000170832
17	55782992	55783589	55783118	14	28	28	1.039304184	0.441896	USP32	ENSG00000170832
17	55784239	55784533	55784386	9	13	18	0.765803083	0.780427	USP32	ENSG00000170832
17	55784646	55785094	55784921	28	38	30	1.307511716	0.130608	USP32	ENSG00000170832
17	55785242	55785425	55785315	8	9	23	0.43304341	0.990856	USP32	ENSG00000170832
17	55785974	55786199	55786100	8	9	10	0.944821986	0.553851	USP32	ENSG00000170832
17	55786343	55786968	55786522	10	26	23	1.169217207	0.28753	USP32	ENSG00000170832
17	55787206	55787747	55787574	13	28	24	1.205592854	0.245174	USP32	ENSG00000170832
17	55787932	55789321	55788363	35	132	87	1.570766551	0.000436137	USP32	ENSG00000170832
17	55789470	55790051	55789878	13	25	16	1.589524046	0.0646994	USP32	ENSG00000170832
17	55790324	55790588	55790474	9	11	1	6.235825105	0.0013754	USP32	ENSG00000170832
17	55790732	55791388	55791098	12	30	39	0.805460743	0.819719	USP32	ENSG00000170832
17	55791422	55791698	55791560	10	12	11	1.125912866	0.382541	USP32	ENSG00000170832
17	55794166	55794447	55794343	8	12	8	1.501217155	0.168286	USP32	ENSG00000170832
17	55795004	55795345	55795174	18	23	3	6.235825105	1.63E-05	USP32	ENSG00000170832
17	55795995	55796277	55796151	9	12	10	1.228268581	0.305344	USP32	ENSG00000170832
17	55796315	55796597	55796465	8	9	11	0.86608682	0.635181	USP32	ENSG00000170832
17	55797065	55797395	55797221	8	10	10	1.039304184	0.464387	USP32	ENSG00000170832
17	55797542	55797743	55797624	8	9	4	2.078608368	0.0785659	USP32	ENSG00000170832
17	55800203	55800434	55800360	9	10	7	1.429043253	0.21536	USP32	ENSG00000170832
17	55801718	55801903	55801810	8	8	8	1.039304184	0.46786	USP32	ENSG00000170832
17	55802873	55803168	55803001	11	14	3	3.897390691	0.00295882	USP32	ENSG00000170832
17	55803768	55804286	55803937	10	24	35	0.721739017	0.898423	USP32	ENSG00000170832
17	55804288	55804548	55804446	15	17	19	0.935373766	0.583208	USP32	ENSG00000170832
17	55804845	55805149	55804997	12	17	10	1.700679574	0.0766266	USP32	ENSG00000170832
17	55807265	55807534	55807399	9	11	1	6.235825105	0.0013754	USP32	ENSG00000170832
17	55814165	55814908	55814315	20	45	32	1.448727045	0.0500654	USP32	ENSG00000170832
17	55815557	55815933	55815727	12	19	17	1.154782427	0.327751	USP32	ENSG00000170832
17	55816117	55816628	55816379	9	20	28	0.752599582	0.843303	USP32	ENSG00000170832
17	55818025	55818728	55818351	13	33	23	1.472347594	0.0705377	USP32	ENSG00000170832
17	55820862	55821361	55821048	11	26	23	1.169217207	0.28753	USP32	ENSG00000170832

17	55822413	55822668	55822534	8	9	12	0.799464757	0.707717	USP32	ENSG00000170832
17	55822709	55825174	55824699	45	245	165	1.540173671	6.88E-06	USP32	ENSG00000170832
17	55825225	55825646	55825402	19	29	44	0.692869456	0.943176	USP32	ENSG00000170832
17	55826260	55826783	55826613	19	33	24	1.413453691	0.0918299	USP32	ENSG00000170832
17	55827799	55828009	55827957	9	12	15	0.84443465	0.678289	USP32	ENSG00000170832
17	55828588	55828887	55828736	9	14	13	1.113540197	0.385405	USP32	ENSG00000170832
17	55829344	55829538	55829441	11	12	8	1.501217155	0.168286	USP32	ENSG00000170832
17	55830476	55830665	55830610	9	10	11	0.952695502	0.548138	USP32	ENSG00000170832
17	55831142	55831441	55831286	8	12	6	1.930136342	0.071303	USP32	ENSG00000170832
17	55831881	55832079	55831980	9	10	19	0.571617301	0.938875	USP32	ENSG00000170832
17	55832714	55832936	55832828	8	10	10	1.039304184	0.464387	USP32	ENSG00000170832
17	55834124	55834398	55834246	10	12	16	0.794762023	0.738004	USP32	ENSG00000170832
17	55834722	55835087	55834901	17	24	20	1.237266886	0.234075	USP32	ENSG00000170832
17	55839040	55839474	55839352	14	22	23	0.995999843	0.506279	USP32	ENSG00000170832
17	55839522	55839845	55839674	10	14	12	1.199197136	0.313881	C17orf64	ENSG00000141371
17	55840991	55841193	55841092	8	9	16	0.611355402	0.899375	C17orf64	ENSG00000141371
17	55841691	55841884	55841798	8	9	7	1.29913023	0.286504	C17orf64	ENSG00000141371
17	55842190	55842554	55842361	10	16	10	1.606197376	0.104477	C17orf64	ENSG00000141371
17	55844733	55845148	55845053	15	23	17	1.385738912	0.144406	C17orf64	ENSG00000141371
17	55847143	55848005	55847574	11	36	33	1.131007495	0.301525	C17orf64	ENSG00000141371
17	55848211	55849120	55848704	11	38	31	1.266651975	0.159121	C17orf64	ENSG00000141371
17	55853186	55853427	55853339	12	14	12	1.199197136	0.313881	C17orf64	ENSG00000141371
17	55854101	55854377	55854207	10	13	5	2.425043097	0.0262442	C17orf64	ENSG00000141371
17	55854385	55854617	55854501	8	11	9	1.247165021	0.300052	C17orf64	ENSG00000141371
17	55854955	55855348	55855169	10	18	22	0.85855563	0.691398	C17orf64	ENSG00000141371
17	55856324	55856512	55856418	8	8	10	0.850339787	0.645072	C17orf64	ENSG00000141371
17	55857827	55858083	55857952	8	10	15	0.714521627	0.810948	C17orf64	ENSG00000141371
17	55858386	55858626	55858468	8	12	17	0.750608578	0.78992	C17orf64	ENSG00000141371
17	55858800	55859209	55859030	9	15	15	1.039304184	0.456923	C17orf64	ENSG00000141371
17	55860238	55860648	55860387	10	16	17	0.981565063	0.523072	C17orf64	ENSG00000141371
17	55861140	55861556	55861426	11	19	18	1.094004404	0.389177		ENSG00000213228
17	55863312	55864110	55863708	11	33	36	0.955036277	0.577843		ENSG00000213228
17	55866221	55866402	55866305	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213228
17	55866713	55867020	55866875	8	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000213228

17	55867536	55868513	55868245	40	87	60	1.499324069	0.00697308	ENSG00000213228
17	55868851	55869044	55868944	8	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000213228
17	55869505	55869799	55869663	9	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000213228
17	55871424	55871767	55871595	18	24	5	4.330434101	0.000108998	ENSG00000213228
17	55874062	55874801	55874497	15	34	42	0.845945266	0.770954	ENSG00000213228
17	55875969	55877098	55876351	13	49	42	1.208493237	0.180149	ENSG00000213228
17	55877759	55878057	55877930	14	18	13	1.41048425	0.160361	ENSG00000213228
17	55879474	55879707	55879633	9	10	11	0.952695502	0.548138	ENSG00000213228
17	55881174	55881426	55881300	8	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000213228
17	55883816	55884185	55884028	9	13	15	0.909391161	0.604792	ENSG00000213228
17	55886802	55887104	55886969	10	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000213228
17	55887634	55887902	55887754	13	16	7	2.208521392	0.0257604	ENSG00000213228
17	55889274	55889681	55889452	17	24	16	1.528388506	0.0846311	ENSG00000213228
17	55891171	55891747	55891350	11	23	10	2.267572766	0.00903625	ENSG00000213228
17	55891820	55892216	55891986	14	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000213228
17	55896627	55897119	55896870	18	27	18	1.531606166	0.072168	ENSG00000213228
17	55897342	55897526	55897474	8	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000213228
17	55897895	55898290	55898065	10	15	15	1.039304184	0.456923	ENSG00000213228
17	55898356	55898838	55898528	11	22	21	1.086545284	0.390103	ENSG00000213228
17	55899677	55899933	55899805	9	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000213228
17	55900141	55900531	55900352	11	18	18	1.039304184	0.453018	ENSG00000213228
17	55900672	55900979	55900820	13	14	16	0.917033104	0.598778	ENSG00000213228
17	55901890	55902259	55902080	20	27	21	1.32275078	0.160553	ENSG00000213228
17	55903405	55903671	55903538	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000213228
17	55903721	55904056	55903888	8	12	5	2.251825733	0.0404733	ENSG00000213228
17	55904628	55904851	55904739	12	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000213228
17	55905141	55905398	55905257	9	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000213228
17	55905860	55906357	55906039	12	22	13	1.707428303	0.0525925	ENSG00000213228
17	55907906	55908306	55908223	10	16	22	0.768181354	0.79945	ENSG00000213228
17	55908934	55909430	55909135	10	21	25	0.879411233	0.673643	ENSG00000213228
17	55909949	55910140	55910044	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000213228
17	55911973	55912191	55912082	9	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000213228
17	55912745	55913181	55913032	14	20	33	0.641923173	0.948808	APPBP2 ENSG00000062725
17	55913263	55913569	55913416	9	13	27	0.519652092	0.981283	APPBP2 ENSG00000062725

17	55913670	55913985	55913827	9	12	14	0.900730293	0.611333	APPBP2	ENSG00000062725
17	55920705	55920980	55920842	9	14	14	1.039304184	0.458308	APPBP2	ENSG00000062725
17	55926138	55926444	55926291	12	14	16	0.917033104	0.598778	APPBP2	ENSG00000062725
17	55926492	55926855	55926687	15	21	22	0.994117046	0.508733	APPBP2	ENSG00000062725
17	55927635	55927931	55927783	11	14	5	2.598260461	0.0167748	APPBP2	ENSG00000062725
17	55929240	55929529	55929384	8	13	14	0.970017239	0.534076	APPBP2	ENSG00000062725
17	55931965	55932156	55932035	9	10	12	0.879411233	0.62639	APPBP2	ENSG00000062725
17	55932445	55932724	55932571	8	12	6	1.930136342	0.071303	APPBP2	ENSG00000062725
17	55933288	55933467	55933316	8	8	7	1.169217207	0.371848	APPBP2	ENSG00000062725
17	55933812	55934350	55933991	16	28	25	1.159223898	0.291166	APPBP2	ENSG00000062725
17	55934856	55935116	55935003	9	11	7	1.558956276	0.158273	APPBP2	ENSG00000062725
17	55937016	55937206	55937095	9	9	11	0.86608682	0.635181	APPBP2	ENSG00000062725
17	55938290	55938843	55938604	8	20	18	1.148704625	0.329698	APPBP2	ENSG00000062725
17	55939190	55939479	55939334	9	9	6	1.484720263	0.204387	APPBP2	ENSG00000062725
17	55939817	55940014	55939915	8	9	11	0.86608682	0.635181	APPBP2	ENSG00000062725
17	55940743	55941356	55941049	8	21	21	1.039304184	0.449418	APPBP2	ENSG00000062725
17	55941912	55942125	55942036	9	11	8	1.385738912	0.224757	APPBP2	ENSG00000062725
17	55945254	55945772	55945433	12	27	16	1.711795127	0.0365811	APPBP2	ENSG00000062725
17	55949343	55949551	55949459	8	10	7	1.429043253	0.21536	APPBP2	ENSG00000062725
17	55950921	55951130	55951025	8	8	17	0.519652092	0.953436	APPBP2	ENSG00000062725
17	55951889	55952360	55952053	9	19	14	1.385738912	0.166049	APPBP2	ENSG00000062725
17	55953063	55953399	55953231	9	14	14	1.039304184	0.458308	APPBP2	ENSG00000062725
17	55954270	55954702	55954523	9	15	13	1.187776211	0.317363	APPBP2	ENSG00000062725
17	55956326	55959357	55958442	44	241	164	1.524312804	1.22E-05	APPBP2	ENSG00000062725
17	55959736	55960118	55959915	10	15	16	0.978168644	0.526483	APPBP2	ENSG00000062725
17	55961145	55961665	55961324	15	28	14	2.009321423	0.0114153	APPBP2	ENSG00000062725
17	55961718	55962609	55962187	334	416	17	24.0772136	1.37E-104	APPBP2	ENSG00000062725
17	55965832	55966288	55966011	12	21	23	0.952695502	0.566563	APPBP2	ENSG00000062725
17	55966514	55966949	55966770	8	17	14	1.247165021	0.261378	APPBP2	ENSG00000062725
17	55967838	55968135	55967986	14	16	13	1.262012224	0.256887	APPBP2	ENSG00000062725
17	55968193	55968480	55968338	10	14	16	0.917033104	0.598778	APPBP2	ENSG00000062725
17	55975854	55976461	55976137	10	22	7	2.98799953	0.00188278	APPBP2	ENSG00000062725
17	55976774	55977444	55977117	13	30	22	1.400801292	0.107495	APPBP2	ENSG00000062725
17	55978178	55978973	55978656	12	33	27	1.262012224	0.179092	APPBP2	ENSG00000062725

17	55985064	55985563	55985243	10	19	24	0.831443347	0.733913	APPBP2	ENSG00000062725
17	55986550	55986772	55986645	8	8	11	0.779478138	0.719708	APPBP2	ENSG00000062725
17	55987244	55987489	55987383	9	12	12	1.039304184	0.461227	APPBP2	ENSG00000062725
17	55989425	55990435	55990106	15	48	46	1.083529894	0.347017	APPBP2	ENSG00000062725
17	55993231	55993458	55993344	8	10	12	0.879411233	0.62639	APPBP2	ENSG00000062725
17	55993823	55994305	55994025	13	26	18	1.476905946	0.0928898	APPBP2	ENSG00000062725
17	55994739	55994954	55994879	10	12	11	1.125912866	0.382541	APPBP2	ENSG00000062725
17	55995019	55995220	55995119	8	10	15	0.714521627	0.810948	APPBP2	ENSG00000062725
17	55995419	55995852	55995681	10	18	16	1.161575265	0.325582	PPM1D	ENSG00000170836
17	55995924	55996131	55996030	8	11	12	0.959357709	0.543005	PPM1D	ENSG00000170836
17	55996686	55997048	55996891	10	15	14	1.10859113	0.386477	PPM1D	ENSG00000170836
17	55997446	55997849	55997670	12	18	7	2.468347438	0.0112499	PPM1D	ENSG00000170836
17	55998654	55998951	55998802	8	10	27	0.408298072	0.996356	PPM1D	ENSG00000170836
17	55999062	55999241	55999174	8	8	19	0.467686883	0.977188	PPM1D	ENSG00000170836
17	56000009	56000555	56000260	15	30	25	1.239170374	0.208284	PPM1D	ENSG00000170836
17	56001646	56002281	56002045	27	54	35	1.587825837	0.0142195	PPM1D	ENSG00000170836
17	56003383	56003747	56003556	8	13	24	0.582010343	0.952977	PPM1D	ENSG00000170836
17	56003812	56004163	56003941	10	14	21	0.708616489	0.853486	PPM1D	ENSG00000170836
17	56005129	56005361	56005276	8	11	7	1.558956276	0.158273	PPM1D	ENSG00000170836
17	56005363	56005690	56005526	13	19	17	1.154782427	0.327751	PPM1D	ENSG00000170836
17	56005697	56006133	56005876	11	20	12	1.67887599	0.0659142	PPM1D	ENSG00000170836
17	56007160	56007380	56007270	8	9	12	0.799464757	0.707717	PPM1D	ENSG00000170836
17	56007981	56008286	56008136	9	12	8	1.501217155	0.168286	PPM1D	ENSG00000170836
17	56008862	56009174	56009018	9	12	14	0.900730293	0.611333	PPM1D	ENSG00000170836
17	56009193	56009382	56009287	9	11	19	0.623582511	0.908792	PPM1D	ENSG00000170836
17	56009447	56010175	56009612	14	37	42	0.91845486	0.650155	PPM1D	ENSG00000170836
17	56011407	56011613	56011523	9	11	9	1.247165021	0.300052	PPM1D	ENSG00000170836
17	56012924	56013253	56013095	8	12	11	1.125912866	0.382541	PPM1D	ENSG00000170836
17	56013734	56014042	56013888	9	14	12	1.199197136	0.313881	PPM1D	ENSG00000170836
17	56014423	56014603	56014512	9	9	4	2.078608368	0.0785659	PPM1D	ENSG00000170836
17	56015329	56016104	56015479	15	44	29	1.558956276	0.0278352	PPM1D	ENSG00000170836
17	56018149	56019110	56018853	21	69	37	1.914507708	0.000460978	PPM1D	ENSG00000170836
17	56019829	56020244	56020073	11	18	25	0.759491519	0.823082	PPM1D	ENSG00000170836
17	56022518	56022899	56022763	9	15	25	0.639571806	0.925462	PPM1D	ENSG00000170836

17	56022956	56024511	56023405	12	66	56	1.221638252	0.132283	PPM1D	ENSG00000170836
17	56025149	56025392	56025270	11	12	6	1.930136342	0.071303	PPM1D	ENSG00000170836
17	56026827	56027313	56027032	9	18	30	0.636992887	0.94353	PPM1D	ENSG00000170836
17	56027951	56028363	56028216	11	18	18	1.039304184	0.453018	PPM1D	ENSG00000170836
17	56028809	56029327	56029201	8	18	23	0.822782479	0.740651	PPM1D	ENSG00000170836
17	56029986	56030195	56030040	9	11	14	0.831443347	0.68719	PPM1D	ENSG00000170836
17	56030402	56030811	56030581	19	26	22	1.220052738	0.239999	PPM1D	ENSG00000170836
17	56030892	56032746	56032427	334	621	141	4.552445089	3.10E-77	PPM1D	ENSG00000170836
17	56032836	56033822	56033462	39	109	73	1.544911625	0.00170023	PPM1D	ENSG00000170836
17	56033913	56035308	56034235	37	104	91	1.186162384	0.115334	PPM1D	ENSG00000170836
17	56035506	56035734	56035662	8	10	7	1.429043253	0.21536	PPM1D	ENSG00000170836
17	56035811	56036148	56035979	8	12	11	1.125912866	0.382541	PPM1D	ENSG00000170836
17	56036308	56036631	56036469	12	15	26	0.615883961	0.942815	PPM1D	ENSG00000170836
17	56037283	56037662	56037477	15	23	25	0.959357709	0.559486	PPM1D	ENSG00000170836
17	56038377	56038559	56038543	8	9	12	0.799464757	0.707717	PPM1D	ENSG00000170836
17	56039726	56040224	56040055	12	21	23	0.952695502	0.566563	PPM1D	ENSG00000170836
17	56041573	56041882	56041728	10	15	6	2.375552421	0.0212094	PPM1D	ENSG00000170836
17	56042413	56043066	56042904	12	30	36	0.870768371	0.717131	PPM1D	ENSG00000170836
17	56043812	56044048	56043891	8	9	5	1.73217364	0.133894	PPM1D	ENSG00000170836
17	56045001	56045286	56045123	13	16	11	1.472347594	0.147517	PPM1D	ENSG00000170836
17	56045362	56045624	56045445	9	12	7	1.688869299	0.11395	PPM1D	ENSG00000170836
17	56049375	56049695	56049535	8	12	13	0.965068171	0.538344	PPM1D	ENSG00000170836
17	56049708	56050155	56049849	11	22	24	0.956159849	0.562938	PPM1D	ENSG00000170836
17	56050297	56050488	56050369	8	8	12	0.719518281	0.783103	PPM1D	ENSG00000170836
17	56051025	56051460	56051259	11	20	9	2.182538787	0.0165356	PPM1D	ENSG00000170836
17	56051497	56052025	56051846	14	26	18	1.476905946	0.0928898	PPM1D	ENSG00000170836
17	56055542	56055937	56055763	10	16	16	1.039304184	0.455583	PPM1D	ENSG00000170836
17	56057286	56057554	56057417	8	10	8	1.27026067	0.293854	PPM1D	ENSG00000170836
17	56058020	56058230	56058120	8	9	20	0.494906754	0.972617	PPM1D	ENSG00000170836
17	56059203	56059575	56059402	9	14	15	0.974347673	0.530138	PPM1D	ENSG00000170836
17	56059792	56060401	56059971	11	27	12	2.23850132	0.00591854	PPM1D	ENSG00000170836
17	56060418	56060846	56060570	11	19	12	1.598929514	0.0887417	PPM1D	ENSG00000170836
17	56065437	56065764	56065600	11	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000200013
17	56065937	56066293	56066115	19	25	17	1.501217155	0.0888464		ENSG00000200013

17	56068105	56068528	56068291	15	25	27	0.965068171	0.55304	ENSG00000200013
17	56068700	56068946	56068823	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000200013
17	56069533	56070254	56070038	13	39	28	1.433523013	0.0675318	ENSG00000200013
17	56070644	56071583	56070982	29	56	41	1.41048425	0.04383	ENSG00000200013
17	56072453	56072741	56072602	11	14	7	1.948695345	0.0559175	ENSG00000200013
17	56072768	56073037	56072946	14	18	12	1.518983039	0.117837	ENSG00000200013
17	56073746	56074405	56074064	38	68	33	2.109176139	0.000111522	ENSG00000200013
17	56075727	56075994	56075860	9	12	19	0.67554772	0.870684	ENSG00000200013
17	56076458	56077004	56076603	8	19	23	0.86608682	0.685164	ENSG00000200013
17	56078183	56078618	56078362	16	24	30	0.838148536	0.747023	ENSG00000200013
17	56078764	56079072	56078918	9	13	18	0.765803083	0.780427	ENSG00000200013
17	56079824	56080429	56080003	11	27	23	1.212521548	0.242672	ENSG00000200013
17	56082949	56083511	56083332	14	28	19	1.506991067	0.0757238	ENSG00000200013
17	56083732	56083913	56083822	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000200013
17	56083953	56084218	56084085	9	11	11	1.039304184	0.462773	ENSG00000200013
17	56085042	56085472	56085199	18	27	20	1.385738912	0.126232	ENSG00000200013
17	56088575	56088890	56088724	9	12	17	0.750608578	0.78992	ENSG00000200013
17	56090184	56090555	56090349	11	16	10	1.606197376	0.104477	ENSG00000200013
17	56093680	56093939	56093783	9	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000200013
17	56095022	56096113	56095155	11	47	35	1.385738912	0.0675879	ENSG00000200013
17	56101912	56102584	56102138	11	29	20	1.484720263	0.0791637	ENSG00000200013
17	56103444	56103730	56103563	9	12	14	0.900730293	0.611333	BCAS3 ENSG00000141376
17	56103759	56104078	56103931	13	18	16	1.161575265	0.325582	BCAS3 ENSG00000141376
17	56109088	56110796	56109512	49	178	124	1.488283592	0.000285889	BCAS3 ENSG00000141376
17	56113158	56113372	56113265	11	11	2	4.157216737	0.0052913	BCAS3 ENSG00000141376
17	56114173	56114498	56114335	10	15	15	1.039304184	0.456923	BCAS3 ENSG00000141376
17	56115218	56115644	56115363	11	20	12	1.67887599	0.0659142	BCAS3 ENSG00000141376
17	56115981	56116625	56116236	10	24	17	1.443478034	0.113942	BCAS3 ENSG00000141376
17	56116963	56117203	56117085	9	11	17	0.692869456	0.843876	BCAS3 ENSG00000141376
17	56118260	56119098	56118679	17	49	26	1.924637378	0.00237545	BCAS3 ENSG00000141376
17	56119209	56119409	56119330	8	10	5	1.905391004	0.0915982	BCAS3 ENSG00000141376
17	56119828	56120011	56120006	9	11	16	0.733626483	0.800067	BCAS3 ENSG00000141376
17	56120044	56120298	56120171	12	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000211041
17	56121597	56121801	56121698	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000211041

17	56123311	56123740	56123563	9	15	12	1.279143611	0.251893	ENSG00000211041
17	56124032	56124283	56124157	10	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000211041
17	56125209	56125491	56125376	9	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000211041
17	56127779	56128114	56127946	9	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000211041
17	56128686	56129070	56128901	11	15	14	1.10859113	0.386477	ENSG00000211041
17	56129778	56130073	56129928	12	15	12	1.279143611	0.251893	ENSG00000211041
17	56132329	56132581	56132439	10	12	19	0.67554772	0.870684	ENSG00000211041
17	56136298	56136625	56136458	9	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000211041
17	56137132	56137368	56137250	8	10	13	0.816596145	0.696946	ENSG00000211041
17	56137718	56137921	56137821	8	8	8	1.039304184	0.46786	ENSG00000211041
17	56139542	56139899	56139720	8	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000211041
17	56140475	56140673	56140510	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000211041
17	56142053	56142412	56142345	8	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000211041
17	56143297	56143735	56143556	10	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000211041
17	56144886	56145111	56144998	10	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000175090
17	56145128	56145336	56145246	10	11	17	0.692869456	0.843876	ENSG00000175090
17	56145520	56145712	56145593	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000175090
17	56146751	56147227	56147068	13	21	22	0.994117046	0.508733	ENSG00000175090
17	56149747	56149939	56149843	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000175090
17	56150243	56150504	56150383	8	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000175090
17	56150600	56150792	56150696	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000175090
17	56151172	56151374	56151273	8	9	11	0.86608682	0.635181	ENSG00000175090
17	56151694	56152137	56151971	13	22	17	1.327999791	0.180771	ENSG00000175090
17	56152525	56152737	56152621	9	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000175090
17	56152803	56153727	56153178	35	67	56	1.239871658	0.114533	ENSG00000175090
17	56154425	56154630	56154507	9	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000175090
17	56157395	56157763	56157584	15	22	20	1.138285535	0.33303	ENSG00000175090
17	56157769	56157970	56157869	9	9	14	0.692869456	0.822654	ENSG00000175090
17	56159498	56159847	56159693	11	16	8	1.963130126	0.0441028	ENSG00000175090
17	56161396	56161849	56161575	10	19	11	1.73217364	0.0607469	ENSG00000175090
17	56162088	56162772	56162426	10	28	42	0.700926078	0.933521	ENSG00000175090
17	56162977	56163178	56163077	8	9	12	0.799464757	0.707717	ENSG00000175090
17	56169783	56170029	56169906	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000175090
17	56170304	56171058	56170453	11	28	30	0.972252301	0.544336	ENSG00000201988

17	56171964	56172358	56172143	11	20	32	0.66137539	0.934793	ENSG00000201988
17	56172981	56173617	56173373	17	37	26	1.462724407	0.0628793	ENSG00000201988
17	56173775	56173988	56173881	8	8	15	0.584608604	0.909754	ENSG00000201988
17	56174093	56174570	56174407	8	15	15	1.039304184	0.456923	ENSG00000201988
17	56175278	56175547	56175412	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000201988
17	56175703	56176497	56176124	18	42	42	1.039304184	0.429271	ENSG00000201988
17	56176500	56177305	56176925	10	35	34	1.06899859	0.389269	ENSG00000201988
17	56177685	56178075	56177896	19	27	26	1.077796932	0.39044	ENSG00000201988
17	56178243	56178761	56178345	12	22	24	0.956159849	0.562938	ENSG00000201988
17	56179186	56180259	56179623	16	62	61	1.056067155	0.380253	ENSG00000201988
17	56180312	56180835	56180555	15	33	30	1.139882009	0.298279	ENSG00000201988
17	56180943	56181333	56181084	11	18	26	0.731362204	0.856292	ENSG00000201988
17	56181379	56181558	56181429	8	9	17	0.577391213	0.925885	ENSG00000201988
17	56182622	56183142	56182866	11	25	31	0.84443465	0.741591	ENSG00000201988
17	56184905	56185147	56184990	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000201988
17	56185742	56186017	56185879	12	13	12	1.11925066	0.384109	ENSG00000201988
17	56186762	56187421	56187076	12	28	35	0.83721726	0.764263	ENSG00000201988
17	56191159	56191517	56191268	10	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000201988
17	56191925	56192257	56192104	10	14	17	0.86608682	0.662567	ENSG00000201988
17	56192705	56193047	56192840	11	16	26	0.654376709	0.9196	ENSG00000201988
17	56200150	56200445	56200278	8	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000211058
17	56200855	56201476	56201189	9	22	32	0.724363522	0.886261	ENSG00000211058
17	56203222	56203404	56203368	9	9	16	0.611355402	0.899375	ENSG00000211058
17	56203413	56203807	56203628	13	22	13	1.707428303	0.0525925	ENSG00000211058
17	56205104	56205553	56205376	10	16	26	0.654376709	0.9196	ENSG00000211058
17	56206033	56207117	56206486	16	46	40	1.191397479	0.205212	ENSG00000211058
17	56207850	56208153	56208001	10	14	16	0.917033104	0.598778	ENSG00000211058
17	56208167	56208378	56208252	8	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000211058
17	56209232	56209532	56209382	8	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000211058
17	56209812	56210140	56209976	11	16	6	2.524024447	0.0137633	ENSG00000211058
17	56213415	56214187	56213636	26	51	8	6.00486862	1.10E-09	ENSG00000211058
17	56218163	56218647	56218342	10	21	7	2.858086507	0.0029864	ENSG00000211058
17	56218827	56219058	56218947	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000211058
17	56219711	56220017	56219842	8	12	27	0.482534086	0.988534	ENSG00000211058

17	56221421	56221755	56221588	17	20	13	1.558956276	0.0943292	ENSG00000211058
17	56224651	56225065	56224751	9	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000211058
17	56230145	56230324	56230234	8	8	9	0.935373766	0.560286	ENSG00000211058
17	56230662	56231074	56230895	14	21	18	1.203404845	0.275531	ENSG00000214207
17	56232450	56232808	56232606	9	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000214207
17	56233535	56233857	56233697	12	17	9	1.870747532	0.0498299	ENSG00000214207
17	56277318	56277802	56277623	16	25	1	13.5109544	1.28E-07	ENSG00000211515
17	56582595	56582782	56582700	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000213227
17	56633340	56633935	56633519	13	28	6	4.305688763	3.69E-05	ENSG00000213227
17	56642457	56642895	56642676	16	27	32	0.881833853	0.689746	ENSG00000213227
17	56642904	56644540	56643788	19	91	88	1.07433691	0.314736	ENSG00000213227
17	56644746	56645138	56644925	13	20	27	0.779478138	0.809588	ENSG00000213227
17	56645831	56646257	56646048	14	23	26	0.923825942	0.612844	ENSG00000213227
17	56646858	56647122	56647012	10	12	17	0.750608578	0.78992	ENSG00000213227
17	56647202	56648180	56647468	15	48	37	1.340155395	0.0860201	ENSG00000213227
17	56648241	56648798	56648425	18	32	23	1.429043253	0.0888203	ENSG00000213227
17	56649335	56652163	56651688	70	270	197	1.42248199	7.32E-05	ENSG00000213227
17	56652474	56653014	56652727	17	29	30	1.005778243	0.491622	ENSG00000213227
17	56653354	56654091	56653766	18	47	51	0.959357709	0.582969	ENSG00000213227
17	56654116	56654618	56654295	11	23	25	0.959357709	0.559486	ENSG00000213227
17	56654717	56655180	56654955	8	19	33	0.611355402	0.963374	ENSG00000213227
17	56655554	56655855	56655699	12	16	13	1.262012224	0.256887	ENSG00000213227
17	56655870	56656268	56656089	21	29	24	1.247165021	0.205527	ENSG00000213227
17	56656351	56656894	56656715	20	32	30	1.106356067	0.342646	ENSG00000213227
17	56656903	56658104	56657345	26	75	67	1.161575265	0.184157	ENSG00000213227
17	56658421	56658979	56658692	14	29	41	0.742360132	0.896757	ENSG00000213227
17	56659022	56660117	56659179	19	67	76	0.917827072	0.697841	ENSG00000213227
17	56660131	56660620	56660310	14	28	36	0.814589766	0.798552	ENSG00000213227
17	56660623	56661644	56661076	16	56	48	1.2089865	0.163943	ENSG00000213227
17	56661650	56662140	56661877	10	22	22	1.039304184	0.448275	ENSG00000213227
17	56662188	56662742	56662475	13	25	32	0.818845721	0.77985	ENSG00000213227
17	56662870	56664029	56663616	43	125	83	1.558956276	0.000706264	ENSG00000213227
17	56664488	56666171	56665232	20	113	123	0.955489331	0.63775	ENSG00000213227
17	56666254	56667046	56666523	20	58	61	0.989015272	0.524764	ENSG00000213227

17	56667260	56668603	56668138	142	332	158	2.176655933	3.13E-17	ENSG00000213227
17	56668755	56669280	56669046	12	26	36	0.758411161	0.865982	ENSG00000213227
17	56669627	56670116	56669937	18	31	36	0.898857673	0.67235	ENSG00000213227
17	56670525	56672000	56670983	15	69	95	0.757825968	0.962453	ENSG00000213227
17	56672016	56672647	56672380	13	28	43	0.68499594	0.946157	ENSG00000213227
17	56672967	56673647	56673470	11	28	31	0.941869417	0.59365	ENSG00000213227
17	56674360	56674740	56674539	8	16	28	0.60924728	0.952249	ENSG00000213227
17	56674773	56675034	56674877	10	13	22	0.632619938	0.917511	ENSG00000213227
17	56675314	56676258	56675764	13	44	39	1.169217207	0.235053	ENSG00000213227
17	56676324	56676805	56676493	9	18	15	1.234173719	0.265435	ENSG00000213227
17	56677528	56678201	56677996	12	31	34	0.950220968	0.583835	ENSG00000213227
17	56678608	56679120	56678917	11	20	22	0.948929907	0.57038	ENSG00000213227
17	56679578	56680927	56680093	19	72	101	0.74381574	0.974328	ENSG00000213227
17	56680931	56681191	56681061	10	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000213227
17	56681493	56681900	56681726	9	17	39	0.467686883	0.997472	ENSG00000213227
17	56682074	56683148	56682712	14	55	62	0.923825942	0.667996	ENSG00000213227
17	56683177	56683443	56683324	9	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000213227
17	56683769	56684361	56684097	12	28	45	0.655213507	0.965407	ENSG00000213227
17	56684372	56684701	56684536	9	15	27	0.593888105	0.956572	ENSG00000213227
17	56684708	56684935	56684821	8	10	13	0.816596145	0.696946	ENSG00000213227
17	56685595	56685877	56685736	8	12	22	0.5874328	0.943388	ENSG00000213227
17	56685921	56686725	56686499	26	57	60	0.988190864	0.526384	ENSG00000213227
17	56686854	56687490	56687255	15	37	42	0.91845486	0.650155	ENSG00000213227
17	56687538	56688260	56687812	19	47	48	1.018093895	0.465188	ENSG00000213227
17	56688777	56689289	56688990	10	20	32	0.66137539	0.934793	ENSG00000213227
17	56690032	56690647	56690197	11	27	44	0.646678159	0.967646	ENSG00000213227
17	56690858	56691543	56691035	21	53	49	1.122448519	0.277615	ENSG00000213227
17	56691567	56691967	56691767	13	21	30	0.737570711	0.866474	ENSG00000213227
17	56692130	56692428	56692271	13	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000213227
17	56692449	56692981	56692802	13	26	39	0.701530324	0.926013	ENSG00000213227
17	56693234	56694169	56693758	15	45	37	1.258105065	0.145959	ENSG00000213227
17	56695200	56695843	56695630	18	38	40	0.988606419	0.52111	ENSG00000213227
17	56696963	56697153	56697058	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000213227
17	56697611	56698827	56698576	16	64	60	1.107455278	0.283158 BCAS3	ENSG00000141376

17	56698829	56699202	56699023	11	18	17	1.097043306	0.388692	BCAS3	ENSG00000141376
17	56699861	56700396	56700124	12	26	33	0.825329793	0.774487	BCAS3	ENSG00000141376
17	56702545	56702825	56702685	13	16	13	1.262012224	0.256887	BCAS3	ENSG00000141376
17	56704141	56704369	56704255	8	10	10	1.039304184	0.464387	BCAS3	ENSG00000141376
17	56704402	56704604	56704503	9	11	12	0.959357709	0.543005	BCAS3	ENSG00000141376
17	56704826	56705406	56705116	12	28	30	0.972252301	0.544336	BCAS3	ENSG00000141376
17	56705508	56705933	56705669	9	15	21	0.755857589	0.807439	BCAS3	ENSG00000141376
17	56706691	56706937	56706814	9	10	11	0.952695502	0.548138	BCAS3	ENSG00000141376
17	56706940	56707321	56707130	12	22	27	0.853714151	0.715539	BCAS3	ENSG00000141376
17	56707428	56707812	56707637	11	19	26	0.769854951	0.816207	BCAS3	ENSG00000141376
17	56708549	56708948	56708707	8	16	13	1.262012224	0.256887	BCAS3	ENSG00000141376
17	56709069	56709262	56709165	8	9	14	0.692869456	0.822654	BCAS3	ENSG00000141376
17	56709787	56710100	56709943	9	14	12	1.199197136	0.313881	BCAS3	ENSG00000141376
17	56710561	56711026	56710853	11	18	28	0.680923431	0.908117	BCAS3	ENSG00000141376
17	56711322	56712733	56712137	17	74	79	0.974347673	0.564809	BCAS3	ENSG00000141376
17	56712758	56713418	56713196	19	38	27	1.447602257	0.0652315	BCAS3	ENSG00000141376
17	56714330	56715022	56714800	16	41	34	1.247165021	0.165744	BCAS3	ENSG00000141376
17	56715130	56715392	56715225	8	11	13	0.890832158	0.618492	BCAS3	ENSG00000141376
17	56715436	56715640	56715499	8	10	7	1.429043253	0.21536	BCAS3	ENSG00000141376
17	56716493	56718294	56717002	307	504	105	4.95140201	2.32E-67	BCAS3	ENSG00000141376
17	56718404	56719157	56718777	14	37	40	0.963257537	0.566947	BCAS3	ENSG00000141376
17	56719286	56719607	56719512	8	12	9	1.35109544	0.232899	BCAS3	ENSG00000141376
17	56720051	56720799	56720423	14	37	54	0.718064709	0.944199	BCAS3	ENSG00000141376
17	56720939	56722435	56722132	31	99	98	1.049802206	0.365947	BCAS3	ENSG00000141376
17	56723158	56724429	56723554	19	71	78	0.94721394	0.63116	BCAS3	ENSG00000141376
17	56724827	56725262	56724993	9	17	22	0.813368492	0.747743	BCAS3	ENSG00000141376
17	56725307	56725915	56725599	8	23	45	0.542245661	0.99395	BCAS3	ENSG00000141376
17	56726460	56727845	56727271	16	64	60	1.107455278	0.283158	BCAS3	ENSG00000141376
17	56728129	56729423	56728280	15	66	54	1.266061461	0.0962244	BCAS3	ENSG00000141376
17	56729503	56730932	56730556	17	80	69	1.202623413	0.128307	BCAS3	ENSG00000141376
17	56732072	56732517	56732251	14	25	34	0.772054537	0.844426	BCAS3	ENSG00000141376
17	56732637	56732826	56732731	12	13	19	0.727512929	0.824686	BCAS3	ENSG00000141376
17	56732912	56733626	56733091	13	34	27	1.29913023	0.148943	BCAS3	ENSG00000141376
17	56733846	56734083	56733964	8	12	18	0.711102863	0.834017	BCAS3	ENSG00000141376

17	56734118	56734514	56734335	10	17	20	0.890832158	0.642922	BCAS3	ENSG00000141376
17	56734805	56735484	56735305	17	37	32	1.196774515	0.223945	BCAS3	ENSG00000141376
17	56735502	56736166	56735992	14	34	37	0.957253854	0.574992	BCAS3	ENSG00000141376
17	56736271	56736556	56736429	10	13	26	0.538898466	0.974306	BCAS3	ENSG00000141376
17	56736641	56736963	56736815	14	17	11	1.558956276	0.111389	BCAS3	ENSG00000141376
17	56737238	56737568	56737403	11	17	20	0.890832158	0.642922	BCAS3	ENSG00000141376
17	56737572	56737817	56737695	8	11	15	0.779478138	0.747877	BCAS3	ENSG00000141376
17	56739016	56739500	56739343	13	22	26	0.885333194	0.668299	BCAS3	ENSG00000141376
17	56739552	56740227	56740048	10	27	28	1.003466109	0.495433	BCAS3	ENSG00000141376
17	56740250	56740889	56740710	16	36	29	1.281808494	0.154243	BCAS3	ENSG00000141376
17	56740978	56742307	56741731	28	78	68	1.189927979	0.144876	BCAS3	ENSG00000141376
17	56742710	56743231	56742896	19	37	31	1.234173719	0.188755	BCAS3	ENSG00000141376
17	56743975	56747348	56746760	289	679	269	2.617506834	1.54E-45	BCAS3	ENSG00000141376
17	56747443	56747932	56747725	11	22	19	1.195199812	0.27834	BCAS3	ENSG00000141376
17	56748361	56750429	56749657	14	92	79	1.208191114	0.106695	BCAS3	ENSG00000141376
17	56750541	56750841	56750691	10	13	27	0.519652092	0.981283	BCAS3	ENSG00000141376
17	56750951	56751631	56751291	10	31	20	1.583701614	0.047672	BCAS3	ENSG00000141376
17	56752841	56753144	56752992	10	14	13	1.113540197	0.385405	BCAS3	ENSG00000141376
17	56753228	56754016	56753634	15	39	30	1.341037657	0.107943	BCAS3	ENSG00000141376
17	56754553	56755001	56754772	12	21	29	0.762156402	0.837107	BCAS3	ENSG00000141376
17	56755161	56756293	56755679	15	54	88	0.642266631	0.995674	BCAS3	ENSG00000141376
17	56756541	56756854	56756701	12	16	21	0.803098688	0.755224	BCAS3	ENSG00000141376
17	56757002	56757206	56757148	8	9	22	0.451871384	0.986686	BCAS3	ENSG00000141376
17	56757211	56758340	56757922	14	57	71	0.83721726	0.844695	BCAS3	ENSG00000141376
17	56758472	56759041	56758752	21	40	36	1.151661393	0.26595	BCAS3	ENSG00000141376
17	56761843	56762289	56762150	12	19	23	0.86608682	0.685164	BCAS3	ENSG00000141376
17	56763025	56764718	56763520	14	74	95	0.811956394	0.913175	BCAS3	ENSG00000141376
17	56765116	56765533	56765354	13	21	21	1.039304184	0.449418	BCAS3	ENSG00000141376
17	56766126	56766457	56766298	17	21	22	0.994117046	0.508733	BCAS3	ENSG00000141376
17	56766892	56769030	56768312	41	172	115	1.549996758	0.000109808	BCAS3	ENSG00000141376
17	56769446	56770215	56769749	11	32	49	0.685940762	0.956165	BCAS3	ENSG00000141376
17	56770269	56770661	56770605	10	17	34	0.534499295	0.987357	BCAS3	ENSG00000141376
17	56770896	56771714	56771144	23	54	37	1.504256056	0.0249545	BCAS3	ENSG00000141376
17	56771891	56772585	56772449	13	31	34	0.950220968	0.583835	BCAS3	ENSG00000141376

17	56772692	56773343	56773020	14	29	45	0.677807077	0.954077	BCAS3	ENSG00000141376
17	56773381	56773878	56773699	11	21	24	0.914587682	0.621823	BCAS3	ENSG00000141376
17	56775304	56776842	56776065	13	69	72	0.996593053	0.508591	BCAS3	ENSG00000141376
17	56776878	56777102	56777048	8	10	19	0.571617301	0.938875	BCAS3	ENSG00000141376
17	56777842	56779035	56778017	11	51	65	0.818845721	0.86132	BCAS3	ENSG00000141376
17	56779610	56780214	56779863	15	29	31	0.974347673	0.541653	BCAS3	ENSG00000141376
17	56780265	56780790	56780433	11	23	30	0.804622594	0.791126	BCAS3	ENSG00000141376
17	56781055	56782148	56781735	22	69	66	1.085840192	0.314798	BCAS3	ENSG00000141376
17	56782158	56782361	56782259	12	13	11	1.212521548	0.309909	BCAS3	ENSG00000141376
17	56783174	56786325	56784525	37	221	183	1.253943092	0.0113886	BCAS3	ENSG00000141376
17	56786425	56788249	56787682	17	91	98	0.96581803	0.595483	BCAS3	ENSG00000141376
17	56788462	56789372	56788979	85	160	94	1.761347091	4.06E-06	BCAS3	ENSG00000141376
17	56790328	56790762	56790492	11	17	16	1.100439724	0.388093	BCAS3	ENSG00000141376
17	56791000	56791590	56791140	16	35	36	1.011214882	0.481494	BCAS3	ENSG00000141376
17	56791807	56792165	56791986	12	17	8	2.078608368	0.0303558	BCAS3	ENSG00000141376
17	56792797	56793332	56793027	17	30	29	1.073947657	0.390181	BCAS3	ENSG00000141376
17	56793626	56794407	56794228	14	34	33	1.069871954	0.389489	BCAS3	ENSG00000141376
17	56794424	56796102	56795369	17	75	104	0.752258267	0.971733	BCAS3	ENSG00000141376
17	56796147	56796538	56796363	19	24	14	1.73217364	0.0420666	BCAS3	ENSG00000141376
17	56797022	56797443	56797258	13	23	31	0.779478138	0.82527	BCAS3	ENSG00000141376
17	56797789	56798002	56797852	10	11	7	1.558956276	0.158273	BCAS3	ENSG00000141376
17	56798414	56799001	56798593	12	27	24	1.164020686	0.289415	BCAS3	ENSG00000141376
17	56799038	56799909	56799217	14	39	50	0.815140537	0.835654	BCAS3	ENSG00000141376
17	56800069	56800685	56800378	16	38	24	1.621314527	0.0273137	BCAS3	ENSG00000141376
17	56800801	56801332	56800908	15	30	26	1.193275174	0.249725	BCAS3	ENSG00000141376
17	56801384	56802145	56801798	16	35	30	1.206933891	0.220031	BCAS3	ENSG00000141376
17	56802175	56802568	56802429	13	21	17	1.27026067	0.223413	BCAS3	ENSG00000141376
17	56802883	56803563	56803294	14	36	44	0.854538996	0.762645	BCAS3	ENSG00000141376
17	56804082	56805017	56804331	15	52	53	1.02005781	0.459433	BCAS3	ENSG00000141376
17	56805409	56806095	56805694	26	45	9	4.780799247	1.04E-07	BCAS3	ENSG00000141376
17	56807022	56807786	56807347	10	29	34	0.890832158	0.680743	BCAS3	ENSG00000141376
17	56807986	56808294	56808142	8	12	21	0.614134291	0.924528	BCAS3	ENSG00000141376
17	56808311	56808629	56808470	9	15	29	0.554295565	0.975664	BCAS3	ENSG00000141376
17	56808707	56809077	56808862	18	24	17	1.443478034	0.113942	BCAS3	ENSG00000141376

17	56809427	56809735	56809576	10	13	11	1.212521548	0.309909	BCAS3	ENSG00000141376
17	56809827	56810160	56809993	18	24	21	1.181027482	0.2833	BCAS3	ENSG00000141376
17	56810322	56811453	56810959	16	57	46	1.282545589	0.101038	BCAS3	ENSG00000141376
17	56811586	56812708	56812155	14	50	50	1.039304184	0.423013	BCAS3	ENSG00000141376
17	56812733	56814146	56813282	20	78	76	1.066299098	0.344239	BCAS3	ENSG00000141376
17	56814923	56815231	56815085	10	14	29	0.519652092	0.984317	BCAS3	ENSG00000141376
17	56815567	56815762	56815692	8	8	18	0.492301982	0.967211	BCAS3	ENSG00000141376
17	56816056	56816383	56816226	8	12	25	0.519652092	0.977628	BCAS3	ENSG00000141376
17	56816419	56816735	56816577	14	17	26	0.692869456	0.890806	BCAS3	ENSG00000141376
17	56816961	56818945	56817687	12	87	88	1.027626609	0.428289	BCAS3	ENSG00000141376
17	56819714	56820262	56819863	13	28	25	1.159223898	0.291166	BCAS3	ENSG00000141376
17	56820432	56821337	56821158	14	43	45	0.994117046	0.511754	BCAS3	ENSG00000141376
17	56821629	56823161	56822315	38	113	91	1.287833446	0.0348779	BCAS3	ENSG00000141376
17	56823269	56823813	56823554	9	21	32	0.692869456	0.912769	TBX2	ENSG00000121068
17	56824039	56824729	56824399	19	37	38	1.012655359	0.478466	TBX2	ENSG00000121068
17	56824848	56825105	56824972	9	11	19	0.623582511	0.908792	TBX2	ENSG00000121068
17	56825286	56827808	56825887	61	232	163	1.476572408	5.71E-05	TBX2	ENSG00000121068
17	56828057	56828375	56828236	15	18	21	0.897580886	0.637183	TBX2	ENSG00000121068
17	56829728	56830138	56829959	11	18	28	0.680923431	0.908117	TBX2	ENSG00000121068
17	56830146	56831698	56830996	28	113	92	1.273985774	0.0408764	TBX2	ENSG00000121068
17	56831775	56832063	56831919	24	27	29	0.970017239	0.547123	TBX2	ENSG00000121068
17	56832536	56832721	56832628	8	8	7	1.169217207	0.371848	TBX2	ENSG00000121068
17	56832761	56833567	56832926	21	59	51	1.199197136	0.167887	TBX2	ENSG00000121068
17	56833619	56834436	56834257	16	42	48	0.912042447	0.671595	TBX2	ENSG00000121068
17	56834580	56834934	56834757	15	21	19	1.143234603	0.33145	TBX2	ENSG00000121068
17	56835182	56835404	56835293	10	11	8	1.385738912	0.224757	TBX2	ENSG00000121068
17	56835500	56836297	56835829	18	48	40	1.242095245	0.1515	TBX2	ENSG00000121068
17	56836756	56837350	56837171	11	26	19	1.403060649	0.122336	TBX2	ENSG00000121068
17	56838089	56838823	56838546	15	38	37	1.066654294	0.388522	C17orf82	ENSG00000187013
17	56838980	56839255	56839117	11	13	17	0.808347699	0.728863	C17orf82	ENSG00000187013
17	56839328	56839942	56839702	22	43	34	1.306553832	0.117083	C17orf82	ENSG00000187013
17	56840011	56840228	56840119	8	9	15	0.649565115	0.865365	C17orf82	ENSG00000187013
17	56840747	56841699	56841183	17	55	50	1.141196751	0.246911	C17orf82	ENSG00000187013
17	56841999	56843164	56842986	17	72	58	1.285918736	0.0743092	C17orf82	ENSG00000187013

17	56843290	56846182	56844459	115	434	194	2.318447796	1.37E-24	C17orf82	ENSG00000187013
17	56846424	56847361	56846837	17	49	52	0.980475646	0.540501	C17orf82	ENSG00000187013
17	56847383	56849767	56849107	45	184	151	1.264942593	0.0155945	C17orf82	ENSG00000187013
17	56849894	56850272	56850083	17	26	30	0.905200419	0.649195	C17orf82	ENSG00000187013
17	56850565	56850797	56850701	8	9	9	1.039304184	0.466079	C17orf82	ENSG00000187013
17	56850916	56852727	56851942	15	88	81	1.128025273	0.215245	C17orf82	ENSG00000187013
17	56852933	56854134	56853356	16	68	56	1.258105065	0.0986615	C17orf82	ENSG00000187013
17	56854409	56854705	56854558	11	13	19	0.727512929	0.824686	C17orf82	ENSG00000187013
17	56854836	56855299	56855120	9	18	26	0.731362204	0.856292	C17orf82	ENSG00000187013
17	56855369	56855607	56855465	11	13	8	1.616695398	0.123553	C17orf82	ENSG00000187013
17	56855889	56856578	56856318	20	38	34	1.158081805	0.263379	C17orf82	ENSG00000187013
17	56856697	56857067	56856889	11	17	25	0.719518281	0.863101	C17orf82	ENSG00000187013
17	56857320	56857537	56857379	8	10	28	0.394218829	0.99754	C17orf82	ENSG00000187013
17	56857607	56858078	56857842	13	24	27	0.927950164	0.608665	C17orf82	ENSG00000187013
17	56858083	56858609	56858309	32	50	38	1.359090087	0.0728571	C17orf82	ENSG00000187013
17	56858955	56859400	56859221	12	22	20	1.138285535	0.33303	C17orf82	ENSG00000187013
17	56859423	56860082	56859620	16	41	42	1.015134319	0.472821	C17orf82	ENSG00000187013
17	56860707	56861123	56860944	9	17	20	0.890832158	0.642922	C17orf82	ENSG00000187013
17	56863666	56864628	56863845	20	54	56	1.002837371	0.494483	C17orf82	ENSG00000187013
17	56865767	56866497	56866318	11	30	24	1.288737188	0.170531	TBX4	ENSG00000121075
17	56866973	56867203	56867071	10	12	10	1.228268581	0.305344	TBX4	ENSG00000121075
17	56868401	56868807	56868658	10	15	19	0.831443347	0.712423	TBX4	ENSG00000121075
17	56869444	56870173	56869981	12	33	30	1.139882009	0.298279	TBX4	ENSG00000121075
17	56870490	56870797	56870644	8	13	25	0.55962533	0.965065	TBX4	ENSG00000121075
17	56871157	56871550	56871418	11	17	17	1.039304184	0.454282	TBX4	ENSG00000121075
17	56871600	56873584	56872163	17	105	147	0.74436651	0.990349	TBX4	ENSG00000121075
17	56873604	56873889	56873746	10	13	22	0.632619938	0.917511	TBX4	ENSG00000121075
17	56874174	56874594	56874459	17	24	39	0.649565115	0.957933	TBX4	ENSG00000121075
17	56874708	56875846	56875191	12	56	76	0.769355045	0.935009	TBX4	ENSG00000121075
17	56876094	56877498	56877032	14	61	91	0.700400646	0.98588	TBX4	ENSG00000121075
17	56878108	56879220	56878471	12	46	74	0.651297289	0.990456	TBX4	ENSG00000121075
17	56879228	56881258	56879665	16	102	122	0.870311634	0.851873	TBX4	ENSG00000121075
17	56881646	56883735	56882595	41	201	179	1.166330251	0.0663457	TBX4	ENSG00000121075
17	56884808	56885262	56885083	20	30	37	0.847853413	0.75465	TBX4	ENSG00000121075

17	56885680	56885910	56885774	8	10	15	0.714521627	0.810948	TBX4	ENSG00000121075
17	56885930	56886356	56886176	9	19	18	1.094004404	0.389177	TBX4	ENSG00000121075
17	56886389	56886627	56886476	8	9	11	0.86608682	0.635181	TBX4	ENSG00000121075
17	56887285	56887499	56887348	10	12	17	0.750608578	0.78992	TBX4	ENSG00000121075
17	56887529	56888065	56887887	11	21	30	0.737570711	0.866474	TBX4	ENSG00000121075
17	56889016	56889990	56889633	15	50	47	1.104260696	0.310616	TBX4	ENSG00000121075
17	56890511	56891904	56891749	32	106	81	1.356165216	0.0183312	TBX4	ENSG00000121075
17	56891984	56892249	56892116	17	20	20	1.039304184	0.450588	TBX4	ENSG00000121075
17	56892562	56894056	56892986	25	97	100	1.008433763	0.476698	TBX4	ENSG00000121075
17	56894077	56894590	56894256	16	31	23	1.385738912	0.110791	TBX4	ENSG00000121075
17	56894883	56896185	56895904	17	76	76	1.039304184	0.405626	TBX4	ENSG00000121075
17	56896285	56898196	56897058	12	75	92	0.849323849	0.855903	TBX4	ENSG00000121075
17	56898509	56899342	56898786	20	46	52	0.921647107	0.65928	TBX4	ENSG00000121075
17	56899452	56900535	56899873	46	101	97	1.081724763	0.28921	TBX4	ENSG00000121075
17	56900592	56902327	56901495	12	64	93	0.718667787	0.980798	TBX4	ENSG00000121075
17	56902446	56902953	56902625	17	32	34	0.979915374	0.534148	TBX4	ENSG00000121075
17	56903034	56903996	56903498	15	51	47	1.125912866	0.276262	TBX4	ENSG00000121075
17	56904020	56904850	56904374	12	35	37	0.984603964	0.527342	TBX4	ENSG00000121075
17	56904859	56905217	56905038	16	22	24	0.956159849	0.562938	TBX4	ENSG00000121075
17	56905246	56906096	56905431	20	52	53	1.02005781	0.459433	TBX4	ENSG00000121075
17	56906171	56907588	56907078	21	86	73	1.221884649	0.101712	TBX4	ENSG00000121075
17	56907591	56908276	56907955	10	26	31	0.876912905	0.694502	TBX4	ENSG00000121075
17	56908592	56909111	56908771	16	31	43	0.755857589	0.88876	TBX4	ENSG00000121075
17	56909132	56909889	56909334	14	36	29	1.281808494	0.154243	TBX4	ENSG00000121075
17	56910051	56910475	56910296	12	20	35	0.606260774	0.969237	TBX4	ENSG00000121075
17	56910776	56911350	56910955	12	29	31	0.974347673	0.541653	TBX4	ENSG00000121075
17	56911374	56912050	56911628	13	34	23	1.515651935	0.0555079	TBX4	ENSG00000121075
17	56912459	56912679	56912510	10	13	17	0.808347699	0.728863	TBX4	ENSG00000121075
17	56912694	56912882	56912788	11	11	14	0.831443347	0.68719	TBX4	ENSG00000121075
17	56912975	56913430	56913189	23	34	34	1.039304184	0.436168	TBX4	ENSG00000121075
17	56913469	56913955	56913737	15	29	21	1.417232979	0.104064	TBX4	ENSG00000121075
17	56914204	56914958	56914376	20	48	48	1.039304184	0.424526	TBX4	ENSG00000121075
17	56915460	56916409	56915609	20	64	61	1.089593096	0.314234	TBX4	ENSG00000121075
17	56916431	56917034	56916675	12	26	32	0.850339787	0.736354	TBX4	ENSG00000121075

17	56917183	56917691	56917355	11	23	30	0.804622594	0.791126	TBX4	ENSG00000121075
17	56917767	56918390	56918156	17	37	42	0.91845486	0.650155	TBX4	ENSG00000121075
17	56918393	56918833	56918654	11	22	34	0.682971321	0.926111	TBX4	ENSG00000121075
17	56918843	56919545	56919110	18	37	40	0.963257537	0.566947	TBX4	ENSG00000121075
17	56919686	56921045	56920715	15	67	68	1.024241805	0.444528	TBX4	ENSG00000121075
17	56921067	56921320	56921239	8	11	12	0.959357709	0.543005	TBX4	ENSG00000121075
17	56921484	56922446	56922267	22	50	58	0.898381583	0.713768	TBX4	ENSG00000121075
17	56922644	56923488	56923042	16	51	47	1.125912866	0.276262	TBX4	ENSG00000121075
17	56923987	56924537	56924294	19	35	46	0.796062779	0.850956	TBX4	ENSG00000121075
17	56924801	56926059	56925591	16	74	83	0.927950164	0.681977	TBX4	ENSG00000121075
17	56926372	56928151	56927438	17	108	87	1.287319955	0.0382986	TBX4	ENSG00000121075
17	56928271	56929381	56928828	15	63	64	1.023314889	0.448218	TBX4	ENSG00000121075
17	56929419	56929932	56929754	14	23	54	0.453514553	0.999646	TBX4	ENSG00000121075
17	56930332	56930779	56930489	15	25	37	0.711102863	0.913296	TBX4	ENSG00000121075
17	56930813	56931603	56931386	14	42	35	1.241391109	0.167785	TBX4	ENSG00000121075
17	56931813	56932772	56932147	23	68	61	1.156644979	0.202183	TBX4	ENSG00000121075
17	56932873	56933437	56933052	11	24	40	0.633722064	0.966896	TBX4	ENSG00000121075
17	56933611	56934461	56934155	21	48	62	0.808347699	0.869992	TBX4	ENSG00000121075
17	56934508	56934974	56934796	11	19	28	0.716761506	0.878343	TBX4	ENSG00000121075
17	56935927	56936106	56936063	8	8	7	1.169217207	0.371848	TBX4	ENSG00000121075
17	56936621	56937552	56937066	36	95	64	1.534972334	0.00345928	TBX4	ENSG00000121075
17	56937965	56938390	56938089	13	22	21	1.086545284	0.390103	TBX4	ENSG00000121075
17	56938703	56939431	56938854	14	39	39	1.039304184	0.431772	TBX4	ENSG00000121075
17	56939441	56940589	56939774	18	65	76	0.890832158	0.755865	TBX4	ENSG00000121075
17	56941111	56941491	56941290	28	36	37	1.011954074	0.479962	TBX4	ENSG00000121075
17	56941697	56942955	56942422	19	69	84	0.855897563	0.833895	TBX4	ENSG00000121075
17	56943065	56944299	56943776	17	69	66	1.085840192	0.314798	TBX4	ENSG00000121075
17	56944616	56945268	56945145	11	28	25	1.159223898	0.291166	TBX4	ENSG00000121075
17	56945796	56946265	56946106	13	18	13	1.41048425	0.160361	TBX4	ENSG00000121075
17	56946845	56947085	56946952	12	14	21	0.708616489	0.853486	TBX4	ENSG00000121075
17	56947443	56947757	56947589	11	15	16	0.978168644	0.526483	TBX4	ENSG00000121075
17	56948308	56948787	56948647	15	26	23	1.169217207	0.28753	TBX4	ENSG00000121075
17	56949399	56950559	56950134	12	55	58	0.986458209	0.529714	TBX4	ENSG00000121075
17	56950570	56950890	56950730	12	18	27	0.705242125	0.884499	TBX4	ENSG00000121075

17	56950892	56951648	56951071	15	38	57	0.698842469	0.960388	TBX4	ENSG00000121075
17	56952052	56952234	56952155	9	9	10	0.944821986	0.553851	TBX4	ENSG00000121075
17	56953122	56953578	56953301	15	25	23	1.125912866	0.336929	TBX4	ENSG00000121075
17	56955137	56955424	56955261	12	14	22	0.677807077	0.884881	TBX4	ENSG00000121075
17	56955914	56956700	56956370	14	38	28	1.397684937	0.083712	NACA2	ENSG00000196861
17	56956914	56957474	56957109	15	29	44	0.692869456	0.943176	NACA2	ENSG00000196861
17	56957501	56958750	56958027	21	66	76	0.904329615	0.727513	NACA2	ENSG00000196861
17	56959271	56959518	56959391	9	11	13	0.890832158	0.618492	NACA2	ENSG00000196861
17	56959919	56960156	56960051	8	9	9	1.039304184	0.466079	NACA2	ENSG00000196861
17	56960327	56960588	56960457	9	11	10	1.133786383	0.380636	NACA2	ENSG00000196861
17	56961241	56961838	56961672	16	34	31	1.136738952	0.299433	NACA2	ENSG00000196861
17	56961923	56962437	56962102	12	25	28	0.931789958	0.604671	NACA2	ENSG00000196861
17	56963404	56963692	56963577	12	15	11	1.385738912	0.19225	NACA2	ENSG00000196861
17	56964186	56964688	56964297	10	22	29	0.796799875	0.797061	NACA2	ENSG00000196861
17	56964809	56965517	56965102	13	35	73	0.505607441	0.999745	NACA2	ENSG00000196861
17	56965836	56966487	56966015	10	25	28	0.931789958	0.604671	NACA2	ENSG00000196861
17	56966517	56966923	56966696	10	17	29	0.623582511	0.947897	NACA2	ENSG00000196861
17	56967376	56967674	56967525	12	15	18	0.875203524	0.655562	NACA2	ENSG00000196861
17	56968492	56969024	56968671	11	24	22	1.129678461	0.335754	NACA2	ENSG00000196861
17	56969448	56970091	56969627	17	31	22	1.44598843	0.0857085	NACA2	ENSG00000196861
17	56970552	56970964	56970702	10	15	19	0.831443347	0.712423	NACA2	ENSG00000196861
17	56971278	56971483	56971408	9	9	6	1.484720263	0.204387	NACA2	ENSG00000196861
17	56972803	56973282	56973107	9	19	15	1.29913023	0.214784	NACA2	ENSG00000196861
17	56973758	56974236	56973937	11	21	18	1.203404845	0.275531	NACA2	ENSG00000196861
17	56974388	56974612	56974493	9	10	10	1.039304184	0.464387	NACA2	ENSG00000196861
17	56974742	56975236	56975059	9	17	24	0.748299013	0.830231	NACA2	ENSG00000196861
17	56976383	56976808	56976633	9	15	16	0.978168644	0.526483	NACA2	ENSG00000196861
17	56977059	56977349	56977170	11	14	15	0.974347673	0.530138	NACA2	ENSG00000196861
17	56977647	56977978	56977812	9	13	19	0.727512929	0.824686	NACA2	ENSG00000196861
17	56978770	56979190	56978949	11	19	13	1.484720263	0.123861	NACA2	ENSG00000196861
17	56979290	56979583	56979436	10	12	13	0.965068171	0.538344	NACA2	ENSG00000196861
17	56980556	56980783	56980658	8	10	15	0.714521627	0.810948	NACA2	ENSG00000196861
17	56981415	56981885	56981578	16	25	17	1.501217155	0.0888464	NACA2	ENSG00000196861
17	56982260	56983137	56982557	16	48	45	1.107084892	0.309755	NACA2	ENSG00000196861

17	56983219	56984018	56983518	46	90	52	1.784465675	0.000307823	NACA2	ENSG00000196861
17	56984785	56985124	56984946	19	21	13	1.63319229	0.0708832	NACA2	ENSG00000196861
17	56985189	56985817	56985674	20	40	40	1.039304184	0.430928	NACA2	ENSG00000196861
17	56986114	56986621	56986442	14	25	28	0.931789958	0.604671	NACA2	ENSG00000196861
17	56987019	56988088	56987586	28	81	102	0.827407215	0.901064	NACA2	ENSG00000196861
17	56988176	56989336	56988583	27	86	78	1.144550178	0.192002	NACA2	ENSG00000196861
17	56989466	56989667	56989566	8	9	14	0.692869456	0.822654	NACA2	ENSG00000196861
17	56989989	56990211	56990130	11	12	17	0.750608578	0.78992	NACA2	ENSG00000196861
17	56990354	56990776	56990477	8	16	32	0.535399125	0.984936	NACA2	ENSG00000196861
17	56991648	56992078	56991906	17	24	24	1.039304184	0.446062	NACA2	ENSG00000196861
17	56993132	56994208	56993968	19	62	67	0.962884759	0.586342	NACA2	ENSG00000196861
17	56994381	56994780	56994560	16	24	20	1.237266886	0.234075	NACA2	ENSG00000196861
17	56994785	56995153	56995019	8	14	15	0.974347673	0.530138	NACA2	ENSG00000196861
17	56995465	56995877	56995701	9	15	20	0.791850807	0.763134	NACA2	ENSG00000196861
17	56996930	56997416	56996996	13	27	33	0.855897563	0.7313	NACA2	ENSG00000196861
17	56999165	57000538	56999654	14	70	69	1.054151387	0.377163	NACA2	ENSG00000196861
17	57000554	57001970	57000983	57	130	86	1.564929289	0.00051993	NACA2	ENSG00000196861
17	57002145	57002682	57002318	16	31	29	1.10859113	0.342043	NACA2	ENSG00000196861
17	57002688	57002918	57002803	10	12	16	0.794762023	0.738004	NACA2	ENSG00000196861
17	57003160	57003573	57003394	9	16	23	0.736173797	0.837668	NACA2	ENSG00000196861
17	57003788	57004043	57003886	13	14	14	1.039304184	0.458308	NACA2	ENSG00000196861
17	57004964	57005386	57005208	9	16	19	0.883408557	0.649033	NACA2	ENSG00000196861
17	57005613	57006552	57006118	14	47	56	0.875203524	0.753475	NACA2	ENSG00000196861
17	57006703	57007798	57007146	39	97	92	1.095180753	0.264794	NACA2	ENSG00000196861
17	57007833	57008148	57007986	11	15	20	0.791850807	0.763134	NACA2	ENSG00000196861
17	57008208	57008579	57008387	10	17	31	0.584608604	0.96966	NACA2	ENSG00000196861
17	57009767	57011145	57010739	22	66	61	1.123119038	0.254565	NACA2	ENSG00000196861
17	57011379	57013352	57012720	23	120	118	1.056771481	0.334462	NACA2	ENSG00000196861
17	57013431	57013924	57013667	12	24	39	0.649565115	0.957933	NACA2	ENSG00000196861
17	57013931	57014320	57014110	14	23	24	0.997732017	0.503931	NACA2	ENSG00000196861
17	57015261	57016155	57015657	29	73	55	1.373366243	0.0355059	NACA2	ENSG00000196861
17	57016555	57016762	57016658	9	11	14	0.831443347	0.68719	NACA2	ENSG00000196861
17	57017012	57017291	57017123	10	14	21	0.708616489	0.853486	NACA2	ENSG00000196861
17	57018580	57018862	57018721	8	11	7	1.558956276	0.158273	NACA2	ENSG00000196861

17	57019074	57020073	57019517	15	46	59	0.814121611	0.856477	NACA2	ENSG00000196861
17	57020098	57020772	57020249	13	32	42	0.797605537	0.838401	NACA2	ENSG00000196861
17	57020944	57021361	57021182	11	20	40	0.532326533	0.992476	NACA2	ENSG00000196861
17	57021441	57022712	57021774	22	85	83	1.064049522	0.342841	NACA2	ENSG00000196861
17	57023046	57023627	57023376	13	31	33	0.978168644	0.536565	NACA2	ENSG00000196861
17	57024097	57024620	57024226	17	31	40	0.811164241	0.815118	NACA2	ENSG00000196861
17	57024639	57025040	57024883	13	20	20	1.039304184	0.450588	NACA2	ENSG00000196861
17	57025370	57025870	57025660	11	21	36	0.61796465	0.966476	NACA2	ENSG00000196861
17	57026864	57027166	57027011	11	15	18	0.875203524	0.655562	NACA2	ENSG00000196861
17	57027648	57029343	57028403	19	85	107	0.827594073	0.906054	NACA2	ENSG00000196861
17	57029588	57030746	57029985	15	58	55	1.094981194	0.313117	NACA2	ENSG00000196861
17	57030821	57031415	57031072	13	27	42	0.676756213	0.949127	NACA2	ENSG00000196861
17	57031561	57032456	57032008	13	42	51	0.859424614	0.770637	NACA2	ENSG00000196861
17	57032780	57033247	57032959	10	21	42	0.531737024	0.99366	NACA2	ENSG00000196861
17	57033504	57033980	57033683	12	25	20	1.286757561	0.192726	NACA2	ENSG00000196861
17	57034789	57035305	57035029	12	26	32	0.850339787	0.736354	NACA2	ENSG00000196861
17	57035363	57035696	57035529	13	18	28	0.680923431	0.908117	NACA2	ENSG00000196861
17	57036306	57036704	57036485	9	18	14	1.316451967	0.209896	NACA2	ENSG00000196861
17	57038426	57038655	57038540	10	13	12	1.11925066	0.384109	NACA2	ENSG00000196861
17	57039076	57039363	57039214	20	22	18	1.258105065	0.227238	NACA2	ENSG00000196861
17	57042194	57042647	57042373	10	19	19	1.039304184	0.451787	NACA2	ENSG00000196861
17	57043032	57043958	57043300	24	52	48	1.124145342	0.276954	NACA2	ENSG00000196861
17	57043960	57044991	57044362	23	58	56	1.075770998	0.346967	NACA2	ENSG00000196861
17	57045120	57045323	57045191	8	10	9	1.143234603	0.378307	NACA2	ENSG00000196861
17	57045939	57046220	57046060	12	15	5	2.771477825	0.0105836	NACA2	ENSG00000196861
17	57048110	57048530	57048323	19	28	35	0.83721726	0.764263	NACA2	ENSG00000196861
17	57048828	57049914	57049536	11	44	42	1.087643914	0.346596	NACA2	ENSG00000196861
17	57050126	57050403	57050263	10	11	11	1.039304184	0.462773	NACA2	ENSG00000196861
17	57050947	57051378	57051201	9	16	14	1.177878075	0.320433	NACA2	ENSG00000196861
17	57051516	57052059	57051741	15	33	25	1.359090087	0.117005	NACA2	ENSG00000196861
17	57053461	57055329	57054678	41	126	91	1.434691646	0.00391748	NACA2	ENSG00000196861
17	57056066	57056349	57056208	8	11	14	0.831443347	0.68719	NACA2	ENSG00000196861
17	57057800	57058073	57057951	12	16	8	1.963130126	0.0441028	NACA2	ENSG00000196861
17	57058289	57058658	57058479	10	17	22	0.813368492	0.747743	NACA2	ENSG00000196861

17	57058846	57059031	57058938	9	10	10	1.039304184	0.464387	NACA2	ENSG00000196861
17	57059259	57059679	57059531	8	14	11	1.29913023	0.246308	NACA2	ENSG00000196861
17	57059732	57060181	57060002	16	24	17	1.443478034	0.113942	NACA2	ENSG00000196861
17	57062228	57062609	57062407	10	18	28	0.680923431	0.908117	NACA2	ENSG00000196861
17	57062933	57063330	57063131	12	20	18	1.148704625	0.329698	NACA2	ENSG00000196861
17	57063641	57063968	57063804	8	12	18	0.711102863	0.834017	NACA2	ENSG00000196861
17	57064473	57064974	57064795	8	17	20	0.890832158	0.642922	NACA2	ENSG00000196861
17	57065729	57065960	57065891	9	10	7	1.429043253	0.21536	NACA2	ENSG00000196861
17	57067098	57067952	57067469	13	38	53	0.750608578	0.916358	NACA2	ENSG00000196861
17	57067955	57068748	57068302	28	60	67	0.932316989	0.655436	NACA2	ENSG00000196861
17	57068883	57069166	57069031	14	17	15	1.169217207	0.323156	NACA2	ENSG00000196861
17	57075024	57075336	57075180	10	14	15	0.974347673	0.530138	NACA2	ENSG00000196861
17	57075563	57075938	57075750	18	26	24	1.122448519	0.337995	NACA2	ENSG00000196861
17	57076406	57076650	57076517	8	11	17	0.692869456	0.843876	NACA2	ENSG00000196861
17	57077120	57077675	57077397	19	37	34	1.1283874	0.302474	NACA2	ENSG00000196861
17	57078547	57079426	57079093	15	45	45	1.039304184	0.426858	NACA2	ENSG00000196861
17	57081031	57081432	57081210	11	19	25	0.799464757	0.777638	NACA2	ENSG00000196861
17	57082540	57083268	57083128	23	48	60	0.834850902	0.828487	NACA2	ENSG00000196861
17	57083525	57085338	57084428	15	85	93	0.950852764	0.632915	NACA2	ENSG00000196861
17	57085636	57086276	57085763	9	24	20	1.237266886	0.234075	NACA2	ENSG00000196861
17	57086866	57087130	57086993	17	20	23	0.909391161	0.626666	NACA2	ENSG00000196861
17	57089555	57089773	57089664	10	13	11	1.212521548	0.309909	NACA2	ENSG00000196861
17	57090056	57090311	57090209	8	11	6	1.781664316	0.103344	NACA2	ENSG00000196861
17	57090337	57090673	57090505	11	17	20	0.890832158	0.642922	NACA2	ENSG00000196861
17	57090957	57091730	57091136	17	47	42	1.160153508	0.238845	NACA2	ENSG00000196861
17	57091843	57092323	57092144	10	19	28	0.716761506	0.878343	NACA2	ENSG00000196861
17	57092503	57093133	57092794	11	26	42	0.652586348	0.961857	NACA2	ENSG00000196861
17	57093406	57093903	57093564	12	22	36	0.646053952	0.953597	NACA2	ENSG00000196861
17	57093926	57095273	57094458	15	63	54	1.209372142	0.149617	NACA2	ENSG00000196861
17	57095354	57096352	57095710	11	38	49	0.810657264	0.839388	NACA2	ENSG00000196861
17	57099001	57099230	57099121	10	11	10	1.133786383	0.380636	NACA2	ENSG00000196861
17	57099652	57100085	57099964	9	16	9	1.766817113	0.0700694	NACA2	ENSG00000196861
17	57100132	57101687	57101020	18	82	76	1.120288926	0.236054	NACA2	ENSG00000196861
17	57101701	57102178	57101936	19	31	21	1.511715177	0.0647459	NACA2	ENSG00000196861

17	57102755	57103732	57102940	16	48	44	1.131686778	0.273975	NACA2	ENSG00000196861
17	57104725	57105271	57104930	15	29	27	1.113540197	0.340649	NACA2	ENSG00000196861
17	57110463	57110890	57110711	14	22	30	0.771096653	0.831099	NACA2	ENSG00000196861
17	57111037	57111312	57111172	9	11	17	0.692869456	0.843876	NACA2	ENSG00000196861
17	57113440	57113726	57113583	9	12	20	0.643378781	0.900583	NACA2	ENSG00000196861
17	57114560	57115115	57114739	10	25	27	0.965068171	0.55304	NACA2	ENSG00000196861
17	57115795	57116007	57115858	10	12	19	0.67554772	0.870684	NACA2	ENSG00000196861
17	57116024	57116314	57116174	8	12	29	0.450365147	0.994327	NACA2	ENSG00000196861
17	57116422	57116736	57116572	10	13	16	0.855897563	0.670115	NACA2	ENSG00000196861
17	57117199	57117539	57117369	19	24	19	1.29913023	0.189	NACA2	ENSG00000196861
17	57117605	57118510	57118221	12	34	46	0.773949924	0.877125	NACA2	ENSG00000196861
17	57119127	57119683	57119481	16	29	32	0.944821986	0.590257	NACA2	ENSG00000196861
17	57119801	57120271	57120054	10	20	41	0.519652092	0.994442	NACA2	ENSG00000196861
17	57120484	57120877	57120657	8	16	23	0.736173797	0.837668	NACA2	ENSG00000196861
17	57121381	57121897	57121625	18	35	29	1.247165021	0.184147	NACA2	ENSG00000196861
17	57122036	57122452	57122273	14	23	17	1.385738912	0.144406	NACA2	ENSG00000196861
17	57122556	57122983	57122826	13	21	17	1.27026067	0.223413	NACA2	ENSG00000196861
17	57123955	57124589	57124144	17	30	27	1.150658204	0.29431	NACA2	ENSG00000196861
17	57124629	57125026	57124847	8	16	23	0.736173797	0.837668	NACA2	ENSG00000196861
17	57125063	57125504	57125333	9	18	20	0.940322833	0.578675	NACA2	ENSG00000196861
17	57126148	57126615	57126432	14	24	21	1.181027482	0.2833	NACA2	ENSG00000196861
17	57126628	57126827	57126698	10	11	16	0.733626483	0.800067	NACA2	ENSG00000196861
17	57127090	57127299	57127194	8	10	18	0.601702422	0.917232	NACA2	ENSG00000196861
17	57127397	57127734	57127565	9	15	17	0.923825942	0.593214	NACA2	ENSG00000196861
17	57128156	57128386	57128211	12	14	18	0.820503303	0.720361	NACA2	ENSG00000196861
17	57129858	57130095	57129952	9	10	12	0.879411233	0.62639	NACA2	ENSG00000196861
17	57130462	57130696	57130606	9	10	13	0.816596145	0.696946	NACA2	ENSG00000196861
17	57131148	57131386	57131213	11	12	11	1.125912866	0.382541	NACA2	ENSG00000196861
17	57131559	57132395	57132200	21	53	64	0.863421938	0.789013	NACA2	ENSG00000196861
17	57132546	57132876	57132711	13	18	28	0.680923431	0.908117	NACA2	ENSG00000196861
17	57133425	57134131	57133813	11	31	28	1.14681841	0.295725	NACA2	ENSG00000196861
17	57134215	57134772	57134374	11	26	26	1.039304184	0.44394	NACA2	ENSG00000196861
17	57135881	57136063	57135972	8	10	8	1.27026067	0.293854	NACA2	ENSG00000196861
17	57136278	57136513	57136395	11	12	10	1.228268581	0.305344	NACA2	ENSG00000196861

17	57136650	57137428	57137129	13	33	24	1.413453691	0.0918299	NACA2	ENSG00000196861
17	57137624	57137951	57137787	13	17	10	1.700679574	0.0766266	NACA2	ENSG00000196861
17	57138386	57139365	57138661	9	34	44	0.808347699	0.829904	NACA2	ENSG00000196861
17	57139425	57139636	57139574	8	10	14	0.762156402	0.758589	NACA2	ENSG00000196861
17	57140489	57141697	57141014	13	62	50	1.283846345	0.0910563	NACA2	ENSG00000196861
17	57141733	57142104	57141912	12	19	15	1.29913023	0.214784	NACA2	ENSG00000196861
17	57142322	57142757	57142470	14	24	21	1.181027482	0.2833	NACA2	ENSG00000196861
17	57143095	57143699	57143569	17	36	32	1.165280449	0.260519	NACA2	ENSG00000196861
17	57145162	57145425	57145284	9	12	9	1.35109544	0.232899	NACA2	ENSG00000196861
17	57145438	57145661	57145560	8	9	10	0.944821986	0.553851	NACA2	ENSG00000196861
17	57146719	57146899	57146864	8	8	6	1.336248237	0.277651	NACA2	ENSG00000196861
17	57147484	57148277	57148100	12	33	35	0.981565063	0.531809	NACA2	ENSG00000196861
17	57148280	57148710	57148459	10	19	34	0.593888105	0.971942	NACA2	ENSG00000196861
17	57148746	57149105	57148925	9	16	18	0.929903744	0.58804	NACA2	ENSG00000196861
17	57149559	57149871	57149711	8	11	13	0.890832158	0.618492	NACA2	ENSG00000196861
17	57150142	57150694	57150492	16	31	36	0.898857673	0.67235	NACA2	ENSG00000196861
17	57151811	57151990	57151914	8	8	8	1.039304184	0.46786	NACA2	ENSG00000196861
17	57152618	57152963	57152790	16	21	19	1.143234603	0.33145	NACA2	ENSG00000196861
17	57154611	57154850	57154730	11	11	18	0.656402643	0.879847	NACA2	ENSG00000196861
17	57154942	57156245	57155423	46	116	109	1.105441723	0.224951	NACA2	ENSG00000196861
17	57156615	57158806	57157069	31	142	122	1.208296735	0.0614461	NACA2	ENSG00000196861
17	57159175	57159727	57159464	8	18	22	0.85855563	0.691398	BRIP1	ENSG00000136492
17	57160131	57161295	57160870	19	65	55	1.224894217	0.13107	BRIP1	ENSG00000136492
17	57161636	57162544	57161951	14	43	59	0.762156402	0.916632	BRIP1	ENSG00000136492
17	57162556	57163942	57162689	16	83	98	0.881833853	0.802832	BRIP1	ENSG00000136492
17	57164558	57164747	57164669	8	10	14	0.762156402	0.758589	BRIP1	ENSG00000136492
17	57164985	57165306	57165145	12	13	12	1.11925066	0.384109	BRIP1	ENSG00000136492
17	57165406	57165689	57165547	10	13	16	0.855897563	0.670115	BRIP1	ENSG00000136492
17	57166202	57167029	57166669	15	41	31	1.364086742	0.0907884	BRIP1	ENSG00000136492
17	57167169	57167457	57167281	11	14	17	0.86608682	0.662567	BRIP1	ENSG00000136492
17	57167468	57167736	57167624	9	12	21	0.614134291	0.924528	BRIP1	ENSG00000136492
17	57167896	57168154	57168025	9	11	9	1.247165021	0.300052	BRIP1	ENSG00000136492
17	57169832	57170597	57170128	22	55	54	1.058200624	0.382892	BRIP1	ENSG00000136492
17	57170600	57170823	57170734	8	11	31	0.389739069	0.998552	BRIP1	ENSG00000136492

17	57171187	57171506	57171346	8	13	26	0.538898466	0.974306	BRIP1	ENSG00000136492
17	57171806	57172194	57171983	10	18	16	1.161575265	0.325582	BRIP1	ENSG00000136492
17	57172286	57172660	57172481	15	25	28	0.931789958	0.604671	BRIP1	ENSG00000136492
17	57172969	57173299	57173134	8	14	18	0.820503303	0.720361	BRIP1	ENSG00000136492
17	57173413	57173837	57173544	12	21	21	1.039304184	0.449418	BRIP1	ENSG00000136492
17	57174027	57175387	57174968	11	60	39	1.584938881	0.0107629	BRIP1	ENSG00000136492
17	57176691	57176967	57176794	11	14	10	1.417232979	0.185113	BRIP1	ENSG00000136492
17	57177451	57177657	57177532	9	11	12	0.959357709	0.543005	BRIP1	ENSG00000136492
17	57177676	57177953	57177862	8	12	17	0.750608578	0.78992	BRIP1	ENSG00000136492
17	57178679	57179644	57179143	12	41	36	1.179750696	0.230727	BRIP1	ENSG00000136492
17	57179796	57180185	57180013	8	14	10	1.417232979	0.185113	BRIP1	ENSG00000136492
17	57180395	57181046	57180877	14	32	13	2.449788434	0.00149869	BRIP1	ENSG00000136492
17	57181539	57181994	57181717	14	22	15	1.493999765	0.104649	BRIP1	ENSG00000136492
17	57182048	57182477	57182262	12	21	23	0.952695502	0.566563	BRIP1	ENSG00000136492
17	57182681	57183247	57182949	16	32	28	1.182656486	0.253749	BRIP1	ENSG00000136492
17	57183277	57183632	57183454	12	18	16	1.161575265	0.325582	BRIP1	ENSG00000136492
17	57184184	57184746	57184567	11	27	16	1.711795127	0.0365811	BRIP1	ENSG00000136492
17	57184969	57186303	57185141	16	63	70	0.936837575	0.648395	BRIP1	ENSG00000136492
17	57186398	57186959	57186535	10	21	37	0.601702422	0.974135	BRIP1	ENSG00000136492
17	57187785	57188140	57187962	12	18	29	0.658225983	0.927623	BRIP1	ENSG00000136492
17	57188597	57189075	57188934	15	25	33	0.794762023	0.814119	BRIP1	ENSG00000136492
17	57189385	57189711	57189548	13	16	27	0.631006112	0.93773	BRIP1	ENSG00000136492
17	57190050	57190247	57190185	9	10	16	0.672490943	0.854309	BRIP1	ENSG00000136492
17	57190638	57191021	57190817	10	17	22	0.813368492	0.747743	BRIP1	ENSG00000136492
17	57192513	57192757	57192644	9	9	13	0.742360132	0.770276	BRIP1	ENSG00000136492
17	57193047	57193226	57193090	8	8	12	0.719518281	0.783103	BRIP1	ENSG00000136492
17	57194065	57194383	57194224	13	18	15	1.234173719	0.265435	BRIP1	ENSG00000136492
17	57194881	57195232	57195056	13	19	18	1.094004404	0.389177	BRIP1	ENSG00000136492
17	57195374	57195730	57195552	10	14	18	0.820503303	0.720361	BRIP1	ENSG00000136492
17	57196225	57197369	57196604	16	56	62	0.940322833	0.632732	BRIP1	ENSG00000136492
17	57198423	57198882	57198703	19	32	28	1.182656486	0.253749	BRIP1	ENSG00000136492
17	57199946	57200157	57200043	12	12	16	0.794762023	0.738004	BRIP1	ENSG00000136492
17	57200665	57201507	57201175	14	43	38	1.17254831	0.233675	BRIP1	ENSG00000136492
17	57201512	57202506	57202231	13	39	53	0.769854951	0.897455	BRIP1	ENSG00000136492

17	57202707	57203115	57202940	12	21	21	1.039304184	0.449418	BRIP1	ENSG00000136492
17	57204888	57205505	57205376	10	25	23	1.125912866	0.336929	BRIP1	ENSG00000136492
17	57208002	57208379	57208075	9	18	10	1.795161773	0.055383	BRIP1	ENSG00000136492
17	57208394	57209393	57208968	21	68	47	1.493999765	0.0153362	BRIP1	ENSG00000136492
17	57209398	57209947	57209577	13	25	26	1.000811437	0.499519	BRIP1	ENSG00000136492
17	57209965	57210266	57210115	9	13	18	0.765803083	0.780427	BRIP1	ENSG00000136492
17	57210806	57211109	57210957	12	16	13	1.262012224	0.256887	BRIP1	ENSG00000136492
17	57212294	57212580	57212418	17	19	20	0.989813509	0.514009	BRIP1	ENSG00000136492
17	57212877	57213277	57213056	13	22	18	1.258105065	0.227238	BRIP1	ENSG00000136492
17	57213332	57213874	57213544	16	29	20	1.484720263	0.0791637	BRIP1	ENSG00000136492
17	57214577	57214800	57214688	8	10	10	1.039304184	0.464387	BRIP1	ENSG00000136492
17	57214920	57215140	57215067	9	12	15	0.84443465	0.678289	BRIP1	ENSG00000136492
17	57216477	57217480	57216976	18	48	48	1.039304184	0.424526	BRIP1	ENSG00000136492
17	57217936	57218154	57218045	9	11	11	1.039304184	0.462773	BRIP1	ENSG00000136492
17	57218180	57218587	57218410	12	18	25	0.759491519	0.823082	BRIP1	ENSG00000136492
17	57220712	57220946	57220779	10	12	6	1.930136342	0.071303	BRIP1	ENSG00000136492
17	57221597	57222006	57221827	10	18	24	0.78987118	0.784577	BRIP1	ENSG00000136492
17	57222157	57222348	57222252	8	9	26	0.384927476	0.997192	BRIP1	ENSG00000136492
17	57222805	57223181	57223008	15	21	16	1.344981885	0.176214	BRIP1	ENSG00000136492
17	57223201	57224234	57223830	12	43	35	1.27026067	0.141946	BRIP1	ENSG00000136492
17	57224361	57224551	57224456	8	9	4	2.078608368	0.0785659	BRIP1	ENSG00000136492
17	57224685	57224896	57224801	10	10	14	0.762156402	0.758589	BRIP1	ENSG00000136492
17	57226099	57226307	57226154	9	10	12	0.879411233	0.62639	BRIP1	ENSG00000136492
17	57226465	57226696	57226580	10	11	21	0.566893191	0.949414	BRIP1	ENSG00000136492
17	57228651	57228867	57228754	9	9	13	0.742360132	0.770276	BRIP1	ENSG00000136492
17	57229037	57229305	57229150	8	10	22	0.497058523	0.977096	BRIP1	ENSG00000136492
17	57229357	57229740	57229536	15	23	23	1.039304184	0.447157	BRIP1	ENSG00000136492
17	57229746	57229978	57229905	10	11	16	0.733626483	0.800067	BRIP1	ENSG00000136492
17	57230271	57230715	57230571	10	18	8	2.194086611	0.0206188	BRIP1	ENSG00000136492
17	57230898	57231755	57231077	11	36	35	1.068173745	0.389034	BRIP1	ENSG00000136492
17	57231904	57232441	57232201	22	41	33	1.283846345	0.137648	BRIP1	ENSG00000136492
17	57232533	57233210	57232986	15	31	42	0.773435672	0.867273	BRIP1	ENSG00000136492
17	57233219	57233636	57233463	19	28	24	1.205592854	0.245174	BRIP1	ENSG00000136492
17	57233753	57234125	57233976	12	18	19	0.987338975	0.516858	BRIP1	ENSG00000136492

17	57234481	57234669	57234559	8	9	18	0.547002202	0.94615	BRIP1	ENSG00000136492
17	57234734	57234989	57234861	9	12	19	0.67554772	0.870684	BRIP1	ENSG00000136492
17	57235118	57235309	57235213	8	9	12	0.799464757	0.707717	BRIP1	ENSG00000136492
17	57236279	57236458	57236368	8	8	8	1.039304184	0.46786	BRIP1	ENSG00000136492
17	57237257	57237494	57237375	9	12	18	0.711102863	0.834017	BRIP1	ENSG00000136492
17	57237595	57237864	57237770	15	17	20	0.890832158	0.642922	BRIP1	ENSG00000136492
17	57238075	57238586	57238254	14	25	29	0.900730293	0.653667	BRIP1	ENSG00000136492
17	57238716	57238900	57238779	8	8	14	0.623582511	0.877092	BRIP1	ENSG00000136492
17	57239215	57239467	57239372	8	12	15	0.84443465	0.678289	BRIP1	ENSG00000136492
17	57239484	57239829	57239677	9	14	10	1.417232979	0.185113	BRIP1	ENSG00000136492
17	57239945	57240198	57240071	10	13	10	1.32275078	0.240023	BRIP1	ENSG00000136492
17	57240515	57241090	57240807	14	28	36	0.814589766	0.798552	BRIP1	ENSG00000136492
17	57241597	57242405	57242030	17	43	54	0.831443347	0.821295	BRIP1	ENSG00000136492
17	57243317	57243496	57243406	8	8	6	1.336248237	0.277651	BRIP1	ENSG00000136492
17	57243595	57243866	57243730	8	11	12	0.959357709	0.543005	BRIP1	ENSG00000136492
17	57244049	57244331	57244186	12	13	15	0.909391161	0.604792	BRIP1	ENSG00000136492
17	57245382	57245731	57245556	16	22	12	1.838768941	0.0349935	BRIP1	ENSG00000136492
17	57246721	57246974	57246847	11	12	9	1.35109544	0.232899	BRIP1	ENSG00000136492
17	57247767	57248562	57248384	22	48	59	0.848765084	0.804552	BRIP1	ENSG00000136492
17	57248585	57249275	57248901	11	29	40	0.760466476	0.875833	BRIP1	ENSG00000136492
17	57249415	57250068	57249754	12	26	16	1.650659587	0.048911	BRIP1	ENSG00000136492
17	57250202	57250521	57250373	9	13	16	0.855897563	0.670115	BRIP1	ENSG00000136492
17	57250640	57251026	57250848	8	15	10	1.511715177	0.140236	BRIP1	ENSG00000136492
17	57252280	57252778	57252503	16	27	30	0.93872636	0.597175	BRIP1	ENSG00000136492
17	57253087	57253287	57253170	8	8	9	0.935373766	0.560286	BRIP1	ENSG00000136492
17	57253616	57254111	57253898	15	28	33	0.886465334	0.685163	BRIP1	ENSG00000136492
17	57254210	57255343	57255095	22	60	54	1.152682823	0.221736	BRIP1	ENSG00000136492
17	57255405	57256020	57255856	12	25	18	1.422205726	0.118245	BRIP1	ENSG00000136492
17	57256669	57257068	57256904	10	15	10	1.511715177	0.140236	BRIP1	ENSG00000136492
17	57258835	57259014	57258938	8	8	4	1.870747532	0.118863	BRIP1	ENSG00000136492
17	57259898	57260582	57260383	11	31	21	1.511715177	0.0647459	BRIP1	ENSG00000136492
17	57260629	57260995	57260812	8	16	9	1.766817113	0.0700694	BRIP1	ENSG00000136492
17	57261506	57261868	57261616	9	14	20	0.742360132	0.815839	BRIP1	ENSG00000136492
17	57262363	57262603	57262496	8	11	4	2.494330042	0.0324033	BRIP1	ENSG00000136492

17	57263114	57263488	57263278	11	18	15	1.234173719	0.265435	BRIP1	ENSG00000136492
17	57264081	57264337	57264197	15	16	15	1.104260696	0.387363	BRIP1	ENSG00000136492
17	57264651	57265529	57264808	17	47	46	1.061417039	0.385744	BRIP1	ENSG00000136492
17	57265702	57266411	57265934	48	82	40	2.103957251	2.73E-05	BRIP1	ENSG00000136492
17	57266576	57267246	57267080	20	46	34	1.395637047	0.0657614	BRIP1	ENSG00000136492
17	57267941	57268269	57268105	8	14	15	0.974347673	0.530138	BRIP1	ENSG00000136492
17	57268654	57269771	57269526	30	81	75	1.121354515	0.235596	BRIP1	ENSG00000136492
17	57269815	57270340	57269994	12	28	25	1.159223898	0.291166	BRIP1	ENSG00000136492
17	57271478	57271897	57271645	9	15	30	0.536415063	0.982029	BRIP1	ENSG00000136492
17	57272006	57272325	57272150	12	14	18	0.820503303	0.720361	BRIP1	ENSG00000136492
17	57272462	57272814	57272638	12	17	10	1.700679574	0.0766266	BRIP1	ENSG00000136492
17	57274355	57274610	57274459	9	13	6	2.078608368	0.0483393	BRIP1	ENSG00000136492
17	57275082	57275515	57275204	10	18	20	0.940322833	0.578675	BRIP1	ENSG00000136492
17	57275592	57276004	57275875	14	20	13	1.558956276	0.0943292	BRIP1	ENSG00000136492
17	57276407	57276635	57276568	9	11	11	1.039304184	0.462773	BRIP1	ENSG00000136492
17	57276790	57277121	57276955	10	16	30	0.569941004	0.972704	BRIP1	ENSG00000136492
17	57277319	57277593	57277488	9	12	17	0.750608578	0.78992	BRIP1	ENSG00000136492
17	57277728	57278012	57277870	12	17	20	0.890832158	0.642922	BRIP1	ENSG00000136492
17	57278425	57278622	57278519	8	8	7	1.169217207	0.371848	BRIP1	ENSG00000136492
17	57279138	57279646	57279361	17	31	30	1.072830126	0.39004	BRIP1	ENSG00000136492
17	57279859	57280665	57280007	11	31	33	0.978168644	0.536565	BRIP1	ENSG00000136492
17	57281550	57282247	57281898	12	32	24	1.371881523	0.113959	BRIP1	ENSG00000136492
17	57282532	57282845	57282688	10	15	14	1.10859113	0.386477	BRIP1	ENSG00000136492
17	57283352	57283768	57283524	13	20	24	0.873015515	0.679256	BRIP1	ENSG00000136492
17	57283849	57284128	57283987	13	17	30	0.603466946	0.960061	BRIP1	ENSG00000136492
17	57284208	57284460	57284296	12	14	18	0.820503303	0.720361	BRIP1	ENSG00000136492
17	57284654	57285156	57284821	13	26	28	0.967628034	0.550021	BRIP1	ENSG00000136492
17	57286249	57286546	57286397	9	12	27	0.482534086	0.988534	BRIP1	ENSG00000136492
17	57287757	57288139	57287936	10	17	26	0.692869456	0.890806	BRIP1	ENSG00000136492
17	57288144	57288625	57288477	15	31	28	1.14681841	0.295725	BRIP1	ENSG00000136492
17	57289155	57289479	57289317	9	15	14	1.10859113	0.386477	BRIP1	ENSG00000136492
17	57289761	57289979	57289870	9	11	4	2.494330042	0.0324033	BRIP1	ENSG00000136492
17	57290314	57290631	57290483	12	13	13	1.039304184	0.45974	BRIP1	ENSG00000136492
17	57291062	57291251	57291176	9	10	5	1.905391004	0.0915982	BRIP1	ENSG00000136492

17	57291439	57291688	57291561	9	10	20	0.54439743	0.955421	BRIP1	ENSG00000136492
17	57291692	57292201	57291871	13	27	30	0.93872636	0.597175	BRIP1	ENSG00000136492
17	57293725	57294766	57294073	18	69	82	0.876521601	0.792935	BRIP1	ENSG00000136492
17	57294820	57296785	57295906	52	258	173	1.547010251	3.37E-06	BRIP1	ENSG00000136492
17	57297237	57297902	57297400	13	27	29	0.970017239	0.547123	BRIP1	ENSG00000136492
17	57298022	57298218	57298105	8	10	16	0.672490943	0.854309	BRIP1	ENSG00000136492
17	57299168	57299469	57299298	15	20	23	0.909391161	0.626666	BRIP1	ENSG00000136492
17	57299495	57299726	57299610	10	13	11	1.212521548	0.309909	BRIP1	ENSG00000136492
17	57301780	57302168	57302016	16	23	27	0.890832158	0.663202		ENSG00000202361
17	57302457	57302795	57302626	16	19	26	0.769854951	0.816207		ENSG00000202361
17	57303437	57303850	57303583	13	19	11	1.73217364	0.0607469		ENSG00000202361
17	57305876	57306232	57306054	11	17	27	0.668124118	0.913816		ENSG00000202361
17	57306425	57306926	57306675	14	27	28	1.003466109	0.495433		ENSG00000202361
17	57307600	57307902	57307751	13	15	17	0.923825942	0.593214		ENSG00000202361
17	57308623	57308954	57308802	12	17	17	1.039304184	0.454282		ENSG00000202361
17	57309179	57310374	57309799	13	55	71	0.808347699	0.885589		ENSG00000202361
17	57311276	57311700	57311455	18	26	30	0.905200419	0.649195		ENSG00000202361
17	57313111	57313490	57313290	11	18	23	0.822782479	0.740651		ENSG00000202361
17	57313963	57314249	57314106	12	15	21	0.755857589	0.807439		ENSG00000202361
17	57315199	57315507	57315353	14	19	23	0.86608682	0.685164		ENSG00000202361
17	57315854	57316227	57316048	9	16	22	0.768181354	0.79945		ENSG00000202361
17	57316665	57317178	57316953	18	32	30	1.106356067	0.342646		ENSG00000202361
17	57317261	57317569	57317415	13	18	28	0.680923431	0.908117		ENSG00000202361
17	57318437	57318649	57318573	10	10	16	0.672490943	0.854309		ENSG00000202361
17	57318686	57318998	57318842	11	15	16	0.978168644	0.526483		ENSG00000202361
17	57319788	57320242	57319904	9	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000202361
17	57321477	57321766	57321622	10	13	12	1.11925066	0.384109		ENSG00000202361
17	57321822	57322541	57321970	17	40	51	0.819451376	0.831979		ENSG00000202361
17	57323419	57323688	57323553	11	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000202361
17	57323889	57324329	57324155	9	18	31	0.617086859	0.956343		ENSG00000202361
17	57324407	57324729	57324576	13	17	17	1.039304184	0.454282		ENSG00000202361
17	57325789	57326152	57325967	16	22	20	1.138285535	0.33303		ENSG00000202361
17	57327163	57327478	57327320	9	10	14	0.762156402	0.758589		ENSG00000202361
17	57327557	57327826	57327691	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000202361

17	57329547	57329733	57329702	8	10	20	0.54439743	0.955421	ENSG00000202361
17	57329946	57330424	57330125	8	18	28	0.680923431	0.908117	ENSG00000202361
17	57331233	57331482	57331357	15	16	5	2.944695189	0.00659886	ENSG00000202361
17	57331940	57332188	57332084	10	11	21	0.566893191	0.949414	ENSG00000202361
17	57332195	57332559	57332380	14	21	40	0.557675416	0.988638	ENSG00000202361
17	57332567	57332813	57332693	9	13	22	0.632619938	0.917511	INTS2 ENSG00000108506
17	57333208	57333496	57333352	10	14	14	1.039304184	0.458308	INTS2 ENSG00000108506
17	57334106	57334544	57334271	23	30	24	1.288737188	0.170531	INTS2 ENSG00000108506
17	57334608	57334888	57334754	10	11	17	0.692869456	0.843876	INTS2 ENSG00000108506
17	57335264	57335859	57335413	12	26	22	1.220052738	0.239999	INTS2 ENSG00000108506
17	57336218	57336739	57336386	15	26	31	0.876912905	0.694502	INTS2 ENSG00000108506
17	57336804	57337207	57336974	11	18	25	0.759491519	0.823082	INTS2 ENSG00000108506
17	57338072	57338330	57338197	10	13	13	1.039304184	0.45974	INTS2 ENSG00000108506
17	57338393	57338783	57338588	9	18	36	0.533696743	0.989376	INTS2 ENSG00000108506
17	57339103	57339984	57339615	12	33	35	0.981565063	0.531809	INTS2 ENSG00000108506
17	57340580	57340773	57340643	8	10	18	0.601702422	0.917232	INTS2 ENSG00000108506
17	57359281	57359465	57359312	8	8	4	1.870747532	0.118863	INTS2 ENSG00000108506
17	57359964	57360143	57360092	8	8	8	1.039304184	0.46786	INTS2 ENSG00000108506
17	57433234	57433468	57433338	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000211085
17	57433474	57433873	57433717	11	17	15	1.169217207	0.323156	ENSG00000211085
17	57434919	57435525	57435051	12	22	30	0.771096653	0.831099	ENSG00000211085
17	57435680	57436225	57436053	8	18	22	0.85855563	0.691398	ENSG00000211085
17	57436483	57436940	57436761	13	22	33	0.703058713	0.907926	ENSG00000211085
17	57449319	57449596	57449457	9	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000221302
17	57449652	57450000	57449813	14	19	18	1.094004404	0.389177	ENSG00000221302
17	57450024	57450238	57450140	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000221302
17	57498102	57498377	57498238	8	10	5	1.905391004	0.0915982	MED13 ENSG00000108510
17	57541654	57541923	57541788	10	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000207123
17	57542926	57543672	57543310	17	41	39	1.091269393	0.346048	ENSG00000207123
17	57544073	57544288	57544238	14	15	23	0.692869456	0.877389	ENSG00000207123
17	57544306	57544603	57544481	8	12	30	0.435837239	0.996057	ENSG00000207123
17	57562912	57563643	57563245	14	39	36	1.123572091	0.304199	ENSG00000207123
17	57567782	57568112	57567947	13	17	12	1.439036563	0.154203	ENSG00000207123
17	57568192	57568488	57568315	9	12	21	0.614134291	0.924528	ENSG00000207123

17	57568856	57569315	57569046	12	23	14	1.662886695	0.0567474		ENSG00000207123
17	57575780	57576010	57575872	13	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000207123
17	57576186	57576636	57576360	58	70	0	73.79059708	1.06E-22		ENSG00000207123
17	57596073	57596451	57596230	11	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000207123
17	57621033	57621234	57621133	12	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000207123
17	57854654	57854996	57854825	13	18	4	3.9493559	0.000961379	METTL2A	ENSG00000087995
17	57993618	57994042	57993773	10	15	4	3.32577339	0.00462646	MRC2	ENSG00000011028
17	58006298	58006595	58006427	9	11	0	12.47165021	0.000193293	MRC2	ENSG00000011028
17	58068792	58069161	58069017	9	13	3	3.637564645	0.0050909	MRC2	ENSG00000011028
17	58137513	58137908	58137788	8	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000199697
17	58147768	58148216	58147937	48	55	6	8.314433474	5.58E-12		ENSG00000199697
17	58149585	58149952	58149773	17	23	13	1.781664316	0.0385539		ENSG00000199697
17	58151636	58151836	58151736	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199697
17	58155783	58156079	58155931	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000199697
17	58163278	58163748	58163550	30	43	3	11.43234603	5.53E-11		ENSG00000199697
17	58168848	58169078	58168965	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000199697
17	58180000	58180182	58180091	8	8	1	4.676868829	0.0091584	10-Mar	ENSG00000173838
17	58211392	58211743	58211567	9	14	1	7.794781382	0.000197021	10-Mar	ENSG00000173838
17	58256082	58256297	58256189	8	10	4	2.286469205	0.0509017	10-Mar	ENSG00000173838
17	58279404	58279615	58279451	8	10	5	1.905391004	0.0915982	10-Mar	ENSG00000173838
17	58287101	58287447	58287274	16	20	2	7.27512929	2.27E-05	10-Mar	ENSG00000173838
17	58291984	58292358	58292179	30	37	19	1.97467795	0.00544744	10-Mar	ENSG00000173838
17	58292783	58292975	58292879	8	10	4	2.286469205	0.0509017	10-Mar	ENSG00000173838
17	58307993	58308228	58308098	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000207552
17	58323282	58323475	58323388	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000207552
17	58329405	58329611	58329486	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000207552
17	58381088	58381508	58381365	18	27	10	2.64550156	0.00175911		ENSG00000207552
17	58393074	58393347	58393210	12	17	19	0.935373766	0.583208		ENSG00000207552
17	58393509	58393741	58393625	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000207552
17	58393812	58394233	58394111	20	26	23	1.169217207	0.28753		ENSG00000207552
17	58394299	58394766	58394449	15	33	46	0.751837069	0.900185		ENSG00000207552
17	58395610	58397116	58396224	20	78	68	1.189927979	0.144876		ENSG00000207552
17	58399489	58400033	58399665	20	32	14	2.286469205	0.00267017		ENSG00000207552
17	58418614	58418834	58418715	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TANC2	ENSG00000170921

17	58426510	58426732	58426580	9	10	5	1.905391004	0.0915982	TANC2	ENSG00000170921
17	58433192	58433675	58433356	14	22	25	0.919384471	0.617223	TANC2	ENSG00000170921
17	58484700	58484929	58484826	8	8	4	1.870747532	0.118863	TANC2	ENSG00000170921
17	58544358	58544582	58544493	11	12	2	4.503651465	0.002963	TANC2	ENSG00000170921
17	58558061	58558283	58558137	11	11	5	2.078608368	0.0614303	TANC2	ENSG00000170921
17	58613065	58613476	58613290	44	57	2	20.09321423	5.33E-16	TANC2	ENSG00000170921
17	58680586	58680765	58680672	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CYB561	ENSG00000008283
17	58738108	58738306	58738221	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CYB561	ENSG00000008283
17	58836798	58837022	58836868	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CYB561	ENSG00000008283
17	58864356	58864561	58864452	8	10	2	3.810782009	0.00936112	CYB561	ENSG00000008283
17	58867389	58867598	58867455	9	9	2	3.464347281	0.0163838	CYB561	ENSG00000008283
17	58868996	58869191	58869126	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CYB561	ENSG00000008283
17	58877935	58878173	58878054	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CYB561	ENSG00000008283
17	58981567	58981774	58981670	8	9	13	0.742360132	0.770276	WDR68	ENSG00000136485
17	59031729	59032086	59031937	14	19	13	1.484720263	0.123861	CCDC44	ENSG00000136463
17	59052280	59052815	59052636	9	21	6	3.266384579	0.0013436	MAP3K3	ENSG00000198909
17	59103490	59103669	59103579	8	8	2	3.117912553	0.0283184	LIMD2	ENSG00000136490
17	59107010	59107444	59107189	13	21	10	2.078608368	0.0193227	LIMD2	ENSG00000136490
17	59172528	59172938	59172774	11	17	4	3.741495063	0.00163722	STRADA	ENSG00000125695
17	59173157	59173472	59173299	8	12	7	1.688869299	0.11395	STRADA	ENSG00000125695
17	59183716	59184081	59183895	11	18	6	2.8209685	0.00559354	STRADA	ENSG00000125695
17	59201284	59201612	59201443	14	19	7	2.598260461	0.00730518	CCDC47	ENSG00000108588
17	59204615	59204820	59204661	9	12	5	2.251825733	0.0404733	CCDC47	ENSG00000108588
17	59204852	59205172	59205012	22	27	7	3.637564645	0.000166657	DDX42	ENSG00000198231
17	59211734	59212059	59211896	13	17	8	2.078608368	0.0303558	DDX42	ENSG00000198231
17	59223496	59223778	59223637	16	17	5	3.117912553	0.00407023	DDX42	ENSG00000198231
17	59257634	59257873	59257753	9	11	5	2.078608368	0.0614303	FTSJ3	ENSG00000108592
17	59269732	59270064	59269906	15	18	7	2.468347438	0.0112499	SMARCD2	ENSG00000108604
17	59273777	59274098	59273929	28	32	10	3.117912553	0.000190324	SMARCD2	ENSG00000108604
17	59348048	59348227	59348137	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GH1	ENSG00000189162
17	59482900	59483101	59483012	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ICAM2	ENSG00000108622
17	59511612	59511806	59511674	8	8	4	1.870747532	0.118863	ERN1	ENSG00000178607
17	59576714	59577393	59577105	11	29	10	2.834465957	0.000738283		ENSG00000199753
17	59578179	59578364	59578259	13	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000221462

17	59578913	59579236	59579069	9	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000221462
17	59641879	59642163	59642019	9	11	0	12.47165021	0.000193293	TEX2	ENSG00000136478
17	59694429	59694748	59694588	11	15	8	1.847651883	0.0631662	TEX2	ENSG00000136478
17	59744713	59744936	59744811	9	10	23	0.476347751	0.983843		ENSG00000220588
17	59745010	59745381	59745188	10	17	19	0.935373766	0.583208		ENSG00000220588
17	59746243	59746670	59746389	12	19	19	1.039304184	0.451787		ENSG00000220588
17	59750319	59750613	59750466	8	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000220588
17	59750739	59751085	59750912	11	17	12	1.439036563	0.154203		ENSG00000220588
17	59751631	59751839	59751747	8	8	12	0.719518281	0.783103		ENSG00000220588
17	59751910	59752731	59752262	31	58	49	1.226378937	0.14309		ENSG00000220588
17	59752783	59753077	59752930	9	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000220588
17	59753432	59753826	59753567	8	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000220588
17	59754080	59754533	59754386	13	19	17	1.154782427	0.327751		ENSG00000220588
17	59754628	59755029	59754850	10	17	18	0.984603964	0.519872		ENSG00000220588
17	59756802	59757215	59756978	9	13	19	0.727512929	0.824686		ENSG00000220588
17	59758044	59758545	59758313	11	23	21	1.133786383	0.33446		ENSG00000220588
17	59758629	59759150	59758792	11	23	17	1.385738912	0.144406		ENSG00000220588
17	59759583	59760038	59759859	19	27	21	1.32275078	0.160553		ENSG00000220588
17	59760132	59760348	59760248	8	9	13	0.742360132	0.770276		ENSG00000220588
17	59761855	59762195	59761972	8	12	18	0.711102863	0.834017		ENSG00000220588
17	59763095	59763660	59763497	8	20	29	0.727512929	0.872335		ENSG00000220588
17	59766444	59766653	59766548	9	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000220588
17	59768055	59768458	59768250	9	18	20	0.940322833	0.578675	PECAM1	ENSG00000198802
17	59769955	59770222	59770107	9	11	16	0.733626483	0.800067	PECAM1	ENSG00000198802
17	59771226	59771899	59771588	14	33	26	1.308753417	0.146119	PECAM1	ENSG00000198802
17	59772649	59772926	59772771	14	16	12	1.359090087	0.198699	PECAM1	ENSG00000198802
17	59773234	59773622	59773413	9	16	12	1.359090087	0.198699	PECAM1	ENSG00000198802
17	59773919	59774193	59774044	17	18	12	1.518983039	0.117837	PECAM1	ENSG00000198802
17	59775419	59775805	59775609	8	18	24	0.78987118	0.784577	PECAM1	ENSG00000198802
17	59777734	59778193	59777917	11	22	26	0.885333194	0.668299	PECAM1	ENSG00000198802
17	59932357	59932560	59932447	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CCDC45	ENSG00000141325
17	59932674	59932989	59932831	9	12	2	4.503651465	0.002963	DDX5	ENSG00000108654
17	59933362	59933640	59933477	12	15	9	1.662886695	0.0970566	DDX5	ENSG00000108654
17	60206399	60206595	60206530	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000214176

17	60401403	60402109	60401930	15	38	6	5.790409026	1.41E-07		ENSG00000214174
17	60411800	60412015	60411923	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000214174
17	60485030	60485598	60485401	83	111	9	11.64020686	6.17E-25	GNA13	ENSG00000120063
17	60488659	60488869	60488764	8	9	6	1.484720263	0.204387	GNA13	ENSG00000120063
17	60501476	60501680	60501590	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000211170
17	60549847	60550113	60549968	12	14	4	3.117912553	0.00766354	RGS9	ENSG00000108370
17	60625278	60625573	60625430	8	10	4	2.286469205	0.0509017	RGS9	ENSG00000108370
17	60751742	60751939	60751879	10	11	2	4.157216737	0.0052913	RGS9	ENSG00000108370
17	60957879	60958129	60958052	8	11	6	1.781664316	0.103344	AXIN2	ENSG00000168646
17	60958132	60958395	60958278	8	11	3	3.117912553	0.0146045	AXIN2	ENSG00000168646
17	60969217	60969440	60969333	9	9	2	3.464347281	0.0163838	AXIN2	ENSG00000168646
17	61014721	61014906	61014828	8	8	5	1.558956276	0.191397	AXIN2	ENSG00000168646
17	61054854	61055209	61055031	19	23	5	4.157216737	0.000186738	AXIN2	ENSG00000168646
17	61060604	61060817	61060710	8	9	4	2.078608368	0.0785659	AXIN2	ENSG00000168646
17	61427155	61427500	61427333	17	21	5	3.810782009	0.000537724	CCDC46	ENSG00000154240
17	61627302	61627589	61627445	10	13	5	2.425043097	0.0262442	CCDC46	ENSG00000154240
17	61657951	61658182	61658127	10	11	2	4.157216737	0.0052913	APOH	ENSG00000091583
17	61722909	61723118	61722974	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PRKCA	ENSG00000154229
17	61786680	61786873	61786797	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211174
17	61993951	61994170	61994060	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000211176
17	62102915	62103296	62103141	11	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000211176
17	62106959	62107148	62107060	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000211176
17	62133521	62133804	62133673	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000211176
17	62157181	62157458	62157350	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000207943
17	62378657	62379027	62378871	12	18	11	1.645564958	0.0828462	CACNG4	ENSG00000075461
17	62392773	62392952	62392862	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CACNG4	ENSG00000075461
17	62441641	62441820	62441722	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000214167
17	62639744	62640050	62639897	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000213180
17	62671857	62672062	62672026	9	10	0	11.43234603	0.000394183	HELZ	ENSG00000198265
17	62699271	62699512	62699359	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000207410
17	62801229	62801408	62801318	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PITPNC1	ENSG00000154217
17	62827790	62828061	62827927	12	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000211193
17	62849109	62849288	62849124	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000201547
17	62894164	62894422	62894293	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000207688

17	62917548	62917753	62917650	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000207688
17	62982632	62982811	62982698	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207688
17	63032291	63032502	63032442	8	11	3	3.117912553	0.0146045	NOL11	ENSG00000130935
17	63064482	63065156	63064656	19	38	12	3.117912553	5.75E-05	NOL11	ENSG00000130935
17	63144029	63144578	63144349	12	24	22	1.129678461	0.335754	NOL11	ENSG00000130935
17	63247086	63247317	63247246	9	9	3	2.598260461	0.0397929	BPTF	ENSG00000171634
17	63421157	63421462	63421309	8	11	5	2.078608368	0.0614303	C17orf58	ENSG00000186665
17	63446279	63446635	63446457	19	25	11	2.251825733	0.00731045	KPNA2	ENSG00000182481
17	63708506	63708747	63708627	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000183600
17	63756234	63756623	63756448	10	15	4	3.32577339	0.00462646	AMZ2	ENSG00000196704
17	63836545	63836835	63836673	11	14	10	1.417232979	0.185113	ARSG	ENSG00000141337
17	63886297	63886642	63886463	10	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000207561
17	63954885	63955076	63954942	8	8	2	3.117912553	0.0283184	WIPI1	ENSG00000070540
17	64205298	64205483	64205364	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FAM20A	ENSG00000108950
17	64205516	64205982	64205757	35	50	2	17.66817113	6.11E-14	FAM20A	ENSG00000108950
17	64267217	64267493	64267355	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM20A	ENSG00000108950
17	64314912	64315128	64315030	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ABCA8	ENSG00000141338
17	64884294	64884491	64884392	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000211230
17	64938223	64938587	64938402	26	33	3	8.834085566	3.36E-08	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65064784	65064965	65064874	9	10	4	2.286469205	0.0509017	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65068818	65069094	65068956	11	15	0	16.62886695	1.12E-05	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65114862	65115719	65115113	489	583	6	86.70766337	1.85E-169	MAP2K6	ENSG00000108984
17	65354000	65354252	65354131	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000222953
17	65592156	65592409	65592294	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KCNJ16	ENSG00000153822
17	66409570	66409749	66409671	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000211252
17	66966096	66966321	66966249	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000211255
17	67663884	67664086	67664007	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SOX9	ENSG00000125398
17	67777039	67777329	67777184	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000211264
17	67778350	67778590	67778453	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000211264
17	68139989	68140233	68140111	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000200783
17	68191725	68192066	68191888	9	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000200783
17	68210916	68211095	68211005	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222545
17	68739786	68739977	68739881	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FAM104A	ENSG00000133193
17	68867946	68868141	68867983	9	10	1	5.716173013	0.00260397	SDK2	ENSG00000069188

17	69014187	69014463	69014314	18	19	3	5.196520921	0.000174201	SDK2	ENSG00000069188
17	69021785	69022045	69021915	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SDK2	ENSG00000069188
17	69122033	69122320	69122176	18	21	2	7.621564018	1.21E-05	SDK2	ENSG00000069188
17	69684534	69684772	69684709	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RPL38	ENSG00000172809
17	69700660	69701081	69700809	23	29	5	5.196520921	6.82E-06	RPL38	ENSG00000172809
17	69711145	69711597	69711296	12	18	9	1.97467795	0.0349428	RPL38	ENSG00000172809
17	70266112	70266499	70266282	9	15	3	4.157216737	0.00170423	SLC9A3R1	ENSG00000109062
17	70445142	70445407	70445270	8	10	3	2.858086507	0.0242838	OTOP3	ENSG00000182938
17	70479703	70479978	70479836	8	9	4	2.078608368	0.0785659	C17orf28	ENSG00000167861
17	70527344	70527549	70527404	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ICT1	ENSG00000167862
17	70528056	70528368	70528212	8	14	1	7.794781382	0.000197021	ICT1	ENSG00000167862
17	70613300	70613629	70613464	8	13	2	4.850086193	0.00164564	ARMC7	ENSG00000125449
17	70746433	70746662	70746547	8	9	5	1.73217364	0.133894	GGA3	ENSG00000125447
17	70796897	70797099	70796998	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC25A19	ENSG00000125454
17	70901524	70901989	70901735	8	17	7	2.338434415	0.0171287	GRB2	ENSG00000177885
17	70915487	70915708	70915534	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000223217
17	70920324	70920541	70920401	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000211333
17	70964064	70964377	70964220	8	14	9	1.558956276	0.132279	KIAA0195	ENSG00000177728
17	71056968	71057279	71057123	11	14	5	2.598260461	0.0167748	LLGL2	ENSG00000073350
17	71057506	71057757	71057631	9	11	6	1.781664316	0.103344	LLGL2	ENSG00000073350
17	71065094	71065521	71065397	10	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000204326
17	71127702	71127931	71127816	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MYO15B	ENSG00000204325
17	71147601	71147915	71147776	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000204323
17	71153151	71153462	71153308	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000204323
17	71180743	71180947	71180854	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SAP30BP	ENSG00000161526
17	71255449	71255830	71255595	8	14	2	5.196520921	0.000907371	GALK1	ENSG00000108479
17	71287584	71287773	71287678	8	10	3	2.858086507	0.0242838	H3F3B	ENSG00000132475
17	71291074	71291305	71291221	8	8	4	1.870747532	0.118863	UNK	ENSG00000132478
17	71292312	71292513	71292412	10	12	5	2.251825733	0.0404733	UNK	ENSG00000132478
17	71293090	71293323	71293206	10	12	4	2.702190879	0.0203088	UNK	ENSG00000132478
17	71353047	71353317	71353202	8	10	0	11.43234603	0.000394183	UNC13D	ENSG00000092929
17	71487134	71487402	71487297	13	14	2	5.196520921	0.000907371	ACOX1	ENSG00000161533
17	71573165	71573372	71573268	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SRP68	ENSG00000167881
17	71639948	71640668	71640112	18	34	2	12.12521548	2.69E-09	FOXJ1	ENSG00000129654

17	71861553	71861947	71861699	8	14	5	2.598260461	0.0167748	PRPSAP1	ENSG00000161542
17	71893356	71893593	71893516	8	9	3	2.598260461	0.0397929	SPHK1	ENSG00000176170
17	72058724	72059208	72058952	19	30	0	32.21842971	2.55E-10		ENSG00000204303
17	72227279	72227463	72227371	9	9	1	5.196520921	0.00490062	JMJD6	ENSG00000070495
17	72245148	72245380	72245238	9	11	1	6.235825105	0.0013754	MFSD11	ENSG00000092931
17	72297081	72297312	72297256	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000203321
17	72682623	72682894	72682727	14	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000211400
17	72793719	72794786	72793966	44	100	10	9.542702055	3.71E-21	9-Sep	ENSG00000184640
17	72796427	72796777	72796602	8	12	2	4.503651465	0.002963	9-Sep	ENSG00000184640
17	72985314	72985517	72985404	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000203307
17	73309336	73309577	73309456	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000204283
17	73424014	73424281	73424134	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000204283
17	73521468	73521672	73521515	8	10	5	1.905391004	0.0915982	TNRC6C	ENSG00000078687
17	73548686	73548927	73548806	10	11	3	3.117912553	0.0146045	TNRC6C	ENSG00000078687
17	73677289	73677591	73677440	9	13	2	4.850086193	0.00164564	SYNGR2	ENSG00000108639
17	73759069	73759269	73759169	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000220038
17	74100015	74100300	74100157	10	14	3	3.897390691	0.00295882	DNAH17	ENSG00000187775
17	74299777	74300103	74299926	13	16	1	8.834085566	5.30E-05	CYTH1	ENSG00000108669
17	74513052	74513281	74513172	8	9	5	1.73217364	0.133894	CANT1	ENSG00000171302
17	74622526	74622862	74622692	10	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000167280
17	74735788	74736342	74736067	17	29	1	15.58956276	8.46E-09		ENSG00000167280
17	75321432	75321704	75321568	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ENPP7	ENSG00000182156
17	75358568	75358752	75358660	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CBX2	ENSG00000173894
17	75388770	75389092	75388934	8	12	0	13.5109544	9.48E-05	CBX8	ENSG00000141570
17	75399823	75400002	75399928	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CBX8	ENSG00000141570
17	75480888	75481150	75481019	12	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000184247
17	75619158	75619384	75619266	12	14	2	5.196520921	0.000907371	TBC1D16	ENSG00000167291
17	76254175	76254450	76254320	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000216958
17	76282442	76282864	76282697	29	36	1	19.22712741	7.03E-11		ENSG00000216958
17	76625805	76626092	76625948	12	15	5	2.771477825	0.0105836	BAIAP2	ENSG00000175866
17	76828091	76828424	76828253	32	35	2	12.47165021	1.39E-09	C17orf56	ENSG00000167302
17	76894951	76895200	76895074	9	10	2	3.810782009	0.00936112	C17orf55	ENSG00000185168
17	76917926	76918165	76918045	15	17	8	2.078608368	0.0303558	TMEM105	ENSG00000185332
17	76982325	76982648	76982455	12	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000171282

17	77190369	77190570	77190469	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TSPAN10	ENSG00000182612
17	77301052	77301534	77301354	18	27	7	3.637564645	0.000166657	SLC25A10	ENSG00000183048
17	77313684	77313921	77313802	9	10	1	5.716173013	0.00260397	SLC25A10	ENSG00000183048
17	77411795	77412060	77411930	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	P4HB	ENSG00000185624
17	77511294	77511520	77511407	9	9	0	10.39304184	0.000803859	NOTUM	ENSG00000185269
17	77785915	77786127	77786054	9	10	5	1.905391004	0.0915982	SLC16A3	ENSG00000141526
17	77849504	77849723	77849613	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CD7	ENSG00000173762
17	77935991	77936203	77936097	8	11	1	6.235825105	0.0013754	UTS2R	ENSG00000181408
17	78045551	78045807	78045699	10	13	4	2.910051716	0.0125532	FO XK2	ENSG00000141568
17	78047000	78047517	78047200	46	57	5	10.04660711	2.95E-13	FO XK2	ENSG00000141568
17	78085778	78086073	78085934	19	22	1	11.95199812	9.69E-07	FO XK2	ENSG00000141568
17	78326214	78326407	78326287	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TBCD	ENSG00000141556
17	78333026	78333216	78333121	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TBCD	ENSG00000141556
17	78391583	78391824	78391740	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ZNF750	ENSG00000141579
17	78409533	78409805	78409669	10	12	7	1.688869299	0.11395	ZNF750	ENSG00000141579
17	78440785	78441100	78440962	12	14	7	1.948695345	0.0559175	ZNF750	ENSG00000141579
17	78620797	78620982	78620889	8	8	0	9.353737658	0.00163931	METRNL	ENSG00000176845
17	78648008	78648364	78648151	8	13	2	4.850086193	0.00164564	METRNL	ENSG00000176845
18	98069	98621	98391	43	74	77	0.999330946	0.50207		ENSG00000215585
18	98730	99547	99311	41	86	117	0.766266644	0.971198		ENSG00000215585
18	262432	262655	262543	9	11	0	12.47165021	0.000193293	THOC1	ENSG00000079134
18	439493	439695	439594	8	9	6	1.484720263	0.204387	COLEC12	ENSG00000158270
18	493934	494191	494046	8	9	6	1.484720263	0.204387	COLEC12	ENSG00000158270
18	558743	559031	558887	11	16	3	4.417042783	0.00097367	CETN1	ENSG00000177143
18	579356	579610	579483	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000222174
18	587004	587323	587156	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CLUL1	ENSG00000079101
18	594797	595142	594969	12	18	4	3.9493559	0.000961379	CLUL1	ENSG00000079101
18	647307	647502	647404	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TYMS	ENSG00000176890
18	648061	648544	648284	40	57	8	6.697738076	3.36E-11	C18orf56	ENSG00000176912
18	835230	835525	835377	8	12	0	13.5109544	9.48E-05	YES1	ENSG00000176105
18	854865	855060	854930	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ADCYAP1	ENSG00000141433
18	1401694	1401873	1401783	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000215401
18	2470528	2470937	2470762	10	16	6	2.524024447	0.0137633	METTL4	ENSG00000101574
18	2644361	2644577	2644469	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000180715

18	2867029	2867209	2867089	10	10	3	2.858086507	0.0242838	EMILIN2	ENSG00000132205
18	2938108	2938328	2938218	8	10	7	1.429043253	0.21536	LPIN2	ENSG00000101577
18	3034834	3035211	3035011	26	34	3	9.093911612	1.78E-08	LPIN2	ENSG00000101577
18	3035299	3035765	3035545	23	36	1	19.22712741	7.03E-11	LPIN2	ENSG00000101577
18	3048437	3048797	3048603	15	20	6	3.117912553	0.00218114	LPIN2	ENSG00000101577
18	3063611	3063876	3063743	10	11	2	4.157216737	0.0052913	LPIN2	ENSG00000101577
18	3226361	3226841	3226602	28	39	13	2.969440526	7.78E-05		ENSG00000101608
18	3229259	3229452	3229332	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000101608
18	3235694	3236010	3235873	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000101608
18	3236120	3236492	3236263	9	16	16	1.039304184	0.455583		ENSG00000101608
18	3237105	3237378	3237241	12	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000101608
18	3237423	3237893	3237647	33	51	13	3.860272684	2.69E-07		ENSG00000101608
18	3238265	3238508	3238331	14	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000101608
18	3247477	3247819	3247649	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000118680
18	3249263	3249710	3249531	9	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000118680
18	3251258	3251562	3251410	13	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000118680
18	3251590	3251840	3251715	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000118680
18	3259188	3259450	3259319	9	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000118680
18	3263709	3263911	3263810	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000118680
18	3266340	3266526	3266413	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000118680
18	3266864	3267122	3266992	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000118680
18	3287481	3287665	3287583	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000118680
18	3320557	3320894	3320725	13	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000118680
18	3387119	3387575	3387417	9	16	8	1.963130126	0.0441028	TGIF1	ENSG00000177426
18	3437717	3438153	3437896	10	19	3	5.196520921	0.000174201	TGIF1	ENSG00000177426
18	3442545	3442883	3442714	9	13	6	2.078608368	0.0483393	TGIF1	ENSG00000177426
18	3444748	3444997	3444872	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TGIF1	ENSG00000177426
18	3583242	3584298	3583689	22	52	15	3.44269511	9.64E-07		ENSG00000177337
18	3592970	3593219	3593083	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000177337
18	7025022	7025334	7025201	12	15	3	4.157216737	0.00170423	LAMA1	ENSG00000101680
18	7718346	7718665	7718505	18	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000221631
18	7723712	7724028	7723880	12	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000221631
18	8675320	8675647	8675482	14	17	0	18.70747532	2.69E-06	KIAA0802	ENSG00000168502
18	9280150	9280511	9280285	24	29	1	15.58956276	8.46E-09		ENSG00000209637

18	9426320	9426546	9426433	9	10	2	3.810782009	0.00936112	RALBP1	ENSG00000017797
18	9658980	9659163	9659071	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000212572
18	9815654	9815984	9815810	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000223065
18	9923565	9923852	9923684	13	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000223138
18	10076522	10076780	10076651	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000223138
18	10112153	10112371	10112299	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000223138
18	10119116	10119328	10119213	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000223138
18	10199327	10199721	10199539	34	45	0	47.80799247	5.81E-15		ENSG00000209662
18	10331862	10332109	10331985	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000209662
18	10548734	10548968	10548851	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NAPG	ENSG00000134265
18	11499769	11499962	11499936	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000153081
18	11502687	11502938	11502793	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000153081
18	11745754	11745964	11745859	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GNAL	ENSG00000141404
18	11751672	11751866	11751769	9	10	3	2.858086507	0.0242838	GNAL	ENSG00000141404
18	11840238	11840475	11840408	8	11	3	3.117912553	0.0146045	MPPE1	ENSG00000154889
18	11970349	11970571	11970449	8	8	6	1.336248237	0.277651	IMPA2	ENSG00000141401
18	12018804	12018987	12018895	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212712
18	12082835	12083028	12082979	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000181626
18	12299680	12300289	12300028	22	45	3	11.95199812	1.51E-11	TUBB6	ENSG00000176014
18	12318059	12318276	12318182	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221088
18	12381734	12381968	12381874	8	10	3	2.858086507	0.0242838	AFG3L2	ENSG00000141385
18	12648556	12648751	12648653	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000215527
18	12668254	12668446	12668351	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PSMG2	ENSG00000128789
18	12731314	12731582	12731449	14	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000201466
18	12773230	12773637	12773409	13	22	1	11.95199812	9.69E-07		ENSG00000201466
18	13175630	13175949	13175789	9	9	1	5.196520921	0.00490062	C18orf1	ENSG00000168675
18	13257037	13257225	13257131	10	11	3	3.117912553	0.0146045	C18orf1	ENSG00000168675
18	13257328	13257561	13257411	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C18orf1	ENSG00000168675
18	13530333	13530569	13530498	8	10	1	5.716173013	0.00260397	C18orf1	ENSG00000168675
18	13715710	13715893	13715801	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C18orf19	ENSG00000177150
18	13790848	13791158	13790996	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000211528
18	14918571	14918754	14918662	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000206323
18	16764927	16766074	16765684	50	80	92	0.905200419	0.744893		ENSG00000216205
18	16766110	16766573	16766402	25	39	46	0.884514199	0.717474		ENSG00000216205

18	16766842	16767780	16767048	64	94	128	0.76537905	0.976862		ENSG00000216205
18	16768113	16768355	16768207	10	10	13	0.816596145	0.696946		ENSG00000216205
18	16768555	16769105	16768881	14	26	26	1.039304184	0.44394		ENSG00000216205
18	16769651	16771311	16770178	29	102	153	0.695119032	0.998071		ENSG00000216205
18	16771569	16771749	16771640	12	12	16	0.794762023	0.738004		ENSG00000216205
18	16771777	16772447	16772134	102	131	134	1.016208536	0.447979		ENSG00000216205
18	16772461	16773141	16772907	40	66	67	1.024020299	0.445434		ENSG00000216205
18	16773682	16774022	16773852	27	32	27	1.224894217	0.213361		ENSG00000216205
18	16774029	16774447	16774273	31	36	64	0.59160392	0.995463		ENSG00000216205
18	17018407	17018675	17018541	26	27	13	2.078608368	0.00998554	KIAA1772	ENSG00000141449
18	17038232	17038494	17038365	9	11	3	3.117912553	0.0146045	KIAA1772	ENSG00000141449
18	17446033	17446329	17446159	12	15	1	8.314433474	0.000102308	SNRPD1	ENSG00000167088
18	17537429	17537624	17537529	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ABHD3	ENSG00000158201
18	18300536	18300931	18300702	9	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000181358
18	18377816	18378078	18377958	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000206827
18	18397121	18397309	18397215	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000206827
18	18747817	18748065	18747941	10	12	4	2.702190879	0.0203088	RBBP8	ENSG00000101773
18	18939231	18939410	18939271	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CABLES1	ENSG00000134508
18	18949689	18949965	18949856	12	12	1	6.755477198	0.000722752	CABLES1	ENSG00000134508
18	18964863	18965163	18965007	10	12	3	3.377738599	0.00867157	CABLES1	ENSG00000134508
18	19091832	19092018	19091925	9	9	4	2.078608368	0.0785659	CABLES1	ENSG00000134508
18	19093851	19094083	19093978	11	13	2	4.850086193	0.00164564	CABLES1	ENSG00000134508
18	19094746	19095030	19094840	9	13	4	2.910051716	0.0125532	CABLES1	ENSG00000134508
18	19111390	19111727	19111556	29	32	0	34.29703808	6.12E-11	CABLES1	ENSG00000134508
18	19115604	19115814	19115709	9	11	5	2.078608368	0.0614303	CABLES1	ENSG00000134508
18	19147084	19147389	19147236	17	22	0	23.90399624	7.62E-08	C18orf45	ENSG00000134490
18	19165272	19165550	19165430	16	20	10	1.98412617	0.0277883	C18orf45	ENSG00000134490
18	19212947	19213126	19212955	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C18orf45	ENSG00000134490
18	19336958	19337187	19337072	8	9	5	1.73217364	0.133894	C18orf8	ENSG00000141452
18	19349048	19349313	19349173	9	10	2	3.810782009	0.00936112	C18orf8	ENSG00000141452
18	19374020	19374270	19374121	9	10	3	2.858086507	0.0242838	C18orf8	ENSG00000141452
18	19522947	19523126	19523034	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LAMA3	ENSG00000053747
18	19537090	19537360	19537266	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000215051
18	19538051	19538283	19538119	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000215051

18	19646675	19646913	19646821	8	9	5	1.73217364	0.133894	LAMA3	ENSG00000053747
18	19717262	19717441	19717312	8	8	2	3.117912553	0.0283184	LAMA3	ENSG00000053747
18	19717509	19717841	19717660	18	22	0	23.90399624	7.62E-08		ENSG00000221389
18	19850600	19850826	19850713	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000176309
18	19857460	19857852	19857711	8	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000176309
18	20010683	20010918	20010819	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209825
18	20169290	20169469	20169379	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000212051
18	20196815	20197109	20196934	9	12	6	1.930136342	0.071303	OSBPL1A	ENSG00000141447
18	20336475	20336701	20336622	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HRH4	ENSG00000134489
18	20515229	20515414	20515301	8	8	4	1.870747532	0.118863	HRH4	ENSG00000134489
18	21017729	21017933	21017831	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZNF521	ENSG00000198795
18	21119357	21119628	21119492	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ZNF521	ENSG00000198795
18	21367158	21367597	21367332	41	53	2	18.70747532	8.04E-15	ZNF521	ENSG00000198795
18	21931488	21931714	21931590	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SS18	ENSG00000141380
18	22294738	22295051	22294894	15	18	5	3.291129917	0.00248584	KCTD1	ENSG00000134504
18	22382515	22382699	22382639	8	8	4	1.870747532	0.118863	KCTD1	ENSG00000134504
18	22383615	22383889	22383762	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KCTD1	ENSG00000134504
18	22384310	22384526	22384410	9	10	2	3.810782009	0.00936112	KCTD1	ENSG00000134504
18	22409067	22409255	22409134	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000214993
18	22568660	22568907	22568783	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212367
18	22598550	22598887	22598718	8	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000212367
18	22647121	22647372	22647264	8	8	6	1.336248237	0.277651	AQP4	ENSG00000171885
18	23381151	23381333	23381223	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000215499
18	26262000	26262331	26262154	13	17	2	6.235825105	0.000146695		
18	27025018	27025228	27025072	10	11	7	1.558956276	0.158273	DSC1	ENSG00000134765
18	27033418	27033677	27033547	8	11	0	12.47165021	0.000193293	DSC1	ENSG00000134765
18	27075783	27076163	27075984	11	19	8	2.309564854	0.0138337	DSG1	ENSG00000134760
18	27100543	27100759	27100675	9	9	2	3.464347281	0.0163838	DSG1	ENSG00000134760
18	27547299	27547674	27547495	29	38	2	13.5109544	1.90E-10		ENSG00000200472
18	28001998	28002278	28002150	12	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000199373
18	28119049	28119282	28119165	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000222395
18	28206517	28206942	28206688	12	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000215492
18	28446665	28446858	28446761	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000221621
18	29394756	29394944	29394850	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ASXL3	ENSG00000141431

18	30207275	30207454	30207364	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DTNA	ENSG00000134769
18	30488067	30488246	30488135	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DTNA	ENSG00000134769
18	30919444	30919623	30919533	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MAPRE2	ENSG00000166974
18	31174398	31174587	31174492	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000215489
18	31242018	31242206	31242112	8	8	9	0.935373766	0.560286	ZNF396	ENSG00000186496
18	31331856	31332188	31332016	9	13	8	1.616695398	0.123553	INO80C	ENSG00000153391
18	31341793	31342006	31341899	8	8	2	3.117912553	0.0283184	INO80C	ENSG00000153391
18	31696068	31696269	31696193	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000207797
18	31901460	31901694	31901577	9	11	8	1.385738912	0.224757	RPRD1A	ENSG00000141425
18	31963745	31963944	31963835	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ELP2	ENSG00000134759
18	33125740	33125932	33125820	9	9	0	10.39304184	0.000803859	BRUNOL4	ENSG00000101489
18	33375699	33375878	33375788	9	10	0	11.43234603	0.000394183	BRUNOL4	ENSG00000101489
18	37291669	37291853	37291761	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000218954
18	37408720	37408899	37408815	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000218954
18	41233815	41234131	41233977	9	9	0	10.39304184	0.000803859	SLC14A2	ENSG00000132874
18	41454980	41455177	41455079	11	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC14A2	ENSG00000132874
18	41627192	41627649	41627430	11	22	13	1.707428303	0.0525925	SIGLEC15	ENSG00000197046
18	41636574	41637066	41636901	19	31	15	2.078608368	0.00648505	SIGLEC15	ENSG00000197046
18	41705722	41705912	41705830	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KIAA1632	ENSG00000152223
18	41711531	41711722	41711576	9	10	6	1.63319229	0.146906	KIAA1632	ENSG00000152223
18	41827551	41827884	41827717	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000210083
18	41903539	41903824	41903681	29	30	4	6.443685942	1.02E-06	PSTPIP2	ENSG00000152229
18	41931705	41932042	41931875	11	14	3	3.897390691	0.00295882	ATP5A1	ENSG00000152234
18	41932205	41932516	41932360	14	17	6	2.672496474	0.00882337	ATP5A1	ENSG00000152234
18	41938711	41938948	41938807	10	11	3	3.117912553	0.0146045	CCDC5	ENSG00000152240
18	41947760	41948215	41947897	11	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000200088
18	41948355	41948540	41948447	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000200088
18	41962479	41962728	41962603	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000200088
18	41986822	41987119	41986999	12	17	4	3.741495063	0.00163722	C18orf25	ENSG00000152242
18	42007312	42007711	42007532	11	18	11	1.645564958	0.0828462	C18orf25	ENSG00000152242
18	42007809	42008159	42007984	12	17	9	1.870747532	0.0498299	C18orf25	ENSG00000152242
18	42084353	42084950	42084587	14	29	5	5.196520921	6.82E-06	C18orf25	ENSG00000152242
18	42302154	42302680	42302543	10	19	4	4.157216737	0.000560204	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42303393	42303953	42303774	13	30	20	1.534210939	0.0617334	LOXHD1	ENSG00000167210

18	42348194	42348377	42348257	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42457145	42457655	42457508	18	30	4	6.443685942	1.02E-06	LOXHD1	ENSG00000167210
18	42569808	42569987	42569897	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ST8SIA5	ENSG00000101638
18	42656574	42656856	42656721	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ST8SIA5	ENSG00000101638
18	42691124	42691303	42691213	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PIAS2	ENSG00000078043
18	42702361	42702619	42702490	17	17	0	18.70747532	2.69E-06	PIAS2	ENSG00000078043
18	42711341	42711730	42711520	16	22	2	7.967998746	6.43E-06	PIAS2	ENSG00000078043
18	42751910	42752089	42751991	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PIAS2	ENSG00000078043
18	42780736	42780992	42780864	9	12	14	0.900730293	0.611333	KATNAL2	ENSG00000167216
18	42880591	42880818	42880704	8	9	4	2.078608368	0.0785659	HDHD2	ENSG00000167220
18	42930374	42930553	42930463	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HDHD2	ENSG00000167220
18	42955094	42955472	42955216	10	16	1	8.834085566	5.30E-05	IER3IP1	ENSG00000134049
18	42956550	42956852	42956701	8	9	2	3.464347281	0.0163838	IER3IP1	ENSG00000134049
18	43803096	43803386	43803254	11	14	3	3.897390691	0.00295882	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43804132	43804397	43804289	12	14	6	2.227080395	0.0322529	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43809180	43809418	43809306	16	18	4	3.9493559	0.000961379	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43818370	43818623	43818530	9	11	6	1.781664316	0.103344	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43845644	43845956	43845800	19	22	0	23.90399624	7.62E-08	ZBTB7C	ENSG00000184828
18	43885758	43886080	43885924	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000206944
18	43914235	43914488	43914396	15	18	13	1.41048425	0.160361		ENSG00000206944
18	44110405	44110746	44110575	27	32	0	34.29703808	6.12E-11		ENSG00000200872
18	44173653	44173877	44173765	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000200872
18	44226991	44227247	44227119	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000200872
18	44233767	44234076	44233935	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000200872
18	44316128	44316346	44316194	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44396455	44396726	44396570	10	12	3	3.377738599	0.00867157	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44513213	44513489	44513358	16	16	2	5.889390377	0.000270741	KIAA0427	ENSG00000134030
18	44629082	44629373	44629232	12	16	3	4.417042783	0.00097367	SMAD7	ENSG00000101665
18	44703474	44703688	44703581	9	9	0	10.39304184	0.000803859	SMAD7	ENSG00000101665
18	44728339	44728567	44728453	9	11	0	12.47165021	0.000193293	SMAD7	ENSG00000101665
18	44728695	44728968	44728799	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SMAD7	ENSG00000101665
18	44763536	44763799	44763682	11	12	3	3.377738599	0.00867157	SMAD7	ENSG00000101665
18	44778248	44778435	44778362	9	9	7	1.29913023	0.286504	SMAD7	ENSG00000101665
18	44801819	44802391	44801998	10	22	10	2.173090567	0.0132845	SMAD7	ENSG00000101665

18	45350449	45350652	45350550	10	10	3	2.858086507	0.0242838	LIPG	ENSG00000101670
18	45409602	45409889	45409753	9	10	1	5.716173013	0.00260397	LIPG	ENSG00000101670
18	45484699	45484878	45484788	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ACAA2	ENSG00000167315
18	45561658	45561848	45561752	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ACAA2	ENSG00000167315
18	45674139	45674355	45674247	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000201668
18	45939318	45939613	45939467	12	16	2	5.889390377	0.000270741	MYO5B	ENSG00000167306
18	46144399	46144611	46144511	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C18orf24	ENSG00000154839
18	46391870	46392151	46392006	13	15	5	2.771477825	0.0105836	MAPK4	ENSG00000141639
18	46392267	46392453	46392363	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MAPK4	ENSG00000141639
18	46392812	46392995	46392903	8	10	1	5.716173013	0.00260397	MAPK4	ENSG00000141639
18	46409647	46410021	46409808	16	23	5	4.157216737	0.000186738	MAPK4	ENSG00000141639
18	46412770	46413065	46412922	13	15	1	8.314433474	0.000102308	MAPK4	ENSG00000141639
18	47394562	47394793	47394664	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000210277
18	50016388	50016578	50016483	9	9	3	2.598260461	0.0397929	MBD2	ENSG00000134046
18	50585328	50585541	50585448	10	12	6	1.930136342	0.071303	RAB27B	ENSG00000041353
18	51053100	51053293	51053149	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CCDC68	ENSG00000166510
18	51645747	51645928	51645855	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TCF4	ENSG00000196628
18	52122992	52123171	52123063	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000206129
18	52634247	52634473	52634360	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000206865
18	53448452	53448688	53448570	10	11	3	3.117912553	0.0146045	NARS	ENSG00000134440
18	53798750	53799373	53798987	92	129	5	22.51825733	7.24E-34		ENSG00000172186
18	53835606	53835877	53835757	12	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000172186
18	53838901	53839238	53839069	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000172186
18	53925198	53925407	53925302	8	9	4	2.078608368	0.0785659	NEDD4L	ENSG00000049759
18	54042200	54042395	54042375	8	10	4	2.286469205	0.0509017	NEDD4L	ENSG00000049759
18	54140332	54140551	54140407	9	10	0	11.43234603	0.000394183	NEDD4L	ENSG00000049759
18	54293301	54293485	54293426	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000207778
18	54586745	54587262	54587062	14	26	4	5.612242595	1.08E-05		ENSG00000223035
18	55007341	55007654	55007497	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	GRP	ENSG00000134443
18	55641851	55642071	55641925	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221471
18	55717810	55718035	55717938	8	11	3	3.117912553	0.0146045	PMAIP1	ENSG00000141682
18	57253453	57253655	57253554	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000206769
18	57359889	57360244	57360031	16	21	0	22.86469205	1.55E-07	CDH20	ENSG00000101542
18	57405889	57406068	57405983	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CDH20	ENSG00000101542

18	57469449	57469645	57469543	8	8	4	1.870747532	0.118863	CDH20	ENSG00000101542
18	57470149	57470386	57470290	13	14	2	5.196520921	0.000907371	CDH20	ENSG00000101542
18	57617268	57617522	57617395	9	11	2	4.157216737	0.0052913	RNF152	ENSG00000176641
18	58006865	58007050	58006884	8	8	5	1.558956276	0.191397	KIAA1468	ENSG00000134444
18	58303938	58304137	58304015	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ZCCHC2	ENSG00000141664
18	58390729	58391005	58390857	22	23	3	6.235825105	1.63E-05	ZCCHC2	ENSG00000141664
18	58532743	58532930	58532851	8	8	6	1.336248237	0.277651	PHLPP	ENSG00000081913
18	58532932	58533249	58533090	9	15	13	1.187776211	0.317363	PHLPP	ENSG00000081913
18	58535561	58535847	58535737	8	11	3	3.117912553	0.0146045	PHLPP	ENSG00000081913
18	58613733	58613939	58613836	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000215431
18	58618776	58619065	58618920	11	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000215431
18	58790908	58791127	58791065	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PHLPP	ENSG00000081913
18	58834553	58834795	58834674	9	10	6	1.63319229	0.146906	PHLPP	ENSG00000081913
18	58864670	58865043	58864864	10	17	5	3.117912553	0.00407023	PHLPP	ENSG00000081913
18	58893099	58893432	58893295	12	16	8	1.963130126	0.0441028	BCL2	ENSG00000171791
18	58897377	58897670	58897491	11	12	2	4.503651465	0.002963	BCL2	ENSG00000171791
18	58949442	58949667	58949593	8	10	10	1.039304184	0.464387	BCL2	ENSG00000171791
18	58950841	58951050	58950946	8	9	6	1.484720263	0.204387	BCL2	ENSG00000171791
18	58973864	58974137	58973995	10	12	5	2.251825733	0.0404733	BCL2	ENSG00000171791
18	59047677	59047951	59047821	9	10	0	11.43234603	0.000394183	BCL2	ENSG00000171791
18	59059584	59059868	59059742	11	14	14	1.039304184	0.458308	BCL2	ENSG00000171791
18	59060005	59060196	59060121	8	8	12	0.719518281	0.783103	BCL2	ENSG00000171791
18	59072911	59073199	59073055	14	17	16	1.100439724	0.388093	BCL2	ENSG00000171791
18	59075351	59075569	59075460	8	10	10	1.039304184	0.464387	BCL2	ENSG00000171791
18	59078001	59078489	59078298	12	23	12	1.918715417	0.0250463	BCL2	ENSG00000171791
18	59136391	59136613	59136502	8	9	4	2.078608368	0.0785659	BCL2	ENSG00000171791
18	59139565	59139786	59139673	8	10	5	1.905391004	0.0915982	BCL2	ENSG00000171791
18	59141319	59141499	59141409	8	8	10	0.850339787	0.645072	BCL2	ENSG00000171791
18	59180073	59180470	59180252	10	18	4	3.9493559	0.000961379	KDSR	ENSG00000119537
18	59185663	59186057	59185879	14	20	14	1.455025858	0.129498	KDSR	ENSG00000119537
18	59294690	59295377	59294977	57	83	3	21.82538787	1.46E-22	SERPINB5	ENSG00000206075
18	59662485	59662703	59662594	9	11	5	2.078608368	0.0614303	SERPINB2	ENSG00000197632
18	59666467	59666661	59666564	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SERPINB2	ENSG00000197632
18	59781755	59782097	59781931	10	12	6	1.930136342	0.071303	SERPINB8	ENSG00000166401

18	59813075	59813327	59813201	10	13	3	3.637564645	0.0050909	SERPINB8	ENSG00000166401
18	69588421	69588600	69588493	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210546
18	69589321	69589626	69589475	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000210546
18	69760593	69760772	69760681	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210546
18	69968050	69968447	69968289	31	37	4	7.8987118	1.45E-08	C18orf55	ENSG00000075336
18	71640877	71641113	71641009	10	10	0	11.43234603	0.000394183	C18orf62	ENSG00000206026
18	74403246	74403593	74403419	20	26	2	9.353737658	4.98E-07		ENSG00000201723
18	74664758	74664961	74664859	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SALL3	ENSG00000151514
18	75991090	75991291	75991190	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ADNP2	ENSG00000101544
19	228742	228921	228841	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PPAP2C	ENSG00000141934
19	884453	884681	884567	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	ARID3A	ENSG00000116017
19	972565	972804	972684	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000207357
19	1132601	1132880	1132749	8	9	7	1.29913023	0.286504	SBNO2	ENSG00000064932
19	1161392	1161748	1161582	14	19	0	20.78608368	6.46E-07	STK11	ENSG00000118046
19	1264596	1264795	1264695	8	8	1	4.676868829	0.0091584	EFNA2	ENSG00000099617
19	1334701	1334977	1334874	10	13	2	4.850086193	0.00164564	NDUFS7	ENSG00000115286
19	2009528	2009818	2009673	9	11	0	12.47165021	0.000193293	MKNK2	ENSG00000099875
19	2414023	2414308	2414168	10	11	4	2.494330042	0.0324033	LMNB2	ENSG00000176619
19	2426948	2427136	2427042	8	8	7	1.169217207	0.371848	GADD45B	ENSG00000099860
19	2530350	2530913	2530627	17	30	6	4.602632816	1.26E-05	GNG7	ENSG00000213611
19	2553507	2553742	2553624	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GNG7	ENSG00000213611
19	2904266	2904480	2904349	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZNF77	ENSG00000175691
19	3993389	3993719	3993568	9	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000188205
19	3993758	3993951	3993885	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000188205
19	4133455	4133674	4133566	11	11	0	12.47165021	0.000193293	SIRT6	ENSG00000077463
19	4135079	4135280	4135231	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ANKRD24	ENSG00000089847
19	4197747	4198036	4197920	16	19	7	2.598260461	0.00730518	CCDC94	ENSG00000105248
19	4351633	4351826	4351729	12	12	2	4.503651465	0.002963	SH3GL1	ENSG00000141985
19	4575777	4576088	4575932	30	33	1	17.66817113	5.50E-10	TNFAIP8L1	ENSG00000185361
19	4742229	4742464	4742333	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FEM1A	ENSG00000141965
19	5421467	5421672	5421569	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNRF4	ENSG00000105428
19	5454629	5454808	5454684	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNRF4	ENSG00000105428
19	5637614	5637854	5637754	8	11	7	1.558956276	0.158273	RPL36	ENSG00000130255
19	5671350	5671626	5671488	9	12	1	6.755477198	0.000722752	TMEM146	ENSG00000174898

19	5938393	5938679	5938536	10	13	1	7.27512929	0.000378098	RANBP3	ENSG00000031823
19	6528320	6528826	6528624	108	134	1	70.15303244	1.16E-40		ENSG00000199223
19	6694852	6695219	6694991	22	30	2	10.73947657	3.71E-08	TRIP10	ENSG00000125733
19	6717091	6717313	6717202	9	11	3	3.117912553	0.0146045	SH2D3A	ENSG00000125731
19	7089946	7090224	7090085	11	11	0	12.47165021	0.000193293	ZNF557	ENSG00000130544
19	7392802	7393086	7392958	10	13	2	4.850086193	0.00164564	ARHGEF18	ENSG00000104880
19	7719641	7720061	7719882	10	17	7	2.338434415	0.0171287	CD209	ENSG00000090659
19	7778544	7778774	7778659	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CLEC4GP1	ENSG00000205680
19	7899774	7899968	7899871	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CTXN1	ENSG00000178531
19	9011308	9011805	9011626	27	40	1	21.30573578	4.48E-12	OR1M1	ENSG00000170929
19	9027239	9027502	9027370	8	11	1	6.235825105	0.0013754	OR1M1	ENSG00000170929
19	9593511	9593862	9593686	21	27	0	29.10051716	2.16E-09	ZNF561	ENSG00000171469
19	9594274	9594481	9594418	9	11	0	12.47165021	0.000193293	ZNF561	ENSG00000171469
19	9740286	9740522	9740404	12	12	3	3.377738599	0.00867157	ZNF846	ENSG00000196605
19	9799416	9799639	9799505	9	11	7	1.558956276	0.158273	UBL5	ENSG00000198258
19	9981351	9981530	9981440	8	8	3	2.338434415	0.0641221	COL5A3	ENSG00000080573
19	9999336	9999666	9999510	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000167798
19	10156368	10156638	10156492	15	17	2	6.235825105	0.000146695	DNMT1	ENSG00000130816
19	10242652	10242929	10242790	10	10	2	3.810782009	0.00936112	ICAM1	ENSG00000090339
19	10625424	10625795	10625555	9	14	4	3.117912553	0.00766354	ILF3	ENSG00000129351
19	10689003	10689311	10689138	13	15	12	1.279143611	0.251893	DNM2	ENSG00000079805
19	10870717	10871156	10870896	8	17	11	1.558956276	0.111389	CARM1	ENSG00000142453
19	10900311	10900530	10900421	15	17	5	3.117912553	0.00407023	C19orf52	ENSG00000142444
19	10913781	10914030	10913905	9	11	2	4.157216737	0.0052913	C19orf52	ENSG00000142444
19	10924506	10924790	10924652	12	15	6	2.375552421	0.0212094	SMARCA4	ENSG00000127616
19	10931994	10932232	10932101	8	11	2	4.157216737	0.0052913	SMARCA4	ENSG00000127616
19	11237340	11237718	11237515	8	14	3	3.897390691	0.00295882	DOCK6	ENSG00000130158
19	11316079	11316369	11316253	13	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000183401
19	11352817	11353000	11352865	8	9	2	3.464347281	0.0163838	EPOR	ENSG00000187266
19	11407206	11407632	11407355	8	15	3	4.157216737	0.00170423	PRKCSH	ENSG00000130175
19	11553050	11553232	11553130	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ACP5	ENSG00000102575
19	11569942	11570121	11570031	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF627	ENSG00000198551
19	11668574	11668807	11668690	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	ZNF833	ENSG00000197332
19	11710993	11711178	11711106	8	9	5	1.73217364	0.133894	ZNF823	ENSG00000197933

19	12606430	12606611	12606559	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000221343
19	12638699	12638921	12638815	9	10	6	1.63319229	0.146906	MAN2B1	ENSG00000104774
19	12641268	12641546	12641414	13	17	10	1.700679574	0.0766266	C19orf56	ENSG00000105583
19	12653267	12653936	12653757	14	34	13	2.598260461	0.000664816	DHPS	ENSG00000095059
19	12668337	12668814	12668569	15	25	28	0.931789958	0.604671	FBXW9	ENSG00000132004
19	12688857	12689047	12688952	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TNPO2	ENSG00000105576
19	12694359	12695035	12694722	11	30	11	2.684869143	0.000957822	TNPO2	ENSG00000105576
19	12695171	12695769	12695338	13	28	7	3.767477668	0.000100549	TNPO2	ENSG00000105576
19	12708481	12709419	12709240	13	41	22	1.897859815	0.00548724	ASNA1	ENSG00000198356
19	12743807	12743997	12743902	8	9	8	1.154782427	0.375434	HOOK2	ENSG00000095066
19	12746462	12746802	12746632	9	14	11	1.29913023	0.246308	HOOK2	ENSG00000095066
19	12747420	12747727	12747573	11	14	4	3.117912553	0.00766354	HOOK2	ENSG00000095066
19	12754587	12754914	12754750	8	11	5	2.078608368	0.0614303	HOOK2	ENSG00000095066
19	12755212	12755391	12755301	8	8	8	1.039304184	0.46786	HOOK2	ENSG00000095066
19	12760340	12760553	12760450	8	10	7	1.429043253	0.21536	JUNB	ENSG00000171223
19	12761730	12761970	12761850	8	9	3	2.598260461	0.0397929	JUNB	ENSG00000171223
19	12762053	12762396	12762213	10	14	12	1.199197136	0.313881	JUNB	ENSG00000171223
19	12763055	12763466	12763305	11	19	6	2.969440526	0.0035096	JUNB	ENSG00000171223
19	12765008	12765343	12765180	10	14	12	1.199197136	0.313881	JUNB	ENSG00000171223
19	12765931	12766231	12766072	10	11	9	1.247165021	0.300052	JUNB	ENSG00000171223
19	12768314	12768716	12768609	11	19	9	2.078608368	0.0241848	PRDX2	ENSG00000167815
19	12773452	12773681	12773566	10	11	3	3.117912553	0.0146045	PRDX2	ENSG00000167815
19	12808090	12808411	12808233	11	16	7	2.208521392	0.0257604	RTBDN	ENSG00000132026
19	12856858	12857186	12857022	8	13	1	7.27512929	0.000378098	KLF1	ENSG00000105610
19	12862500	12862729	12862671	9	10	5	1.905391004	0.0915982	GCDH	ENSG00000105607
19	12900089	12900312	12900200	9	11	2	4.157216737	0.0052913	FARSA	ENSG00000179115
19	12912202	12912585	12912428	11	19	2	6.928694562	4.25E-05	CALR	ENSG00000179218
19	12936826	12937046	12936942	9	10	8	1.27026067	0.293854	DAND5	ENSG00000179284
19	12977730	12977921	12977850	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NFIX	ENSG00000008441
19	13123361	13123540	13123486	8	9	8	1.154782427	0.375434	IER2	ENSG00000160888
19	13126709	13126912	13126872	8	10	5	1.905391004	0.0915982	IER2	ENSG00000160888
19	13134637	13134931	13134770	11	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000213253
19	13136464	13136727	13136595	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000213253
19	13241209	13241390	13241221	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000213253

19	13625751	13626058	13625902	18	19	1	10.39304184	7.23E-06	CCDC130	ENSG00000104957
19	13737368	13737689	13737529	17	21	6	3.266384579	0.0013436		ENSG00000037757
19	13746019	13746247	13746137	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C19orf53	ENSG00000104979
19	13815489	13815831	13815660	8	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000205463
19	13819438	13819670	13819519	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221627
19	13984431	13984715	13984573	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	RFX1	ENSG00000132005
19	14033856	14034078	14033956	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000187867
19	14053004	14053342	14053173	8	14	12	1.199197136	0.313881	C19orf67	ENSG00000188032
19	14091490	14091731	14091651	10	11	2	4.157216737	0.0052913	PRKACA	ENSG00000072062
19	14528525	14528760	14528642	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NDUFB7	ENSG00000099795
19	14543823	14544035	14543929	8	11	7	1.558956276	0.158273	NDUFB7	ENSG00000099795
19	14806682	14806927	14806799	11	11	2	4.157216737	0.0052913	OR7A5	ENSG00000188269
19	15010232	15010547	15010317	10	14	5	2.598260461	0.0167748	CASP14	ENSG00000105141
19	15076256	15076464	15076360	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SYDE1	ENSG00000105137
19	15095508	15095729	15095645	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ILVBL	ENSG00000105135
19	15167787	15168034	15167915	9	11	3	3.117912553	0.0146045	NOTCH3	ENSG00000074181
19	15352242	15352461	15352336	8	9	5	1.73217364	0.133894	AKAP8	ENSG00000105127
19	15460409	15460703	15460555	14	15	6	2.375552421	0.0212094	PGLYRP2	ENSG00000161031
19	15527649	15527886	15527785	8	11	3	3.117912553	0.0146045	CYP4F22	ENSG00000171954
19	15528244	15528543	15528383	9	13	2	4.850086193	0.00164564	CYP4F22	ENSG00000171954
19	15586386	15586592	15586507	13	13	6	2.078608368	0.0483393	CYP4F8	ENSG00000186526
19	15618432	15618765	15618594	11	16	2	5.889390377	0.000270741	CYP4F3	ENSG00000186529
19	15633334	15633529	15633437	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CYP4F12	ENSG00000186204
19	15864484	15864894	15864724	12	19	3	5.196520921	0.000174201	CYP4F2	ENSG00000186115
19	15947704	15947949	15947818	10	11	13	0.890832158	0.618492	HSH2D	ENSG00000196684
19	16069772	16069953	16069862	9	9	2	3.464347281	0.0163838	RAB8A	ENSG00000167461
19	16082595	16082793	16082718	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RAB8A	ENSG00000167461
19	16144841	16145134	16144987	9	11	7	1.558956276	0.158273	CIB3	ENSG00000141977
19	16157006	16157347	16157176	12	17	5	3.117912553	0.00407023	FAM32A	ENSG00000105058
19	16435596	16436261	16435951	11	23	8	2.771477825	0.00251818	EPS15L1	ENSG00000127527
19	16441198	16441377	16441287	8	8	6	1.336248237	0.277651	EPS15L1	ENSG00000127527
19	17047035	17047224	17047129	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000131351
19	17248490	17248746	17248618	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ANKLE1	ENSG00000160117
19	17766829	17767017	17766895	8	8	3	2.338434415	0.0641221	B3GNT3	ENSG00000179913

19	17874523	17874820	17874668	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	SLC5A5	ENSG00000105641
19	18001542	18001873	18001699	10	13	2	4.850086193	0.00164564	ARRDC2	ENSG00000105643
19	18006807	18007180	18006985	23	29	2	10.39304184	7.12E-08	ARRDC2	ENSG00000105643
19	18065184	18065693	18065359	19	26	2	9.353737658	4.98E-07	MAST3	ENSG00000099308
19	18124174	18124400	18124226	10	13	1	7.27512929	0.000378098	PIK3R2	ENSG00000105647
19	18195711	18196094	18195917	13	19	1	10.39304184	7.23E-06	PDE4C	ENSG00000105650
19	18196236	18196760	18196474	88	108	5	18.88069268	9.74E-28	PDE4C	ENSG00000105650
19	18265016	18265274	18265128	8	9	2	3.464347281	0.0163838	JUND	ENSG00000130522
19	18321466	18321645	18321546	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PGPEP1	ENSG00000130517
19	18336413	18337223	18336811	375	499	7	64.95651151	2.69E-142	GDF15	ENSG00000130513
19	18345266	18346289	18345770	256	357	2	124.0236327	2.71E-107	GDF15	ENSG00000130513
19	18351832	18352258	18352120	10	17	4	3.741495063	0.00163722	GDF15	ENSG00000130513
19	18357778	18358244	18358043	37	54	3	14.29043253	4.09E-14	GDF15	ENSG00000130513
19	18410571	18410857	18410714	13	15	1	8.314433474	0.000102308	ISYNA1	ENSG00000105655
19	18523515	18523779	18523647	12	14	1	7.794781382	0.000197021	C19orf50	ENSG00000105700
19	18728698	18729182	18728942	27	38	2	13.5109544	1.90E-10	COMP	ENSG00000105664
19	18734423	18734700	18734561	8	10	0	11.43234603	0.000394183	COMP	ENSG00000105664
19	19237576	19237770	19237629	10	10	0	11.43234603	0.000394183	TM6SF2	ENSG00000213996
19	19349499	19349962	19349730	11	19	4	4.157216737	0.000560204	GATAD2A	ENSG00000167491
19	19378851	19379056	19378953	9	9	0	10.39304184	0.000803859	GATAD2A	ENSG00000167491
19	19460973	19461173	19461073	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TSSK6	ENSG00000178093
19	19462269	19462499	19462385	8	10	2	3.810782009	0.00936112	TSSK6	ENSG00000178093
19	19748091	19748655	19748479	60	81	7	10.65286789	2.80E-18	ZNF14	ENSG00000105708
19	20023520	20023761	20023676	13	13	1	7.27512929	0.000378098	ZNF682	ENSG00000197124
19	20143107	20143332	20143213	10	12	1	6.755477198	0.000722752	ZNF486	ENSG00000160229
19	21457630	21457816	21457676	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZNF429	ENSG00000197013
19	21502277	21502456	21502366	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZNF429	ENSG00000197013
19	21987120	21987327	21987216	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNF208	ENSG00000160321
19	23262407	23262633	23262520	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213971
19	23974240	23974419	23974269	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000211551
19	23975365	23975711	23975538	21	25	12	2.078608368	0.0124196		ENSG00000211551
19	23975784	23976121	23975952	24	26	19	1.403060649	0.122336		ENSG00000211551
19	23976481	23976766	23976649	10	14	11	1.29913023	0.246308		ENSG00000211551
19	24317867	24318210	24318038	35	35	34	1.06899859	0.389269	ZNF254	ENSG00000213096

19	32423691	32424786	32423868	140	269	264	1.058913697	0.253996		
19	32424935	32425417	32425238	50	66	67	1.024020299	0.445434		
19	32425931	32426785	32426608	67	118	130	0.944100748	0.675798		
19	32426888	32427929	32427065	50	93	86	1.12292636	0.217543		
19	32428340	32428994	32428614	93	143	137	1.084491323	0.247862		
19	32429294	32429624	32429459	16	19	18	1.094004404	0.389177		
19	32429700	32430500	32430323	209	232	243	0.992450307	0.533232		
19	32430538	32430771	32430654	8	10	7	1.429043253	0.21536		
19	32430852	32431300	32431030	11	16	24	0.706726845	0.870131		
19	32493932	32494260	32494096	9	9	20	0.494906754	0.972617		
19	32561992	32562321	32562156	11	12	15	0.84443465	0.678289		
19	32571356	32571538	32571509	8	9	9	1.039304184	0.466079		
19	32593470	32593684	32593622	10	11	9	1.247165021	0.300052		
19	32658821	32659153	32658987	21	21	37	0.601702422	0.974135		
19	33664794	33665259	33665080	31	41	3	10.91269393	2.02E-10		ENSG00000205243
19	34572199	34572702	34572493	14	27	8	3.233390795	0.000398033	VSTM2B	ENSG00000187135
19	35028463	35028712	35028568	9	11	1	6.235825105	0.0013754	CCNE1	ENSG00000105173
19	35967742	35967921	35967831	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000223148
19	36046280	36046471	36046358	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000223148
19	37205783	37205994	37205888	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221504
19	37545977	37546268	37546123	13	14	2	5.196520921	0.000907371	ZNF507	ENSG00000168813
19	37556555	37556894	37556734	11	15	2	5.542955649	0.000497081	ZNF507	ENSG00000168813
19	38263644	38264008	38263869	8	14	2	5.196520921	0.000907371	GPATCH1	ENSG00000076650
19	38360428	38360626	38360527	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LRP3	ENSG00000130881
19	38387167	38387476	38387326	8	8	3	2.338434415	0.0641221	LRP3	ENSG00000130881
19	38493431	38493806	38493627	10	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000178863
19	38786223	38786433	38786316	10	11	0	12.47165021	0.000193293	CHST8	ENSG00000124302
19	38803618	38803881	38803749	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CHST8	ENSG00000124302
19	38978781	38978960	38978893	8	9	3	2.598260461	0.0397929	KCTD15	ENSG00000153885
19	39317013	39317206	39317109	11	11	3	3.117912553	0.0146045	LSM14A	ENSG00000105216
19	39424385	39424586	39424485	10	10	4	2.286469205	0.0509017	KIAA0355	ENSG00000166398
19	39493363	39493668	39493509	9	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000174717
19	39519652	39519833	39519742	8	8	3	2.338434415	0.0641221	GPI	ENSG00000105220
19	40396694	40396874	40396779	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FAM187B	ENSG00000177558

19	40399367	40399571	40399479	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FAM187B	ENSG00000177558
19	40603146	40603378	40603262	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000205188
19	40632216	40632415	40632302	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FFAR2	ENSG00000126262
19	40661712	40661925	40661810	9	10	3	2.858086507	0.0242838	KRTDAP	ENSG00000188508
19	40661966	40662156	40662061	10	10	2	3.810782009	0.00936112	KRTDAP	ENSG00000188508
19	40758346	40758729	40758551	39	44	46	0.995078474	0.510015		ENSG00000209925
19	41002763	41003107	41002941	12	16	3	4.417042783	0.00097367	PRODH2	ENSG00000221873
19	41177801	41178049	41177925	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000205138
19	41310443	41310721	41310587	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CAPNS1	ENSG00000126247
19	41311019	41311439	41311260	13	21	2	7.621564018	1.21E-05	CAPNS1	ENSG00000126247
19	41319683	41320283	41319854	11	25	6	3.860272684	0.00017915	CAPNS1	ENSG00000126247
19	41716424	41716603	41716513	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ZNF260	ENSG00000178042
19	42393403	42393582	42393492	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF585B	ENSG00000197800
19	43148669	43149009	43148838	19	21	2	7.621564018	1.21E-05	SIPA1L3	ENSG00000105738
19	43162230	43162627	43162463	9	16	0	17.66817113	5.48E-06	SIPA1L3	ENSG00000105738
19	43240909	43241240	43241074	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000221258
19	43446931	43447146	43447038	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SPINT2	ENSG00000167642
19	43473448	43473682	43473569	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000200209
19	43504078	43504382	43504239	10	11	9	1.247165021	0.300052	KCNK6	ENSG00000099337
19	43556922	43557140	43557066	9	11	6	1.781664316	0.103344	PSMD8	ENSG00000099341
19	43600395	43600620	43600507	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RASGRP4	ENSG00000171777
19	43819430	43819667	43819550	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ACTN4	ENSG00000130402
19	43844598	43844860	43844704	16	17	4	3.741495063	0.00163722	ACTN4	ENSG00000130402
19	43957905	43958274	43958095	28	35	0	37.41495063	7.22E-12	LGALS7	ENSG00000205076
19	44013723	44013976	44013836	14	15	6	2.375552421	0.0212094	ECH1	ENSG00000104823
19	44018001	44018188	44018094	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ECH1	ENSG00000104823
19	44019446	44019803	44019624	20	26	2	9.353737658	4.98E-07	ECH1	ENSG00000104823
19	44020187	44020675	44020343	11	22	10	2.173090567	0.0132845	ECH1	ENSG00000104823
19	44033187	44033463	44033316	10	11	5	2.078608368	0.0614303	HNRNPL	ENSG00000104824
19	44082876	44083055	44082963	8	8	5	1.558956276	0.191397	NFKBIB	ENSG00000104825
19	44215994	44216246	44216135	10	11	0	12.47165021	0.000193293	FBXO27	ENSG00000161243
19	44312915	44313132	44313028	10	12	1	6.755477198	0.000722752	PAK4	ENSG00000130669
19	44340381	44340623	44340488	9	11	2	4.157216737	0.0052913	PAK4	ENSG00000130669
19	44594446	44594836	44594598	8	14	12	1.199197136	0.313881	PLEKHG2	ENSG00000090924

19	44618653	44618880	44618771	9	11	3	3.117912553	0.0146045	RPS16	ENSG00000105193
19	44627819	44628189	44628025	10	15	8	1.847651883	0.0631662	SUPT5H	ENSG00000196235
19	44715306	44715495	44715400	8	9	2	3.464347281	0.0163838	EID2B	ENSG00000176401
19	44722534	44722752	44722655	10	10	2	3.810782009	0.00936112	EID2	ENSG00000176396
19	44740355	44740625	44740449	9	13	7	1.818782322	0.0805123	EID2	ENSG00000176396
19	44864846	44865040	44864916	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LGALS14	ENSG00000006659
19	44995126	44995340	44995233	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DYRK1B	ENSG00000105204
19	45016285	45016464	45016374	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DYRK1B	ENSG00000105204
19	45318793	45319010	45318866	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000210014
19	45337727	45337929	45337805	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000210014
19	45419765	45419996	45419887	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TTC9B	ENSG00000174521
19	45499957	45500621	45500111	27	53	1	28.06121297	5.54E-16		ENSG00000206674
19	45528710	45529232	45529007	44	60	3	15.84938881	7.65E-16		ENSG00000207281
19	45590662	45590914	45590788	9	11	3	3.117912553	0.0146045	HIPK4	ENSG00000160396
19	45623615	45624089	45623919	34	43	10	4.157216737	8.62E-07	SERTAD1	ENSG00000197019
19	45774407	45774617	45774502	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SHKBP1	ENSG00000160410
19	45913404	45913586	45913420	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ADCK4	ENSG00000123815
19	45916641	45916990	45916848	10	15	5	2.771477825	0.0105836	ITPKC	ENSG00000086544
19	46119066	46119259	46119165	8	9	5	1.73217364	0.133894	CYP2B7P1	ENSG00000197573
19	46211312	46211560	46211436	10	10	1	5.716173013	0.00260397	CYP2A7P1	ENSG00000213908
19	46324526	46324716	46324621	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CYP2F1	ENSG00000197446
19	46459775	46460368	46460058	16	33	5	5.889390377	6.86E-07	HNRNPUL1	ENSG00000105323
19	46562119	46562350	46562221	8	9	3	2.598260461	0.0397929	B9D2	ENSG00000123810
19	46637475	46637866	46637703	9	16	2	5.889390377	0.000270741	ATP5SL	ENSG00000105341
19	46726097	46726782	46726554	159	202	0	210.9787494	1.50E-63	CEACAM21	ENSG00000007129
19	46902497	46902682	46902589	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CEACAM5	ENSG00000105388
19	46995266	46995469	46995330	8	9	7	1.29913023	0.286504	CEACAM3	ENSG00000170956
19	47055230	47055815	47055636	12	28	8	3.348869038	0.000246424	RPS19	ENSG00000105372
19	47055917	47056285	47056109	30	35	4	7.482990127	4.95E-08	RPS19	ENSG00000105372
19	47056325	47056787	47056523	15	26	2	9.353737658	4.98E-07	RPS19	ENSG00000105372
19	47069045	47069265	47069155	11	14	1	7.794781382	0.000197021	CD79A	ENSG00000105369
19	47079661	47080037	47079840	10	17	4	3.741495063	0.00163722	ARHGEF1	ENSG00000076928
19	47080152	47080387	47080272	9	10	10	1.039304184	0.464387	ARHGEF1	ENSG00000076928
19	47124757	47125011	47124898	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RABAC1	ENSG00000105404

19	47521908	47522087	47521959	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MEGF8	ENSG00000105429
19	48792430	48792803	48792555	9	14	8	1.73217364	0.0890835	ZNF576	ENSG00000124444
19	48865124	48865330	48865218	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PLAUR	ENSG00000011422
19	48955414	48955736	48955575	10	13	5	2.425043097	0.0262442	C19orf61	ENSG00000105771
19	48962649	48962836	48962742	10	10	1	5.716173013	0.00260397	C19orf61	ENSG00000105771
19	48978700	48979191	48978955	52	71	2	24.94330042	3.76E-20	KCNN4	ENSG00000104783
19	48981157	48981468	48981306	10	11	4	2.494330042	0.0324033	KCNN4	ENSG00000104783
19	49308909	49309405	49309227	9	16	7	2.208521392	0.0257604	ZNF225	ENSG00000159904
19	49455773	49455997	49455885	10	11	1	6.235825105	0.0013754	ZNF233	ENSG00000159915
19	49919043	49919331	49919187	15	18	6	2.8209685	0.00559354	CEACAM16	ENSG00000213892
19	49937072	49937451	49937269	17	26	6	4.008744711	0.000106454	BCL3	ENSG00000069399
19	49942175	49942414	49942301	8	9	8	1.154782427	0.375434	BCL3	ENSG00000069399
19	49965866	49966122	49965993	11	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000216919
19	50040761	50041064	50040912	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PVRL2	ENSG00000130202
19	50146797	50147019	50146906	9	9	2	3.464347281	0.0163838	CLPTM1	ENSG00000104853
19	50228055	50228268	50228125	9	10	1	5.716173013	0.00260397	SFRS16	ENSG00000104859
19	50318545	50318891	50318713	17	21	6	3.266384579	0.0013436		ENSG00000213043
19	50501347	50501530	50501438	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CKM	ENSG00000104879
19	50673505	50673852	50673678	14	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000213889
19	50688417	50688596	50688481	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RTN2	ENSG00000125744
19	50827524	50828040	50827703	44	56	6	8.4629055	3.02E-12		ENSG00000199066
19	50834256	50834440	50834290	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000199066
19	50925927	50926240	50926081	12	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000177051
19	51012221	51012521	51012349	10	14	8	1.73217364	0.0890835	RSHL1	ENSG00000104941
19	51080261	51080440	51080350	8	9	1	5.196520921	0.00490062	IRF2BP1	ENSG00000170604
19	51147694	51148034	51147856	8	12	2	4.503651465	0.002963	NOVA2	ENSG00000104967
19	51190190	51190557	51190383	9	16	7	2.208521392	0.0257604	CCDC61	ENSG00000104983
19	51236219	51236662	51236398	11	19	3	5.196520921	0.000174201	IGFL4	ENSG00000204869
19	51272771	51272963	51272867	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000203347
19	51273704	51273962	51273881	8	10	3	2.858086507	0.0242838	IGFL2	ENSG00000204866
19	51328459	51328893	51328619	58	73	1	38.45425482	4.86E-22	IGFL3	ENSG00000188624
19	51328983	51329267	51329130	10	14	0	15.58956276	2.28E-05	IGFL3	ENSG00000188624
19	51354600	51354894	51354747	11	13	2	4.850086193	0.00164564	IGFL3	ENSG00000188624
19	51401487	51401790	51401638	10	11	1	6.235825105	0.0013754	IGFL1	ENSG00000188293

19	51417096	51417343	51417219	9	10	6	1.63319229	0.146906	IGFL1	ENSG00000188293
19	51796771	51796950	51796902	9	9	2	3.464347281	0.0163838	CALM3	ENSG00000160014
19	51798296	51798486	51798460	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CALM3	ENSG00000160014
19	51966069	51966325	51966197	16	16	2	5.889390377	0.000270741	SLC1A5	ENSG00000105281
19	51979901	51980199	51980034	11	12	3	3.377738599	0.00867157	SLC1A5	ENSG00000105281
19	52021679	52021871	52021849	8	8	0	9.353737658	0.00163931	AP2S1	ENSG00000042753
19	52045943	52046220	52046095	9	11	12	0.959357709	0.543005	AP2S1	ENSG00000042753
19	52051316	52051566	52051387	9	12	8	1.501217155	0.168286	AP2S1	ENSG00000042753
19	52054963	52055325	52055158	11	18	5	3.291129917	0.00248584	AP2S1	ENSG00000042753
19	52058894	52059672	52059203	11	33	6	5.048048895	2.40E-06	AP2S1	ENSG00000042753
19	52061915	52062202	52062058	9	11	13	0.890832158	0.618492	AP2S1	ENSG00000042753
19	52119859	52120266	52120008	9	15	3	4.157216737	0.00170423	GRLF1	ENSG00000160007
19	52230330	52230778	52230509	9	19	6	2.969440526	0.0035096	TMEM160	ENSG00000130748
19	52231130	52231412	52231258	9	13	9	1.455025858	0.177172	TMEM160	ENSG00000130748
19	52251874	52252155	52251994	21	22	0	23.90399624	7.62E-08	TMEM160	ENSG00000130748
19	52347395	52347579	52347486	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SAE1	ENSG00000142230
19	52347767	52348032	52347899	18	21	3	5.716173013	5.37E-05	SAE1	ENSG00000142230
19	52422794	52423075	52422921	9	12	5	2.251825733	0.0404733	BBC3	ENSG00000105327
19	52426342	52426925	52426536	82	114	2	39.83999373	4.60E-33	BBC3	ENSG00000105327
19	52427483	52427955	52427733	48	64	1	33.77738599	2.61E-19	BBC3	ENSG00000105327
19	52436212	52436695	52436403	10	20	4	4.365077574	0.000324139	BBC3	ENSG00000105327
19	52439361	52439661	52439528	15	17	3	4.676868829	0.000552213	BBC3	ENSG00000105327
19	52442727	52442906	52442772	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CCDC9	ENSG00000105321
19	52452549	52452791	52452666	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CCDC9	ENSG00000105321
19	52468587	52468843	52468710	10	13	5	2.425043097	0.0262442	CCDC9	ENSG00000105321
19	52484736	52484973	52484811	8	11	2	4.157216737	0.0052913	C5AR1	ENSG00000197405
19	52544129	52544332	52544230	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DHX34	ENSG00000134815
19	52678900	52679281	52679044	10	16	3	4.417042783	0.00097367	KPTN	ENSG00000118162
19	52843415	52843626	52843591	8	10	10	1.039304184	0.464387	GLTSCR1	ENSG00000063169
19	53091974	53092285	53092129	14	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000221072
19	53359655	53359912	53359781	10	12	3	3.377738599	0.00867157	LIG1	ENSG00000105486
19	53465190	53465464	53465331	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ZNF114	ENSG00000178150
19	53517021	53517250	53517122	9	11	0	12.47165021	0.000193293	CCDC114	ENSG00000105479
19	53622889	53623142	53623005	9	10	1	5.716173013	0.00260397	GRWD1	ENSG00000105447

19	53708322	53708557	53708439	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LMTK3	ENSG00000142235
19	53708579	53708946	53708693	8	14	3	3.897390691	0.00295882	LMTK3	ENSG00000142235
19	53747077	53747430	53747253	13	18	3	4.936694875	0.000311102	SULT2B1	ENSG00000088002
19	53779384	53779616	53779500	10	11	2	4.157216737	0.0052913	SULT2B1	ENSG00000088002
19	53832465	53832713	53832632	8	10	0	11.43234603	0.000394183	DBP	ENSG00000105516
19	53833089	53833271	53833163	9	9	0	10.39304184	0.000803859	DBP	ENSG00000105516
19	54067288	54067506	54067356	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PPP1R15A	ENSG00000087074
19	54149535	54149881	54149708	10	14	1	7.794781382	0.000197021	BAX	ENSG00000087088
19	54150061	54150500	54150305	72	92	1	48.32764457	8.00E-28	BAX	ENSG00000087088
19	54292754	54293140	54292976	9	14	9	1.558956276	0.132279	SNRNP70	ENSG00000104852
19	54320332	54320647	54320489	10	15	1	8.314433474	0.000102308	PPFIA3	ENSG00000177380
19	54466338	54466683	54466507	13	16	6	2.524024447	0.0137633	SLC6A16	ENSG00000063127
19	54467206	54467595	54467418	39	48	6	7.27512929	3.92E-10	SLC6A16	ENSG00000063127
19	54646895	54647170	54647025	8	11	3	3.117912553	0.0146045	PIH1D1	ENSG00000104872
19	54691191	54691388	54691253	8	10	3	2.858086507	0.0242838	RPS11	ENSG00000142534
19	54691409	54691666	54691568	8	11	7	1.558956276	0.158273	RPS11	ENSG00000142534
19	54741813	54742263	54741992	12	23	8	2.771477825	0.00251818	RCN3	ENSG00000142552
19	54775655	54775836	54775745	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NOSIP	ENSG00000142546
19	54872147	54872343	54872245	8	8	4	1.870747532	0.118863	PRMT1	ENSG00000126457
19	54875840	54876023	54875959	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PRMT1	ENSG00000126457
19	54960628	54960877	54960752	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000206599
19	54961776	54962016	54961896	8	8	1	4.676868829	0.0091584	AP2A1	ENSG00000196961
19	55061594	55061894	55061744	9	12	4	2.702190879	0.0203088	PNKP	ENSG00000039650
19	55246202	55246490	55246334	10	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000204666
19	55246526	55246974	55246695	34	45	1	23.90399624	1.42E-13		ENSG00000204666
19	55468389	55468604	55468496	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KCNC3	ENSG00000131398
19	55564165	55564655	55564504	9	18	11	1.645564958	0.0828462	NAPSA	ENSG00000131400
19	55571321	55571562	55571456	11	13	9	1.455025858	0.177172	NR1H2	ENSG00000131408
19	56303464	56303707	56303585	8	10	2	3.810782009	0.00936112	ATPBD3	ENSG00000142544
19	56475441	56475683	56475562	17	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000179213
19	56562474	56562705	56562600	9	10	8	1.27026067	0.293854	ETFB	ENSG00000105379
19	56589465	56589662	56589563	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LIM2	ENSG00000105370
19	56603982	56604371	56604060	11	16	9	1.766817113	0.0700694	SIGLEC10	ENSG00000142512
19	56803005	56803277	56803141	10	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000213818

19	56827270	56827449	56827415	8	8	7	1.169217207	0.371848	SIGLEC5	ENSG00000105501
19	56889206	56889398	56889302	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000182310
19	57334811	57335030	57334941	8	9	5	1.73217364	0.133894	ZNF616	ENSG00000204611
19	57385276	57385470	57385342	9	10	1	5.716173013	0.00260397	PPP2R1A	ENSG00000105568
19	57932934	57933261	57933093	11	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000175885
19	58490153	58490553	58490360	93	107	4	22.44897038	1.64E-28	BIRC8	ENSG00000180152
19	58676101	58676413	58676257	19	21	3	5.716173013	5.37E-05	ZNF813	ENSG00000198346
19	58848025	58848204	58848112	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000200393
19	58987986	58988239	58988101	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000199143
19	59203866	59204061	59203959	10	10	2	3.810782009	0.00936112	CACNG6	ENSG00000130433
19	59225099	59225383	59225244	8	9	5	1.73217364	0.133894	VSTM1	ENSG00000189068
19	59396669	59396848	59396708	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RPS9	ENSG00000170889
19	59863733	59863990	59863861	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LILRB4	ENSG00000186818
19	59996426	59996684	59996555	8	9	3	2.598260461	0.0397929	KIR2DL4	ENSG00000189013
19	60076840	60077057	60076948	12	12	2	4.503651465	0.002963	FCAR	ENSG00000186431
19	60320836	60321054	60320945	9	9	4	2.078608368	0.0785659	LENG3	ENSG00000125503
19	60420165	60420387	60420285	11	13	5	2.425043097	0.0262442	PTPRH	ENSG00000080031
19	60462333	60462625	60462479	12	15	1	8.314433474	0.000102308	SAPS1	ENSG00000105063
19	60542327	60542543	60542467	8	9	9	1.039304184	0.466079	SUV420H2	ENSG00000133247
19	60547728	60548136	60547898	33	40	4	8.522294311	2.26E-09	SUV420H2	ENSG00000133247
19	60640750	60640944	60640817	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000187902
19	60784005	60784474	60784176	9	18	8	2.194086611	0.0206188	ZNF579	ENSG00000218891
19	60804342	60804881	60804528	40	61	6	9.205265632	1.37E-13	ZNF524	ENSG00000171443
19	60838035	60838363	60838199	9	14	2	5.196520921	0.000907371	ZNF580	ENSG00000213015
19	61288143	61288336	61288282	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000223060
19	62138018	62138197	62138107	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210700
19	63508168	63508366	63508308	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000166718
19	63598520	63598862	63598686	11	13	2	4.850086193	0.00164564	RPS5	ENSG00000083845
19	63723468	63723658	63723563	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZBTB45	ENSG00000119574
2	25974	26216	26142	8	11	4	2.494330042	0.0324033	FAM110C	ENSG00000184731
2	557839	558054	557962	9	9	5	1.73217364	0.133894	TMEM18	ENSG00000151353
2	704308	704506	704407	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TMEM18	ENSG00000151353
2	728578	728843	728668	10	12	2	4.503651465	0.002963	TMEM18	ENSG00000151353
2	1471572	1472351	1471910	129	202	3	52.74468735	2.89E-58	TPO	ENSG00000115705

2	1608012	1608384	1608205	15	22	3	5.975999059	2.96E-05	PXDN	ENSG00000130508
2	1687636	1688176	1687951	54	67	3	17.66817113	7.12E-18	PXDN	ENSG00000130508
2	1733623	1733802	1733673	8	8	6	1.336248237	0.277651	PXDN	ENSG00000130508
2	1957192	1957394	1957273	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000214874
2	2066241	2066420	2066330	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000214874
2	2560171	2560372	2560248	8	8	5	1.558956276	0.191397	MYT1L	ENSG00000186487
2	2974211	2974468	2974358	15	16	4	3.533634226	0.00276486	TSSC1	ENSG00000032389
2	3600365	3600779	3600675	18	24	11	2.16521705	0.0106896	RPS7	ENSG00000171863
2	4574523	4574714	4574617	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000216435
2	5500476	5500778	5500627	13	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000219497
2	7802883	7803140	7803007	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000220722
2	7805851	7806045	7805948	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000220722
2	8597486	8597827	8597659	15	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000182367
2	8768647	8768860	8768766	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ID2	ENSG00000115738
2	8930522	8930750	8930599	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000134313
2	9139786	9140027	9139893	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	MBOAT2	ENSG00000143797
2	9236017	9236196	9236120	8	8	10	0.850339787	0.645072	ASAP2	ENSG00000151693
2	9391302	9391531	9391373	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000213772
2	9688409	9688623	9688517	9	9	4	2.078608368	0.0785659	YWHAQ	ENSG00000134308
2	9887945	9888306	9888124	16	23	8	2.771477825	0.00251818	TAF1B	ENSG00000115750
2	10007464	10007643	10007575	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GRHL1	ENSG00000134317
2	10011857	10012097	10011977	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GRHL1	ENSG00000134317
2	10189597	10189776	10189686	9	9	1	5.196520921	0.00490062	C2orf48	ENSG00000163009
2	10509932	10510252	10510092	8	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000217258
2	10517877	10518126	10518026	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000217258
2	10747422	10747678	10747526	11	14	3	3.897390691	0.00295882	NOL10	ENSG00000115761
2	11187631	11187852	11187727	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000145063
2	11190446	11190687	11190566	9	10	3	2.858086507	0.0242838	C2orf50	ENSG00000150873
2	11403477	11403753	11403623	8	10	6	1.63319229	0.146906	ROCK2	ENSG00000134318
2	11447257	11447563	11447414	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000197781
2	11523709	11524004	11523856	18	20	5	3.637564645	0.000902929	E2F6	ENSG00000169016
2	11556226	11556461	11556343	14	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000201610
2	11588576	11588886	11588743	15	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000196208
2	11589974	11590417	11590195	24	33	11	2.944695189	0.000258336		ENSG00000196208

2	11593650	11593848	11593697	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000196208
2	11597126	11597374	11597250	18	20	11	1.818782322	0.04395		ENSG00000196208
2	11689115	11689440	11689231	13	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000196208
2	11714254	11714471	11714363	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000220847
2	11801756	11801978	11801909	12	13	2	4.850086193	0.00164564	LPIN1	ENSG00000134324
2	11822082	11822461	11822261	10	17	4	3.741495063	0.00163722	LPIN1	ENSG00000134324
2	12021613	12021792	12021684	8	8	2	3.117912553	0.0283184	LPIN1	ENSG00000134324
2	12147225	12147416	12147328	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LPIN1	ENSG00000134324
2	13754321	13754655	13754488	15	21	0	22.86469205	1.55E-07		
2	14345629	14346002	14345805	58	65	1	34.29703808	1.30E-19		ENSG00000210748
2	14612701	14612880	14612790	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM84A	ENSG00000162981
2	14686537	14686884	14686710	22	27	3	7.27512929	1.42E-06	FAM84A	ENSG00000162981
2	14838788	14838976	14838864	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM84A	ENSG00000162981
2	16662114	16662340	16662259	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FAM49A	ENSG00000197872
2	16697720	16697997	16697842	11	14	2	5.196520921	0.000907371	FAM49A	ENSG00000197872
2	16726060	16726278	16726150	12	12	4	2.702190879	0.0203088	FAM49A	ENSG00000197872
2	17860354	17860789	17860611	36	50	1	26.5022567	4.44E-15	MSGN1	ENSG00000151379
2	17875435	17875622	17875537	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MSGN1	ENSG00000151379
2	19111997	19112391	19112158	9	14	4	3.117912553	0.00766354	OSR1	ENSG00000143867
2	19136792	19137043	19136917	10	11	11	1.039304184	0.462773	OSR1	ENSG00000143867
2	19173447	19173773	19173610	9	9	2	3.464347281	0.0163838	OSR1	ENSG00000143867
2	19201633	19201956	19201794	8	13	3	3.637564645	0.0050909	OSR1	ENSG00000143867
2	19204100	19204649	19204323	15	29	7	3.897390691	6.03E-05	OSR1	ENSG00000143867
2	19291872	19292570	19292180	69	98	5	17.14851904	7.63E-25	OSR1	ENSG00000143867
2	19717899	19718211	19718055	14	19	0	20.78608368	6.46E-07	CISD1B	ENSG00000143880
2	19965324	19965513	19965400	9	10	2	3.810782009	0.00936112	TTC32	ENSG00000183891
2	20115113	20115339	20115229	8	9	6	1.484720263	0.204387	LAPTM4A	ENSG00000068697
2	20242200	20242385	20242292	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000200763
2	20271422	20271621	20271521	8	9	5	1.73217364	0.133894	SDC1	ENSG00000115884
2	20276402	20276611	20276506	8	9	10	0.944821986	0.553851	SDC1	ENSG00000115884
2	20416988	20417254	20417121	10	11	1	6.235825105	0.0013754	PUM2	ENSG00000055917
2	20444596	20444817	20444706	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212171
2	20510164	20510343	20510254	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RHOB	ENSG00000143878
2	20515842	20516047	20515941	9	10	2	3.810782009	0.00936112	RHOB	ENSG00000143878

2	20520868	20521360	20521232	15	28	6	4.305688763	3.69E-05	RHOB	ENSG00000143878
2	20529285	20529863	20529508	15	31	6	4.751104842	7.27E-06		ENSG00000200829
2	20532094	20532295	20532215	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000200829
2	20647808	20648075	20647982	13	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000219263
2	20724706	20724918	20724823	9	10	4	2.286469205	0.0509017	GDF7	ENSG00000143869
2	21438621	21438821	21438710	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000218819
2	23731268	23731469	23731368	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KBTBD9	ENSG00000119771
2	24017339	24017626	24017482	8	11	5	2.078608368	0.0614303	UBXN2A	ENSG00000173960
2	24123680	24123972	24123826	9	13	3	3.637564645	0.0050909	C2orf44	ENSG00000163026
2	24152653	24152867	24152752	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000115128
2	24160594	24160871	24160732	16	18	1	9.87338975	1.41E-05	TP53I3	ENSG00000115129
2	24161278	24161616	24161470	11	15	2	5.542955649	0.000497081	TP53I3	ENSG00000115129
2	24689502	24689776	24689639	8	8	5	1.558956276	0.191397	NCOA1	ENSG00000084676
2	24869587	24869808	24869697	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C2orf79	ENSG00000184924
2	25048386	25048578	25048479	8	9	2	3.464347281	0.0163838	DNAJC27	ENSG00000115137
2	25695220	25695446	25695312	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DTNB	ENSG00000138101
2	25737656	25737835	25737797	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DTNB	ENSG00000138101
2	25740904	25741165	25741044	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DTNB	ENSG00000138101
2	25748031	25748265	25748148	10	10	3	2.858086507	0.0242838	DTNB	ENSG00000138101
2	26027469	26027688	26027538	12	13	3	3.637564645	0.0050909	KIF3C	ENSG00000084731
2	26027812	26027991	26027879	8	9	2	3.464347281	0.0163838	KIF3C	ENSG00000084731
2	26085147	26085489	26085315	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000220917
2	26088595	26088857	26088693	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000220917
2	26152725	26152935	26152880	10	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000199872
2	26422864	26423046	26422955	8	9	2	3.464347281	0.0163838	GPR113	ENSG00000173567
2	26654274	26654596	26654435	8	13	3	3.637564645	0.0050909	C2orf70	ENSG00000173557
2	26747384	26747652	26747518	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216626
2	27126907	27127247	27127018	8	12	6	1.930136342	0.071303	AGBL5	ENSG00000084693
2	27241584	27242056	27241877	23	34	6	5.196520921	1.37E-06		ENSG00000216392
2	27286418	27286725	27286571	11	14	4	3.117912553	0.00766354	SLC5A6	ENSG00000138074
2	27326446	27326674	27326620	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC30A3	ENSG00000115194
2	27369484	27369732	27369608	11	12	2	4.503651465	0.002963	TRIM54	ENSG00000138100
2	27369843	27370155	27370008	8	12	5	2.251825733	0.0404733	TRIM54	ENSG00000138100
2	27433407	27433690	27433548	9	12	3	3.377738599	0.00867157	GTF3C2	ENSG00000115207

2	27446775	27446997	27446886	11	11	2	4.157216737	0.0052913	SNX17	ENSG00000115234
2	27471791	27472060	27471956	8	10	0	11.43234603	0.000394183	FTHL3P	ENSG00000213453
2	27504669	27504898	27504783	12	12	2	4.503651465	0.002963	NRBP1	ENSG00000115216
2	27740063	27740283	27740154	16	17	0	18.70747532	2.69E-06	SUPT7L	ENSG00000119760
2	27782533	27782890	27782711	43	49	1	25.98260461	8.89E-15		ENSG00000205334
2	28248662	28249086	28248899	39	53	2	18.70747532	8.04E-15		ENSG00000197918
2	28395008	28395193	28395126	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FOSL2	ENSG00000075426
2	28469072	28469326	28469207	14	15	3	4.157216737	0.00170423	FOSL2	ENSG00000075426
2	28513069	28513344	28513207	10	12	2	4.503651465	0.002963	FOSL2	ENSG00000075426
2	28971615	28971884	28971749	23	23	1	12.47165021	4.94E-07	WDR43	ENSG00000163811
2	29251422	29251601	29251511	8	8	5	1.558956276	0.191397	CLIP4	ENSG00000115295
2	29714903	29715207	29715034	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000222996
2	30042519	30043022	30042767	52	70	0	73.79059708	1.06E-22	ALK	ENSG00000171094
2	30102793	30103080	30102928	12	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000221383
2	30192170	30192365	30192267	8	10	1	5.716173013	0.00260397	YPEL5	ENSG00000119801
2	30294384	30294623	30294503	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000217617
2	30778843	30779063	30778983	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000219426
2	31066186	31066374	31066280	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000216093
2	31784830	31785019	31784890	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222772
2	32089431	32089680	32089534	10	11	3	3.117912553	0.0146045	MEMO1	ENSG00000162959
2	32706501	32706779	32706616	13	15	3	4.157216737	0.00170423	TTC27	ENSG0000018699
2	33010688	33010875	33010774	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000206951
2	33016647	33016846	33016746	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000206951
2	33092957	33093288	33093126	26	30	0	32.21842971	2.55E-10		ENSG00000217182
2	34565667	34565863	34565765	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000212025
2	35377165	35377439	35377302	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000217899
2	36453858	36454050	36453954	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CRIM1	ENSG00000150938
2	36902079	36902258	36902150	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000211150
2	37312055	37312294	37312174	8	11	8	1.385738912	0.224757	CEBPZ	ENSG00000115816
2	37669125	37669367	37669189	8	11	4	2.494330042	0.0324033	CDC42EP3	ENSG00000163171
2	37734566	37735132	37734968	36	52	4	11.01662435	1.13E-12	CDC42EP3	ENSG00000163171
2	37867584	37867932	37867758	49	54	1	28.58086507	2.76E-16		ENSG00000213595
2	37883248	37883522	37883350	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000213595
2	38006060	38006278	38006170	10	12	6	1.930136342	0.071303	FAM82A1	ENSG00000115841

2	38107498	38107910	38107677	18	26	2	9.353737658	4.98E-07	CYP1B1	ENSG00000138061
2	38176969	38177182	38177075	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CYP1B1	ENSG00000138061
2	38476838	38477018	38476928	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ATL2	ENSG00000119787
2	38697104	38697383	38697243	11	11	2	4.157216737	0.0052913	HNRPLL	ENSG00000143889
2	38771571	38771903	38771737	10	15	5	2.771477825	0.0105836	GALM	ENSG00000143891
2	38831725	38831971	38831845	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SFRS7	ENSG00000115875
2	38986409	38986664	38986558	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000214694
2	38986773	38987101	38986933	11	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000214694
2	39231674	39231868	39231702	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000202309
2	39257790	39257979	39257877	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000202309
2	39317529	39317742	39317635	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CDKL4	ENSG00000205111
2	39485998	39486248	39486123	11	12	1	6.755477198	0.000722752	MAP4K3	ENSG00000011566
2	39547041	39547299	39547158	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000211215
2	41803442	41803751	41803590	20	22	1	11.95199812	9.69E-07		ENSG00000213574
2	41854874	41855151	41855039	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213574
2	42423070	42423517	42423353	8	16	8	1.963130126	0.0441028	COX7A2L	ENSG00000115944
2	42575538	42575944	42575706	10	15	18	0.875203524	0.655562	MTA3	ENSG00000057935
2	42649578	42649772	42649675	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MTA3	ENSG00000057935
2	42876589	42877024	42876817	65	82	0	86.26224729	2.06E-26		ENSG00000217155
2	42891133	42891498	42891297	10	14	10	1.417232979	0.185113		ENSG00000217155
2	42939754	42939944	42939849	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000218916
2	43507028	43507346	43507170	11	15	12	1.279143611	0.251893		ENSG00000211259
2	43524063	43524389	43524218	9	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000211259
2	43543875	43544071	43543973	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000211259
2	43549268	43549545	43549419	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000211259
2	43855384	43855563	43855473	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DYNC2LI1	ENSG00000138036
2	43962436	43962619	43962530	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200924
2	44167654	44167833	44167747	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219391
2	44167911	44168100	44168058	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000219391
2	45373812	45373999	45373905	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000205054
2	45731048	45731253	45731172	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PRKCE	ENSG00000171132
2	45846657	45846891	45846740	8	10	1	5.716173013	0.00260397	PRKCE	ENSG00000171132
2	45902348	45902603	45902475	9	11	1	6.235825105	0.0013754	PRKCE	ENSG00000171132
2	45930130	45930473	45930299	37	40	1	21.30573578	4.48E-12	PRKCE	ENSG00000171132

2	45971927	45972116	45972021	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PRKCE	ENSG00000171132
2	46019417	46019848	46019669	10	18	9	1.97467795	0.0349428	PRKCE	ENSG00000171132
2	46089097	46089414	46089255	11	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000217939
2	46252766	46253367	46253088	48	72	8	8.429911717	4.17E-15	EPAS1	ENSG00000116016
2	46351184	46351371	46351237	8	9	3	2.598260461	0.0397929	EPAS1	ENSG00000116016
2	46726393	46726597	46726494	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000203445
2	46727751	46728076	46727935	17	21	2	7.621564018	1.21E-05		ENSG00000203445
2	46818284	46818552	46818418	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SOCS5	ENSG00000171150
2	47257250	47257605	47257427	9	15	6	2.375552421	0.0212094	CALM2	ENSG00000143933
2	47484596	47484867	47484739	8	10	4	2.286469205	0.0509017	MSH2	ENSG00000095002
2	47830968	47831160	47831051	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000219040
2	48849315	48849692	48849489	19	25	4	5.404381758	1.92E-05	TCEB2	ENSG00000217429
2	48859739	48860182	48859899	11	18	6	2.8209685	0.00559354	TCEB2	ENSG00000217429
2	48921744	48922191	48922005	41	53	2	18.70747532	8.04E-15	TCEB2	ENSG00000217429
2	48939702	48939981	48939841	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000214602
2	50606436	50606734	50606580	8	9	3	2.598260461	0.0397929	NRXN1	ENSG00000179915
2	51254942	51255213	51255086	9	9	0	10.39304184	0.000803859	NRXN1	ENSG00000179915
2	54411405	54411692	54411542	11	13	4	2.910051716	0.0125532	C2orf73	ENSG00000177994
2	54652986	54653238	54653104	11	13	2	4.850086193	0.00164564	SPTBN1	ENSG00000115306
2	54944834	54945020	54944944	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000143940
2	55158861	55159128	55158994	10	12	1	6.755477198	0.000722752	RTN4	ENSG00000115310
2	55312896	55313194	55313045	9	12	10	1.228268581	0.305344	C2orf63	ENSG00000162994
2	55313202	55313559	55313380	11	17	5	3.117912553	0.00407023	RPS27A	ENSG00000143947
2	55362701	55362940	55362820	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000162997
2	55512745	55512962	55512819	8	8	6	1.336248237	0.277651	BTF3L2	ENSG00000220254
2	55698128	55698402	55698240	11	13	8	1.616695398	0.123553	SMEK2	ENSG00000138041
2	55860380	55860647	55860513	14	16	6	2.524024447	0.0137633	PNPT1	ENSG00000138035
2	55919925	55920191	55920052	9	12	2	4.503651465	0.002963	EFEMP1	ENSG00000115380
2	56037252	56037469	56037360	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000202344
2	56042504	56042683	56042593	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000202344
2	56459715	56460049	56459882	19	22	4	4.780799247	0.00010647		ENSG00000199395
2	57796110	57796294	57796214	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212168
2	58528798	58528981	58528889	9	9	1	5.196520921	0.00490062	IK	ENSG00000219858
2	60646141	60646424	60646282	9	9	0	10.39304184	0.000803859	BCL11A	ENSG00000119866

2	60723781	60723960	60723870	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209290
2	61098096	61098299	61098197	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PEX13	ENSG00000162928
2	61358429	61358710	61358581	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	AHSA2	ENSG00000173209
2	61845028	61845319	61845163	12	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000213486
2	61968383	61968661	61968534	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CCT4	ENSG00000115484
2	61979511	61979737	61979673	9	10	1	5.716173013	0.00260397	COMMD1	ENSG00000173163
2	61986717	61986898	61986808	8	9	1	5.196520921	0.00490062	COMMD1	ENSG00000173163
2	62040505	62041065	62040765	62	77	3	20.26643159	8.50E-21		ENSG00000209229
2	62041978	62042301	62042139	25	27	1	14.55025858	3.30E-08		ENSG00000209229
2	62387566	62387828	62387697	12	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000209133
2	62694275	62694459	62694367	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000219597
2	64314862	64315054	64314909	11	11	0	12.47165021	0.000193293	PELI1	ENSG00000197329
2	64597151	64597463	64597322	11	14	3	3.897390691	0.00295882	AFTPH	ENSG00000119844
2	64655009	64655188	64655091	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209305
2	64680215	64680422	64680386	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000209305
2	64688246	64688660	64688525	8	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000209305
2	64811373	64811578	64811475	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SERTAD2	ENSG00000179833
2	64912455	64912682	64912522	12	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000199964
2	64929183	64929375	64929279	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199964
2	64998309	64998519	64998414	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000209016
2	65149419	65149743	65149582	25	27	0	29.10051716	2.16E-09	CEP68	ENSG00000011523
2	65210585	65210792	65210688	9	10	4	2.286469205	0.0509017	RAB1A	ENSG00000138069
2	65390275	65390713	65390550	13	20	7	2.728173484	0.00469378	ACTR2	ENSG00000138071
2	65618765	65619141	65618967	30	37	1	19.7467795	3.54E-11		ENSG00000208992
2	65789529	65789708	65789618	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000214533
2	67131398	67131578	67131545	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ETAA1	ENSG00000143971
2	68238175	68238391	68238283	8	9	3	2.598260461	0.0397929	WDR92	ENSG00000221823
2	69180445	69180668	69180530	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ANTXR1	ENSG00000169604
2	69723338	69723601	69723480	8	9	2	3.464347281	0.0163838	AAK1	ENSG00000115977
2	69728995	69729354	69729177	9	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000220011
2	69822072	69822265	69822170	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ANXA4	ENSG00000196975
2	70221687	70222037	70221860	8	12	2	4.503651465	0.002963	C2orf42	ENSG00000115998
2	70677437	70678015	70677726	63	89	4	18.70747532	3.01E-23	TGFA	ENSG00000163235
2	71148948	71149181	71149006	9	13	3	3.637564645	0.0050909	NAGK	ENSG00000124357

2	71210357	71210568	71210457	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MCEE	ENSG00000124370
2	71210657	71210880	71210768	8	10	9	1.143234603	0.378307	MCEE	ENSG00000124370
2	71412119	71412386	71412293	10	13	2	4.850086193	0.00164564	ZNF638	ENSG00000075292
2	71808365	71808640	71808502	12	13	3	3.637564645	0.0050909	DYSF	ENSG00000135636
2	71825837	71826073	71825950	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DYSF	ENSG00000135636
2	71827660	71827867	71827802	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DYSF	ENSG00000135636
2	71961409	71961866	71961701	11	18	2	6.582259834	7.91E-05	CYP26B1	ENSG00000003137
2	72974658	72975014	72974836	15	21	0	22.86469205	1.55E-07	SPR	ENSG00000116096
2	73152735	73152928	73152846	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SFXN5	ENSG00000144040
2	73238486	73238665	73238575	9	9	0	10.39304184	0.000803859	NOTO	ENSG00000214513
2	73244455	73244634	73244588	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NOTO	ENSG00000214513
2	73293234	73293416	73293325	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SMYD5	ENSG00000135632
2	73314665	73315040	73314795	8	15	4	3.32577339	0.00462646	CCT7	ENSG00000135624
2	73511766	73511966	73511847	8	8	8	1.039304184	0.46786	ALMS1	ENSG00000116127
2	74064255	74064693	74064514	17	31	10	3.023430354	0.000301033		ENSG00000201876
2	74090858	74091302	74091094	16	26	5	4.676868829	3.65E-05	TET3	ENSG00000187605
2	74296762	74296991	74296885	9	9	0	10.39304184	0.000803859	MTHFD2	ENSG00000065911
2	74408485	74408683	74408621	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC4A5	ENSG00000188687
2	74535547	74535760	74535653	8	11	5	2.078608368	0.0614303	INO80B	ENSG00000221956
2	74573960	74574204	74574082	9	10	0	11.43234603	0.000394183	LBX2	ENSG00000179528
2	74610298	74610654	74610476	10	16	1	8.834085566	5.30E-05	AUP1	ENSG00000115307
2	74926043	74926307	74926207	12	14	5	2.598260461	0.0167748	HK2	ENSG00000159399
2	75630192	75630512	75630368	15	19	4	4.157216737	0.000560204	FAM176A	ENSG00000115363
2	75708672	75708913	75708812	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208913
2	77309073	77309317	77309206	10	10	2	3.810782009	0.00936112	LRRTM4	ENSG00000176204
2	84166327	84166536	84166431	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000182814
2	84496923	84497123	84497050	10	10	3	2.858086507	0.0242838	SUCLG1	ENSG00000163541
2	84539914	84540147	84539995	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SUCLG1	ENSG00000163541
2	84962679	84962987	84962840	10	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000186854
2	84974806	84975033	84974919	10	13	12	1.11925066	0.384109	TMSB10	ENSG00000034510
2	85038761	85039022	85038888	8	10	6	1.63319229	0.146906	KCMF1	ENSG00000176407
2	85073883	85074062	85073963	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KCMF1	ENSG00000176407
2	85095367	85095717	85095542	48	52	2	18.36104059	1.58E-14	KCMF1	ENSG00000176407
2	85172584	85172829	85172706	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TCF7L1	ENSG00000152284

2	85273578	85273833	85273694	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000200701
2	85339900	85340206	85340029	12	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000221579
2	85366217	85366459	85366367	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000221579
2	85435113	85435557	85435442	11	23	10	2.267572766	0.00903625	ELMOD3	ENSG00000115459
2	85477546	85478004	85477725	11	22	7	2.98799953	0.00188278	CAPG	ENSG00000042493
2	85501287	85501584	85501418	8	11	1	6.235825105	0.0013754	SH2D6	ENSG00000152292
2	85604929	85605242	85605085	11	15	4	3.32577339	0.00462646	MAT2A	ENSG00000168906
2	85605344	85605545	85605451	11	12	3	3.377738599	0.00867157	MAT2A	ENSG00000168906
2	85619364	85619685	85619525	15	18	7	2.468347438	0.0112499	MAT2A	ENSG00000168906
2	85641991	85642300	85642145	8	10	4	2.286469205	0.0509017	GGCX	ENSG00000115486
2	85658129	85658345	85658245	8	9	3	2.598260461	0.0397929	VAMP8	ENSG00000118640
2	85683434	85683660	85683563	10	10	6	1.63319229	0.146906	TMEM150	ENSG00000168890
2	85759054	85759346	85759200	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SFTP8	ENSG00000168878
2	85852484	85852715	85852570	8	8	4	1.870747532	0.118863	ATOH8	ENSG00000168874
2	85899067	85899366	85899198	11	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000208775
2	86035586	86036028	86035762	9	14	5	2.598260461	0.0167748	ST3GAL5	ENSG00000115525
2	86186261	86186454	86186350	8	9	4	2.078608368	0.0785659	POLR1A	ENSG00000068654
2	86276319	86276517	86276418	8	8	5	1.558956276	0.191397	IMMT	ENSG00000132305
2	86506904	86507338	86507096	51	60	8	7.044172804	5.73E-12	JMJD1A	ENSG00000115548
2	86521503	86521803	86521681	8	11	5	2.078608368	0.0614303	JMJD1A	ENSG00000115548
2	86549914	86550093	86549945	9	10	2	3.810782009	0.00936112	JMJD1A	ENSG00000115548
2	86579566	86579785	86579684	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000200563
2	86643973	86644359	86644216	22	28	6	4.305688763	3.69E-05	VPS24	ENSG00000115561
2	86781196	86781389	86781292	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RMND5A	ENSG00000153561
2	86888733	86889327	86889157	10	23	12	1.918715417	0.0250463	CD8A	ENSG00000153563
2	88096963	88097243	88097103	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000222724
2	88272058	88272585	88272398	66	81	7	10.65286789	2.80E-18	THNSL2	ENSG00000144115
2	88431340	88431555	88431499	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000212133
2	88618806	88619320	88619121	62	77	1	40.53286319	2.95E-23	C2orf51	ENSG00000172073
2	88708879	88709058	88708965	8	8	0	9.353737658	0.00163931	EIF2AK3	ENSG00000172071
2	88752495	88752877	88752644	10	15	10	1.511715177	0.140236	RPIA	ENSG00000153574
2	88961380	88961567	88961460	10	11	1	6.235825105	0.0013754	IGKV4-1	ENSG00000211598
2	89048574	89048891	89048713	13	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000211601
2	89388136	89388369	89388252	10	10	7	1.429043253	0.21536	IGKV2-38	ENSG00000217827

2	90960471	90960732	90960601	9	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000219041
2	90961779	90961972	90961938	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000219041
2	90968501	90968844	90968708	8	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000219041
2	90970915	90971409	90971090	13	21	18	1.203404845	0.275531	ENSG00000219041
2	90977260	90977590	90977423	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000219041
2	91056408	91056628	91056518	12	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000219041
2	91125524	91125829	91125684	10	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000213356
2	91142356	91142538	91142416	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000213356
2	91157532	91157866	91157699	11	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000212975
2	91163036	91163384	91163213	21	25	8	3.00243431	0.0010168	ENSG00000212975
2	91167286	91167498	91167465	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000212975
2	91176197	91176546	91176371	13	17	13	1.336248237	0.204556	ENSG00000212975
2	91176656	91177028	91176883	10	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000212975
2	91177344	91177666	91177505	11	12	2	4.503651465	0.002963	ENSG00000212975
2	91178359	91179052	91178727	14	37	15	2.468347438	0.000682071	ENSG00000212975
2	91179093	91179538	91179272	11	21	8	2.540521339	0.00602138	ENSG00000212975
2	91179919	91180219	91180069	11	15	17	0.923825942	0.593214	ENSG00000212975
2	91180289	91180994	91180483	15	38	33	1.192143035	0.225763	ENSG00000212975
2	91181262	91181650	91181441	15	22	7	2.98799953	0.00188278	ENSG00000212975
2	91182292	91182519	91182467	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000212975
2	91636518	91636722	91636556	10	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000198710
2	91637256	91637585	91637420	11	14	15	0.974347673	0.530138	ENSG00000198710
2	91639514	91639846	91639680	54	55	63	0.909391161	0.699342	ENSG00000198710
2	91639880	91640215	91640047	40	40	44	0.94692159	0.600763	ENSG00000198710
2	91644891	91645244	91645067	87	89	66	1.396080247	0.0185533	ENSG00000198710
2	91647910	91648239	91648081	16	16	23	0.736173797	0.837668	ENSG00000198710
2	91653969	91654444	91654265	113	161	148	1.129981731	0.140544	ENSG00000198710
2	91654856	91655186	91655021	21	23	32	0.755857589	0.855178	ENSG00000198710
2	91660301	91660749	91660580	104	112	114	1.021229329	0.437218	ENSG00000198710
2	91664291	91664622	91664456	13	13	28	0.501733054	0.986489	ENSG00000198710
2	91667643	91667823	91667733	14	14	19	0.779478138	0.771518	ENSG00000198710
2	91669314	91669667	91669490	144	148	155	0.99266874	0.525938	ENSG00000198710
2	91672781	91673131	91672956	17	21	16	1.344981885	0.176214	ENSG00000198710
2	91681307	91681651	91681479	30	32	56	0.601702422	0.991254	ENSG00000198710

2	91686986	91687464	91687165	61	70	89	0.819895523	0.896022		ENSG00000198710
2	94903669	94903973	94903821	10	14	3	3.897390691	0.00295882	TEKT4	ENSG00000163060
2	95050313	95050588	95050458	8	11	2	4.157216737	0.0052913	MAL	ENSG00000172005
2	95194717	95194896	95194806	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZNF2	ENSG00000163067
2	95195001	95195292	95195120	11	14	12	1.199197136	0.313881	ZNF2	ENSG00000163067
2	95236703	95236991	95236829	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ZNF2	ENSG00000163067
2	95303621	95304026	95303932	10	17	4	3.741495063	0.00163722	PROM2	ENSG00000155066
2	95342974	95343212	95343106	9	11	1	6.235825105	0.0013754	KCNIP3	ENSG00000115041
2	96129768	96130226	96129947	13	24	3	6.495651151	8.89E-06	ADRA2B	ENSG00000222040
2	96176514	96176742	96176628	12	12	4	2.702190879	0.0203088	DUSP2	ENSG00000158050
2	96214876	96215123	96214999	14	16	3	4.417042783	0.00097367	STARD7	ENSG00000084090
2	96327926	96328164	96328037	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SNRNP200	ENSG00000144028
2	96334941	96335283	96335112	9	13	7	1.818782322	0.0805123	SNRNP200	ENSG00000144028
2	96709464	96709841	96709662	11	18	12	1.518983039	0.117837	FER1L5	ENSG00000214272
2	96744130	96744333	96744231	9	9	3	2.598260461	0.0397929	FER1L5	ENSG00000214272
2	96801225	96801550	96801379	13	15	6	2.375552421	0.0212094	CNNM4	ENSG00000158158
2	96830455	96830714	96830581	10	10	3	2.858086507	0.0242838	CNNM3	ENSG00000168763
2	96848641	96849071	96848846	17	29	12	2.398394271	0.00272121	CNNM3	ENSG00000168763
2	96891632	96891884	96891758	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ANKRD39	ENSG00000213337
2	96901977	96902169	96902039	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96902491	96902681	96902609	9	11	5	2.078608368	0.0614303	SEMA4C	ENSG00000168758
2	96915751	96916142	96915925	11	16	6	2.524024447	0.0137633	FAM178B	ENSG00000168754
2	96917690	96918380	96918158	19	37	11	3.291129917	4.12E-05	FAM178B	ENSG00000168754
2	96923062	96923333	96923215	10	12	2	4.503651465	0.002963	FAM178B	ENSG00000168754
2	96927306	96927667	96927485	11	18	3	4.936694875	0.000311102	FAM178B	ENSG00000168754
2	96932813	96933094	96932951	9	12	4	2.702190879	0.0203088	FAM178B	ENSG00000168754
2	96960083	96960338	96960210	9	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000208682
2	96963174	96963369	96963251	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000208682
2	96994167	96994553	96994378	14	19	10	1.889643971	0.0394833	FAM178B	ENSG00000168754
2	96995117	96995318	96995225	9	10	1	5.716173013	0.00260397	FAM178B	ENSG00000168754
2	97628641	97629069	97628819	10	16	11	1.472347594	0.147517	COX5B	ENSG00000135940
2	97831353	97831686	97831529	15	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000198875
2	98210886	98211066	98211025	8	8	0	9.353737658	0.00163931	VWA3B	ENSG00000168658
2	98272107	98272346	98272226	15	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000216112

2	98339447	98339715	98339611	8	11	3	3.117912553	0.0146045	CNGA3	ENSG00000144191
2	98367910	98368108	98368009	8	10	0	11.43234603	0.000394183	CNGA3	ENSG00000144191
2	98418654	98418861	98418799	9	9	0	10.39304184	0.000803859	INPP4A	ENSG00000040933
2	98427504	98427683	98427593	8	8	2	3.117912553	0.0283184	INPP4A	ENSG00000040933
2	98499771	98499950	98499772	8	8	0	9.353737658	0.00163931	INPP4A	ENSG00000040933
2	98580535	98580714	98580624	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C2orf64	ENSG00000183513
2	98591255	98591489	98591372	11	12	5	2.251825733	0.0404733	C2orf64	ENSG00000183513
2	98776323	98776516	98776419	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000201070
2	98777185	98777479	98777348	13	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000201070
2	98818786	98818965	98818856	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000201070
2	99023660	99024120	99023816	26	33	0	35.33634226	3.00E-11	TSGA10	ENSG00000135951
2	99137584	99137780	99137650	8	10	0	11.43234603	0.000394183	TSGA10	ENSG00000135951
2	99138059	99138323	99138204	12	15	4	3.32577339	0.00462646	MRPL30	ENSG00000185414
2	99163885	99164258	99164079	11	18	10	1.795161773	0.055383	MRPL30	ENSG00000185414
2	99320140	99320325	99320232	8	8	7	1.169217207	0.371848	EIF5B	ENSG00000158417
2	99387380	99387605	99387492	8	9	5	1.73217364	0.133894	TXNDC9	ENSG00000115514
2	99542071	99542358	99542209	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000222274
2	99553128	99553336	99553275	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000222274
2	99619372	99619827	99619548	19	28	15	1.883738834	0.0179382		ENSG00000222274
2	99639634	99640233	99640054	11	27	10	2.64550156	0.00175911		ENSG00000222274
2	99691278	99691590	99691422	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000222274
2	99692696	99692928	99692812	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000222274
2	99710163	99710487	99710325	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000222274
2	99789716	99789905	99789810	11	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000222274
2	99960819	99961173	99960996	17	23	0	24.94330042	3.74E-08	AFF3	ENSG00000144218
2	100050678	100051021	100050849	12	16	7	2.208521392	0.0257604	AFF3	ENSG00000144218
2	100232014	100232400	100232192	18	26	2	9.353737658	4.98E-07	LONRF2	ENSG00000170500
2	100250483	100250701	100250595	9	11	4	2.494330042	0.0324033	LONRF2	ENSG00000170500
2	100264889	100265115	100265009	8	8	2	3.117912553	0.0283184	LONRF2	ENSG00000170500
2	100273944	100274377	100274168	13	22	6	3.414856605	0.000820885	LONRF2	ENSG00000170500
2	100274949	100275284	100275116	11	17	6	2.672496474	0.00882337	LONRF2	ENSG00000170500
2	100364061	100364450	100364271	9	16	1	8.834085566	5.30E-05	CHST10	ENSG00000115526
2	100746824	100747047	100746906	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NPAS2	ENSG00000170485
2	100942309	100942488	100942472	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RPL31	ENSG00000071082

2	100985102	100985385	100985243	10	13	4	2.910051716	0.0125532	RPL31	ENSG00000071082
2	100995622	100995829	100995725	8	8	10	0.850339787	0.645072	RPL31	ENSG00000071082
2	101012736	101012959	101012847	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RPL31	ENSG00000071082
2	101096163	101096505	101096330	45	48	3	12.73147626	2.12E-12	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101103357	101103662	101103497	8	11	5	2.078608368	0.0614303	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101118634	101118833	101118727	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101142459	101142795	101142627	15	20	2	7.27512929	2.27E-05	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101167947	101168170	101168058	13	14	2	5.196520921	0.000907371	TBC1D8	ENSG00000204634
2	101259952	101260167	101260090	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212283
2	101291678	101291965	101291812	13	14	4	3.117912553	0.00766354	RNF149	ENSG00000163162
2	101310685	101311006	101310845	34	36	8	4.27269498	4.32E-06	RNF149	ENSG00000163162
2	101686902	101687373	101687099	145	174	2	60.62607741	2.83E-51	MAP4K4	ENSG00000071054
2	101818583	101818771	101818677	9	9	1	5.196520921	0.00490062	MAP4K4	ENSG00000071054
2	102223647	102223983	102223814	9	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000205716
2	102284971	102285204	102285031	8	10	2	3.810782009	0.00936112	IL1RL1	ENSG00000115602
2	102455905	102456148	102456005	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	SLC9A4	ENSG00000180251
2	102488365	102488594	102488479	13	14	1	7.794781382	0.000197021	SLC9A4	ENSG00000180251
2	102835512	102835691	102835537	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TMEM182	ENSG00000170417
2	102966744	102967077	102966910	17	20	2	7.27512929	2.27E-05	TMEM182	ENSG00000170417
2	102993217	102993396	102993321	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TMEM182	ENSG00000170417
2	103620746	103621165	103620915	23	30	0	32.21842971	2.55E-10		
2	104315833	104316087	104316005	10	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000199727
2	104350944	104351193	104351068	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000199727
2	104464405	104464767	104464588	15	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000199727
2	104686420	104687052	104686599	35	49	4	10.39304184	7.73E-12		ENSG00000207249
2	104856405	104856589	104856483	9	9	2	3.464347281	0.0163838	POU3F3	ENSG00000198914
2	104988844	104989042	104988943	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MRPS9	ENSG00000135972
2	105731865	105732044	105731913	9	10	3	2.858086507	0.0242838	NCK2	ENSG00000071051
2	105823998	105824197	105824072	12	12	2	4.503651465	0.002963	NCK2	ENSG00000071051
2	105838989	105839187	105839088	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NCK2	ENSG00000071051
2	105843296	105843484	105843443	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NCK2	ENSG00000071051
2	106555622	106555850	106555697	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CD8BP	ENSG00000169664
2	106606886	106607076	106606981	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221149
2	106688955	106689176	106689070	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000214199

2	106689180	106689464	106689304	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000214199
2	108202544	108202723	108202649	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SULT1C3	ENSG00000196228
2	108318734	108319026	108318880	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	SULT1C4	ENSG00000198075
2	108347633	108347854	108347743	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SULT1C4	ENSG00000198075
2	108347876	108348092	108347984	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SULT1C4	ENSG00000198075
2	108427980	108428509	108428286	32	46	1	24.42364833	7.10E-14	GCC2	ENSG00000135968
2	108619253	108619516	108619384	9	11	4	2.494330042	0.0324033	LIMS1	ENSG00000169756
2	108832249	108832598	108832423	8	14	2	5.196520921	0.000907371	CCDC138	ENSG00000163006
2	108888069	108888308	108888188	8	9	2	3.464347281	0.0163838	EDAR	ENSG00000135960
2	109132236	109132476	109132356	8	10	1	5.716173013	0.00260397	EDAR	ENSG00000135960
2	109390718	109390996	109390857	8	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000172985
2	109453428	109453767	109453602	10	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000172985
2	109613059	109613260	109613162	8	8	0	9.353737658	0.00163931	10-Sep	ENSG00000186522
2	109657469	109657658	109657563	8	8	0	9.353737658	0.00163931	10-Sep	ENSG00000186522
2	109759592	109759799	109759691	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ANKRD57	ENSG00000198142
2	109805708	109806060	109805909	22	27	5	4.850086193	2.10E-05		ENSG00000183998
2	110186842	110187130	110186986	11	14	10	1.417232979	0.185113	MALL	ENSG00000144063
2	111362074	111362426	111362250	10	15	2	5.542955649	0.000497081	ACOXL	ENSG00000153093
2	111502839	111503029	111502956	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000204581
2	111542585	111542824	111542653	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000204581
2	112159579	112159758	112159658	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000172965
2	112420837	112421074	112420955	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000208643
2	112506026	112506416	112506196	10	17	5	3.117912553	0.00407023	TMEM87B	ENSG00000153214
2	112703387	112703762	112703615	29	34	1	18.18782322	2.77E-10	ZC3H8	ENSG00000144161
2	112728903	112729147	112729015	13	13	3	3.637564645	0.0050909	ZC3H8	ENSG00000144161
2	112749276	112749744	112749565	11	21	8	2.540521339	0.00602138	ZC3H6	ENSG00000188177
2	112796621	112796951	112796790	14	14	6	2.227080395	0.0322529	ZC3H6	ENSG00000188177
2	113016552	113016830	113016722	9	11	8	1.385738912	0.224757	POLR1B	ENSG00000125630
2	113058238	113058717	113058417	10	20	5	3.637564645	0.000902929	CHCHD5	ENSG00000125611
2	113166555	113167016	113166734	18	28	4	6.027964269	3.34E-06		ENSG00000223139
2	113223854	113224121	113223987	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CKAP2L	ENSG00000169607
2	113288364	113288825	113288594	37	48	7	6.365738128	1.63E-09	IL1B	ENSG00000125538
2	113314824	113315003	113314896	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221541
2	113591727	113591927	113591845	8	10	0	11.43234603	0.000394183	IL1RN	ENSG00000136689

2	113659244	113659506	113659336	10	11	6	1.781664316	0.103344	PSD4	ENSG00000125637
2	113659707	113659901	113659804	8	9	4	2.078608368	0.0785659	PSD4	ENSG00000125637
2	114363660	114363973	114363816	12	15	8	1.847651883	0.0631662	ACTR3	ENSG00000115091
2	115411590	115411772	115411617	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000208611
2	118286530	118286738	118286634	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DDX18	ENSG00000088205
2	118288442	118288737	118288564	11	15	6	2.375552421	0.0212094	DDX18	ENSG00000088205
2	118432349	118432534	118432441	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000218814
2	118589820	118590203	118590024	34	42	5	7.448346654	3.24E-09	INSIG2	ENSG00000125629
2	119306025	119306204	119306114	8	8	0	9.353737658	0.00163931	EN1	ENSG00000163064
2	119356735	119356921	119356814	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EN1	ENSG00000163064
2	119497686	119497882	119497784	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MARCO	ENSG00000019169
2	119547908	119548264	119548086	20	26	4	5.612242595	1.08E-05	C1QL2	ENSG00000144119
2	119648634	119648822	119648728	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208545
2	119691436	119691691	119691563	12	13	3	3.637564645	0.0050909	STEAP3	ENSG00000115107
2	119692199	119692945	119692561	194	261	11	22.69147469	6.63E-66	STEAP3	ENSG00000115107
2	119693673	119693852	119693762	8	8	0	9.353737658	0.00163931	STEAP3	ENSG00000115107
2	119714492	119714992	119714762	27	46	3	12.21182416	7.85E-12	STEAP3	ENSG00000115107
2	119840832	119841175	119840986	8	12	8	1.501217155	0.168286	DBI	ENSG00000155368
2	119889747	119890122	119889961	8	15	8	1.847651883	0.0631662	TMEM37	ENSG00000171227
2	120152109	120152365	120152252	10	11	2	4.157216737	0.0052913	TMEM177	ENSG00000144120
2	120177017	120177196	120177106	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TMEM177	ENSG00000144120
2	120218446	120218683	120218593	8	10	4	2.286469205	0.0509017	PTPN4	ENSG00000088179
2	120233624	120234101	120233862	8	18	9	1.97467795	0.0349428	PTPN4	ENSG00000088179
2	120312417	120312705	120312591	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000208541
2	120541101	120541596	120541426	11	22	7	2.98799953	0.00188278	EPB41L5	ENSG00000115109
2	120582124	120582419	120582271	15	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000202046
2	120765424	120765752	120765588	18	19	13	1.484720263	0.123861	RALB	ENSG00000144118
2	120787346	120787538	120787413	9	10	5	1.905391004	0.0915982	INHBB	ENSG00000163083
2	120873412	120873648	120873504	9	10	2	3.810782009	0.00936112	INHBB	ENSG00000163083
2	120877734	120877992	120877862	8	10	4	2.286469205	0.0509017	INHBB	ENSG00000163083
2	120917040	120917257	120917148	8	10	5	1.905391004	0.0915982	INHBB	ENSG00000163083
2	121276434	121276613	121276507	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GLI2	ENSG00000074047
2	121510211	121510531	121510371	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000221321
2	121551035	121551242	121551124	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000201584

2	121573325	121573673	121573499	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000201584
2	121737677	121737941	121737809	10	11	3	3.117912553	0.0146045	TFCP2L1	ENSG00000115112
2	122005049	122005339	122005202	11	15	12	1.279143611	0.251893		ENSG00000208506
2	122043563	122043742	122043627	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222467
2	122157891	122158091	122157957	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213239
2	122473444	122473817	122473623	15	22	3	5.975999059	2.96E-05	TSN	ENSG00000211460
2	122993969	122994224	122994076	10	12	1	6.755477198	0.000722752		
2	124468669	124468879	124468823	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CNTNAP5	ENSG00000155052
2	127700708	127701039	127700877	22	24	11	2.16521705	0.0106896	CYP27C1	ENSG00000186684
2	127829587	127829766	127829740	9	9	2	3.464347281	0.0163838	MAP3K2	ENSG00000169967
2	127872283	127872738	127872462	9	16	11	1.472347594	0.147517	MAP3K2	ENSG00000169967
2	127885285	127885531	127885428	10	13	8	1.616695398	0.123553	PROC	ENSG00000115718
2	127905819	127906028	127905908	8	9	5	1.73217364	0.133894	PROC	ENSG00000115718
2	127929936	127930217	127930069	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000202429
2	128001026	128001253	128001169	9	11	4	2.494330042	0.0324033	IWS1	ENSG00000163166
2	128195762	128195941	128195851	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SFT2D3	ENSG00000173349
2	128333698	128334099	128333922	13	19	4	4.157216737	0.000560204	POLR2D	ENSG00000144231
2	128496044	128496228	128496136	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SAP130	ENSG00000136715
2	128516964	128517288	128517126	13	17	0	18.70747532	2.69E-06	SAP130	ENSG00000136715
2	128626529	128626711	128626682	9	9	0	10.39304184	0.000803859	UGCGL1	ENSG00000136731
2	128779148	128779343	128779198	8	11	7	1.558956276	0.158273	HS6ST1	ENSG00000136720
2	128780304	128780663	128780553	10	15	1	8.314433474	0.000102308	HS6ST1	ENSG00000136720
2	129069231	129069410	129069315	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208433
2	129530318	129530611	129530471	18	20	3	5.456346967	9.70E-05		ENSG00000204460
2	129533027	129533270	129533094	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000204460
2	129722708	129722904	129722846	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000204460
2	129800818	129801053	129800935	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000204460
2	130222834	130223062	130222918	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000204459
2	130287923	130288102	130288036	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000204459
2	130344724	130344924	130344791	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000214100
2	130715198	130715383	130715290	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000213225
2	130762901	130763083	130762992	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208390
2	130806640	130806901	130806792	10	11	8	1.385738912	0.224757	CCDC115	ENSG00000136710
2	130811073	130811292	130811156	10	12	7	1.688869299	0.11395	CCDC115	ENSG00000136710

2	131491280	131491749	131491570	8	17	2	6.235825105	0.000146695	ARHGEF4	ENSG00000136002
2	131966870	131967070	131966977	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000152117
2	132712633	132713276	132712954	24	46	41	1.163030873	0.237635		ENSG00000202174
2	132719636	132719967	132719804	26	28	32	0.913327919	0.640772		ENSG00000202174
2	132728316	132728777	132728556	47	56	32	1.795161773	0.00308436		ENSG00000202174
2	132728877	132730149	132729339	75	225	188	1.24276585	0.0135		ENSG00000200236
2	132731507	132731859	132731683	39	44	37	1.230754955	0.171645		ENSG00000221288
2	132733093	132733890	132733272	26	64	69	0.965068171	0.582467		ENSG00000221288
2	132735092	132735578	132735385	36	49	52	0.980475646	0.540501		ENSG00000221288
2	132735757	132736405	132736226	17	31	51	0.639571806	0.978753		ENSG00000221288
2	132736408	132736834	132736621	21	36	39	0.96135637	0.569549		ENSG00000221288
2	132737363	132737695	132737529	10	15	27	0.593888105	0.956572		ENSG00000221288
2	132738884	132739087	132739016	8	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000221288
2	132739143	132739394	132739268	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000221288
2	132739521	132740260	132739700	21	49	50	1.018925671	0.462828		ENSG00000221288
2	132741490	132742662	132741858	43	118	121	1.013747524	0.458058		ENSG00000221288
2	132742700	132742889	132742720	9	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000221288
2	132743036	132743677	132743222	48	95	95	1.039304184	0.394836		ENSG00000211547
2	132743811	132744142	132743976	16	18	31	0.617086859	0.956343		ENSG00000211547
2	132744737	132745257	132744918	69	81	61	1.374563599	0.028402		ENSG00000211547
2	132745271	132746421	132746148	66	146	114	1.32850187	0.010896		ENSG00000211547
2	132746492	132747961	132747043	73	190	195	1.012791322	0.450465		ENSG00000211547
2	132748104	132748438	132748271	32	38	30	1.307511716	0.130608		ENSG00000211547
2	132748530	132748795	132748662	8	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000211547
2	132748944	132750190	132749856	29	81	73	1.151661393	0.1887		ENSG00000211547
2	132750609	132751392	132751073	42	82	92	0.927551046	0.691643		ENSG00000211547
2	132751510	132751698	132751666	10	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000211547
2	132751908	132752351	132752194	16	25	23	1.125912866	0.336929		ENSG00000211547
2	132753069	132753259	132753154	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000211547
2	132754587	132754831	132754679	30	30	11	2.684869143	0.000957822		ENSG00000211547
2	132755087	132755278	132755126	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000211547
2	132755381	132755594	132755487	11	11	16	0.733626483	0.800067		ENSG00000211547
2	132890527	132890812	132890669	11	13	6	2.078608368	0.0483393	GPR39	ENSG00000183840
2	133017218	133017593	133017440	35	41	0	43.65077574	1.00E-13		ENSG00000221142

2	133018170	133018447	133018308	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000221142
2	133430615	133430876	133430745	14	17	0	18.70747532	2.69E-06	LYPD1	ENSG00000150551
2	133518758	133518988	133518905	14	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000176771
2	133645561	133645741	133645651	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000176771
2	133909431	133909656	133909605	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000208316
2	134115573	134115957	134115696	20	27	8	3.233390795	0.000398033		ENSG00000200708
2	134273608	134273857	134273734	12	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000200708
2	134360764	134361123	134360923	12	18	7	2.468347438	0.0112499	MGAT5	ENSG00000152127
2	134374638	134374977	134374801	11	14	1	7.794781382	0.000197021	MGAT5	ENSG00000152127
2	134529148	134529411	134529279	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MGAT5	ENSG00000152127
2	135064759	135065135	135064956	27	35	0	37.41495063	7.22E-12	TMEM163	ENSG00000152128
2	135112294	135112558	135112426	10	10	4	2.286469205	0.0509017	TMEM163	ENSG00000152128
2	135317236	135317488	135317338	8	10	11	0.952695502	0.548138	ACMSD	ENSG00000153086
2	135424252	135424451	135424351	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CCNT2	ENSG00000082258
2	135633412	135633598	135633505	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RAB3GAP1	ENSG00000115839
2	136271646	136271867	136271756	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000200664
2	136400754	136400983	136400868	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000214070
2	136460126	136460391	136460252	8	8	5	1.558956276	0.191397	DARS	ENSG00000115866
2	136566156	136566347	136566229	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CXCR4	ENSG00000121966
2	136648292	136648506	136648403	8	8	4	1.870747532	0.118863	CXCR4	ENSG00000121966
2	136688882	136689108	136688995	8	9	6	1.484720263	0.204387	CXCR4	ENSG00000121966
2	136849509	136850171	136849885	46	68	3	17.92799718	3.64E-18		ENSG00000216081
2	136980011	136980191	136980151	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216081
2	137642673	137642899	137642786	13	13	2	4.850086193	0.00164564	THSD7B	ENSG00000144229
2	138546260	138546611	138546432	9	14	2	5.196520921	0.000907371	HNMT	ENSG00000150540
2	138579706	138579885	138579856	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HNMT	ENSG00000150540
2	138909830	138910069	138909949	9	11	6	1.781664316	0.103344	SPOPL	ENSG00000144228
2	138911769	138912104	138911930	17	21	0	22.86469205	1.55E-07	SPOPL	ENSG00000144228
2	138912115	138912303	138912210	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SPOPL	ENSG00000144228
2	139039283	139039582	139039409	9	11	1	6.235825105	0.0013754	SPOPL	ENSG00000144228
2	139651119	139651365	139651242	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222826
2	140251083	140251272	140251254	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221074
2	142374827	142375128	142374954	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	LRP1B	ENSG00000168702
2	142380814	142381022	142380918	8	9	1	5.196520921	0.00490062	LRP1B	ENSG00000168702

2	143227683	143227868	143227733	9	9	1	5.196520921	0.00490062	KYNU	ENSG00000115919
2	143331261	143331852	143331409	12	27	3	7.27512929	1.42E-06	KYNU	ENSG00000115919
2	143351549	143351738	143351643	8	9	3	2.598260461	0.0397929	KYNU	ENSG00000115919
2	143448451	143448900	143448562	11	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000221169
2	143758207	143758457	143758341	8	11	1	6.235825105	0.0013754	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	143810885	143811092	143811011	8	8	4	1.870747532	0.118863	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	143872763	143873151	143872957	34	43	5	7.621564018	1.77E-09	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	143874045	143874228	143874136	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ARHGAP15	ENSG00000075884
2	144576432	144576828	144576602	17	22	4	4.780799247	0.00010647	GTDC1	ENSG00000121964
2	147171168	147171686	147171529	15	29	2	10.39304184	7.12E-08	PABPCP2	ENSG00000198526
2	148730062	148730271	148730166	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000212181
2	149068356	149068556	149068415	10	12	3	3.377738599	0.00867157	EPC2	ENSG00000135999
2	149571919	149572274	149572096	33	38	6	5.790409026	1.41E-07	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149582208	149582400	149582273	8	9	8	1.154782427	0.375434	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149605343	149605539	149605449	9	9	4	2.078608368	0.0785659	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149634126	149634461	149634293	12	17	1	9.353737658	2.73E-05	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149686978	149687157	149687067	8	8	4	1.870747532	0.118863	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149734493	149734788	149734631	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	LYPD6B	ENSG00000150556
2	149953712	149953891	149953801	10	10	4	2.286469205	0.0509017	LYPD6	ENSG00000187123
2	150175955	150176314	150176177	9	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000207270
2	150554396	150554687	150554541	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000162947
2	150766113	150766313	150766220	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208244
2	150858569	150858915	150858742	26	30	0	32.21842971	2.55E-10		ENSG00000208244
2	151044154	151044384	151044269	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RND3	ENSG00000115963
2	151117424	151117629	151117526	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RND3	ENSG00000115963
2	151473838	151474136	151474001	20	22	1	11.95199812	9.69E-07		ENSG00000222031
2	151974403	151974674	151974526	8	10	2	3.810782009	0.00936112	RIF1	ENSG00000080345
2	152662436	152662659	152662547	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CACNB4	ENSG00000182389
2	152967792	152968041	152967956	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000213197
2	153265870	153266324	153266145	29	43	0	45.72938411	2.41E-14	PRPF40A	ENSG00000196504
2	153281936	153282171	153282079	8	10	3	2.858086507	0.0242838	PRPF40A	ENSG00000196504
2	153624494	153624720	153624613	14	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000214025
2	153793871	153794175	153794023	11	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000214025
2	156746927	156747250	156747088	10	12	8	1.501217155	0.168286	NR4A2	ENSG00000153234

2	156871884	156872117	156872016	8	10	0	11.43234603	0.000394183	NR4A2	ENSG00000153234
2	157048653	157048925	157048785	10	12	3	3.377738599	0.00867157	GPD2	ENSG00000115159
2	157143017	157143196	157143106	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GPD2	ENSG00000115159
2	157456987	157457624	157457377	25	43	6	6.532769158	7.68E-09		ENSG00000213194
2	157468203	157468425	157468295	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000213194
2	157867375	157867778	157867622	8	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000222404
2	158390706	158390966	158390828	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ACVR1	ENSG00000115170
2	158678466	158678908	158678635	13	21	1	11.43234603	1.90E-06	UPP2	ENSG00000007001
2	158886150	158886431	158886290	15	18	0	19.7467795	1.32E-06	CCDC148	ENSG00000153237
2	159287885	159288533	159288223	18	33	2	11.77878075	5.19E-09		ENSG00000204380
2	159288771	159289143	159289018	14	19	6	2.969440526	0.0035096		ENSG00000204380
2	159458015	159458224	159458119	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000208221
2	159533520	159533871	159533695	10	16	1	8.834085566	5.30E-05	TANC1	ENSG00000115183
2	160170539	160170753	160170646	8	9	0	10.39304184	0.000803859	BAZ2B	ENSG00000123636
2	160280386	160280578	160280422	9	9	2	3.464347281	0.0163838	7-Mar	ENSG00000136536
2	160622311	160622490	160622400	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PLA2R1	ENSG00000153246
2	160764512	160764720	160764616	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ITGB6	ENSG00000115221
2	160770382	160770607	160770494	10	10	1	5.716173013	0.00260397	ITGB6	ENSG00000115221
2	160788878	160789273	160789117	9	15	2	5.542955649	0.000497081	ITGB6	ENSG00000115221
2	160790578	160790854	160790741	11	14	1	7.794781382	0.000197021	ITGB6	ENSG00000115221
2	160792121	160792310	160792204	8	8	5	1.558956276	0.191397	ITGB6	ENSG00000115221
2	160794327	160794604	160794490	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ITGB6	ENSG00000115221
2	160806658	160806892	160806775	8	9	8	1.154782427	0.375434	ITGB6	ENSG00000115221
2	160843636	160843845	160843740	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ITGB6	ENSG00000115221
2	160917283	160917549	160917416	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000208218
2	160998435	160998819	160998644	16	23	6	3.563328632	0.000497701	RBMS1	ENSG00000153250
2	161021503	161021687	161021645	10	10	0	11.43234603	0.000394183	RBMS1	ENSG00000153250
2	161126772	161126960	161126866	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RBMS1	ENSG00000153250
2	161141108	161141339	161141223	8	11	6	1.781664316	0.103344	RBMS1	ENSG00000153250
2	161628423	161628690	161628556	9	11	5	2.078608368	0.0614303	TANK	ENSG00000136560
2	161951238	161951502	161951370	9	11	0	12.47165021	0.000193293	PSMD14	ENSG00000115233
2	162409651	162409863	162409747	10	12	4	2.702190879	0.0203088	SLC4A10	ENSG00000144290
2	163054814	163055152	163054983	39	43	0	45.72938411	2.41E-14		ENSG00000212312
2	163147310	163147556	163147403	17	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000212312

2	163275142	163275367	163275223	10	12	4	2.702190879	0.0203088	KCNH7	ENSG00000184611
2	164518063	164518543	164518303	20	33	0	35.33634226	3.00E-11	FIGN	ENSG00000182263
2	165079412	165079610	165079486	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GRB14	ENSG00000115290
2	165102937	165103133	165103035	8	10	5	1.905391004	0.0915982	GRB14	ENSG00000115290
2	165424309	165424488	165424398	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199508
2	165971089	165971289	165971190	8	9	5	1.73217364	0.133894	FAM130A2	ENSG00000178662
2	165978039	165978254	165978137	8	9	5	1.73217364	0.133894	FAM130A2	ENSG00000178662
2	166138656	166138951	166138788	11	14	1	7.794781382	0.000197021	FAM130A2	ENSG00000178662
2	168108578	168108807	168108692	8	8	2	3.117912553	0.0283184	B3GALT1	ENSG00000172318
2	169017525	169017970	169017730	62	76	2	26.67547406	1.21E-21		ENSG00000208206
2	169148603	169148975	169148782	11	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000199348
2	169173003	169173221	169173112	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199348
2	169696300	169696560	169696389	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	DHRS9	ENSG00000073737
2	170518765	170519061	170518906	13	14	1	7.794781382	0.000197021	UBR3	ENSG00000144357
2	170740469	170740661	170740543	12	12	3	3.377738599	0.00867157	MYO3B	ENSG00000071909
2	170754692	170754881	170754796	8	10	2	3.810782009	0.00936112	MYO3B	ENSG00000071909
2	170786339	170787267	170786614	98	138	5	24.0772136	1.64E-36	MYO3B	ENSG00000071909
2	170803442	170803845	170803666	13	20	4	4.365077574	0.000324139	MYO3B	ENSG00000071909
2	170886225	170886622	170886420	77	90	0	94.57668077	6.87E-29	MYO3B	ENSG00000071909
2	170889516	170889754	170889593	12	12	8	1.501217155	0.168286	MYO3B	ENSG00000071909
2	171493404	171493848	171493671	17	24	2	8.660868202	1.80E-06	GORASP2	ENSG00000115806
2	171836875	171837106	171836977	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000218900
2	171851936	171852466	171852154	24	38	8	4.503651465	1.50E-06		ENSG00000218900
2	171974895	171975281	171975074	15	23	5	4.157216737	0.000186738	METTL8	ENSG00000123600
2	171995802	171996054	171995928	9	10	1	5.716173013	0.00260397	METTL8	ENSG00000123600
2	172129328	172129566	172129447	10	12	5	2.251825733	0.0404733	CYBRD1	ENSG00000071967
2	172272532	172272804	172272668	13	14	0	15.58956276	2.28E-05	DYNC1I2	ENSG00000077380
2	172821913	172822240	172822090	9	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000208202
2	172981419	172981688	172981553	14	15	0	16.62886695	1.12E-05	ITGA6	ENSG00000091409
2	173271252	173271431	173271341	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208200
2	173864389	173864659	173864524	10	11	0	12.47165021	0.000193293	CDCA7	ENSG00000144354
2	174144334	174144543	174144380	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000170226
2	174144599	174144842	174144720	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000170226
2	174225843	174226130	174225982	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000170226

2	174253916	174254095	174254017	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000170226
2	174255323	174255504	174255391	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000170226
2	174510180	174510365	174510282	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SP3	ENSG00000172845
2	174555947	174556397	174556205	52	68	0	71.71198871	4.42E-22	SP3	ENSG00000172845
2	174557876	174558444	174558239	11	24	8	2.886956067	0.00160675	SP3	ENSG00000172845
2	174565196	174565386	174565291	8	10	6	1.63319229	0.146906	SP3	ENSG00000172845
2	174612827	174613206	174612976	12	17	5	3.117912553	0.00407023	SP3	ENSG00000172845
2	174620716	174620898	174620857	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SP3	ENSG00000172845
2	174636766	174637101	174636937	17	20	2	7.27512929	2.27E-05	SP3	ENSG00000172845
2	174821673	174821941	174821807	8	9	2	3.464347281	0.0163838	OLA1	ENSG00000138430
2	174914522	174914800	174914682	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000187876
2	175740902	175741152	175741027	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ATF2	ENSG00000115966
2	176130008	176130195	176130181	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221347
2	176870092	176870300	176870196	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000223166
2	177387358	177387548	177387453	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000206866
2	177504815	177505194	177504919	10	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000206866
2	177742960	177743579	177743313	182	226	11	19.66017082	9.71E-56		ENSG00000201102
2	177785146	177785424	177785269	10	12	5	2.251825733	0.0404733	HNRNPA3	ENSG00000170144
2	177886426	177886750	177886586	18	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000208194
2	179223081	179223273	179223184	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TTN	ENSG00000155657
2	179983946	179984137	179984041	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SESTD1	ENSG00000187231
2	180147322	180147558	180147476	10	11	7	1.558956276	0.158273	ZNF385B	ENSG00000144331
2	180190835	180191092	180190979	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ZNF385B	ENSG00000144331
2	180219896	180220166	180220031	9	9	7	1.29913023	0.286504	ZNF385B	ENSG00000144331
2	182475893	182476119	182476018	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SSFA2	ENSG00000138434
2	183501118	183501467	183501295	14	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000207178
2	184565750	184566019	184565884	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000208184
2	186140965	186141337	186141174	24	29	2	10.39304184	7.12E-08		ENSG00000212581
2	188559418	188559682	188559566	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000213115
2	189630103	189630282	189630207	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221502
2	190054103	190054380	190054241	14	15	3	4.157216737	0.00170423	WDR75	ENSG00000115368
2	190115198	190115421	190115285	11	11	1	6.235825105	0.0013754	SLC40A1	ENSG00000138449
2	190357783	190357979	190357876	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PMS1	ENSG00000064933
2	191042274	191042518	191042396	9	9	5	1.73217364	0.133894	MFSD6	ENSG00000151690

2	191190997	191191226	191191084	8	11	0	12.47165021	0.000193293	NAB1	ENSG00000138386
2	191253247	191253426	191253295	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NAB1	ENSG00000138386
2	191359493	191359729	191359588	10	11	3	3.117912553	0.0146045	GLS	ENSG00000115419
2	191603596	191603819	191603684	8	9	4	2.078608368	0.0785659	STAT1	ENSG00000115415
2	191743282	191743545	191743415	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	STAT4	ENSG00000138378
2	191891300	191891484	191891387	9	9	0	10.39304184	0.000803859	MYO1B	ENSG00000128641
2	191902800	191903138	191902970	22	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000208171
2	191931327	191931577	191931452	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000208171
2	192128300	192128620	192128474	9	13	3	3.637564645	0.0050909	OBFC2A	ENSG00000173559
2	192269369	192269561	192269445	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OBFC2A	ENSG00000173559
2	192417778	192418087	192417923	11	14	6	2.227080395	0.0322529	SDPR	ENSG00000168497
2	193117516	193117991	193117814	21	32	0	34.29703808	6.12E-11	TMEFF2	ENSG00000144339
2	194533910	194534272	194534093	11	17	5	3.117912553	0.00407023		ENSG00000222759
2	194916138	194916411	194916262	11	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000208170
2	195122010	195122190	195122100	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208170
2	197372549	197372821	197372685	12	14	4	3.117912553	0.00766354	GTF3C3	ENSG00000119041
2	198026167	198026362	198026270	8	9	2	3.464347281	0.0163838	COQ10B	ENSG00000115520
2	198072893	198073115	198073004	10	13	9	1.455025858	0.177172	HSPE1	ENSG00000115541
2	198186562	198186782	198186672	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	RFTN2	ENSG00000162944
2	198278313	198278511	198278412	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MARS2	ENSG00000152428
2	198474479	198474658	198474568	8	8	1	4.676868829	0.0091584	BOLL	ENSG00000152430
2	200265504	200265687	200265627	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000213938
2	200424186	200424446	200424321	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000208157
2	200528280	200528671	200528427	9	15	4	3.32577339	0.00462646	C2orf60	ENSG00000162971
2	200832047	200832234	200832115	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000196141
2	200832519	200832961	200832782	11	20	13	1.558956276	0.0943292		ENSG00000196141
2	200873575	200874264	200873793	32	50	3	13.25112835	5.72E-13		ENSG00000196141
2	200979075	200979332	200979171	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000196141
2	201286083	201286283	201286195	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212691
2	201384500	201384795	201384647	9	11	1	6.235825105	0.0013754	BZW1	ENSG00000082153
2	201461986	201462298	201462142	13	16	6	2.524024447	0.0137633	PPIL3	ENSG00000115934
2	201536699	201536893	201536796	8	8	4	1.870747532	0.118863	ORC2L	ENSG00000115942
2	201644516	201645048	201644869	16	26	9	2.806121297	0.00135991	NDUFB3	ENSG00000119013
2	201806417	201806624	201806492	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CASP8	ENSG00000064012

2	202253742	202253936	202253819	8	9	8	1.154782427	0.375434	MPP4	ENSG00000082126
2	202398309	202398493	202398368	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221374
2	202686591	202687132	202686953	8	20	1	10.91269393	3.71E-06		ENSG00000222035
2	202838437	202838680	202838580	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000055044
2	202851490	202851704	202851599	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212309
2	202912569	202912882	202912725	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000223083
2	202981827	202982020	202981908	8	8	0	9.353737658	0.00163931	BMP2R2	ENSG00000204217
2	203484693	203485097	203484832	8	16	3	4.417042783	0.00097367	WDR12	ENSG00000138442
2	204116939	204117132	204117083	10	11	4	2.494330042	0.0324033	RAPH1	ENSG00000173166
2	204151998	204152365	204152174	8	14	9	1.558956276	0.132279	RAPH1	ENSG00000173166
2	204221401	204221603	204221502	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000187543
2	204599983	204600356	204600149	13	18	0	19.7467795	1.32E-06	ICOS	ENSG00000163600
2	204682688	204682924	204682810	15	15	4	3.32577339	0.00462646	ICOS	ENSG00000163600
2	205021470	205021790	205021630	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	PARD3B	ENSG00000116117
2	205337205	205337535	205337370	19	23	0	24.94330042	3.74E-08	PARD3B	ENSG00000116117
2	206243432	206243615	206243500	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NRP2	ENSG00000118257
2	206251834	206252103	206251968	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NRP2	ENSG00000118257
2	206458605	206458824	206458761	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000201875
2	206803096	206803655	206803477	39	63	2	22.1718226	8.95E-18		ENSG00000222496
2	206835539	206835724	206835631	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208117
2	207596643	207596856	207596746	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CPO	ENSG00000144410
2	207862313	207862505	207862409	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000221628
2	208251482	208251662	208251572	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199251
2	208481743	208481926	208481877	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000220999
2	208685962	208686255	208686102	11	15	3	4.157216737	0.00170423	CRYGD	ENSG00000118231
2	208748385	208748579	208748482	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CRYGA	ENSG00000168582
2	209219712	209219902	209219807	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PTH2R	ENSG00000144407
2	209440290	209440479	209440384	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000202164
2	209556524	209556773	209556648	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000202164
2	210575110	210575305	210575207	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RPE	ENSG00000197713
2	210726800	210726979	210726882	8	8	5	1.558956276	0.191397	C2orf67	ENSG00000144445
2	210761774	210762035	210761923	8	10	1	5.716173013	0.00260397	C2orf67	ENSG00000144445
2	210776192	210776421	210776306	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ACADL	ENSG00000115361
2	211821816	211822170	211821992	12	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000199585

2	211986858	211987153	211987009	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199585
2	212137390	212137759	212137576	21	29	0	31.17912553	5.19E-10		ENSG00000199585
2	212474511	212474797	212474676	11	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000208089
2	212500481	212500716	212500562	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000208089
2	212530912	212531228	212531080	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000208089
2	212727487	212727883	212727735	8	17	2	6.235825105	0.000146695		ENSG00000221782
2	213478840	213479140	213478993	11	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000221388
2	214951720	214951997	214951869	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000174453
2	214983967	214984213	214984094	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000174453
2	215107095	215107323	215107209	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000174453
2	215710711	215711167	215710922	110	132	8	15.35860628	1.05E-31	ABCA12	ENSG00000144452
2	215711484	215711801	215711642	8	13	6	2.078608368	0.0483393	ABCA12	ENSG00000144452
2	215744213	215744529	215744371	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ABCA12	ENSG00000144452
2	215789903	215790153	215790029	17	20	3	5.456346967	9.70E-05	ABCA12	ENSG00000144452
2	215811477	215811731	215811564	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000208081
2	215842834	215843028	215842931	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208081
2	215884636	215885035	215884935	9	15	1	8.314433474	0.000102308	ATIC	ENSG00000138363
2	216493371	216493566	216493468	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000212055
2	216555452	216555924	216555745	14	26	7	3.507651622	0.000274507	MREG	ENSG00000118242
2	216682249	216682496	216682372	8	9	5	1.73217364	0.133894	XRCC5	ENSG00000079246
2	216867072	216867310	216867145	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000207303
2	217092239	217092485	217092364	9	12	4	2.702190879	0.0203088	RPL37A	ENSG00000197756
2	217124262	217124581	217124428	13	17	2	6.235825105	0.000146695	RPL37A	ENSG00000197756
2	217124677	217125062	217124865	40	49	3	12.9913023	1.10E-12	RPL37A	ENSG00000197756
2	217350879	217351206	217351029	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222832
2	217939243	217939454	217939385	8	8	1	4.676868829	0.0091584		
2	218007162	218007375	218007268	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TNS1	ENSG00000079308
2	218516506	218516734	218516664	9	11	4	2.494330042	0.0324033	TNS1	ENSG00000079308
2	218560886	218561329	218561192	12	18	4	3.9493559	0.000961379	TNS1	ENSG00000079308
2	218759323	218759566	218759449	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208079
2	218791963	218792228	218792095	14	14	2	5.196520921	0.000907371	ARPC2	ENSG00000163466
2	218896512	218896695	218896603	8	10	0	11.43234603	0.000394183	PNKD	ENSG00000127838
2	218969302	218969665	218969539	9	15	2	5.542955649	0.000497081	CTDSP1	ENSG00000144579
2	218979117	218979330	218979223	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000199121

2	219017539	219017935	219017773	15	22	4	4.780799247	0.00010647	VIL1	ENSG00000127831
2	219141102	219141307	219141212	8	9	2	3.464347281	0.0163838	USP37	ENSG00000135913
2	219481988	219482171	219482131	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000200029
2	219699559	219699854	219699700	11	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000223334
2	219750766	219751120	219750919	9	13	2	4.850086193	0.00164564	C2orf24	ENSG00000115649
2	219791005	219791239	219791184	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ABCB6	ENSG00000115657
2	219971851	219972118	219972019	12	15	8	1.847651883	0.0631662	DNPEP	ENSG00000123992
2	219972878	219973122	219972999	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DNPEP	ENSG00000123992
2	219973139	219973436	219973287	10	15	5	2.771477825	0.0105836	DNPEP	ENSG00000123992
2	220142050	220142335	220142172	10	12	7	1.688869299	0.11395	OBSL1	ENSG00000124006
2	220144892	220145188	220145069	10	13	3	3.637564645	0.0050909	INHA	ENSG00000123999
2	220215573	220215766	220215669	11	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC4A3	ENSG00000114923
2	220257342	220258271	220257735	37	72	5	12.64486757	1.98E-17		ENSG00000216281
2	220306145	220306607	220306265	21	30	1	16.10921486	4.28E-09		ENSG00000216666
2	220541823	220542026	220541927	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221199
2	220587823	220588106	220587964	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000221199
2	220752379	220752606	220752459	12	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000221199
2	220753343	220753589	220753466	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000221199
2	220771869	220772287	220772081	12	21	2	7.621564018	1.21E-05		ENSG00000221199
2	220798193	220798381	220798288	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000221199
2	220846098	220846334	220846244	11	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000221199
2	221192569	221192750	221192659	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222096
2	221428261	221428539	221428430	14	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000208071
2	221744781	221744972	221744920	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208071
2	221876069	221876280	221876194	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000221432
2	222103133	222103380	222103262	20	20	4	4.365077574	0.000324139		ENSG00000221432
2	222367260	222367593	222367426	9	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000144440
2	222686806	222686997	222686909	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208070
2	223229080	223229343	223229204	8	11	2	4.157216737	0.0052913	FARSB	ENSG00000116120
2	223276858	223277037	223276947	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208067
2	223406024	223406246	223406135	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ACSL3	ENSG00000123983
2	223455467	223455720	223455569	13	13	2	4.850086193	0.00164564	ACSL3	ENSG00000123983
2	223471046	223471255	223471150	10	10	3	2.858086507	0.0242838	ACSL3	ENSG00000123983
2	224177208	224177427	224177258	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SCG2	ENSG00000171951

2	225094969	225095189	225095087	8	10	1	5.716173013	0.00260397	CUL3	ENSG00000036257
2	225422481	225422660	225422533	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208064
2	225814148	225814355	225814295	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000144460
2	226188427	226189005	226188759	64	90	1	47.28834038	3.26E-27		ENSG00000144460
2	226189229	226189607	226189428	35	42	0	44.69007992	4.92E-14		ENSG00000144460
2	226209693	226209906	226209763	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000144460
2	226687989	226688174	226688093	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000208062
2	226691960	226692313	226692136	13	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000208062
2	228039259	228040034	228039898	23	48	4	10.18518101	1.46E-11	AGFG1	ENSG00000173744
2	229396688	229396867	229396799	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208058
2	229753583	229754009	229753832	86	113	74	1.57974236	0.000912842		ENSG00000208058
2	230640188	230640405	230640266	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC16A14	ENSG00000163053
2	232037047	232037328	232037187	10	11	2	4.157216737	0.0052913	NCL	ENSG00000115053
2	232215676	232215896	232215786	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000208049
2	232369079	232369258	232369115	8	8	2	3.117912553	0.0283184	COPS7B	ENSG00000144524
2	233179088	233179300	233179159	8	9	3	2.598260461	0.0397929	EFHD1	ENSG00000115468
2	234108592	234108788	234108649	8	9	3	2.598260461	0.0397929	USP40	ENSG00000085982
2	235037403	235037741	235037571	12	16	5	2.944695189	0.00659886	ARL4C	ENSG00000188042
2	235208641	235208891	235208756	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ARL4C	ENSG00000188042
2	235400856	235401057	235400937	12	12	0	13.5109544	9.48E-05	SH3BP4	ENSG00000130147
2	235898649	235898839	235898744	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000216002
2	236125212	236125545	236125397	8	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000221704
2	237265283	237265506	237265394	9	10	2	3.810782009	0.00936112	CXCR7	ENSG00000144476
2	237319105	237319574	237319395	10	18	3	4.936694875	0.000311102	CXCR7	ENSG00000144476
2	237559942	237560158	237560050	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000202341
2	238074546	238074735	238074640	8	9	0	10.39304184	0.000803859	MLPH	ENSG00000115648
2	238075998	238076183	238076056	8	9	1	5.196520921	0.00490062	MLPH	ENSG00000115648
2	238132403	238132741	238132572	12	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000208040
2	238501517	238501755	238501600	10	11	2	4.157216737	0.0052913	UBE2F	ENSG00000184182
2	238513200	238513558	238513379	45	51	0	54.04381758	8.07E-17	UBE2F	ENSG00000184182
2	238841557	238841739	238841579	8	10	1	5.716173013	0.00260397	PER2	ENSG00000132326
2	238963294	238964042	238963836	79	114	2	39.83999373	4.60E-33		ENSG00000202099
2	241534246	241534455	241534380	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C2orf54	ENSG00000172478
2	241877853	241878083	241877968	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HDLBP	ENSG00000115677

2	242486553	242486748	242486653	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216921
20	291208	291387	291332	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NRSN2	ENSG00000125841
20	309256	309447	309351	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TRIB3	ENSG00000101255
20	831621	832150	831861	49	64	1	33.77738599	2.61E-19	ANGPT4	ENSG00000101280
20	939544	939843	939687	9	10	0	11.43234603	0.000394183	RSPO4	ENSG00000101282
20	2057207	2057429	2057343	8	8	2	3.117912553	0.0283184	STK35	ENSG00000125834
20	2399298	2399594	2399442	14	17	2	6.235825105	0.000146695	SNRPB	ENSG00000125835
20	3246938	3247140	3247039	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000201294
20	3422833	3423195	3423012	20	27	2	9.700172386	2.61E-07	SF3A3P1	ENSG00000217305
20	3686907	3687086	3686996	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C20orf27	ENSG00000101220
20	3696043	3696363	3696201	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C20orf27	ENSG00000101220
20	3710189	3710420	3710289	8	10	8	1.27026067	0.293854	SPEF1	ENSG00000101222
20	3735634	3735898	3735762	14	16	5	2.944695189	0.00659886	CDC25B	ENSG00000101224
20	3783304	3783565	3783433	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000088888
20	3822114	3822391	3822256	26	26	1	14.03060649	6.50E-08	PANK2	ENSG00000125779
20	4080051	4080314	4080200	9	9	5	1.73217364	0.133894	SMOX	ENSG00000088826
20	4380200	4380504	4380353	11	13	1	7.27512929	0.000378098	RPL7AL2	ENSG00000219900
20	4700464	4700683	4700573	8	10	0	11.43234603	0.000394183	RASSF2	ENSG00000101265
20	4798217	4798498	4798357	10	10	2	3.810782009	0.00936112	RASSF2	ENSG00000101265
20	5048585	5049052	5048852	51	65	4	13.71881523	2.46E-16	PCNA	ENSG00000132646
20	5055018	5055208	5055158	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PCNA	ENSG00000132646
20	6029785	6029993	6029889	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000198145
20	6030059	6030286	6030172	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000198145
20	6583534	6583784	6583656	13	14	0	15.58956276	2.28E-05	BMP2	ENSG00000125845
20	7514030	7514209	7514134	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209691
20	7701094	7701345	7701219	20	21	2	7.621564018	1.21E-05		ENSG00000215586
20	8649855	8650044	8649955	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PLCB1	ENSG00000182621
20	8729463	8729672	8729569	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000201348
20	8785591	8785944	8785767	19	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000201348
20	8831353	8831720	8831532	11	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000219276
20	9211941	9212127	9212034	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PLCB4	ENSG00000101333
20	9296925	9297154	9297056	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PLCB4	ENSG00000101333
20	10047995	10048419	10048174	45	54	2	19.05391004	4.08E-15	ANKRD5	ENSG00000132623
20	10060316	10060509	10060402	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SNAP25	ENSG00000132639

20	10179342	10179521	10179492	8	8	4	1.870747532	0.118863	SNAP25	ENSG00000132639
20	10317292	10317518	10317446	16	17	2	6.235825105	0.000146695		ENSG00000218202
20	10363614	10364185	10364006	11	23	14	1.662886695	0.0567474	C20orf94	ENSG00000149346
20	10593861	10594403	10594071	27	38	1	20.26643159	1.78E-11	JAG1	ENSG00000101384
20	10661830	10662383	10662048	28	43	0	45.72938411	2.41E-14	JAG1	ENSG00000101384
20	10790301	10790582	10790433	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FAT1P1	ENSG00000217809
20	10868902	10869081	10868948	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAT1P1	ENSG00000217809
20	10932824	10933003	10932863	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C20orf187	ENSG00000125899
20	11167290	11167504	11167397	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RPS11P1	ENSG00000217905
20	11835781	11836034	11835927	9	10	0	11.43234603	0.000394183	BTBD3	ENSG00000132640
20	13034616	13034797	13034706	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SPTLC3	ENSG00000172296
20	13213436	13213981	13213793	35	47	1	24.94330042	3.55E-14	C20orf82	ENSG00000101230
20	13215225	13215552	13215388	12	18	4	3.9493559	0.000961379	C20orf82	ENSG00000101230
20	13713371	13713723	13713547	15	19	5	3.464347281	0.00150447	ESF1	ENSG00000089048
20	13714922	13715102	13715067	9	9	0	10.39304184	0.000803859	C20orf7	ENSG00000101247
20	13729373	13729816	13729589	19	29	3	7.794781382	4.12E-07	C20orf7	ENSG00000101247
20	13737754	13737966	13737858	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C20orf7	ENSG00000101247
20	14520556	14520930	14520727	23	29	4	6.235825105	1.85E-06		ENSG00000216947
20	14542042	14542221	14542157	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000216947
20	14548614	14548793	14548728	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000216947
20	14642629	14642868	14642749	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RPS10P2	ENSG00000220654
20	14774259	14774478	14774377	11	11	6	1.781664316	0.103344	RPS10P2	ENSG00000220654
20	15233088	15233480	15233276	30	40	1	21.30573578	4.48E-12		ENSG00000222500
20	15264676	15264855	15264765	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222500
20	15763588	15763833	15763744	8	11	3	3.117912553	0.0146045	MACROD2	ENSG00000172264
20	16362693	16362987	16362844	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000221448
20	16471189	16471436	16471312	10	11	0	12.47165021	0.000193293	KIF16B	ENSG00000089177
20	16480340	16480522	16480465	8	8	4	1.870747532	0.118863	KIF16B	ENSG00000089177
20	16658432	16658736	16658584	11	15	12	1.279143611	0.251893	SNRPB2	ENSG00000125870
20	17037434	17037696	17037565	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000220540
20	17254296	17254641	17254474	19	23	1	12.47165021	4.94E-07	PCSK2	ENSG00000125851
20	17360586	17360808	17360631	8	9	5	1.73217364	0.133894	TCTE1P	ENSG00000216727
20	17486396	17486581	17486488	8	8	3	2.338434415	0.0641221	BFSP1	ENSG00000125864
20	17497758	17497984	17497871	10	12	5	2.251825733	0.0404733	DSTN	ENSG00000125868

20	17498285	17498614	17498449	8	14	2	5.196520921	0.000907371	DSTN	ENSG00000125868
20	17499415	17499703	17499560	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DSTN	ENSG00000125868
20	17500800	17501062	17500954	8	9	2	3.464347281	0.0163838	DSTN	ENSG00000125868
20	17534009	17534395	17534188	8	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000219283
20	17778901	17779181	17779058	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000221220
20	17827242	17827432	17827328	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212555
20	17897340	17897864	17897721	13	27	9	2.910051716	0.000869703	C20orf72	ENSG00000125871
20	17898127	17898631	17898390	16	32	3	8.57425952	6.31E-08	C20orf72	ENSG00000125871
20	17986418	17986836	17986597	10	16	4	3.533634226	0.00276486	OVOL2	ENSG00000125850
20	17987663	17987842	17987729	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OVOL2	ENSG00000125850
20	18216487	18216788	18216656	9	12	6	1.930136342	0.071303	ZNF133	ENSG00000125846
20	18217312	18217557	18217389	10	12	8	1.501217155	0.168286	ZNF133	ENSG00000125846
20	18395774	18396020	18395863	10	11	0	12.47165021	0.000193293	C20orf12	ENSG00000089091
20	18425805	18426047	18425916	12	12	6	1.930136342	0.071303	RBBP9	ENSG00000089050
20	18436054	18436585	18436275	9	21	9	2.286469205	0.0111772	SEC23B	ENSG00000101310
20	18495691	18496240	18495947	12	23	10	2.267572766	0.00903625	DTD1	ENSG00000125821
20	18560863	18561232	18561031	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000217650
20	18780985	18781355	18781176	22	29	0	31.17912553	5.19E-10	C20orf78	ENSG00000149443
20	18833442	18833712	18833577	11	12	4	2.702190879	0.0203088	C20orf78	ENSG00000149443
20	19325437	19325711	19325584	15	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000221748
20	19336517	19336848	19336670	14	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000221748
20	19557264	19557506	19557385	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000216017
20	19615907	19616184	19616045	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000216017
20	19621316	19621521	19621432	13	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000216017
20	19713464	19713809	19713636	13	19	13	1.484720263	0.123861		ENSG00000125822
20	19922077	19922408	19922252	8	12	7	1.688869299	0.11395	NAT5	ENSG00000173418
20	19928108	19928509	19928265	8	12	10	1.228268581	0.305344	NAT5	ENSG00000173418
20	19945817	19946014	19945907	8	8	9	0.935373766	0.560286	NAT5	ENSG00000173418
20	19981248	19981436	19981342	10	12	4	2.702190879	0.0203088	C20orf26	ENSG00000089101
20	20094268	20094516	20094401	10	10	3	2.858086507	0.0242838	C20orf26	ENSG00000089101
20	20289132	20289484	20289308	22	28	7	3.767477668	0.000100549	INSM1	ENSG00000173404
20	20478456	20478684	20478570	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000204746
20	20532056	20532352	20532211	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C20orf74	ENSG00000188559
20	20788963	20789152	20789057	8	8	4	1.870747532	0.118863	MRPS11P1	ENSG00000218888

20	20793022	20793279	20793150	9	10	0	11.43234603	0.000394183	MRPS11P1	ENSG00000218888
20	21425123	21425488	21425327	9	14	2	5.196520921	0.000907371	GSTM3P	ENSG00000220966
20	21427964	21428146	21428055	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GSTM3P	ENSG00000220966
20	21590168	21590387	21590326	8	11	5	2.078608368	0.0614303	PAX1	ENSG00000125813
20	21590392	21590771	21590592	8	14	6	2.227080395	0.0322529	PAX1	ENSG00000125813
20	22035078	22035263	22035139	8	9	8	1.154782427	0.375434	ST13P	ENSG00000218837
20	22210344	22210523	22210433	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ST13P	ENSG00000218837
20	22308045	22308457	22308224	8	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000204684
20	22975224	22975403	22975313	8	8	3	2.338434415	0.0641221	THBD	ENSG00000178726
20	23028943	23029443	23029245	82	99	4	20.78608368	3.63E-26	CD93	ENSG00000125810
20	23083640	23084001	23083829	17	23	1	12.47165021	4.94E-07		ENSG00000201527
20	23446717	23446896	23446806	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000204663
20	23517254	23517572	23517413	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000204658
20	23524518	23524712	23524615	8	8	5	1.558956276	0.191397	CST9	ENSG00000173335
20	23963595	23963840	23963717	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000167390
20	23969262	23969581	23969421	9	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000167390
20	24024358	24024671	24024516	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000167390
20	24029376	24029588	24029498	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000167390
20	24054173	24054442	24054310	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000200231
20	24388373	24388670	24388521	15	16	1	8.834085566	5.30E-05	C20orf39	ENSG00000101463
20	24516599	24516778	24516642	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C20orf39	ENSG00000101463
20	24558441	24558654	24558516	11	11	1	6.235825105	0.0013754	C20orf39	ENSG00000101463
20	24655222	24655459	24655343	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CST7	ENSG00000077984
20	24672081	24672260	24672161	9	9	4	2.078608368	0.0785659	CST7	ENSG00000077984
20	24742437	24742731	24742557	8	11	0	12.47165021	0.000193293	CST7	ENSG00000077984
20	24859123	24859338	24859251	12	13	4	2.910051716	0.0125532	CST7	ENSG00000077984
20	24928975	24929215	24929145	10	12	9	1.35109544	0.232899	C20orf3	ENSG00000101474
20	24946156	24946429	24946300	10	10	2	3.810782009	0.00936112	C20orf3	ENSG00000101474
20	24951394	24951715	24951591	8	12	3	3.377738599	0.00867157	C20orf3	ENSG00000101474
20	25107420	25107617	25107471	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000216300
20	25125105	25125352	25125251	10	13	2	4.850086193	0.00164564	ENTPD6	ENSG00000197586
20	25158896	25159076	25159019	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000202414
20	25265254	25265441	25265410	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ABHD12	ENSG00000100997
20	25282742	25282928	25282844	10	11	7	1.558956276	0.158273	ABHD12	ENSG00000100997

20	25552363	25552589	25552476	8	10	7	1.429043253	0.21536	NANP	ENSG00000170191
20	25624537	25625178	25624835	17	37	9	3.9493559	6.99E-06	ZNF337	ENSG00000130684
20	26136866	26137613	26137342	49	94	89	1.097043306	0.264259		ENSG00000207985
20	26137644	26137829	26137793	13	13	19	0.727512929	0.824686		ENSG00000207985
20	26137838	26138632	26138017	80	116	104	1.158081805	0.136994		ENSG00000207985
20	26235622	26235947	26235784	12	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000207985
20	26244214	26244393	26244364	10	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000207985
20	26264993	26265173	26265145	11	11	21	0.566893191	0.949414		ENSG00000207985
20	26266313	26266644	26266478	15	17	23	0.779478138	0.791839		ENSG00000207985
20	26267261	26267599	26267430	187	187	174	1.116509638	0.146825		ENSG00000207985
20	28252025	28252207	28252152	9	10	13	0.816596145	0.696946	MLLT10L	ENSG00000217081
20	28260865	28261118	28260991	9	10	9	1.143234603	0.378307	MLLT10L	ENSG00000217081
20	28261906	28262127	28262016	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MLLT10L	ENSG00000217081
20	28265289	28265480	28265435	9	10	11	0.952695502	0.548138	MLLT10L	ENSG00000217081
20	29278743	29279071	29278907	11	13	15	0.909391161	0.604792	DEFB115	ENSG00000215547
20	29282577	29282849	29282700	8	9	13	0.742360132	0.770276	DEFB115	ENSG00000215547
20	29284136	29284464	29284300	9	10	12	0.879411233	0.62639	DEFB115	ENSG00000215547
20	29287457	29287785	29287621	10	12	14	0.900730293	0.611333	DEFB115	ENSG00000215547
20	29364827	29365175	29365001	11	16	7	2.208521392	0.0257604	RPL31P3	ENSG00000217200
20	29565554	29565752	29565696	8	9	5	1.73217364	0.133894	HM13	ENSG00000101294
20	29598670	29598989	29598825	19	23	4	4.988660084	6.05E-05		ENSG00000219431
20	29614387	29614635	29614540	12	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000219431
20	29624280	29624542	29624407	13	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000201770
20	29644797	29645358	29644976	10	24	10	2.362054964	0.00608507	ID1	ENSG00000125968
20	29654168	29654373	29654270	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ID1	ENSG00000125968
20	29655681	29656030	29655855	13	18	6	2.8209685	0.00559354	ID1	ENSG00000125968
20	29656573	29656794	29656683	9	12	8	1.501217155	0.168286	ID1	ENSG00000125968
20	29657798	29658080	29657939	9	12	4	2.702190879	0.0203088	ID1	ENSG00000125968
20	29658123	29658374	29658248	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ID1	ENSG00000125968
20	29659938	29660200	29660069	10	12	1	6.755477198	0.000722752	ID1	ENSG00000125968
20	29712979	29713292	29713144	10	11	5	2.078608368	0.0614303	COX4I2	ENSG00000131055
20	29729802	29730553	29730253	178	218	9	22.76076163	1.58E-55	COX4I2	ENSG00000131055
20	29731472	29731801	29731643	15	19	10	1.889643971	0.0394833	BCL2L1	ENSG00000171552
20	29733133	29733381	29733256	10	11	0	12.47165021	0.000193293	BCL2L1	ENSG00000171552

20	29762024	29762540	29762203	16	28	11	2.511651779	0.00221344	BCL2L1	ENSG00000171552
20	29770896	29771239	29771067	12	15	6	2.375552421	0.0212094	BCL2L1	ENSG00000171552
20	29775226	29775713	29775534	9	16	6	2.524024447	0.0137633	BCL2L1	ENSG00000171552
20	29790166	29790661	29790426	14	28	10	2.739983758	0.00114395	TPX2	ENSG00000088325
20	29791814	29792037	29791925	9	11	2	4.157216737	0.0052913	TPX2	ENSG00000088325
20	29799149	29799347	29799259	10	10	2	3.810782009	0.00936112	TPX2	ENSG00000088325
20	29874333	29874531	29874475	8	9	9	1.039304184	0.466079	MYLK2	ENSG00000101306
20	29950166	29950345	29950255	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199497
20	30066036	30066241	30066151	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C20orf160	ENSG00000101331
20	30160795	30161353	30160974	12	25	7	3.377738599	0.000449165	TM9SF4	ENSG00000101337
20	30187662	30187859	30187760	9	9	7	1.29913023	0.286504	TM9SF4	ENSG00000101337
20	30562638	30562825	30562731	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C20orf112	ENSG00000197183
20	30746676	30746887	30746781	12	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000198179
20	30770546	30770742	30770654	8	8	2	3.117912553	0.0283184	COMMD7	ENSG00000149600
20	31452875	31453165	31453020	10	13	7	1.818782322	0.0805123	CDK5RAP1	ENSG00000101391
20	31889607	31889819	31889713	9	11	3	3.117912553	0.0146045	CHMP4B	ENSG00000101421
20	32044460	32044662	32044585	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RALY	ENSG00000125970
20	32121317	32121509	32121413	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RALY	ENSG00000125970
20	32577321	32577501	32577434	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000206582
20	32577522	32577725	32577613	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000206582
20	33259877	33260059	33259986	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000178424
20	33359317	33359768	33359540	29	42	3	11.17251998	1.06E-10	FAM83C	ENSG00000125998
20	33463083	33463502	33463323	13	20	8	2.425043097	0.00917565	UQCC	ENSG00000101019
20	33502446	33502904	33502683	190	219	9	22.86469205	8.06E-56		ENSG00000221763
20	33505840	33506300	33505984	10	20	3	5.456346967	9.70E-05	GDF5	ENSG00000125965
20	33515043	33515364	33515191	8	9	5	1.73217364	0.133894	CEP250	ENSG00000126001
20	33563114	33563363	33563246	12	13	4	2.910051716	0.0125532	C20orf173	ENSG00000125975
20	33655498	33655681	33655575	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222008
20	33793463	33794107	33793785	14	31	16	1.956337288	0.0103735	RBM39	ENSG00000131051
20	33904756	33904941	33904848	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199676
20	34005603	34006044	34005849	11	19	4	4.157216737	0.000560204	SCAND1	ENSG00000171222
20	34189967	34190249	34190075	15	17	5	3.117912553	0.00407023	EPB41L1	ENSG00000088367
20	34618351	34618675	34618530	8	13	2	4.850086193	0.00164564	MYL9	ENSG00000101335
20	34637256	34637444	34637321	8	10	8	1.27026067	0.293854	TGIF2	ENSG00000118707

20	34647233	34647570	34647358	12	16	7	2.208521392	0.0257604	TGIF2	ENSG00000118707
20	34649137	34649368	34649252	10	11	2	4.157216737	0.0052913	TGIF2	ENSG00000118707
20	34708524	34708852	34708688	36	40	3	10.65286789	3.85E-10	SLA2	ENSG00000101082
20	34709555	34709841	34709697	10	11	1	6.235825105	0.0013754	SLA2	ENSG00000101082
20	34835709	34836005	34835864	11	14	5	2.598260461	0.0167748	DSN1	ENSG00000149636
20	34896905	34897611	34897283	35	61	7	8.054607428	6.98E-13	C20orf117	ENSG00000149639
20	35240605	35240962	35240783	11	16	4	3.533634226	0.00276486	RPN2	ENSG00000118705
20	35456621	35457146	35456877	59	75	1	39.493559	1.20E-22	SRC	ENSG00000197122
20	36497345	36497619	36497482	14	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000196756
20	36534450	36534735	36534592	11	14	5	2.598260461	0.0167748	KIAA1219	ENSG00000170471
20	36661673	36661852	36661719	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213959
20	36666970	36667149	36667059	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213959
20	36989953	36990334	36990167	8	14	2	5.196520921	0.000907371	FAM83D	ENSG00000101447
20	37601719	37601898	37601745	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210455
20	37874255	37874506	37874380	8	10	1	5.716173013	0.00260397	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38228372	38228592	38228482	8	8	3	2.338434415	0.0641221	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38337253	38337471	38337351	10	10	5	1.905391004	0.0915982	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38349145	38349558	38349351	10	19	2	6.928694562	4.25E-05	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38349964	38350464	38350141	9	16	4	3.533634226	0.00276486	HSPEP1	ENSG00000219645
20	38421636	38421907	38421756	9	9	5	1.73217364	0.133894	MAFB	ENSG00000204103
20	38525174	38525456	38525331	10	12	1	6.755477198	0.000722752	MAFB	ENSG00000204103
20	38525462	38525793	38525627	16	19	1	10.39304184	7.23E-06	MAFB	ENSG00000204103
20	38726320	38726521	38726393	9	9	1	5.196520921	0.00490062	MAFB	ENSG00000204103
20	38949016	38949196	38949106	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222612
20	38954925	38955172	38955048	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000222612
20	38965496	38965766	38965626	24	27	8	3.233390795	0.000398033		ENSG00000222612
20	39005131	39005354	39005236	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222612
20	39007941	39008337	39008110	10	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000222612
20	39010846	39011038	39010942	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000222612
20	39016083	39016273	39016187	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000222612
20	39020625	39021056	39020919	12	18	10	1.795161773	0.055383		ENSG00000222612
20	39040927	39041203	39041073	15	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000222612
20	39052584	39053015	39052799	19	28	13	2.152844382	0.00695052		ENSG00000222612
20	39065204	39065433	39065318	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000222612

20	39079414	39080130	39079923	14	36	18	2.023908148	0.00482463		ENSG00000222612
20	39081692	39081909	39081832	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000222612
20	39090823	39091057	39090922	12	13	5	2.425043097	0.0262442	TOP1	ENSG00000198900
20	39091763	39092031	39091897	8	12	5	2.251825733	0.0404733	TOP1	ENSG00000198900
20	39112625	39112830	39112727	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TOP1	ENSG00000198900
20	39140453	39140822	39140632	12	19	13	1.484720263	0.123861	TOP1	ENSG00000198900
20	39149116	39149342	39149184	10	13	8	1.616695398	0.123553	PLCG1	ENSG00000124181
20	39187050	39187229	39187102	8	8	7	1.169217207	0.371848	PLCG1	ENSG00000124181
20	39188813	39189010	39188916	8	8	5	1.558956276	0.191397	PLCG1	ENSG00000124181
20	39197139	39197825	39197486	8	25	9	2.702190879	0.00210968	PLCG1	ENSG00000124181
20	39201196	39201434	39201315	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PLCG1	ENSG00000124181
20	39206341	39206520	39206430	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PLCG1	ENSG00000124181
20	39235659	39235890	39235815	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000216278
20	39264811	39265001	39264906	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZHX3	ENSG00000174306
20	39300736	39300978	39300857	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ZHX3	ENSG00000174306
20	39352806	39353114	39352960	10	13	18	0.765803083	0.780427		ENSG00000223210
20	39369206	39369424	39369316	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ZHX3	ENSG00000174306
20	39379929	39380380	39380149	12	21	15	1.429043253	0.134782		ENSG00000218353
20	39401891	39403008	39402258	15	54	23	2.381738756	9.82E-05	LPIN3	ENSG00000132793
20	39403221	39403531	39403376	10	12	8	1.501217155	0.168286	LPIN3	ENSG00000132793
20	39416291	39416528	39416353	11	13	2	4.850086193	0.00164564	EMILIN3	ENSG00000183798
20	39416572	39416767	39416668	8	8	4	1.870747532	0.118863	EMILIN3	ENSG00000183798
20	39446040	39446252	39446180	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000219721
20	39449620	39449802	39449725	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000219721
20	39455412	39455779	39455603	17	23	8	2.771477825	0.00251818		ENSG00000219721
20	39461693	39461932	39461812	15	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000219721
20	39468714	39468911	39468812	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000219721
20	39623818	39624019	39623954	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000196775
20	39666558	39666838	39666698	10	11	3	3.117912553	0.0146045	CHD6	ENSG00000124177
20	39712591	39712932	39712763	37	42	19	2.234503996	0.000958521	CHD6	ENSG00000124177
20	39726869	39727171	39727027	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000210486
20	39754652	39754864	39754754	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000199287
20	39755479	39755882	39755705	16	22	10	2.173090567	0.0132845		ENSG00000199287
20	39800756	39801067	39800905	13	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000212224

20	39801387	39801616	39801501	10	12	3	3.377738599	0.00867157	ENSG00000212224
20	39832674	39832864	39832769	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ENSG00000212224
20	39902165	39902362	39902231	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ENSG00000212224
20	39925479	39925658	39925568	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000220309
20	39928008	39928412	39928210	31	41	5	7.27512929	5.94E-09	ENSG00000220309
20	40018474	40018681	40018577	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000220309
20	40042090	40042276	40042132	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000220309
20	40250637	40251131	40250979	10	19	10	1.889643971	0.0394833	ENSG00000220309
20	40252007	40252363	40252185	8	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000220309
20	40253403	40253856	40253582	13	26	25	1.079277422	0.390462	ENSG00000220309
20	40253896	40254278	40254103	14	20	13	1.558956276	0.0943292	ENSG00000220309
20	40254513	40254916	40254684	11	16	14	1.177878075	0.320433	ENSG00000220309
20	40260836	40261260	40261015	8	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000220309
20	40261601	40261780	40261667	9	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000220309
20	40266210	40266757	40266483	15	31	16	1.956337288	0.0103735	ENSG00000220309
20	40268071	40268251	40268161	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000220309
20	40294081	40294293	40294207	10	10	1	5.716173013	0.00260397	ENSG00000220309
20	40439285	40439837	40439464	10	22	24	0.956159849	0.562938	ENSG00000217390
20	40440345	40440821	40440524	14	25	15	1.688869299	0.0455215	ENSG00000217390
20	40442060	40442239	40442147	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000217390
20	40442436	40442624	40442530	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000217390
20	40443204	40443442	40443323	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000217390
20	40444218	40444490	40444354	11	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000217390
20	40446022	40446271	40446151	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000217390
20	40530182	40530377	40530279	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000217390
20	40530910	40531169	40531031	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000217390
20	40531427	40531749	40531605	12	15	1	8.314433474	0.000102308	ENSG00000217390
20	40545872	40546148	40546021	8	11	11	1.039304184	0.462773	ENSG00000217390
20	40592959	40593145	40593052	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000217390
20	40631220	40631462	40631341	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ENSG00000217390
20	40634574	40634770	40634672	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000217390
20	40675272	40675460	40675366	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ENSG00000217390
20	41575813	41576061	41575937	8	9	1	5.196520921	0.00490062	L3MBTL ENSG00000185513
20	41591514	41591841	41591654	8	12	0	13.5109544	9.48E-05	L3MBTL ENSG00000185513

20	41960418	41960624	41960521	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TOX2	ENSG00000124191
20	42118241	42118440	42118339	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222893
20	42155059	42155238	42155134	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000222893
20	42290281	42290777	42290529	11	20	8	2.425043097	0.00917565	C20orf111	ENSG00000132823
20	42372378	42372557	42372520	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C20orf142	ENSG00000197296
20	42373424	42373630	42373527	8	9	2	3.464347281	0.0163838	C20orf142	ENSG00000197296
20	42392904	42393143	42392989	11	11	1	6.235825105	0.0013754	R3HDML	ENSG00000101074
20	42538807	42538998	42538902	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TTPAL	ENSG00000124120
20	42615465	42615653	42615562	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PKIG	ENSG00000168734
20	42634988	42635187	42635081	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PKIG	ENSG00000168734
20	42703404	42703671	42703551	11	13	4	2.910051716	0.0125532	ADA	ENSG00000196839
20	42714185	42714411	42714326	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ADA	ENSG00000196839
20	42740254	42740742	42740518	49	69	3	18.18782322	1.86E-18		ENSG00000132832
20	42790799	42791257	42791096	15	24	9	2.598260461	0.0032455	WISP2	ENSG00000064205
20	42795456	42795670	42795520	8	10	3	2.858086507	0.0242838	WISP2	ENSG00000064205
20	42800987	42801171	42801046	8	10	1	5.716173013	0.00260397	KCNK15	ENSG00000124249
20	42809250	42809456	42809306	9	10	3	2.858086507	0.0242838	KCNK15	ENSG00000124249
20	42809623	42809883	42809714	10	13	5	2.425043097	0.0262442	KCNK15	ENSG00000124249
20	42949451	42949758	42949616	8	11	1	6.235825105	0.0013754	YWHAB	ENSG00000166913
20	43061985	43062327	43062160	13	17	0	18.70747532	2.69E-06	STK4	ENSG00000101109
20	43407617	43408019	43407796	9	15	7	2.078608368	0.038229	SDC4	ENSG00000124145
20	43425172	43425374	43425213	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SYS1	ENSG00000198641
20	43853631	43853850	43853713	8	9	6	1.484720263	0.204387	WFDC3	ENSG00000124116
20	43943340	43943519	43943415	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ZSWIM1	ENSG00000168612
20	43961265	43961484	43961416	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CTSA	ENSG00000064601
20	44021293	44021530	44021450	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNF335	ENSG00000198026
20	44033727	44034190	44033875	11	18	13	1.41048425	0.160361	ZNF335	ENSG00000198026
20	44034201	44034505	44034369	10	14	6	2.227080395	0.0322529	ZNF335	ENSG00000198026
20	44055503	44055821	44055658	14	18	5	3.291129917	0.00248584	MMP9	ENSG00000100985
20	44057663	44057984	44057823	17	21	6	3.266384579	0.0013436	MMP9	ENSG00000100985
20	44075874	44076134	44076005	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000203346
20	44317627	44317825	44317726	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CDH22	ENSG00000149654
20	44468694	44469003	44468850	11	14	2	5.196520921	0.000907371	ELMO2	ENSG00000062598
20	44624615	44624923	44624753	8	11	5	2.078608368	0.0614303	C20orf123	ENSG00000149635

20	45011087	45011294	45011207	9	9	2	3.464347281	0.0163838	EYA2	ENSG00000064655
20	45203515	45203744	45203652	15	17	16	1.100439724	0.388093		ENSG00000215450
20	45203878	45204128	45204003	11	13	12	1.11925066	0.384109		ENSG00000215450
20	45204446	45205205	45205026	14	40	37	1.121354515	0.304982		ENSG00000215450
20	45211922	45212201	45212035	11	14	17	0.86608682	0.662567		ENSG00000215450
20	45212217	45212501	45212342	11	15	18	0.875203524	0.655562		ENSG00000215450
20	45219694	45220268	45219981	9	24	34	0.742360132	0.875925		ENSG00000215450
20	45220600	45220999	45220758	10	15	23	0.692869456	0.877389		ENSG00000215450
20	45221043	45221638	45221459	18	35	22	1.626736984	0.0315434		ENSG00000215450
20	45229931	45230254	45230092	18	23	16	1.467252966	0.109416		ENSG00000215450
20	45230427	45230789	45230606	13	20	18	1.148704625	0.329698		ENSG00000215450
20	45230842	45232084	45231241	22	74	50	1.528388506	0.00896207		ENSG00000215450
20	45232627	45233528	45233143	20	50	65	0.803098688	0.882176		ENSG00000215450
20	45234361	45235200	45234704	10	38	35	1.125912866	0.303364		ENSG00000215450
20	45235676	45237312	45236296	23	108	96	1.167877898	0.132581		ENSG00000215450
20	45237349	45238034	45237632	14	38	41	0.965068171	0.564419		ENSG00000215450
20	45239404	45239814	45239635	9	17	24	0.748299013	0.830231		ENSG00000215450
20	45241578	45241771	45241674	8	9	17	0.577391213	0.925885		ENSG00000215450
20	45241872	45242092	45241977	10	13	23	0.606260774	0.937372		ENSG00000215450
20	45242310	45243065	45242967	10	29	41	0.742360132	0.896757		ENSG00000215450
20	45243083	45243850	45243492	29	64	69	0.965068171	0.582467		ENSG00000215450
20	45244903	45245590	45245067	13	31	27	1.187776211	0.251797		ENSG00000215450
20	45245678	45245869	45245817	8	9	18	0.547002202	0.94615		ENSG00000215450
20	45245951	45246358	45246179	14	22	33	0.703058713	0.907926		ENSG00000215450
20	45246405	45247280	45246955	10	31	41	0.791850807	0.842775		ENSG00000215450
20	45247574	45248445	45248013	21	52	28	1.899417992	0.00213992		ENSG00000215450
20	45248708	45249144	45248979	14	22	11	1.991999686	0.0221672		ENSG00000215450
20	45249636	45249996	45249802	10	16	16	1.039304184	0.455583		ENSG00000215450
20	45250111	45250597	45250348	9	20	34	0.623582511	0.960152		ENSG00000215450
20	45250604	45251220	45250956	15	32	44	0.762156402	0.884833		ENSG00000215450
20	45251371	45251851	45251603	17	28	19	1.506991067	0.0757238		ENSG00000215450
20	45252003	45252764	45252600	12	31	32	1.007810118	0.488049		ENSG00000215450
20	45252768	45253628	45253274	8	31	50	0.652112429	0.97328		ENSG00000215450
20	45253736	45254240	45254066	12	25	26	1.000811437	0.499519		ENSG00000215450

20	45255038	45255254	45255146	13	15	8	1.847651883	0.0631662	ENSG00000215450
20	45256166	45256785	45256312	15	28	13	2.152844382	0.00695052	ENSG00000215450
20	45256999	45258028	45257828	15	52	62	0.874335266	0.765901	ENSG00000215450
20	45258032	45259062	45258611	50	107	76	1.457725349	0.00537031	ENSG00000215450
20	45260181	45261081	45260539	17	48	53	0.943072315	0.617786	ENSG00000215450
20	45261155	45261462	45261294	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000215450
20	45262686	45262919	45262802	12	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000215450
20	45263188	45263598	45263395	18	29	23	1.29913023	0.167378	ENSG00000215450
20	45263617	45264001	45263673	9	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000215450
20	45264529	45264781	45264631	13	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000215450
20	45264857	45265513	45265036	16	39	28	1.433523013	0.0675318	ENSG00000215450
20	45266213	45267061	45266642	47	97	52	1.921732265	4.15E-05	ENSG00000215450
20	45267504	45268232	45267835	38	87	57	1.576875314	0.00316024	ENSG00000215450
20	45268815	45269407	45268981	10	26	32	0.850339787	0.736354	ENSG00000215450
20	45269447	45269670	45269591	9	9	21	0.472410993	0.980806	ENSG00000215450
20	45271441	45272163	45271661	13	40	50	0.83551905	0.806262	ENSG00000215450
20	45272208	45273648	45273469	16	62	84	0.770307807	0.943323	ENSG00000215450
20	45273686	45274075	45273906	13	21	28	0.788437657	0.803211	ENSG00000215450
20	45274143	45274787	45274303	10	26	26	1.039304184	0.44394	ENSG00000215450
20	45274972	45275228	45275097	10	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000215450
20	45275449	45276518	45276341	14	58	58	1.039304184	0.417248	ENSG00000215450
20	45276788	45277117	45276954	10	13	9	1.455025858	0.177172	ENSG00000215450
20	45277628	45277880	45277754	10	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000215450
20	45279000	45279506	45279412	9	20	44	0.485008619	0.997843	ENSG00000215450
20	45279611	45279925	45279795	8	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000215450
20	45280182	45281014	45280870	12	34	37	0.957253854	0.574992	ENSG00000215450
20	45281452	45283035	45281866	17	88	80	1.141951511	0.193214	ENSG00000215450
20	45283366	45283655	45283510	12	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000215450
20	45284660	45284921	45284755	9	12	21	0.614134291	0.924528	ENSG00000215450
20	45286515	45286897	45286706	9	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000215450
20	45286914	45287281	45287093	11	18	17	1.097043306	0.388692	ENSG00000215450
20	45287801	45288044	45287963	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000215450
20	45288421	45288600	45288499	8	8	15	0.584608604	0.909754	ENSG00000215450
20	45289158	45289879	45289479	11	30	37	0.847853413	0.75465	ENSG00000215450

20	45290345	45290568	45290456	8	10	20	0.54439743	0.955421	ENSG00000215450
20	45290720	45291199	45291056	8	17	26	0.692869456	0.890806	ENSG00000215450
20	45291377	45291908	45291646	12	23	32	0.755857589	0.855178	ENSG00000215450
20	45291922	45292477	45292306	20	36	16	2.262014989	0.00177076	ENSG00000215450
20	45292867	45293169	45293024	12	16	22	0.768181354	0.79945	ENSG00000215450
20	45293336	45294196	45294035	11	34	38	0.932708883	0.61888	ENSG00000215450
20	45294582	45295059	45294868	14	26	19	1.403060649	0.122336	ENSG00000215450
20	45295580	45296298	45295926	14	30	28	1.110980335	0.341379	ENSG00000215450
20	45297317	45297555	45297436	12	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000215450
20	45297840	45300306	45299452	31	167	89	1.940034477	9.46E-08	ENSG00000215450
20	45300703	45301122	45301003	12	22	25	0.919384471	0.617223	ENSG00000215450
20	45301272	45301558	45301411	8	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000215450
20	45301574	45302077	45301825	10	24	33	0.764194253	0.849736	ENSG00000215450
20	45303524	45303976	45303677	12	23	34	0.712665726	0.903143	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45304175	45305234	45304756	26	76	58	1.356380037	0.0379803	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45305303	45305804	45305468	8	19	27	0.742360132	0.849695	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45305838	45306397	45306218	13	26	19	1.403060649	0.122336	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45306406	45306909	45306804	11	24	22	1.129678461	0.335754	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45307909	45308251	45308080	18	22	20	1.138285535	0.33303	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45308343	45309234	45308863	18	52	47	1.147565037	0.244189	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45309264	45310409	45310230	12	52	49	1.101662435	0.311373	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45310608	45311422	45311123	16	40	38	1.092601835	0.345813	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45311584	45312309	45311997	15	43	27	1.63319229	0.019363	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45312340	45313416	45312510	13	50	40	1.29279301	0.108864	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45313591	45313780	45313760	10	12	5	2.251825733	0.0404733	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45314956	45315408	45315135	8	18	16	1.161575265	0.325582	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45315720	45315986	45315853	10	12	20	0.643378781	0.900583	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45315996	45316385	45316175	14	24	29	0.86608682	0.704588	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45316533	45316993	45316712	9	18	20	0.940322833	0.578675	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45317376	45317605	45317530	9	11	21	0.566893191	0.949414	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45318787	45319371	45318965	23	43	41	1.08879486	0.346438	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45320186	45321188	45320687	13	47	43	1.133786383	0.273137	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45321650	45322184	45322005	15	27	31	0.909391161	0.644901	ZMYND8 ENSG00000101040
20	45322522	45322835	45322678	10	16	20	0.841341482	0.704984	ZMYND8 ENSG00000101040

20	45324244	45324523	45324369	13	15	27	0.593888105	0.956572	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45324827	45325035	45324924	10	12	17	0.750608578	0.78992	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45325175	45325707	45325433	20	33	27	1.262012224	0.179092	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45326628	45326961	45326783	9	14	9	1.558956276	0.132279	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45327249	45327590	45327413	14	19	15	1.29913023	0.214784	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45328011	45328305	45328141	10	12	18	0.711102863	0.834017	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45328788	45329026	45328928	11	12	22	0.5874328	0.943388	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45329142	45329578	45329264	9	18	23	0.822782479	0.740651	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45329646	45329866	45329707	11	14	11	1.29913023	0.246308	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45329892	45330264	45330071	12	19	15	1.29913023	0.214784	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45331489	45332140	45331666	14	34	34	1.039304184	0.436168	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45333200	45333860	45333369	19	39	31	1.29913023	0.133039	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45334526	45334886	45334705	15	22	30	0.771096653	0.831099	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45334934	45335464	45335222	34	56	49	1.18480677	0.189844	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45336482	45337293	45337013	16	48	59	0.848765084	0.804552	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45338028	45338790	45338447	14	37	30	1.273985774	0.156732	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45338799	45339806	45339447	22	65	48	1.399879105	0.0359377	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45340511	45341290	45340841	15	43	46	0.972965619	0.552752	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45341576	45341900	45341738	12	15	18	0.875203524	0.655562	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45342293	45342946	45342472	11	27	34	0.831443347	0.769295	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45343090	45343442	45343266	17	21	15	1.429043253	0.134782	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45343573	45344561	45344346	12	45	56	0.83873671	0.814444	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45345412	45346136	45345775	18	42	39	1.117251998	0.306409	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45346296	45347136	45346582	14	36	41	0.915577496	0.653583	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45347154	45347835	45347525	13	33	34	1.009609779	0.484681	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45348054	45348270	45348162	8	8	12	0.719518281	0.783103	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45348865	45349999	45349040	15	58	75	0.806828248	0.893697	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45350126	45350480	45350303	10	15	30	0.536415063	0.982029	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45351294	45352701	45351894	14	68	61	1.156644979	0.202183	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45352991	45353743	45353553	10	29	28	1.07514226	0.390297	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45353892	45354177	45354049	10	13	35	0.404173849	0.998897	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45355502	45355899	45355808	12	19	22	0.903742769	0.631776	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45356746	45357074	45356910	10	14	22	0.677807077	0.884881	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45357087	45357288	45357174	9	11	13	0.890832158	0.618492	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45357561	45358159	45357986	14	32	25	1.319116849	0.143169	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45358441	45358823	45358648	13	19	27	0.742360132	0.849695	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45359028	45359771	45359315	15	41	30	1.40808954	0.0719787	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45360168	45361205	45360663	12	50	42	1.232663102	0.154907	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45361336	45361555	45361390	8	11	11	1.039304184	0.462773	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45362054	45362322	45362188	16	17	14	1.247165021	0.261378	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45362415	45362753	45362584	14	18	24	0.78987118	0.784577	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45363681	45364210	45364032	10	23	11	2.078608368	0.0154752	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45364577	45365444	45365161	13	36	57	0.663004393	0.97652	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45365952	45367160	45366740	12	56	80	0.731362204	0.966309	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45367854	45368302	45368033	14	25	16	1.589524046	0.0646994	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45368662	45369250	45369071	15	36	34	1.098692995	0.344552	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45370759	45371411	45371048	14	31	37	0.875203524	0.712707	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45371754	45372018	45371856	10	12	10	1.228268581	0.305344	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45372146	45372403	45372274	9	10	16	0.672490943	0.854309	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45372470	45372940	45372705	8	17	17	1.039304184	0.454282	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45373103	45373610	45373431	10	22	34	0.682971321	0.926111	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45374032	45374731	45374443	12	35	39	0.935373766	0.615635	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45374984	45375460	45375311	13	26	16	1.650659587	0.048911	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45376557	45377409	45376981	20	54	52	1.07852321	0.347141	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45377663	45378148	45378005	16	28	39	0.753495534	0.880214	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45378886	45379624	45379341	17	40	44	0.94692159	0.600763	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45379630	45382670	45382152	73	259	225	1.195659681	0.0244874	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45382851	45384103	45383783	28	85	73	1.207839998	0.116052	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45384310	45384590	45384466	14	17	7	2.338434415	0.0171287	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45384895	45385696	45385181	11	33	38	0.906060058	0.664493	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45386613	45387159	45386893	12	22	27	0.853714151	0.715539	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45387276	45387915	45387534	17	37	40	0.963257537	0.566947	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45388628	45389321	45389096	24	53	39	1.403060649	0.0505812	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45389778	45390225	45389987	9	17	21	0.850339787	0.697991	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45390256	45390506	45390431	11	15	25	0.639571806	0.925462	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45390809	45391600	45391296	16	42	44	0.993112887	0.513535	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45391793	45392248	45392069	13	22	25	0.919384471	0.617223	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45392335	45392571	45392420	8	11	11	1.039304184	0.462773	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45392629	45394240	45393745	18	88	70	1.302789752	0.0473131	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45396264	45396701	45396584	13	21	22	0.994117046	0.508733	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45397466	45397944	45397614	12	21	14	1.524312804	0.0996258	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45398281	45399100	45398460	15	44	34	1.336248237	0.097306	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45399793	45400067	45399930	15	18	17	1.097043306	0.388692	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45400196	45400799	45400614	14	30	33	0.947600874	0.586988	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45400811	45401134	45400972	13	19	11	1.73217364	0.0607469	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45403054	45403388	45403221	18	24	30	0.838148536	0.747023	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45404876	45405165	45405081	11	15	11	1.385738912	0.19225	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45405352	45405594	45405470	12	15	9	1.662886695	0.0970566	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45405908	45406139	45406015	8	10	14	0.762156402	0.758589	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45406387	45406708	45406547	10	15	26	0.615883961	0.942815	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45407240	45407736	45407348	11	20	18	1.148704625	0.329698	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45408108	45408403	45408255	12	15	11	1.385738912	0.19225	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45408406	45408699	45408531	10	15	19	0.831443347	0.712423	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45408925	45409306	45409127	9	16	8	1.963130126	0.0441028	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45409419	45410333	45409743	15	43	63	0.714521627	0.958932	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45410593	45410858	45410770	17	20	21	0.992063085	0.511305	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45410898	45412425	45411924	18	87	82	1.10191287	0.262714	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45412572	45413366	45412955	19	44	51	0.899397852	0.700166	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45413722	45416063	45414966	18	143	142	1.046572046	0.349981	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45416214	45417507	45416815	16	68	70	1.01002801	0.47683	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45417649	45418427	45418226	24	48	49	1.018518101	0.463998	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45418609	45423484	45422519	52	540	378	1.483545023	1.42E-09	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45423514	45424030	45423704	17	34	31	1.136738952	0.299433	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45424605	45425381	45424948	12	38	46	0.862401344	0.754722	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45427286	45427748	45427482	10	23	16	1.467252966	0.109416	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45429060	45429359	45429209	13	17	20	0.890832158	0.642922	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45430422	45430652	45430510	8	11	11	1.039304184	0.462773	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45430864	45431660	45431506	19	49	54	0.944821986	0.615238	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45432917	45433610	45433449	12	34	31	1.136738952	0.299433	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45434273	45434470	45434313	8	9	12	0.799464757	0.707717	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45434715	45435682	45435316	33	72	66	1.132376201	0.230767	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45437200	45437507	45437347	16	18	15	1.234173719	0.265435	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45438515	45439090	45438692	13	29	11	2.598260461	0.00146165	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45439190	45439962	45439448	625	781	23	33.86399467	3.53E-205	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45440140	45440697	45440372	10	22	29	0.796799875	0.797061	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45440801	45441550	45441227	13	35	35	1.039304184	0.435264	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45441701	45441943	45441782	8	10	11	0.952695502	0.548138	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45441945	45442380	45442134	8	16	26	0.654376709	0.9196	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45442587	45443205	45442763	13	27	23	1.212521548	0.242672	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45444753	45445025	45444900	13	13	25	0.55962533	0.965065	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45445126	45445467	45445289	12	16	27	0.631006112	0.93773	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45445884	45446780	45446318	62	120	80	1.552540818	0.000959698	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45446856	45447372	45447035	10	21	29	0.762156402	0.837107	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45450250	45450626	45450452	13	19	27	0.742360132	0.849695	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45451942	45452584	45452370	36	72	38	1.945364242	0.000277444	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45453488	45453850	45453715	11	17	16	1.100439724	0.388093	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45453914	45455429	45454169	17	88	77	1.185872723	0.135166	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45455608	45456178	45455956	16	31	12	2.558287223	0.00121125	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45458331	45458595	45458463	9	13	10	1.32275078	0.240023	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45459898	45460298	45460077	10	17	20	0.890832158	0.642922	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45461086	45461424	45461297	10	14	19	0.779478138	0.771518	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45461766	45462180	45462015	17	25	10	2.456537163	0.00405907	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45462602	45462925	45462763	8	12	29	0.450365147	0.994327	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45462935	45463129	45463009	9	9	27	0.371180066	0.998136	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45463777	45464093	45463935	9	13	9	1.455025858	0.177172	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45465682	45466198	45466051	13	25	32	0.818845721	0.77985	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45466798	45467512	45467135	18	36	35	1.068173745	0.389034	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45468198	45468564	45468335	10	16	17	0.981565063	0.523072	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45470092	45470508	45470262	10	17	11	1.558956276	0.111389	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45470582	45471054	45470699	11	19	15	1.29913023	0.214784	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45472699	45472964	45472754	14	18	20	0.940322833	0.578675	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45473354	45473826	45473550	13	24	23	1.082608525	0.390382	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45474034	45474337	45474162	8	10	19	0.571617301	0.938875	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45474701	45474979	45474811	9	11	11	1.039304184	0.462773	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45474993	45476001	45475617	22	62	44	1.455025858	0.0260492	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45477185	45477818	45477501	13	34	46	0.773949924	0.877125	ZMYND8	ENSG00000101040

20	45478174	45478656	45478427	13	25	7	3.377738599	0.000449165	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45478776	45479272	45479012	16	27	29	0.970017239	0.547123	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45479369	45479817	45479539	11	17	26	0.692869456	0.890806	ZMYND8	ENSG00000101040
20	45480054	45480890	45480343	17	43	49	0.914587682	0.668408	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45482059	45482686	45482520	14	29	18	1.641006607	0.042208	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45484643	45485207	45484974	13	27	42	0.676756213	0.949127	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45485222	45485542	45485366	9	13	29	0.485008619	0.990332	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45485568	45486167	45485747	19	34	34	1.039304184	0.436168	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45489124	45489649	45489324	20	33	22	1.536362707	0.0529465	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45489668	45490324	45490006	15	36	26	1.42423166	0.0786584	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45490402	45490642	45490522	10	11	21	0.566893191	0.949414	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45490930	45491500	45491086	13	25	22	1.1748656	0.285497	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45491517	45492081	45491799	10	22	23	0.995999843	0.506279	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45492281	45492498	45492351	8	9	8	1.154782427	0.375434	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45493036	45493284	45493160	10	13	11	1.212521548	0.309909	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45493463	45493687	45493575	8	9	8	1.154782427	0.375434	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45494739	45495229	45495050	13	21	27	0.816596145	0.764635	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45495548	45496656	45496406	21	76	60	1.31190856	0.0555243	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45496669	45497572	45497069	15	42	41	1.064049522	0.387367	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45498133	45498361	45498226	9	10	17	0.635130335	0.889407	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45500114	45500370	45500242	10	10	6	1.63319229	0.146906	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45500804	45501718	45500980	25	73	69	1.098692995	0.285963	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45502283	45502548	45502415	12	15	14	1.10859113	0.386477	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45503186	45504127	45503708	12	43	36	1.2359293	0.169751	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45504565	45504801	45504734	8	10	12	0.879411233	0.62639	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45505123	45505361	45505242	11	11	9	1.247165021	0.300052	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45507408	45507843	45507683	12	18	15	1.234173719	0.265435	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45510464	45511138	45510630	10	27	33	0.855897563	0.7313	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45511728	45512192	45511907	12	21	8	2.540521339	0.00602138	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45512752	45513037	45512905	10	13	9	1.455025858	0.177172	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45513187	45514053	45513652	15	47	30	1.609245188	0.0178352	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45514146	45514360	45514253	9	10	6	1.63319229	0.146906	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45514585	45514770	45514659	8	9	8	1.154782427	0.375434	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45514935	45515446	45515114	13	24	24	1.039304184	0.446062	RPL35AP	ENSG00000217854

20	45515510	45515905	45515689	18	30	28	1.110980335	0.341379	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45516049	45516443	45516228	12	18	18	1.039304184	0.453018	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45517028	45517914	45517471	56	132	66	2.063096366	3.00E-07	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45518455	45519023	45518883	17	28	32	0.913327919	0.640772	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45519227	45520105	45519802	17	50	41	1.262012224	0.13062	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45520293	45520684	45520505	9	17	14	1.247165021	0.261378	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45521071	45521299	45521212	10	10	9	1.143234603	0.378307	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45521310	45522050	45521678	18	44	43	1.062924734	0.386738	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45522971	45523255	45523106	9	11	13	0.890832158	0.618492	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45523350	45523708	45523529	10	16	25	0.679545044	0.897263	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45523787	45524232	45524098	13	22	17	1.327999791	0.180771	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45524420	45525199	45525020	18	43	22	1.988234092	0.00288957	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45525679	45526061	45525895	15	22	16	1.406117426	0.139742	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45526127	45527471	45526745	103	238	129	1.910720769	5.61E-10	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45527620	45529732	45528440	28	123	75	1.695706827	0.000112549	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45530239	45531395	45530808	63	169	46	3.759185347	2.82E-19	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45531757	45532127	45531936	15	22	21	1.086545284	0.390103	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45532669	45532974	45532821	8	11	4	2.494330042	0.0324033	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45533503	45534029	45533653	12	25	24	1.080876352	0.390444	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45534040	45534495	45534316	12	22	19	1.195199812	0.27834	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45534708	45535103	45534971	9	15	19	0.831443347	0.712423	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45535109	45535381	45535279	10	13	21	0.66137539	0.892612	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45535591	45535947	45535754	9	13	12	1.11925066	0.384109	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45538335	45538692	45538513	11	17	19	0.935373766	0.583208	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45538956	45539187	45539047	15	15	11	1.385738912	0.19225	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45540368	45540820	45540641	11	20	13	1.558956276	0.0943292	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45541049	45541756	45541455	15	38	28	1.397684937	0.083712	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45541800	45542080	45541940	10	15	26	0.615883961	0.942815	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45542640	45543005	45542826	8	15	16	0.978168644	0.526483	RPL35AP	ENSG00000217854
20	45543649	45544493	45544139	36	78	40	2.002561721	9.94E-05		ENSG00000202186
20	45544977	45545342	45545163	14	21	14	1.524312804	0.0996258		ENSG00000202186
20	45546477	45547061	45546752	10	25	32	0.818845721	0.77985		ENSG00000202186
20	45547959	45548340	45548161	15	22	26	0.885333194	0.668299		ENSG00000202186
20	45549076	45550168	45549910	31	78	62	1.303254453	0.0573782		ENSG00000202186

20	45550309	45550649	45550468	12	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000202186
20	45551207	45551423	45551277	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000201742
20	45552836	45553257	45553177	13	19	15	1.29913023	0.214784		ENSG00000201742
20	45553264	45553447	45553312	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000201742
20	45553752	45553949	45553843	8	10	12	0.879411233	0.62639		ENSG00000201742
20	45554309	45554744	45554462	8	15	24	0.665154678	0.903869		ENSG00000201742
20	45555111	45556436	45555538	46	211	109	2.00302261	5.86E-10		ENSG00000201742
20	45557514	45557904	45557650	15	21	20	1.08879486	0.389871		ENSG00000201742
20	45558217	45558813	45558465	17	34	24	1.455025858	0.0733189		ENSG00000201742
20	45559696	45559994	45559816	9	12	19	0.67554772	0.870684	NCOA3	ENSG00000124151
20	45560412	45561063	45560696	11	25	26	1.000811437	0.499519	NCOA3	ENSG00000124151
20	45562530	45566359	45563773	50	338	276	1.271928225	0.00144247	NCOA3	ENSG00000124151
20	45567404	45567952	45567642	18	30	29	1.073947657	0.390181	NCOA3	ENSG00000124151
20	45568177	45569731	45568754	81	182	134	1.408834561	0.00116997	NCOA3	ENSG00000124151
20	45570318	45570790	45570484	13	23	17	1.385738912	0.144406	NCOA3	ENSG00000124151
20	45571085	45571357	45571225	8	12	5	2.251825733	0.0404733	NCOA3	ENSG00000124151
20	45571758	45572213	45572034	10	20	16	1.283846345	0.219275	NCOA3	ENSG00000124151
20	45572498	45572761	45572629	10	10	10	1.039304184	0.464387	NCOA3	ENSG00000124151
20	45573821	45574148	45573978	9	13	9	1.455025858	0.177172	NCOA3	ENSG00000124151
20	45574299	45574485	45574392	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NCOA3	ENSG00000124151
20	45574745	45575032	45574880	15	17	9	1.870747532	0.0498299	NCOA3	ENSG00000124151
20	45575270	45575551	45575410	8	11	11	1.039304184	0.462773	NCOA3	ENSG00000124151
20	45575824	45576172	45575998	14	20	17	1.212521548	0.272468	NCOA3	ENSG00000124151
20	45579267	45579625	45579446	9	14	11	1.29913023	0.246308	NCOA3	ENSG00000124151
20	45579948	45580206	45580095	9	12	14	0.900730293	0.611333	NCOA3	ENSG00000124151
20	45581539	45581812	45581654	8	10	13	0.816596145	0.696946	NCOA3	ENSG00000124151
20	45582756	45583125	45582946	9	16	21	0.803098688	0.755224	NCOA3	ENSG00000124151
20	45583149	45583692	45583551	9	22	16	1.406117426	0.139742	NCOA3	ENSG00000124151
20	45586199	45586633	45586378	11	21	17	1.27026067	0.223413	NCOA3	ENSG00000124151
20	45589641	45590063	45589719	9	16	24	0.706726845	0.870131	NCOA3	ENSG00000124151
20	45590128	45590347	45590246	8	9	10	0.944821986	0.553851	NCOA3	ENSG00000124151
20	45593599	45594246	45593946	9	27	28	1.003466109	0.495433	NCOA3	ENSG00000124151
20	45594715	45594975	45594894	8	11	13	0.890832158	0.618492	NCOA3	ENSG00000124151
20	45596085	45597631	45596556	13	68	46	1.525786994	0.0118205	NCOA3	ENSG00000124151

20	45598388	45598710	45598564	9	14	18	0.820503303	0.720361	NCOA3	ENSG00000124151
20	45599174	45599587	45599332	13	19	14	1.385738912	0.166049		ENSG00000221294
20	45600298	45600650	45600543	9	14	13	1.113540197	0.385405		ENSG00000221294
20	45600961	45601542	45601140	13	27	35	0.808347699	0.803596		ENSG00000221294
20	45601627	45601820	45601725	8	10	17	0.635130335	0.889407		ENSG00000221294
20	45601855	45602579	45602234	18	36	26	1.42423166	0.0786584		ENSG00000221294
20	45602590	45603439	45602769	14	43	33	1.344981885	0.0951923		ENSG00000221294
20	45603943	45604263	45604106	11	16	17	0.981565063	0.523072		ENSG00000221294
20	45605084	45605552	45605320	26	38	27	1.447602257	0.0652315		ENSG00000221294
20	45606134	45606782	45606620	18	36	25	1.479009801	0.0604746		ENSG00000221294
20	45606857	45607331	45607179	10	18	17	1.097043306	0.388692		ENSG00000221294
20	45608165	45608767	45608576	35	54	21	2.598260461	3.03E-05		ENSG00000221294
20	45608857	45609532	45609142	14	34	26	1.347246165	0.119935		ENSG00000221294
20	45610024	45610219	45610157	8	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000221294
20	45610736	45611123	45610915	14	20	12	1.67887599	0.0659142		ENSG00000221294
20	45611379	45611612	45611517	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000221294
20	45612613	45613077	45612962	9	19	18	1.094004404	0.389177		ENSG00000221294
20	45613303	45613752	45613474	15	26	28	0.967628034	0.550021		ENSG00000221294
20	45613957	45614224	45614125	9	12	14	0.900730293	0.611333		ENSG00000221294
20	45614363	45615133	45614671	12	32	34	0.979915374	0.534148		ENSG00000221294
20	45615270	45615519	45615402	9	10	11	0.952695502	0.548138		ENSG00000221294
20	45619351	45619668	45619502	14	18	16	1.161575265	0.325582		ENSG00000221294
20	45620986	45621207	45621112	9	12	16	0.794762023	0.738004		ENSG00000221294
20	45622949	45623207	45623077	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000221294
20	45623232	45623524	45623378	9	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000221294
20	45624060	45624384	45624208	9	14	16	0.917033104	0.598778		ENSG00000221294
20	45624389	45624662	45624525	9	13	20	0.692869456	0.861903		ENSG00000221294
20	45624665	45625158	45624844	8	19	24	0.831443347	0.733913		ENSG00000221294
20	45626128	45626312	45626252	8	8	8	1.039304184	0.46786		ENSG00000221294
20	45626462	45626726	45626588	8	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000221294
20	45627440	45627737	45627588	11	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000221294
20	45630122	45630751	45630381	17	36	35	1.068173745	0.389034		ENSG00000221294
20	45632521	45632805	45632663	13	16	16	1.039304184	0.455583		ENSG00000221294
20	45634432	45634654	45634549	9	9	15	0.649565115	0.865365		ENSG00000221294

20	45636759	45637442	45636934	19	45	23	1.991999686	0.00234329	ENSG00000221294
20	45638686	45639312	45638965	47	96	54	1.832954652	0.000119185	ENSG00000221294
20	45639424	45640001	45639645	18	35	28	1.290170711	0.151649	ENSG00000221294
20	45640635	45641104	45640925	11	22	21	1.086545284	0.390103	ENSG00000221294
20	45641150	45641388	45641269	10	12	18	0.711102863	0.834017	ENSG00000221294
20	45641877	45642333	45642117	20	33	36	0.955036277	0.577843	ENSG00000221294
20	45643333	45643679	45643503	9	12	17	0.750608578	0.78992	ENSG00000221294
20	45643718	45644010	45643864	11	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000221294
20	45644021	45644259	45644140	8	9	16	0.611355402	0.899375	ENSG00000221294
20	45645080	45645478	45645251	13	19	23	0.86608682	0.685164	ENSG00000221294
20	45646178	45646382	45646317	8	8	12	0.719518281	0.783103	ENSG00000221294
20	45646789	45647074	45646911	13	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000221294
20	45647589	45647845	45647717	10	13	22	0.632619938	0.917511	ENSG00000221294
20	45648580	45648939	45648759	8	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000221294
20	45648983	45649180	45649073	8	9	13	0.742360132	0.770276	ENSG00000221294
20	45649369	45649792	45649548	10	19	13	1.484720263	0.123861	ENSG00000221294
20	45650140	45650339	45650239	10	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000221294
20	45651303	45651598	45651480	11	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000221294
20	45651905	45652166	45652036	9	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000221294
20	45653740	45654273	45654132	9	20	20	1.039304184	0.450588	ENSG00000221294
20	45654490	45654953	45654669	14	23	22	1.084491323	0.39027	ENSG00000221294
20	45657868	45658240	45657965	11	17	19	0.935373766	0.583208	ENSG00000221294
20	45658459	45658838	45658735	8	15	9	1.662886695	0.0970566	ENSG00000221294
20	45659201	45659584	45659380	11	18	19	0.987338975	0.516858	ENSG00000221294
20	45661236	45661677	45661500	12	19	21	0.944821986	0.574409	ENSG00000221294
20	45661935	45662139	45662037	11	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000221294
20	45663050	45663752	45663598	10	28	33	0.886465334	0.685163	ENSG00000218714
20	45664588	45664844	45664744	9	12	20	0.643378781	0.900583	ENSG00000218714
20	45664876	45665472	45665068	11	25	23	1.125912866	0.336929	ENSG00000218714
20	45665476	45665704	45665545	8	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000218714
20	45666286	45666944	45666450	11	28	27	1.076422191	0.390384	ENSG00000218714
20	45668399	45668912	45668733	15	28	27	1.076422191	0.390384	ENSG00000218714
20	45669063	45669676	45669301	8	21	28	0.788437657	0.803211	ENSG00000218714
20	45670564	45670863	45670718	11	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000218714

20	45671292	45671551	45671398	10	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000218714
20	45672627	45673071	45672806	12	21	19	1.143234603	0.33145	ENSG00000218714
20	45673081	45673367	45673206	15	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000218714
20	45674546	45674731	45674595	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000218714
20	45674799	45675071	45674935	10	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000218714
20	45675447	45675724	45675554	12	14	19	0.779478138	0.771518	ENSG00000218714
20	45676002	45676303	45676134	14	16	14	1.177878075	0.320433	ENSG00000218714
20	45676473	45676741	45676573	11	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000218714
20	45678552	45678817	45678659	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000218714
20	45678853	45679134	45678977	13	16	18	0.929903744	0.58804	ENSG00000218714
20	45680683	45681019	45680858	11	14	9	1.558956276	0.132279	ENSG00000218714
20	45682416	45682800	45682566	11	17	11	1.558956276	0.111389	ENSG00000218714
20	45682921	45683298	45683070	15	21	24	0.914587682	0.621823	ENSG00000218714
20	45683327	45683885	45683506	20	33	24	1.413453691	0.0918299	ENSG00000218714
20	45684026	45684417	45684165	8	13	23	0.606260774	0.937372	ENSG00000218714
20	45684500	45684959	45684631	11	20	10	1.98412617	0.0277883	ENSG00000218714
20	45686794	45687066	45686930	9	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000218714
20	45687231	45687442	45687336	9	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000218714
20	45687830	45688254	45688075	10	18	20	0.940322833	0.578675	ENSG00000218714
20	45688328	45688587	45688476	8	11	23	0.519652092	0.973215	ENSG00000218714
20	45688685	45689044	45688864	12	19	23	0.86608682	0.685164	ENSG00000218714
20	45689082	45689286	45689111	9	12	17	0.750608578	0.78992	ENSG00000218714
20	45689733	45690071	45689902	10	14	25	0.599598568	0.947903	ENSG00000218714
20	45692033	45692503	45692260	20	32	28	1.182656486	0.253749	ENSG00000218714
20	45692841	45693539	45693360	16	34	30	1.17340795	0.257326	ENSG00000218714
20	45694109	45694521	45694354	13	20	26	0.808347699	0.770998	ENSG00000218714
20	45695152	45695616	45695296	10	19	10	1.889643971	0.0394833	ENSG00000218714
20	45695765	45696123	45695862	11	16	16	1.039304184	0.455583	ENSG00000218714
20	45696516	45696902	45696769	14	21	16	1.344981885	0.176214	ENSG00000218714
20	45697396	45697927	45697784	11	22	24	0.956159849	0.562938	ENSG00000218714
20	45697936	45698858	45698311	13	41	44	0.970017239	0.557238	ENSG00000218714
20	45699129	45699445	45699287	8	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000218714
20	45700247	45700627	45700426	8	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000218714
20	45701152	45701472	45701312	9	13	17	0.808347699	0.728863	ENSG00000218714

20	45701495	45701756	45701625	11	12	23	0.562956433	0.958014	ENSG00000218714
20	45702077	45702705	45702343	9	25	28	0.931789958	0.604671	ENSG00000218714
20	45703078	45703525	45703374	10	17	15	1.169217207	0.323156	ENSG00000218714
20	45704404	45704872	45704583	12	24	29	0.86608682	0.704588	ENSG00000218714
20	45705255	45705858	45705408	10	26	29	0.935373766	0.600845	ENSG00000218714
20	45705934	45706336	45706113	8	15	9	1.662886695	0.0970566	ENSG00000218714
20	45706587	45706884	45706735	12	15	12	1.279143611	0.251893	ENSG00000218714
20	45707314	45707669	45707491	13	19	20	0.989813509	0.514009	ENSG00000218714
20	45707778	45708315	45708017	11	22	21	1.086545284	0.390103	ENSG00000218714
20	45708385	45708706	45708545	10	14	20	0.742360132	0.815839	ENSG00000218714
20	45708794	45709186	45708951	11	17	27	0.668124118	0.913816	ENSG00000218714
20	45709205	45709533	45709370	15	18	20	0.940322833	0.578675	ENSG00000218714
20	45710841	45711560	45711243	15	36	21	1.747920673	0.0168117	SULF2 ENSG00000196562
20	45711907	45712490	45712073	10	22	23	0.995999843	0.506279	SULF2 ENSG00000196562
20	45713193	45713771	45713596	16	26	28	0.967628034	0.550021	SULF2 ENSG00000196562
20	45714020	45715614	45715308	13	74	45	1.694517692	0.00205736	SULF2 ENSG00000196562
20	45715720	45716218	45715982	14	26	31	0.876912905	0.694502	SULF2 ENSG00000196562
20	45716583	45716822	45716691	13	14	12	1.199197136	0.313881	SULF2 ENSG00000196562
20	45716942	45717249	45717082	8	12	27	0.482534086	0.988534	SULF2 ENSG00000196562
20	45717269	45717488	45717378	13	15	18	0.875203524	0.655562	SULF2 ENSG00000196562
20	45717630	45718545	45717809	13	42	29	1.489669331	0.0447371	SULF2 ENSG00000196562
20	45718551	45718803	45718664	11	14	14	1.039304184	0.458308	SULF2 ENSG00000196562
20	45718943	45719308	45719129	10	17	20	0.890832158	0.642922	SULF2 ENSG00000196562
20	45719538	45719960	45719804	11	19	23	0.86608682	0.685164	SULF2 ENSG00000196562
20	45720055	45720550	45720207	12	24	24	1.039304184	0.446062	SULF2 ENSG00000196562
20	45720593	45721010	45720771	12	20	29	0.727512929	0.872335	SULF2 ENSG00000196562
20	45721072	45721280	45721186	10	10	11	0.952695502	0.548138	SULF2 ENSG00000196562
20	45721400	45722307	45721687	14	43	40	1.115350832	0.307057	SULF2 ENSG00000196562
20	45722424	45722839	45722631	8	16	30	0.569941004	0.972704	SULF2 ENSG00000196562
20	45722853	45723258	45723032	10	19	28	0.716761506	0.878343	SULF2 ENSG00000196562
20	45723331	45723569	45723476	16	17	20	0.890832158	0.642922	SULF2 ENSG00000196562
20	45723669	45724073	45723939	8	16	12	1.359090087	0.198699	SULF2 ENSG00000196562
20	45724411	45724802	45724590	8	16	26	0.654376709	0.9196	SULF2 ENSG00000196562
20	45724938	45728127	45727571	247	530	148	3.703829006	4.56E-55	SULF2 ENSG00000196562

20	45728733	45729317	45729170	11	23	36	0.674143255	0.937395	SULF2	ENSG00000196562
20	45729808	45730235	45730021	11	22	31	0.746999882	0.860756	SULF2	ENSG00000196562
20	45730285	45730692	45730372	11	18	26	0.731362204	0.856292	SULF2	ENSG00000196562
20	45733002	45733423	45733181	10	19	25	0.799464757	0.777638	SULF2	ENSG00000196562
20	45734136	45735027	45734811	17	43	39	1.143234603	0.269341	SULF2	ENSG00000196562
20	45735034	45735504	45735348	11	20	30	0.70404477	0.896995	SULF2	ENSG00000196562
20	45736028	45736306	45736151	9	12	10	1.228268581	0.305344	SULF2	ENSG00000196562
20	45737177	45737908	45737340	11	30	39	0.805460743	0.819719	SULF2	ENSG00000196562
20	45738654	45739438	45738946	9	30	40	0.785815359	0.847235	SULF2	ENSG00000196562
20	45739690	45740577	45740205	28	65	83	0.816596145	0.892556	SULF2	ENSG00000196562
20	45740845	45741109	45740966	8	11	13	0.890832158	0.618492	SULF2	ENSG00000196562
20	45741312	45741933	45741754	12	29	25	1.199197136	0.247521	SULF2	ENSG00000196562
20	45743121	45743823	45743441	10	26	18	1.476905946	0.0928898	SULF2	ENSG00000196562
20	45744158	45744527	45744337	10	17	22	0.813368492	0.747743	SULF2	ENSG00000196562
20	45744807	45745203	45745070	10	15	20	0.791850807	0.763134	SULF2	ENSG00000196562
20	45745844	45746076	45745960	9	11	18	0.656402643	0.879847	SULF2	ENSG00000196562
20	45746143	45746562	45746458	9	17	25	0.719518281	0.863101	SULF2	ENSG00000196562
20	45748363	45748653	45748521	10	13	15	0.909391161	0.604792	SULF2	ENSG00000196562
20	45750115	45750482	45750294	9	17	16	1.100439724	0.388093	SULF2	ENSG00000196562
20	45751743	45752261	45751905	13	26	23	1.169217207	0.28753	SULF2	ENSG00000196562
20	45753060	45753364	45753222	10	14	14	1.039304184	0.458308	SULF2	ENSG00000196562
20	45753394	45754025	45753811	10	27	37	0.765803083	0.861155	SULF2	ENSG00000196562
20	45754091	45754419	45754241	9	13	15	0.909391161	0.604792	SULF2	ENSG00000196562
20	45755282	45755720	45755541	12	21	13	1.63319229	0.0708832	SULF2	ENSG00000196562
20	45755765	45755988	45755876	10	13	16	0.855897563	0.670115	SULF2	ENSG00000196562
20	45756088	45756361	45756224	11	14	14	1.039304184	0.458308	SULF2	ENSG00000196562
20	45757019	45757332	45757172	10	13	19	0.727512929	0.824686	SULF2	ENSG00000196562
20	45757441	45757649	45757595	9	9	17	0.577391213	0.925885	SULF2	ENSG00000196562
20	45759375	45759617	45759464	12	12	8	1.501217155	0.168286	SULF2	ENSG00000196562
20	45759703	45760169	45759936	9	18	20	0.940322833	0.578675	SULF2	ENSG00000196562
20	45760369	45760606	45760487	9	11	13	0.890832158	0.618492	SULF2	ENSG00000196562
20	45761496	45761747	45761664	14	16	17	0.981565063	0.523072	SULF2	ENSG00000196562
20	45761823	45762777	45762248	9	36	45	0.835962061	0.793602	SULF2	ENSG00000196562
20	45763992	45764348	45764170	13	18	18	1.039304184	0.453018	SULF2	ENSG00000196562

20	45764555	45764757	45764656	8	10	13	0.816596145	0.696946	SULF2	ENSG00000196562
20	45764782	45765045	45764913	9	11	11	1.039304184	0.462773	SULF2	ENSG00000196562
20	45765478	45765737	45765599	11	15	16	0.978168644	0.526483	SULF2	ENSG00000196562
20	45766020	45766587	45766199	12	25	18	1.422205726	0.118245	SULF2	ENSG00000196562
20	45766850	45767513	45767323	11	29	25	1.199197136	0.247521	SULF2	ENSG00000196562
20	45768396	45768590	45768493	8	10	9	1.143234603	0.378307	SULF2	ENSG00000196562
20	45768609	45769139	45768892	10	25	21	1.228268581	0.23714	SULF2	ENSG00000196562
20	45769438	45769960	45769693	10	21	11	1.905391004	0.031399	SULF2	ENSG00000196562
20	45770037	45770824	45770425	13	34	31	1.136738952	0.299433	SULF2	ENSG00000196562
20	45770889	45771541	45771213	10	26	36	0.758411161	0.865982	SULF2	ENSG00000196562
20	45772471	45772993	45772650	15	25	26	1.000811437	0.499519	SULF2	ENSG00000196562
20	45773412	45774020	45773758	17	32	27	1.224894217	0.213361	SULF2	ENSG00000196562
20	45774220	45774523	45774346	14	17	25	0.719518281	0.863101	SULF2	ENSG00000196562
20	45774545	45774897	45774723	13	18	29	0.658225983	0.927623	SULF2	ENSG00000196562
20	45775077	45775305	45775219	8	11	5	2.078608368	0.0614303	SULF2	ENSG00000196562
20	45776440	45776784	45776612	9	15	26	0.615883961	0.942815	SULF2	ENSG00000196562
20	45777480	45777691	45777585	11	12	14	0.900730293	0.611333	SULF2	ENSG00000196562
20	45778018	45778230	45778124	10	11	11	1.039304184	0.462773	SULF2	ENSG00000196562
20	45778406	45778595	45778468	8	8	4	1.870747532	0.118863	SULF2	ENSG00000196562
20	45779467	45779716	45779591	8	12	26	0.500405718	0.98391	SULF2	ENSG00000196562
20	45780544	45781140	45780842	10	25	34	0.772054537	0.844426	SULF2	ENSG00000196562
20	45781222	45781771	45781371	8	20	32	0.66137539	0.934793	SULF2	ENSG00000196562
20	45781790	45782088	45781939	16	19	15	1.29913023	0.214784	SULF2	ENSG00000196562
20	45782867	45783432	45783033	15	30	33	0.947600874	0.586988	SULF2	ENSG00000196562
20	45783886	45784277	45784130	14	21	15	1.429043253	0.134782	SULF2	ENSG00000196562
20	45786159	45786521	45786347	9	15	29	0.554295565	0.975664	SULF2	ENSG00000196562
20	45786630	45787991	45787664	34	95	88	1.12104721	0.218381	SULF2	ENSG00000196562
20	45789008	45789420	45789241	10	18	11	1.645564958	0.0828462	SULF2	ENSG00000196562
20	45790100	45790437	45790268	14	18	22	0.85855563	0.691398	SULF2	ENSG00000196562
20	45790477	45790787	45790632	10	13	16	0.855897563	0.670115	SULF2	ENSG00000196562
20	45791190	45791429	45791318	10	12	10	1.228268581	0.305344	SULF2	ENSG00000196562
20	45791573	45792255	45791919	13	34	30	1.17340795	0.257326	SULF2	ENSG00000196562
20	45792322	45792584	45792443	12	13	13	1.039304184	0.45974	SULF2	ENSG00000196562
20	45792978	45793334	45793201	12	17	22	0.813368492	0.747743	SULF2	ENSG00000196562

20	45794001	45794220	45794054	8	9	15	0.649565115	0.865365	SULF2	ENSG00000196562
20	45794496	45794785	45794624	10	14	23	0.649565115	0.910621	SULF2	ENSG00000196562
20	45795030	45795342	45795186	15	19	17	1.154782427	0.327751	SULF2	ENSG00000196562
20	45796049	45797062	45796398	14	45	63	0.746999882	0.936434	SULF2	ENSG00000196562
20	45797091	45797470	45797270	11	17	26	0.692869456	0.890806	SULF2	ENSG00000196562
20	45797536	45798291	45798120	12	34	22	1.581549846	0.0410466	SULF2	ENSG00000196562
20	45798294	45798779	45798600	14	24	21	1.181027482	0.2833	SULF2	ENSG00000196562
20	45798895	45799580	45799074	10	28	18	1.586306386	0.0554746	SULF2	ENSG00000196562
20	45799788	45800001	45799894	9	10	7	1.429043253	0.21536	SULF2	ENSG00000196562
20	45800067	45800698	45800209	20	35	14	2.494330042	0.000827091	SULF2	ENSG00000196562
20	45801082	45802070	45801865	13	46	40	1.191397479	0.205212	SULF2	ENSG00000196562
20	45802473	45802912	45802735	10	16	36	0.477518139	0.995828	SULF2	ENSG00000196562
20	45803180	45804214	45803515	11	44	49	0.935373766	0.628563	SULF2	ENSG00000196562
20	45804230	45804802	45804572	10	22	23	0.995999843	0.506279	SULF2	ENSG00000196562
20	45804821	45805083	45804952	8	10	11	0.952695502	0.548138	SULF2	ENSG00000196562
20	45805171	45805451	45805304	10	12	11	1.125912866	0.382541	SULF2	ENSG00000196562
20	45805797	45806232	45806081	8	16	17	0.981565063	0.523072	SULF2	ENSG00000196562
20	45806548	45807297	45806859	8	27	40	0.709768711	0.922248	SULF2	ENSG00000196562
20	45808037	45808496	45808187	10	20	16	1.283846345	0.219275	SULF2	ENSG00000196562
20	45809194	45810217	45809814	14	49	34	1.484720263	0.0346749	SULF2	ENSG00000196562
20	45810288	45810564	45810426	9	12	18	0.711102863	0.834017	SULF2	ENSG00000196562
20	45810845	45811258	45811049	11	20	30	0.70404477	0.896995	SULF2	ENSG00000196562
20	45811463	45811723	45811593	10	13	29	0.485008619	0.990332	SULF2	ENSG00000196562
20	45811825	45812062	45811943	9	9	12	0.799464757	0.707717	SULF2	ENSG00000196562
20	45812522	45812757	45812623	9	10	6	1.63319229	0.146906	SULF2	ENSG00000196562
20	45813588	45814008	45813705	8	15	12	1.279143611	0.251893	SULF2	ENSG00000196562
20	45816604	45816903	45816753	10	15	12	1.279143611	0.251893	SULF2	ENSG00000196562
20	45817723	45818107	45817983	10	15	9	1.662886695	0.0970566	SULF2	ENSG00000196562
20	45818564	45818823	45818720	8	11	10	1.133786383	0.380636	SULF2	ENSG00000196562
20	45820862	45821255	45821029	9	14	11	1.29913023	0.246308	SULF2	ENSG00000196562
20	45821939	45822428	45822118	8	17	7	2.338434415	0.0171287	SULF2	ENSG00000196562
20	45823266	45823558	45823412	9	13	5	2.425043097	0.0262442	SULF2	ENSG00000196562
20	45824512	45824691	45824527	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SULF2	ENSG00000196562
20	45824795	45825055	45824913	9	10	5	1.905391004	0.0915982	SULF2	ENSG00000196562

20	45825335	45825523	45825468	8	9	9	1.039304184	0.466079	SULF2	ENSG00000196562
20	45825932	45826151	45826079	10	12	7	1.688869299	0.11395	SULF2	ENSG00000196562
20	45826396	45826863	45826555	15	25	16	1.589524046	0.0646994	SULF2	ENSG00000196562
20	45828423	45828801	45828602	15	22	8	2.655999582	0.0039122	SULF2	ENSG00000196562
20	45828896	45829293	45829147	8	15	7	2.078608368	0.038229	SULF2	ENSG00000196562
20	45830404	45830671	45830511	8	10	13	0.816596145	0.696946	SULF2	ENSG00000196562
20	45832520	45832796	45832625	8	12	6	1.930136342	0.071303	SULF2	ENSG00000196562
20	45845052	45846209	45845630	11	48	36	1.376375812	0.0693789	SULF2	ENSG00000196562
20	45846233	45847246	45847046	77	135	34	4.038439116	7.97E-17	SULF2	ENSG00000196562
20	45848091	45849610	45848753	27	117	78	1.552378402	0.00109485	SULF2	ENSG00000196562
20	45850090	45850769	45850596	12	30	24	1.288737188	0.170531	SULF2	ENSG00000196562
20	45851181	45852088	45851877	10	38	37	1.066654294	0.388522	SULF2	ENSG00000196562
20	45852413	45852677	45852545	13	16	16	1.039304184	0.455583	SULF2	ENSG00000196562
20	45852955	45853153	45853029	9	12	12	1.039304184	0.461227	SULF2	ENSG00000196562
20	45858281	45858470	45858375	9	9	7	1.29913023	0.286504	SULF2	ENSG00000196562
20	45858862	45859142	45858998	14	14	4	3.117912553	0.00766354	SULF2	ENSG00000196562
20	45863297	45863596	45863444	13	16	5	2.944695189	0.00659886	SULF2	ENSG00000196562
20	45863981	45864162	45864021	10	10	5	1.905391004	0.0915982	SULF2	ENSG00000196562
20	45867764	45867976	45867943	9	12	11	1.125912866	0.382541	SULF2	ENSG00000196562
20	45868965	45869374	45869210	13	20	14	1.455025858	0.129498	SULF2	ENSG00000196562
20	45869527	45869726	45869608	13	14	10	1.417232979	0.185113	SULF2	ENSG00000196562
20	45871263	45872104	45871692	10	33	19	1.766817113	0.0191523	SULF2	ENSG00000196562
20	45872110	45872364	45872235	10	13	9	1.455025858	0.177172	SULF2	ENSG00000196562
20	45873527	45873938	45873789	10	17	17	1.039304184	0.454282	SULF2	ENSG00000196562
20	45874174	45874479	45874318	9	12	11	1.125912866	0.382541	SULF2	ENSG00000196562
20	45876118	45876322	45876232	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SULF2	ENSG00000196562
20	45876585	45877089	45876915	16	26	16	1.650659587	0.048911	SULF2	ENSG00000196562
20	45878621	45879133	45878782	9	18	21	0.897580886	0.637183	SULF2	ENSG00000196562
20	45879297	45880429	45879871	10	46	31	1.526478021	0.0305922	SULF2	ENSG00000196562
20	45880579	45880883	45880731	9	13	15	0.909391161	0.604792	SULF2	ENSG00000196562
20	45881705	45882156	45881864	12	19	11	1.73217364	0.0607469	SULF2	ENSG00000196562
20	45886731	45887029	45886910	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000215448
20	45910565	45910887	45910737	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000215448
20	45912498	45912742	45912603	9	9	12	0.799464757	0.707717		ENSG00000215448

20	45915018	45915223	45915120	12	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000215448
20	45915985	45916414	45916123	9	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000215448
20	45916880	45917270	45917125	12	20	26	0.808347699	0.770998	ENSG00000215448
20	45917320	45917507	45917402	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000215448
20	45917913	45918439	45918215	13	26	11	2.338434415	0.00495238	ENSG00000215448
20	45919518	45919769	45919601	10	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000215448
20	45920205	45920520	45920369	12	16	14	1.177878075	0.320433	ENSG00000215448
20	45920619	45921031	45920798	12	19	12	1.598929514	0.0887417	ENSG00000215448
20	45923178	45923376	45923225	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000215448
20	45923833	45924167	45924004	8	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000215448
20	45924572	45924813	45924683	10	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000215448
20	45926058	45926251	45926190	9	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000215448
20	45928041	45928517	45928338	12	24	18	1.367505506	0.148798	ENSG00000215448
20	45931154	45931467	45931306	10	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000215448
20	45931483	45931673	45931522	8	10	11	0.952695502	0.548138	ENSG00000215448
20	45932907	45933098	45932987	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000215448
20	45935052	45935357	45935202	14	15	17	0.923825942	0.593214	ENSG00000215448
20	45939508	45940136	45939957	10	25	18	1.422205726	0.118245	ENSG00000215448
20	45944765	45945309	45944980	8	20	21	0.992063085	0.511305	ENSG00000215448
20	45946416	45946624	45946575	10	10	13	0.816596145	0.696946	ENSG00000215448
20	45947106	45947617	45947325	8	18	11	1.645564958	0.0828462	ENSG00000215448
20	45948803	45949031	45948877	10	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000215448
20	45949205	45949431	45949256	9	11	11	1.039304184	0.462773	ENSG00000215448
20	45956770	45957097	45956919	8	11	23	0.519652092	0.973215	ENSG00000215448
20	45957115	45957315	45957215	8	9	14	0.692869456	0.822654	ENSG00000215448
20	45957917	45958161	45957993	14	17	8	2.078608368	0.0303558	ENSG00000215448
20	45984351	45984536	45984477	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000215448
20	45986227	45986575	45986410	9	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000215448
20	45987678	45987873	45987775	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000215448
20	45988546	45989040	45988873	11	21	12	1.758822466	0.048324	ENSG00000215448
20	45989244	45989462	45989291	10	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000215448
20	45989735	45990342	45989819	11	27	29	0.970017239	0.547123	ENSG00000215448
20	45990467	45990748	45990625	13	14	15	0.974347673	0.530138	ENSG00000215448
20	45997907	45998139	45998023	8	9	13	0.742360132	0.770276	ENSG00000215448

20	45999571	45999768	45999669	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000215448
20	46001719	46002084	46001890	9	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000215448
20	46003121	46003583	46003300	8	17	10	1.700679574	0.0766266	ENSG00000215448
20	46004971	46005306	46005138	8	10	13	0.816596145	0.696946	ENSG00000215448
20	46006270	46006842	46006514	10	24	34	0.742360132	0.875925	ENSG00000215448
20	46007194	46007560	46007382	9	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000215448
20	46007624	46007940	46007783	11	15	16	0.978168644	0.526483	ENSG00000215448
20	46009756	46009987	46009918	9	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000215448
20	46010714	46010965	46010839	11	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000215448
20	46012091	46012502	46012270	13	20	18	1.148704625	0.329698	ENSG00000215448
20	46015778	46016056	46015917	8	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000215448
20	46016519	46016729	46016654	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000215448
20	46021704	46022030	46021867	9	14	15	0.974347673	0.530138	ENSG00000215448
20	46023345	46023647	46023468	15	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000215448
20	46027762	46028185	46027905	9	17	9	1.870747532	0.0498299	ENSG00000215448
20	46032121	46032434	46032215	14	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000215448
20	46034143	46034841	46034492	11	27	15	1.818782322	0.0247174	ENSG00000215448
20	46037110	46037328	46037216	10	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000215448
20	46041070	46041431	46041249	11	18	8	2.194086611	0.0206188	ENSG00000215448
20	46041788	46042140	46041967	8	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000215448
20	46043035	46043231	46043181	8	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000215448
20	46043727	46043942	46043892	9	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000215448
20	46044310	46044510	46044410	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000215448
20	46045554	46045828	46045691	12	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000215448
20	46046462	46046882	46046706	11	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000215448
20	46046901	46047639	46047431	16	35	23	1.558956276	0.0432947	ENSG00000215448
20	46047747	46047962	46047854	9	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000215448
20	46050743	46051068	46050917	12	15	12	1.279143611	0.251893	ENSG00000215448
20	46052005	46052716	46052349	21	53	30	1.810400837	0.00347549	ENSG00000215448
20	46053411	46055864	46055408	354	631	89	7.298224938	1.24E-106	ENSG00000215448
20	46055909	46056209	46056059	12	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000215448
20	46056359	46056640	46056499	13	17	6	2.672496474	0.00882337	ENSG00000215448
20	46057526	46057734	46057651	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000215448
20	46058478	46058722	46058600	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000215448

20	46060581	46060839	46060710	8	10	13	0.816596145	0.696946	ENSG00000215448
20	46060932	46061535	46061233	8	23	16	1.467252966	0.109416	ENSG00000215448
20	46067972	46068515	46068151	11	25	9	2.702190879	0.00210968	ENSG00000215448
20	46068759	46069025	46068859	8	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000215448
20	46069062	46069311	46069151	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000215448
20	46069433	46069769	46069601	9	15	9	1.662886695	0.0970566	ENSG00000215448
20	46069975	46070194	46070154	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000215448
20	46071103	46071560	46071239	10	18	13	1.41048425	0.160361	ENSG00000215448
20	46074184	46074428	46074318	10	11	17	0.692869456	0.843876	ENSG00000215448
20	46074431	46075375	46074944	33	81	25	3.277805504	4.68E-09	ENSG00000215448
20	46076184	46076529	46076356	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000215448
20	46076772	46077088	46076915	11	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000215448
20	46078199	46078642	46078378	10	19	18	1.094004404	0.389177	ENSG00000215448
20	46078681	46078964	46078762	8	13	9	1.455025858	0.177172	ENSG00000215448
20	46079733	46079968	46079885	8	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000215448
20	46082889	46083215	46083052	9	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000215448
20	46084338	46084954	46084548	13	29	24	1.247165021	0.205527	ENSG00000215448
20	46086337	46086537	46086457	11	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000215448
20	46087454	46087735	46087619	9	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000215448
20	46090682	46091044	46090812	10	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000215448
20	46092041	46092226	46092154	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000215448
20	46092679	46092968	46092823	8	11	19	0.623582511	0.908792	ENSG00000215448
20	46093285	46093472	46093439	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000215448
20	46093643	46093876	46093819	10	11	19	0.623582511	0.908792	ENSG00000215448
20	46094323	46094566	46094420	8	10	18	0.601702422	0.917232	ENSG00000215448
20	46095959	46096355	46096099	13	18	10	1.795161773	0.055383	ENSG00000215448
20	46096948	46097138	46097045	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000215448
20	46097639	46098188	46097915	8	22	15	1.493999765	0.104649	ENSG00000215448
20	46098372	46098574	46098462	9	10	15	0.714521627	0.810948	ENSG00000215448
20	46099119	46099706	46099233	11	26	18	1.476905946	0.0928898	ENSG00000215448
20	46099872	46100298	46100119	11	19	8	2.309564854	0.0138337	ENSG00000215448
20	46101831	46102057	46101944	14	17	9	1.870747532	0.0498299	ENSG00000215448
20	46102199	46102650	46102389	8	17	21	0.850339787	0.697991	ENSG00000215448
20	46103103	46103524	46103250	11	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000215448

20	46103767	46104039	46103903	9	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000215448
20	46104253	46104451	46104402	8	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000215448
20	46104484	46104685	46104581	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000215448
20	46104991	46105307	46105128	10	15	16	0.978168644	0.526483	ENSG00000215448
20	46105407	46105722	46105564	12	16	12	1.359090087	0.198699	ENSG00000215448
20	46106364	46106650	46106507	9	14	11	1.29913023	0.246308	ENSG00000215448
20	46107587	46107767	46107664	9	9	11	0.86608682	0.635181	ENSG00000215448
20	46108035	46108237	46108107	9	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000215448
20	46108387	46108877	46108566	13	26	21	1.275509681	0.196223	ENSG00000215448
20	46108972	46109310	46109146	12	17	11	1.558956276	0.111389	ENSG00000215448
20	46109384	46109624	46109504	14	16	16	1.039304184	0.455583	ENSG00000215448
20	46109839	46110196	46110017	10	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000215448
20	46111359	46111575	46111469	12	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000215448
20	46112785	46113198	46112963	11	17	7	2.338434415	0.0171287	ENSG00000215448
20	46113216	46113578	46113428	13	20	15	1.364086742	0.171319	ENSG00000215448
20	46113588	46113860	46113718	10	15	24	0.665154678	0.903869	ENSG00000215448
20	46113866	46114566	46114284	15	37	48	0.805991	0.843182	ENSG00000215448
20	46114573	46115033	46114854	10	21	32	0.692869456	0.912769	ENSG00000215448
20	46115788	46116335	46116042	10	24	37	0.683752753	0.93359	ENSG00000215448
20	46116589	46116919	46116746	12	17	12	1.439036563	0.154203	ENSG00000215448
20	46117394	46118057	46117708	16	34	21	1.653438475	0.0295967	ENSG00000215448
20	46118061	46118856	46118513	12	33	39	0.883408557	0.704258	ENSG00000215448
20	46118915	46119199	46119045	16	19	8	2.309564854	0.0138337	ENSG00000215448
20	46119264	46120021	46119667	11	36	29	1.281808494	0.154243	ENSG00000215448
20	46120354	46120595	46120500	9	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000215448
20	46123344	46123574	46123459	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000215448
20	46124595	46124923	46124759	8	13	18	0.765803083	0.780427	ENSG00000215448
20	46125743	46127108	46126425	19	71	57	1.290170711	0.0732216	ENSG00000215448
20	46127118	46127433	46127275	14	16	19	0.883408557	0.649033	ENSG00000215448
20	46128449	46128657	46128552	9	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000215448
20	46130599	46130831	46130715	10	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000215448
20	46134291	46134697	46134518	9	16	14	1.177878075	0.320433	ENSG00000215448
20	46135731	46135967	46135849	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000215448
20	46136092	46136374	46136233	11	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000215448

20	46137671	46137859	46137820	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000215448
20	46137867	46138351	46138109	12	24	24	1.039304184	0.446062	ENSG00000215448
20	46138363	46138603	46138428	9	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000215448
20	46140163	46140739	46140451	9	23	19	1.247165021	0.230782	ENSG00000215448
20	46140742	46141149	46141041	9	16	16	1.039304184	0.455583	ENSG00000215448
20	46141940	46142164	46142071	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000215448
20	46142980	46143259	46143158	8	11	16	0.733626483	0.800067	ENSG00000215448
20	46143394	46143634	46143508	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000215448
20	46144424	46144609	46144516	8	8	12	0.719518281	0.783103	ENSG00000215448
20	46146190	46146499	46146336	9	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000215448
20	46148180	46148519	46148349	8	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000215448
20	46151130	46151458	46151300	10	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000215448
20	46152400	46152644	46152515	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000215448
20	46152716	46153049	46152916	11	15	9	1.662886695	0.0970566	ENSG00000215448
20	46156678	46156997	46156832	13	15	14	1.10859113	0.386477	ENSG00000215448
20	46157038	46157239	46157099	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000215448
20	46158487	46158915	46158809	10	19	12	1.598929514	0.0887417	ENSG00000215448
20	46160209	46160590	46160365	12	20	22	0.948929907	0.57038	ENSG00000215448
20	46160663	46160960	46160824	8	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000215448
20	46161645	46161829	46161737	9	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000215448
20	46162189	46162549	46162420	8	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000215448
20	46162589	46162946	46162767	16	21	8	2.540521339	0.00602138	ENSG00000215448
20	46163260	46163534	46163428	8	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000215448
20	46164293	46164665	46164495	9	16	6	2.524024447	0.0137633	ENSG00000215448
20	46164844	46165033	46164938	9	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000215448
20	46165664	46165978	46165833	17	20	23	0.909391161	0.626666	ENSG00000215448
20	46166106	46166475	46166246	14	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000215448
20	46166587	46166960	46166757	12	18	10	1.795161773	0.055383	ENSG00000215448
20	46167341	46167885	46167506	15	26	5	4.676868829	3.65E-05	ENSG00000215448
20	46168367	46168916	46168737	25	43	22	1.988234092	0.00288957	ENSG00000215448
20	46170986	46171235	46171105	8	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000215448
20	46171566	46171752	46171694	8	9	11	0.86608682	0.635181	ENSG00000215448
20	46175321	46175641	46175483	9	14	10	1.417232979	0.185113	ENSG00000215448
20	46175871	46176050	46175960	8	8	10	0.850339787	0.645072	ENSG00000215448

20	46177694	46177971	46177831	9	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000215448
20	46178792	46179111	46178951	12	17	12	1.439036563	0.154203	ENSG00000215448
20	46179274	46179453	46179394	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ENSG00000215448
20	46190474	46190791	46190623	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000215448
20	46191518	46191758	46191638	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000215448
20	46192624	46192940	46192787	11	14	6	2.227080395	0.0322529	ENSG00000215448
20	46199933	46200187	46200071	8	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000215448
20	46204406	46204783	46204585	10	17	6	2.672496474	0.00882337	ENSG00000215448
20	46206366	46206730	46206590	8	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000215448
20	46207946	46208192	46208049	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000215448
20	46208517	46208847	46208726	10	15	5	2.771477825	0.0105836	ENSG00000215448
20	46209390	46209576	46209471	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000215448
20	46210822	46211323	46210997	10	20	13	1.558956276	0.0943292	ENSG00000215448
20	46211959	46212202	46212080	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000215448
20	46228394	46228802	46228565	11	18	11	1.645564958	0.0828462	ENSG00000215448
20	46235879	46236207	46236052	11	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000215448
20	46238386	46238579	46238481	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000215448
20	46240712	46240923	46240802	8	11	0	12.47165021	0.000193293	ENSG00000215448
20	46249364	46249589	46249437	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000215448
20	46251359	46251769	46251538	19	27	13	2.078608368	0.00998554	ENSG00000215448
20	46259738	46259967	46259873	8	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000215448
20	46280012	46280205	46280108	11	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000215448
20	46282323	46282533	46282446	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000215448
20	46283220	46283519	46283387	10	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000215448
20	46286541	46286875	46286708	9	11	13	0.890832158	0.618492	ENSG00000215448
20	46292128	46292529	46292304	9	16	12	1.359090087	0.198699	ENSG00000215448
20	46296736	46296971	46296854	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000215448
20	46301211	46301864	46301390	11	27	12	2.23850132	0.00591854	ENSG00000215448
20	46305156	46305335	46305232	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000215448
20	46307250	46307704	46307347	11	19	6	2.969440526	0.0035096	ENSG00000215448
20	46308850	46309184	46309017	11	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000215448
20	46311685	46312024	46311926	8	12	5	2.251825733	0.0404733	ENSG00000215448
20	46314548	46314785	46314715	8	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000215448
20	46315723	46315999	46315853	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000215448

20	46325264	46325589	46325426	10	15	6	2.375552421	0.0212094	PREX1	ENSG00000124126
20	46327494	46327775	46327628	8	11	12	0.959357709	0.543005	PREX1	ENSG00000124126
20	46332751	46332975	46332863	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PREX1	ENSG00000124126
20	46337618	46337848	46337733	10	10	8	1.27026067	0.293854	PREX1	ENSG00000124126
20	46340357	46340641	46340499	8	12	6	1.930136342	0.071303	PREX1	ENSG00000124126
20	46343412	46343596	46343472	8	9	9	1.039304184	0.466079	PREX1	ENSG00000124126
20	46352108	46352293	46352200	8	8	5	1.558956276	0.191397	PREX1	ENSG00000124126
20	46355005	46355301	46355158	9	13	6	2.078608368	0.0483393	PREX1	ENSG00000124126
20	46357681	46358029	46357855	10	16	12	1.359090087	0.198699	PREX1	ENSG00000124126
20	46360884	46361932	46361408	16	54	36	1.544911625	0.0189833	PREX1	ENSG00000124126
20	46363412	46363666	46363541	9	12	4	2.702190879	0.0203088	PREX1	ENSG00000124126
20	46367169	46367394	46367281	8	10	4	2.286469205	0.0509017	PREX1	ENSG00000124126
20	46376683	46376879	46376781	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PREX1	ENSG00000124126
20	46378993	46379322	46379221	8	12	3	3.377738599	0.00867157	PREX1	ENSG00000124126
20	46381187	46381551	46381407	10	15	18	0.875203524	0.655562	PREX1	ENSG00000124126
20	46391042	46391309	46391174	9	11	8	1.385738912	0.224757	PREX1	ENSG00000124126
20	46391624	46391843	46391728	8	9	5	1.73217364	0.133894	PREX1	ENSG00000124126
20	46394300	46395134	46394860	13	42	36	1.207839998	0.19865	PREX1	ENSG00000124126
20	46396158	46396451	46396304	10	12	3	3.377738599	0.00867157	PREX1	ENSG00000124126
20	46397905	46398120	46398000	9	10	3	2.858086507	0.0242838	PREX1	ENSG00000124126
20	46402717	46403003	46402824	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PREX1	ENSG00000124126
20	46406824	46407058	46406971	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PREX1	ENSG00000124126
20	46416590	46417130	46416951	10	21	14	1.524312804	0.0996258	PREX1	ENSG00000124126
20	46420663	46420956	46420809	8	13	9	1.455025858	0.177172	PREX1	ENSG00000124126
20	46432852	46433099	46432967	12	14	10	1.417232979	0.185113	PREX1	ENSG00000124126
20	46436384	46436642	46436468	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PREX1	ENSG00000124126
20	46439079	46439344	46439250	9	10	7	1.429043253	0.21536	PREX1	ENSG00000124126
20	46446024	46446368	46446196	8	14	11	1.29913023	0.246308	PREX1	ENSG00000124126
20	46452178	46452499	46452338	9	13	4	2.910051716	0.0125532	PREX1	ENSG00000124126
20	46457498	46457813	46457640	8	12	5	2.251825733	0.0404733	PREX1	ENSG00000124126
20	46458376	46458735	46458555	10	17	4	3.741495063	0.00163722	PREX1	ENSG00000124126
20	46461952	46462146	46461974	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PREX1	ENSG00000124126
20	46467484	46467729	46467606	8	10	6	1.63319229	0.146906	PREX1	ENSG00000124126
20	46474249	46474428	46474352	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PREX1	ENSG00000124126

20	46483741	46484039	46483888	14	18	19	0.987338975	0.516858	PREX1	ENSG00000124126
20	46484119	46484339	46484239	8	9	10	0.944821986	0.553851	PREX1	ENSG00000124126
20	46495106	46495392	46495249	14	17	8	2.078608368	0.0303558	PREX1	ENSG00000124126
20	46516923	46517155	46517039	8	9	6	1.484720263	0.204387	PREX1	ENSG00000124126
20	46520019	46520330	46520154	11	14	10	1.417232979	0.185113	PREX1	ENSG00000124126
20	46521047	46521462	46521178	8	15	3	4.157216737	0.00170423	PREX1	ENSG00000124126
20	46522324	46522824	46522574	14	29	30	1.005778243	0.491622	PREX1	ENSG00000124126
20	46523194	46523668	46523493	9	17	13	1.336248237	0.204556	PREX1	ENSG00000124126
20	46524562	46525211	46524892	11	24	17	1.443478034	0.113942	PREX1	ENSG00000124126
20	46529289	46529550	46529411	9	10	20	0.54439743	0.955421	PREX1	ENSG00000124126
20	46541176	46541364	46541283	8	9	6	1.484720263	0.204387	PREX1	ENSG00000124126
20	46541992	46542203	46542097	10	11	10	1.133786383	0.380636	PREX1	ENSG00000124126
20	46544577	46544815	46544709	8	8	5	1.558956276	0.191397	PREX1	ENSG00000124126
20	46565010	46565735	46565483	18	47	43	1.133786383	0.273137	PREX1	ENSG00000124126
20	46572816	46573014	46572894	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PREX1	ENSG00000124126
20	46573073	46573480	46573308	20	27	16	1.711795127	0.0365811	PREX1	ENSG00000124126
20	46574810	46575042	46574955	8	10	7	1.429043253	0.21536	PREX1	ENSG00000124126
20	46577395	46577696	46577535	10	11	7	1.558956276	0.158273	PREX1	ENSG00000124126
20	46585724	46586459	46586072	10	30	25	1.239170374	0.208284	PREX1	ENSG00000124126
20	46586576	46587013	46586755	9	18	9	1.97467795	0.0349428	PREX1	ENSG00000124126
20	46588482	46588805	46588652	22	24	18	1.367505506	0.148798	PREX1	ENSG00000124126
20	46593953	46594144	46594074	9	10	6	1.63319229	0.146906	PREX1	ENSG00000124126
20	46594324	46594635	46594485	12	15	7	2.078608368	0.038229	PREX1	ENSG00000124126
20	46594999	46595192	46595103	8	9	5	1.73217364	0.133894	PREX1	ENSG00000124126
20	46604307	46604600	46604453	10	13	7	1.818782322	0.0805123	PREX1	ENSG00000124126
20	46605333	46605566	46605449	12	12	13	0.965068171	0.538344	PREX1	ENSG00000124126
20	46608234	46608419	46608329	8	10	7	1.429043253	0.21536	PREX1	ENSG00000124126
20	46609834	46610089	46609993	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PREX1	ENSG00000124126
20	46611488	46611677	46611582	8	9	6	1.484720263	0.204387	PREX1	ENSG00000124126
20	46617673	46618432	46618052	30	60	16	3.729267955	4.94E-08	PREX1	ENSG00000124126
20	46621994	46622489	46622324	18	30	14	2.147895314	0.00561491	PREX1	ENSG00000124126
20	46631003	46631363	46631151	9	14	3	3.897390691	0.00295882	PREX1	ENSG00000124126
20	46658204	46658607	46658358	8	15	3	4.157216737	0.00170423	PREX1	ENSG00000124126
20	46658784	46658973	46658900	8	9	9	1.039304184	0.466079	PREX1	ENSG00000124126

20	46659268	46659718	46659419	10	18	12	1.518983039	0.117837	PREX1	ENSG00000124126
20	46663948	46664133	46664070	8	8	11	0.779478138	0.719708	PREX1	ENSG00000124126
20	46669614	46669882	46669747	13	16	10	1.606197376	0.104477	PREX1	ENSG00000124126
20	46670348	46671872	46671112	19	75	31	2.468347438	3.22E-06	PREX1	ENSG00000124126
20	46672403	46672906	46672733	11	23	13	1.781664316	0.0385539	PREX1	ENSG00000124126
20	46685619	46686028	46685862	12	20	13	1.558956276	0.0943292	PREX1	ENSG00000124126
20	46692466	46692711	46692588	8	11	8	1.385738912	0.224757	PREX1	ENSG00000124126
20	46707592	46708089	46707910	20	36	17	2.13634749	0.00297834	PREX1	ENSG00000124126
20	46708640	46708918	46708779	8	12	4	2.702190879	0.0203088	PREX1	ENSG00000124126
20	46711603	46712270	46711782	11	27	14	1.940034477	0.0160556	PREX1	ENSG00000124126
20	46713642	46713962	46713802	8	14	11	1.29913023	0.246308	PREX1	ENSG00000124126
20	46730890	46731069	46730979	10	11	8	1.385738912	0.224757	PREX1	ENSG00000124126
20	46732025	46732432	46732204	8	16	13	1.262012224	0.256887	PREX1	ENSG00000124126
20	46735950	46736851	46736189	12	40	17	2.367303975	0.000680164	PREX1	ENSG00000124126
20	46737734	46737913	46737823	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000212716
20	46747705	46748385	46747939	21	40	34	1.217470616	0.194943		ENSG00000212716
20	46748611	46749321	46749099	12	32	28	1.182656486	0.253749		ENSG00000212716
20	46750572	46750827	46750699	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000212716
20	46754824	46755569	46755342	13	34	26	1.347246165	0.119935		ENSG00000212716
20	46755719	46755906	46755850	8	9	15	0.649565115	0.865365		ENSG00000212716
20	46755933	46756220	46756076	9	12	12	1.039304184	0.461227		ENSG00000212716
20	46756857	46757215	46757094	9	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000212716
20	46758392	46758580	46758507	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000212716
20	46760317	46760587	46760357	8	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000212716
20	46760733	46761117	46760973	11	18	10	1.795161773	0.055383		ENSG00000212716
20	46769291	46769480	46769385	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000212716
20	46770197	46770522	46770357	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000212716
20	46770615	46770913	46770764	9	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000212716
20	46771563	46771830	46771694	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000212716
20	46776864	46777065	46776964	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212716
20	46791838	46792131	46791996	13	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000212716
20	46797211	46797455	46797341	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212716
20	46800365	46800713	46800538	11	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000212716
20	46807888	46808073	46807980	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000212716

20	46813081	46813412	46813246	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000212716
20	46815338	46815517	46815427	8	8	8	1.039304184	0.46786	PREX1	ENSG00000124126
20	46820113	46820292	46820202	8	8	5	1.558956276	0.191397	PREX1	ENSG00000124126
20	46822693	46822905	46822799	8	9	10	0.944821986	0.553851	PREX1	ENSG00000124126
20	46824172	46824538	46824348	10	16	7	2.208521392	0.0257604	PREX1	ENSG00000124126
20	46824828	46825008	46824903	8	10	5	1.905391004	0.0915982	PREX1	ENSG00000124126
20	46828676	46828858	46828792	8	8	4	1.870747532	0.118863	PREX1	ENSG00000124126
20	46834502	46834696	46834530	8	9	5	1.73217364	0.133894	PREX1	ENSG00000124126
20	46839310	46839649	46839479	8	13	8	1.616695398	0.123553	PREX1	ENSG00000124126
20	46843072	46843309	46843192	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PREX1	ENSG00000124126
20	46844480	46844659	46844588	9	9	4	2.078608368	0.0785659	PREX1	ENSG00000124126
20	46845708	46846307	46845962	12	24	22	1.129678461	0.335754	PREX1	ENSG00000124126
20	46849945	46850145	46850035	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PREX1	ENSG00000124126
20	46851525	46851726	46851625	8	9	6	1.484720263	0.204387	PREX1	ENSG00000124126
20	46853076	46853269	46853170	9	9	5	1.73217364	0.133894	PREX1	ENSG00000124126
20	46858301	46858720	46858479	14	20	13	1.558956276	0.0943292	PREX1	ENSG00000124126
20	46858923	46859311	46859102	9	15	8	1.847651883	0.0631662	PREX1	ENSG00000124126
20	46859755	46860033	46859898	12	15	4	3.32577339	0.00462646	PREX1	ENSG00000124126
20	46862579	46862841	46862758	9	12	10	1.228268581	0.305344	PREX1	ENSG00000124126
20	46862973	46863397	46863107	10	16	8	1.963130126	0.0441028	PREX1	ENSG00000124126
20	46865474	46865668	46865571	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PREX1	ENSG00000124126
20	46869176	46869570	46869404	8	15	7	2.078608368	0.038229	PREX1	ENSG00000124126
20	46869728	46869977	46869818	9	12	10	1.228268581	0.305344	PREX1	ENSG00000124126
20	46872723	46872930	46872843	8	9	5	1.73217364	0.133894	PREX1	ENSG00000124126
20	46874828	46875138	46874983	9	12	17	0.750608578	0.78992	PREX1	ENSG00000124126
20	46876132	46876451	46876291	8	11	10	1.133786383	0.380636	PREX1	ENSG00000124126
20	46877106	46877453	46877248	9	14	7	1.948695345	0.0559175	PREX1	ENSG00000124126
20	46878484	46878888	46878709	10	20	10	1.98412617	0.0277883	PREX1	ENSG00000124126
20	46879279	46879470	46879351	8	9	7	1.29913023	0.286504	PREX1	ENSG00000124126
20	46882363	46882602	46882450	11	13	10	1.32275078	0.240023	PREX1	ENSG00000124126
20	46886028	46886560	46886448	8	18	15	1.234173719	0.265435	PREX1	ENSG00000124126
20	46892441	46892621	46892543	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PREX1	ENSG00000124126
20	46901881	46902081	46901976	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PREX1	ENSG00000124126
20	46903731	46903977	46903898	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PREX1	ENSG00000124126

20	46912279	46912612	46912445	10	16	12	1.359090087	0.198699	PREX1	ENSG00000124126
20	46914039	46914592	46914288	12	23	20	1.187776211	0.280921	PREX1	ENSG00000124126
20	46914732	46915285	46914931	18	34	28	1.254332636	0.181679	PREX1	ENSG00000124126
20	46919822	46920005	46919971	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PREX1	ENSG00000124126
20	46928691	46929027	46928859	8	12	5	2.251825733	0.0404733	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46929262	46929521	46929391	9	10	8	1.27026067	0.293854	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46950027	46950472	46950295	9	17	14	1.247165021	0.261378	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46951275	46951565	46951420	10	15	10	1.511715177	0.140236	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46954794	46955380	46955083	18	31	25	1.279143611	0.173528	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46956243	46956585	46956414	11	14	8	1.73217364	0.0890835	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46959588	46959781	46959692	8	9	5	1.73217364	0.133894	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46966633	46966943	46966788	10	12	13	0.965068171	0.538344	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46970412	46970704	46970547	10	14	6	2.227080395	0.0322529	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46971301	46971728	46971470	15	24	21	1.181027482	0.2833	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46972095	46972513	46972336	12	23	16	1.467252966	0.109416	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46972985	46973239	46973095	9	11	14	0.831443347	0.68719	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46973341	46973520	46973430	8	9	17	0.577391213	0.925885	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	46973528	46973711	46973566	8	8	10	0.850339787	0.645072	ARFGEF2	ENSG00000124198
20	47328317	47328710	47328581	8	13	6	2.078608368	0.0483393	C20orf199	ENSG00000177410
20	47422103	47422540	47422279	9	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000212304
20	47534182	47534459	47534305	9	12	3	3.377738599	0.00867157	KCNB1	ENSG00000158445
20	47584305	47584524	47584428	10	10	3	2.858086507	0.0242838	PTGIS	ENSG00000124212
20	47612602	47612784	47612689	8	10	0	11.43234603	0.000394183	PTGIS	ENSG00000124212
20	47644108	47644409	47644281	12	13	2	4.850086193	0.00164564	PTGIS	ENSG00000124212
20	47820039	47820432	47820270	18	25	1	13.5109544	1.28E-07	SNRPPF1	ENSG00000217373
20	47861157	47861336	47861246	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLC9A8	ENSG00000197818
20	47885025	47885364	47885192	21	25	1	13.5109544	1.28E-07		ENSG00000220552
20	47909826	47910037	47909931	10	12	10	1.228268581	0.305344		ENSG00000220552
20	47949575	47949783	47949704	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SPATA2	ENSG00000158480
20	48069505	48069772	48069645	17	20	1	10.91269393	3.71E-06	SNAI1	ENSG00000124216
20	48083796	48084020	48083910	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TMEM189	ENSG00000124208
20	48087668	48087902	48087772	9	10	4	2.286469205	0.0509017	TMEM189	ENSG00000124208
20	48092876	48093119	48092960	8	11	4	2.494330042	0.0324033	TMEM189	ENSG00000124208
20	48176708	48176923	48176815	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TMEM189	ENSG00000124208

20	48212778	48212964	48212871	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TMEM189	ENSG00000124208
20	48215887	48216238	48216033	18	22	5	3.983999373	0.000317941	TMEM189	ENSG00000124208
20	48296948	48297134	48297041	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000203999
20	48333968	48334193	48334059	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000203999
20	48334718	48334933	48334825	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000203999
20	48421982	48422370	48422176	25	33	3	8.834085566	3.36E-08		ENSG00000210745
20	48477857	48478206	48478027	15	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000210745
20	48518140	48518319	48518229	8	9	2	3.464347281	0.0163838	COX6CP2	ENSG00000217066
20	48719978	48721722	48720685	72	186	76	2.524024447	3.13E-13	FAM65C	ENSG00000042062
20	48721804	48722158	48721981	9	15	10	1.511715177	0.140236	FAM65C	ENSG00000042062
20	48722379	48724585	48723599	15	106	87	1.263699406	0.0512063	FAM65C	ENSG00000042062
20	48724855	48725399	48725114	9	24	21	1.181027482	0.2833	FAM65C	ENSG00000042062
20	48725422	48725682	48725534	9	12	21	0.614134291	0.924528	FAM65C	ENSG00000042062
20	48725796	48726384	48726127	10	22	23	0.995999843	0.506279	FAM65C	ENSG00000042062
20	48726495	48726677	48726606	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FAM65C	ENSG00000042062
20	48726815	48727355	48727198	13	25	24	1.080876352	0.390444	FAM65C	ENSG00000042062
20	48727844	48728892	48728478	27	70	51	1.419049944	0.0264676	FAM65C	ENSG00000042062
20	48729234	48729422	48729300	8	8	9	0.935373766	0.560286	FAM65C	ENSG00000042062
20	48729748	48730908	48730095	18	68	79	0.896399859	0.748362	FAM65C	ENSG00000042062
20	48731274	48732347	48731795	18	54	63	0.893152033	0.731919	FAM65C	ENSG00000042062
20	48733013	48733385	48733206	13	20	20	1.039304184	0.450588	FAM65C	ENSG00000042062
20	48733986	48734669	48734218	18	36	37	1.011954074	0.479962	FAM65C	ENSG00000042062
20	48735759	48736008	48735883	9	13	20	0.692869456	0.861903	FAM65C	ENSG00000042062
20	48736946	48737553	48737282	16	40	31	1.331608486	0.110337	FAM65C	ENSG00000042062
20	48738340	48738766	48738488	9	17	24	0.748299013	0.830231	FAM65C	ENSG00000042062
20	48739408	48741438	48739964	29	137	112	1.269238738	0.0295939	FAM65C	ENSG00000042062
20	48741817	48742205	48742026	11	18	20	0.940322833	0.578675	FAM65C	ENSG00000042062
20	48742209	48742455	48742323	9	10	13	0.816596145	0.696946	FAM65C	ENSG00000042062
20	48742624	48742833	48742728	9	11	10	1.133786383	0.380636	FAM65C	ENSG00000042062
20	48742918	48743338	48743159	17	27	15	1.818782322	0.0247174	FAM65C	ENSG00000042062
20	48743759	48743966	48743917	8	10	11	0.952695502	0.548138	FAM65C	ENSG00000042062
20	48744431	48745897	48745722	16	72	72	1.039304184	0.408073	FAM65C	ENSG00000042062
20	48746199	48747074	48746760	12	43	28	1.576875314	0.02645	FAM65C	ENSG00000042062
20	48749212	48749852	48749666	10	29	32	0.944821986	0.590257	FAM65C	ENSG00000042062

20	48750214	48751946	48750914	17	96	89	1.120138954	0.218783	FAM65C	ENSG00000042062
20	48752161	48752990	48752570	14	39	25	1.598929514	0.0289496	FAM65C	ENSG00000042062
20	48753484	48753878	48753560	12	19	24	0.831443347	0.733913	FAM65C	ENSG00000042062
20	48753929	48754160	48754022	9	11	12	0.959357709	0.543005	FAM65C	ENSG00000042062
20	48754403	48755211	48754807	17	45	40	1.166048597	0.236372	FAM65C	ENSG00000042062
20	48757509	48758104	48757724	13	32	30	1.106356067	0.342646	FAM65C	ENSG00000042062
20	48758848	48759325	48759020	17	29	17	1.73217364	0.029443	FAM65C	ENSG00000042062
20	48759383	48759851	48759672	11	22	23	0.995999843	0.506279	FAM65C	ENSG00000042062
20	48760447	48760709	48760578	10	13	11	1.212521548	0.309909	FAM65C	ENSG00000042062
20	48760894	48761528	48761349	45	76	51	1.538969657	0.00748235	FAM65C	ENSG00000042062
20	48762051	48762354	48762199	8	12	26	0.500405718	0.98391	PARD6B	ENSG00000124171
20	48762467	48763193	48762881	15	31	29	1.10859113	0.342043	PARD6B	ENSG00000124171
20	48763305	48764238	48763864	23	64	51	1.29913023	0.0784939	PARD6B	ENSG00000124171
20	48764719	48765022	48764863	8	13	9	1.455025858	0.177172	PARD6B	ENSG00000124171
20	48765062	48765308	48765215	11	15	19	0.831443347	0.712423	PARD6B	ENSG00000124171
20	48765345	48765595	48765497	8	11	14	0.831443347	0.68719	PARD6B	ENSG00000124171
20	48765709	48766170	48765855	21	31	22	1.44598843	0.0857085	PARD6B	ENSG00000124171
20	48766343	48766818	48766484	19	40	31	1.331608486	0.110337	PARD6B	ENSG00000124171
20	48767885	48769358	48768570	24	84	77	1.132575073	0.213172	PARD6B	ENSG00000124171
20	48769423	48769613	48769519	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PARD6B	ENSG00000124171
20	48769715	48770159	48769989	13	18	26	0.731362204	0.856292	PARD6B	ENSG00000124171
20	48770638	48770922	48770786	11	14	18	0.820503303	0.720361	PARD6B	ENSG00000124171
20	48771872	48772147	48772009	8	11	10	1.133786383	0.380636	PARD6B	ENSG00000124171
20	48772304	48773409	48772976	12	51	59	0.900730293	0.710777	PARD6B	ENSG00000124171
20	48773773	48774109	48773941	15	19	15	1.29913023	0.214784	PARD6B	ENSG00000124171
20	48774304	48775514	48775007	30	94	80	1.218937006	0.0944896	PARD6B	ENSG00000124171
20	48776285	48776906	48776595	12	32	29	1.143234603	0.297045	PARD6B	ENSG00000124171
20	48776956	48781623	48779668	178	678	371	1.897009519	1.44E-24	PARD6B	ENSG00000124171
20	48781798	48783141	48782531	30	106	79	1.390069346	0.0123786	PARD6B	ENSG00000124171
20	48783267	48784096	48783519	26	65	49	1.371881523	0.044547	PARD6B	ENSG00000124171
20	48784986	48785187	48785086	8	9	6	1.484720263	0.204387	PARD6B	ENSG00000124171
20	48785268	48785595	48785431	18	24	27	0.927950164	0.608665	PARD6B	ENSG00000124171
20	48785675	48786709	48785878	20	73	73	1.039304184	0.407455	PARD6B	ENSG00000124171
20	48786846	48787867	48787024	13	46	51	0.93937109	0.623052	PARD6B	ENSG00000124171

20	48788298	48788676	48788406	8	14	17	0.86608682	0.662567	PARD6B	ENSG00000124171
20	48788738	48789181	48788917	15	23	21	1.133786383	0.33446	PARD6B	ENSG00000124171
20	48789438	48790028	48789849	12	31	42	0.773435672	0.867273	PARD6B	ENSG00000124171
20	48790187	48790508	48790359	10	14	16	0.917033104	0.598778	PARD6B	ENSG00000124171
20	48790695	48790992	48790843	11	15	15	1.039304184	0.456923	PARD6B	ENSG00000124171
20	48791076	48791407	48791247	10	13	23	0.606260774	0.937372	PARD6B	ENSG00000124171
20	48791740	48792136	48791935	12	21	11	1.905391004	0.031399	PARD6B	ENSG00000124171
20	48792563	48793592	48793290	22	63	57	1.14681841	0.224338	PARD6B	ENSG00000124171
20	48793769	48794050	48793902	11	14	5	2.598260461	0.0167748	PARD6B	ENSG00000124171
20	48794245	48795208	48794504	62	121	66	1.892464335	8.47E-06	PARD6B	ENSG00000124171
20	48795297	48796899	48796560	16	83	89	0.970017239	0.580098	PARD6B	ENSG00000124171
20	48796975	48797569	48797312	20	41	29	1.455025858	0.0560877	PARD6B	ENSG00000124171
20	48797631	48797920	48797783	21	23	24	0.997732017	0.503931	PARD6B	ENSG00000124171
20	48798295	48798739	48798474	12	22	28	0.824275732	0.75853	PARD6B	ENSG00000124171
20	48798809	48799022	48798924	8	9	13	0.742360132	0.770276	PARD6B	ENSG00000124171
20	48799192	48800595	48799744	19	82	55	1.540397273	0.00569343	PARD6B	ENSG00000124171
20	48800613	48800943	48800766	14	19	8	2.309564854	0.0138337	PARD6B	ENSG00000124171
20	48800996	48801399	48801175	8	15	9	1.662886695	0.0970566	PARD6B	ENSG00000124171
20	48801759	48802177	48801918	10	16	12	1.359090087	0.198699	PARD6B	ENSG00000124171
20	48803736	48803947	48803870	12	13	5	2.425043097	0.0262442	PARD6B	ENSG00000124171
20	48804386	48804794	48804587	14	23	26	0.923825942	0.612844	PARD6B	ENSG00000124171
20	48804926	48805657	48805285	12	36	34	1.098692995	0.344552	PARD6B	ENSG00000124171
20	48806307	48806627	48806473	15	19	31	0.649565115	0.939158	PARD6B	ENSG00000124171
20	48806697	48806970	48806833	10	13	21	0.66137539	0.892612	PARD6B	ENSG00000124171
20	48806991	48807618	48807170	14	28	13	2.152844382	0.00695052	PARD6B	ENSG00000124171
20	48808021	48808236	48808099	10	11	9	1.247165021	0.300052	PARD6B	ENSG00000124171
20	48808504	48808952	48808773	14	23	34	0.712665726	0.903143	PARD6B	ENSG00000124171
20	48808959	48809364	48809258	10	18	18	1.039304184	0.453018	PARD6B	ENSG00000124171
20	48809470	48809721	48809547	8	11	6	1.781664316	0.103344	PARD6B	ENSG00000124171
20	48809756	48810266	48810011	9	19	21	0.944821986	0.574409	PARD6B	ENSG00000124171
20	48810477	48810701	48810589	8	11	23	0.519652092	0.973215	PARD6B	ENSG00000124171
20	48811201	48812480	48811784	132	299	148	2.09255876	1.40E-14	PARD6B	ENSG00000124171
20	48812512	48813350	48812956	26	73	47	1.602260617	0.00489821	PARD6B	ENSG00000124171
20	48813992	48814564	48814265	107	154	62	2.557018231	1.76E-11	BCAS4	ENSG00000124243

20	48814568	48814796	48814682	20	23	24	0.997732017	0.503931	BCAS4	ENSG00000124243
20	48815333	48815658	48815495	8	13	11	1.212521548	0.309909	BCAS4	ENSG00000124243
20	48815731	48815991	48815899	10	13	15	0.909391161	0.604792	BCAS4	ENSG00000124243
20	48816423	48816712	48816573	13	16	16	1.039304184	0.455583	BCAS4	ENSG00000124243
20	48816782	48817429	48817176	11	30	23	1.342434571	0.13686	BCAS4	ENSG00000124243
20	48818039	48818253	48818146	8	8	12	0.719518281	0.783103	BCAS4	ENSG00000124243
20	48820872	48821152	48821012	12	13	6	2.078608368	0.0483393	BCAS4	ENSG00000124243
20	48822661	48823004	48822832	11	16	10	1.606197376	0.104477	BCAS4	ENSG00000124243
20	48823166	48823356	48823219	11	12	3	3.377738599	0.00867157	BCAS4	ENSG00000124243
20	48824526	48824778	48824644	12	14	8	1.73217364	0.0890835	BCAS4	ENSG00000124243
20	48826238	48826885	48826417	13	31	32	1.007810118	0.488049	BCAS4	ENSG00000124243
20	48827404	48827757	48827580	12	18	16	1.161575265	0.325582	BCAS4	ENSG00000124243
20	48829599	48829902	48829750	8	13	14	0.970017239	0.534076	BCAS4	ENSG00000124243
20	48830010	48830253	48830127	8	10	23	0.476347751	0.983843	BCAS4	ENSG00000124243
20	48831748	48832117	48831992	10	16	26	0.654376709	0.9196	BCAS4	ENSG00000124243
20	48832584	48832885	48832734	10	15	13	1.187776211	0.317363	BCAS4	ENSG00000124243
20	48833165	48833638	48833464	12	20	19	1.091269393	0.389566	BCAS4	ENSG00000124243
20	48833784	48834068	48833911	9	11	20	0.593888105	0.931657	BCAS4	ENSG00000124243
20	48834106	48834380	48834243	11	15	29	0.554295565	0.975664	BCAS4	ENSG00000124243
20	48834495	48834685	48834590	8	9	7	1.29913023	0.286504	BCAS4	ENSG00000124243
20	48835521	48835717	48835679	8	11	14	0.831443347	0.68719	BCAS4	ENSG00000124243
20	48836025	48836361	48836193	14	20	20	1.039304184	0.450588	BCAS4	ENSG00000124243
20	48836599	48836802	48836744	8	10	9	1.143234603	0.378307	BCAS4	ENSG00000124243
20	48837178	48837418	48837297	9	11	7	1.558956276	0.158273	BCAS4	ENSG00000124243
20	48837807	48838889	48838155	71	125	87	1.488094627	0.00192229	BCAS4	ENSG00000124243
20	48839940	48841614	48840814	64	180	144	1.297338327	0.00949019	BCAS4	ENSG00000124243
20	48842696	48844913	48844151	25	149	132	1.172147576	0.0907344	BCAS4	ENSG00000124243
20	48844933	48846102	48845186	26	91	70	1.346704013	0.0289273	BCAS4	ENSG00000124243
20	48847020	48847582	48847193	16	32	38	0.879411233	0.708418	BCAS4	ENSG00000124243
20	48848156	48848730	48848493	14	25	25	1.039304184	0.44499	BCAS4	ENSG00000124243
20	48848885	48849219	48849052	15	21	21	1.039304184	0.449418	BCAS4	ENSG00000124243
20	48849228	48849677	48849504	15	27	27	1.039304184	0.442908	BCAS4	ENSG00000124243
20	48849682	48850504	48850316	15	45	44	1.062399833	0.386413	BCAS4	ENSG00000124243
20	48851495	48851710	48851577	8	9	13	0.742360132	0.770276	BCAS4	ENSG00000124243

20	48851716	48852318	48851895	23	41	17	2.425043097	0.000462592	BCAS4	ENSG00000124243
20	48853201	48853531	48853366	10	13	22	0.632619938	0.917511	BCAS4	ENSG00000124243
20	48853801	48854058	48853929	8	11	11	1.039304184	0.462773	BCAS4	ENSG00000124243
20	48854203	48855149	48854895	18	47	35	1.385738912	0.0675879	BCAS4	ENSG00000124243
20	48855188	48855794	48855491	12	27	29	0.970017239	0.547123	BCAS4	ENSG00000124243
20	48855950	48856494	48856040	13	26	27	1.002186178	0.497439	BCAS4	ENSG00000124243
20	48859985	48860616	48860337	27	51	27	1.930136342	0.0019303	BCAS4	ENSG00000124243
20	48860744	48861245	48861014	13	22	11	1.991999686	0.0221672	BCAS4	ENSG00000124243
20	48862944	48863521	48863298	10	24	40	0.633722064	0.966896	BCAS4	ENSG00000124243
20	48863666	48863877	48863821	8	11	19	0.623582511	0.908792	BCAS4	ENSG00000124243
20	48889106	48889322	48889214	13	14	1	7.794781382	0.000197021	TMSL6	ENSG00000189262
20	48906154	48906336	48906262	8	8	4	1.870747532	0.118863	TMSL6	ENSG00000189262
20	49042374	49042688	49042531	12	15	2	5.542955649	0.000497081	KCNG1	ENSG00000026559
20	49150478	49150663	49150570	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219218
20	49172661	49172884	49172774	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000219218
20	49176357	49176545	49176479	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000219218
20	49249267	49249461	49249370	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000219218
20	49273247	49273460	49273353	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000219218
20	49435997	49436272	49436116	8	11	6	1.781664316	0.103344	NFATC2	ENSG00000101096
20	49502871	49503137	49502975	9	11	0	12.47165021	0.000193293	NFATC2	ENSG00000101096
20	49504369	49504599	49504473	11	11	7	1.558956276	0.158273	NFATC2	ENSG00000101096
20	49506642	49507060	49506767	9	17	4	3.741495063	0.00163722	NFATC2	ENSG00000101096
20	49746294	49746508	49746401	9	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000215444
20	49750746	49750949	49750847	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000215444
20	49765700	49765999	49765849	11	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000215444
20	49766470	49766743	49766606	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000215444
20	49800037	49800544	49800391	10	19	16	1.222710805	0.269115		ENSG00000215444
20	49816938	49817123	49817052	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ATP9A	ENSG00000054793
20	49817491	49817901	49817722	9	15	5	2.771477825	0.0105836	ATP9A	ENSG00000054793
20	49818987	49819250	49819118	8	11	7	1.558956276	0.158273	ATP9A	ENSG00000054793
20	49847443	49847753	49847605	11	14	8	1.73217364	0.0890835	SALL4	ENSG00000101115
20	49850087	49850397	49850264	10	12	2	4.503651465	0.002963	SALL4	ENSG00000101115
20	49850948	49851145	49851043	8	8	13	0.668124118	0.835294	SALL4	ENSG00000101115
20	49851283	49851758	49851520	12	21	11	1.905391004	0.031399	SALL4	ENSG00000101115

20	49851779	49851979	49851842	8	9	5	1.73217364	0.133894	SALL4	ENSG00000101115
20	49852560	49852805	49852707	9	11	10	1.133786383	0.380636	SALL4	ENSG00000101115
20	49853080	49853431	49853255	10	16	11	1.472347594	0.147517	SALL4	ENSG00000101115
20	49865313	49865515	49865410	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SALL4	ENSG00000101115
20	49883270	49883552	49883411	10	14	10	1.417232979	0.185113	SALL4	ENSG00000101115
20	49906754	49906960	49906858	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210764
20	49939822	49940225	49939921	11	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000210764
20	49960417	49960704	49960555	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000210768
20	49968024	49968319	49968171	14	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000210768
20	49968362	49968825	49968658	11	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000210768
20	49973677	49973916	49973796	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000210768
20	49984547	49984815	49984654	11	13	12	1.11925066	0.384109		ENSG00000210768
20	50012314	50012571	50012439	9	12	14	0.900730293	0.611333		ENSG00000210768
20	50012650	50012850	50012699	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000210768
20	50016239	50016689	50016533	10	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000210768
20	50016877	50017113	50017009	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000210768
20	50020962	50021273	50021117	12	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000210768
20	50027947	50028453	50028278	48	64	0	67.55477198	7.65E-21		ENSG00000210768
20	50035021	50035311	50035166	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000210768
20	50089813	50090031	50089922	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ZFP64	ENSG00000020256
20	50144722	50144985	50144859	12	13	2	4.850086193	0.00164564	ZFP64	ENSG00000020256
20	50423147	50423342	50423244	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221024
20	51267104	51267387	51267240	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000199218
20	51584253	51584471	51584337	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000206959
20	51597781	51597969	51597944	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000206959
20	51615156	51615387	51615271	13	16	24	0.706726845	0.870131		ENSG00000197670
20	51615629	51616180	51616001	22	41	22	1.897859815	0.00548724		ENSG00000197670
20	51616772	51616980	51616924	10	10	17	0.635130335	0.889407		ENSG00000197670
20	51617236	51618145	51617437	18	63	71	0.923825942	0.678682		ENSG00000197670
20	51618286	51619354	51619150	16	58	71	0.85165204	0.821322	ZNF217	ENSG00000171940
20	51619625	51620146	51619790	11	25	37	0.711102863	0.913296	ZNF217	ENSG00000171940
20	51620154	51620837	51620764	17	42	46	0.950852764	0.595361	ZNF217	ENSG00000171940
20	51620862	51621244	51621072	19	27	32	0.881833853	0.689746	ZNF217	ENSG00000171940
20	51621580	51622236	51621744	13	31	39	0.831443347	0.784215	ZNF217	ENSG00000171940

20	51622392	51623227	51622904	19	48	71	0.707304236	0.970871	ZNF217	ENSG00000171940
20	51623989	51624579	51624352	20	38	33	1.192143035	0.225763	ZNF217	ENSG00000171940
20	51624667	51627263	51624846	21	163	137	1.235115117	0.0333523	ZNF217	ENSG00000171940
20	51627383	51627899	51627693	10	22	25	0.919384471	0.617223	ZNF217	ENSG00000171940
20	51627910	51633281	51628942	53	406	406	1.039304184	0.291241	ZNF217	ENSG00000171940
20	51635284	51635502	51635351	10	11	8	1.385738912	0.224757	ZNF217	ENSG00000171940
20	51635669	51635998	51635833	10	11	12	0.959357709	0.543005	ZNF217	ENSG00000171940
20	51636672	51637088	51636820	15	22	25	0.919384471	0.617223	ZNF217	ENSG00000171940
20	51638531	51638814	51638656	9	12	14	0.900730293	0.611333	ZNF217	ENSG00000171940
20	51639246	51639658	51639419	11	19	13	1.484720263	0.123861	ZNF217	ENSG00000171940
20	51639777	51640054	51639908	9	12	13	0.965068171	0.538344	ZNF217	ENSG00000171940
20	51640070	51640281	51640175	9	9	9	1.039304184	0.466079	ZNF217	ENSG00000171940
20	51640553	51640770	51640661	8	10	15	0.714521627	0.810948	ZNF217	ENSG00000171940
20	51640976	51641229	51641087	9	12	7	1.688869299	0.11395	ZNF217	ENSG00000171940
20	51641261	51641701	51641440	10	18	17	1.097043306	0.388692	ZNF217	ENSG00000171940
20	51642190	51643569	51642944	18	77	51	1.558956276	0.00596516	ZNF217	ENSG00000171940
20	51644624	51645325	51644792	27	63	54	1.209372142	0.149617	ZNF217	ENSG00000171940
20	51645758	51645996	51645877	9	12	7	1.688869299	0.11395	ZNF217	ENSG00000171940
20	51646042	51650177	51647299	127	472	356	1.377005264	2.22E-06	ZNF217	ENSG00000171940
20	51650403	51650797	51650618	14	22	14	1.593599749	0.0756559	ZNF217	ENSG00000171940
20	51650806	51651452	51651138	25	49	37	1.367505506	0.0711352	ZNF217	ENSG00000171940
20	51652268	51653168	51652848	14	41	37	1.148704625	0.267139	ZNF217	ENSG00000171940
20	51653915	51654103	51654009	8	9	13	0.742360132	0.770276	ZNF217	ENSG00000171940
20	51654581	51655107	51654756	11	22	13	1.707428303	0.0525925	ZNF217	ENSG00000171940
20	51655707	51656044	51655875	12	17	8	2.078608368	0.0303558	ZNF217	ENSG00000171940
20	51656194	51656942	51656507	20	48	62	0.808347699	0.869992	ZNF217	ENSG00000171940
20	51657680	51657923	51657806	10	12	15	0.84443465	0.678289	ZNF217	ENSG00000171940
20	51657963	51660406	51659704	25	178	185	1.000190586	0.499542	ZNF217	ENSG00000171940
20	51660522	51660738	51660630	9	11	8	1.385738912	0.224757	ZNF217	ENSG00000171940
20	51660934	51661226	51661047	10	13	8	1.616695398	0.123553	ZNF217	ENSG00000171940
20	51661266	51662139	51661563	21	49	63	0.811956394	0.867074	ZNF217	ENSG00000171940
20	51662257	51662883	51662577	26	49	52	0.980475646	0.540501	ZNF217	ENSG00000171940
20	51663025	51664217	51663448	23	80	87	0.95663226	0.613983	ZNF217	ENSG00000171940
20	51665334	51666202	51665696	12	36	27	1.373366243	0.100282	ZNF217	ENSG00000171940

20	51666706	51666937	51666798	8	12	12	1.039304184	0.461227	ZNF217	ENSG00000171940
20	51667180	51667462	51667321	14	17	18	0.984603964	0.519872	ZNF217	ENSG00000171940
20	51667713	51668447	51668009	22	50	29	1.766817113	0.00568405	ZNF217	ENSG00000171940
20	51668581	51668872	51668726	9	12	9	1.35109544	0.232899	ZNF217	ENSG00000171940
20	51669279	51670005	51669807	17	36	43	0.873960337	0.728899	ZNF217	ENSG00000171940
20	51671205	51674596	51671801	70	564	448	1.307810388	1.02E-05	ZNF217	ENSG00000171940
20	51674976	51675525	51675406	9	21	26	0.846840446	0.721382	ZNF217	ENSG00000171940
20	51675795	51676233	51676045	13	24	20	1.237266886	0.234075	ZNF217	ENSG00000171940
20	51676391	51676855	51676567	19	27	29	0.970017239	0.547123	ZNF217	ENSG00000171940
20	51677705	51678330	51678151	13	27	32	0.881833853	0.689746	ZNF217	ENSG00000171940
20	51678829	51679290	51679059	20	28	20	1.435229588	0.100491	ZNF217	ENSG00000171940
20	51679488	51679733	51679610	13	15	15	1.039304184	0.456923	ZNF217	ENSG00000171940
20	51679746	51680294	51680042	10	19	27	0.742360132	0.849695	ZNF217	ENSG00000171940
20	51681127	51681395	51681274	9	12	4	2.702190879	0.0203088	ZNF217	ENSG00000171940
20	51681471	51682409	51681823	21	62	60	1.073379731	0.346635	ZNF217	ENSG00000171940
20	51683001	51683354	51683169	11	15	2	5.542955649	0.000497081	ZNF217	ENSG00000171940
20	51683473	51683965	51683786	9	18	21	0.897580886	0.637183	ZNF217	ENSG00000171940
20	51684097	51684542	51684422	21	33	70	0.497694961	0.99974	ZNF217	ENSG00000171940
20	51684827	51685764	51685396	24	72	70	1.068580358	0.345295	ZNF217	ENSG00000171940
20	51685951	51686685	51686431	23	48	35	1.414608473	0.0551653	ZNF217	ENSG00000171940
20	51686773	51687288	51686952	17	33	31	1.104260696	0.343195	ZNF217	ENSG00000171940
20	51687297	51687625	51687448	12	16	18	0.929903744	0.58804	ZNF217	ENSG00000171940
20	51687833	51688232	51688012	21	29	22	1.355614153	0.133482	ZNF217	ENSG00000171940
20	51688343	51688522	51688469	8	8	9	0.935373766	0.560286	ZNF217	ENSG00000171940
20	51688714	51690419	51689396	23	129	143	0.938260722	0.701449	ZNF217	ENSG00000171940
20	51691175	51691375	51691286	11	12	7	1.688869299	0.11395	ZNF217	ENSG00000171940
20	51691410	51691668	51691503	12	15	11	1.385738912	0.19225	ZNF217	ENSG00000171940
20	51691845	51692358	51692023	22	34	27	1.29913023	0.148943	ZNF217	ENSG00000171940
20	51692374	51693602	51693311	27	111	84	1.369436102	0.0138808	ZNF217	ENSG00000171940
20	51693654	51694110	51693831	13	25	16	1.589524046	0.0646994	ZNF217	ENSG00000171940
20	51694139	51694691	51694415	12	25	20	1.286757561	0.192726	ZNF217	ENSG00000171940
20	51694743	51694954	51694851	9	10	9	1.143234603	0.378307	ZNF217	ENSG00000171940
20	51695209	51696216	51695550	21	54	60	0.937077543	0.63763	ZNF217	ENSG00000171940
20	51696359	51696906	51696598	14	25	32	0.818845721	0.77985	ZNF217	ENSG00000171940

20	51697211	51698099	51697722	14	40	52	0.803990029	0.855167	ZNF217	ENSG00000171940
20	51699217	51699542	51699386	10	13	11	1.212521548	0.309909	ZNF217	ENSG00000171940
20	51700260	51700545	51700402	8	12	16	0.794762023	0.738004	ZNF217	ENSG00000171940
20	51700878	51701073	51700975	8	8	6	1.336248237	0.277651	ZNF217	ENSG00000171940
20	51701647	51703588	51703182	33	149	147	1.053348835	0.326902	ZNF217	ENSG00000171940
20	51703727	51704086	51703906	9	16	15	1.104260696	0.387363	ZNF217	ENSG00000171940
20	51704451	51704758	51704615	17	19	23	0.86608682	0.685164	ZNF217	ENSG00000171940
20	51704762	51705663	51705061	48	126	92	1.419264854	0.00485	ZNF217	ENSG00000171940
20	51705802	51709204	51706538	42	295	297	1.032328988	0.349209	ZNF217	ENSG00000171940
20	51709271	51709537	51709404	9	13	17	0.808347699	0.728863	ZNF217	ENSG00000171940
20	51709596	51710113	51709890	17	28	31	0.941869417	0.59365	ZNF217	ENSG00000171940
20	51710290	51712055	51711719	29	146	171	0.88824253	0.855089	ZNF217	ENSG00000171940
20	51712368	51712921	51712651	21	36	30	1.240459833	0.186503	ZNF217	ENSG00000171940
20	51713017	51713409	51713244	11	17	23	0.779478138	0.791839	ZNF217	ENSG00000171940
20	51714016	51714851	51714397	23	70	62	1.171279319	0.179801	ZNF217	ENSG00000171940
20	51714964	51715574	51715405	12	31	22	1.44598843	0.0857085	ZNF217	ENSG00000171940
20	51715995	51716780	51716174	18	39	38	1.065953009	0.388248	ZNF217	ENSG00000171940
20	51716911	51717421	51717178	15	27	33	0.855897563	0.7313	ZNF217	ENSG00000171940
20	51717527	51717899	51717730	12	18	14	1.316451967	0.209896	ZNF217	ENSG00000171940
20	51718043	51718320	51718187	17	19	36	0.561786046	0.983925	ZNF217	ENSG00000171940
20	51719056	51719747	51719568	24	60	52	1.196180288	0.169128	ZNF217	ENSG00000171940
20	51721165	51721822	51721319	17	36	43	0.873960337	0.728899	ZNF217	ENSG00000171940
20	51722105	51722376	51722240	10	14	13	1.113540197	0.385405	ZNF217	ENSG00000171940
20	51722397	51722932	51722745	22	40	40	1.039304184	0.430928	ZNF217	ENSG00000171940
20	51723197	51724412	51723588	17	58	45	1.333020584	0.0704822	ZNF217	ENSG00000171940
20	51725240	51725734	51725487	15	27	30	0.93872636	0.597175	ZNF217	ENSG00000171940
20	51726452	51730381	51729891	46	339	365	0.965473832	0.679868	ZNF217	ENSG00000171940
20	51730490	51731093	51730665	16	37	40	0.963257537	0.566947	ZNF217	ENSG00000171940
20	51731273	51731681	51731477	19	27	24	1.164020686	0.289415	ZNF217	ENSG00000171940
20	51731697	51732363	51731940	16	34	31	1.136738952	0.299433	ZNF217	ENSG00000171940
20	51732559	51733015	51732806	18	31	33	0.978168644	0.536565	ZNF217	ENSG00000171940
20	51733317	51733981	51733855	21	37	52	0.745161491	0.91931	ZNF217	ENSG00000171940
20	51734779	51736428	51736096	35	161	121	1.380059654	0.0034141	ZNF217	ENSG00000171940
20	51737138	51737764	51737431	11	29	37	0.820503303	0.793644	ZNF217	ENSG00000171940

20	51737875	51738423	51738149	18	38	38	1.039304184	0.432628	ZNF217	ENSG00000171940
20	51738621	51739256	51739089	14	26	29	0.935373766	0.600845	ZNF217	ENSG00000171940
20	51740239	51740839	51740493	18	34	30	1.17340795	0.257326	ZNF217	ENSG00000171940
20	51740904	51742269	51741712	64	181	155	1.212521548	0.0383105	ZNF217	ENSG00000171940
20	51742440	51743603	51742619	18	68	81	0.874536448	0.79538	ZNF217	ENSG00000171940
20	51744463	51745003	51744630	10	22	26	0.885333194	0.668299	ZNF217	ENSG00000171940
20	51745046	51746604	51745863	22	88	82	1.114434607	0.238522	ZNF217	ENSG00000171940
20	51747911	51748385	51748090	14	24	25	0.999330946	0.501681	ZNF217	ENSG00000171940
20	51748568	51748946	51748771	13	20	23	0.909391161	0.626666	ZNF217	ENSG00000171940
20	51749002	51749243	51749167	10	12	5	2.251825733	0.0404733	ZNF217	ENSG00000171940
20	51749248	51749995	51749781	27	73	79	0.96135637	0.597198	ZNF217	ENSG00000171940
20	51750755	51751390	51751025	13	28	34	0.861137753	0.726418	ZNF217	ENSG00000171940
20	51751515	51751857	51751686	14	19	21	0.944821986	0.574409	ZNF217	ENSG00000171940
20	51752366	51752650	51752508	9	12	12	1.039304184	0.461227	ZNF217	ENSG00000171940
20	51752861	51753072	51752966	8	11	10	1.133786383	0.380636	ZNF217	ENSG00000171940
20	51753243	51753564	51753402	8	11	13	0.890832158	0.618492	ZNF217	ENSG00000171940
20	51754006	51754222	51754070	9	9	9	1.039304184	0.466079	ZNF217	ENSG00000171940
20	51754741	51755255	51755071	12	21	31	0.714521627	0.891579	ZNF217	ENSG00000171940
20	51755959	51758654	51756579	34	266	254	1.088212616	0.167062	ZNF217	ENSG00000171940
20	51758711	51759054	51758883	14	19	16	1.222710805	0.269115	ZNF217	ENSG00000171940
20	51759628	51760007	51759766	11	16	18	0.929903744	0.58804	ZNF217	ENSG00000171940
20	51760403	51760649	51760484	10	10	2	3.810782009	0.00936112	ZNF217	ENSG00000171940
20	51760735	51764248	51761920	26	250	217	1.196630047	0.0260161	ZNF217	ENSG00000171940
20	51764290	51764997	51764491	28	61	67	0.947600874	0.621236	ZNF217	ENSG00000171940
20	51765154	51765836	51765389	16	38	44	0.900730293	0.685154	ZNF217	ENSG00000171940
20	51766092	51766906	51766509	14	35	41	0.890832158	0.696295	ZNF217	ENSG00000171940
20	51767187	51767505	51767344	10	13	17	0.808347699	0.728863	ZNF217	ENSG00000171940
20	51767706	51768637	51768066	18	62	87	0.744047314	0.964775	ZNF217	ENSG00000171940
20	51769048	51769327	51769187	8	10	16	0.672490943	0.854309	ZNF217	ENSG00000171940
20	51769402	51769832	51769563	18	26	30	0.905200419	0.649195	ZNF217	ENSG00000171940
20	51770312	51770679	51770533	8	14	15	0.974347673	0.530138	ZNF217	ENSG00000171940
20	51770804	51771345	51771058	16	36	32	1.165280449	0.260519	ZNF217	ENSG00000171940
20	51771457	51771931	51771646	18	29	14	2.078608368	0.00804141	ZNF217	ENSG00000171940
20	51771982	51772445	51772293	18	27	34	0.831443347	0.769295	ZNF217	ENSG00000171940

20	51772519	51773248	51773069	21	43	61	0.737570711	0.940868	ZNF217	ENSG00000171940
20	51773279	51773520	51773403	12	15	21	0.755857589	0.807439	ZNF217	ENSG00000171940
20	51773529	51774047	51773868	14	25	45	0.5874328	0.986959	ZNF217	ENSG00000171940
20	51774188	51774562	51774390	10	14	15	0.974347673	0.530138	ZNF217	ENSG00000171940
20	51774965	51775493	51775269	22	40	41	1.014558847	0.474186	ZNF217	ENSG00000171940
20	51775695	51776404	51775821	17	42	47	0.931043332	0.634344	ZNF217	ENSG00000171940
20	51776552	51777093	51776750	20	40	23	1.775477981	0.0110428	ZNF217	ENSG00000171940
20	51777376	51778810	51778222	23	87	79	1.143234603	0.192615	ZNF217	ENSG00000171940
20	51779467	51780157	51779712	14	30	47	0.671217286	0.960835	ZNF217	ENSG00000171940
20	51780415	51780670	51780542	10	11	28	0.430056904	0.9954	ZNF217	ENSG00000171940
20	51781315	51782147	51781804	17	48	53	0.943072315	0.617786	ZNF217	ENSG00000171940
20	51782390	51782702	51782546	9	14	18	0.820503303	0.720361	ZNF217	ENSG00000171940
20	51782768	51783600	51783304	15	43	72	0.626429919	0.993757	ZNF217	ENSG00000171940
20	51783924	51784717	51784417	29	71	65	1.133786383	0.230141	ZNF217	ENSG00000171940
20	51784887	51785211	51785035	12	16	18	0.929903744	0.58804		ENSG00000149617
20	51785328	51786465	51785957	30	120	100	1.245106993	0.0512902		ENSG00000149617
20	51786550	51793121	51788201	37	595	561	1.102180238	0.0489287		ENSG00000149617
20	51793395	51793988	51793617	27	51	58	0.915996908	0.678893		ENSG00000149617
20	51794084	51794994	51794434	11	38	57	0.698842469	0.960388		ENSG00000149617
20	51795853	51796647	51796250	18	51	48	1.102935053	0.311007		ENSG00000149617
20	51796738	51797460	51796980	18	34	23	1.515651935	0.0555079		ENSG00000149617
20	51797681	51797996	51797838	9	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000149617
20	51798054	51800150	51799215	26	173	182	0.988190864	0.544988		ENSG00000149617
20	51800460	51805318	51800897	68	546	437	1.29794381	2.23E-05		ENSG00000149617
20	51805637	51806038	51805865	12	19	25	0.799464757	0.777638		ENSG00000149617
20	51806070	51806997	51806252	47	105	80	1.360077081	0.0179558		ENSG00000149617
20	51807412	51808199	51807834	21	46	43	1.110165833	0.308777		ENSG00000149617
20	51808483	51809180	51808698	18	43	55	0.816596145	0.844828		ENSG00000149617
20	51809548	51809875	51809711	9	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000149617
20	51809889	51810660	51810098	17	52	57	0.949708996	0.607911		ENSG00000149617
20	51810724	51810921	51810879	8	10	16	0.672490943	0.854309		ENSG00000149617
20	51810934	51811152	51811037	10	10	19	0.571617301	0.938875		ENSG00000149617
20	51811234	51811682	51811590	11	20	29	0.727512929	0.872335		ENSG00000149617
20	51811773	51812291	51812016	18	31	38	0.852762408	0.750053		ENSG00000149617

20	51812551	51812883	51812718	11	13	19	0.727512929	0.824686	ENSG00000149617
20	51813084	51814974	51814098	29	168	181	0.965068171	0.630808	ENSG00000149617
20	51815939	51816830	51816512	32	64	38	1.73217364	0.00281343	ENSG00000149617
20	51816985	51818010	51817256	26	94	84	1.161575265	0.157333	ENSG00000149617
20	51818056	51819622	51818398	33	147	126	1.211157632	0.0561291	ENSG00000149617
20	51820270	51820605	51820437	10	15	29	0.554295565	0.975664	ENSG00000149617
20	51820816	51821328	51821149	13	27	24	1.164020686	0.289415	ENSG00000149617
20	51821364	51822044	51821881	20	41	45	0.948929907	0.598027	ENSG00000149617
20	51822169	51822867	51822530	14	35	35	1.039304184	0.435264	ENSG00000149617
20	51823053	51825407	51823868	47	269	228	1.225380479	0.0116598	ENSG00000149617
20	51825481	51826202	51825814	20	50	54	0.963718425	0.576186	ENSG00000149617
20	51826204	51826574	51826470	21	26	29	0.935373766	0.600845	ENSG00000149617
20	51827262	51828629	51828300	29	117	96	1.264308183	0.0428764	ENSG00000149617
20	51829217	51830364	51829557	22	63	57	1.14681841	0.224338	ENSG00000149617
20	51831558	51831933	51831758	10	17	20	0.890832158	0.642922	ENSG00000149617
20	51832272	51833331	51832617	16	60	62	1.006310401	0.486446	ENSG00000149617
20	51833709	51834507	51834328	15	36	43	0.873960337	0.728899	ENSG00000149617
20	51835095	51839003	51836189	163	542	353	1.594186927	2.38E-12	ENSG00000149617
20	51839099	51840253	51839767	28	97	84	1.198256589	0.110495	ENSG00000149617
20	51840402	51841483	51840989	66	212	146	1.505930553	5.74E-05	ENSG00000149617
20	51841488	51841902	51841723	10	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000149617
20	51842036	51845065	51843928	307	623	231	2.795369875	3.80E-46	ENSG00000149617
20	51845233	51845585	51845409	18	24	16	1.528388506	0.0846311	ENSG00000149617
20	51845881	51846376	51846060	11	20	18	1.148704625	0.329698	ENSG00000149617
20	51846648	51847462	51847106	20	44	58	0.792689632	0.881934	ENSG00000149617
20	51847644	51848148	51847812	16	27	25	1.11925066	0.338965	ENSG00000149617
20	51848150	51849467	51848930	17	80	74	1.122448519	0.235124	ENSG00000149617
20	51849523	51851649	51850694	27	166	179	0.964243326	0.633096	ENSG00000149617
20	51851855	51852439	51852260	25	51	36	1.460643718	0.0373494	ENSG00000149617
20	51852654	51853261	51852975	22	39	51	0.799464757	0.858707	ENSG00000149617
20	51853716	51854343	51854028	20	46	36	1.320197207	0.101366	ENSG00000149617
20	51854572	51856405	51855968	108	350	197	1.842402872	1.05E-12	ENSG00000149617
20	51856529	51857374	51856951	31	71	67	1.100439724	0.285443	ENSG00000149617
20	51857807	51858215	51857985	12	18	21	0.897580886	0.637183	ENSG00000149617

20	51858223	51858526	51858396	10	13	20	0.692869456	0.861903	ENSG00000149617
20	51858714	51859846	51859521	19	85	115	0.770518619	0.967559	ENSG00000149617
20	51859906	51860369	51860190	10	17	28	0.645085356	0.932662	ENSG00000149617
20	51860526	51861074	51860806	16	34	50	0.71324797	0.940766	ENSG00000149617
20	51861090	51861270	51861146	8	9	13	0.742360132	0.770276	ENSG00000149617
20	51861273	51862314	51861605	21	59	46	1.326771299	0.0718759	ENSG00000149617
20	51862587	51863031	51862819	16	26	21	1.275509681	0.196223	ENSG00000149617
20	51863074	51864383	51863931	30	110	99	1.153627645	0.149505	ENSG00000149617
20	51864494	51865408	51864797	15	49	60	0.851888676	0.801352	ENSG00000149617
20	51865411	51865613	51865491	8	11	17	0.692869456	0.843876	ENSG00000149617
20	51865820	51866329	51866150	22	34	26	1.347246165	0.119935	ENSG00000149617
20	51867621	51867987	51867771	10	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000149617
20	51868007	51868215	51868043	8	11	12	0.959357709	0.543005	ENSG00000149617
20	51868239	51868643	51868533	11	18	20	0.940322833	0.578675	ENSG00000149617
20	51869072	51869307	51869160	13	15	12	1.279143611	0.251893	ENSG00000149617
20	51869424	51870892	51869716	38	125	65	1.98412617	1.73E-06	ENSG00000149617
20	51871514	51872001	51871693	16	30	30	1.039304184	0.439924	ENSG00000149617
20	51872566	51875070	51873667	18	138	146	0.982743412	0.558876	ENSG00000149617
20	51875199	51875600	51875362	16	24	30	0.838148536	0.747023	ENSG00000149617
20	51875620	51876316	51875836	16	40	78	0.539385716	0.999522	ENSG00000149617
20	51876361	51877607	51877110	26	77	101	0.794762023	0.937964	ENSG00000149617
20	51877628	51880274	51878762	40	297	273	1.130338127	0.0714434	ENSG00000149617
20	51880277	51880859	51880456	25	41	32	1.32275078	0.112657	ENSG00000149617
20	51880868	51881419	51881047	9	20	14	1.455025858	0.129498	ENSG00000149617
20	51881662	51882863	51882430	22	80	80	1.039304184	0.403246	ENSG00000149617
20	51882951	51884633	51883262	30	127	114	1.156790744	0.128042	ENSG00000149617
20	51884693	51885039	51884879	17	22	15	1.493999765	0.104649	ENSG00000149617
20	51885200	51886164	51885606	17	59	46	1.326771299	0.0718759	ENSG00000149617
20	51886434	51886854	51886675	15	23	16	1.467252966	0.109416	ENSG00000149617
20	51886898	51887581	51887229	16	37	59	0.658225983	0.979921	ENSG00000149617
20	51888258	51888825	51888563	19	36	30	1.240459833	0.186503	ENSG00000149617
20	51889320	51890325	51889932	23	94	68	1.430926051	0.0111335	ENSG00000149617
20	51890330	51890987	51890651	22	43	41	1.08879486	0.346438	ENSG00000149617
20	51891023	51891424	51891186	11	18	24	0.78987118	0.784577	ENSG00000149617

20	51891966	51892235	51892057	11	14	16	0.917033104	0.598778	ENSG00000149617
20	51892248	51892874	51892573	15	30	49	0.644368594	0.975009	ENSG00000149617
20	51892914	51893139	51893049	9	10	21	0.519652092	0.967869	ENSG00000149617
20	51893493	51893731	51893620	13	14	17	0.86608682	0.662567	ENSG00000149617
20	51893778	51894045	51893937	9	10	17	0.635130335	0.889407	ENSG00000149617
20	51894110	51894601	51894282	15	26	30	0.905200419	0.649195	ENSG00000149617
20	51894747	51895349	51895034	15	32	19	1.714851904	0.0256863	ENSG00000149617
20	51895565	51895814	51895728	8	10	21	0.519652092	0.967869	ENSG00000149617
20	51895862	51896580	51896154	22	51	33	1.589524046	0.0163624	ENSG00000149617
20	51896590	51898784	51897687	25	185	188	1.022807292	0.413748	ENSG00000149617
20	51899319	51899935	51899736	24	45	50	0.937411617	0.625775	ENSG00000149617
20	51900026	51900902	51900485	20	52	43	1.251889131	0.134004	ENSG00000149617
20	51901495	51902464	51902230	32	84	93	0.939796337	0.661645	ENSG00000149617
20	51902687	51903461	51903178	19	57	68	0.87361801	0.777358	ENSG00000149617
20	51905730	51907234	51906693	23	104	148	0.732395566	0.993175	ENSG00000149617
20	51907584	51908323	51907801	14	43	82	0.550956435	0.999492	ENSG00000149617
20	51909088	51909403	51909245	12	17	11	1.558956276	0.111389	ENSG00000149617
20	51909405	51912362	51911280	23	196	181	1.124961122	0.12581	ENSG00000149617
20	51912490	51918365	51916339	161	1138	759	1.557588771	5.57E-22	ENSG00000149617
20	51919229	51921239	51919931	103	312	182	1.777607703	1.46E-10	ENSG00000149617
20	51921431	51922846	51921755	27	103	113	0.948137151	0.653396	ENSG00000149617
20	51922925	51923624	51923274	22	51	53	1.000811437	0.498827	ENSG00000149617
20	51923631	51923873	51923742	10	11	17	0.692869456	0.843876	ENSG00000149617
20	51924122	51924954	51924322	20	49	50	1.018925671	0.462828	ENSG00000149617
20	51925213	51926279	51925525	20	68	64	1.103261365	0.284558	ENSG00000149617
20	51926333	51928223	51927457	19	97	104	0.970017239	0.58633	ENSG00000149617
20	51928280	51928544	51928451	12	14	41	0.371180066	0.999798	ENSG00000149617
20	51928588	51929429	51928891	28	57	61	0.972252301	0.561895	ENSG00000149617
20	51929657	51930277	51930100	18	35	39	0.935373766	0.615635	ENSG00000149617
20	51930289	51930728	51930459	15	24	25	0.999330946	0.501681	ENSG00000149617
20	51931268	51931735	51931556	20	33	23	1.472347594	0.0705377	ENSG00000149617
20	51931748	51931983	51931865	9	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000149617
20	51933024	51933962	51933218	14	41	34	1.247165021	0.165744	ENSG00000149617
20	51934043	51935590	51935072	26	127	121	1.090417505	0.246803	ENSG00000149617

20	51935897	51936432	51936076	20	39	30	1.341037657	0.107943	ENSG00000149617
20	51936872	51937317	51937131	11	20	27	0.779478138	0.809588	ENSG00000149617
20	51937663	51937862	51937792	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000149617
20	51937864	51938110	51937971	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000149617
20	51938343	51939313	51938994	23	73	61	1.240459833	0.104361	ENSG00000149617
20	51939342	51939698	51939520	13	19	38	0.532976505	0.991064	ENSG00000149617
20	51939720	51939974	51939847	12	14	17	0.86608682	0.662567	ENSG00000149617
20	51940411	51942407	51941303	26	146	127	1.193575899	0.0711608	ENSG00000149617
20	51942872	51943604	51943134	16	43	42	1.063474049	0.387056	ENSG00000149617
20	51944323	51944675	51944499	11	16	15	1.104260696	0.387363	ENSG00000149617
20	51944834	51946239	51945477	20	84	85	1.027219252	0.43053	ENSG00000149617
20	51946294	51946564	51946445	10	12	24	0.540438176	0.969195	ENSG00000149617
20	51946640	51947007	51946819	21	29	37	0.820503303	0.793644	ENSG00000149617
20	51947287	51947560	51947429	8	12	18	0.711102863	0.834017	ENSG00000149617
20	51947745	51950171	51948331	73	234	205	1.185613997	0.0369523	ENSG00000149617
20	51950209	51952117	51951609	23	114	147	0.80756744	0.958094	ENSG00000149617
20	51952180	51952822	51952305	16	34	30	1.17340795	0.257326	ENSG00000149617
20	51953020	51954210	51953248	16	59	81	0.760466476	0.948094	ENSG00000149617
20	51954467	51954697	51954582	12	14	16	0.917033104	0.598778	ENSG00000149617
20	51954913	51956529	51956164	20	107	96	1.157163422	0.147868	ENSG00000149617
20	51956842	51957454	51957021	14	34	44	0.808347699	0.829904	ENSG00000149617
20	51957552	51958410	51957981	14	42	57	0.770518619	0.904688	ENSG00000149617
20	51959071	51959448	51959250	19	25	42	0.628416483	0.972016	ENSG00000149617
20	51960223	51961155	51960635	11	44	49	0.935373766	0.628563	ENSG00000149617
20	51961222	51961827	51961648	18	41	52	0.823599542	0.828362	ENSG00000149617
20	51961858	51962124	51961995	14	18	31	0.617086859	0.956343	ENSG00000149617
20	51962171	51962695	51962488	14	30	37	0.847853413	0.75465	ENSG00000149617
20	51963388	51963628	51963508	8	11	22	0.542245661	0.962988	ENSG00000149617
20	51964023	51966423	51965839	73	322	246	1.359090087	0.000131232	ENSG00000149617
20	51966638	51967802	51967555	25	82	77	1.105926247	0.261315	ENSG00000149617
20	51967807	51968626	51967986	15	44	49	0.935373766	0.628563	ENSG00000149617
20	51968778	51969226	51969017	22	36	37	1.011954074	0.479962	ENSG00000149617
20	51969765	51970462	51970044	16	43	57	0.788437657	0.884986	ENSG00000149617
20	51970843	51971989	51971636	29	108	91	1.231349523	0.0700919	ENSG00000149617

20	51972257	51972570	51972413	12	17	14	1.247165021	0.261378	ENSG00000149617
20	51972794	51973357	51972917	15	29	35	0.86608682	0.721698	ENSG00000149617
20	51973803	51974055	51973891	8	11	39	0.311791255	0.99995	ENSG00000149617
20	51974073	51974545	51974309	14	24	52	0.490237823	0.99888	ENSG00000149617
20	51975174	51975535	51975349	14	21	27	0.816596145	0.764635	ENSG00000149617
20	51975613	51976619	51976111	20	61	76	0.83684233	0.853322	ENSG00000149617
20	51976622	51977220	51977056	24	47	56	0.875203524	0.753475	ENSG00000149617
20	51977466	51978116	51977751	13	31	48	0.678729263	0.958511	ENSG00000149617
20	51978946	51982090	51981711	19	183	204	0.932838878	0.753754	ENSG00000149617
20	51983208	51985577	51984945	21	144	174	0.861137753	0.909266	ENSG00000149617
20	51985641	51986199	51985832	21	38	23	1.688869299	0.019531	ENSG00000149617
20	51986570	51987839	51986959	15	69	70	1.024666097	0.442748	ENSG00000149617
20	51987887	51992924	51989982	86	442	427	1.075728396	0.140693	ENSG00000149617
20	51992933	51994396	51993933	49	164	137	1.242646307	0.0294225	ENSG00000149617
20	51994490	51995201	51994735	19	41	61	0.70404477	0.962453	ENSG00000149617
20	51995490	51995971	51995792	9	21	31	0.714521627	0.891579	ENSG00000149617
20	51996031	51996452	51996206	18	29	32	0.944821986	0.590257	ENSG00000149617
20	51996955	51997250	51997102	12	16	12	1.359090087	0.198699	ENSG00000149617
20	51997269	52000974	51999206	22	215	229	0.97604219	0.601337	ENSG00000149617
20	52001464	52003690	52003020	27	141	156	0.940007606	0.704001	ENSG00000149617
20	52003825	52004149	52003987	19	22	30	0.771096653	0.831099	ENSG00000149617
20	52004224	52004456	52004373	8	10	20	0.54439743	0.955421	ENSG00000149617
20	52004461	52005077	52004701	15	38	55	0.723801128	0.941775	ENSG00000149617
20	52005136	52005702	52005497	25	39	58	0.704613006	0.958459	ENSG00000149617
20	52006085	52008643	52008230	24	160	177	0.940044796	0.715701	ENSG00000149617
20	52008649	52009214	52008807	13	28	30	0.972252301	0.544336	ENSG00000149617
20	52009553	52012146	52010311	21	165	155	1.105926247	0.183092	ENSG00000149617
20	52012497	52012809	52012648	12	16	19	0.883408557	0.649033	ENSG00000149617
20	52013314	52015172	52013679	22	114	123	0.963870816	0.612418	ENSG00000149617
20	52015196	52015510	52015357	9	14	21	0.708616489	0.853486	ENSG00000149617
20	52015642	52016091	52015933	10	17	20	0.890832158	0.642922	ENSG00000149617
20	52016226	52016505	52016364	10	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000149617
20	52016557	52018219	52017176	18	109	97	1.166565921	0.133164	ENSG00000149617
20	52018277	52019316	52019079	15	54	98	0.577391213	0.999586	ENSG00000149617

20	52019409	52020905	52019572	17	87	86	1.051250209	0.37055	ENSG00000149617
20	52020959	52021740	52021561	15	44	62	0.742360132	0.938653	ENSG00000149617
20	52021967	52022992	52022296	18	59	53	1.154782427	0.220809	ENSG00000149617
20	52023405	52023830	52023584	21	33	33	1.039304184	0.437085	BCAS1 ENSG00000064787
20	52024214	52025582	52024893	16	75	72	1.082015315	0.315132	BCAS1 ENSG00000064787
20	52025657	52026729	52026030	20	63	58	1.12738081	0.252785	BCAS1 ENSG00000064787
20	52027129	52027708	52027463	21	36	34	1.098692995	0.344552	BCAS1 ENSG00000064787
20	52028290	52028586	52028438	8	11	12	0.959357709	0.543005	BCAS1 ENSG00000064787
20	52028589	52029729	52028959	22	75	84	0.929260212	0.679828	BCAS1 ENSG00000064787
20	52029773	52030496	52030307	18	38	53	0.750608578	0.916358	BCAS1 ENSG00000064787
20	52030525	52030941	52030780	16	24	33	0.764194253	0.849736	BCAS1 ENSG00000064787
20	52030953	52031849	52031181	27	59	69	0.890832158	0.745728	BCAS1 ENSG00000064787
20	52031908	52032327	52032087	14	23	23	1.039304184	0.447157	BCAS1 ENSG00000064787
20	52032652	52032936	52032794	10	13	16	0.855897563	0.670115	BCAS1 ENSG00000064787
20	52032940	52034027	52033848	21	72	66	1.132376201	0.230767	BCAS1 ENSG00000064787
20	52034305	52035584	52035069	22	79	77	1.065953009	0.344049	BCAS1 ENSG00000064787
20	52035822	52036610	52036206	17	48	56	0.89343693	0.719921	BCAS1 ENSG00000064787
20	52036818	52037194	52037021	16	22	41	0.569142768	0.987331	BCAS1 ENSG00000064787
20	52037331	52038588	52037967	18	69	111	0.649565115	0.997988	BCAS1 ENSG00000064787
20	52038717	52039782	52039502	15	56	68	0.85855563	0.804465	BCAS1 ENSG00000064787
20	52040050	52041776	52040252	23	93	109	0.888132667	0.801867	BCAS1 ENSG00000064787
20	52042011	52044650	52044285	25	177	149	1.233307632	0.0288737	BCAS1 ENSG00000064787
20	52044845	52045122	52045018	12	16	17	0.981565063	0.523072	BCAS1 ENSG00000064787
20	52045225	52047365	52047160	21	130	129	1.047298832	0.354537	BCAS1 ENSG00000064787
20	52047509	52048140	52047858	10	25	30	0.871674477	0.699445	BCAS1 ENSG00000064787
20	52049227	52049731	52049552	13	26	30	0.905200419	0.649195	BCAS1 ENSG00000064787
20	52049914	52050551	52050193	10	27	29	0.970017239	0.547123	BCAS1 ENSG00000064787
20	52050717	52051069	52050907	12	17	23	0.779478138	0.791839	BCAS1 ENSG00000064787
20	52051325	52053801	52053368	18	124	160	0.806913187	0.964813	BCAS1 ENSG00000064787
20	52053894	52054155	52054009	11	13	25	0.55962533	0.965065	BCAS1 ENSG00000064787
20	52055523	52055861	52055686	15	20	17	1.212521548	0.272468	BCAS1 ENSG00000064787
20	52056680	52056975	52056849	11	15	22	0.722994215	0.845414	BCAS1 ENSG00000064787
20	52057164	52057458	52057311	12	15	18	0.875203524	0.655562	BCAS1 ENSG00000064787
20	52057530	52058574	52057897	25	63	56	1.166938031	0.197582	BCAS1 ENSG00000064787

20	52058586	52058881	52058725	11	12	17	0.750608578	0.78992	BCAS1	ENSG00000064787
20	52058929	52059243	52059074	9	12	2	4.503651465	0.002963	BCAS1	ENSG00000064787
20	52059894	52060416	52060229	9	21	24	0.914587682	0.621823	BCAS1	ENSG00000064787
20	52061267	52062221	52061700	15	46	43	1.110165833	0.308777	BCAS1	ENSG00000064787
20	52062287	52062475	52062418	8	9	14	0.692869456	0.822654	BCAS1	ENSG00000064787
20	52062492	52062905	52062726	12	22	26	0.885333194	0.668299	BCAS1	ENSG00000064787
20	52062948	52063420	52063170	9	20	22	0.948929907	0.57038	BCAS1	ENSG00000064787
20	52063524	52063828	52063676	12	17	25	0.719518281	0.863101	BCAS1	ENSG00000064787
20	52064404	52064907	52064583	20	31	45	0.722994215	0.923491	BCAS1	ENSG00000064787
20	52065102	52065819	52065281	44	72	24	3.034768218	1.20E-07	BCAS1	ENSG00000064787
20	52065835	52066222	52066014	9	16	19	0.883408557	0.649033	BCAS1	ENSG00000064787
20	52066466	52067238	52066823	16	46	52	0.921647107	0.65928	BCAS1	ENSG00000064787
20	52067659	52068264	52068111	14	29	29	1.039304184	0.440902	BCAS1	ENSG00000064787
20	52068502	52068940	52068770	13	21	25	0.879411233	0.673643	BCAS1	ENSG00000064787
20	52069077	52069427	52069250	12	15	26	0.615883961	0.942815	BCAS1	ENSG00000064787
20	52070036	52070785	52070224	13	36	45	0.835962061	0.793602	BCAS1	ENSG00000064787
20	52070790	52071264	52071027	21	32	26	1.27026067	0.176378	BCAS1	ENSG00000064787
20	52072060	52072983	52072827	11	36	37	1.011954074	0.479962	BCAS1	ENSG00000064787
20	52073010	52073434	52073164	15	25	29	0.900730293	0.653667	BCAS1	ENSG00000064787
20	52073441	52073766	52073603	15	20	26	0.808347699	0.770998	BCAS1	ENSG00000064787
20	52073971	52074519	52074125	19	36	39	0.96135637	0.569549	BCAS1	ENSG00000064787
20	52074593	52074824	52074708	12	14	15	0.974347673	0.530138	BCAS1	ENSG00000064787
20	52075209	52075878	52075504	15	36	24	1.538170193	0.0455121	BCAS1	ENSG00000064787
20	52075899	52076119	52076053	8	11	6	1.781664316	0.103344	BCAS1	ENSG00000064787
20	52076189	52076599	52076317	11	20	18	1.148704625	0.329698	BCAS1	ENSG00000064787
20	52076879	52077125	52077002	11	14	15	0.974347673	0.530138	BCAS1	ENSG00000064787
20	52077165	52077505	52077335	9	15	22	0.722994215	0.845414	BCAS1	ENSG00000064787
20	52077701	52078237	52078058	15	26	26	1.039304184	0.44394	BCAS1	ENSG00000064787
20	52078646	52079251	52079017	15	37	25	1.518983039	0.0476968	BCAS1	ENSG00000064787
20	52079384	52079725	52079554	12	18	17	1.097043306	0.388692	BCAS1	ENSG00000064787
20	52079784	52080190	52079892	14	20	23	0.909391161	0.626666	BCAS1	ENSG00000064787
20	52080854	52081929	52081750	15	56	61	0.955489331	0.598802	BCAS1	ENSG00000064787
20	52082713	52082950	52082804	8	9	7	1.29913023	0.286504	BCAS1	ENSG00000064787
20	52084414	52084624	52084548	9	9	10	0.944821986	0.553851	BCAS1	ENSG00000064787

20	52086358	52086654	52086528	10	13	21	0.66137539	0.892612	BCAS1	ENSG00000064787
20	52087467	52087820	52087707	12	16	31	0.552130348	0.979636	BCAS1	ENSG00000064787
20	52087945	52088911	52088795	14	44	54	0.850339787	0.791879	BCAS1	ENSG00000064787
20	52088919	52089616	52089400	11	31	42	0.773435672	0.867273	BCAS1	ENSG00000064787
20	52089647	52090071	52089826	9	18	20	0.940322833	0.578675	BCAS1	ENSG00000064787
20	52090080	52090745	52090272	15	35	24	1.496598025	0.0580175	BCAS1	ENSG00000064787
20	52090987	52091250	52091127	10	12	11	1.125912866	0.382541	BCAS1	ENSG00000064787
20	52091412	52091617	52091514	9	9	16	0.611355402	0.899375	BCAS1	ENSG00000064787
20	52092052	52093115	52092489	10	43	55	0.816596145	0.844828	BCAS1	ENSG00000064787
20	52093190	52093935	52093813	12	35	31	1.169217207	0.258967	BCAS1	ENSG00000064787
20	52093972	52094540	52094267	18	31	26	1.231767922	0.210892	BCAS1	ENSG00000064787
20	52094691	52094891	52094799	9	10	3	2.858086507	0.0242838	BCAS1	ENSG00000064787
20	52095511	52096014	52095772	12	23	24	0.997732017	0.503931	BCAS1	ENSG00000064787
20	52096943	52097489	52097310	14	27	26	1.077796932	0.39044	BCAS1	ENSG00000064787
20	52097991	52098469	52098321	10	22	34	0.682971321	0.926111	BCAS1	ENSG00000064787
20	52098614	52099215	52099020	20	41	27	1.558956276	0.0322026	BCAS1	ENSG00000064787
20	52099283	52099699	52099510	10	20	20	1.039304184	0.450588	BCAS1	ENSG00000064787
20	52099903	52100288	52100109	8	16	32	0.535399125	0.984936	BCAS1	ENSG00000064787
20	52100291	52100624	52100468	11	15	23	0.692869456	0.877389	BCAS1	ENSG00000064787
20	52101195	52101432	52101292	9	11	23	0.519652092	0.973215	BCAS1	ENSG00000064787
20	52101998	52102238	52102164	9	11	17	0.692869456	0.843876	BCAS1	ENSG00000064787
20	52102389	52102680	52102534	11	16	11	1.472347594	0.147517	BCAS1	ENSG00000064787
20	52102818	52103518	52103339	10	30	28	1.110980335	0.341379	BCAS1	ENSG00000064787
20	52103634	52103861	52103747	8	11	12	0.959357709	0.543005	BCAS1	ENSG00000064787
20	52104405	52104858	52104557	11	19	35	0.577391213	0.978679	BCAS1	ENSG00000064787
20	52105548	52105759	52105647	9	9	7	1.29913023	0.286504	BCAS1	ENSG00000064787
20	52106959	52107302	52107130	14	20	38	0.55962533	0.986493	BCAS1	ENSG00000064787
20	52107597	52108766	52107721	12	50	53	0.981565063	0.538612	BCAS1	ENSG00000064787
20	52108996	52109206	52109101	9	11	8	1.385738912	0.224757	BCAS1	ENSG00000064787
20	52109785	52110210	52109964	16	27	33	0.855897563	0.7313	BCAS1	ENSG00000064787
20	52110708	52111202	52110910	13	25	33	0.794762023	0.814119	BCAS1	ENSG00000064787
20	52111258	52111576	52111428	17	19	38	0.532976505	0.991064	BCAS1	ENSG00000064787
20	52112517	52113768	52112853	36	102	107	0.99118825	0.526024	BCAS1	ENSG00000064787
20	52113777	52114269	52113992	14	25	36	0.730321859	0.89377	BCAS1	ENSG00000064787

20	52114596	52114995	52114765	9	16	19	0.883408557	0.649033	BCAS1	ENSG00000064787
20	52115260	52116065	52115663	11	32	46	0.729724214	0.920171	BCAS1	ENSG00000064787
20	52116271	52117110	52116738	13	42	42	1.039304184	0.429271	BCAS1	ENSG00000064787
20	52117296	52118433	52117770	63	142	91	1.615440199	0.000136169	BCAS1	ENSG00000064787
20	52118452	52121418	52120755	38	226	175	1.340466192	0.00167953	BCAS1	ENSG00000064787
20	52121430	52122104	52121707	20	41	42	1.015134319	0.472821	BCAS1	ENSG00000064787
20	52122371	52122688	52122531	11	15	15	1.039304184	0.456923	BCAS1	ENSG00000064787
20	52123225	52124366	52124000	12	50	67	0.779478138	0.912636	BCAS1	ENSG00000064787
20	52124555	52125008	52124729	11	20	20	1.039304184	0.450588	BCAS1	ENSG00000064787
20	52125076	52125333	52125210	11	13	15	0.909391161	0.604792	BCAS1	ENSG00000064787
20	52125346	52125786	52125607	16	27	35	0.808347699	0.803596	BCAS1	ENSG00000064787
20	52125912	52126624	52126407	34	64	59	1.125912866	0.253401	BCAS1	ENSG00000064787
20	52126764	52127017	52126890	12	15	17	0.923825942	0.593214	BCAS1	ENSG00000064787
20	52127078	52128095	52127390	16	50	53	0.981565063	0.538612	BCAS1	ENSG00000064787
20	52128219	52128423	52128341	11	13	21	0.66137539	0.892612	BCAS1	ENSG00000064787
20	52128469	52129415	52128648	18	58	45	1.333020584	0.0704822	BCAS1	ENSG00000064787
20	52129743	52130097	52129961	13	17	16	1.100439724	0.388093	BCAS1	ENSG00000064787
20	52130178	52131148	52130472	15	50	39	1.325112835	0.0896303	BCAS1	ENSG00000064787
20	52132088	52132944	52132327	19	42	33	1.314414115	0.114904	BCAS1	ENSG00000064787
20	52133001	52133348	52133174	15	21	5	3.810782009	0.000537724	BCAS1	ENSG00000064787
20	52133381	52134278	52134058	14	46	50	0.957790131	0.585332	BCAS1	ENSG00000064787
20	52134297	52135760	52135138	52	156	89	1.81300841	2.13E-06	BCAS1	ENSG00000064787
20	52135834	52136215	52136013	12	20	37	0.574352312	0.982094	BCAS1	ENSG00000064787
20	52136255	52137535	52136785	17	72	61	1.223696862	0.12027	BCAS1	ENSG00000064787
20	52137658	52137920	52137789	14	17	14	1.247165021	0.261378	BCAS1	ENSG00000064787
20	52137929	52138357	52138143	18	27	28	1.003466109	0.495433	BCAS1	ENSG00000064787
20	52138473	52139259	52138927	18	45	34	1.365942642	0.0802807	BCAS1	ENSG00000064787
20	52139761	52140908	52140491	20	60	75	0.834178358	0.855841	BCAS1	ENSG00000064787
20	52141242	52141518	52141348	10	13	6	2.078608368	0.0483393	BCAS1	ENSG00000064787
20	52141529	52141818	52141664	8	12	16	0.794762023	0.738004	BCAS1	ENSG00000064787
20	52141959	52142682	52142431	14	35	38	0.959357709	0.572229	BCAS1	ENSG00000064787
20	52143304	52144654	52143649	16	71	76	0.9718169	0.569833	BCAS1	ENSG00000064787
20	52144682	52144977	52144844	12	15	9	1.662886695	0.0970566	BCAS1	ENSG00000064787
20	52145757	52146214	52145932	12	19	40	0.506977651	0.995171	BCAS1	ENSG00000064787

20	52146413	52147676	52146720	35	127	79	1.662886695	0.000143585	BCAS1	ENSG00000064787
20	52147851	52150319	52149366	25	137	113	1.258105065	0.0343026	BCAS1	ENSG00000064787
20	52150507	52150761	52150641	8	9	8	1.154782427	0.375434	BCAS1	ENSG00000064787
20	52150975	52151247	52151111	10	12	19	0.67554772	0.870684	BCAS1	ENSG00000064787
20	52151330	52151550	52151480	10	11	15	0.779478138	0.747877	BCAS1	ENSG00000064787
20	52151804	52152570	52152395	12	34	49	0.727512929	0.928226	BCAS1	ENSG00000064787
20	52152754	52154139	52153489	37	99	104	0.989813509	0.529625	BCAS1	ENSG00000064787
20	52154217	52155546	52154878	15	63	64	1.023314889	0.448218	BCAS1	ENSG00000064787
20	52155690	52156088	52155904	15	23	29	0.831443347	0.752665	BCAS1	ENSG00000064787
20	52156120	52156392	52156256	12	14	15	0.974347673	0.530138	BCAS1	ENSG00000064787
20	52156618	52158761	52157240	33	124	114	1.129678461	0.172332	BCAS1	ENSG00000064787
20	52159159	52159426	52159314	12	13	25	0.55962533	0.965065	BCAS1	ENSG00000064787
20	52159858	52160953	52160141	39	125	61	2.11213431	3.06E-07	BCAS1	ENSG00000064787
20	52161619	52162709	52162369	17	63	75	0.875203524	0.78534	BCAS1	ENSG00000064787
20	52163346	52164270	52164048	14	44	52	0.882428081	0.732974	BCAS1	ENSG00000064787
20	52164499	52164843	52164671	12	17	24	0.748299013	0.830231	BCAS1	ENSG00000064787
20	52164845	52165472	52165024	14	34	42	0.845945266	0.770954	BCAS1	ENSG00000064787
20	52165538	52166266	52165896	11	31	42	0.773435672	0.867273	BCAS1	ENSG00000064787
20	52166596	52167016	52166837	13	22	31	0.746999882	0.860756	BCAS1	ENSG00000064787
20	52167282	52167886	52167717	12	25	39	0.67554772	0.943593	BCAS1	ENSG00000064787
20	52168116	52168523	52168374	16	25	24	1.080876352	0.390444	BCAS1	ENSG00000064787
20	52168605	52168845	52168718	10	12	19	0.67554772	0.870684	BCAS1	ENSG00000064787
20	52168955	52169694	52169132	16	45	43	1.086545284	0.346732	BCAS1	ENSG00000064787
20	52169718	52170280	52169999	10	24	37	0.683752753	0.93359	BCAS1	ENSG00000064787
20	52170302	52171048	52170710	13	35	49	0.748299013	0.910311	BCAS1	ENSG00000064787
20	52171501	52172599	52171807	21	65	60	1.124493052	0.253994	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52172665	52174526	52173846	92	283	162	1.810812198	3.43E-10	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52174714	52175179	52174831	13	23	25	0.959357709	0.559486	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52175455	52175874	52175634	17	25	21	1.228268581	0.23714	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52176591	52179024	52177062	23	135	123	1.139882009	0.145483	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52179243	52180324	52179936	11	48	54	0.925925546	0.653526	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52180424	52180900	52180603	15	26	36	0.758411161	0.865982	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52181521	52182346	52181758	18	47	45	1.084491323	0.346941	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52182357	52184231	52183188	26	122	112	1.131278006	0.171573	CYP24A1	ENSG00000019186

20	52184830	52185413	52185049	14	28	30	0.972252301	0.544336	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52185690	52186944	52186555	17	76	65	1.212521548	0.124451	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52186973	52187223	52187113	8	10	18	0.601702422	0.917232	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52187812	52188232	52187977	11	17	10	1.700679574	0.0766266	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52188343	52188635	52188489	13	16	13	1.262012224	0.256887	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52188834	52189267	52189026	13	24	23	1.082608525	0.390382	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52189276	52189989	52189626	10	30	48	0.657518974	0.968616	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52190075	52191044	52190814	15	44	52	0.882428081	0.732974	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52191068	52191634	52191243	14	29	39	0.779478138	0.851784	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52191640	52191975	52191807	10	16	26	0.654376709	0.9196	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52191997	52192386	52192319	15	22	32	0.724363522	0.886261	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52192522	52192728	52192625	8	9	21	0.472410993	0.980806	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52192853	52193110	52192945	18	21	13	1.63319229	0.0708832	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52193125	52193536	52193289	12	20	17	1.212521548	0.272468	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52193964	52194577	52194254	10	24	20	1.237266886	0.234075	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52195638	52196076	52195913	9	16	30	0.569941004	0.972704	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52196097	52196378	52196237	10	12	25	0.519652092	0.977628	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52196503	52196765	52196645	13	14	25	0.599598568	0.947903	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52196878	52197650	52197116	12	34	39	0.909391161	0.660746	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52198086	52199962	52199205	69	241	167	1.497092932	2.48E-05	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52199967	52200419	52200280	13	21	20	1.08879486	0.389871	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52200557	52200935	52200664	12	19	25	0.799464757	0.777638	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52201930	52203213	52202657	21	68	78	0.907746693	0.722623	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52203795	52204024	52203853	11	13	13	1.039304184	0.45974	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52204418	52205477	52204675	19	60	86	0.728707531	0.972282	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52206211	52207718	52207237	14	69	76	0.944821986	0.635277	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52207888	52208483	52208304	13	29	34	0.890832158	0.680743	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52208490	52209069	52208913	13	29	28	1.07514226	0.390297	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52209897	52210247	52210072	15	20	17	1.212521548	0.272468	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52210286	52210537	52210432	10	13	28	0.501733054	0.986489	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52210591	52211324	52210779	15	42	45	0.971523477	0.554967	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52211571	52212257	52211754	17	41	46	0.928739909	0.637343	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52212330	52213060	52212607	16	36	36	1.039304184	0.434373	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52213116	52213986	52213641	11	37	47	0.822782479	0.817752	CYP24A1	ENSG00000019186

20	52214111	52215036	52214361	16	41	46	0.928739909	0.637343	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52215625	52215872	52215742	8	11	28	0.430056904	0.9954	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52216414	52216663	52216504	10	13	17	0.808347699	0.728863	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52216974	52217372	52217153	9	16	25	0.679545044	0.897263	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52217691	52218535	52217924	18	54	35	1.587825837	0.0142195	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52219032	52220481	52219902	16	84	77	1.132575073	0.213172	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52220648	52221465	52221148	14	45	53	0.885333194	0.729612	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52221500	52225258	52222579	23	266	201	1.373733748	0.000306746	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52225407	52225889	52225720	10	22	33	0.703058713	0.907926	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52226405	52226787	52226608	12	20	24	0.873015515	0.679256	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52226791	52227158	52226979	11	17	21	0.850339787	0.697991	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52227325	52227636	52227480	16	20	31	0.682043371	0.91767	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52228374	52228754	52228564	14	22	28	0.824275732	0.75853	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52229339	52229612	52229487	10	13	14	0.970017239	0.534076	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52229771	52230884	52230550	15	53	58	0.951227558	0.605566	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52231159	52231943	52231626	16	40	63	0.665804243	0.980618	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52231956	52232249	52232112	8	13	19	0.727512929	0.824686	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52232339	52232822	52232643	10	22	29	0.796799875	0.797061	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52232830	52233258	52233009	20	29	23	1.29913023	0.167378	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52233307	52237000	52234809	25	190	182	1.084738247	0.215741	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52238000	52238425	52238246	19	29	30	1.005778243	0.491622	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52238772	52239047	52238920	9	12	29	0.450365147	0.994327	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52240035	52240674	52240344	14	33	36	0.955036277	0.577843	CYP24A1	ENSG00000019186
20	52241097	52241645	52241476	9	19	25	0.799464757	0.777638	PFDN4	ENSG00000101132
20	52242004	52242243	52242123	8	12	13	0.965068171	0.538344	PFDN4	ENSG00000101132
20	52242354	52242697	52242525	11	17	11	1.558956276	0.111389	PFDN4	ENSG00000101132
20	52242701	52243021	52242843	17	20	23	0.909391161	0.626666	PFDN4	ENSG00000101132
20	52243110	52243574	52243320	12	23	34	0.712665726	0.903143	PFDN4	ENSG00000101132
20	52243980	52244292	52244127	10	14	15	0.974347673	0.530138	PFDN4	ENSG00000101132
20	52244604	52246553	52245733	25	119	124	0.997732017	0.507427	PFDN4	ENSG00000101132
20	52246941	52247445	52247175	20	33	39	0.883408557	0.704258	PFDN4	ENSG00000101132
20	52247563	52248751	52248154	21	67	55	1.262012224	0.0974547	PFDN4	ENSG00000101132
20	52249209	52251443	52249777	54	248	182	1.414135202	0.000168888	PFDN4	ENSG00000101132
20	52252301	52252546	52252412	9	11	7	1.558956276	0.158273	PFDN4	ENSG00000101132

20	52253953	52254910	52254519	12	45	27	1.707428303	0.0113146	PFDN4	ENSG00000101132
20	52255735	52255914	52255803	8	8	7	1.169217207	0.371848	PFDN4	ENSG00000101132
20	52255922	52256174	52256048	11	13	10	1.32275078	0.240023	PFDN4	ENSG00000101132
20	52256295	52256573	52256434	11	13	15	0.909391161	0.604792	PFDN4	ENSG00000101132
20	52257241	52258112	52257844	54	102	54	1.94633329	2.07E-05	PFDN4	ENSG00000101132
20	52258240	52259677	52258790	26	113	92	1.273985774	0.0408764	PFDN4	ENSG00000101132
20	52259681	52260824	52259837	13	55	57	1.003466109	0.493086	PFDN4	ENSG00000101132
20	52261088	52261647	52261468	13	29	21	1.417232979	0.104064	PFDN4	ENSG00000101132
20	52262149	52262345	52262320	8	9	24	0.415721674	0.993777	PFDN4	ENSG00000101132
20	52262478	52262871	52262657	12	21	17	1.27026067	0.223413	PFDN4	ENSG00000101132
20	52263205	52263683	52263359	11	19	17	1.154782427	0.327751	PFDN4	ENSG00000101132
20	52264349	52264769	52264590	10	19	11	1.73217364	0.0607469	PFDN4	ENSG00000101132
20	52264990	52265655	52265169	8	21	28	0.788437657	0.803211	PFDN4	ENSG00000101132
20	52267772	52268106	52267939	9	13	17	0.808347699	0.728863	PFDN4	ENSG00000101132
20	52268304	52268838	52268608	15	29	30	1.005778243	0.491622	PFDN4	ENSG00000101132
20	52268936	52269162	52269049	12	13	10	1.32275078	0.240023	PFDN4	ENSG00000101132
20	52269250	52269530	52269388	8	8	9	0.935373766	0.560286	PFDN4	ENSG00000101132
20	52269604	52270268	52269936	13	33	32	1.07079825	0.389692	PFDN4	ENSG00000101132
20	52270503	52271825	52271381	18	62	63	1.023065056	0.449169	PFDN4	ENSG00000101132
20	52271829	52272977	52272392	12	52	50	1.080061211	0.347157	PFDN4	ENSG00000101132
20	52273247	52274428	52273485	14	63	32	2.015620236	0.000365865	PFDN4	ENSG00000101132
20	52275624	52276547	52275765	9	36	32	1.165280449	0.260519	PFDN4	ENSG00000101132
20	52277175	52277828	52277535	12	29	35	0.86608682	0.721698	PFDN4	ENSG00000101132
20	52278665	52279774	52279002	11	43	47	0.952695502	0.592762	PFDN4	ENSG00000101132
20	52279790	52280419	52279969	12	30	28	1.110980335	0.341379	PFDN4	ENSG00000101132
20	52280952	52281317	52281138	8	15	21	0.755857589	0.807439	PFDN4	ENSG00000101132
20	52281380	52281601	52281455	8	8	10	0.850339787	0.645072	PFDN4	ENSG00000101132
20	52281686	52282415	52282050	10	31	37	0.875203524	0.712707	PFDN4	ENSG00000101132
20	52282480	52283065	52282983	8	20	21	0.992063085	0.511305	PFDN4	ENSG00000101132
20	52284772	52285677	52285508	12	38	32	1.228268581	0.190908	PFDN4	ENSG00000101132
20	52285877	52286672	52286540	9	30	31	1.006825928	0.489808	PFDN4	ENSG00000101132
20	52287876	52288072	52287903	8	9	16	0.611355402	0.899375	PFDN4	ENSG00000101132
20	52288095	52288337	52288240	10	12	13	0.965068171	0.538344	PFDN4	ENSG00000101132
20	52288970	52289243	52289106	8	11	10	1.133786383	0.380636	PFDN4	ENSG00000101132

20	52289282	52289519	52289446	8	11	10	1.133786383	0.380636	PFDN4	ENSG00000101132
20	52294652	52294904	52294778	11	12	13	0.965068171	0.538344	PFDN4	ENSG00000101132
20	52296371	52296569	52296489	8	9	12	0.799464757	0.707717	PFDN4	ENSG00000101132
20	52296628	52296842	52296764	9	12	11	1.125912866	0.382541	PFDN4	ENSG00000101132
20	52296989	52297305	52297147	12	13	6	2.078608368	0.0483393	PFDN4	ENSG00000101132
20	52298098	52298529	52298277	12	21	26	0.846840446	0.721382	PFDN4	ENSG00000101132
20	52299167	52299402	52299259	8	10	13	0.816596145	0.696946	PFDN4	ENSG00000101132
20	52299476	52299687	52299581	9	11	7	1.558956276	0.158273	PFDN4	ENSG00000101132
20	52300751	52301635	52300981	19	49	45	1.129678461	0.274774	PFDN4	ENSG00000101132
20	52301759	52302097	52301918	18	22	18	1.258105065	0.227238	PFDN4	ENSG00000101132
20	52302301	52303148	52302724	17	39	46	0.884514199	0.717474	PFDN4	ENSG00000101132
20	52303733	52304147	52303858	11	17	28	0.645085356	0.932662	PFDN4	ENSG00000101132
20	52305125	52305410	52305274	9	13	15	0.909391161	0.604792	PFDN4	ENSG00000101132
20	52305689	52306599	52306201	12	41	31	1.364086742	0.0907884	PFDN4	ENSG00000101132
20	52307067	52307335	52307218	11	14	20	0.742360132	0.815839	PFDN4	ENSG00000101132
20	52307483	52307851	52307651	11	16	16	1.039304184	0.455583	PFDN4	ENSG00000101132
20	52308152	52308468	52308310	11	16	12	1.359090087	0.198699	PFDN4	ENSG00000101132
20	52308571	52308770	52308670	9	10	10	1.039304184	0.464387	PFDN4	ENSG00000101132
20	52308913	52309270	52309091	10	16	8	1.963130126	0.0441028	PFDN4	ENSG00000101132
20	52310675	52311186	52311072	11	22	15	1.493999765	0.104649	PFDN4	ENSG00000101132
20	52311347	52311685	52311516	9	13	21	0.66137539	0.892612	PFDN4	ENSG00000101132
20	52314669	52315147	52314968	13	25	23	1.125912866	0.336929	PFDN4	ENSG00000101132
20	52315158	52315549	52315380	11	17	19	0.935373766	0.583208	PFDN4	ENSG00000101132
20	52316923	52318687	52317869	50	182	116	1.625578339	1.56E-05	PFDN4	ENSG00000101132
20	52318702	52319354	52319128	20	46	24	1.953891866	0.00262644	PFDN4	ENSG00000101132
20	52319768	52319947	52319857	8	8	12	0.719518281	0.783103	PFDN4	ENSG00000101132
20	52321501	52322133	52321813	11	23	29	0.831443347	0.752665	PFDN4	ENSG00000101132
20	52322645	52323067	52322824	13	23	22	1.084491323	0.39027	PFDN4	ENSG00000101132
20	52323109	52323619	52323410	13	24	28	0.895951883	0.65833	PFDN4	ENSG00000101132
20	52325347	52325968	52325811	12	30	27	1.150658204	0.29431	PFDN4	ENSG00000101132
20	52326551	52327158	52326979	12	28	18	1.586306386	0.0554746	PFDN4	ENSG00000101132
20	52328078	52328463	52328307	11	16	17	0.981565063	0.523072	PFDN4	ENSG00000101132
20	52329215	52329916	52329616	11	31	34	0.950220968	0.583835	PFDN4	ENSG00000101132
20	52331067	52331478	52331246	11	18	41	0.470161417	0.997851	PFDN4	ENSG00000101132

20	52332406	52333332	52333153	16	44	41	1.113540197	0.307667	PFDN4	ENSG00000101132
20	52333357	52333584	52333500	8	9	14	0.692869456	0.822654	PFDN4	ENSG00000101132
20	52333672	52334186	52334007	12	24	17	1.443478034	0.113942	PFDN4	ENSG00000101132
20	52334849	52336214	52335338	14	66	67	1.024020299	0.445434	PFDN4	ENSG00000101132
20	52337702	52337947	52337824	8	11	15	0.779478138	0.747877	PFDN4	ENSG00000101132
20	52338927	52339200	52339042	12	14	9	1.558956276	0.132279	PFDN4	ENSG00000101132
20	52339493	52340212	52339809	10	28	37	0.793153193	0.82925	PFDN4	ENSG00000101132
20	52341485	52341760	52341619	8	12	14	0.900730293	0.611333	PFDN4	ENSG00000101132
20	52342079	52343193	52342981	12	45	51	0.919384471	0.662254	PFDN4	ENSG00000101132
20	52343239	52343616	52343562	11	19	17	1.154782427	0.327751	PFDN4	ENSG00000101132
20	52343995	52344462	52344106	11	21	16	1.344981885	0.176214	PFDN4	ENSG00000101132
20	52345723	52346184	52346032	16	23	26	0.923825942	0.612844	PFDN4	ENSG00000101132
20	52346361	52346893	52346515	11	19	14	1.385738912	0.166049	PFDN4	ENSG00000101132
20	52346997	52347442	52347270	11	19	22	0.903742769	0.631776	PFDN4	ENSG00000101132
20	52348560	52348817	52348688	10	12	19	0.67554772	0.870684	PFDN4	ENSG00000101132
20	52349906	52350656	52350280	14	39	29	1.385738912	0.0861361	PFDN4	ENSG00000101132
20	52352280	52352638	52352511	13	18	17	1.097043306	0.388692	PFDN4	ENSG00000101132
20	52353281	52353528	52353387	13	14	15	0.974347673	0.530138	PFDN4	ENSG00000101132
20	52353770	52354003	52353878	10	11	10	1.133786383	0.380636	PFDN4	ENSG00000101132
20	52354917	52355105	52355001	8	9	8	1.154782427	0.375434	PFDN4	ENSG00000101132
20	52355758	52355974	52355900	9	12	13	0.965068171	0.538344	PFDN4	ENSG00000101132
20	52357141	52357442	52357318	10	14	13	1.113540197	0.385405	PFDN4	ENSG00000101132
20	52357872	52358120	52357996	8	9	8	1.154782427	0.375434	PFDN4	ENSG00000101132
20	52358152	52358668	52358468	11	23	16	1.467252966	0.109416	PFDN4	ENSG00000101132
20	52358683	52359112	52358862	8	16	25	0.679545044	0.897263	PFDN4	ENSG00000101132
20	52360001	52360189	52360110	9	10	11	0.952695502	0.548138	PFDN4	ENSG00000101132
20	52360461	52360825	52360680	8	14	10	1.417232979	0.185113	PFDN4	ENSG00000101132
20	52360965	52361206	52361085	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PFDN4	ENSG00000101132
20	52362377	52362684	52362530	8	13	9	1.455025858	0.177172	PFDN4	ENSG00000101132
20	52363694	52364256	52363942	8	21	24	0.914587682	0.621823	PFDN4	ENSG00000101132
20	52364652	52365295	52365097	12	27	31	0.909391161	0.644901	PFDN4	ENSG00000101132
20	52365823	52366662	52366256	11	36	24	1.538170193	0.0455121	PFDN4	ENSG00000101132
20	52366671	52366862	52366766	8	10	14	0.762156402	0.758589	PFDN4	ENSG00000101132
20	52367363	52368027	52367684	17	38	38	1.039304184	0.432628	PFDN4	ENSG00000101132

20	52368838	52369212	52369033	8	15	15	1.039304184	0.456923	PFDN4	ENSG00000101132
20	52369714	52370521	52370021	17	43	40	1.115350832	0.307057	PFDN4	ENSG00000101132
20	52370828	52371152	52370990	10	16	20	0.841341482	0.704984	PFDN4	ENSG00000101132
20	52371600	52372043	52371777	16	24	27	0.927950164	0.608665	PFDN4	ENSG00000101132
20	52373283	52373733	52373593	8	18	22	0.85855563	0.691398	PFDN4	ENSG00000101132
20	52374058	52374629	52374237	8	20	12	1.67887599	0.0659142	PFDN4	ENSG00000101132
20	52374654	52375188	52374833	8	20	22	0.948929907	0.57038	PFDN4	ENSG00000101132
20	52375766	52376388	52376147	19	34	26	1.347246165	0.119935	PFDN4	ENSG00000101132
20	52376652	52377160	52377004	10	19	27	0.742360132	0.849695	PFDN4	ENSG00000101132
20	52377594	52378047	52377723	14	22	22	1.039304184	0.448275	PFDN4	ENSG00000101132
20	52378594	52379103	52378924	17	29	21	1.417232979	0.104064	PFDN4	ENSG00000101132
20	52379332	52379586	52379459	8	13	14	0.970017239	0.534076	PFDN4	ENSG00000101132
20	52380325	52380504	52380466	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PFDN4	ENSG00000101132
20	52381026	52381432	52381205	14	21	14	1.524312804	0.0996258	PFDN4	ENSG00000101132
20	52381705	52381885	52381835	8	9	12	0.799464757	0.707717	PFDN4	ENSG00000101132
20	52381887	52382181	52382008	8	10	22	0.497058523	0.977096	PFDN4	ENSG00000101132
20	52382966	52383329	52383145	11	18	14	1.316451967	0.209896	PFDN4	ENSG00000101132
20	52383363	52383942	52383576	10	22	19	1.195199812	0.27834	PFDN4	ENSG00000101132
20	52384472	52385169	52385012	11	29	36	0.842679068	0.759384	PFDN4	ENSG00000101132
20	52385778	52385995	52385886	11	12	13	0.965068171	0.538344	PFDN4	ENSG00000101132
20	52388411	52389381	52389140	11	40	36	1.151661393	0.26595	PFDN4	ENSG00000101132
20	52389434	52391330	52390644	22	91	91	1.039304184	0.397006	PFDN4	ENSG00000101132
20	52391665	52392035	52391823	13	17	13	1.336248237	0.204556	DOK5	ENSG00000101134
20	52392230	52392463	52392285	8	12	18	0.711102863	0.834017	DOK5	ENSG00000101134
20	52392487	52392787	52392618	13	16	21	0.803098688	0.755224	DOK5	ENSG00000101134
20	52393307	52393524	52393415	10	11	14	0.831443347	0.68719	DOK5	ENSG00000101134
20	52393630	52394147	52393968	9	19	28	0.716761506	0.878343	DOK5	ENSG00000101134
20	52394787	52395082	52394952	12	15	15	1.039304184	0.456923	DOK5	ENSG00000101134
20	52395146	52395698	52395322	25	42	31	1.396564998	0.0741268	DOK5	ENSG00000101134
20	52395737	52396519	52396017	18	42	31	1.396564998	0.0741268	DOK5	ENSG00000101134
20	52396690	52397319	52396951	10	25	27	0.965068171	0.55304	DOK5	ENSG00000101134
20	52399261	52399764	52399585	13	23	26	0.923825942	0.612844	DOK5	ENSG00000101134
20	52399961	52400245	52400103	9	12	13	0.965068171	0.538344	DOK5	ENSG00000101134
20	52400510	52400859	52400684	9	15	16	0.978168644	0.526483	DOK5	ENSG00000101134

20	52401484	52401836	52401660	15	20	14	1.455025858	0.129498	DOK5	ENSG00000101134
20	52401862	52402121	52401992	8	11	13	0.890832158	0.618492	DOK5	ENSG00000101134
20	52404014	52404609	52404383	12	27	33	0.855897563	0.7313	DOK5	ENSG00000101134
20	52405632	52406016	52405811	12	20	26	0.808347699	0.770998	DOK5	ENSG00000101134
20	52406711	52407155	52406900	9	19	17	1.154782427	0.327751	DOK5	ENSG00000101134
20	52407871	52408855	52408283	15	50	43	1.204648032	0.181677	DOK5	ENSG00000101134
20	52409775	52410017	52409896	8	9	19	0.519652092	0.96137	DOK5	ENSG00000101134
20	52411432	52411816	52411611	10	17	26	0.692869456	0.890806	DOK5	ENSG00000101134
20	52412270	52412766	52412469	10	20	22	0.948929907	0.57038	DOK5	ENSG00000101134
20	52412862	52413064	52413034	8	10	9	1.143234603	0.378307	DOK5	ENSG00000101134
20	52414245	52414804	52414537	11	25	20	1.286757561	0.192726	DOK5	ENSG00000101134
20	52415346	52416086	52415907	12	32	27	1.224894217	0.213361	DOK5	ENSG00000101134
20	52416480	52416764	52416622	10	14	17	0.86608682	0.662567	DOK5	ENSG00000101134
20	52416799	52417093	52416946	9	14	23	0.649565115	0.910621	DOK5	ENSG00000101134
20	52417854	52418035	52417963	8	10	17	0.635130335	0.889407	DOK5	ENSG00000101134
20	52418218	52419049	52418870	16	42	61	0.720807741	0.952579	DOK5	ENSG00000101134
20	52419288	52419530	52419425	14	17	18	0.984603964	0.519872	DOK5	ENSG00000101134
20	52420798	52421127	52420948	10	13	12	1.11925066	0.384109	DOK5	ENSG00000101134
20	52422312	52422692	52422429	8	14	17	0.86608682	0.662567	DOK5	ENSG00000101134
20	52422791	52423239	52422953	13	23	15	1.558956276	0.0802366	DOK5	ENSG00000101134
20	52423620	52423868	52423754	8	10	10	1.039304184	0.464387	DOK5	ENSG00000101134
20	52423939	52424254	52424086	11	15	18	0.875203524	0.655562	DOK5	ENSG00000101134
20	52427914	52428128	52428063	8	10	13	0.816596145	0.696946	DOK5	ENSG00000101134
20	52428148	52428443	52428311	12	15	17	0.923825942	0.593214	DOK5	ENSG00000101134
20	52430009	52430513	52430151	10	21	33	0.672490943	0.930441	DOK5	ENSG00000101134
20	52430638	52431063	52430771	11	19	16	1.222710805	0.269115	DOK5	ENSG00000101134
20	52431331	52432036	52431498	16	34	31	1.136738952	0.299433	DOK5	ENSG00000101134
20	52432163	52433221	52432644	35	85	58	1.514917963	0.0064514	DOK5	ENSG00000101134
20	52433265	52434001	52433619	13	32	27	1.224894217	0.213361	DOK5	ENSG00000101134
20	52434360	52435475	52435296	16	55	57	1.003466109	0.493086	DOK5	ENSG00000101134
20	52435544	52436036	52435857	10	21	31	0.714521627	0.891579	DOK5	ENSG00000101134
20	52436043	52436275	52436159	12	13	10	1.32275078	0.240023	DOK5	ENSG00000101134
20	52437651	52438117	52437776	12	21	32	0.692869456	0.912769	DOK5	ENSG00000101134
20	52438121	52438386	52438224	10	12	29	0.450365147	0.994327	DOK5	ENSG00000101134

20	52438875	52439128	52439007	8	9	9	1.039304184	0.466079	DOK5	ENSG00000101134
20	52439142	52439395	52439238	11	15	14	1.10859113	0.386477	DOK5	ENSG00000101134
20	52439568	52439802	52439736	9	12	25	0.519652092	0.977628	DOK5	ENSG00000101134
20	52439823	52440829	52440581	17	57	55	1.076422191	0.347027	DOK5	ENSG00000101134
20	52441996	52442329	52442162	9	14	10	1.417232979	0.185113	DOK5	ENSG00000101134
20	52442651	52443060	52442767	8	16	11	1.472347594	0.147517	DOK5	ENSG00000101134
20	52443568	52443765	52443666	10	12	7	1.688869299	0.11395	DOK5	ENSG00000101134
20	52445499	52445881	52445702	10	18	22	0.85855563	0.691398	DOK5	ENSG00000101134
20	52447424	52447867	52447603	10	19	24	0.831443347	0.733913	DOK5	ENSG00000101134
20	52448247	52448560	52448423	10	14	11	1.29913023	0.246308	DOK5	ENSG00000101134
20	52449499	52450187	52450016	11	27	26	1.077796932	0.39044	DOK5	ENSG00000101134
20	52450285	52450643	52450417	9	14	19	0.779478138	0.771518	DOK5	ENSG00000101134
20	52451608	52451816	52451712	8	9	8	1.154782427	0.375434	DOK5	ENSG00000101134
20	52451921	52452215	52452068	11	13	7	1.818782322	0.0805123	DOK5	ENSG00000101134
20	52452278	52452612	52452442	17	20	7	2.728173484	0.00469378	DOK5	ENSG00000101134
20	52453218	52453865	52453541	12	29	20	1.484720263	0.0791637	DOK5	ENSG00000101134
20	52453927	52454269	52454098	8	14	12	1.199197136	0.313881	DOK5	ENSG00000101134
20	52454508	52454714	52454611	9	10	7	1.429043253	0.21536	DOK5	ENSG00000101134
20	52455252	52455579	52455424	12	16	26	0.654376709	0.9196	DOK5	ENSG00000101134
20	52457192	52457389	52457304	9	9	16	0.611355402	0.899375	DOK5	ENSG00000101134
20	52457434	52458059	52457745	12	26	32	0.850339787	0.736354	DOK5	ENSG00000101134
20	52458071	52458598	52458250	12	24	23	1.082608525	0.390382	DOK5	ENSG00000101134
20	52458870	52459260	52459005	11	16	19	0.883408557	0.649033	DOK5	ENSG00000101134
20	52459420	52459705	52459577	9	12	3	3.377738599	0.00867157	DOK5	ENSG00000101134
20	52460275	52460463	52460344	8	8	12	0.719518281	0.783103	DOK5	ENSG00000101134
20	52462231	52462753	52462542	14	27	28	1.003466109	0.495433	DOK5	ENSG00000101134
20	52462794	52463531	52463125	12	34	36	0.98312558	0.529542	DOK5	ENSG00000101134
20	52464562	52465425	52465125	12	38	41	0.965068171	0.564419	DOK5	ENSG00000101134
20	52469761	52469997	52469879	14	16	20	0.841341482	0.704984	DOK5	ENSG00000101134
20	52470171	52471003	52470600	15	42	43	1.015683635	0.471485	DOK5	ENSG00000101134
20	52472716	52472973	52472844	8	9	8	1.154782427	0.375434	DOK5	ENSG00000101134
20	52473264	52474118	52473800	12	40	35	1.183651988	0.229149	DOK5	ENSG00000101134
20	52474491	52474823	52474657	13	18	12	1.518983039	0.117837	DOK5	ENSG00000101134
20	52476925	52477297	52477104	9	18	8	2.194086611	0.0206188	DOK5	ENSG00000101134

20	52477311	52477781	52477471	9	19	8	2.309564854	0.0138337	DOK5	ENSG00000101134
20	52479070	52479882	52479255	17	41	52	0.823599542	0.828362	DOK5	ENSG00000101134
20	52480633	52480879	52480753	9	12	10	1.228268581	0.305344	DOK5	ENSG00000101134
20	52481232	52481412	52481306	9	9	19	0.519652092	0.96137	DOK5	ENSG00000101134
20	52481440	52481829	52481619	9	18	34	0.5641937	0.980847	DOK5	ENSG00000101134
20	52483331	52483637	52483470	9	14	15	0.974347673	0.530138	DOK5	ENSG00000101134
20	52484702	52485587	52485086	11	33	35	0.981565063	0.531809	DOK5	ENSG00000101134
20	52486066	52486508	52486245	10	18	9	1.97467795	0.0349428	DOK5	ENSG00000101134
20	52486884	52487315	52487136	11	20	26	0.808347699	0.770998	DOK5	ENSG00000101134
20	52487322	52487836	52487501	11	23	23	1.039304184	0.447157	DOK5	ENSG00000101134
20	52488136	52488344	52488288	9	10	9	1.143234603	0.378307	DOK5	ENSG00000101134
20	52488574	52488756	52488641	8	8	6	1.336248237	0.277651	DOK5	ENSG00000101134
20	52488932	52489144	52489012	8	9	8	1.154782427	0.375434	DOK5	ENSG00000101134
20	52491717	52491954	52491805	8	11	19	0.623582511	0.908792	DOK5	ENSG00000101134
20	52492742	52493209	52493101	10	18	17	1.097043306	0.388692	DOK5	ENSG00000101134
20	52495170	52495441	52495305	9	14	16	0.917033104	0.598778	DOK5	ENSG00000101134
20	52496057	52496262	52496170	10	12	8	1.501217155	0.168286	DOK5	ENSG00000101134
20	52496515	52496812	52496692	11	14	5	2.598260461	0.0167748	DOK5	ENSG00000101134
20	52496918	52497228	52497071	8	13	15	0.909391161	0.604792	DOK5	ENSG00000101134
20	52497290	52498165	52497435	12	39	54	0.755857589	0.913419	DOK5	ENSG00000101134
20	52498897	52499236	52499066	12	17	11	1.558956276	0.111389	DOK5	ENSG00000101134
20	52500111	52500384	52500247	11	15	5	2.771477825	0.0105836	DOK5	ENSG00000101134
20	52500404	52500639	52500499	9	10	8	1.27026067	0.293854	DOK5	ENSG00000101134
20	52500926	52501165	52501013	11	13	6	2.078608368	0.0483393	DOK5	ENSG00000101134
20	52501178	52501484	52501331	8	13	8	1.616695398	0.123553	DOK5	ENSG00000101134
20	52501487	52501699	52501593	8	9	7	1.29913023	0.286504	DOK5	ENSG00000101134
20	52503149	52503846	52503684	14	35	23	1.558956276	0.0432947	DOK5	ENSG00000101134
20	52505855	52506815	52506636	35	81	61	1.374563599	0.028402	DOK5	ENSG00000101134
20	52506863	52507227	52507042	13	20	23	0.909391161	0.626666	DOK5	ENSG00000101134
20	52507872	52508128	52508000	11	13	16	0.855897563	0.670115	DOK5	ENSG00000101134
20	52508235	52508560	52508397	10	14	22	0.677807077	0.884881	DOK5	ENSG00000101134
20	52509327	52509748	52509659	10	17	13	1.336248237	0.204556	DOK5	ENSG00000101134
20	52510674	52511102	52510923	10	20	17	1.212521548	0.272468	DOK5	ENSG00000101134
20	52511590	52511829	52511709	10	12	16	0.794762023	0.738004	DOK5	ENSG00000101134

20	52512464	52512827	52512598	10	16	18	0.929903744	0.58804	DOK5	ENSG00000101134
20	52512889	52513311	52513068	12	20	19	1.091269393	0.389566	DOK5	ENSG00000101134
20	52513939	52514311	52514132	13	20	13	1.558956276	0.0943292	DOK5	ENSG00000101134
20	52515946	52516417	52516238	13	19	24	0.831443347	0.733913	DOK5	ENSG00000101134
20	52516492	52516945	52516671	8	16	23	0.736173797	0.837668	DOK5	ENSG00000101134
20	52517304	52517806	52517630	12	20	22	0.948929907	0.57038	DOK5	ENSG00000101134
20	52517870	52518499	52518284	16	36	33	1.131007495	0.301525	DOK5	ENSG00000101134
20	52519448	52519913	52519734	11	21	17	1.27026067	0.223413	DOK5	ENSG00000101134
20	52520159	52520442	52520295	9	13	20	0.692869456	0.861903	DOK5	ENSG00000101134
20	52521218	52521686	52521388	16	30	11	2.684869143	0.000957822	DOK5	ENSG00000101134
20	52522017	52522393	52522243	13	18	14	1.316451967	0.209896	DOK5	ENSG00000101134
20	52522726	52523013	52522874	11	14	19	0.779478138	0.771518	DOK5	ENSG00000101134
20	52524117	52525178	52524816	15	50	62	0.841341482	0.822247	DOK5	ENSG00000101134
20	52526103	52526812	52526278	14	29	33	0.917033104	0.636796	DOK5	ENSG00000101134
20	52526830	52527317	52527009	9	20	17	1.212521548	0.272468	DOK5	ENSG00000101134
20	52528211	52528501	52528323	11	14	9	1.558956276	0.132279	DOK5	ENSG00000101134
20	52528506	52528790	52528658	9	14	18	0.820503303	0.720361	DOK5	ENSG00000101134
20	52529308	52529993	52529653	31	67	53	1.308753417	0.0687015	DOK5	ENSG00000101134
20	52531342	52531695	52531521	12	16	16	1.039304184	0.455583	DOK5	ENSG00000101134
20	52533435	52533637	52533501	8	10	8	1.27026067	0.293854	DOK5	ENSG00000101134
20	52533674	52534075	52533835	10	18	11	1.645564958	0.0828462	DOK5	ENSG00000101134
20	52534377	52534713	52534537	11	14	10	1.417232979	0.185113	DOK5	ENSG00000101134
20	52536420	52536693	52536549	13	13	10	1.32275078	0.240023	DOK5	ENSG00000101134
20	52537356	52537611	52537456	8	11	17	0.692869456	0.843876	DOK5	ENSG00000101134
20	52537669	52537854	52537756	8	9	8	1.154782427	0.375434	DOK5	ENSG00000101134
20	52538026	52538392	52538169	8	14	20	0.742360132	0.815839	DOK5	ENSG00000101134
20	52538995	52539364	52539170	11	16	5	2.944695189	0.00659886	DOK5	ENSG00000101134
20	52539659	52539891	52539712	12	15	19	0.831443347	0.712423	DOK5	ENSG00000101134
20	52540921	52541439	52541162	8	19	21	0.944821986	0.574409	DOK5	ENSG00000101134
20	52542061	52542350	52542217	8	12	7	1.688869299	0.11395	DOK5	ENSG00000101134
20	52543102	52543495	52543268	8	15	20	0.791850807	0.763134	DOK5	ENSG00000101134
20	52543847	52544505	52544370	11	26	37	0.738452973	0.889183	DOK5	ENSG00000101134
20	52544818	52545474	52545178	11	28	24	1.205592854	0.245174	DOK5	ENSG00000101134
20	52546663	52547190	52546816	11	24	20	1.237266886	0.234075	DOK5	ENSG00000101134

20	52547202	52547712	52547534	9	20	19	1.091269393	0.389566	DOK5	ENSG00000101134
20	52548017	52548331	52548174	8	13	12	1.11925066	0.384109	DOK5	ENSG00000101134
20	52548383	52548621	52548468	13	14	11	1.29913023	0.246308	DOK5	ENSG00000101134
20	52549074	52549530	52549351	11	20	21	0.992063085	0.511305	DOK5	ENSG00000101134
20	52549602	52549791	52549738	10	12	13	0.965068171	0.538344	DOK5	ENSG00000101134
20	52553281	52553513	52553352	8	11	4	2.494330042	0.0324033	DOK5	ENSG00000101134
20	52553599	52554005	52553775	11	17	14	1.247165021	0.261378	DOK5	ENSG00000101134
20	52554403	52554726	52554551	13	18	17	1.097043306	0.388692	DOK5	ENSG00000101134
20	52554730	52555224	52554909	13	24	27	0.927950164	0.608665	DOK5	ENSG00000101134
20	52555553	52555950	52555809	15	21	19	1.143234603	0.33145	DOK5	ENSG00000101134
20	52556010	52556197	52556139	8	9	10	0.944821986	0.553851	DOK5	ENSG00000101134
20	52556767	52557267	52557093	9	18	15	1.234173719	0.265435	DOK5	ENSG00000101134
20	52557432	52557790	52557611	12	18	22	0.85855563	0.691398	DOK5	ENSG00000101134
20	52559185	52559470	52559363	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DOK5	ENSG00000101134
20	52559650	52559862	52559761	11	13	17	0.808347699	0.728863	DOK5	ENSG00000101134
20	52560002	52560415	52560137	8	15	6	2.375552421	0.0212094	DOK5	ENSG00000101134
20	52560743	52561358	52560922	13	30	22	1.400801292	0.107495	DOK5	ENSG00000101134
20	52561526	52561974	52561621	8	17	32	0.566893191	0.977151	DOK5	ENSG00000101134
20	52562437	52563124	52562721	12	31	23	1.385738912	0.110791	DOK5	ENSG00000101134
20	52563343	52563688	52563519	17	22	24	0.956159849	0.562938	DOK5	ENSG00000101134
20	52563922	52564459	52564066	12	26	34	0.801748942	0.808783	DOK5	ENSG00000101134
20	52564478	52564849	52564657	10	17	18	0.984603964	0.519872	DOK5	ENSG00000101134
20	52565743	52565956	52565834	9	12	17	0.750608578	0.78992	DOK5	ENSG00000101134
20	52566922	52567236	52567083	14	18	14	1.316451967	0.209896	DOK5	ENSG00000101134
20	52567328	52567524	52567426	9	10	10	1.039304184	0.464387	DOK5	ENSG00000101134
20	52567573	52567787	52567680	8	10	14	0.762156402	0.758589	DOK5	ENSG00000101134
20	52567849	52568071	52567960	8	8	11	0.779478138	0.719708	DOK5	ENSG00000101134
20	52569927	52570388	52570106	9	18	26	0.731362204	0.856292	DOK5	ENSG00000101134
20	52570754	52571139	52570951	14	24	25	0.999330946	0.501681	DOK5	ENSG00000101134
20	52571619	52572126	52571798	12	25	25	1.039304184	0.44499	DOK5	ENSG00000101134
20	52573017	52573210	52573186	8	9	13	0.742360132	0.770276	DOK5	ENSG00000101134
20	52573805	52574270	52573984	8	19	27	0.742360132	0.849695	DOK5	ENSG00000101134
20	52574316	52575085	52574618	10	30	29	1.073947657	0.390181	DOK5	ENSG00000101134
20	52575595	52576713	52576280	12	48	42	1.184323373	0.208125	DOK5	ENSG00000101134

20	52576867	52577663	52577484	13	33	35	0.981565063	0.531809	DOK5	ENSG00000101134
20	52578280	52578747	52578498	13	25	18	1.422205726	0.118245	DOK5	ENSG00000101134
20	52578820	52579108	52578976	16	18	14	1.316451967	0.209896	DOK5	ENSG00000101134
20	52579639	52579825	52579732	9	9	9	1.039304184	0.466079	DOK5	ENSG00000101134
20	52581219	52581873	52581694	12	29	13	2.227080395	0.00479511	DOK5	ENSG00000101134
20	52582003	52582316	52582148	10	14	22	0.677807077	0.884881	DOK5	ENSG00000101134
20	52582584	52583267	52582925	12	33	29	1.177878075	0.255589	DOK5	ENSG00000101134
20	52585418	52585690	52585534	9	13	8	1.616695398	0.123553	DOK5	ENSG00000101134
20	52585692	52585958	52585861	9	13	14	0.970017239	0.534076	DOK5	ENSG00000101134
20	52585990	52586333	52586161	10	15	19	0.831443347	0.712423	DOK5	ENSG00000101134
20	52586762	52586987	52586893	9	10	9	1.143234603	0.378307	DOK5	ENSG00000101134
20	52588236	52588431	52588407	8	9	9	1.039304184	0.466079	DOK5	ENSG00000101134
20	52588858	52589054	52588943	8	9	7	1.29913023	0.286504	DOK5	ENSG00000101134
20	52589411	52589684	52589531	10	13	19	0.727512929	0.824686	DOK5	ENSG00000101134
20	52591163	52591357	52591260	8	8	9	0.935373766	0.560286	DOK5	ENSG00000101134
20	52591747	52592062	52591904	8	11	13	0.890832158	0.618492	DOK5	ENSG00000101134
20	52593388	52593672	52593548	11	13	5	2.425043097	0.0262442	DOK5	ENSG00000101134
20	52596950	52597402	52597241	10	20	19	1.091269393	0.389566	DOK5	ENSG00000101134
20	52598971	52600236	52599799	16	64	44	1.501217155	0.0169698	DOK5	ENSG00000101134
20	52600352	52600571	52600428	10	10	11	0.952695502	0.548138	DOK5	ENSG00000101134
20	52604808	52605461	52604987	10	25	46	0.57493423	0.990021	DOK5	ENSG00000101134
20	52605810	52606290	52606122	13	21	24	0.914587682	0.621823	DOK5	ENSG00000101134
20	52607546	52608020	52607692	10	20	22	0.948929907	0.57038	DOK5	ENSG00000101134
20	52608821	52609623	52609082	12	36	26	1.42423166	0.0786584	DOK5	ENSG00000101134
20	52611141	52611435	52611274	12	15	22	0.722994215	0.845414	DOK5	ENSG00000101134
20	52612039	52612253	52612146	10	10	19	0.571617301	0.938875	DOK5	ENSG00000101134
20	52612676	52612930	52612803	14	15	10	1.511715177	0.140236	DOK5	ENSG00000101134
20	52614477	52614818	52614647	10	16	15	1.104260696	0.387363	DOK5	ENSG00000101134
20	52616028	52616294	52616161	11	13	9	1.455025858	0.177172	DOK5	ENSG00000101134
20	52619514	52620057	52619659	10	22	19	1.195199812	0.27834	DOK5	ENSG00000101134
20	52620818	52621030	52620924	8	9	8	1.154782427	0.375434	DOK5	ENSG00000101134
20	52621213	52621716	52621344	10	22	24	0.956159849	0.562938	DOK5	ENSG00000101134
20	52621760	52622041	52621900	10	14	13	1.113540197	0.385405	DOK5	ENSG00000101134
20	52622699	52622932	52622815	11	12	18	0.711102863	0.834017	DOK5	ENSG00000101134

20	52623742	52624458	52624070	14	30	32	0.976316052	0.539065	DOK5	ENSG00000101134
20	52624552	52624945	52624766	11	18	19	0.987338975	0.516858	DOK5	ENSG00000101134
20	52625081	52625404	52625239	15	18	17	1.097043306	0.388692	DOK5	ENSG00000101134
20	52626481	52626821	52626651	12	17	15	1.169217207	0.323156	DOK5	ENSG00000101134
20	52627795	52628102	52627953	8	13	26	0.538898466	0.974306	DOK5	ENSG00000101134
20	52628242	52628534	52628419	8	12	8	1.501217155	0.168286	DOK5	ENSG00000101134
20	52631079	52631411	52631245	9	15	4	3.32577339	0.00462646	DOK5	ENSG00000101134
20	52635040	52635718	52635546	17	39	29	1.385738912	0.0861361	DOK5	ENSG00000101134
20	52636420	52636779	52636560	11	15	15	1.039304184	0.456923	DOK5	ENSG00000101134
20	52636981	52637312	52637146	11	16	21	0.803098688	0.755224	DOK5	ENSG00000101134
20	52637529	52637751	52637665	11	13	7	1.818782322	0.0805123	DOK5	ENSG00000101134
20	52637975	52638648	52638311	10	25	34	0.772054537	0.844426	DOK5	ENSG00000101134
20	52639491	52639975	52639670	14	24	20	1.237266886	0.234075	DOK5	ENSG00000101134
20	52640020	52640534	52640442	12	24	12	1.998661893	0.0177296	DOK5	ENSG00000101134
20	52640993	52641175	52641084	8	9	13	0.742360132	0.770276	DOK5	ENSG00000101134
20	52641427	52642299	52641772	12	42	37	1.176054735	0.232234	DOK5	ENSG00000101134
20	52642747	52642928	52642842	9	10	4	2.286469205	0.0509017	DOK5	ENSG00000101134
20	52644810	52645139	52644977	11	14	3	3.897390691	0.00295882	DOK5	ENSG00000101134
20	52645470	52645840	52645555	10	16	27	0.631006112	0.93773	DOK5	ENSG00000101134
20	52646428	52646618	52646580	8	11	20	0.593888105	0.931657	DOK5	ENSG00000101134
20	52647327	52647639	52647479	12	15	20	0.791850807	0.763134	DOK5	ENSG00000101134
20	52647700	52648366	52647879	11	29	30	1.005778243	0.491622	DOK5	ENSG00000101134
20	52648411	52648926	52648747	10	23	26	0.923825942	0.612844	DOK5	ENSG00000101134
20	52649036	52649241	52649138	9	11	9	1.247165021	0.300052	DOK5	ENSG00000101134
20	52649353	52649830	52649532	12	22	20	1.138285535	0.33303	DOK5	ENSG00000101134
20	52649898	52650342	52650191	12	22	23	0.995999843	0.506279	DOK5	ENSG00000101134
20	52650488	52650976	52650667	12	22	29	0.796799875	0.797061	DOK5	ENSG00000101134
20	52651483	52651719	52651601	8	11	20	0.593888105	0.931657	DOK5	ENSG00000101134
20	52651871	52652191	52652031	12	16	32	0.535399125	0.984936	DOK5	ENSG00000101134
20	52653114	52653650	52653382	12	22	21	1.086545284	0.390103	DOK5	ENSG00000101134
20	52653714	52653956	52653835	8	10	7	1.429043253	0.21536	DOK5	ENSG00000101134
20	52654439	52654638	52654584	8	9	10	0.944821986	0.553851	DOK5	ENSG00000101134
20	52655000	52655308	52655154	10	13	17	0.808347699	0.728863	DOK5	ENSG00000101134
20	52655340	52655527	52655382	9	10	13	0.816596145	0.696946	DOK5	ENSG00000101134

20	52656392	52657169	52656796	10	31	31	1.039304184	0.438963	DOK5	ENSG00000101134
20	52658220	52658654	52658513	8	15	11	1.385738912	0.19225	DOK5	ENSG00000101134
20	52659706	52659960	52659824	8	10	21	0.519652092	0.967869	DOK5	ENSG00000101134
20	52660104	52661095	52660283	12	42	38	1.145899485	0.268268	DOK5	ENSG00000101134
20	52661644	52662230	52661807	10	26	23	1.169217207	0.28753	DOK5	ENSG00000101134
20	52662684	52662873	52662778	9	9	10	0.944821986	0.553851	DOK5	ENSG00000101134
20	52662964	52663293	52663128	8	12	18	0.711102863	0.834017	DOK5	ENSG00000101134
20	52664107	52664600	52664262	13	24	23	1.082608525	0.390382	DOK5	ENSG00000101134
20	52664771	52664992	52664877	11	11	17	0.692869456	0.843876	DOK5	ENSG00000101134
20	52664999	52665240	52665166	9	12	15	0.84443465	0.678289	DOK5	ENSG00000101134
20	52665274	52665647	52665451	11	17	9	1.870747532	0.0498299	DOK5	ENSG00000101134
20	52666003	52666657	52666359	9	26	19	1.403060649	0.122336	DOK5	ENSG00000101134
20	52667558	52668203	52668082	12	28	23	1.255825889	0.202607	DOK5	ENSG00000101134
20	52669353	52669680	52669532	12	16	19	0.883408557	0.649033	DOK5	ENSG00000101134
20	52670581	52671174	52670760	15	29	23	1.29913023	0.167378	DOK5	ENSG00000101134
20	52672201	52672520	52672351	12	16	14	1.177878075	0.320433	DOK5	ENSG00000101134
20	52672543	52672900	52672721	9	15	24	0.665154678	0.903869	DOK5	ENSG00000101134
20	52672926	52673503	52673227	8	21	27	0.816596145	0.764635	DOK5	ENSG00000101134
20	52674093	52674718	52674270	10	26	37	0.738452973	0.889183	DOK5	ENSG00000101134
20	52674836	52675710	52675104	10	38	45	0.8811492	0.721188	DOK5	ENSG00000101134
20	52675829	52676358	52676173	10	23	24	0.997732017	0.503931	DOK5	ENSG00000101134
20	52676714	52677109	52676935	11	17	20	0.890832158	0.642922	DOK5	ENSG00000101134
20	52677120	52677358	52677252	8	11	11	1.039304184	0.462773	DOK5	ENSG00000101134
20	52677451	52677879	52677609	12	21	18	1.203404845	0.275531	DOK5	ENSG00000101134
20	52677913	52678153	52678084	10	13	17	0.808347699	0.728863	DOK5	ENSG00000101134
20	52678366	52679197	52678538	14	47	25	1.918715417	0.00292519	DOK5	ENSG00000101134
20	52679497	52679940	52679669	10	20	27	0.779478138	0.809588	DOK5	ENSG00000101134
20	52680205	52680776	52680304	16	28	23	1.255825889	0.202607	DOK5	ENSG00000101134
20	52682225	52682417	52682321	9	10	11	0.952695502	0.548138	DOK5	ENSG00000101134
20	52683506	52683712	52683627	8	9	17	0.577391213	0.925885	DOK5	ENSG00000101134
20	52686021	52686244	52686126	8	9	7	1.29913023	0.286504	DOK5	ENSG00000101134
20	52686923	52687693	52687308	10	30	38	0.826113582	0.788867	DOK5	ENSG00000101134
20	52688321	52688554	52688437	10	10	22	0.497058523	0.977096	DOK5	ENSG00000101134
20	52689236	52689602	52689410	9	15	13	1.187776211	0.317363	DOK5	ENSG00000101134

20	52689670	52690877	52690424	17	62	48	1.336248237	0.0626522	DOK5	ENSG00000101134
20	52690926	52691300	52691135	11	16	18	0.929903744	0.58804	DOK5	ENSG00000101134
20	52691887	52692320	52692147	9	17	18	0.984603964	0.519872	DOK5	ENSG00000101134
20	52693292	52694284	52694119	11	40	46	0.906627054	0.678204	DOK5	ENSG00000101134
20	52695388	52696158	52695858	13	31	29	1.10859113	0.342043	DOK5	ENSG00000101134
20	52696612	52697247	52696929	18	40	55	0.760919135	0.910493	DOK5	ENSG00000101134
20	52697552	52698072	52697894	15	31	40	0.811164241	0.815118	DOK5	ENSG00000101134
20	52698111	52700453	52698880	61	224	161	1.443478034	0.000164517	DOK5	ENSG00000101134
20	52701096	52701677	52701275	9	23	29	0.831443347	0.752665	DOK5	ENSG00000101134
20	52702084	52702498	52702263	9	17	26	0.692869456	0.890806	DOK5	ENSG00000101134
20	52704062	52704343	52704204	9	14	18	0.820503303	0.720361	DOK5	ENSG00000101134
20	52704487	52704934	52704772	13	20	13	1.558956276	0.0943292	DOK5	ENSG00000101134
20	52705577	52705807	52705692	8	10	9	1.143234603	0.378307	DOK5	ENSG00000101134
20	52707395	52707941	52707574	13	27	23	1.212521548	0.242672	DOK5	ENSG00000101134
20	52708173	52708467	52708294	8	13	9	1.455025858	0.177172	DOK5	ENSG00000101134
20	52708747	52709261	52708990	10	21	41	0.54439743	0.991484	DOK5	ENSG00000101134
20	52709844	52710024	52709934	9	10	10	1.039304184	0.464387	DOK5	ENSG00000101134
20	52710546	52710990	52710725	9	18	12	1.518983039	0.117837	DOK5	ENSG00000101134
20	52711674	52711863	52711768	8	9	11	0.86608682	0.635181	DOK5	ENSG00000101134
20	52713756	52714074	52713937	8	12	23	0.562956433	0.958014	DOK5	ENSG00000101134
20	52715368	52716327	52715568	12	45	40	1.166048597	0.236372	DOK5	ENSG00000101134
20	52716976	52717176	52717076	10	13	13	1.039304184	0.45974	DOK5	ENSG00000101134
20	52717748	52718368	52718078	15	36	38	0.986006534	0.525206		ENSG00000210815
20	52718371	52719350	52718710	38	76	69	1.143234603	0.208288		ENSG00000210815
20	52720490	52721722	52721248	13	56	48	1.2089865	0.163943		ENSG00000210815
20	52721741	52722039	52721877	14	17	16	1.100439724	0.388093		ENSG00000210815
20	52722622	52722953	52722794	11	16	16	1.039304184	0.455583		ENSG00000210815
20	52723393	52724242	52724063	16	44	32	1.417232979	0.062001		ENSG00000210815
20	52724777	52725250	52725084	15	25	32	0.818845721	0.77985		ENSG00000210815
20	52725397	52725997	52725818	11	25	30	0.871674477	0.699445		ENSG00000210815
20	52726390	52726747	52726568	10	15	16	0.978168644	0.526483		ENSG00000210815
20	52727008	52728176	52727631	11	52	35	1.530086716	0.0229137		ENSG00000210815
20	52728344	52728574	52728486	8	11	21	0.566893191	0.949414		ENSG00000210815
20	52730002	52730222	52730112	13	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000210815

20	52730255	52731794	52731008	26	111	88	1.307888412	0.0287071	ENSG00000210815
20	52731835	52732357	52732096	16	28	25	1.159223898	0.291166	ENSG00000210815
20	52732922	52733129	52732999	10	11	23	0.519652092	0.973215	ENSG00000210815
20	52733196	52733520	52733361	10	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000210815
20	52733545	52733997	52733778	10	20	31	0.682043371	0.91767	ENSG00000210815
20	52734253	52735490	52734671	48	114	53	2.213332985	2.78E-07	ENSG00000210815
20	52735779	52736729	52735958	10	37	41	0.940322833	0.60943	ENSG00000210815
20	52737361	52737641	52737474	10	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000210815
20	52738242	52739209	52738451	12	43	29	1.524312804	0.0354173	ENSG00000210815
20	52741183	52741729	52741388	18	32	34	0.979915374	0.534148	ENSG00000210815
20	52741743	52742412	52742086	13	30	21	1.464474078	0.0824908	ENSG00000210815
20	52742834	52743296	52743009	11	20	29	0.727512929	0.872335	ENSG00000210815
20	52743503	52743841	52743672	10	15	23	0.692869456	0.877389	ENSG00000210815
20	52744008	52744261	52744126	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000210815
20	52744601	52744850	52744725	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000210815
20	52745010	52745202	52745086	8	10	19	0.571617301	0.938875	ENSG00000210815
20	52747038	52747735	52747168	11	31	27	1.187776211	0.251797	ENSG00000210815
20	52750793	52751108	52750950	9	14	18	0.820503303	0.720361	ENSG00000210815
20	52751141	52751429	52751285	8	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000210815
20	52753207	52753621	52753386	8	15	21	0.755857589	0.807439	ENSG00000210815
20	52753979	52754606	52754427	12	28	22	1.310427015	0.164056	ENSG00000210815
20	52755039	52755234	52755136	10	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000210815
20	52756224	52756420	52756364	10	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000210815
20	52756550	52756926	52756807	13	19	11	1.73217364	0.0607469	ENSG00000210815
20	52757655	52757988	52757817	10	15	17	0.923825942	0.593214	ENSG00000210815
20	52761160	52762108	52761755	10	38	39	1.01332158	0.477007	ENSG00000210815
20	52762145	52762408	52762310	8	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000210815
20	52764666	52765247	52764965	10	25	25	1.039304184	0.44499	ENSG00000210815
20	52765272	52765614	52765443	9	14	16	0.917033104	0.598778	ENSG00000210815
20	52765772	52766107	52765939	8	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000210815
20	52766600	52767274	52766811	13	29	24	1.247165021	0.205527	ENSG00000210815
20	52768116	52768546	52768243	13	25	16	1.589524046	0.0646994	ENSG00000210815
20	52768892	52769218	52769044	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000210815
20	52769227	52769525	52769376	9	13	9	1.455025858	0.177172	ENSG00000210815

20	52770120	52770336	52770228	10	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000210815
20	52770392	52770683	52770540	9	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000210815
20	52771907	52772278	52772018	14	20	25	0.839437995	0.727499	ENSG00000210815
20	52772686	52773008	52772847	8	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000210815
20	52773110	52773435	52773272	8	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000210815
20	52773509	52773858	52773665	8	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000210815
20	52775991	52776253	52776106	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000210815
20	52776641	52777352	52777027	19	50	44	1.177878075	0.210824	ENSG00000210815
20	52779407	52779608	52779451	9	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000210815
20	52780437	52780625	52780512	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000210815
20	52782530	52782739	52782635	10	10	11	0.952695502	0.548138	ENSG00000210815
20	52783211	52783465	52783338	8	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000210815
20	52783857	52784195	52784026	12	16	22	0.768181354	0.79945	ENSG00000210815
20	52785442	52785734	52785588	9	15	19	0.831443347	0.712423	ENSG00000210815
20	52786217	52786551	52786384	9	13	2	4.850086193	0.00164564	ENSG00000210815
20	52789655	52789928	52789815	8	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000210815
20	52790578	52791176	52790757	13	29	35	0.86608682	0.721698	ENSG00000210815
20	52793784	52794074	52793929	9	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000210815
20	52794479	52794917	52794617	8	16	15	1.104260696	0.387363	ENSG00000210815
20	52797606	52797823	52797756	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000210815
20	52799093	52799312	52799202	8	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000210815
20	52801087	52801320	52801227	8	10	14	0.762156402	0.758589	ENSG00000210815
20	52809062	52809556	52809241	11	22	30	0.771096653	0.831099	ENSG00000210815
20	52813223	52813825	52813597	13	27	19	1.455025858	0.0967688	ENSG00000210815
20	52813937	52814148	52814042	9	10	11	0.952695502	0.548138	ENSG00000210815
20	52815114	52815417	52815265	10	15	9	1.662886695	0.0970566	ENSG00000210815
20	52815995	52816260	52816152	11	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000210815
20	52816298	52816619	52816454	12	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000210815
20	52817620	52817955	52817788	8	10	14	0.762156402	0.758589	ENSG00000210815
20	52819834	52820094	52819960	10	12	21	0.614134291	0.924528	ENSG00000210815
20	52820832	52821082	52820931	10	11	25	0.479678854	0.986393	ENSG00000210815
20	52821144	52821482	52821302	12	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000210815
20	52821818	52822203	52822024	10	17	18	0.984603964	0.519872	ENSG00000210815
20	52824413	52824652	52824509	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000210815

20	52825009	52825214	52825107	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000210815
20	52825455	52825686	52825580	12	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000210815
20	52826657	52827052	52826826	16	22	25	0.919384471	0.617223	ENSG00000210815
20	52827800	52828136	52827963	10	15	19	0.831443347	0.712423	ENSG00000210815
20	52828138	52828404	52828307	9	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000210815
20	52828923	52829142	52829033	10	11	16	0.733626483	0.800067	ENSG00000210815
20	52829252	52829514	52829383	14	15	19	0.831443347	0.712423	ENSG00000210815
20	52831665	52832014	52831898	9	13	6	2.078608368	0.0483393	ENSG00000210815
20	52832335	52832514	52832449	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000210815
20	52839022	52839377	52839199	12	18	12	1.518983039	0.117837	ENSG00000210815
20	52840810	52841155	52840989	8	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000210815
20	52842359	52842934	52842538	12	27	20	1.385738912	0.126232	ENSG00000210815
20	52843003	52843331	52843167	13	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000210815
20	52844863	52845226	52845134	9	15	18	0.875203524	0.655562	ENSG00000210815
20	52845801	52846045	52845881	12	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000210815
20	52849937	52850786	52850312	10	32	27	1.224894217	0.213361	ENSG00000210815
20	52852271	52852929	52852450	17	35	29	1.247165021	0.184147	ENSG00000210815
20	52852942	52853199	52853070	10	13	4	2.910051716	0.0125532	ENSG00000210815
20	52853967	52854317	52854139	17	21	24	0.914587682	0.621823	ENSG00000210815
20	52854490	52855259	52854669	15	42	38	1.145899485	0.268268	ENSG00000210815
20	52856489	52857005	52856668	10	19	22	0.903742769	0.631776	ENSG00000210815
20	52858349	52858708	52858505	9	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000210815
20	52858907	52859332	52859170	11	19	11	1.73217364	0.0607469	ENSG00000210815
20	52863332	52863605	52863468	9	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000210815
20	52864464	52864723	52864620	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000210815
20	52867406	52868201	52867723	11	33	35	0.981565063	0.531809	ENSG00000210815
20	52871533	52872103	52871924	17	29	16	1.834066207	0.0198505	ENSG00000210815
20	52872105	52872997	52872542	13	40	31	1.331608486	0.110337	ENSG00000210815
20	52873062	52873448	52873241	9	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000210815
20	52875527	52875771	52875649	9	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000210815
20	52875956	52876293	52876115	14	19	19	1.039304184	0.451787	ENSG00000210815
20	52876814	52876993	52876903	9	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000210815
20	52877067	52877520	52877341	11	19	18	1.094004404	0.389177	ENSG00000210815
20	52877753	52878105	52877943	13	18	19	0.987338975	0.516858	ENSG00000210815

20	52878858	52879365	52879037	12	22	22	1.039304184	0.448275	ENSG00000210815
20	52879387	52879682	52879515	10	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000210815
20	52880871	52881289	52881022	10	20	16	1.283846345	0.219275	ENSG00000210815
20	52881944	52882533	52882192	11	23	25	0.959357709	0.559486	ENSG00000210815
20	52882548	52882836	52882692	12	15	17	0.923825942	0.593214	ENSG00000210815
20	52882943	52883252	52883076	15	17	19	0.935373766	0.583208	ENSG00000210815
20	52883593	52884023	52883771	12	18	22	0.85855563	0.691398	ENSG00000210815
20	52884467	52885240	52884853	9	33	30	1.139882009	0.298279	ENSG00000210815
20	52885553	52885763	52885687	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000210815
20	52886448	52887068	52886573	11	26	36	0.758411161	0.865982	ENSG00000210815
20	52887609	52887993	52887837	15	20	23	0.909391161	0.626666	ENSG00000210815
20	52889171	52890089	52889759	11	37	35	1.097043306	0.34492	ENSG00000210815
20	52891927	52892178	52892052	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000210815
20	52892969	52893314	52893141	13	19	22	0.903742769	0.631776	ENSG00000210815
20	52894453	52895144	52894817	13	28	18	1.586306386	0.0554746	ENSG00000210815
20	52896699	52897121	52896948	12	20	16	1.283846345	0.219275	ENSG00000210815
20	52897712	52898013	52897862	11	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000210815
20	52898035	52898450	52898238	11	20	13	1.558956276	0.0943292	ENSG00000210815
20	52900781	52901098	52900950	8	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000210815
20	52901304	52902169	52901436	10	34	51	0.699531662	0.951418	ENSG00000210815
20	52902183	52902405	52902294	9	12	21	0.614134291	0.924528	ENSG00000210815
20	52902498	52902835	52902666	10	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000210815
20	52902872	52903383	52903211	14	25	17	1.501217155	0.0888464	ENSG00000210815
20	52903673	52904186	52904007	10	20	22	0.948929907	0.57038	ENSG00000210815
20	52904197	52904410	52904303	11	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000210815
20	52904470	52904692	52904581	9	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000210815
20	52905613	52905931	52905772	11	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000210815
20	52906648	52907665	52907193	12	44	47	0.974347673	0.550591	ENSG00000210815
20	52908070	52908276	52908103	8	9	11	0.86608682	0.635181	ENSG00000210815
20	52912038	52912279	52912141	15	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000210815
20	52912665	52913532	52912884	18	48	43	1.157406932	0.240004	ENSG00000210815
20	52914608	52914824	52914716	8	8	16	0.550219862	0.934723	ENSG00000210815
20	52916179	52916441	52916309	8	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000210815
20	52916724	52916972	52916824	14	15	8	1.847651883	0.0631662	ENSG00000210815

20	52918315	52918874	52918592	15	31	14	2.21718226	0.00388768	ENSG00000210815
20	52919437	52919727	52919566	9	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000210815
20	52919810	52920092	52919955	10	13	22	0.632619938	0.917511	ENSG00000210815
20	52922365	52923128	52922952	10	28	26	1.116289679	0.339846	ENSG00000210815
20	52923780	52923978	52923875	9	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000210815
20	52926568	52927334	52927155	10	28	21	1.369991879	0.129943	ENSG00000210815
20	52927373	52927600	52927463	12	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000210815
20	52928471	52928779	52928618	9	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000210815
20	52929025	52929356	52929190	9	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000210815
20	52930309	52930516	52930412	8	10	20	0.54439743	0.955421	ENSG00000210815
20	52936587	52936837	52936704	9	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000210815
20	52937320	52937542	52937422	12	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000210815
20	52938759	52939224	52939045	9	18	31	0.617086859	0.956343	ENSG00000210815
20	52940166	52940716	52940422	8	21	23	0.952695502	0.566563	ENSG00000210815
20	52942295	52942767	52942613	10	21	15	1.429043253	0.134782	ENSG00000210815
20	52945492	52945730	52945584	10	13	12	1.11925066	0.384109	ENSG00000210815
20	52946032	52946229	52946130	8	8	10	0.850339787	0.645072	ENSG00000210815
20	52946344	52946826	52946488	10	20	11	1.818782322	0.04395	ENSG00000210815
20	52947644	52947874	52947734	8	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000210815
20	52949135	52949561	52949268	11	19	15	1.29913023	0.214784	ENSG00000210815
20	52957633	52957961	52957796	11	14	4	3.117912553	0.00766354	ENSG00000210815
20	52963218	52963525	52963359	11	14	14	1.039304184	0.458308	ENSG00000210815
20	52964061	52964585	52964420	19	35	17	2.078608368	0.00423339	ENSG00000210815
20	52964913	52965735	52965201	16	37	34	1.1283874	0.302474	ENSG00000210815
20	52965872	52966282	52966078	11	20	10	1.98412617	0.0277883	ENSG00000210815
20	52967777	52968324	52967956	10	23	11	2.078608368	0.0154752	ENSG00000210815
20	52968451	52968712	52968581	17	17	14	1.247165021	0.261378	ENSG00000210815
20	52968842	52969023	52968898	8	8	13	0.668124118	0.835294	ENSG00000210815
20	52969430	52969655	52969549	10	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000210815
20	52969751	52970066	52969901	9	12	22	0.5874328	0.943388	ENSG00000210815
20	52970444	52970769	52970606	16	20	16	1.283846345	0.219275	ENSG00000210815
20	52970833	52971087	52970960	11	14	20	0.742360132	0.815839	ENSG00000210815
20	52971360	52971725	52971560	8	13	21	0.66137539	0.892612	ENSG00000210815
20	52972305	52972534	52972419	10	13	10	1.32275078	0.240023	ENSG00000210815

20	52972539	52973018	52972839	13	25	25	1.039304184	0.44499	ENSG00000210815
20	52973225	52973686	52973469	8	18	23	0.822782479	0.740651	ENSG00000210815
20	52974912	52975392	52975074	11	19	22	0.903742769	0.631776	ENSG00000210815
20	52975552	52975838	52975730	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000210815
20	52975990	52976266	52976128	13	16	8	1.963130126	0.0441028	ENSG00000210815
20	52976829	52977258	52976995	11	21	15	1.429043253	0.134782	ENSG00000210815
20	52977424	52977653	52977538	10	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000210815
20	52980573	52980882	52980727	8	13	17	0.808347699	0.728863	ENSG00000210815
20	52981031	52981418	52981243	8	16	18	0.929903744	0.58804	ENSG00000210815
20	52982793	52982991	52982937	10	10	16	0.672490943	0.854309	ENSG00000210815
20	52983307	52983773	52983486	8	17	23	0.779478138	0.791839	ENSG00000210815
20	52985519	52986320	52986243	9	30	24	1.288737188	0.170531	ENSG00000210815
20	52987271	52987943	52987648	11	29	29	1.039304184	0.440902	ENSG00000210815
20	52988537	52989245	52988713	13	31	30	1.072830126	0.39004	ENSG00000210815
20	52990444	52991002	52990823	12	25	25	1.039304184	0.44499	ENSG00000210815
20	53153980	53154213	53154096	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ENSG00000185834
20	53585509	53586205	53585681	16	37	43	0.897580886	0.688768	CBLN4 ENSG00000054803
20	53586251	53586792	53586521	13	26	22	1.220052738	0.239999	CBLN4 ENSG00000054803
20	53587078	53587415	53587207	8	13	18	0.765803083	0.780427	CBLN4 ENSG00000054803
20	53587892	53588167	53587989	12	14	14	1.039304184	0.458308	CBLN4 ENSG00000054803
20	53588363	53588601	53588482	12	15	12	1.279143611	0.251893	CBLN4 ENSG00000054803
20	53588750	53588997	53588840	8	12	12	1.039304184	0.461227	CBLN4 ENSG00000054803
20	53589005	53589308	53589156	11	15	22	0.722994215	0.845414	CBLN4 ENSG00000054803
20	53589340	53589630	53589485	11	14	17	0.86608682	0.662567	CBLN4 ENSG00000054803
20	53589996	53590369	53590190	12	18	15	1.234173719	0.265435	CBLN4 ENSG00000054803
20	53590864	53591345	53591020	10	18	21	0.897580886	0.637183	CBLN4 ENSG00000054803
20	53592747	53593194	53593015	14	25	27	0.965068171	0.55304	CBLN4 ENSG00000054803
20	53593353	53593560	53593479	8	8	12	0.719518281	0.783103	CBLN4 ENSG00000054803
20	53999477	53999676	53999641	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CBLN4 ENSG00000054803
20	54005217	54005399	54005308	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CBLN4 ENSG00000054803
20	54242939	54243211	54243085	9	11	3	3.117912553	0.0146045	MC3R ENSG00000124089
20	54333791	54333988	54333889	9	10	2	3.810782009	0.00936112	C20orf108 ENSG00000124098
20	54368076	54368387	54368234	8	13	6	2.078608368	0.0483393	C20orf108 ENSG00000124098
20	54400834	54401127	54400974	14	18	6	2.8209685	0.00559354	CSTF1 ENSG00000101138

20	54477034	54477321	54477168	10	11	6	1.781664316	0.103344	C20orf43	ENSG00000022277
20	54574907	54575188	54575034	13	16	8	1.963130126	0.0441028	C20orf107	ENSG000000213714
20	54575262	54575511	54575386	8	11	2	4.157216737	0.0052913	C20orf107	ENSG000000213714
20	54576940	54577129	54577034	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG000000219489
20	54585937	54586345	54586116	10	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG000000219489
20	54600816	54601127	54600971	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG000000219489
20	54614962	54615186	54615099	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG000000210831
20	54634792	54635025	54634908	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TFAP2C	ENSG00000087510
20	54638380	54638706	54638543	13	17	6	2.672496474	0.00882337	TFAP2C	ENSG00000087510
20	54697823	54698105	54697964	10	14	12	1.199197136	0.313881		ENSG000000210843
20	54700694	54700902	54700779	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG000000210843
20	54740128	54740307	54740185	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG000000221416
20	54743426	54744200	54744085	12	32	16	2.017472828	0.00740095		ENSG000000221416
20	54757538	54757758	54757615	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG000000221416
20	54758739	54758918	54758883	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG000000221416
20	54760789	54761205	54761026	15	22	12	1.838768941	0.0349935		ENSG000000207158
20	54767188	54767648	54767361	15	23	13	1.781664316	0.0385539		ENSG000000207158
20	54774293	54774476	54774395	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG000000207158
20	54791147	54791378	54791262	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG000000207158
20	54796090	54796274	54796164	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG000000207158
20	54812940	54813461	54813119	12	23	9	2.494330042	0.00494866		ENSG000000207158
20	54818178	54818460	54818319	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG000000207158
20	54820622	54820903	54820762	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG000000207158
20	54824460	54824666	54824541	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG000000207158
20	54837802	54838105	54837953	9	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG000000207158
20	54877051	54877343	54877215	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG000000207158
20	54898580	54898865	54898688	14	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG000000207158
20	54929030	54929284	54929122	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG000000207158
20	54930904	54931389	54931095	13	22	9	2.390399624	0.00747467		ENSG000000207158
20	54968384	54968574	54968479	9	9	12	0.799464757	0.707717		ENSG000000207158
20	54982898	54983285	54983045	10	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG000000207158
20	54989149	54989448	54989298	9	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG000000207158
20	55032896	55033340	55033222	9	19	4	4.157216737	0.000560204		ENSG000000207158
20	55055112	55055295	55055229	9	10	1	5.716173013	0.00260397	BMP7	ENSG00000101144

20	55056611	55057149	55056790	10	22	3	5.975999059	2.96E-05	BMP7	ENSG00000101144
20	55084581	55084880	55084740	8	12	3	3.377738599	0.00867157	BMP7	ENSG00000101144
20	55098545	55098842	55098679	9	10	5	1.905391004	0.0915982	BMP7	ENSG00000101144
20	55100654	55100878	55100760	8	10	4	2.286469205	0.0509017	BMP7	ENSG00000101144
20	55108980	55109510	55109159	13	24	38	0.666220631	0.946942	BMP7	ENSG00000101144
20	55110025	55110271	55110153	9	10	19	0.571617301	0.938875	BMP7	ENSG00000101144
20	55110365	55110774	55110589	10	19	31	0.649565115	0.939158	BMP7	ENSG00000101144
20	55110913	55111378	55111215	11	21	40	0.557675416	0.988638	BMP7	ENSG00000101144
20	55111474	55112032	55111755	15	32	47	0.714521627	0.934204	BMP7	ENSG00000101144
20	55112429	55112706	55112573	10	13	10	1.32275078	0.240023	BMP7	ENSG00000101144
20	55112726	55113008	55112887	8	13	16	0.855897563	0.670115	BMP7	ENSG00000101144
20	55113035	55113240	55113134	8	10	19	0.571617301	0.938875	BMP7	ENSG00000101144
20	55113343	55113753	55113522	15	26	28	0.967628034	0.550021	BMP7	ENSG00000101144
20	55113802	55115186	55114994	15	67	70	0.995389923	0.511331	BMP7	ENSG00000101144
20	55115191	55116189	55115720	16	52	66	0.822136146	0.858483	BMP7	ENSG00000101144
20	55116198	55117740	55116879	14	86	105	0.853013812	0.865324	BMP7	ENSG00000101144
20	55118135	55118335	55118182	11	12	35	0.375304289	0.999426	BMP7	ENSG00000101144
20	55118396	55118825	55118672	11	21	30	0.737570711	0.866474	BMP7	ENSG00000101144
20	55119653	55120227	55119940	12	26	40	0.684419829	0.940237	BMP7	ENSG00000101144
20	55120334	55120689	55120511	15	20	29	0.727512929	0.872335	BMP7	ENSG00000101144
20	55120895	55121486	55121307	20	37	31	1.234173719	0.188755	BMP7	ENSG00000101144
20	55121674	55122857	55122534	12	50	56	0.929903744	0.648011	BMP7	ENSG00000101144
20	55122875	55123785	55123182	14	47	65	0.755857589	0.93199	BMP7	ENSG00000101144
20	55123854	55124178	55124012	10	13	27	0.519652092	0.981283	BMP7	ENSG00000101144
20	55124190	55124881	55124615	10	30	48	0.657518974	0.968616	BMP7	ENSG00000101144
20	55124962	55125728	55125419	19	45	50	0.937411617	0.625775	BMP7	ENSG00000101144
20	55125779	55126013	55125896	10	11	15	0.779478138	0.747877	BMP7	ENSG00000101144
20	55127228	55127983	55127533	19	42	38	1.145899485	0.268268	BMP7	ENSG00000101144
20	55128068	55128424	55128246	10	16	30	0.569941004	0.972704	BMP7	ENSG00000101144
20	55128444	55129514	55128555	16	60	72	0.868459661	0.793336	BMP7	ENSG00000101144
20	55129528	55130280	55130110	17	40	48	0.869621868	0.747153	BMP7	ENSG00000101144
20	55130555	55132206	55131614	17	91	95	0.995999843	0.511357	BMP7	ENSG00000101144
20	55132246	55134141	55133471	14	92	83	1.150658204	0.175083	BMP7	ENSG00000101144
20	55134177	55134549	55134324	18	23	26	0.923825942	0.612844	BMP7	ENSG00000101144

20	55134605	55136304	55135739	18	115	96	1.242879231	0.0563563	BMP7	ENSG00000101144
20	55136311	55137240	55136795	17	51	64	0.831443347	0.841252	BMP7	ENSG00000101144
20	55137418	55137978	55137632	9	22	33	0.703058713	0.907926	BMP7	ENSG00000101144
20	55138394	55138715	55138542	11	16	19	0.883408557	0.649033	BMP7	ENSG00000101144
20	55138876	55139698	55139336	14	44	51	0.899397852	0.700166	BMP7	ENSG00000101144
20	55139939	55141053	55140807	16	57	60	0.988190864	0.526384	BMP7	ENSG00000101144
20	55141368	55141677	55141522	13	19	25	0.799464757	0.777638	BMP7	ENSG00000101144
20	55142061	55142705	55142476	14	32	36	0.926946975	0.625687	BMP7	ENSG00000101144
20	55143010	55143341	55143175	15	20	33	0.641923173	0.948808	BMP7	ENSG00000101144
20	55143350	55143924	55143581	24	49	51	0.999330946	0.501862	BMP7	ENSG00000101144
20	55143952	55144708	55144471	15	41	56	0.765803083	0.907583	BMP7	ENSG00000101144
20	55144712	55145088	55144936	12	19	34	0.593888105	0.971942	BMP7	ENSG00000101144
20	55145102	55145611	55145432	13	27	29	0.970017239	0.547123	BMP7	ENSG00000101144
20	55146156	55146348	55146252	8	9	15	0.649565115	0.865365	BMP7	ENSG00000101144
20	55146356	55146573	55146525	10	13	22	0.632619938	0.917511	BMP7	ENSG00000101144
20	55146579	55147343	55146829	11	36	45	0.835962061	0.793602	BMP7	ENSG00000101144
20	55147923	55148171	55148047	9	13	17	0.808347699	0.728863	BMP7	ENSG00000101144
20	55148209	55149667	55149062	18	72	106	0.709057995	0.989002	BMP7	ENSG00000101144
20	55149684	55149880	55149782	10	11	19	0.623582511	0.908792	BMP7	ENSG00000101144
20	55150017	55150505	55150333	12	23	41	0.593888105	0.981664	BMP7	ENSG00000101144
20	55150717	55151376	55151244	13	27	38	0.746167107	0.884665	BMP7	ENSG00000101144
20	55151461	55152196	55151909	14	38	52	0.764771003	0.900635	BMP7	ENSG00000101144
20	55152244	55152697	55152518	14	23	28	0.860113808	0.709947	BMP7	ENSG00000101144
20	55153550	55153916	55153724	11	17	15	1.169217207	0.323156	BMP7	ENSG00000101144
20	55153920	55154844	55154123	16	47	44	1.10859113	0.309281	BMP7	ENSG00000101144
20	55155130	55156079	55155599	13	48	82	0.613565121	0.997163	BMP7	ENSG00000101144
20	55156306	55156682	55156467	22	30	42	0.749265807	0.892735	BMP7	ENSG00000101144
20	55157009	55157446	55157206	19	28	42	0.700926078	0.933521	BMP7	ENSG00000101144
20	55157584	55158528	55157828	15	45	38	1.225845961	0.17347	BMP7	ENSG00000101144
20	55158654	55159357	55159124	20	41	40	1.064653067	0.38767	BMP7	ENSG00000101144
20	55159707	55160599	55160359	13	37	48	0.805991	0.843182	BMP7	ENSG00000101144
20	55161015	55161959	55161470	18	48	55	0.909391161	0.687636	BMP7	ENSG00000101144
20	55161965	55162461	55162282	10	22	31	0.746999882	0.860756	BMP7	ENSG00000101144
20	55162817	55163478	55163147	12	32	57	0.591328243	0.993207	BMP7	ENSG00000101144

20	55163492	55163711	55163601	11	12	19	0.67554772	0.870684	BMP7	ENSG00000101144
20	55163717	55165239	55164399	13	78	79	1.026312882	0.4352	BMP7	ENSG00000101144
20	55165377	55165573	55165475	10	10	23	0.476347751	0.983843	BMP7	ENSG00000101144
20	55165592	55166404	55165866	19	49	41	1.237266886	0.153231	BMP7	ENSG00000101144
20	55166790	55167355	55167133	9	21	43	0.519652092	0.99531	BMP7	ENSG00000101144
20	55167358	55169381	55167894	22	129	138	0.972011108	0.592448	BMP7	ENSG00000101144
20	55169937	55170391	55170175	23	35	17	2.078608368	0.00423339	BMP7	ENSG00000101144
20	55170515	55171567	55171021	14	58	80	0.757024035	0.949672	BMP7	ENSG00000101144
20	55171726	55172502	55172067	21	48	48	1.039304184	0.424526	BMP7	ENSG00000101144
20	55172598	55173179	55172721	8	21	37	0.601702422	0.974135	BMP7	ENSG00000101144
20	55173709	55174441	55174120	13	33	51	0.679545044	0.962488	BMP7	ENSG00000101144
20	55174469	55174842	55174648	14	21	20	1.08879486	0.389871	BMP7	ENSG00000101144
20	55175104	55176047	55175283	18	53	59	0.935373766	0.640149	BMP7	ENSG00000101144
20	55176070	55176362	55176229	14	16	18	0.929903744	0.58804	BMP7	ENSG00000101144
20	55176365	55176886	55176739	14	26	28	0.967628034	0.550021	BMP7	ENSG00000101144
20	55176939	55177246	55177083	24	26	35	0.779478138	0.839245	BMP7	ENSG00000101144
20	55177304	55178115	55177582	21	58	63	0.958108545	0.5945	BMP7	ENSG00000101144
20	55178359	55179047	55178675	15	35	35	1.039304184	0.435264	BMP7	ENSG00000101144
20	55179326	55181063	55180062	19	87	131	0.692869456	0.996509	BMP7	ENSG00000101144
20	55181067	55181604	55181425	17	34	44	0.808347699	0.829904	BMP7	ENSG00000101144
20	55181616	55182136	55181957	14	25	32	0.818845721	0.77985	BMP7	ENSG00000101144
20	55182197	55183424	55182730	24	69	71	1.010434624	0.475702	BMP7	ENSG00000101144
20	55183531	55184324	55183851	12	37	35	1.097043306	0.34492	BMP7	ENSG00000101144
20	55184362	55184738	55184559	10	17	26	0.692869456	0.890806	BMP7	ENSG00000101144
20	55185099	55185801	55185508	13	32	51	0.659558425	0.971519	BMP7	ENSG00000101144
20	55186322	55186594	55186457	9	13	27	0.519652092	0.981283	BMP7	ENSG00000101144
20	55186634	55186931	55186782	8	12	24	0.540438176	0.969195	BMP7	ENSG00000101144
20	55186972	55188035	55187517	13	54	75	0.752128028	0.94792	BMP7	ENSG00000101144
20	55188127	55188598	55188306	12	24	24	1.039304184	0.446062	BMP7	ENSG00000101144
20	55188909	55189810	55189359	20	50	60	0.868926449	0.772079	BMP7	ENSG00000101144
20	55189852	55190748	55190180	16	43	54	0.831443347	0.821295	BMP7	ENSG00000101144
20	55190760	55191422	55191243	12	31	46	0.707611359	0.937196	BMP7	ENSG00000101144
20	55191623	55193931	55193682	16	122	97	1.304432803	0.0242681	BMP7	ENSG00000101144
20	55194028	55194309	55194204	10	13	21	0.66137539	0.892612	BMP7	ENSG00000101144

20	55194478	55194748	55194624	12	16	21	0.803098688	0.755224	BMP7	ENSG00000101144
20	55194811	55195643	55195426	21	52	68	0.798306113	0.893167	BMP7	ENSG00000101144
20	55195682	55196894	55196603	25	80	86	0.967628034	0.584995	BMP7	ENSG00000101144
20	55197020	55198783	55198218	21	92	95	1.006825928	0.481686	BMP7	ENSG00000101144
20	55198866	55199161	55198987	8	12	10	1.228268581	0.305344	BMP7	ENSG00000101144
20	55199191	55199960	55199514	21	53	57	0.967628034	0.56982	BMP7	ENSG00000101144
20	55200808	55201934	55201665	19	71	80	0.923825942	0.688593	BMP7	ENSG00000101144
20	55202182	55202554	55202419	15	22	26	0.885333194	0.668299	BMP7	ENSG00000101144
20	55202680	55203261	55202841	12	26	38	0.719518281	0.909098	BMP7	ENSG00000101144
20	55203281	55203814	55203655	15	26	31	0.876912905	0.694502	BMP7	ENSG00000101144
20	55203891	55204291	55204068	12	21	20	1.08879486	0.389871	BMP7	ENSG00000101144
20	55204368	55205299	55205120	19	59	70	0.878285226	0.771768	BMP7	ENSG00000101144
20	55205706	55206389	55206131	17	37	58	0.669382356	0.975094	BMP7	ENSG00000101144
20	55206465	55207291	55206872	15	42	39	1.117251998	0.306409	BMP7	ENSG00000101144
20	55207413	55208433	55207808	12	48	81	0.621047622	0.996421	BMP7	ENSG00000101144
20	55208508	55210988	55209590	19	130	161	0.840424988	0.931365	BMP7	ENSG00000101144
20	55211225	55212043	55211714	16	46	45	1.061897753	0.386081	BMP7	ENSG00000101144
20	55212199	55213006	55212378	21	52	59	0.918052029	0.676091	BMP7	ENSG00000101144
20	55213668	55213935	55213801	10	14	31	0.487173836	0.991844	BMP7	ENSG00000101144
20	55213976	55216349	55214343	18	145	152	0.99175432	0.528863	BMP7	ENSG00000101144
20	55216662	55217254	55216894	13	32	33	1.008736414	0.486341	BMP7	ENSG00000101144
20	55217944	55219507	55219273	18	84	111	0.78875764	0.951654	BMP7	ENSG00000101144
20	55219515	55219962	55219783	11	22	28	0.824275732	0.75853	BMP7	ENSG00000101144
20	55219973	55220874	55220695	19	64	49	1.35109544	0.0534947	BMP7	ENSG00000101144
20	55220882	55221199	55221040	12	16	29	0.588939038	0.963731	BMP7	ENSG00000101144
20	55221533	55221933	55221701	13	18	45	0.429277815	0.999465	BMP7	ENSG00000101144
20	55221943	55222561	55222199	15	29	56	0.547002202	0.997071	BMP7	ENSG00000101144
20	55222721	55222981	55222826	11	13	22	0.632619938	0.917511	BMP7	ENSG00000101144
20	55223080	55224039	55223672	13	52	63	0.860673778	0.792031	BMP7	ENSG00000101144
20	55224056	55224903	55224447	16	42	46	0.950852764	0.595361	BMP7	ENSG00000101144
20	55225231	55225556	55225378	8	13	25	0.55962533	0.965065	BMP7	ENSG00000101144
20	55225806	55226186	55226007	9	15	16	0.978168644	0.526483	BMP7	ENSG00000101144
20	55226210	55226759	55226389	15	33	22	1.536362707	0.0529465	BMP7	ENSG00000101144
20	55226804	55226998	55226843	8	10	10	1.039304184	0.464387	BMP7	ENSG00000101144

20	55227725	55230909	55229355	21	169	233	0.755050048	0.997507	BMP7	ENSG00000101144
20	55230917	55231378	55231144	19	31	51	0.639571806	0.978753	BMP7	ENSG00000101144
20	55231629	55235141	55232269	36	250	210	1.236328674	0.0113724	BMP7	ENSG00000101144
20	55235479	55235937	55235758	10	19	24	0.831443347	0.733913	BMP7	ENSG00000101144
20	55235956	55236803	55236160	21	62	53	1.212521548	0.148379	BMP7	ENSG00000101144
20	55236880	55239116	55238497	20	130	144	0.938957573	0.699972	BMP7	ENSG00000101144
20	55239426	55239955	55239710	24	43	39	1.143234603	0.269341	BMP7	ENSG00000101144
20	55240063	55240936	55240608	12	33	46	0.751837069	0.900185	BMP7	ENSG00000101144
20	55241082	55241818	55241400	11	32	51	0.659558425	0.971519	BMP7	ENSG00000101144
20	55242428	55243302	55242852	13	43	60	0.749662035	0.9296	BMP7	ENSG00000101144
20	55243524	55244503	55243779	18	54	65	0.86608682	0.786037	BMP7	ENSG00000101144
20	55244506	55244696	55244601	8	8	11	0.779478138	0.719708	BMP7	ENSG00000101144
20	55244773	55246881	55245495	22	128	108	1.2300022	0.0552035	BMP7	ENSG00000101144
20	55247153	55247447	55247300	9	12	7	1.688869299	0.11395	BMP7	ENSG00000101144
20	55247794	55247976	55247885	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BMP7	ENSG00000101144
20	55249112	55249836	55249506	15	36	30	1.240459833	0.186503	BMP7	ENSG00000101144
20	55249847	55250101	55249947	10	12	21	0.614134291	0.924528	BMP7	ENSG00000101144
20	55250181	55251238	55251079	16	58	66	0.915208162	0.691274	BMP7	ENSG00000101144
20	55251577	55251827	55251679	8	9	16	0.611355402	0.899375	BMP7	ENSG00000101144
20	55251987	55254230	55253533	29	172	163	1.09633917	0.199203	BMP7	ENSG00000101144
20	55254385	55255179	55254780	16	47	47	1.039304184	0.425295	BMP7	ENSG00000101144
20	55255506	55257293	55256354	25	139	140	1.031933233	0.396246	BMP7	ENSG00000101144
20	55257561	55258746	55258155	13	59	102	0.605419913	0.999192	BMP7	ENSG00000101144
20	55259010	55260129	55259197	25	91	60	1.567475163	0.00289758	BMP7	ENSG00000101144
20	55260289	55262590	55261243	52	220	198	1.154202134	0.0708442	BMP7	ENSG00000101144
20	55262661	55263665	55262919	14	52	62	0.874335266	0.765901	BMP7	ENSG00000101144
20	55263724	55263949	55263836	12	15	22	0.722994215	0.845414	BMP7	ENSG00000101144
20	55264250	55265110	55264659	21	56	63	0.925630289	0.665395	BMP7	ENSG00000101144
20	55265280	55267015	55266558	18	104	116	0.932708883	0.698581	BMP7	ENSG00000101144
20	55267042	55267986	55267596	18	68	65	1.086545284	0.314708	BMP7	ENSG00000101144
20	55267989	55273373	55272826	131	733	504	1.510592616	2.94E-13	BMP7	ENSG00000101144
20	55273431	55273741	55273566	14	16	20	0.841341482	0.704984	BMP7	ENSG00000101144
20	55273855	55274558	55274206	23	51	42	1.256832967	0.132336	BMP7	ENSG00000101144
20	55274729	55279851	55278937	21	331	422	0.815718651	0.997356	BMP7	ENSG00000101144

20	55279853	55281953	55281756	23	142	158	0.934720115	0.721601	BMP7	ENSG00000101144
20	55281966	55282383	55282211	13	20	20	1.039304184	0.450588	BMP7	ENSG00000101144
20	55282605	55284990	55283515	32	170	211	0.838306677	0.957534	BMP7	ENSG00000101144
20	55285112	55287367	55285858	25	153	142	1.11925066	0.16574	BMP7	ENSG00000101144
20	55287578	55288314	55287786	11	31	38	0.852762408	0.750053	BMP7	ENSG00000101144
20	55314264	55314577	55314420	9	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000217823
20	55334911	55335400	55335221	13	24	14	1.73217364	0.0420666		ENSG00000217823
20	55390288	55390543	55390413	9	11	4	2.494330042	0.0324033	RBM38	ENSG00000132819
20	55399174	55399353	55399262	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RBM38	ENSG00000132819
20	55419365	55419544	55419465	8	9	3	2.598260461	0.0397929	RBM38	ENSG00000132819
20	55465623	55465941	55465790	10	11	0	12.47165021	0.000193293	HMG1L1	ENSG00000124097
20	55817072	55817319	55817165	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PMEPA1	ENSG00000124225
20	55900758	55901041	55900902	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000221007
20	56063282	56063521	56063424	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221385
20	56490149	56490376	56490262	8	10	4	2.286469205	0.0509017	APCDD1L	ENSG00000198768
20	56619604	56619915	56619744	14	17	12	1.439036563	0.154203		ENSG00000221174
20	56654374	56654553	56654463	8	8	3	2.338434415	0.0641221	STX16	ENSG00000124222
20	56659296	56659901	56659687	23	41	14	2.910051716	6.65E-05	STX16	ENSG00000124222
20	56832509	56832811	56832673	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000216031
20	56864506	56864846	56864693	14	19	12	1.598929514	0.0887417	GNAS	ENSG00000087460
20	56883679	56883937	56883808	8	9	2	3.464347281	0.0163838	GNAS	ENSG00000087460
20	56901399	56901618	56901508	9	9	0	10.39304184	0.000803859	GNAS	ENSG00000087460
20	56916263	56916493	56916420	8	11	10	1.133786383	0.380636	GNAS	ENSG00000087460
20	56929288	56929558	56929410	8	10	0	11.43234603	0.000394183	GNAS	ENSG00000087460
20	56987365	56987580	56987472	10	10	1	5.716173013	0.00260397	TH1L	ENSG00000101158
20	56989241	56989629	56989371	10	16	3	4.417042783	0.00097367	TH1L	ENSG00000101158
20	56997681	56997860	56997770	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TH1L	ENSG00000101158
20	57072654	57073104	57072883	27	42	9	4.469007992	5.19E-07	SLMO2	ENSG00000101166
20	57145822	57146001	57145935	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MRPS16P	ENSG00000220577
20	57211841	57212169	57212004	9	11	3	3.117912553	0.0146045	ZNF831	ENSG00000124203
20	57340318	57340518	57340417	10	11	0	12.47165021	0.000193293	EDN3	ENSG00000124205
20	57438149	57438328	57438229	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C20orf83	ENSG00000157033
20	57534037	57534400	57534224	9	15	7	2.078608368	0.038229	PHACTR3	ENSG00000087495
20	57625557	57625899	57625720	10	12	6	1.930136342	0.071303	PHACTR3	ENSG00000087495

20	57934700	57934938	57934814	8	8	7	1.169217207	0.371848	SYCP2	ENSG00000196074
20	57948404	57948830	57948669	10	16	9	1.766817113	0.0700694	PPP1R3D	ENSG00000132825
20	57949193	57949635	57949490	9	15	9	1.662886695	0.0970566	C20orf177	ENSG00000196227
20	57957592	57957778	57957706	8	8	6	1.336248237	0.277651	C20orf177	ENSG00000196227
20	57978017	57978223	57978171	10	11	3	3.117912553	0.0146045	CDH26	ENSG00000124215
20	58061568	58061747	58061657	8	8	4	1.870747532	0.118863	C20orf197	ENSG00000176659
20	58061890	58062110	58061971	9	10	4	2.286469205	0.0509017	C20orf197	ENSG00000176659
20	58065932	58066129	58066069	9	9	4	2.078608368	0.0785659	C20orf197	ENSG00000176659
20	58236779	58237096	58236933	17	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000207802
20	58278683	58279109	58278952	13	20	19	1.091269393	0.389566		ENSG00000207802
20	58281290	58281469	58281409	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000207802
20	58282328	58282547	58282443	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000207802
20	58360625	58360895	58360788	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000203961
20	59192474	59192681	59192571	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CDH4	ENSG00000179242
20	60240708	60241112	60240933	12	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000203951
20	60386568	60386924	60386746	9	14	0	15.58956276	2.28E-05	RPS21	ENSG00000171858
20	60391247	60391451	60391349	8	9	8	1.154782427	0.375434	RPS21	ENSG00000171858
20	60435872	60436275	60436124	14	20	8	2.425043097	0.00917565	C20orf151	ENSG00000130701
20	60754493	60754722	60754603	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SLCO4A1	ENSG00000101187
20	60806396	60806579	60806492	8	8	4	1.870747532	0.118863	NTSR1	ENSG00000101188
20	60930958	60931139	60930996	8	8	2	3.117912553	0.0283184	COL9A3	ENSG00000092758
20	61121195	61121434	61121324	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000203905
20	61357791	61358223	61357968	20	28	1	15.06991067	1.67E-08	NKAIN4	ENSG00000101198
20	61639607	61639977	61639786	9	16	3	4.417042783	0.00097367	PTK6	ENSG00000101213
20	61739217	61739413	61739321	8	10	0	11.43234603	0.000394183	GMEB2	ENSG00000101216
20	61759577	61759789	61759665	8	10	9	1.143234603	0.378307	TNFRSF6B	ENSG00000026036
20	61766825	61767409	61767230	19	36	33	1.131007495	0.301525	TNFRSF6B	ENSG00000026036
21	9723909	9724099	9723937	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000169861
21	9732988	9733266	9733127	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000169861
21	9772482	9772810	9772646	16	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000169861
21	9826083	9826276	9826174	9	10	14	0.762156402	0.758589		ENSG00000169861
21	10130908	10131269	10131118	12	16	10	1.606197376	0.104477	BAGE4	ENSG00000187172
21	10134350	10134588	10134518	8	10	3	2.858086507	0.0242838	BAGE4	ENSG00000187172
21	10152400	10152724	10152546	8	12	11	1.125912866	0.382541	VN1R7P	ENSG00000217858

21	10157925	10158104	10158014	8	8	4	1.870747532	0.118863	VN1R7P	ENSG00000217858
21	10165526	10165968	10165789	9	17	8	2.078608368	0.0303558	VN1R7P	ENSG00000217858
21	14994298	14994527	14994412	13	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000215552
21	15161065	15161456	15161277	24	31	0	33.2577339	1.25E-10		ENSG00000217388
21	15458967	15459170	15459068	8	10	1	5.716173013	0.00260397	NRIP1	ENSG00000180530
21	15504479	15504665	15504563	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NRIP1	ENSG00000180530
21	17517729	17517930	17517829	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216487
21	17748884	17749094	17748986	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000209722
21	17795703	17795925	17795788	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000220521
21	17831584	17831832	17831708	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CXADR	ENSG00000154639
21	17833630	17833812	17833721	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CXADR	ENSG00000154639
21	17901796	17902266	17902069	21	32	3	8.57425952	6.31E-08	BTG3	ENSG00000154640
21	17961508	17961874	17961709	27	31	0	33.2577339	1.25E-10	BTG3	ENSG00000154640
21	18002651	18003032	18002858	34	42	0	44.69007992	4.92E-14	BTG3	ENSG00000154640
21	20886611	20886943	20886769	20	23	1	12.47165021	4.94E-07	RPS3AP1	ENSG00000189005
21	21533040	21533550	21533371	13	23	0	24.94330042	3.74E-08	NCAM2	ENSG00000154654
21	22191546	22191998	22191769	23	36	1	19.22712741	7.03E-11	C21orf74	ENSG00000184856
21	23184929	23185148	23185038	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000219889
21	25196753	25196932	25196823	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000222567
21	26684131	26684453	26684286	11	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000197934
21	26684465	26684731	26684616	10	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000197934
21	26735318	26735650	26735532	8	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000197934
21	28993798	28994077	28993937	14	16	0	17.66817113	5.48E-06	N6AMT1	ENSG00000156239
21	29676352	29676534	29676477	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209835
21	29680459	29680657	29680585	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000209835
21	29698118	29698473	29698295	11	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000209835
21	29727910	29728107	29727968	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209835
21	30772194	30772482	30772350	20	21	2	7.621564018	1.21E-05	KRTAP19-1	ENSG00000184351
21	31148698	31148894	31148796	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000184586
21	32789704	32789930	32789801	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000217054
21	33661354	33661798	33661581	76	95	1	49.88660084	9.73E-29		ENSG00000217665
21	34095916	34096135	34096077	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ITSN1	ENSG00000205726
21	34645972	34646179	34646075	10	10	4	2.286469205	0.0509017	KCNE2	ENSG00000159197
21	34661551	34661803	34661701	9	11	1	6.235825105	0.0013754	KCNE2	ENSG00000159197

21	34969392	34969668	34969530	17	19	2	6.928694562	4.25E-05	CLIC6	ENSG00000159212
21	35826254	35826437	35826345	9	9	2	3.464347281	0.0163838	RPL34P3	ENSG00000217393
21	36363715	36363962	36363844	8	10	0	11.43234603	0.000394183	CBR1	ENSG00000159228
21	36482274	36482638	36482499	10	15	3	4.157216737	0.00170423	RPL3P1	ENSG00000219887
21	36487457	36487668	36487595	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RPL3P1	ENSG00000219887
21	36691728	36691946	36691801	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ATP5J2LP	ENSG00000219968
21	37561644	37561919	37561807	9	9	4	2.078608368	0.0785659	DSCR3	ENSG00000157538
21	39005941	39006163	39006052	8	9	6	1.484720263	0.204387	ERG	ENSG00000157554
21	39081415	39081605	39081556	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ETS2	ENSG00000157557
21	39098909	39099169	39099039	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ETS2	ENSG00000157557
21	39205382	39205577	39205525	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000220397
21	39210768	39211038	39210884	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000205622
21	39233364	39233564	39233532	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000205622
21	39379886	39380066	39379951	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219254
21	39607430	39607657	39607560	12	12	1	6.755477198	0.000722752	BRWD1	ENSG00000185658
21	39611191	39611446	39611327	12	16	5	2.944695189	0.00659886	BRWD1	ENSG00000185658
21	39615178	39615639	39615398	19	31	11	2.771477825	0.000623099	BRWD1	ENSG00000185658
21	39627469	39627762	39627615	9	12	8	1.501217155	0.168286	HMG1	ENSG00000205581
21	39674768	39675040	39674901	8	10	1	5.716173013	0.00260397	WRB	ENSG00000182093
21	39821745	39822010	39821877	9	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000216869
21	39831615	39831808	39831711	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000216869
21	39856717	39856907	39856812	8	8	4	1.870747532	0.118863	B3GALT5	ENSG00000183778
21	40082033	40082568	40082172	13	24	13	1.855900329	0.0279411	IGSF5	ENSG00000183067
21	40348258	40348555	40348403	8	12	10	1.228268581	0.305344	PCP4	ENSG00000183036
21	40424339	40424741	40424562	35	48	3	12.73147626	2.12E-12	PCP4	ENSG00000183036
21	40437702	40437882	40437777	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PCP4	ENSG00000183036
21	40572187	40572584	40572413	13	20	4	4.365077574	0.000324139		ENSG00000207147
21	40612284	40612757	40612427	12	21	6	3.266384579	0.0013436		ENSG00000207147
21	40618129	40618421	40618266	14	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000207147
21	40632744	40633285	40633109	9	22	11	1.991999686	0.0221672		ENSG00000207147
21	40666562	40666790	40666676	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000207147
21	40674331	40674564	40674440	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207147
21	40676582	40676963	40676761	17	24	9	2.598260461	0.0032455		ENSG00000207147
21	40678955	40679294	40679124	8	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000207147

21	40679457	40679745	40679632	9	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000207147
21	40679751	40680023	40679887	10	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000207147
21	40686988	40687291	40687164	12	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000207147
21	41317641	41317889	41317765	8	10	1	5.716173013	0.00260397	BACE2	ENSG00000182240
21	41318116	41318427	41318271	9	12	2	4.503651465	0.002963	BACE2	ENSG00000182240
21	41615954	41616276	41616115	11	14	7	1.948695345	0.0559175	FAM3B	ENSG00000183844
21	41830200	41830514	41830357	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000207503
21	41906026	41906313	41906168	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000207503
21	41949760	41949995	41949867	10	11	1	6.235825105	0.0013754	RIPK4	ENSG00000183421
21	41973819	41974168	41973993	9	12	9	1.35109544	0.232899	RIPK4	ENSG00000183421
21	41974624	41974837	41974699	9	10	8	1.27026067	0.293854	RIPK4	ENSG00000183421
21	41999808	42000013	41999910	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RIPK4	ENSG00000183421
21	42044818	42045011	42044914	12	12	1	6.755477198	0.000722752	RIPK4	ENSG00000183421
21	42054434	42054617	42054504	8	8	4	1.870747532	0.118863	RIPK4	ENSG00000183421
21	42338294	42338489	42338339	10	10	4	2.286469205	0.0509017	UMODL1	ENSG00000177398
21	42350062	42350492	42350313	19	28	6	4.305688763	3.69E-05	UMODL1	ENSG00000177398
21	42372070	42372433	42372238	8	13	0	14.55025858	4.65E-05	UMODL1	ENSG00000177398
21	42401076	42401330	42401195	12	14	5	2.598260461	0.0167748	C21orf128	ENSG00000184385
21	42457649	42457884	42457764	8	8	8	1.039304184	0.46786	ABCG1	ENSG00000160179
21	42494896	42495177	42495023	10	12	1	6.755477198	0.000722752	ABCG1	ENSG00000160179
21	42502004	42502296	42502150	11	12	4	2.702190879	0.0203088	ABCG1	ENSG00000160179
21	42502330	42502544	42502478	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ABCG1	ENSG00000160179
21	42531753	42531937	42531845	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ABCG1	ENSG00000160179
21	42631009	42631419	42631240	11	18	2	6.582259834	7.91E-05	TFF2	ENSG00000160181
21	42650663	42650851	42650757	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TFF2	ENSG00000160181
21	42947723	42947902	42947812	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PDE9A	ENSG00000160191
21	43267044	43267418	43267175	11	15	6	2.375552421	0.0212094	PKNOX1	ENSG00000160199
21	43577736	43577933	43577879	8	9	7	1.29913023	0.286504	SNF1LK	ENSG00000142178
21	43588822	43589059	43588940	11	13	2	4.850086193	0.00164564	SNF1LK	ENSG00000142178
21	43761073	43761505	43761239	12	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000214326
21	43871819	43872033	43871926	9	11	1	6.235825105	0.0013754	HSF2BP	ENSG00000160207
21	43890981	43891271	43891126	8	10	4	2.286469205	0.0509017	HSF2BP	ENSG00000160207
21	43971481	43971745	43971598	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PDXK	ENSG00000160209
21	44183522	44183793	44183652	9	10	2	3.810782009	0.00936112	AGPAT3	ENSG00000160216

21	44602932	44603120	44603014	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TRPM2	ENSG00000142185
21	44736887	44737155	44736991	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000210065
21	44793394	44793764	44793566	11	17	1	9.353737658	2.73E-05	KRTAP10-2	ENSG00000205445
21	44838381	44838583	44838482	11	11	0	12.47165021	0.000193293	KRTAP10-6	ENSG00000188155
21	44842304	44842581	44842442	16	16	2	5.889390377	0.000270741	KRTAP10-7	ENSG00000205441
21	44954005	44954652	44954380	122	158	3	41.31234132	5.81E-45	C21orf29	ENSG00000175894
21	44956051	44956250	44956150	9	10	1	5.716173013	0.00260397	C21orf29	ENSG00000175894
21	44997326	44997576	44997440	8	12	2	4.503651465	0.002963	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45009950	45010184	45010077	8	8	5	1.558956276	0.191397	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45010583	45011134	45010757	51	71	3	18.70747532	4.85E-19	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45012143	45012337	45012237	8	9	1	5.196520921	0.00490062	UBE2G2	ENSG00000184787
21	45064263	45064539	45064380	10	10	2	3.810782009	0.00936112	SUMO2	ENSG00000184900
21	45141944	45142206	45142075	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ITGB2	ENSG00000160255
21	45317791	45318036	45317896	12	13	8	1.616695398	0.123553	ADARB1	ENSG00000197381
21	45373077	45373258	45373130	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ADARB1	ENSG00000197381
21	45877049	45877557	45877319	38	58	6	8.759849553	8.79E-13	PCBP3	ENSG00000183570
21	45981538	45981761	45981677	11	11	3	3.117912553	0.0146045	PCBP3	ENSG00000183570
22	16091223	16091595	16091410	72	81	0	85.22294311	4.19E-26	CECR1	ENSG00000093072
22	16129035	16129235	16129202	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CECR1	ENSG00000093072
22	16189906	16190505	16190068	11	23	4	4.988660084	6.05E-05		ENSG00000209324
22	16208626	16209104	16208950	10	19	4	4.157216737	0.000560204		ENSG00000209324
22	16570036	16570230	16570114	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BCL2L13	ENSG00000099968
22	16850204	16850527	16850363	9	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000207780
22	17258443	17258645	17258490	11	11	11	1.039304184	0.462773	DGCR6	ENSG00000183628
22	17297014	17297444	17297229	24	33	0	35.33634226	3.00E-11	PRODH	ENSG00000100033
22	17301403	17301682	17301542	10	11	2	4.157216737	0.0052913	PRODH	ENSG00000100033
22	17658526	17658719	17658638	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CLTCL1	ENSG00000070371
22	18111369	18111566	18111495	10	10	0	11.43234603	0.000394183	TBX1	ENSG00000184058
22	18174074	18174371	18174222	17	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000219300
22	18217269	18217604	18217441	9	13	5	2.425043097	0.0262442	GNB1L	ENSG00000185838
22	18236462	18236681	18236547	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	GNB1L	ENSG00000185838
22	18336104	18336302	18336237	9	10	1	5.716173013	0.00260397	COMT	ENSG00000093010
22	18350502	18350751	18350626	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ARVCF	ENSG00000099889
22	18447316	18447534	18447425	8	9	8	1.154782427	0.375434	DGCR8	ENSG00000128191

22	18605472	18605832	18605653	29	35	0	37.41495063	7.22E-12		ENSG00000221039
22	18606140	18606341	18606240	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000221039
22	19140622	19140820	19140697	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000215493
22	19157264	19157488	19157403	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000206673
22	19251768	19252062	19251915	13	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000220624
22	19462225	19462482	19462353	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SERPIND1	ENSG00000099937
22	19483880	19484061	19484022	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SERPIND1	ENSG00000099937
22	19527841	19528029	19527924	8	9	5	1.73217364	0.133894	PI4KA	ENSG00000133511
22	19601293	19601655	19601476	10	16	4	3.533634226	0.00276486	CRKL	ENSG00000099942
22	19605015	19605227	19605086	9	10	3	2.858086507	0.0242838	CRKL	ENSG00000099942
22	19640466	19640702	19640575	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000206152
22	19694016	19694278	19694102	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000161149
22	19722170	19722412	19722258	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000207575
22	20256232	20256417	20256318	8	9	0	10.39304184	0.000803859	UBE2L3	ENSG00000185651
22	20313578	20313865	20313721	8	11	6	1.781664316	0.103344	YDJC	ENSG00000161179
22	20491880	20492161	20492020	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000200985
22	20622462	20622673	20622567	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PPM1F	ENSG00000100034
22	20631415	20631606	20631529	9	9	8	1.154782427	0.375434	PPM1F	ENSG00000100034
22	20631721	20631900	20631810	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PPM1F	ENSG00000100034
22	21360725	21360906	21360825	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216455
22	21819829	21820049	21819962	11	12	4	2.702190879	0.0203088	RAB36	ENSG00000100228
22	21854936	21855119	21855011	8	8	3	2.338434415	0.0641221	BCR	ENSG00000186716
22	21941743	21941939	21941869	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FBXW4P1	ENSG00000218644
22	21941979	21942167	21942048	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FBXW4P1	ENSG00000218644
22	22436792	22436979	22436894	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C22orf15	ENSG00000169314
22	22498274	22498536	22498405	19	20	0	21.82538787	3.17E-07	DERL3	ENSG00000099958
22	22529346	22529546	22529446	8	9	5	1.73217364	0.133894	SLC2A11	ENSG00000133460
22	23029334	23029653	23029493	18	22	4	4.780799247	0.00010647	ADORA2A	ENSG00000128271
22	23112914	23113115	23113032	9	9	6	1.484720263	0.204387	ADORA2A	ENSG00000128271
22	23130948	23131247	23131097	10	14	5	2.598260461	0.0167748	ADORA2A	ENSG00000128271
22	23147378	23147651	23147486	13	14	3	3.897390691	0.00295882	ADORA2A	ENSG00000128271
22	23247839	23248022	23247968	9	9	2	3.464347281	0.0163838	UPB1	ENSG00000100024
22	23251499	23251871	23251673	14	19	4	4.157216737	0.000560204	C22orf13	ENSG00000138867
22	23252215	23252549	23252382	8	13	2	4.850086193	0.00164564	C22orf13	ENSG00000138867

22	23624037	23624247	23624125	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000199783
22	23774795	23775006	23774935	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000197077
22	23787727	23787987	23787849	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000197077
22	25274953	25275349	25275161	29	38	3	10.1332158	1.39E-09		ENSG00000221760
22	25401820	25401999	25401940	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000206028
22	25842409	25842626	25842552	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000200443
22	26445504	26445862	26445683	23	29	0	31.17912553	5.19E-10	MN1	ENSG00000169184
22	27040949	27041269	27041109	22	24	2	8.660868202	1.80E-06	TTC28	ENSG00000100154
22	27041916	27042460	27042198	165	201	0	209.9394452	3.05E-63	TTC28	ENSG00000100154
22	27274398	27274642	27274535	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000209372
22	27467676	27467951	27467805	9	12	6	1.930136342	0.071303	CHEK2	ENSG00000183765
22	27468429	27468722	27468569	9	12	3	3.377738599	0.00867157	HSCB	ENSG00000100209
22	27498430	27498749	27498589	9	10	4	2.286469205	0.0509017	CCDC117	ENSG00000159873
22	27544561	27545101	27544740	15	27	11	2.425043097	0.00332497		ENSG00000216570
22	27705266	27705458	27705352	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNRF3	ENSG00000183579
22	27709047	27709561	27709341	40	60	1	31.69877762	4.25E-18	ZNRF3	ENSG00000183579
22	28104048	28104295	28104167	11	12	2	4.503651465	0.002963	AP1B1	ENSG00000100280
22	28194878	28195116	28195030	13	15	2	5.542955649	0.000497081	NEFH	ENSG00000100285
22	28329021	28329223	28329121	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NF2	ENSG00000186575
22	28347900	28348225	28348071	8	11	4	2.494330042	0.0324033	NF2	ENSG00000186575
22	28414055	28414379	28414217	8	13	10	1.32275078	0.240023	CABP7	ENSG00000100314
22	28521700	28521984	28521832	14	16	3	4.417042783	0.00097367	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28540092	28540303	28540208	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28547317	28547559	28547438	10	14	1	7.794781382	0.000197021	ZMAT5	ENSG00000100319
22	28971607	28972381	28971882	117	164	2	57.16173013	3.14E-48	LIF	ENSG00000128342
22	29024377	29024596	29024500	8	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000182482
22	29509085	29509340	29509212	11	13	1	7.27512929	0.000378098	OSBP2	ENSG00000184792
22	29781547	29781885	29781716	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000209058
22	29857776	29858201	29857918	10	16	16	1.039304184	0.455583	INPP5J	ENSG00000185133
22	29875001	29875237	29875160	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000214125
22	29886041	29886276	29886108	10	10	5	1.905391004	0.0915982	RNF185	ENSG00000138942
22	29937502	29937696	29937599	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LIMK2	ENSG00000182541
22	29944927	29945284	29945105	29	34	2	12.12521548	2.69E-09		ENSG00000209392
22	29979866	29980480	29980131	62	79	3	20.78608368	2.20E-21	LIMK2	ENSG00000182541

22	30032546	30032781	30032663	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000212542
22	30039512	30039812	30039657	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000212542
22	30069350	30069575	30069462	11	12	5	2.251825733	0.0404733	PATZ1	ENSG00000100105
22	30287313	30287660	30287486	11	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000214093
22	30359913	30360203	30360058	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PISD	ENSG00000100141
22	30409216	30409523	30409369	22	24	0	25.98260461	1.83E-08	PISD	ENSG00000100141
22	30476193	30476487	30476340	10	13	2	4.850086193	0.00164564	C22orf30	ENSG00000183530
22	30703288	30703471	30703351	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000209414
22	30833010	30833312	30833134	17	21	3	5.716173013	5.37E-05		ENSG00000216309
22	31255055	31255280	31255203	8	11	3	3.117912553	0.0146045	FBXO7	ENSG00000100225
22	31452603	31452797	31452700	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TIMP3	ENSG00000100234
22	32470600	32470779	32470645	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209422
22	32578115	32578334	32578224	8	8	7	1.169217207	0.371848	LARGE	ENSG00000133424
22	32740935	32741120	32741027	9	9	0	10.39304184	0.000803859	LARGE	ENSG00000133424
22	33626112	33626339	33626229	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ISX	ENSG00000175329
22	33858893	33859088	33858975	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219612
22	33881038	33881217	33881118	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219612
22	34098004	34098199	34098101	11	11	0	12.47165021	0.000193293	HMOX1	ENSG00000100292
22	34348619	34348885	34348752	9	11	4	2.494330042	0.0324033	MB	ENSG00000198125
22	34382529	34382753	34382641	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000221963
22	34569043	34569269	34569156	9	12	1	6.755477198	0.000722752	RBM9	ENSG00000100320
22	35135817	35136021	35135952	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000219717
22	35534928	35535315	35535138	21	28	2	10.04660711	1.36E-07	PVALB	ENSG00000100362
22	35704050	35704328	35704189	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000215403
22	36155404	36155664	36155534	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ELFN2	ENSG00000166897
22	36335379	36335558	36335414	8	8	3	2.338434415	0.0641221	GGA1	ENSG00000100083
22	36436723	36436906	36436814	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TRIOBP	ENSG00000100106
22	36503183	36503441	36503315	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000209462
22	36510782	36511038	36510910	12	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000209462
22	36624684	36625078	36624911	45	53	0	56.12242595	1.94E-17	MICALL1	ENSG00000100139
22	37822979	37823440	37823227	31	44	4	9.353737658	1.84E-10	APOBEC3H	ENSG00000100298
22	38018745	38019003	38018874	11	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000209480
22	38019746	38020005	38019874	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000209480
22	38036932	38037149	38037040	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209480

22	38045365	38045546	38045440	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RPL3	ENSG00000100316
22	38087124	38087363	38087243	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SYNGR1	ENSG00000100321
22	38360807	38361066	38360961	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000203593
22	38500070	38500297	38500181	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000209490
22	39402669	39402910	39402789	11	14	1	7.794781382	0.000197021	MCHR1	ENSG00000128285
22	39421997	39422340	39422168	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	MCHR1	ENSG00000128285
22	39437598	39437987	39437843	11	15	5	2.771477825	0.0105836	MCHR1	ENSG00000128285
22	39454874	39455094	39454984	11	11	0	12.47165021	0.000193293	MCHR1	ENSG00000128285
22	39458702	39458938	39458820	8	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC25A17	ENSG00000100372
22	39817663	39817858	39817760	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000221160
22	40006062	40006395	40006228	19	23	1	12.47165021	4.94E-07	RANGAP1	ENSG00000100401
22	40570550	40570834	40570692	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000184068
22	41170159	41170395	41170277	9	11	3	3.117912553	0.0146045	NFAM1	ENSG00000213784
22	41341118	41341667	41341253	12	23	5	4.157216737	0.000186738		ENSG00000199382
22	41437137	41437560	41437381	19	30	2	10.73947657	3.71E-08	A4GALT	ENSG00000128274
22	41651985	41652253	41652119	12	14	5	2.598260461	0.0167748	PACSIN2	ENSG00000100266
22	42117334	42117514	42117424	9	10	1	5.716173013	0.00260397	MPPED1	ENSG00000186732
22	43460112	43460359	43460237	14	15	0	16.62886695	1.12E-05	PRR5	ENSG00000186654
22	43534118	43534373	43534245	11	14	6	2.227080395	0.0322529	PRR5	ENSG00000186654
22	43847694	43848060	43847873	26	33	0	35.33634226	3.00E-11	PHF21B	ENSG00000056487
22	44244276	44244855	44244527	36	56	2	19.7467795	1.05E-15	FBLN1	ENSG00000077942
22	44306494	44306954	44306791	11	20	2	7.27512929	2.27E-05	FBLN1	ENSG00000077942
22	44372255	44372448	44372353	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000209587
22	44810016	44810195	44810105	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000197182
22	45517472	45517707	45517558	8	11	8	1.385738912	0.224757	CERK	ENSG00000100422
22	45548481	45548722	45548612	8	11	4	2.494330042	0.0324033	TBC1D22A	ENSG00000054611
22	45617288	45617599	45617422	21	24	0	25.98260461	1.83E-08		ENSG00000221672
22	45904102	45904708	45904335	52	74	5	12.9913023	5.42E-18		ENSG00000221672
22	47368524	47368757	47368618	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000170714
22	48539995	48540250	48540122	14	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000218799
22	49032942	49033121	49033031	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HDAC10	ENSG00000100429
22	49086365	49086787	49086578	29	38	0	40.53286319	8.52E-13	PLXNB2	ENSG00000196576
3	127496	128444	127991	94	140	13	10.46727786	1.03E-29	CHL1	ENSG00000134121
3	312301	312480	312335	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CHL1	ENSG00000134121

3	589947	590160	590074	8	10	7	1.429043253	0.21536	CHL1	ENSG00000134121
3	604341	604605	604473	11	11	1	6.235825105	0.0013754	CHL1	ENSG00000134121
3	624678	624865	624726	8	9	5	1.73217364	0.133894	CHL1	ENSG00000134121
3	1085900	1086212	1086056	16	20	1	10.91269393	3.71E-06		ENSG00000209700
3	1971509	1971719	1971614	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214073
3	3212792	3213133	3212962	10	13	1	7.27512929	0.000378098	CRBN	ENSG00000113851
3	3526386	3526587	3526545	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000223036
3	3576412	3576892	3576694	54	79	3	20.78608368	2.20E-21		ENSG00000223036
3	3577002	3577183	3577134	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000223036
3	3653496	3654110	3653697	29	47	7	6.235825105	2.92E-09		ENSG00000223036
3	3800041	3800257	3800159	9	11	1	6.235825105	0.0013754	LRRN1	ENSG00000175928
3	4433794	4434020	4433897	8	11	2	4.157216737	0.0052913	SUMF1	ENSG00000144455
3	4465121	4465328	4465224	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SUMF1	ENSG00000144455
3	4483395	4483682	4483518	8	11	4	2.494330042	0.0324033	SUMF1	ENSG00000144455
3	4509899	4510322	4510160	9	15	11	1.385738912	0.19225	ITPR1	ENSG00000150995
3	4541135	4541470	4541302	10	14	6	2.227080395	0.0322529	ITPR1	ENSG00000150995
3	4598768	4599163	4598980	35	44	5	7.794781382	9.60E-10	ITPR1	ENSG00000150995
3	4672732	4672987	4672859	11	13	11	1.212521548	0.309909	ITPR1	ENSG00000150995
3	4687146	4687375	4687303	10	11	2	4.157216737	0.0052913	ITPR1	ENSG00000150995
3	4703849	4704246	4704078	25	31	13	2.375552421	0.00222578		ENSG00000209718
3	4705066	4705505	4705238	19	29	14	2.078608368	0.00804141		ENSG00000209718
3	4729311	4729490	4729479	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209718
3	4737544	4737783	4737666	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000209718
3	4758369	4758687	4758528	11	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000209718
3	4789840	4790048	4789896	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209718
3	4793395	4793715	4793565	10	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000209718
3	4796547	4796730	4796637	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000209718
3	4813598	4813800	4813742	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000209718
3	4827487	4827734	4827563	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209718
3	4862124	4862303	4862213	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209718
3	4917491	4917731	4917608	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209718
3	4918782	4919089	4918944	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000209718
3	4922885	4923111	4922957	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000209718
3	4995291	4995604	4995447	8	13	2	4.850086193	0.00164564	BHLHB2	ENSG00000134107

3	5003489	5003757	5003623	8	10	7	1.429043253	0.21536	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5003786	5004061	5003954	9	10	6	1.63319229	0.146906	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5016449	5016985	5016723	31	50	6	7.572073342	1.17E-10	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5034880	5035093	5034986	8	9	7	1.29913023	0.286504	BHLHB2	ENSG00000134107
3	5049729	5050123	5049908	9	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000207283
3	5074426	5074742	5074586	15	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000207283
3	5126450	5126629	5126496	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ARL8B	ENSG00000134108
3	5177836	5178034	5177962	9	10	5	1.905391004	0.0915982	EDEM1	ENSG00000134109
3	5271423	5271650	5271541	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000209727
3	5413491	5413731	5413666	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209727
3	7287289	7287528	7287423	11	11	2	4.157216737	0.0052913	GRM7	ENSG00000196277
3	7455135	7455321	7455274	8	8	1	4.676868829	0.0091584		
3	7685991	7686258	7686127	9	10	1	5.716173013	0.00260397		
3	8310998	8311297	8311150	12	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000209729
3	8368356	8368802	8368651	12	20	1	10.91269393	3.71E-06		ENSG00000209729
3	8434004	8434253	8434144	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000209729
3	8461219	8461431	8461325	8	8	7	1.169217207	0.371848	LMCD1	ENSG00000071282
3	8472836	8473407	8473236	18	31	7	4.157216737	2.13E-05	LMCD1	ENSG00000071282
3	8517235	8517603	8517383	10	15	4	3.32577339	0.00462646	LMCD1	ENSG00000071282
3	8518239	8518434	8518303	8	8	4	1.870747532	0.118863	LMCD1	ENSG00000071282
3	8519316	8519501	8519408	10	11	2	4.157216737	0.0052913	LMCD1	ENSG00000071282
3	8523561	8523740	8523650	8	8	3	2.338434415	0.0641221	LMCD1	ENSG00000071282
3	8636197	8636652	8636443	10	20	3	5.456346967	9.70E-05	C3orf32	ENSG00000125046
3	8732418	8732776	8732602	12	16	0	17.66817113	5.48E-06	CAV3	ENSG00000182533
3	8980026	8980646	8980171	10	23	7	3.117912553	0.00117689	RAD18	ENSG00000070950
3	9104174	9104353	9104194	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RAD18	ENSG00000070950
3	9115451	9116201	9116005	10	30	11	2.684869143	0.000957822	RAD18	ENSG00000070950
3	9165973	9166562	9166388	23	40	4	8.522294311	2.26E-09	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9167390	9167611	9167530	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9202464	9202748	9202638	8	11	3	3.117912553	0.0146045	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9221072	9221329	9221200	9	12	1	6.755477198	0.000722752	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9265367	9265582	9265474	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9266194	9266805	9266503	8	21	10	2.078608368	0.0193227	SRGAP3	ENSG00000196220
3	9269547	9269733	9269610	10	11	4	2.494330042	0.0324033	SRGAP3	ENSG00000196220

3	9379768	9380148	9379947	10	15	8	1.847651883	0.0631662	THUMPD3	ENSG00000134077
3	9413668	9414202	9413893	11	24	6	3.711800658	0.000299603		ENSG00000206573
3	9439672	9439853	9439761	8	8	8	1.039304184	0.46786	SETD5	ENSG00000168137
3	9568807	9569045	9568942	11	12	2	4.503651465	0.002963	LHFPL4	ENSG00000156959
3	9665797	9665977	9665888	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MTMR14	ENSG00000163719
3	9743776	9744154	9743952	8	14	7	1.948695345	0.0559175	BRPF1	ENSG00000156983
3	9860841	9861087	9860961	8	10	5	1.905391004	0.0915982	RPUSD3	ENSG00000156990
3	9950000	9950198	9950112	9	10	2	3.810782009	0.00936112	CRELD1	ENSG00000163703
3	10043968	10044147	10044023	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FANCD2	ENSG00000144554
3	10337761	10337980	10337853	8	9	5	1.73217364	0.133894	SEC13	ENSG00000157020
3	10367645	10367840	10367728	9	9	5	1.73217364	0.133894	SEC13	ENSG00000157020
3	10387895	10388212	10388052	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000216135
3	10622830	10623082	10622937	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10755481	10756077	10755898	8	21	2	7.621564018	1.21E-05	ATP2B2	ENSG00000157087
3	10919728	10920039	10919870	16	21	3	5.716173013	5.37E-05	SLC6A11	ENSG00000132164
3	10962375	10962593	10962484	8	8	4	1.870747532	0.118863	SLC6A1	ENSG00000157103
3	11113838	11114027	11113933	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SLC6A1	ENSG00000157103
3	11202338	11202547	11202464	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000213964
3	11288977	11289203	11289090	9	11	3	3.117912553	0.0146045	ATG7	ENSG00000197548
3	11289643	11289881	11289773	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ATG7	ENSG00000197548
3	11471030	11471258	11471153	13	16	3	4.417042783	0.00097367	ATG7	ENSG00000197548
3	11495092	11495503	11495259	13	19	2	6.928694562	4.25E-05	ATG7	ENSG00000197548
3	11556217	11556407	11556312	8	8	3	2.338434415	0.0641221	VGLL4	ENSG00000144560
3	11618124	11618305	11618221	9	10	0	11.43234603	0.000394183	VGLL4	ENSG00000144560
3	11659629	11659913	11659771	8	9	6	1.484720263	0.204387	VGLL4	ENSG00000144560
3	11660060	11660585	11660322	9	20	17	1.212521548	0.272468	VGLL4	ENSG00000144560
3	11737297	11737539	11737375	8	10	3	2.858086507	0.0242838	VGLL4	ENSG00000144560
3	11786835	11787850	11787333	26	76	11	6.668868516	3.29E-14	VGLL4	ENSG00000144560
3	11792901	11793364	11793102	8	17	10	1.700679574	0.0766266	VGLL4	ENSG00000144560
3	11815899	11816139	11816025	8	10	5	1.905391004	0.0915982	C3orf31	ENSG00000144559
3	11820555	11820762	11820637	10	11	2	4.157216737	0.0052913	C3orf31	ENSG00000144559
3	11863338	11863559	11863484	10	11	4	2.494330042	0.0324033	C3orf31	ENSG00000144559
3	12151613	12151813	12151646	11	11	2	4.157216737	0.0052913	TIMP4	ENSG00000157150
3	12173893	12174085	12174031	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TIMP4	ENSG00000157150

3	12388446	12388634	12388505	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PPARG	ENSG00000132170
3	12461559	12461804	12461664	9	10	2	3.810782009	0.00936112	TSEN2	ENSG00000154743
3	12487608	12487799	12487712	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TSEN2	ENSG00000154743
3	12500488	12500805	12500644	13	15	6	2.375552421	0.0212094	TSEN2	ENSG00000154743
3	12680623	12681223	12680784	12	25	13	1.930136342	0.0200308	RAF1	ENSG00000132155
3	12775643	12776214	12775928	18	30	3	8.054607428	2.21E-07	TMEM40	ENSG00000088726
3	12857199	12857379	12857287	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000207496
3	12859856	12860035	12859945	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RPL32	ENSG00000144713
3	12869763	12869996	12869879	9	10	3	2.858086507	0.0242838	RPL32	ENSG00000144713
3	12962032	12962211	12962153	8	8	2	3.117912553	0.0283184	IQSEC1	ENSG00000144711
3	12972826	12973016	12972869	8	10	1	5.716173013	0.00260397	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13003564	13003912	13003705	10	15	9	1.662886695	0.0970566	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13011195	13011412	13011318	10	10	2	3.810782009	0.00936112	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13038187	13038419	13038285	9	9	9	1.039304184	0.466079	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13113074	13113259	13113183	8	8	2	3.117912553	0.0283184	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13123409	13123626	13123471	8	9	2	3.464347281	0.0163838	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13176541	13176882	13176715	10	14	4	3.117912553	0.00766354	IQSEC1	ENSG00000144711
3	13234669	13234919	13234804	9	11	4	2.494330042	0.0324033	NUP210	ENSG00000132182
3	13246090	13246416	13246256	13	17	8	2.078608368	0.0303558	NUP210	ENSG00000132182
3	13318108	13318509	13318332	16	22	2	7.967998746	6.43E-06	NUP210	ENSG00000132182
3	13428036	13428238	13428100	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NUP210	ENSG00000132182
3	13441438	13441681	13441539	9	12	2	4.503651465	0.002963	NUP210	ENSG00000132182
3	13468316	13468580	13468448	12	15	8	1.847651883	0.0631662	HDAC11	ENSG00000163517
3	13471601	13472187	13471907	32	51	1	27.02190879	2.22E-15	HDAC11	ENSG00000163517
3	13480540	13480743	13480641	8	8	1	4.676868829	0.0091584	HDAC11	ENSG00000163517
3	13492680	13492890	13492816	9	9	5	1.73217364	0.133894	HDAC11	ENSG00000163517
3	13516678	13516972	13516798	8	12	2	4.503651465	0.002963	HDAC11	ENSG00000163517
3	13542526	13542987	13542705	27	37	0	39.493559	1.74E-12	FBLN2	ENSG00000163520
3	13902018	13902222	13902069	11	11	2	4.157216737	0.0052913	WNT7A	ENSG00000154764
3	13907356	13907644	13907500	16	17	2	6.235825105	0.000146695	WNT7A	ENSG00000154764
3	13944018	13944230	13944188	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TPRXL	ENSG00000180438
3	14129675	14129870	14129765	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CHCHD4	ENSG00000163528
3	14187495	14187705	14187600	13	13	3	3.637564645	0.0050909	XPC	ENSG00000154767
3	14194694	14195585	14195084	41	76	10	7.27512929	7.96E-15	XPC	ENSG00000154767

3	14219905	14220141	14220023	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LSM3	ENSG00000170860
3	14220472	14220690	14220634	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LSM3	ENSG00000170860
3	14257068	14257264	14257114	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LSM3	ENSG00000170860
3	14260257	14260635	14260461	11	17	2	6.235825105	0.000146695	LSM3	ENSG00000170860
3	14265559	14266021	14265734	10	17	10	1.700679574	0.0766266	LSM3	ENSG00000170860
3	14282125	14282377	14282300	10	13	4	2.910051716	0.0125532	LSM3	ENSG00000170860
3	14282381	14282638	14282475	9	12	1	6.755477198	0.000722752	LSM3	ENSG00000170860
3	14306228	14306452	14306330	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000199609
3	14318847	14319026	14318987	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000199609
3	14342373	14342635	14342504	18	20	5	3.637564645	0.000902929		ENSG00000199609
3	14386222	14386472	14386327	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000199609
3	14388342	14388580	14388487	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000199609
3	14388785	14388990	14388887	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000199609
3	14407675	14407907	14407828	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000199609
3	14427500	14427719	14427638	8	11	6	1.781664316	0.103344	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14430368	14430633	14430500	9	12	2	4.503651465	0.002963	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14435486	14435706	14435661	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14448765	14449168	14448989	12	21	9	2.286469205	0.0111772	SLC6A6	ENSG00000131389
3	14505119	14505525	14505346	31	41	1	21.82538787	2.25E-12		ENSG00000207163
3	14577863	14578078	14577970	10	11	4	2.494330042	0.0324033	GRIP2	ENSG00000144596
3	14604578	14604781	14604667	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GRIP2	ENSG00000144596
3	14622437	14622631	14622543	9	9	5	1.73217364	0.133894	C3orf19	ENSG00000154781
3	14668003	14668258	14668086	9	13	9	1.455025858	0.177172	C3orf19	ENSG00000154781
3	14690355	14690550	14690523	9	11	9	1.247165021	0.300052	C3orf20	ENSG00000131379
3	14797503	14797733	14797618	11	13	12	1.11925066	0.384109	FGD5	ENSG00000154783
3	14839508	14839703	14839625	8	8	10	0.850339787	0.645072	FGD5	ENSG00000154783
3	14893609	14893868	14893698	12	16	3	4.417042783	0.00097367	FGD5	ENSG00000154783
3	14962469	14962663	14962570	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NR2C2	ENSG00000177463
3	15082024	15082203	15082113	8	8	6	1.336248237	0.277651	MRPS25	ENSG00000131368
3	15115394	15115862	15115683	14	27	11	2.425043097	0.00332497	ZFYVE20	ENSG00000131381
3	15192095	15192321	15192208	8	9	5	1.73217364	0.133894	CAPN7	ENSG00000131375
3	15223317	15223513	15223400	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CAPN7	ENSG00000131375
3	15284560	15284747	15284688	8	9	8	1.154782427	0.375434	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15309408	15309596	15309502	8	9	6	1.484720263	0.204387	SH3BP5	ENSG00000131370

3	15309740	15309935	15309810	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15323631	15324008	15323790	16	24	1	12.9913023	2.52E-07	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15326988	15327598	15327262	10	25	13	1.930136342	0.0200308	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15345916	15346095	15346005	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15349196	15349389	15349337	8	8	4	1.870747532	0.118863	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15352415	15352614	15352514	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SH3BP5	ENSG00000131370
3	15461111	15461312	15461190	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000206926
3	15617843	15618104	15617935	9	11	9	1.247165021	0.300052	HACL1	ENSG00000131373
3	15650731	15650984	15650857	9	10	2	3.810782009	0.00936112	BTD	ENSG00000169814
3	15702429	15702769	15702596	16	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000222873
3	16956224	16956406	16956315	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PLCL2	ENSG00000154822
3	17087200	17087402	17087273	8	8	5	1.558956276	0.191397	PLCL2	ENSG00000154822
3	17703118	17703335	17703230	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000209905
3	18468567	18468746	18468638	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SATB1	ENSG00000182568
3	18515853	18516080	18515949	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SATB1	ENSG00000182568
3	18620740	18621002	18620871	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SATB1	ENSG00000182568
3	18704643	18704846	18704744	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SATB1	ENSG00000182568
3	18768907	18769134	18769003	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209918
3	18774582	18774940	18774761	11	17	5	3.117912553	0.00407023		ENSG00000209918
3	18857088	18857378	18857233	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000209918
3	18859775	18860087	18859929	11	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000209918
3	18963167	18963379	18963302	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209918
3	19163185	19163373	19163270	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KCNH8	ENSG00000183960
3	19365511	19365728	19365675	9	10	1	5.716173013	0.00260397	KCNH8	ENSG00000183960
3	19883309	19883586	19883450	10	11	2	4.157216737	0.0052913	EFHB	ENSG00000163576
3	19963130	19963564	19963449	12	22	9	2.390399624	0.00747467	EFHB	ENSG00000163576
3	20073581	20074010	20073812	13	23	3	6.235825105	1.63E-05	KAT2B	ENSG00000114166
3	20081386	20081624	20081561	13	16	2	5.889390377	0.000270741	KAT2B	ENSG00000114166
3	20094812	20095258	20095024	31	44	3	11.69217207	2.89E-11	KAT2B	ENSG00000114166
3	20120953	20121147	20121045	9	9	2	3.464347281	0.0163838	KAT2B	ENSG00000114166
3	20129112	20129301	20129206	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KAT2B	ENSG00000114166
3	20202555	20202834	20202694	12	15	3	4.157216737	0.00170423	SGOL1	ENSG00000129810
3	20202838	20203027	20202932	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SGOL1	ENSG00000129810
3	20355413	20355607	20355510	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000199577

3	23019000	23019218	23019090	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000215016
3	23034289	23034468	23034439	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000215016
3	23115605	23115912	23115758	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000215016
3	23131785	23132083	23131934	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000215016
3	23146176	23146591	23146355	8	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000215016
3	23337460	23337640	23337565	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000206728
3	23616143	23616387	23616249	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209974
3	23760058	23760261	23760146	9	9	2	3.464347281	0.0163838	UBE2E1	ENSG00000170142
3	23933619	23933854	23933736	8	11	3	3.117912553	0.0146045	RPL15	ENSG00000174748
3	25309082	25309355	25309218	15	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000213877
3	25310490	25310734	25310612	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000213877
3	25648825	25649044	25648934	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TOP2B	ENSG00000077097
3	25810867	25811097	25810982	8	9	0	10.39304184	0.000803859	OXSM	ENSG00000151093
3	27108158	27108410	27108240	11	12	5	2.251825733	0.0404733	NEK10	ENSG00000163491
3	27270443	27270663	27270527	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207251
3	27784744	27784947	27784845	9	9	0	10.39304184	0.000803859	EOMES	ENSG00000163508
3	28614765	28614987	28614860	8	11	2	4.157216737	0.0052913	C3orf53	ENSG00000178811
3	29445485	29445678	29445644	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RBMS3	ENSG00000144642
3	29682448	29682631	29682539	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RBMS3	ENSG00000144642
3	30110168	30110470	30110336	20	22	3	5.975999059	2.96E-05		ENSG00000203652
3	30310418	30310649	30310533	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000199927
3	30642440	30642646	30642543	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TGFBR2	ENSG00000163513
3	30785338	30785586	30785491	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GADL1	ENSG00000144644
3	31965194	31965379	31965297	9	9	0	10.39304184	0.000803859	OSBPL10	ENSG00000144645
3	31996851	31997139	31997007	8	10	2	3.810782009	0.00936112	OSBPL10	ENSG00000144645
3	32053485	32053802	32053645	12	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000201701
3	32126797	32127191	32126976	13	19	6	2.969440526	0.0035096	GPD1L	ENSG00000152642
3	32149290	32149494	32149392	9	9	1	5.196520921	0.00490062	GPD1L	ENSG00000152642
3	32160771	32161017	32160894	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000210105
3	32352770	32353007	32352879	14	16	7	2.208521392	0.0257604	CMTM7	ENSG00000153551
3	32423317	32423908	32423709	40	59	2	20.78608368	1.37E-16	CMTM7	ENSG00000153551
3	33087764	33087959	33087861	10	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000188167
3	33246741	33246926	33246801	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SUSD5	ENSG00000173705
3	33484284	33484708	33484473	64	82	0	86.26224729	2.06E-26		ENSG00000202175

3	33815488	33815688	33815588	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	33996784	33996963	33996883	8	8	5	1.558956276	0.191397	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	34028624	34028819	34028721	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	34052657	34052886	34052771	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PDCD6IP	ENSG00000170248
3	36949256	36949910	36949537	25	48	1	25.46295251	1.78E-14		ENSG00000210181
3	37112841	37113050	37112919	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000206645
3	37215138	37215317	37215227	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210226
3	37257393	37257572	37257482	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GOLGA4	ENSG00000144674
3	37611940	37612136	37612030	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ITGA9	ENSG00000144668
3	37644655	37644865	37644760	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ITGA9	ENSG00000144668
3	37677203	37677547	37677375	18	22	2	7.967998746	6.43E-06	CTDSPL	ENSG00000144677
3	38042305	38042509	38042415	11	12	2	4.503651465	0.002963	PLCD1	ENSG00000187091
3	38181348	38181599	38181477	9	9	3	2.598260461	0.0397929	OXR1	ENSG00000172939
3	39142366	39142629	39142513	9	11	4	2.494330042	0.0324033	GORASP1	ENSG00000114745
3	39189243	39189441	39189342	10	10	2	3.810782009	0.00936112	AXUD1	ENSG00000144655
3	39399671	39399963	39399812	14	19	7	2.598260461	0.00730518	SLC25A38	ENSG00000144659
3	39400379	39400640	39400511	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC25A38	ENSG00000144659
3	40280128	40280337	40280271	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000202517
3	40325736	40326167	40325988	12	20	2	7.27512929	2.27E-05	EIF1B	ENSG00000114784
3	40469392	40469619	40469466	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RPL14	ENSG00000188846
3	40484618	40484827	40484722	11	12	10	1.228268581	0.305344	ZNF619	ENSG00000177873
3	40540807	40541085	40540946	11	11	2	4.157216737	0.0052913	ZNF621	ENSG00000172888
3	42493331	42493527	42493429	8	9	1	5.196520921	0.00490062	VIPR1	ENSG00000114812
3	42839693	42840318	42840040	91	131	4	27.43763046	1.33E-35	CCBP2	ENSG00000144648
3	43264988	43265177	43265114	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000210477
3	44017017	44017196	44017158	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000210493
3	44987450	44987728	44987589	8	11	0	12.47165021	0.000193293	ZDHHC3	ENSG00000163812
3	45609705	45609964	45609858	11	12	1	6.755477198	0.000722752	LIMD1	ENSG00000144791
3	46646560	46646906	46646731	10	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000203651
3	46676976	46677659	46677471	54	73	4	15.38170193	1.27E-18	ALS2CL	ENSG00000178038
3	46779669	46779952	46779810	18	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000206549
3	46930119	46930300	46930278	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PTHR1	ENSG00000160801
3	47396964	47397332	47397198	9	15	10	1.511715177	0.140236	PTPN23	ENSG00000076201
3	47460646	47460930	47460788	12	15	2	5.542955649	0.000497081	SCAP	ENSG00000114650

3	47798603	47798940	47798775	9	12	5	2.251825733	0.0404733	SMARCC1	ENSG00000173473
3	48292205	48292410	48292307	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199476
3	48448906	48449441	48449059	21	35	0	37.41495063	7.22E-12	PLXNB1	ENSG00000164050
3	48519905	48520289	48520142	8	13	4	2.910051716	0.0125532	SHISA5	ENSG00000164054
3	48676129	48676350	48676210	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC26A6	ENSG00000008300
3	49033769	49034043	49033929	9	11	1	6.235825105	0.0013754	C3orf60	ENSG00000178057
3	49424515	49424838	49424681	8	11	4	2.494330042	0.0324033	TCTA	ENSG00000145022
3	49481964	49482180	49482054	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DAG1	ENSG00000173402
3	49799463	49799719	49799610	11	12	6	1.930136342	0.071303	IHPK1	ENSG00000176095
3	50159075	50159260	50159167	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	SEMA3F	ENSG00000001617
3	50163443	50163782	50163616	9	12	3	3.377738599	0.00867157	SEMA3F	ENSG00000001617
3	50233034	50233228	50233131	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC38A3	ENSG00000188338
3	50281259	50281460	50281359	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SEMA3B	ENSG00000012171
3	50312132	50312385	50312282	10	12	4	2.702190879	0.0203088	HYAL3	ENSG00000186792
3	50863604	50863800	50863702	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000188420
3	51401193	51401440	51401319	9	10	4	2.286469205	0.0509017	RBM15B	ENSG00000179837
3	52004909	52005165	52005037	9	12	4	2.702190879	0.0203088	RPL29	ENSG00000162244
3	52116156	52116339	52116251	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C3orf74	ENSG00000221939
3	52153229	52153412	52153354	8	8	6	1.336248237	0.277651	WDR51A	ENSG00000164087
3	52615773	52615952	52615897	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221518
3	53164749	53164996	53164903	9	12	4	2.702190879	0.0203088	PRKCD	ENSG00000163932
3	53265254	53265496	53265404	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TKT	ENSG00000163931
3	53278943	53279394	53279168	68	79	1	41.57216737	7.28E-24		ENSG00000210751
3	53356570	53356947	53356709	9	15	13	1.187776211	0.317363	DCP1A	ENSG00000162290
3	53527834	53528041	53527937	9	10	2	3.810782009	0.00936112	CACNA1D	ENSG00000157388
3	53532551	53532752	53532651	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CACNA1D	ENSG00000157388
3	53540745	53541071	53540908	15	18	2	6.582259834	7.91E-05	CACNA1D	ENSG00000157388
3	54872890	54873164	54873027	13	16	0	17.66817113	5.48E-06	LRTM1	ENSG00000144771
3	54900722	54901000	54900861	10	11	4	2.494330042	0.0324033	LRTM1	ENSG00000144771
3	54996784	54997049	54996916	13	13	2	4.850086193	0.00164564	LRTM1	ENSG00000144771
3	55570789	55570993	55570938	8	8	0	9.353737658	0.00163931	WNT5A	ENSG00000114251
3	55578252	55578534	55578400	8	12	4	2.702190879	0.0203088	WNT5A	ENSG00000114251
3	56792601	56792868	56792727	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	56792906	56793366	56793085	51	65	0	68.59407616	3.75E-21	ARHGEF3	ENSG00000163947

3	56833069	56833262	56833165	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	57024046	57024603	57024372	62	95	4	19.95464034	5.37E-25	ARHGEF3	ENSG00000163947
3	57516757	57517129	57516936	12	19	3	5.196520921	0.000174201	PDE12	ENSG00000174840
3	57764427	57764667	57764582	11	13	2	4.850086193	0.00164564	SLMAP	ENSG00000163681
3	58178291	58178516	58178403	10	12	3	3.377738599	0.00867157	DNASE1L3	ENSG00000163687
3	58311032	58311300	58311205	8	11	1	6.235825105	0.0013754	PXK	ENSG00000168297
3	58428027	58428303	58428165	12	13	2	4.850086193	0.00164564	KCTD6	ENSG00000168301
3	58835143	58835455	58835299	13	16	1	8.834085566	5.30E-05	C3orf67	ENSG00000163689
3	59280864	59281119	59280991	8	11	3	3.117912553	0.0146045	C3orf67	ENSG00000163689
3	59354508	59354927	59354687	19	29	0	31.17912553	5.19E-10	C3orf67	ENSG00000163689
3	59759634	59759936	59759785	14	15	0	16.62886695	1.12E-05		
3	59963346	59963691	59963518	8	13	4	2.910051716	0.0125532		
3	61226737	61226972	61226904	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000201991
3	61583793	61584106	61583949	10	13	16	0.855897563	0.670115	PTPRG	ENSG00000144724
3	61587112	61587403	61587257	11	15	9	1.662886695	0.0970566	PTPRG	ENSG00000144724
3	61588554	61588884	61588719	18	24	14	1.73217364	0.0420666	PTPRG	ENSG00000144724
3	61589591	61589947	61589730	10	14	11	1.29913023	0.246308	PTPRG	ENSG00000144724
3	61590517	61590878	61590696	9	16	10	1.606197376	0.104477	PTPRG	ENSG00000144724
3	61591223	61591402	61591320	8	10	6	1.63319229	0.146906	PTPRG	ENSG00000144724
3	61593683	61594203	61593812	9	18	19	0.987338975	0.516858	PTPRG	ENSG00000144724
3	61595198	61595759	61595580	28	42	14	2.979338661	4.29E-05	PTPRG	ENSG00000144724
3	61598095	61598528	61598240	9	17	17	1.039304184	0.454282	PTPRG	ENSG00000144724
3	61598773	61599011	61598927	8	9	5	1.73217364	0.133894	PTPRG	ENSG00000144724
3	61603301	61603679	61603448	10	16	18	0.929903744	0.58804	PTPRG	ENSG00000144724
3	61610355	61610627	61610450	8	10	12	0.879411233	0.62639	PTPRG	ENSG00000144724
3	61617786	61618124	61617953	9	12	10	1.228268581	0.305344	PTPRG	ENSG00000144724
3	61621213	61621451	61621332	10	12	4	2.702190879	0.0203088	PTPRG	ENSG00000144724
3	61624814	61625047	61624927	9	11	13	0.890832158	0.618492	PTPRG	ENSG00000144724
3	61629730	61629954	61629830	10	12	6	1.930136342	0.071303	PTPRG	ENSG00000144724
3	61635474	61635671	61635572	8	9	5	1.73217364	0.133894	PTPRG	ENSG00000144724
3	61645032	61645219	61645140	8	9	8	1.154782427	0.375434	PTPRG	ENSG00000144724
3	61646283	61646462	61646372	8	8	5	1.558956276	0.191397	PTPRG	ENSG00000144724
3	61650653	61650978	61650815	8	9	9	1.039304184	0.466079	PTPRG	ENSG00000144724
3	61657220	61657604	61657318	8	15	5	2.771477825	0.0105836	PTPRG	ENSG00000144724

3	61658081	61658496	61658317	27	34	7	4.546955806	4.33E-06	PTPRG	ENSG00000144724
3	61658633	61658814	61658703	8	8	6	1.336248237	0.277651	PTPRG	ENSG00000144724
3	61660160	61660447	61660315	10	12	4	2.702190879	0.0203088	PTPRG	ENSG00000144724
3	61665802	61666009	61665905	8	9	13	0.742360132	0.770276	PTPRG	ENSG00000144724
3	61666546	61666766	61666631	8	10	3	2.858086507	0.0242838	PTPRG	ENSG00000144724
3	61666782	61667290	61667137	12	23	16	1.467252966	0.109416	PTPRG	ENSG00000144724
3	61670468	61670782	61670620	12	16	10	1.606197376	0.104477	PTPRG	ENSG00000144724
3	61675602	61675816	61675744	9	11	7	1.558956276	0.158273	PTPRG	ENSG00000144724
3	61686886	61687153	61687019	9	10	6	1.63319229	0.146906	PTPRG	ENSG00000144724
3	61694188	61694484	61694359	8	12	9	1.35109544	0.232899	PTPRG	ENSG00000144724
3	61709809	61710005	61709902	8	9	5	1.73217364	0.133894	PTPRG	ENSG00000144724
3	61710691	61710951	61710836	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PTPRG	ENSG00000144724
3	61716583	61716826	61716702	8	9	7	1.29913023	0.286504	PTPRG	ENSG00000144724
3	61717535	61717751	61717671	8	10	6	1.63319229	0.146906	PTPRG	ENSG00000144724
3	61719566	61719785	61719686	8	9	5	1.73217364	0.133894	PTPRG	ENSG00000144724
3	61721214	61721422	61721321	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PTPRG	ENSG00000144724
3	61729183	61729380	61729263	9	9	4	2.078608368	0.0785659	PTPRG	ENSG00000144724
3	61735585	61735768	61735664	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PTPRG	ENSG00000144724
3	61744365	61744605	61744515	8	9	8	1.154782427	0.375434	PTPRG	ENSG00000144724
3	61749505	61749687	61749562	11	11	9	1.247165021	0.300052	PTPRG	ENSG00000144724
3	61754392	61754706	61754549	8	13	6	2.078608368	0.0483393	PTPRG	ENSG00000144724
3	61755814	61756027	61755886	9	11	9	1.247165021	0.300052	PTPRG	ENSG00000144724
3	61760739	61761167	61760854	10	16	7	2.208521392	0.0257604	PTPRG	ENSG00000144724
3	61767063	61767242	61767151	8	9	10	0.944821986	0.553851	PTPRG	ENSG00000144724
3	61767990	61768272	61768131	11	15	6	2.375552421	0.0212094	PTPRG	ENSG00000144724
3	61768447	61769048	61768635	18	41	21	1.98412617	0.00356622	PTPRG	ENSG00000144724
3	61769061	61769387	61769219	13	17	20	0.890832158	0.642922	PTPRG	ENSG00000144724
3	61774919	61775540	61775089	12	26	12	2.158554844	0.00861404	PTPRG	ENSG00000144724
3	61785572	61785938	61785746	8	15	13	1.187776211	0.317363	PTPRG	ENSG00000144724
3	61790047	61790335	61790180	10	12	12	1.039304184	0.461227	PTPRG	ENSG00000144724
3	61793050	61793472	61793227	11	18	9	1.97467795	0.0349428	PTPRG	ENSG00000144724
3	61795782	61795967	61795874	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PTPRG	ENSG00000144724
3	61798210	61798440	61798287	8	9	5	1.73217364	0.133894	PTPRG	ENSG00000144724
3	61800058	61800269	61800163	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PTPRG	ENSG00000144724

3	61802987	61803207	61803082	9	9	12	0.799464757	0.707717	PTPRG	ENSG00000144724
3	61808576	61808776	61808676	8	10	4	2.286469205	0.0509017	PTPRG	ENSG00000144724
3	61813462	61813643	61813518	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PTPRG	ENSG00000144724
3	61814238	61814435	61814278	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PTPRG	ENSG00000144724
3	61821956	61822135	61822001	9	9	8	1.154782427	0.375434	PTPRG	ENSG00000144724
3	61823524	61823722	61823675	9	11	8	1.385738912	0.224757	PTPRG	ENSG00000144724
3	61827635	61827833	61827731	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PTPRG	ENSG00000144724
3	61828386	61828662	61828492	10	12	13	0.965068171	0.538344	PTPRG	ENSG00000144724
3	61843495	61843835	61843665	12	16	13	1.262012224	0.256887	PTPRG	ENSG00000144724
3	61845343	61845751	61845522	10	19	9	2.078608368	0.0241848	PTPRG	ENSG00000144724
3	61861984	61862173	61862082	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PTPRG	ENSG00000144724
3	61865149	61865353	61865267	10	10	8	1.27026067	0.293854	PTPRG	ENSG00000144724
3	61865800	61866024	61865856	8	9	9	1.039304184	0.466079	PTPRG	ENSG00000144724
3	61868185	61868416	61868298	9	12	12	1.039304184	0.461227	PTPRG	ENSG00000144724
3	61874943	61875122	61875087	8	9	5	1.73217364	0.133894	PTPRG	ENSG00000144724
3	61892778	61892978	61892899	8	8	12	0.719518281	0.783103	PTPRG	ENSG00000144724
3	61895661	61895881	61895781	8	11	8	1.385738912	0.224757	PTPRG	ENSG00000144724
3	61901100	61901358	61901229	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PTPRG	ENSG00000144724
3	61906397	61906690	61906513	9	13	8	1.616695398	0.123553	PTPRG	ENSG00000144724
3	61908006	61908210	61908113	8	8	7	1.169217207	0.371848	PTPRG	ENSG00000144724
3	61909622	61909991	61909787	8	13	10	1.32275078	0.240023	PTPRG	ENSG00000144724
3	61910910	61911118	61911061	12	12	10	1.228268581	0.305344	PTPRG	ENSG00000144724
3	61914467	61914759	61914630	8	11	15	0.779478138	0.747877	PTPRG	ENSG00000144724
3	61921890	61922103	61921996	9	10	12	0.879411233	0.62639	PTPRG	ENSG00000144724
3	61923470	61923675	61923572	8	8	6	1.336248237	0.277651	PTPRG	ENSG00000144724
3	61925205	61925493	61925383	8	11	10	1.133786383	0.380636	PTPRG	ENSG00000144724
3	61927060	61927239	61927130	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PTPRG	ENSG00000144724
3	61930175	61930533	61930422	8	12	6	1.930136342	0.071303	PTPRG	ENSG00000144724
3	61941395	61941575	61941436	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PTPRG	ENSG00000144724
3	61942287	61942564	61942439	8	11	9	1.247165021	0.300052	PTPRG	ENSG00000144724
3	61955399	61955724	61955561	10	14	9	1.558956276	0.132279	PTPRG	ENSG00000144724
3	61958971	61959447	61959277	13	23	14	1.662886695	0.0567474	PTPRG	ENSG00000144724
3	61962819	61963067	61962943	9	12	9	1.35109544	0.232899	PTPRG	ENSG00000144724
3	61966748	61966927	61966837	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PTPRG	ENSG00000144724

3	61967725	61968097	61967890	14	19	12	1.598929514	0.0887417	PTPRG	ENSG00000144724
3	61968105	61968489	61968348	14	21	16	1.344981885	0.176214	PTPRG	ENSG00000144724
3	61971788	61972063	61971910	13	15	13	1.187776211	0.317363	PTPRG	ENSG00000144724
3	61972330	61972571	61972507	8	10	7	1.429043253	0.21536	PTPRG	ENSG00000144724
3	61973360	61973558	61973531	9	11	8	1.385738912	0.224757	PTPRG	ENSG00000144724
3	61983993	61984307	61984150	8	11	10	1.133786383	0.380636	PTPRG	ENSG00000144724
3	61984463	61984705	61984598	13	13	7	1.818782322	0.0805123	PTPRG	ENSG00000144724
3	61991603	61991836	61991678	8	10	10	1.039304184	0.464387	PTPRG	ENSG00000144724
3	61995813	61996024	61995910	11	11	1	6.235825105	0.0013754	PTPRG	ENSG00000144724
3	61998296	61998481	61998388	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PTPRG	ENSG00000144724
3	62015096	62015302	62015199	11	12	1	6.755477198	0.000722752	PTPRG	ENSG00000144724
3	62030034	62030397	62030157	9	14	3	3.897390691	0.00295882	PTPRG	ENSG00000144724
3	62035269	62035567	62035418	9	13	18	0.765803083	0.780427	PTPRG	ENSG00000144724
3	62035900	62036234	62036064	8	12	7	1.688869299	0.11395	PTPRG	ENSG00000144724
3	62049691	62050090	62049797	8	14	8	1.73217364	0.0890835	PTPRG	ENSG00000144724
3	62055865	62056172	62056018	10	12	7	1.688869299	0.11395	PTPRG	ENSG00000144724
3	62080826	62081005	62080891	8	8	6	1.336248237	0.277651	PTPRG	ENSG00000144724
3	62092450	62092887	62092675	11	20	9	2.182538787	0.0165356	PTPRG	ENSG00000144724
3	62095277	62095504	62095420	8	11	3	3.117912553	0.0146045	PTPRG	ENSG00000144724
3	62107553	62107748	62107671	8	9	7	1.29913023	0.286504	PTPRG	ENSG00000144724
3	62123364	62123619	62123462	10	10	2	3.810782009	0.00936112	C3orf14	ENSG00000114405
3	62126191	62126401	62126296	8	9	7	1.29913023	0.286504	C3orf14	ENSG00000114405
3	62128352	62128558	62128443	8	8	10	0.850339787	0.645072	C3orf14	ENSG00000114405
3	62149556	62149868	62149698	12	16	11	1.472347594	0.147517	C3orf14	ENSG00000114405
3	62159477	62159736	62159606	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C3orf14	ENSG00000114405
3	62171076	62171456	62171371	9	14	5	2.598260461	0.0167748	C3orf14	ENSG00000114405
3	62185292	62185686	62185411	9	16	4	3.533634226	0.00276486	C3orf14	ENSG00000114405
3	62188516	62188756	62188643	10	13	9	1.455025858	0.177172	C3orf14	ENSG00000114405
3	62194274	62194472	62194389	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C3orf14	ENSG00000114405
3	62196569	62196855	62196727	8	9	6	1.484720263	0.204387	C3orf14	ENSG00000114405
3	62238294	62238485	62238405	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C3orf14	ENSG00000114405
3	62270593	62270783	62270688	8	9	5	1.73217364	0.133894	C3orf14	ENSG00000114405
3	62279406	62279973	62279555	13	28	31	0.941869417	0.59365	C3orf14	ENSG00000114405
3	62279987	62280372	62280193	11	19	18	1.094004404	0.389177	C3orf14	ENSG00000114405

3	62280488	62280831	62280654	13	17	12	1.439036563	0.154203	C3orf14	ENSG00000114405
3	62335073	62335254	62335138	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FEZF2	ENSG00000153266
3	62339918	62340124	62340020	8	10	5	1.905391004	0.0915982	FEZF2	ENSG00000153266
3	62390436	62390690	62390565	12	12	3	3.377738599	0.00867157	FEZF2	ENSG00000153266
3	62397027	62397320	62397167	12	14	5	2.598260461	0.0167748	FEZF2	ENSG00000153266
3	62401567	62401800	62401643	8	9	5	1.73217364	0.133894	FEZF2	ENSG00000153266
3	62402470	62402732	62402601	8	11	12	0.959357709	0.543005	FEZF2	ENSG00000153266
3	62406808	62406990	62406891	9	9	6	1.484720263	0.204387	FEZF2	ENSG00000153266
3	62407721	62407908	62407814	10	11	10	1.133786383	0.380636	FEZF2	ENSG00000153266
3	62422376	62422664	62422502	9	11	6	1.781664316	0.103344	FEZF2	ENSG00000153266
3	62424956	62425191	62425044	9	12	8	1.501217155	0.168286	FEZF2	ENSG00000153266
3	62434542	62434733	62434637	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FEZF2	ENSG00000153266
3	62436060	62436280	62436125	8	9	8	1.154782427	0.375434	FEZF2	ENSG00000153266
3	62452338	62452539	62452483	9	9	3	2.598260461	0.0397929	FEZF2	ENSG00000153266
3	62454052	62454361	62454210	10	13	8	1.616695398	0.123553	FEZF2	ENSG00000153266
3	62458435	62458856	62458680	9	14	7	1.948695345	0.0559175	FEZF2	ENSG00000153266
3	62478335	62478545	62478430	9	11	4	2.494330042	0.0324033	FEZF2	ENSG00000153266
3	62483700	62483956	62483860	9	9	11	0.86608682	0.635181	FEZF2	ENSG00000153266
3	62490025	62490223	62490124	11	12	8	1.501217155	0.168286	FEZF2	ENSG00000153266
3	62491361	62491607	62491471	8	11	7	1.558956276	0.158273	FEZF2	ENSG00000153266
3	62501063	62501278	62501189	9	9	8	1.154782427	0.375434	FEZF2	ENSG00000153266
3	62510854	62511089	62510995	8	10	12	0.879411233	0.62639	FEZF2	ENSG00000153266
3	62511695	62511925	62511794	10	13	6	2.078608368	0.0483393	FEZF2	ENSG00000153266
3	62515129	62515324	62515303	9	11	10	1.133786383	0.380636	FEZF2	ENSG00000153266
3	62519278	62519519	62519384	9	10	12	0.879411233	0.62639	FEZF2	ENSG00000153266
3	62520701	62520925	62520836	8	10	9	1.143234603	0.378307	FEZF2	ENSG00000153266
3	62521077	62521305	62521200	9	11	10	1.133786383	0.380636	FEZF2	ENSG00000153266
3	62523289	62523672	62523493	9	15	6	2.375552421	0.0212094	FEZF2	ENSG00000153266
3	62544339	62544547	62544410	10	11	10	1.133786383	0.380636	FEZF2	ENSG00000153266
3	62551141	62551447	62551313	13	17	10	1.700679574	0.0766266		ENSG00000210876
3	62559456	62559672	62559601	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000210876
3	62566426	62566768	62566597	9	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000210876
3	62578607	62579016	62578837	8	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000210876
3	62583314	62583641	62583488	8	11	11	1.039304184	0.462773		ENSG00000210876

3	62584345	62584557	62584451	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000210876
3	62584990	62585262	62585126	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000210876
3	62598115	62598381	62598204	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000210876
3	62622669	62622857	62622763	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000210876
3	62626668	62627037	62626858	11	18	15	1.234173719	0.265435		ENSG00000210876
3	62631060	62631344	62631202	10	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000210876
3	62639837	62640016	62639926	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000210876
3	62642433	62642612	62642522	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000210876
3	62680468	62680797	62680632	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000210876
3	62692311	62692700	62692521	8	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000210876
3	62699984	62700171	62700077	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210876
3	62732414	62732614	62732514	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000210876
3	62755366	62755557	62755449	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000210876
3	62790686	62790972	62790817	9	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000210884
3	62822324	62822627	62822475	8	9	7	1.29913023	0.286504	CADPS	ENSG00000163618
3	62836674	62837189	62836853	13	23	9	2.494330042	0.00494866	CADPS	ENSG00000163618
3	62844161	62844381	62844273	8	8	5	1.558956276	0.191397	CADPS	ENSG00000163618
3	62848027	62848242	62848119	8	8	5	1.558956276	0.191397	CADPS	ENSG00000163618
3	62848886	62849197	62849041	9	13	13	1.039304184	0.45974	CADPS	ENSG00000163618
3	62861873	62862176	62862026	15	17	3	4.676868829	0.000552213	CADPS	ENSG00000163618
3	62868430	62868614	62868573	8	8	4	1.870747532	0.118863	CADPS	ENSG00000163618
3	62871273	62871452	62871362	8	8	7	1.169217207	0.371848	CADPS	ENSG00000163618
3	62881148	62881551	62881442	9	16	6	2.524024447	0.0137633	CADPS	ENSG00000163618
3	62939198	62939459	62939332	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CADPS	ENSG00000163618
3	62958146	62958369	62958213	8	11	4	2.494330042	0.0324033	CADPS	ENSG00000163618
3	62959353	62959550	62959481	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CADPS	ENSG00000163618
3	62962038	62962343	62962195	12	15	7	2.078608368	0.038229	CADPS	ENSG00000163618
3	62983562	62983782	62983719	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CADPS	ENSG00000163618
3	62985895	62986074	62985980	8	8	4	1.870747532	0.118863	CADPS	ENSG00000163618
3	63004216	63004443	63004341	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CADPS	ENSG00000163618
3	63013291	63013534	63013412	8	8	10	0.850339787	0.645072	CADPS	ENSG00000163618
3	63017684	63017891	63017787	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CADPS	ENSG00000163618
3	63036990	63037390	63037225	12	18	13	1.41048425	0.160361	CADPS	ENSG00000163618
3	63052911	63053116	63053013	9	10	1	5.716173013	0.00260397	CADPS	ENSG00000163618

3	63069188	63069440	63069314	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000222622
3	63082664	63082894	63082794	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000222622
3	63083332	63083625	63083478	12	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000222622
3	63085643	63085841	63085721	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000222622
3	63107217	63107486	63107351	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222622
3	63117211	63117423	63117338	9	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000222622
3	63141429	63141634	63141497	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000222622
3	63154277	63154861	63154569	13	26	14	1.870747532	0.0223642		ENSG00000222622
3	63160047	63160355	63160201	10	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000222622
3	63162750	63163019	63162904	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222622
3	63163417	63163637	63163557	10	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000222622
3	63182755	63182968	63182797	8	8	8	1.039304184	0.46786		ENSG00000222622
3	63193707	63193932	63193819	9	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000222622
3	63211223	63211461	63211345	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000222622
3	63230766	63231019	63230892	8	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000222622
3	63247197	63247376	63247235	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222622
3	63251283	63251501	63251370	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222622
3	63253635	63253819	63253727	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000222622
3	63303686	63303971	63303825	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222622
3	63310416	63310722	63310569	8	10	14	0.762156402	0.758589		ENSG00000222622
3	63311768	63312161	63312034	11	17	12	1.439036563	0.154203		ENSG00000222622
3	63363120	63363482	63363293	11	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000222622
3	63364371	63364586	63364483	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222622
3	63420496	63420894	63420715	10	15	14	1.10859113	0.386477	SYNPR	ENSG00000163630
3	63421962	63422146	63422054	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYNPR	ENSG00000163630
3	63432810	63432992	63432886	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYNPR	ENSG00000163630
3	63433955	63434157	63434056	8	10	9	1.143234603	0.378307	SYNPR	ENSG00000163630
3	63439427	63439615	63439551	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SYNPR	ENSG00000163630
3	63452615	63453116	63452729	8	17	12	1.439036563	0.154203	SYNPR	ENSG00000163630
3	63455960	63456167	63456033	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SYNPR	ENSG00000163630
3	63466928	63467164	63467046	8	11	6	1.781664316	0.103344	SYNPR	ENSG00000163630
3	63470850	63471112	63470981	8	10	6	1.63319229	0.146906	SYNPR	ENSG00000163630
3	63473297	63473511	63473404	8	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000210887
3	63482559	63482741	63482650	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000210887

3	63483273	63483567	63483420	10	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000210887
3	63483582	63484088	63483761	11	20	17	1.212521548	0.272468	ENSG00000210887
3	63492107	63492296	63492201	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000210887
3	63495521	63495737	63495615	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000210887
3	63509925	63510261	63510085	9	12	1	6.755477198	0.000722752	ENSG00000210887
3	63525517	63525801	63525659	10	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000210887
3	63531751	63531969	63531859	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ENSG00000210887
3	63532717	63532899	63532818	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000210887
3	63537539	63538064	63537701	10	23	11	2.078608368	0.0154752	ENSG00000210887
3	63538844	63539184	63539014	8	13	6	2.078608368	0.0483393	ENSG00000210887
3	63557750	63557951	63557850	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000210887
3	63568422	63568624	63568523	9	9	13	0.742360132	0.770276	ENSG00000188817
3	63592388	63592687	63592529	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000188817
3	63603083	63603398	63603240	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000188817
3	63604614	63605055	63604876	10	21	10	2.078608368	0.0193227	ENSG00000188817
3	63605548	63605884	63605722	8	13	6	2.078608368	0.0483393	ENSG00000188817
3	63612167	63612346	63612254	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000188817
3	63612782	63612974	63612878	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ENSG00000188817
3	63623202	63623591	63623340	8	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000188817
3	63628722	63629130	63628878	9	15	14	1.10859113	0.386477	ENSG00000188817
3	63638177	63638407	63638248	8	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000188817
3	63644533	63644806	63644660	11	13	2	4.850086193	0.00164564	ENSG00000188817
3	63662331	63662580	63662438	9	11	3	3.117912553	0.0146045	ENSG00000188817
3	63665172	63665383	63665298	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000188817
3	63666910	63667537	63667285	10	24	16	1.528388506	0.0846311	ENSG00000188817
3	63670397	63670603	63670500	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000188817
3	63673832	63674037	63673945	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ENSG00000188817
3	63678693	63678970	63678831	10	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000188817
3	63679249	63679428	63679338	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000188817
3	63679710	63679987	63679865	10	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000188817
3	63680199	63680774	63680378	11	28	33	0.886465334	0.685163	ENSG00000188817
3	63680852	63681669	63681072	17	46	49	0.976945933	0.546418	ENSG00000188817
3	63681672	63682168	63681876	9	20	19	1.091269393	0.389566	ENSG00000188817
3	63684700	63685018	63684859	11	16	31	0.552130348	0.979636	ENSG00000188817

3	63685038	63685612	63685452	13	29	37	0.820503303	0.793644		ENSG00000188817
3	63685641	63686188	63685879	12	26	16	1.650659587	0.048911		ENSG00000188817
3	63686456	63686732	63686584	10	13	14	0.970017239	0.534076		ENSG00000188817
3	63687735	63687959	63687869	11	14	20	0.742360132	0.815839		ENSG00000188817
3	63688062	63688269	63688162	10	10	18	0.601702422	0.917232		ENSG00000188817
3	63688350	63688782	63688627	13	20	20	1.039304184	0.450588		ENSG00000188817
3	63689145	63689701	63689388	10	22	24	0.956159849	0.562938		ENSG00000188817
3	63689987	63690307	63690147	9	11	15	0.779478138	0.747877		ENSG00000188817
3	63690717	63691099	63690923	15	21	19	1.143234603	0.33145		ENSG00000188817
3	63691153	63691406	63691317	8	11	16	0.733626483	0.800067		ENSG00000188817
3	63692932	63693325	63693146	10	18	6	2.8209685	0.00559354		ENSG00000188817
3	63700576	63700901	63700741	13	17	18	0.984603964	0.519872	C3orf49	ENSG00000163632
3	63701093	63701455	63701239	8	14	31	0.487173836	0.991844	C3orf49	ENSG00000163632
3	63701465	63701964	63701682	16	27	40	0.709768711	0.922248	C3orf49	ENSG00000163632
3	63702514	63702810	63702671	9	14	20	0.742360132	0.815839	C3orf49	ENSG00000163632
3	63703879	63704910	63704498	13	48	38	1.305792437	0.105214	C3orf49	ENSG00000163632
3	63704982	63705334	63705158	13	19	13	1.484720263	0.123861	C3orf49	ENSG00000163632
3	63707138	63707863	63707341	19	40	37	1.121354515	0.304982	C3orf49	ENSG00000163632
3	63708073	63708367	63708252	9	10	13	0.816596145	0.696946	C3orf49	ENSG00000163632
3	63708464	63709250	63709075	13	33	21	1.606197376	0.0387698	C3orf49	ENSG00000163632
3	63709536	63709894	63709715	12	18	12	1.518983039	0.117837	C3orf49	ENSG00000163632
3	63710914	63711284	63711113	22	28	11	2.511651779	0.00221344	C3orf49	ENSG00000163632
3	63711509	63712076	63711922	10	22	42	0.555906889	0.990434	C3orf49	ENSG00000163632
3	63712083	63712465	63712286	10	18	26	0.731362204	0.856292	C3orf49	ENSG00000163632
3	63713429	63713634	63713515	8	10	8	1.27026067	0.293854	C3orf49	ENSG00000163632
3	63713732	63713990	63713861	11	11	9	1.247165021	0.300052	C3orf49	ENSG00000163632
3	63714055	63714667	63714488	37	55	39	1.455025858	0.0334769	C3orf49	ENSG00000163632
3	63714726	63715244	63715074	16	25	29	0.900730293	0.653667	C3orf49	ENSG00000163632
3	63715879	63716086	63715982	8	10	8	1.27026067	0.293854	C3orf49	ENSG00000163632
3	63717925	63718104	63718014	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C3orf49	ENSG00000163632
3	63737614	63737888	63737751	9	12	17	0.750608578	0.78992	C3orf49	ENSG00000163632
3	63739004	63739277	63739123	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C3orf49	ENSG00000163632
3	63744636	63744961	63744798	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C3orf49	ENSG00000163632
3	63751998	63752203	63752076	9	11	4	2.494330042	0.0324033	C3orf49	ENSG00000163632

3	63753233	63753469	63753351	9	9	4	2.078608368	0.0785659	C3orf49	ENSG00000163632
3	63755165	63755446	63755321	10	11	1	6.235825105	0.0013754	C3orf49	ENSG00000163632
3	63756075	63756469	63756290	12	21	10	2.078608368	0.0193227	C3orf49	ENSG00000163632
3	63761718	63762042	63761912	8	12	8	1.501217155	0.168286	C3orf49	ENSG00000163632
3	63771281	63771470	63771332	8	8	7	1.169217207	0.371848	C3orf49	ENSG00000163632
3	63772806	63773448	63773138	16	32	2	11.43234603	1.00E-08	C3orf49	ENSG00000163632
3	63775072	63775321	63775196	9	10	5	1.905391004	0.0915982	C3orf49	ENSG00000163632
3	63779139	63779690	63779318	23	39	34	1.187776211	0.227496	C3orf49	ENSG00000163632
3	63786941	63787290	63787115	11	15	8	1.847651883	0.0631662	C3orf49	ENSG00000163632
3	63800364	63800610	63800487	10	10	5	1.905391004	0.0915982	THOC7	ENSG00000163634
3	63807418	63807613	63807528	8	9	2	3.464347281	0.0163838	THOC7	ENSG00000163634
3	63819767	63820064	63819891	9	12	8	1.501217155	0.168286	THOC7	ENSG00000163634
3	63823618	63824324	63823768	8	23	15	1.558956276	0.0802366	THOC7	ENSG00000163634
3	63825364	63825967	63825652	11	26	24	1.122448519	0.337995	ATXN7	ENSG00000163635
3	63831326	63831552	63831446	11	13	3	3.637564645	0.0050909	ATXN7	ENSG00000163635
3	63833029	63833522	63833343	10	24	16	1.528388506	0.0846311	ATXN7	ENSG00000163635
3	63835636	63835838	63835771	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ATXN7	ENSG00000163635
3	63839262	63839541	63839397	8	11	14	0.831443347	0.68719	ATXN7	ENSG00000163635
3	63847505	63847713	63847623	8	10	11	0.952695502	0.548138	ATXN7	ENSG00000163635
3	63855715	63855894	63855804	8	8	5	1.558956276	0.191397	ATXN7	ENSG00000163635
3	63866254	63866537	63866395	12	14	9	1.558956276	0.132279	ATXN7	ENSG00000163635
3	63868891	63869173	63869032	15	15	8	1.847651883	0.0631662	ATXN7	ENSG00000163635
3	63871008	63871187	63871101	8	9	6	1.484720263	0.204387	ATXN7	ENSG00000163635
3	63873745	63874389	63874122	10	28	19	1.506991067	0.0757238	ATXN7	ENSG00000163635
3	63874469	63874649	63874542	8	8	6	1.336248237	0.277651	ATXN7	ENSG00000163635
3	63875020	63875321	63875177	13	17	13	1.336248237	0.204556	ATXN7	ENSG00000163635
3	63886769	63886985	63886877	9	9	6	1.484720263	0.204387	ATXN7	ENSG00000163635
3	63893837	63894131	63894014	9	11	10	1.133786383	0.380636	ATXN7	ENSG00000163635
3	63894771	63894990	63894910	8	9	7	1.29913023	0.286504	ATXN7	ENSG00000163635
3	63897066	63897261	63897163	8	8	9	0.935373766	0.560286	ATXN7	ENSG00000163635
3	63897382	63897712	63897544	11	15	14	1.10859113	0.386477	ATXN7	ENSG00000163635
3	63898270	63898550	63898394	8	10	9	1.143234603	0.378307	ATXN7	ENSG00000163635
3	63900712	63901008	63900877	9	12	6	1.930136342	0.071303	ATXN7	ENSG00000163635
3	63901398	63901824	63901651	8	14	11	1.29913023	0.246308	ATXN7	ENSG00000163635

3	63904295	63904553	63904424	8	11	8	1.385738912	0.224757	ATXN7	ENSG00000163635
3	63907798	63907977	63907945	8	8	4	1.870747532	0.118863	PSMD6	ENSG00000163636
3	63953432	63953778	63953605	10	16	27	0.631006112	0.93773	PSMD6	ENSG00000163636
3	63953862	63954110	63953909	8	12	18	0.711102863	0.834017	PSMD6	ENSG00000163636
3	63954262	63955054	63954421	22	47	48	1.018093895	0.465188	PSMD6	ENSG00000163636
3	63955344	63955644	63955465	10	14	26	0.577391213	0.96085	PSMD6	ENSG00000163636
3	63955663	63956336	63955807	16	35	34	1.06899859	0.389269	PSMD6	ENSG00000163636
3	63957017	63957235	63957126	9	10	12	0.879411233	0.62639	PSMD6	ENSG00000163636
3	63957317	63957673	63957495	8	13	23	0.606260774	0.937372	PSMD6	ENSG00000163636
3	63958078	63958533	63958407	12	23	33	0.733626483	0.881043	PSMD6	ENSG00000163636
3	63959037	63959402	63959216	11	18	20	0.940322833	0.578675	PSMD6	ENSG00000163636
3	63959668	63960812	63960250	17	64	72	0.925407835	0.676281	PSMD6	ENSG00000163636
3	63961137	63961463	63961300	10	15	22	0.722994215	0.845414	PSMD6	ENSG00000163636
3	63962013	63962258	63962087	14	17	14	1.247165021	0.261378	PSMD6	ENSG00000163636
3	63963017	63963924	63963233	13	41	46	0.928739909	0.637343	PSMD6	ENSG00000163636
3	63964241	63964640	63964381	17	23	25	0.959357709	0.559486	PSMD6	ENSG00000163636
3	63964692	63965786	63964991	18	60	39	1.584938881	0.0107629	PSMD6	ENSG00000163636
3	63965815	63966383	63966205	10	24	40	0.633722064	0.966896	PSMD6	ENSG00000163636
3	63966396	63967753	63966865	13	63	61	1.072830126	0.346531	PSMD6	ENSG00000163636
3	63967777	63967967	63967829	8	9	15	0.649565115	0.865365	PSMD6	ENSG00000163636
3	63968233	63968806	63968659	13	28	28	1.039304184	0.441896	PSMD6	ENSG00000163636
3	63969284	63970066	63969876	20	48	33	1.497820736	0.0333225	PSMD6	ENSG00000163636
3	63970215	63970666	63970487	12	21	22	0.994117046	0.508733	PSMD6	ENSG00000163636
3	63971706	63971934	63971820	8	11	8	1.385738912	0.224757	PSMD6	ENSG00000163636
3	63972153	63972828	63972649	15	39	29	1.385738912	0.0861361	PSMD6	ENSG00000163636
3	63973012	63973591	63973459	12	27	32	0.881833853	0.689746	PSMD6	ENSG00000163636
3	63973951	63974271	63974111	14	19	17	1.154782427	0.327751	PSMD6	ENSG00000163636
3	63974383	63974873	63974544	8	15	23	0.692869456	0.877389	PSMD6	ENSG00000163636
3	63975046	63975616	63975331	10	26	29	0.935373766	0.600845	PSMD6	ENSG00000163636
3	63975618	63976126	63975838	12	24	28	0.895951883	0.65833	PSMD6	ENSG00000163636
3	63976246	63976600	63976394	11	15	9	1.662886695	0.0970566	PSMD6	ENSG00000163636
3	63977946	63978246	63978084	13	15	9	1.662886695	0.0970566	PSMD6	ENSG00000163636
3	63978291	63978705	63978551	12	20	9	2.182538787	0.0165356	PSMD6	ENSG00000163636
3	63978736	63979576	63979363	12	37	37	1.039304184	0.433494	PSMD6	ENSG00000163636

3	63979648	63980322	63980102	19	38	28	1.397684937	0.083712	PSMD6	ENSG00000163636
3	63981214	63981972	63981793	12	34	32	1.102292317	0.343693	PSMD6	ENSG00000163636
3	63982434	63983122	63982887	9	27	35	0.808347699	0.803596	PSMD6	ENSG00000163636
3	63983488	63984915	63984309	38	118	70	1.741932365	8.06E-05	PSMD6	ENSG00000163636
3	63986407	63986738	63986572	14	15	4	3.32577339	0.00462646	PSMD6	ENSG00000163636
3	63987718	63988004	63987850	10	13	12	1.11925066	0.384109	PSMD6	ENSG00000163636
3	63988174	63988682	63988377	11	24	24	1.039304184	0.446062	PSMD6	ENSG00000163636
3	63988790	63989330	63989151	8	20	22	0.948929907	0.57038	PSMD6	ENSG00000163636
3	63989662	63989893	63989723	8	11	13	0.890832158	0.618492	PSMD6	ENSG00000163636
3	63990278	63990493	63990372	10	11	7	1.558956276	0.158273	PSMD6	ENSG00000163636
3	63990634	63992116	63991503	40	108	86	1.302116737	0.0324663	PSMD6	ENSG00000163636
3	63992126	63993453	63992919	13	57	58	1.021688859	0.454119	PSMD6	ENSG00000163636
3	63993856	63994202	63994050	9	13	8	1.616695398	0.123553	PSMD6	ENSG00000163636
3	63994745	63995054	63994955	12	16	19	0.883408557	0.649033	PSMD6	ENSG00000163636
3	63995126	63995598	63995261	12	20	14	1.455025858	0.129498	PSMD6	ENSG00000163636
3	63996828	63997185	63997006	10	16	19	0.883408557	0.649033	PSMD6	ENSG00000163636
3	63997335	63997671	63997503	8	13	12	1.11925066	0.384109	PSMD6	ENSG00000163636
3	63997773	63998067	63997919	10	14	28	0.53757113	0.978529	PSMD6	ENSG00000163636
3	63998915	63999783	63999094	18	46	37	1.285455175	0.123233	PSMD6	ENSG00000163636
3	63999930	64000612	64000068	16	34	28	1.254332636	0.181679	PSMD6	ENSG00000163636
3	64000812	64001214	64001035	14	22	25	0.919384471	0.617223	PSMD6	ENSG00000163636
3	64004723	64005437	64005080	12	32	36	0.926946975	0.625687	PSMD6	ENSG00000163636
3	64005956	64006339	64006102	10	18	12	1.518983039	0.117837	PSMD6	ENSG00000163636
3	64006642	64006983	64006812	10	15	9	1.662886695	0.0970566	PSMD6	ENSG00000163636
3	64006996	64007697	64007175	12	33	38	0.906060058	0.664493	PSMD6	ENSG00000163636
3	64007873	64008289	64008052	18	27	19	1.455025858	0.0967688	PSMD6	ENSG00000163636
3	64008809	64009099	64008944	9	12	21	0.614134291	0.924528		ENSG00000200222
3	64009191	64009833	64009654	15	36	27	1.373366243	0.100282		ENSG00000200222
3	64009933	64010384	64010222	12	20	23	0.909391161	0.626666		ENSG00000200222
3	64012122	64012394	64012257	11	15	18	0.875203524	0.655562		ENSG00000200222
3	64012583	64012864	64012723	9	12	24	0.540438176	0.969195		ENSG00000200222
3	64012991	64013417	64013170	10	18	28	0.680923431	0.908117		ENSG00000200222
3	64014201	64014510	64014355	12	18	26	0.731362204	0.856292		ENSG00000200222
3	64014736	64015414	64015002	13	32	42	0.797605537	0.838401		ENSG00000200222

3	64015844	64016305	64016023	11	20	19	1.091269393	0.389566	ENSG00000200222
3	64016362	64016847	64016541	10	20	24	0.873015515	0.679256	ENSG00000200222
3	64017223	64017585	64017479	11	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000200222
3	64018917	64019294	64019096	13	20	14	1.455025858	0.129498	ENSG00000200222
3	64019375	64019585	64019480	8	9	14	0.692869456	0.822654	ENSG00000200222
3	64020310	64020881	64020771	10	24	23	1.082608525	0.390382	ENSG00000200222
3	64021118	64021581	64021330	19	31	30	1.072830126	0.39004	ENSG00000200222
3	64021673	64022067	64021852	10	18	27	0.705242125	0.884499	ENSG00000200222
3	64022288	64022920	64022747	13	29	57	0.53757113	0.997795	ENSG00000200222
3	64023012	64023330	64023171	12	15	27	0.593888105	0.956572	ENSG00000200222
3	64023552	64023952	64023723	12	20	23	0.909391161	0.626666	ENSG00000200222
3	64023970	64024483	64024289	18	31	28	1.14681841	0.295725	ENSG00000200222
3	64024682	64024995	64024827	12	15	32	0.503905059	0.990444	ENSG00000200222
3	64025615	64025871	64025723	13	15	16	0.978168644	0.526483	ENSG00000200222
3	64025875	64026156	64026008	12	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000200222
3	64026795	64027111	64026953	9	14	20	0.742360132	0.815839	ENSG00000200222
3	64027138	64027544	64027257	9	18	22	0.85855563	0.691398	ENSG00000200222
3	64028079	64028333	64028206	11	14	9	1.558956276	0.132279	ENSG00000200222
3	64028336	64029244	64028573	15	47	38	1.279143611	0.125162	ENSG00000200222
3	64031160	64031608	64031444	11	24	15	1.623912788	0.0607838	ENSG00000200222
3	64032113	64032389	64032221	9	11	13	0.890832158	0.618492	ENSG00000200222
3	64032771	64033162	64032933	8	15	27	0.593888105	0.956572	ENSG00000200222
3	64033959	64034514	64034130	14	30	38	0.826113582	0.788867	ENSG00000200222
3	64034735	64035153	64034966	15	25	19	1.35109544	0.152941	ENSG00000200222
3	64035446	64035649	64035505	8	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000200222
3	64035741	64036070	64035955	10	14	13	1.113540197	0.385405	ENSG00000200222
3	64037202	64037760	64037405	16	28	29	1.004660711	0.493496	ENSG00000200222
3	64038061	64038511	64038318	9	19	18	1.094004404	0.389177	ENSG00000200222
3	64038949	64039938	64039058	16	46	39	1.221182416	0.17523	ENSG00000200222
3	64040102	64040431	64040266	9	14	17	0.86608682	0.662567	ENSG00000200222
3	64040561	64040995	64040713	13	22	31	0.746999882	0.860756	ENSG00000189196
3	64041066	64041492	64041405	10	19	33	0.611355402	0.963374	ENSG00000189196
3	64041657	64042035	64041829	9	14	11	1.29913023	0.246308	ENSG00000189196
3	64042244	64042512	64042386	10	13	4	2.910051716	0.0125532	ENSG00000189196

3	64042640	64042943	64042800	8	12	23	0.562956433	0.958014	ENSG00000189196
3	64042953	64043433	64043132	15	24	38	0.666220631	0.946942	ENSG00000189196
3	64043436	64044072	64043893	9	24	34	0.742360132	0.875925	ENSG00000189196
3	64044588	64044844	64044706	13	15	22	0.722994215	0.845414	ENSG00000189196
3	64044846	64045072	64044970	9	10	15	0.714521627	0.810948	ENSG00000189196
3	64045202	64045812	64045619	21	39	24	1.662886695	0.0209065	ENSG00000189196
3	64047047	64047538	64047262	8	18	24	0.78987118	0.784577	ENSG00000189196
3	64047608	64048009	64047847	8	15	25	0.639571806	0.925462	ENSG00000189196
3	64048606	64048869	64048737	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000189196
3	64049417	64049747	64049577	14	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000189196
3	64049795	64050172	64049954	8	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000189196
3	64050825	64051558	64051199	9	26	38	0.719518281	0.909098	ENSG00000189196
3	64052723	64053179	64052990	9	17	15	1.169217207	0.323156	ENSG00000189196
3	64053205	64053605	64053423	10	19	19	1.039304184	0.451787	ENSG00000189196
3	64054229	64054564	64054396	13	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000189196
3	64054650	64054955	64054802	14	18	15	1.234173719	0.265435	ENSG00000189196
3	64055770	64057308	64056126	18	69	78	0.920902442	0.693154	ENSG00000189196
3	64057982	64059108	64058508	19	64	56	1.185171438	0.173752	ENSG00000189196
3	64059138	64059392	64059272	10	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000189196
3	64059475	64059936	64059805	13	19	27	0.742360132	0.849695	ENSG00000189196
3	64060438	64060834	64060593	10	16	17	0.981565063	0.523072	ENSG00000189196
3	64060979	64061816	64061344	12	34	27	1.29913023	0.148943	ENSG00000189196
3	64062296	64062548	64062431	9	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000189196
3	64062572	64062822	64062697	9	12	20	0.643378781	0.900583	ENSG00000189196
3	64062989	64063251	64063159	9	10	8	1.27026067	0.293854	ENSG00000189196
3	64063348	64063724	64063523	8	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000189196
3	64064751	64066425	64065580	24	103	73	1.460643718	0.00594203	ENSG00000189196
3	64067164	64067530	64067351	10	17	17	1.039304184	0.454282	ENSG00000189196
3	64068079	64068360	64068228	9	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000189196
3	64068561	64068776	64068657	9	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000189196
3	64069093	64069793	64069458	15	37	19	1.97467795	0.00544744	ENSG00000189196
3	64069879	64070209	64070056	8	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000189196
3	64070356	64071511	64070940	11	49	50	1.018925671	0.462828	ENSG00000189196
3	64072416	64073228	64072829	26	60	38	1.625578339	0.00797675	ENSG00000189196

3	64073514	64073816	64073665	10	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000189196
3	64074613	64074808	64074710	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000189196
3	64081081	64081527	64081260	8	17	23	0.779478138	0.791839	ENSG00000189196
3	64081591	64082206	64082070	12	26	29	0.935373766	0.600845	ENSG00000189196
3	64082329	64082922	64082743	19	37	28	1.361846862	0.102919	ENSG00000189196
3	64083127	64083327	64083227	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000189196
3	64086837	64087119	64086978	11	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000189196
3	64088218	64088645	64088480	12	21	24	0.914587682	0.621823	ENSG00000189196
3	64088948	64089129	64089064	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000189196
3	64090137	64090534	64090245	10	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000189196
3	64090892	64091191	64091051	8	12	18	0.711102863	0.834017	ENSG00000189196
3	64091593	64092294	64092125	15	35	25	1.439036563	0.0760253	ENSG00000189196
3	64092447	64093347	64093042	12	41	33	1.283846345	0.137648	ENSG00000189196
3	64093797	64094485	64094149	22	49	36	1.404465114	0.0568132	ENSG00000189196
3	64094782	64095320	64095163	14	31	24	1.330309356	0.140086	ENSG00000189196
3	64096019	64096540	64096198	8	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000189196
3	64096911	64097281	64097090	10	17	25	0.719518281	0.863101	ENSG00000189196
3	64098145	64098334	64098239	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000189196
3	64098507	64098744	64098625	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000189196
3	64098751	64099036	64098885	8	12	18	0.711102863	0.834017	ENSG00000189196
3	64099122	64099351	64099236	8	9	18	0.547002202	0.94615	ENSG00000189196
3	64099781	64100300	64100128	11	24	19	1.29913023	0.189	ENSG00000189196
3	64101775	64102604	64102425	11	36	23	1.602260617	0.0334796	ENSG00000189196
3	64102629	64103070	64102808	11	20	11	1.818782322	0.04395	ENSG00000189196
3	64103458	64103691	64103632	9	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000189196
3	64104602	64105060	64104881	15	24	14	1.73217364	0.0420666	ENSG00000189196
3	64107772	64108111	64107941	12	18	8	2.194086611	0.0206188	ENSG00000189196
3	64109636	64109849	64109765	9	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000189196
3	64110178	64110372	64110315	9	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000189196
3	64110386	64110674	64110530	9	13	6	2.078608368	0.0483393	ENSG00000189196
3	64110845	64111333	64111024	8	17	25	0.719518281	0.863101	ENSG00000189196
3	64111396	64112140	64111790	30	54	50	1.120818238	0.278245	ENSG00000189196
3	64112181	64112584	64112326	11	17	26	0.692869456	0.890806	ENSG00000189196
3	64112615	64113644	64112794	15	51	54	0.982614865	0.536761	ENSG00000189196

3	64116959	64117208	64117083	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000189196
3	64117612	64119740	64118248	52	204	150	1.410975879	0.00061093	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64120098	64120479	64120277	10	17	18	0.984603964	0.519872	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64120560	64121208	64120734	9	23	27	0.890832158	0.663202	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64121799	64122412	64122021	15	32	36	0.926946975	0.625687	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64122419	64123047	64122639	22	51	40	1.318141892	0.0913738	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64123279	64123497	64123424	9	11	19	0.623582511	0.908792	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64123830	64124095	64123962	9	12	10	1.228268581	0.305344	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64124602	64124785	64124693	8	9	6	1.484720263	0.204387	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64126947	64127910	64127624	24	58	43	1.393612429	0.0463307	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64128073	64128640	64128315	8	21	19	1.143234603	0.33145	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64129422	64129831	64129601	9	16	13	1.262012224	0.256887	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64129921	64130465	64130286	10	21	17	1.27026067	0.223413	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64131023	64131249	64131136	8	10	10	1.039304184	0.464387	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64131979	64132454	64132158	13	27	22	1.265239876	0.199511	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64132864	64133082	64132973	9	12	10	1.228268581	0.305344	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64134372	64134795	64134551	10	17	7	2.338434415	0.0171287	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64134940	64135122	64135068	8	8	5	1.558956276	0.191397	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64137320	64137556	64137398	8	11	7	1.558956276	0.158273	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64138774	64139396	64139207	12	28	25	1.159223898	0.291166	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64140100	64140783	64140279	12	27	29	0.970017239	0.547123	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64141494	64141781	64141644	9	11	13	0.890832158	0.618492	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64144740	64145032	64144871	8	11	14	0.831443347	0.68719	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64145505	64145797	64145651	9	12	10	1.228268581	0.305344	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64146968	64147358	64147116	10	17	4	3.741495063	0.00163722	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64147481	64148191	64147832	26	61	26	2.386550349	3.77E-05	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64148543	64148888	64148715	11	16	13	1.262012224	0.256887	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64149331	64149841	64149662	13	25	31	0.84443465	0.741591	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64149892	64150240	64150066	12	18	18	1.039304184	0.453018	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64151225	64151675	64151496	9	16	14	1.177878075	0.320433	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64151969	64152322	64152186	9	13	19	0.727512929	0.824686	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64153707	64154115	64153946	12	18	12	1.518983039	0.117837	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64155783	64155975	64155833	9	10	6	1.63319229	0.146906	PRICKLE2 ENSG00000163637
3	64156971	64157165	64157105	8	8	12	0.719518281	0.783103	PRICKLE2 ENSG00000163637

3	64157316	64157704	64157430	8	15	7	2.078608368	0.038229	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64163863	64164086	64163997	12	13	10	1.32275078	0.240023	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64164910	64165189	64165063	13	13	17	0.808347699	0.728863	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64165300	64165649	64165474	14	18	33	0.580787632	0.974583	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64168359	64168983	64168538	11	27	34	0.831443347	0.769295	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64170562	64170917	64170739	10	16	14	1.177878075	0.320433	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64171215	64171481	64171348	8	10	10	1.039304184	0.464387	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64173056	64173269	64173184	8	8	6	1.336248237	0.277651	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64174299	64174524	64174411	9	11	10	1.133786383	0.380636	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64175006	64175584	64175115	12	26	14	1.870747532	0.0223642	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64175786	64176069	64175963	9	13	16	0.855897563	0.670115	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64177184	64177403	64177254	8	10	11	0.952695502	0.548138	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64177527	64177796	64177624	8	10	8	1.27026067	0.293854	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64179149	64179413	64179277	10	13	3	3.637564645	0.0050909	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64179714	64180315	64180023	13	27	29	0.970017239	0.547123	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64180380	64180627	64180503	8	9	14	0.692869456	0.822654	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64180701	64181282	64180844	16	29	26	1.154782427	0.292794	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64181534	64181849	64181688	9	13	16	0.855897563	0.670115	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64182844	64183114	64182961	9	11	16	0.733626483	0.800067	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64183399	64183641	64183532	8	9	9	1.039304184	0.466079	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64183774	64184169	64184004	9	14	16	0.917033104	0.598778	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64185115	64185392	64185252	8	9	22	0.451871384	0.986686	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64185514	64185726	64185624	9	11	7	1.558956276	0.158273	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64185843	64186212	64186022	8	15	8	1.847651883	0.0631662	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64186215	64186766	64186394	13	29	16	1.834066207	0.0198505	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64187337	64187785	64187514	13	21	18	1.203404845	0.275531	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64188028	64188453	64188276	12	20	17	1.212521548	0.272468	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64188985	64189531	64189181	9	22	22	1.039304184	0.448275	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64189604	64190100	64189921	11	22	26	0.885333194	0.668299	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64191344	64191891	64191824	8	20	23	0.909391161	0.626666	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64193531	64193710	64193620	8	8	14	0.623582511	0.877092	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64193865	64194330	64194082	10	19	17	1.154782427	0.327751	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64195900	64196177	64196038	9	12	8	1.501217155	0.168286	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64196504	64196705	64196604	9	10	13	0.816596145	0.696946	PRICKLE2	ENSG00000163637

3	64197130	64197334	64197159	8	10	9	1.143234603	0.378307	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64198114	64198328	64198221	8	9	9	1.039304184	0.466079	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64199281	64199543	64199412	12	14	11	1.29913023	0.246308	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64199584	64199773	64199651	9	10	16	0.672490943	0.854309	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64200109	64200302	64200156	10	10	8	1.27026067	0.293854	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64201341	64201701	64201519	10	16	18	0.929903744	0.58804	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64202865	64203658	64203296	16	36	20	1.831154991	0.0114352	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64203987	64204329	64204158	13	17	7	2.338434415	0.0171287	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64204941	64205401	64205259	14	21	35	0.635130335	0.95689	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64207633	64207981	64207794	12	17	7	2.338434415	0.0171287	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64210376	64210655	64210543	14	17	5	3.117912553	0.00407023	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64210991	64211202	64211075	8	11	12	0.959357709	0.543005	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64212187	64212704	64212392	14	26	30	0.905200419	0.649195	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64214313	64214545	64214425	10	12	12	1.039304184	0.461227	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64214728	64215065	64214895	8	12	17	0.750608578	0.78992	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64215201	64215488	64215321	8	13	14	0.970017239	0.534076	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64215570	64215981	64215742	8	16	22	0.768181354	0.79945	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64216030	64216566	64216364	14	28	27	1.076422191	0.390384	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64216844	64217243	64216975	8	15	17	0.923825942	0.593214	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64217301	64217612	64217455	10	13	11	1.212521548	0.309909	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64220756	64221035	64220866	9	10	14	0.762156402	0.758589	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64221083	64221262	64221210	8	8	26	0.346434728	0.998636	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64221288	64221714	64221501	8	18	33	0.580787632	0.974583	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64221987	64222990	64222128	12	37	31	1.234173719	0.188755	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64223137	64224303	64223797	16	64	56	1.185171438	0.173752	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64224430	64224757	64224591	8	12	17	0.750608578	0.78992	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64224789	64226028	64225315	33	102	60	1.754890672	0.0001913	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64226164	64227037	64226660	15	40	47	0.887738991	0.713849	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64227168	64227619	64227347	18	26	24	1.122448519	0.337995	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64227911	64228227	64228069	10	13	11	1.212521548	0.309909	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64229415	64230060	64229594	11	24	25	0.999330946	0.501681	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64230790	64231154	64230979	8	14	16	0.917033104	0.598778	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64232217	64232430	64232315	8	9	13	0.742360132	0.770276	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64233089	64233471	64233268	9	16	15	1.104260696	0.387363	PRICKLE2	ENSG00000163637

3	64233613	64234087	64233792	8	19	14	1.385738912	0.166049	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64234170	64234849	64234347	15	37	23	1.645564958	0.0256747	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64235082	64235273	64235186	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64236436	64236637	64236542	8	9	11	0.86608682	0.635181	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64236707	64237596	64237034	60	104	33	3.209615863	7.29E-11	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64238648	64239096	64238845	12	23	25	0.959357709	0.559486	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64240525	64240883	64240704	9	13	7	1.818782322	0.0805123	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64241152	64241913	64241327	10	30	28	1.110980335	0.341379	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64246744	64247136	64246923	8	15	23	0.692869456	0.877389	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64247917	64248265	64248095	8	13	9	1.455025858	0.177172	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64249007	64249188	64249128	9	9	14	0.692869456	0.822654	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64251553	64251835	64251694	10	13	12	1.11925066	0.384109	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64252115	64252399	64252253	8	13	9	1.455025858	0.177172	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64254869	64255103	64254986	8	12	10	1.228268581	0.305344	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64255144	64255329	64255225	9	9	12	0.799464757	0.707717	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64257614	64258108	64257793	8	19	16	1.222710805	0.269115	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64259936	64260233	64260107	12	16	9	1.766817113	0.0700694	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64263496	64263849	64263672	9	14	17	0.86608682	0.662567	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64265725	64265975	64265850	8	11	14	0.831443347	0.68719	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64266585	64266789	64266687	9	10	3	2.858086507	0.0242838	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64266796	64267017	64266862	8	11	8	1.385738912	0.224757	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64267531	64267781	64267656	8	11	15	0.779478138	0.747877	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64268067	64268865	64268432	10	31	27	1.187776211	0.251797	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64274361	64274566	64274407	8	9	14	0.692869456	0.822654	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64274801	64275052	64274926	8	10	11	0.952695502	0.548138	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64276675	64276896	64276752	8	9	5	1.73217364	0.133894	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64277698	64278106	64277927	16	24	13	1.855900329	0.0279411	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64278119	64278405	64278262	11	15	3	4.157216737	0.00170423	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64279516	64279717	64279597	8	11	9	1.247165021	0.300052	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64280122	64280537	64280301	9	17	20	0.890832158	0.642922	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64282392	64282748	64282570	13	19	12	1.598929514	0.0887417	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64282784	64283017	64282875	10	12	11	1.125912866	0.382541	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64284626	64284891	64284732	8	9	4	2.078608368	0.0785659	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64286228	64286549	64286388	9	12	8	1.501217155	0.168286	PRICKLE2	ENSG00000163637

3	64288237	64288755	64288416	10	21	13	1.63319229	0.0708832	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64289707	64290163	64290054	14	22	23	0.995999843	0.506279	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64291595	64291880	64291717	13	15	10	1.511715177	0.140236	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64292177	64292589	64292356	12	20	28	0.752599582	0.843303	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64292794	64293170	64292973	8	14	23	0.649565115	0.910621	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64293259	64293683	64293528	10	17	15	1.169217207	0.323156	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64301109	64301545	64301366	12	19	16	1.222710805	0.269115	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64301568	64301822	64301684	9	11	13	0.890832158	0.618492	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64302488	64302783	64302620	9	14	13	1.113540197	0.385405	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64302808	64303156	64302982	8	13	10	1.32275078	0.240023	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64303602	64303985	64303781	11	17	11	1.558956276	0.111389	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64304588	64304909	64304748	8	13	12	1.11925066	0.384109	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64305196	64305406	64305367	8	11	13	0.890832158	0.618492	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64305514	64305900	64305804	8	15	13	1.187776211	0.317363	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64306116	64306365	64306240	8	10	9	1.143234603	0.378307	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64306415	64306745	64306575	8	13	6	2.078608368	0.0483393	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64307613	64307874	64307743	8	10	9	1.143234603	0.378307	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64311031	64311394	64311218	9	15	21	0.755857589	0.807439	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64312567	64313087	64312908	11	24	18	1.367505506	0.148798	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64315807	64316618	64316102	12	33	32	1.07079825	0.389692	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64317170	64317560	64317335	9	17	16	1.100439724	0.388093	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64318073	64318549	64318382	8	16	20	0.841341482	0.704984	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64319540	64319979	64319759	10	19	16	1.222710805	0.269115	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64320529	64320829	64320700	9	13	8	1.616695398	0.123553	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64323766	64323974	64323869	9	10	10	1.039304184	0.464387	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64326291	64326631	64326457	10	13	19	0.727512929	0.824686	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64326634	64327012	64326807	11	17	19	0.935373766	0.583208	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64327329	64327677	64327503	8	13	14	0.970017239	0.534076	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64327955	64328190	64328072	12	12	14	0.900730293	0.611333	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64328984	64329163	64329008	8	9	11	0.86608682	0.635181	PRICKLE2	ENSG00000163637
3	64329647	64329893	64329770	10	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000212340
3	64330283	64330666	64330462	9	17	12	1.439036563	0.154203		ENSG00000212340
3	64330807	64330998	64330924	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000212340
3	64332941	64333131	64333100	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000212340

3	64338864	64339165	64339014	11	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000212340
3	64340742	64341070	64340906	10	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000212340
3	64341098	64341398	64341248	13	16	16	1.039304184	0.455583	ENSG00000212340
3	64342886	64343350	64343065	11	20	17	1.212521548	0.272468	ENSG00000212340
3	64344843	64345136	64344989	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212340
3	64345202	64345572	64345393	13	20	23	0.909391161	0.626666	ENSG00000212340
3	64345989	64346380	64346160	13	19	21	0.944821986	0.574409	ENSG00000212340
3	64349384	64349638	64349541	9	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000212340
3	64349652	64349905	64349820	8	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000212340
3	64350233	64350538	64350385	12	16	6	2.524024447	0.0137633	ENSG00000212340
3	64351718	64351917	64351817	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000212340
3	64352152	64352373	64352262	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212340
3	64353066	64353385	64353192	10	14	9	1.558956276	0.132279	ENSG00000212340
3	64353887	64354212	64354049	8	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000212340
3	64357737	64357937	64357837	8	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000212340
3	64358349	64358583	64358459	8	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000212340
3	64359846	64360458	64360064	18	39	34	1.187776211	0.227496	ENSG00000212340
3	64360697	64360938	64360868	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ENSG00000212340
3	64361780	64362058	64361943	10	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000212340
3	64362517	64362788	64362695	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212340
3	64364771	64364958	64364828	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000212340
3	64367264	64367618	64367441	12	18	12	1.518983039	0.117837	ENSG00000212340
3	64368446	64368689	64368567	16	17	14	1.247165021	0.261378	ENSG00000212340
3	64368808	64369007	64368878	8	9	7	1.29913023	0.286504	ENSG00000212340
3	64369407	64369601	64369481	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000212340
3	64369635	64369899	64369767	15	17	8	2.078608368	0.0303558	ENSG00000212340
3	64370973	64371369	64371190	8	16	8	1.963130126	0.0441028	ENSG00000212340
3	64371979	64372175	64372068	10	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000212340
3	64375508	64375719	64375613	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000212340
3	64379980	64380179	64380076	9	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212340
3	64380335	64380945	64380640	14	30	19	1.610921486	0.0449624	ENSG00000212340
3	64381158	64381412	64381272	8	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000212340
3	64382714	64383074	64382915	12	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000212340
3	64383746	64384056	64383901	11	17	13	1.336248237	0.204556	ENSG00000212340

3	64384610	64384911	64384763	11	15	11	1.385738912	0.19225	ENSG00000212340
3	64385773	64386103	64385986	9	14	6	2.227080395	0.0322529	ENSG00000212340
3	64387104	64387339	64387221	9	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000212340
3	64392863	64393163	64393013	8	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000212340
3	64393217	64393543	64393367	9	14	12	1.199197136	0.313881	ENSG00000212340
3	64397684	64398158	64397979	8	19	18	1.094004404	0.389177	ENSG00000212340
3	64399347	64399869	64399696	14	27	12	2.23850132	0.00591854	ENSG00000212340
3	64400871	64401529	64401392	13	32	26	1.27026067	0.176378	ENSG00000212340
3	64403205	64403396	64403292	8	9	17	0.577391213	0.925885	ENSG00000212340
3	64404440	64404621	64404530	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000212340
3	64406452	64406696	64406574	12	14	8	1.73217364	0.0890835	ENSG00000212340
3	64407352	64407563	64407522	9	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000212340
3	64408572	64408783	64408632	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000212340
3	64409678	64410259	64409819	13	27	13	2.078608368	0.00998554	ENSG00000212340
3	64410261	64410493	64410377	8	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000212340
3	64411461	64411850	64411719	11	20	15	1.364086742	0.171319	ENSG00000212340
3	64413984	64414184	64414052	8	9	6	1.484720263	0.204387	ENSG00000212340
3	64415589	64415899	64415744	10	14	6	2.227080395	0.0322529	ENSG00000212340
3	64415956	64416269	64416107	9	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000212340
3	64416539	64416718	64416592	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000212340
3	64417848	64418153	64418001	8	13	16	0.855897563	0.670115	ENSG00000212340
3	64418478	64418682	64418580	11	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000212340
3	64421195	64421621	64421449	10	17	13	1.336248237	0.204556	ENSG00000212340
3	64422290	64422579	64422426	11	14	10	1.417232979	0.185113	ENSG00000212340
3	64424311	64424589	64424490	9	12	15	0.84443465	0.678289	ENSG00000212340
3	64425890	64426074	64425996	8	9	11	0.86608682	0.635181	ENSG00000212340
3	64426464	64426792	64426637	8	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000212340
3	64427643	64427981	64427809	8	13	12	1.11925066	0.384109	ENSG00000212340
3	64428166	64428468	64428302	9	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000212340
3	64428471	64428653	64428562	8	10	15	0.714521627	0.810948	ENSG00000212340
3	64429325	64429666	64429493	9	14	10	1.417232979	0.185113	ENSG00000212340
3	64431090	64431411	64431250	9	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000212340
3	64432321	64432651	64432486	8	14	4	3.117912553	0.00766354	ENSG00000212340
3	64433343	64433559	64433456	8	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000212340

3	64435267	64435446	64435332	8	8	9	0.935373766	0.560286	ENSG00000212340
3	64435852	64436137	64436011	10	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000212340
3	64436146	64436478	64436345	8	12	10	1.228268581	0.305344	ENSG00000212340
3	64443782	64444097	64443931	10	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000212340
3	64445034	64445721	64445275	25	46	39	1.221182416	0.17523	ENSG00000212340
3	64447715	64447977	64447846	13	15	20	0.791850807	0.763134	ENSG00000212340
3	64449323	64449503	64449437	8	9	18	0.547002202	0.94615	ENSG00000212340
3	64449536	64449959	64449780	10	18	27	0.705242125	0.884499	ENSG00000212340
3	64450036	64450244	64450074	11	13	13	1.039304184	0.45974	ENSG00000212340
3	64450893	64451268	64451072	9	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000212340
3	64451691	64452123	64451848	12	21	31	0.714521627	0.891579	ENSG00000212340
3	64452329	64452727	64452508	16	24	31	0.811956394	0.785392	ENSG00000212340
3	64453040	64453315	64453179	11	15	23	0.692869456	0.877389	ENSG00000212340
3	64455663	64455877	64455779	8	11	16	0.733626483	0.800067	ENSG00000212340
3	64457363	64457564	64457467	8	10	9	1.143234603	0.378307	ENSG00000212340
3	64461675	64462967	64462324	23	78	58	1.391610687	0.02641	ENSG00000212340
3	64463063	64463598	64463349	12	23	18	1.312805285	0.185024	ENSG00000212340
3	64463696	64463914	64463831	10	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000212340
3	64464285	64464733	64464417	8	16	7	2.208521392	0.0257604	ENSG00000212340
3	64468791	64469500	64469151	17	35	17	2.078608368	0.00423339	ENSG00000212340
3	64470189	64470723	64470331	11	24	14	1.73217364	0.0420666	ENSG00000212340
3	64473635	64473993	64473822	8	12	18	0.711102863	0.834017	ENSG00000212340
3	64475771	64476318	64475946	8	20	22	0.948929907	0.57038	ENSG00000212340
3	64484343	64484706	64484608	8	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000212340
3	64489390	64489654	64489522	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000212340
3	64490821	64491771	64491290	17	48	21	2.314813865	0.000307138	ENSG00000212340
3	64493399	64493639	64493530	9	11	14	0.831443347	0.68719	ENSG00000212340
3	64494009	64495123	64494433	24	78	62	1.303254453	0.0573782	ENSG00000212340
3	64496723	64497081	64496902	13	19	18	1.094004404	0.389177	ENSG00000212340
3	64498241	64498487	64498364	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000212340
3	64498772	64499076	64498942	8	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000212340
3	64499913	64500137	64500060	10	12	12	1.039304184	0.461227	ENSG00000212340
3	64500150	64500917	64500533	12	33	22	1.536362707	0.0529465	ENSG00000212340
3	64500994	64501228	64501162	9	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000212340

3	64501376	64501563	64501469	9	9	14	0.692869456	0.822654	ENSG00000212340
3	64501996	64502370	64502175	11	17	12	1.439036563	0.154203	ENSG00000212340
3	64509370	64509600	64509466	11	12	9	1.35109544	0.232899	ENSG00000212340
3	64509661	64510119	64509840	10	19	16	1.222710805	0.269115	ENSG00000212340
3	64510552	64510908	64510730	11	16	15	1.104260696	0.387363	ENSG00000212340
3	64511037	64511546	64511388	12	20	18	1.148704625	0.329698	ENSG00000212340
3	64513517	64513713	64513615	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000212340
3	64513881	64514085	64513925	8	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000212340
3	64515241	64515668	64515420	12	19	22	0.903742769	0.631776	ENSG00000212340
3	64517248	64517443	64517360	10	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000212340
3	64518092	64518333	64518178	9	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000212340
3	64519852	64520575	64520213	13	33	24	1.413453691	0.0918299	ENSG00000212340
3	64520596	64521294	64520994	14	34	41	0.86608682	0.737018	ENSG00000212340
3	64521349	64521568	64521458	10	12	7	1.688869299	0.11395	ENSG00000212340
3	64522078	64522627	64522257	16	30	15	2.013651857	0.00918451	ENSG00000212340
3	64523096	64523592	64523254	10	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000212340
3	64524148	64524596	64524327	12	22	13	1.707428303	0.0525925	ENSG00000212340
3	64524750	64525063	64524906	11	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000212340
3	64525389	64525953	64525792	19	34	16	2.139743909	0.00367586	ENSG00000212340
3	64527045	64527282	64527193	11	11	26	0.461912971	0.990438	ENSG00000212340
3	64527886	64528261	64528082	10	17	19	0.935373766	0.583208	ENSG00000212340
3	64528444	64528745	64528594	9	13	28	0.501733054	0.986489	ENSG00000212340
3	64528790	64529541	64529362	11	29	36	0.842679068	0.759384	ENSG00000212340
3	64529866	64530125	64529995	8	10	18	0.601702422	0.917232	ENSG00000212340
3	64530805	64531192	64530984	10	17	21	0.850339787	0.697991	ENSG00000212340
3	64532873	64533236	64533029	9	15	22	0.722994215	0.845414	ENSG00000212340
3	64533830	64534289	64533993	12	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000212340
3	64534330	64534565	64534405	8	10	12	0.879411233	0.62639	ENSG00000212340
3	64535413	64535631	64535488	11	13	9	1.455025858	0.177172	ENSG00000212340
3	64536022	64536509	64536330	9	20	38	0.55962533	0.986493	ENSG00000212340
3	64536579	64536838	64536708	8	11	21	0.566893191	0.949414	ENSG00000212340
3	64537868	64538225	64538069	8	13	20	0.692869456	0.861903	ENSG00000212340
3	64538327	64538609	64538468	13	16	18	0.929903744	0.58804	ENSG00000212340
3	64538967	64539726	64539194	11	33	29	1.177878075	0.255589	ENSG00000212340

3	64539772	64540061	64539916	8	13	14	0.970017239	0.534076	ENSG00000212340
3	64540559	64540912	64540735	9	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000212340
3	64541192	64541617	64541438	11	21	19	1.143234603	0.33145	ENSG00000212340
3	64541665	64542048	64541904	9	15	13	1.187776211	0.317363	ENSG00000212340
3	64542763	64543106	64542934	11	16	15	1.104260696	0.387363	ENSG00000212340
3	64543253	64543649	64543474	10	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000212340
3	64544230	64544638	64544409	16	26	21	1.275509681	0.196223	ENSG00000212340
3	64544969	64545220	64545059	9	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000212340
3	64547063	64547341	64547202	9	12	17	0.750608578	0.78992	ENSG00000212340
3	64547523	64547923	64547678	9	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000212340
3	64548953	64549470	64549322	13	23	24	0.997732017	0.503931	ENSG00000212340
3	64550087	64550306	64550174	8	10	14	0.762156402	0.758589	ENSG00000212340
3	64551491	64551743	64551617	11	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000212340
3	64552251	64552507	64552351	10	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000212340
3	64554311	64554674	64554453	11	16	20	0.841341482	0.704984	ENSG00000212340
3	64556829	64557017	64556923	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000212340
3	64557075	64557393	64557227	8	11	9	1.247165021	0.300052	ENSG00000212340
3	64557633	64558201	64557788	13	28	26	1.116289679	0.339846	ENSG00000212340
3	64558250	64558677	64558479	11	21	16	1.344981885	0.176214	ENSG00000212340
3	64560032	64560516	64560274	9	20	21	0.992063085	0.511305	ENSG00000212340
3	64560785	64561294	64560964	12	25	28	0.931789958	0.604671	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64562758	64563451	64563253	14	37	24	1.57974236	0.0354022	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64564331	64564578	64564454	9	11	9	1.247165021	0.300052	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64564668	64564859	64564743	9	10	15	0.714521627	0.810948	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64565450	64565934	64565619	13	24	12	1.998661893	0.0177296	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64566920	64567100	64567010	8	9	14	0.692869456	0.822654	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64567602	64567893	64567735	12	14	27	0.556770099	0.97087	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64568410	64568717	64568563	9	14	11	1.29913023	0.246308	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64572021	64572263	64572142	8	8	7	1.169217207	0.371848	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64572355	64572749	64572509	10	15	11	1.385738912	0.19225	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64573236	64573472	64573334	8	10	11	0.952695502	0.548138	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64573506	64574396	64573903	16	48	46	1.083529894	0.347017	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64575064	64575628	64575421	11	25	20	1.286757561	0.192726	ADAMTS9 ENSG00000163638
3	64575854	64576300	64576033	9	18	24	0.78987118	0.784577	ADAMTS9 ENSG00000163638

3	64576474	64577253	64576971	17	42	29	1.489669331	0.0447371	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64577562	64577790	64577676	9	10	13	0.816596145	0.696946	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64578376	64578699	64578537	9	13	6	2.078608368	0.0483393	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64578750	64579104	64578927	8	14	1	7.794781382	0.000197021	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64580766	64580985	64580917	9	10	11	0.952695502	0.548138	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64581123	64581501	64581299	13	19	17	1.154782427	0.327751	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64581863	64582047	64581955	8	8	14	0.623582511	0.877092	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64582923	64583556	64583397	15	33	29	1.177878075	0.255589	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64584608	64584994	64584836	16	22	12	1.838768941	0.0349935	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64585788	64586247	64585928	9	18	26	0.731362204	0.856292	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64587876	64588181	64588031	10	13	19	0.727512929	0.824686	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64588223	64588521	64588372	11	15	11	1.385738912	0.19225	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64588528	64588809	64588727	14	18	19	0.987338975	0.516858	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64588837	64589854	64588906	11	41	28	1.505199163	0.0429127	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64589985	64590285	64590135	11	13	21	0.66137539	0.892612	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64590460	64591012	64590732	9	20	11	1.818782322	0.04395	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64592581	64593105	64592884	10	23	15	1.558956276	0.0802366	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64593122	64593631	64593322	12	25	19	1.35109544	0.152941	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64593681	64593982	64593831	12	16	16	1.039304184	0.455583	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64594477	64594898	64594742	9	16	30	0.569941004	0.972704	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64595649	64596076	64595828	9	18	25	0.759491519	0.823082	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64596426	64596828	64596649	14	22	12	1.838768941	0.0349935	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64597220	64597399	64597309	8	9	16	0.611355402	0.899375	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64598130	64598376	64598253	9	10	16	0.672490943	0.854309	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64599362	64599646	64599467	9	12	12	1.039304184	0.461227	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64599952	64600280	64600116	8	13	17	0.808347699	0.728863	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64601619	64601798	64601754	8	8	9	0.935373766	0.560286	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64602615	64602948	64602781	12	17	8	2.078608368	0.0303558	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64605047	64605504	64605341	12	22	17	1.327999791	0.180771	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64606426	64606815	64606711	12	18	19	0.987338975	0.516858	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64607175	64607595	64607424	12	19	16	1.222710805	0.269115	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64609754	64610103	64609928	12	17	20	0.890832158	0.642922	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64610348	64610642	64610495	9	11	16	0.733626483	0.800067	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64610900	64611145	64611022	10	13	20	0.692869456	0.861903	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64612270	64612778	64612449	14	26	29	0.935373766	0.600845	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64613785	64613976	64613842	8	11	7	1.558956276	0.158273	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64616297	64616931	64616752	17	35	25	1.439036563	0.0760253	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64618567	64618821	64618694	8	11	18	0.656402643	0.879847	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64618864	64619066	64618965	8	10	6	1.63319229	0.146906	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64621259	64621536	64621436	9	12	10	1.228268581	0.305344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64622694	64622874	64622784	8	9	8	1.154782427	0.375434	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64626240	64626598	64626419	10	16	10	1.606197376	0.104477	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64626820	64627205	64627095	8	13	18	0.765803083	0.780427	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64627467	64628004	64627825	13	22	13	1.707428303	0.0525925	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64628140	64628595	64628307	10	20	12	1.67887599	0.0659142	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64629114	64629332	64629223	14	14	15	0.974347673	0.530138	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64630172	64630581	64630337	8	16	8	1.963130126	0.0441028	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64632547	64632889	64632718	11	16	17	0.981565063	0.523072	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64633962	64634344	64634141	10	19	12	1.598929514	0.0887417	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64634972	64635712	64635290	8	26	14	1.870747532	0.0223642	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64638809	64639136	64638966	10	15	15	1.039304184	0.456923	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64640446	64641321	64640837	9	35	31	1.169217207	0.258967	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64641343	64641580	64641461	11	12	9	1.35109544	0.232899	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64641710	64641974	64641842	10	12	13	0.965068171	0.538344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64642527	64642948	64642692	10	17	19	0.935373766	0.583208	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64643094	64643596	64643333	10	19	31	0.649565115	0.939158	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64644031	64644300	64644179	9	11	16	0.733626483	0.800067	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64645015	64645450	64645232	13	22	18	1.258105065	0.227238	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64646419	64647914	64647380	14	71	52	1.41188493	0.0272304	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64647943	64648139	64648021	9	9	6	1.484720263	0.204387	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64648779	64649632	64649085	15	47	44	1.10859113	0.309281	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64649980	64650175	64650136	8	10	6	1.63319229	0.146906	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64651435	64651848	64651669	11	20	11	1.818782322	0.04395	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64651898	64652146	64652052	8	12	11	1.125912866	0.382541	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64652805	64653332	64653153	8	19	25	0.799464757	0.777638	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64655284	64655524	64655406	9	10	14	0.762156402	0.758589	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64657714	64658020	64657867	8	12	13	0.965068171	0.538344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64659523	64659997	64659882	10	20	24	0.873015515	0.679256	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64660280	64660520	64660400	11	12	15	0.84443465	0.678289	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64661537	64661940	64661716	10	16	26	0.654376709	0.9196	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64662731	64662936	64662833	11	14	10	1.417232979	0.185113	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64666514	64666693	64666572	8	8	6	1.336248237	0.277651	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64667748	64667985	64667859	9	12	11	1.125912866	0.382541	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64668452	64668781	64668616	13	17	8	2.078608368	0.0303558	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64669488	64669680	64669584	10	10	12	0.879411233	0.62639	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64670128	64670414	64670286	8	11	21	0.566893191	0.949414	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64670931	64671228	64671079	9	14	9	1.558956276	0.132279	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64671231	64671591	64671378	9	15	17	0.923825942	0.593214	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64671620	64671923	64671785	13	17	11	1.558956276	0.111389	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64672361	64672764	64672494	16	22	19	1.195199812	0.27834	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64672941	64673218	64673060	13	17	18	0.984603964	0.519872	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64673873	64674296	64673962	8	16	19	0.883408557	0.649033	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64675916	64676204	64676051	14	17	17	1.039304184	0.454282	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64677764	64678065	64677914	11	15	7	2.078608368	0.038229	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64678397	64679093	64678848	10	27	21	1.32275078	0.160553	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64679252	64679504	64679378	9	10	12	0.879411233	0.62639	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64679919	64680249	64680084	12	17	16	1.100439724	0.388093	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64680254	64680547	64680405	9	11	18	0.656402643	0.879847	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64682204	64682825	64682359	9	22	26	0.885333194	0.668299	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64682944	64683287	64683115	8	14	15	0.974347673	0.530138	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64684009	64684334	64684167	10	13	7	1.818782322	0.0805123	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64686866	64687180	64687023	9	14	13	1.113540197	0.385405	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64687586	64687834	64687692	8	11	18	0.656402643	0.879847	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64688207	64688434	64688347	10	12	7	1.688869299	0.11395	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64689328	64689730	64689515	11	19	13	1.484720263	0.123861	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64691506	64691947	64691618	14	27	20	1.385738912	0.126232	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64691956	64692286	64692121	11	14	12	1.199197136	0.313881	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64694224	64694483	64694349	10	11	9	1.247165021	0.300052	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64696524	64696725	64696564	9	11	11	1.039304184	0.462773	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64697814	64698111	64697962	10	13	14	0.970017239	0.534076	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64698534	64698874	64698704	11	17	15	1.169217207	0.323156	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64699367	64699691	64699529	12	16	6	2.524024447	0.0137633	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64700720	64700949	64700818	9	12	9	1.35109544	0.232899	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64701058	64701318	64701226	9	12	8	1.501217155	0.168286	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64701325	64701522	64701371	8	9	6	1.484720263	0.204387	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64701571	64701843	64701730	8	9	16	0.611355402	0.899375	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64704280	64704561	64704441	10	12	10	1.228268581	0.305344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64704999	64705299	64705166	10	13	11	1.212521548	0.309909	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64706825	64707374	64707064	11	24	11	2.16521705	0.0106896	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64708036	64709083	64708215	14	47	41	1.187776211	0.206696	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64709166	64709345	64709255	8	9	15	0.649565115	0.865365	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64710488	64710692	64710606	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64711635	64712029	64711850	18	26	27	1.002186178	0.497439	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64714567	64715395	64714932	11	40	31	1.331608486	0.110337	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64715555	64716026	64715847	9	18	7	2.468347438	0.0112499	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64716782	64717667	64717136	17	54	34	1.63319229	0.0104805	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64719200	64719506	64719354	10	14	10	1.417232979	0.185113	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64719584	64719879	64719731	11	14	10	1.417232979	0.185113	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64721157	64721750	64721480	17	38	35	1.125912866	0.303364	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64721838	64722118	64721954	10	11	23	0.519652092	0.973215	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64722539	64722839	64722702	11	14	13	1.113540197	0.385405	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64723454	64723644	64723575	8	8	8	1.039304184	0.46786	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64723653	64724169	64723915	11	24	17	1.443478034	0.113942	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64724289	64724557	64724423	10	12	13	0.965068171	0.538344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64724609	64724876	64724778	8	12	17	0.750608578	0.78992	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64725322	64725786	64725494	14	24	36	0.702232557	0.917534	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64726073	64726527	64726379	11	18	27	0.705242125	0.884499	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64729391	64729580	64729484	9	10	12	0.879411233	0.62639	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64730123	64730443	64730283	9	15	21	0.755857589	0.807439	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64731009	64731324	64731205	8	13	12	1.11925066	0.384109	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64732929	64733133	64733031	11	11	12	0.959357709	0.543005	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64734142	64734396	64734278	14	17	15	1.169217207	0.323156	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64735433	64735686	64735528	12	12	9	1.35109544	0.232899	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64736071	64736286	64736178	8	9	12	0.799464757	0.707717	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64736556	64737022	64736843	13	25	13	1.930136342	0.0200308	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64744146	64744364	64744226	10	11	8	1.385738912	0.224757	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64745126	64745567	64745246	8	15	15	1.039304184	0.456923	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64749945	64750688	64750247	10	30	27	1.150658204	0.29431	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64752704	64752883	64752793	8	8	7	1.169217207	0.371848	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64752977	64753160	64753068	11	11	15	0.779478138	0.747877	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64753349	64753657	64753503	8	12	17	0.750608578	0.78992	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64755686	64755954	64755820	10	13	4	2.910051716	0.0125532	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64757550	64757825	64757707	9	12	10	1.228268581	0.305344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64757869	64758092	64757980	8	10	9	1.143234603	0.378307	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64758504	64758891	64758712	8	15	15	1.039304184	0.456923	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64759697	64760561	64760055	15	46	43	1.110165833	0.308777	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64760650	64760854	64760788	9	10	8	1.27026067	0.293854	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64762495	64762986	64762807	9	20	25	0.839437995	0.727499	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64763474	64763659	64763566	8	10	14	0.762156402	0.758589	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64764405	64764634	64764502	9	10	11	0.952695502	0.548138	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64764727	64765116	64764974	10	17	22	0.813368492	0.747743	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64765668	64765973	64765807	9	12	17	0.750608578	0.78992	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64767979	64768416	64768047	12	21	6	3.266384579	0.0013436	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64768557	64768841	64768724	19	20	10	1.98412617	0.0277883	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64769722	64769992	64769858	12	12	10	1.228268581	0.305344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64770718	64771381	64771202	11	29	30	1.005778243	0.491622	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64772009	64772318	64772155	10	12	7	1.688869299	0.11395	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64774210	64774486	64774327	13	15	19	0.831443347	0.712423	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64774493	64774938	64774797	9	17	33	0.550219862	0.982935	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64775413	64775605	64775509	10	10	16	0.672490943	0.854309	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64775779	64776735	64775992	23	68	29	2.390399624	1.46E-05	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64776770	64777137	64776949	12	19	11	1.73217364	0.0607469	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64777286	64777771	64777465	9	18	18	1.039304184	0.453018	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64778425	64778710	64778567	9	11	9	1.247165021	0.300052	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64779164	64779435	64779299	8	11	7	1.558956276	0.158273	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64781567	64781873	64781715	8	13	9	1.455025858	0.177172	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64784206	64784520	64784372	9	13	15	0.909391161	0.604792	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64785112	64785351	64785264	11	14	11	1.29913023	0.246308	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64786535	64786730	64786672	9	10	13	0.816596145	0.696946	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64786767	64786950	64786851	8	9	7	1.29913023	0.286504	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64787047	64787328	64787184	9	10	19	0.571617301	0.938875	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64788213	64788798	64788448	13	29	39	0.779478138	0.851784	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64789707	64790286	64790092	10	24	21	1.181027482	0.2833	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64791181	64791662	64791502	13	22	21	1.086545284	0.390103	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64791727	64792181	64791896	17	24	28	0.895951883	0.65833	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64793257	64793768	64793436	10	23	15	1.558956276	0.0802366	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64793803	64794156	64793979	9	14	10	1.417232979	0.185113	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64795173	64795496	64795345	12	15	19	0.831443347	0.712423	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64795592	64796035	64795876	13	21	21	1.039304184	0.449418	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64796254	64796561	64796417	11	14	11	1.29913023	0.246308	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64796626	64797802	64797002	107	203	29	7.067268453	2.27E-35	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64797804	64798434	64798074	13	33	26	1.308753417	0.146119	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64800003	64800365	64800186	10	17	11	1.558956276	0.111389	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64800446	64800901	64800658	15	24	11	2.16521705	0.0106896	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64801796	64802038	64801917	11	13	13	1.039304184	0.45974	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64802954	64803216	64803091	11	14	7	1.948695345	0.0559175	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64803566	64803828	64803667	10	12	7	1.688869299	0.11395	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64803854	64804147	64803969	10	13	10	1.32275078	0.240023	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64804390	64804613	64804450	9	11	14	0.831443347	0.68719	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64804648	64804989	64804768	8	13	13	1.039304184	0.45974	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64805632	64806316	64805785	18	33	19	1.766817113	0.0191523	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64807532	64807898	64807852	11	17	20	0.890832158	0.642922	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64807944	64808211	64808077	11	13	10	1.32275078	0.240023	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64808841	64809407	64809020	9	23	24	0.997732017	0.503931	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64809572	64809971	64809800	9	15	7	2.078608368	0.038229	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64811395	64811879	64811700	12	21	30	0.737570711	0.866474	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64814105	64814842	64814473	12	29	26	1.154782427	0.292794	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64816484	64816688	64816590	8	9	12	0.799464757	0.707717	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64817064	64817343	64817196	9	12	11	1.125912866	0.382541	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64819666	64819903	64819768	8	11	9	1.247165021	0.300052	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64821185	64821600	64821364	10	19	24	0.831443347	0.733913	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64822619	64823108	64822929	10	21	24	0.914587682	0.621823	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64823467	64823721	64823634	13	16	11	1.472347594	0.147517	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64823924	64824249	64824089	9	13	19	0.727512929	0.824686	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64824262	64824900	64824734	15	32	26	1.27026067	0.176378	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64825331	64825517	64825414	9	10	10	1.039304184	0.464387	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64826955	64827251	64827091	9	12	5	2.251825733	0.0404733	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64828523	64828703	64828667	8	8	8	1.039304184	0.46786	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64831708	64832028	64831813	11	15	18	0.875203524	0.655562	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64833112	64834154	64833291	15	56	34	1.6925811	0.006226	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64834838	64835182	64835010	11	17	18	0.984603964	0.519872	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64835307	64835718	64835547	10	18	20	0.940322833	0.578675	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64836373	64836584	64836478	10	12	8	1.501217155	0.168286	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64842202	64842405	64842295	10	11	9	1.247165021	0.300052	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64842488	64843022	64842656	12	27	20	1.385738912	0.126232	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64843098	64843289	64843261	8	10	9	1.143234603	0.378307	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64843963	64844189	64844091	8	10	13	0.816596145	0.696946	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64844395	64844850	64844645	10	20	15	1.364086742	0.171319	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64844919	64845111	64845015	8	10	7	1.429043253	0.21536	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64845311	64845761	64845479	11	17	17	1.039304184	0.454282	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64847239	64847581	64847410	8	14	12	1.199197136	0.313881	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64850719	64850975	64850801	12	15	9	1.662886695	0.0970566	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64851031	64851564	64851311	16	30	22	1.400801292	0.107495	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64851839	64852080	64851942	13	14	11	1.29913023	0.246308	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64852976	64853514	64853361	10	20	23	0.909391161	0.626666	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64854151	64854351	64854280	8	9	11	0.86608682	0.635181	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64855182	64855375	64855318	10	11	8	1.385738912	0.224757	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64855951	64856240	64856075	8	12	20	0.643378781	0.900583	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64856254	64856614	64856403	10	16	18	0.929903744	0.58804	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64857312	64857543	64857442	11	12	13	0.965068171	0.538344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64858064	64858419	64858241	12	18	21	0.897580886	0.637183	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64858432	64858695	64858576	9	12	6	1.930136342	0.071303	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64859085	64859272	64859178	8	9	12	0.799464757	0.707717	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64860536	64860909	64860735	12	18	11	1.645564958	0.0828462	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64860995	64861256	64861149	10	13	8	1.616695398	0.123553	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64861426	64861813	64861649	11	18	15	1.234173719	0.265435	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64862083	64862428	64862255	9	14	13	1.113540197	0.385405	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64862775	64862964	64862862	10	12	6	1.930136342	0.071303	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64862977	64863264	64863144	14	18	7	2.468347438	0.0112499	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64865628	64865908	64865773	12	15	12	1.279143611	0.251893	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64866138	64866405	64866280	11	13	12	1.11925066	0.384109	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64866564	64866789	64866667	8	9	10	0.944821986	0.553851	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64867288	64867709	64867436	18	27	21	1.32275078	0.160553	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64868276	64869102	64868675	13	36	33	1.131007495	0.301525	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64869117	64869586	64869296	10	19	21	0.944821986	0.574409	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64869865	64870047	64869956	9	9	18	0.547002202	0.94615	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64870197	64870533	64870365	16	21	18	1.203404845	0.275531	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64870577	64872534	64872271	12	75	53	1.462724407	0.015412	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64873323	64873604	64873492	10	12	10	1.228268581	0.305344	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64873990	64874415	64874196	10	19	19	1.039304184	0.451787	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64874812	64875069	64874912	9	12	11	1.125912866	0.382541	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64875115	64875744	64875573	10	24	31	0.811956394	0.785392	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64876839	64877146	64876968	9	12	17	0.750608578	0.78992	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64877272	64877492	64877350	10	11	12	0.959357709	0.543005	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64879217	64879464	64879340	12	13	13	1.039304184	0.45974	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64879585	64879837	64879711	9	10	11	0.952695502	0.548138	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64879965	64880414	64880112	10	16	24	0.706726845	0.870131	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64881500	64881755	64881597	10	13	20	0.692869456	0.861903	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64881974	64882516	64882337	12	26	31	0.876912905	0.694502	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64883017	64883308	64883155	9	13	15	0.909391161	0.604792	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64884362	64884588	64884484	13	15	14	1.10859113	0.386477	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64884820	64885062	64884924	9	11	15	0.779478138	0.747877	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64885335	64886492	64885686	12	46	52	0.921647107	0.65928	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64886515	64886767	64886607	10	13	18	0.765803083	0.780427	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64887226	64887594	64887416	12	18	21	0.897580886	0.637183	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64887788	64888083	64887946	12	13	22	0.632619938	0.917511	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64889421	64889675	64889548	9	10	28	0.394218829	0.99754	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64891104	64891482	64891360	11	17	26	0.692869456	0.890806	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64892201	64892421	64892311	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64892773	64893078	64892934	10	14	13	1.113540197	0.385405	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64893814	64894048	64893931	12	14	3	3.897390691	0.00295882	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64894073	64894265	64894162	9	9	7	1.29913023	0.286504	ADAMTS9	ENSG00000163638

3	64895137	64895470	64895303	11	16	10	1.606197376	0.104477	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64895809	64896113	64895949	13	16	19	0.883408557	0.649033	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64896132	64896523	64896295	10	19	19	1.039304184	0.451787	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64897517	64897740	64897608	8	8	10	0.850339787	0.645072	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64898158	64898537	64898365	8	14	10	1.417232979	0.185113	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64899045	64899338	64899191	10	14	20	0.742360132	0.815839	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64899991	64900594	64900426	12	26	26	1.039304184	0.44394	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64900701	64900884	64900736	8	9	7	1.29913023	0.286504	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64901188	64901508	64901357	8	11	24	0.498866008	0.980815	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64901672	64901973	64901822	9	13	20	0.692869456	0.861903	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64902008	64902303	64902182	10	14	15	0.974347673	0.530138	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64903422	64903758	64903590	9	13	13	1.039304184	0.45974	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64904407	64906406	64905346	111	204	74	2.84076477	7.93E-17	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64906418	64906829	64906664	11	18	15	1.234173719	0.265435	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64908130	64908961	64908638	10	31	21	1.511715177	0.0647459	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64910120	64910356	64910230	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64911699	64912219	64912048	10	21	26	0.846840446	0.721382	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64912579	64912775	64912696	12	13	8	1.616695398	0.123553	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64913203	64913816	64913637	13	28	23	1.255825889	0.202607	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64914264	64914466	64914434	8	10	13	0.816596145	0.696946	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64914520	64914794	64914624	9	13	16	0.855897563	0.670115	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64915645	64916511	64916348	14	42	38	1.145899485	0.268268	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64916575	64917281	64917080	12	32	33	1.008736414	0.486341	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64917638	64918394	64918058	16	37	25	1.518983039	0.0476968	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64918837	64919073	64918955	10	12	23	0.562956433	0.958014	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64919410	64919645	64919528	11	14	17	0.86608682	0.662567	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64920159	64920972	64920338	14	37	33	1.161575265	0.261988	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64922630	64922963	64922796	13	18	14	1.316451967	0.209896	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64923086	64923428	64923256	13	18	22	0.85855563	0.691398	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64923767	64923963	64923859	8	8	9	0.935373766	0.560286	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64925838	64926211	64926032	11	18	6	2.8209685	0.00559354	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	64926289	64926561	64926425	8	12	7	1.688869299	0.11395	ADAMTS9	ENSG00000163638
3	65100595	65100785	65100690	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000203649
3	66505934	66506115	66506024	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222156

3	66949345	66949579	66949462	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214560
3	69216642	69216838	69216722	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	ARL6IP5	ENSG00000144746
3	70935802	70936066	70935934	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000206939
3	70986113	70986511	70986292	23	35	1	18.70747532	1.40E-10		ENSG00000221382
3	71579670	71579857	71579763	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221264
3	72309217	72309496	72309353	15	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000212070
3	72692843	72693300	72693035	10	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000199469
3	72759824	72760008	72759933	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000199469
3	72760013	72760209	72760111	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000199469
3	72793046	72793241	72793185	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000211012
3	73242472	73242819	73242645	16	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000223247
3	74743509	74743735	74743672	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CNTN3	ENSG00000113805
3	75356365	75356549	75356457	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000222549
3	75758836	75759039	75758937	11	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000172971
3	80017263	80017618	80017411	9	14	2	5.196520921	0.000907371	ROBO1	ENSG00000169855
3	80828262	80828514	80828370	15	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000211100
3	81628562	81628944	81628734	10	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000222389
3	81893443	81893640	81893552	8	10	4	2.286469205	0.0509017	GBE1	ENSG00000114480
3	82232311	82232650	82232480	16	22	1	11.95199812	9.69E-07	GBE1	ENSG00000114480
3	82599285	82599476	82599391	9	10	2	3.810782009	0.00936112		
3	83456409	83456634	83456521	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000223141
3	83558298	83558586	83558413	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000223141
3	83566270	83566484	83566377	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000223141
3	83700113	83700419	83700266	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000223141
3	83733525	83733704	83733593	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000223141
3	84066113	84066921	84066491	81	120	3	31.43895157	1.50E-33		ENSG00000223141
3	87201750	87202274	87202068	16	29	11	2.598260461	0.00146165	VGLL3	ENSG00000206538
3	87359537	87359770	87359653	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CHMP2B	ENSG00000083937
3	87465282	87465761	87465461	11	22	5	3.983999373	0.000317941		ENSG00000211155
3	87482465	87482810	87482637	11	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000211155
3	87491732	87491913	87491822	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000211155
3	87499653	87499877	87499765	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000211155
3	87930113	87930292	87930202	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000200703
3	88135047	88135235	88135141	8	9	4	2.078608368	0.0785659	HTR1F	ENSG00000179097

3	88208029	88208254	88208157	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CGGBP1	ENSG00000163320
3	88281524	88281896	88281691	19	24	5	4.330434101	0.000108998	C3orf38	ENSG00000179021
3	89129169	89129483	89129310	15	17	1	9.353737658	2.73E-05	EPHA3	ENSG00000044524
3	90427192	90427371	90427342	10	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000189002
3	90475056	90475297	90475206	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000189002
3	90530478	90530821	90530649	90	90	100	0.93640278	0.676081		ENSG00000189002
3	90573322	90573652	90573487	18	18	23	0.822782479	0.740651		ENSG00000189002
3	95264341	95264555	95264479	12	12	7	1.688869299	0.11395	NSUN3	ENSG00000178694
3	96162988	96163208	96163098	11	12	2	4.503651465	0.002963	WDR82P1	ENSG00000185141
3	98434295	98434498	98434393	10	10	4	2.286469205	0.0509017	EPHA6	ENSG00000080224
3	99647420	99647842	99647561	17	22	2	7.967998746	6.43E-06	OR5K1	ENSG00000185408
3	101019139	101019410	101019274	11	13	2	4.850086193	0.00164564	C3orf26	ENSG00000184220
3	101127216	101127497	101127356	9	11	2	4.157216737	0.0052913	FILIP1L	ENSG00000168386
3	102714676	102714867	102714805	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SENP7	ENSG00000138468
3	102775753	102776108	102775930	16	22	3	5.975999059	2.96E-05	PCNP	ENSG00000081154
3	103331384	103331563	103331439	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZPLD1	ENSG00000170044
3	103364579	103364877	103364736	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ZPLD1	ENSG00000170044
3	103894289	103894657	103894468	12	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000201065
3	106069048	106069281	106069164	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000211384
3	106424341	106424605	106424473	8	12	4	2.702190879	0.0203088	ALCAM	ENSG00000170017
3	106570228	106570587	106570378	8	14	10	1.417232979	0.185113	ALCAM	ENSG00000170017
3	106573960	106574305	106574132	8	13	3	3.637564645	0.0050909	ALCAM	ENSG00000170017
3	107811373	107811571	107811492	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000200361
3	107882341	107882669	107882499	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000200361
3	107885460	107885830	107885637	8	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000200361
3	108466400	108466765	108466586	17	24	6	3.711800658	0.000299603		ENSG00000220989
3	109086707	109087048	109086877	12	18	2	6.582259834	7.91E-05	CD47	ENSG00000196776
3	109183196	109183472	109183359	11	13	7	1.818782322	0.0805123	CD47	ENSG00000196776
3	109188222	109188444	109188333	10	10	3	2.858086507	0.0242838	CD47	ENSG00000196776
3	109201026	109201278	109201152	8	8	6	1.336248237	0.277651	CD47	ENSG00000196776
3	109207630	109207985	109207766	10	14	4	3.117912553	0.00766354	CD47	ENSG00000196776
3	109220285	109220464	109220374	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CD47	ENSG00000196776
3	109522456	109522700	109522596	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000221724
3	109790749	109791338	109790928	12	26	11	2.338434415	0.00495238	KIAA1524	ENSG00000163507

3	109821858	109822122	109821995	14	15	7	2.078608368	0.038229	DZIP3	ENSG00000198919
3	110116277	110116876	110116437	15	33	3	8.834085566	3.36E-08	GUCA1C	ENSG00000138472
3	110161932	110162111	110162040	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GUCA1C	ENSG00000138472
3	112710903	112711230	112711066	14	18	2	6.582259834	7.91E-05	CD96	ENSG00000153283
3	112963008	112963370	112963194	9	16	6	2.524024447	0.0137633	PLCXD2	ENSG00000144824
3	112983406	112983863	112983585	16	25	8	3.00243431	0.0010168	PLCXD2	ENSG00000144824
3	113088638	113088825	113088731	8	8	7	1.169217207	0.371848	PLCXD2	ENSG00000144824
3	113120157	113120349	113120253	8	8	5	1.558956276	0.191397	PLCXD2	ENSG00000144824
3	113169278	113169506	113169369	11	12	9	1.35109544	0.232899	ABHD10	ENSG00000144827
3	113276495	113276959	113276780	13	22	4	4.780799247	0.00010647	C3orf52	ENSG00000114529
3	113521083	113521336	113521210	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CD200	ENSG00000091972
3	113844596	113844775	113844719	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CCDC80	ENSG00000091986
3	114102625	114103007	114102828	22	29	1	15.58956276	8.46E-09	CD200R1L	ENSG00000206531
3	114177385	114177564	114177474	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CD200R1	ENSG00000163606
3	114192360	114192619	114192489	10	12	2	4.503651465	0.002963	GTPBP8	ENSG00000163607
3	114312876	114313115	114312995	8	8	4	1.870747532	0.118863	C3orf17	ENSG00000163608
3	114349932	114350231	114350094	11	15	2	5.542955649	0.000497081	BOC	ENSG00000144857
3	114738032	114738479	114738300	12	20	7	2.728173484	0.00469378	SIDT1	ENSG00000072858
3	114814678	114814966	114814793	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209204
3	114947866	114948502	114948139	12	31	11	2.771477825	0.000623099	NAT13	ENSG00000121579
3	114955561	114955852	114955735	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	ATP6V1A	ENSG00000114573
3	115016764	115016996	115016893	8	9	0	10.39304184	0.000803859	GRAMD1C	ENSG00000178075
3	115258267	115258469	115258368	9	10	2	3.810782009	0.00936112	QTRTD1	ENSG00000151576
3	115338335	115338524	115338434	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DRD3	ENSG00000151577
3	115501014	115501215	115501076	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TIGIT	ENSG00000181847
3	115585372	115585623	115585497	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ZBTB20	ENSG00000181722
3	115651135	115651447	115651285	15	17	1	9.353737658	2.73E-05	ZBTB20	ENSG00000181722
3	116293699	116293912	116293773	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000212786
3	116348869	116349088	116348963	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ZBTB20	ENSG00000181722
3	116349311	116349553	116349422	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ZBTB20	ENSG00000181722
3	117395064	117395365	117395214	9	13	1	7.27512929	0.000378098	LSAMP	ENSG00000185565
3	117972530	117972728	117972629	8	9	2	3.464347281	0.0163838	BZW1L1	ENSG00000198406
3	118065801	118065997	118065863	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000196797
3	118220602	118220838	118220720	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000200372

3	118292014	118292310	118292162	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000200372
3	120086263	120086550	120086426	8	11	2	4.157216737	0.0052913	IGSF11	ENSG00000144847
3	120699877	120700212	120700044	10	15	9	1.662886695	0.0970566	C3orf1	ENSG00000113845
3	120840455	120840938	120840696	12	23	7	3.117912553	0.00117689	POPDC2	ENSG00000121577
3	121506928	121507127	121507027	8	8	3	2.338434415	0.0641221	LRRRC58	ENSG00000163428
3	121895216	121895407	121895294	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HGD	ENSG00000113924
3	121944046	121944357	121944202	10	13	6	2.078608368	0.0483393	GTF2E1	ENSG00000153767
3	122070298	122070485	122070391	8	9	1	5.196520921	0.00490062	STXBP5L	ENSG00000145087
3	122109454	122109726	122109600	9	9	0	10.39304184	0.000803859	STXBP5L	ENSG00000145087
3	122432800	122433064	122432957	8	9	4	2.078608368	0.0785659	POLQ	ENSG00000051341
3	122523091	122523314	122523202	8	8	1	4.676868829	0.0091584	POLQ	ENSG00000051341
3	122932889	122933225	122933066	11	16	2	5.889390377	0.000270741	GOLGB1	ENSG00000173230
3	123036457	123036826	123036658	8	14	5	2.598260461	0.0167748	IQCB1	ENSG00000173226
3	123053833	123054129	123053997	12	13	2	4.850086193	0.00164564	EAF2	ENSG00000145088
3	123312472	123312651	123312588	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CD86	ENSG00000114013
3	123460446	123460647	123460546	8	8	4	1.870747532	0.118863	CASR	ENSG00000036828
3	123507405	123507742	123507573	9	12	2	4.503651465	0.002963	CSTA	ENSG00000121552
3	123526718	123526897	123526807	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CSTA	ENSG00000121552
3	123554917	123555141	123555011	12	13	3	3.637564645	0.0050909	CSTA	ENSG00000121552
3	123595709	123596125	123595921	57	74	0	77.94781382	6.15E-24	FAM162A	ENSG00000114023
3	123697998	123698412	123698205	34	44	4	9.353737658	1.84E-10	KPNA1	ENSG00000114030
3	123735447	123735772	123735626	11	14	7	1.948695345	0.0559175	KPNA1	ENSG00000114030
3	123765710	123765912	123765811	9	9	7	1.29913023	0.286504	DTX3L	ENSG00000163840
3	123805593	123805798	123805670	9	10	0	11.43234603	0.000394183	PARP15	ENSG00000173200
3	124091778	124092185	124091957	60	68	3	17.92799718	3.64E-18		ENSG00000221211
3	124100060	124100371	124100215	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000221211
3	124118926	124119127	124119015	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000221211
3	124135858	124136151	124135997	24	25	1	13.5109544	1.28E-07		ENSG00000221211
3	124570412	124570641	124570526	9	9	6	1.484720263	0.204387	ADCY5	ENSG00000173175
3	124667361	124667566	124667462	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ADCY5	ENSG00000173175
3	124787040	124787253	124787146	8	11	11	1.039304184	0.462773	PTPLB	ENSG00000206527
3	124807491	124807758	124807580	9	11	5	2.078608368	0.0614303	PTPLB	ENSG00000206527
3	124925047	124925231	124925139	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000207002
3	125374504	125374706	125374583	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KALRN	ENSG00000160145

3	125419091	125419461	125419288	17	22	5	3.983999373	0.000317941	KALRN	ENSG00000160145
3	125468095	125468422	125468243	13	17	7	2.338434415	0.0171287	KALRN	ENSG00000160145
3	125500599	125500901	125500759	12	14	0	15.58956276	2.28E-05	KALRN	ENSG00000160145
3	125584611	125584867	125584707	13	15	1	8.314433474	0.000102308	KALRN	ENSG00000160145
3	125593509	125593868	125593722	17	22	2	7.967998746	6.43E-06	KALRN	ENSG00000160145
3	125597477	125597919	125597753	18	27	10	2.64550156	0.00175911	KALRN	ENSG00000160145
3	125598424	125598990	125598771	40	56	8	6.582259834	6.04E-11	KALRN	ENSG00000160145
3	125630622	125630961	125630786	27	30	7	4.027303714	3.60E-05	KALRN	ENSG00000160145
3	125669521	125669705	125669558	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KALRN	ENSG00000160145
3	125751938	125752246	125752092	12	12	1	6.755477198	0.000722752	KALRN	ENSG00000160145
3	125753889	125754185	125754037	13	14	6	2.227080395	0.0322529	KALRN	ENSG00000160145
3	125758915	125759305	125759088	9	15	3	4.157216737	0.00170423	KALRN	ENSG00000160145
3	125775558	125775937	125775758	21	29	0	31.17912553	5.19E-10	KALRN	ENSG00000160145
3	125794161	125794517	125794339	15	21	5	3.810782009	0.000537724	KALRN	ENSG00000160145
3	125834335	125834613	125834451	12	13	5	2.425043097	0.0262442	KALRN	ENSG00000160145
3	125988342	125988680	125988513	9	14	2	5.196520921	0.000907371	UMPS	ENSG00000114491
3	126010996	126011310	126011133	8	12	3	3.377738599	0.00867157	ITGB5	ENSG00000082781
3	126016282	126016515	126016414	13	15	6	2.375552421	0.0212094	ITGB5	ENSG00000082781
3	126018068	126018269	126018178	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ITGB5	ENSG00000082781
3	126022051	126022281	126022166	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ITGB5	ENSG00000082781
3	126036523	126036879	126036701	8	11	7	1.558956276	0.158273	ITGB5	ENSG00000082781
3	126039297	126039750	126039504	12	21	11	1.905391004	0.031399	ITGB5	ENSG00000082781
3	126055091	126055294	126055209	8	9	5	1.73217364	0.133894	ITGB5	ENSG00000082781
3	126075109	126075317	126075213	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ITGB5	ENSG00000082781
3	126174148	126174413	126174248	17	19	1	10.39304184	7.23E-06	MUC13	ENSG00000173702
3	126208191	126208398	126208294	8	9	5	1.73217364	0.133894	HEG1	ENSG00000173706
3	126258597	126258792	126258719	9	10	3	2.858086507	0.0242838	HEG1	ENSG00000173706
3	126264724	126265049	126264895	13	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000209255
3	126318252	126318482	126318374	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000199327
3	126577558	126577872	126577714	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	ZNF148	ENSG00000163848
3	126585750	126585940	126585810	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF148	ENSG00000163848
3	126721870	126722103	126721989	8	11	2	4.157216737	0.0052913	SNX4	ENSG00000114520
3	127320877	127321513	127321089	73	105	4	22.03324871	6.33E-28	SLC41A3	ENSG00000114544
3	127591039	127591237	127591138	9	9	5	1.73217364	0.133894	CCDC37	ENSG00000163885

3	127723796	127724102	127723924	12	15	2	5.542955649	0.000497081	CHST13	ENSG00000180767
3	128745434	128745654	128745560	9	10	0	11.43234603	0.000394183	GPR175	ENSG00000163870
3	128745826	128746019	128745889	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GPR175	ENSG00000163870
3	128833941	128834217	128834079	9	11	8	1.385738912	0.224757	PODXL2	ENSG00000114631
3	128948805	128948990	128948897	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MGLL	ENSG00000074416
3	129209176	129209492	129209319	16	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000201210
3	129212747	129212988	129212888	10	10	3	2.858086507	0.0242838	SEC61A1	ENSG00000058262
3	129253471	129253668	129253545	12	14	1	7.794781382	0.000197021	SEC61A1	ENSG00000058262
3	129296715	129297133	129296917	33	43	6	6.532769158	7.68E-09		ENSG00000222627
3	129325387	129325672	129325555	9	12	7	1.688869299	0.11395	RUVBL1	ENSG00000175792
3	129537075	129537314	129537194	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000221067
3	129585211	129585420	129585273	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221067
3	129761162	129761341	129761229	8	9	2	3.464347281	0.0163838	C3orf27	ENSG00000198685
3	129785939	129786197	129786084	8	9	5	1.73217364	0.133894	C3orf27	ENSG00000198685
3	129850434	129850648	129850541	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RPN1	ENSG00000163902
3	129911405	129911680	129911542	19	23	7	3.117912553	0.00117689		ENSG00000207130
3	130228481	130228751	130228616	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CCDC48	ENSG00000114654
3	130255107	130255286	130255196	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GP9	ENSG00000169704
3	130362116	130362338	130362271	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ISY1	ENSG00000221812
3	130362510	130362933	130362678	21	28	4	6.027964269	3.34E-06	ISY1	ENSG00000221812
3	130385805	130386062	130385914	9	10	17	0.635130335	0.889407	CNBP	ENSG00000169714
3	130426616	130426901	130426757	8	12	8	1.501217155	0.168286	COPG	ENSG00000181789
3	130428011	130428230	130428120	8	9	6	1.484720263	0.204387	COPG	ENSG00000181789
3	130447363	130447580	130447471	8	10	2	3.810782009	0.00936112	COPG	ENSG00000181789
3	130451964	130452222	130452046	10	13	1	7.27512929	0.000378098	COPG	ENSG00000181789
3	130601225	130601423	130601288	9	9	4	2.078608368	0.0785659	RPL32P3	ENSG00000183611
3	130641591	130641855	130641725	8	9	2	3.464347281	0.0163838	IFT122	ENSG00000163913
3	130827600	130827806	130827747	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PLXND1	ENSG00000004399
3	130829758	130829988	130829873	13	14	2	5.196520921	0.000907371	PLXND1	ENSG00000004399
3	130864548	130865035	130864837	11	22	6	3.414856605	0.000820885	TMCC1	ENSG00000172765
3	130970458	130970713	130970607	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000202412
3	131907024	131907339	131907181	10	13	2	4.850086193	0.00164564	PIK3R4	ENSG00000196455
3	132551611	132551852	132551756	9	10	1	5.716173013	0.00260397	NUDT16P	ENSG00000206369
3	132555140	132555331	132555225	8	10	1	5.716173013	0.00260397	NUDT16P	ENSG00000206369

3	132555371	132555584	132555477	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NUDT16P	ENSG00000206369
3	132704372	132704783	132704551	11	19	4	4.157216737	0.000560204	MRPL3	ENSG00000114686
3	132912832	132913049	132912888	9	10	5	1.905391004	0.0915982	MRPL3	ENSG00000114686
3	133230810	133231050	133230872	12	15	5	2.771477825	0.0105836	CPNE4	ENSG00000196353
3	133381993	133382207	133382136	9	9	6	1.484720263	0.204387	ACPP	ENSG00000014257
3	133397670	133398028	133397849	15	20	9	2.182538787	0.0165356	ACPP	ENSG00000014257
3	133398523	133398710	133398604	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ACPP	ENSG00000014257
3	133433261	133433501	133433381	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	ACPP	ENSG00000014257
3	133518896	133519484	133519305	9	22	9	2.390399624	0.00747467	ACPP	ENSG00000014257
3	133828456	133828800	133828625	23	28	4	6.027964269	3.34E-06	CCRL1	ENSG00000129048
3	133870599	133870796	133870697	8	10	2	3.810782009	0.00936112	UBA5	ENSG00000081307
3	134019862	134020041	134019951	8	9	5	1.73217364	0.133894	ACAD11	ENSG00000113971
3	134022156	134022423	134022289	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	ACAD11	ENSG00000113971
3	134036037	134036239	134036138	10	11	4	2.494330042	0.0324033	ACAD11	ENSG00000113971
3	134242522	134242728	134242623	8	8	4	1.870747532	0.118863	TMEM108	ENSG00000144868
3	134489891	134490070	134489980	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TMEM108	ENSG00000144868
3	134614673	134614859	134614829	8	8	5	1.558956276	0.191397	BFSP2	ENSG00000170819
3	134648381	134648618	134648519	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000208917
3	134654107	134654336	134654178	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208917
3	134654452	134654856	134654684	16	22	6	3.414856605	0.000820885		ENSG00000208917
3	134672760	134672956	134672866	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208917
3	134845286	134845539	134845412	9	11	1	6.235825105	0.0013754	TOPBP1	ENSG00000163781
3	134863388	134863736	134863517	13	17	3	4.676868829	0.000552213	TOPBP1	ENSG00000163781
3	135184786	135185065	135184927	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLCO2A1	ENSG00000174640
3	135542922	135543273	135543097	36	42	3	11.17251998	1.06E-10	RPL39P5	ENSG00000214289
3	135583257	135583544	135583400	9	10	4	2.286469205	0.0509017	AMOTL2	ENSG00000114019
3	135583641	135583866	135583753	8	9	2	3.464347281	0.0163838	AMOTL2	ENSG00000114019
3	135609191	135609403	135609297	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221313
3	135676525	135676795	135676657	15	18	0	19.7467795	1.32E-06	CEP63	ENSG00000182923
3	135687136	135687347	135687241	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CEP63	ENSG00000182923
3	135694793	135694972	135694882	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CEP63	ENSG00000182923
3	135906270	135906469	135906369	8	10	1	5.716173013	0.00260397	KY	ENSG00000174611
3	136876163	136876537	136876326	23	28	3	7.534955336	7.67E-07	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137006270	137006563	137006389	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PPP2R3A	ENSG00000073711

3	137107067	137107319	137107149	9	12	2	4.503651465	0.002963	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137109325	137109634	137109472	16	20	8	2.425043097	0.00917565	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137119750	137120041	137119895	8	10	3	2.858086507	0.0242838	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137128637	137129056	137128792	13	20	7	2.728173484	0.00469378	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137224175	137224672	137224425	46	66	7	8.704172543	3.28E-14	PPP2R3A	ENSG00000073711
3	137343728	137343949	137343838	11	12	4	2.702190879	0.0203088	MSL2	ENSG00000174579
3	137344266	137344578	137344422	11	14	1	7.794781382	0.000197021	MSL2	ENSG00000174579
3	137378173	137378352	137378262	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MSL2	ENSG00000174579
3	137393017	137393479	137393153	9	15	4	3.32577339	0.00462646	MSL2	ENSG00000174579
3	137397778	137398392	137398129	14	33	8	3.926260252	2.05E-05	MSL2	ENSG00000174579
3	137445023	137445202	137445173	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PCCB	ENSG00000114054
3	137452114	137452385	137452254	9	10	8	1.27026067	0.293854	PCCB	ENSG00000114054
3	137452500	137452700	137452630	11	11	5	2.078608368	0.0614303	PCCB	ENSG00000114054
3	137478882	137479229	137479055	8	12	7	1.688869299	0.11395	PCCB	ENSG00000114054
3	137479332	137479598	137479446	8	11	6	1.781664316	0.103344	PCCB	ENSG00000114054
3	137545436	137545648	137545541	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000200571
3	137593301	137593487	137593394	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000200571
3	137953795	137954092	137953943	10	14	2	5.196520921	0.000907371	STAG1	ENSG00000118007
3	137954235	137954436	137954317	9	10	1	5.716173013	0.00260397	STAG1	ENSG00000118007
3	138196459	138196745	138196609	10	12	3	3.377738599	0.00867157	IL20RB	ENSG00000174564
3	138256435	138256800	138256639	29	34	2	12.12521548	2.69E-09	IL20RB	ENSG00000174564
3	138666175	138666521	138666348	9	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000201325
3	139147879	139148132	139148005	9	11	5	2.078608368	0.0614303	CLDN18	ENSG00000066405
3	139172607	139172807	139172707	8	11	3	3.117912553	0.0146045	CLDN18	ENSG00000066405
3	139253741	139253991	139253866	9	10	3	2.858086507	0.0242838	CLDN18	ENSG00000066405
3	139327225	139327436	139327368	8	8	5	1.558956276	0.191397	A4GNT	ENSG00000118017
3	139376249	139376576	139376412	14	19	4	4.157216737	0.000560204	DBR1	ENSG00000138231
3	139390018	139390248	139390133	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ARMC8	ENSG00000114098
3	139585593	139585913	139585751	8	12	2	4.503651465	0.002963	MRAS	ENSG00000158186
3	139600710	139600889	139600751	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM62C	ENSG00000158220
3	139681110	139681305	139681137	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FAM62C	ENSG00000158220
3	139795562	139795945	139795741	8	16	3	4.417042783	0.00097367	CEP70	ENSG00000114107
3	139888369	139888559	139888496	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000174715
3	140142942	140143195	140143091	10	10	5	1.905391004	0.0915982	FOXL2	ENSG00000183770

3	140328947	140329183	140329054	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000206260
3	140425254	140425609	140425431	25	30	1	16.10921486	4.28E-09	MRPS22	ENSG00000175110
3	140530911	140531158	140531015	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MRPS22	ENSG00000175110
3	140590981	140591502	140591142	9	21	13	1.63319229	0.0708832	COPB2	ENSG00000184432
3	140736539	140736859	140736705	11	13	4	2.910051716	0.0125532	RBP1	ENSG00000114115
3	140803062	140803242	140803152	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208855
3	140917241	140917642	140917417	31	44	1	23.38434415	2.83E-13	NMNAT3	ENSG00000163864
3	141515227	141515406	141515306	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216184
3	141515753	141515950	141515857	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216184
3	141624807	141625442	141625231	74	108	1	56.64207804	1.04E-32		ENSG00000216184
3	141938737	141938916	141938818	8	8	4	1.870747532	0.118863	TRIM42	ENSG00000155890
3	142056606	142056821	142056698	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC25A36	ENSG00000114120
3	142129234	142129553	142129388	9	13	7	1.818782322	0.0805123	SLC25A36	ENSG00000114120
3	142142874	142143363	142143119	8	16	9	1.766817113	0.0700694	SLC25A36	ENSG00000114120
3	142307382	142307593	142307470	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SPSB4	ENSG00000175093
3	142510271	142510563	142510433	14	17	5	3.117912553	0.00407023	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142513525	142513713	142513619	8	9	6	1.484720263	0.204387	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142562577	142562882	142562786	8	12	10	1.228268581	0.305344	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142603314	142603493	142603435	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZBTB38	ENSG00000177311
3	142656544	142656743	142656613	8	10	4	2.286469205	0.0509017	RASA2	ENSG00000155903
3	142938821	142939041	142938931	9	9	6	1.484720263	0.204387	RNF7	ENSG00000114125
3	142939486	142939681	142939552	8	9	7	1.29913023	0.286504	RNF7	ENSG00000114125
3	143141616	143141801	143141685	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000200389
3	143143271	143143468	143143384	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000214271
3	143780262	143780512	143780397	8	12	2	4.503651465	0.002963	ATR	ENSG00000175054
3	143788414	143788726	143788570	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ATR	ENSG00000175054
3	144202975	144203321	144203148	13	19	12	1.598929514	0.0887417		ENSG00000163714
3	144360732	144360974	144360819	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000181814
3	144450575	144450964	144450788	16	23	1	12.47165021	4.94E-07		ENSG00000181814
3	144465350	144465761	144465518	11	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000181814
3	144803345	144803933	144803754	34	49	5	8.660868202	4.42E-11	SLC9A9	ENSG00000181804
3	144969506	144969717	144969618	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SLC9A9	ENSG00000181804
3	145084888	145085101	145084994	8	10	2	3.810782009	0.00936112	SLC9A9	ENSG00000181804
3	145173173	145173466	145173319	8	12	3	3.377738599	0.00867157	C3orf58	ENSG00000181744

3	145585866	145586081	145586041	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000212780
3	146081813	146081999	146081906	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212780
3	146444911	146445098	146445004	8	8	1	4.676868829	0.0091584		
3	146554719	146554898	146554808	8	8	0	9.353737658	0.00163931		
3	146558252	146558623	146558431	22	28	2	10.04660711	1.36E-07		
3	146828749	146828988	146828873	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000222350
3	147622301	147622606	147622447	11	14	8	1.73217364	0.0890835	PLSCR2	ENSG00000163746
3	147782497	147783050	147782770	52	76	2	26.67547406	1.21E-21		ENSG00000199812
3	149087491	149087710	149087600	10	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000221431
3	149428052	149428343	149428197	16	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000205412
3	149560684	149560863	149560733	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000205412
3	150112678	150112937	150112807	8	9	5	1.73217364	0.133894	CPA3	ENSG00000163751
3	150156801	150157103	150156952	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000174995
3	150286843	150287296	150287001	10	18	15	1.234173719	0.265435	HLTF	ENSG00000071794
3	150392428	150392797	150392604	23	30	0	32.21842971	2.55E-10	CP	ENSG00000047457
3	150448503	150448851	150448651	13	18	5	3.291129917	0.00248584	CP	ENSG00000047457
3	150473681	150473907	150473775	8	8	4	1.870747532	0.118863	CP	ENSG00000047457
3	150475698	150475883	150475729	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CP	ENSG00000047457
3	150477869	150478335	150478156	18	26	8	3.117912553	0.000638503	CP	ENSG00000047457
3	150480441	150480738	150480594	12	15	10	1.511715177	0.140236	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150483223	150483651	150483402	23	32	7	4.28712976	1.26E-05	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150483931	150484200	150484073	12	13	4	2.910051716	0.0125532	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150500509	150501134	150500753	18	35	14	2.494330042	0.000827091	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150507361	150507613	150507487	9	10	3	2.858086507	0.0242838	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150540412	150540726	150540566	11	14	6	2.227080395	0.0322529	TM4SF18	ENSG00000163762
3	150571708	150571919	150571813	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150579254	150579433	150579388	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150589569	150589749	150589655	10	10	1	5.716173013	0.00260397	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150596278	150596481	150596342	11	12	11	1.125912866	0.382541	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150602090	150602333	150602216	17	18	4	3.9493559	0.000961379	TM4SF1	ENSG00000169908
3	150674123	150674348	150674251	10	12	5	2.251825733	0.0404733	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150690746	150690925	150690820	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150694785	150694985	150694885	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150708154	150708537	150708322	9	15	8	1.847651883	0.0631662	TM4SF4	ENSG00000169903

3	150764626	150764868	150764757	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TM4SF4	ENSG00000169903
3	150858556	150858851	150858675	10	14	4	3.117912553	0.00766354	WWTR1	ENSG00000018408
3	150952766	150953175	150953013	20	28	5	5.023303557	1.20E-05	COMMD2	ENSG00000114744
3	150984226	150984600	150984405	17	24	2	8.660868202	1.80E-06	C3orf16	ENSG00000206199
3	151013940	151014272	151014106	16	20	4	4.365077574	0.000324139	RNF13	ENSG00000082996
3	151169604	151169934	151169764	11	15	3	4.157216737	0.00170423	PFN2	ENSG00000070087
3	151170395	151170683	151170565	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PFN2	ENSG00000070087
3	151272845	151273028	151272936	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208756
3	151438002	151438244	151438142	11	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000222269
3	151438706	151439231	151439005	18	31	19	1.662886695	0.0341423		ENSG00000222269
3	151468018	151468216	151468087	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222269
3	151469493	151469785	151469653	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222269
3	151487111	151487475	151487290	9	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000222269
3	151515144	151515496	151515306	18	23	4	4.988660084	6.05E-05		ENSG00000222269
3	151518070	151518309	151518207	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000222269
3	151520434	151520702	151520565	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000222269
3	151545619	151545958	151545779	19	23	6	3.563328632	0.000497701	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151550408	151550636	151550523	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151569760	151569989	151569874	9	11	5	2.078608368	0.0614303	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151600030	151600285	151600157	9	12	4	2.702190879	0.0203088	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151611760	151612074	151611938	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151643006	151643432	151643253	18	26	5	4.676868829	3.65E-05	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151673170	151673349	151673203	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TSC22D2	ENSG00000196428
3	151698372	151698748	151698523	8	13	8	1.616695398	0.123553	SERP1	ENSG00000120742
3	151747033	151747377	151747187	10	14	1	7.794781382	0.000197021	EIF2A	ENSG00000144895
3	151803525	151803975	151803642	9	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000198843
3	151804662	151804885	151804773	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000198843
3	151868655	151868907	151868774	12	12	3	3.377738599	0.00867157	C3orf44	ENSG00000163645
3	151923252	151923628	151923459	8	13	4	2.910051716	0.0125532	C3orf44	ENSG00000163645
3	151936784	151936974	151936842	8	8	8	1.039304184	0.46786	SIAH2	ENSG00000181788
3	151937781	151938225	151937987	20	32	10	3.117912553	0.000190324	SIAH2	ENSG00000181788
3	151957192	151957516	151957354	9	14	3	3.897390691	0.00295882	SIAH2	ENSG00000181788
3	151964028	151964415	151964227	12	20	5	3.637564645	0.000902929	SIAH2	ENSG00000181788
3	152045133	152045312	152045224	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000214237

3	152287224	152287403	152287313	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MED12L	ENSG00000144893
3	152505546	152506093	152505707	14	25	7	3.377738599	0.000449165	GPR87	ENSG00000138271
3	152516350	152516745	152516547	67	77	2	27.02190879	6.10E-22	GPR87	ENSG00000138271
3	152516978	152517423	152517157	10	19	5	3.464347281	0.00150447	GPR87	ENSG00000138271
3	152535848	152536027	152535937	8	8	1	4.676868829	0.0091584	P2RY13	ENSG00000181631
3	152640038	152640433	152640254	10	18	5	3.291129917	0.00248584	IGSF10	ENSG00000152580
3	152990576	152990816	152990696	11	11	12	0.959357709	0.543005	AADAC	ENSG00000114771
3	153037679	153037998	153037838	12	15	4	3.32577339	0.00462646	AADAC	ENSG00000114771
3	153102246	153102540	153102393	9	11	3	3.117912553	0.0146045	SUCNR1	ENSG00000198829
3	153118781	153119036	153118912	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SUCNR1	ENSG00000198829
3	153470059	153470358	153470208	9	12	3	3.377738599	0.00867157	MBNL1	ENSG00000152601
3	153944301	153944513	153944410	8	10	5	1.905391004	0.0915982	P2RY1	ENSG00000169860
3	154081118	154081371	154081277	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000208726
3	154339260	154339487	154339336	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000208713
3	154360848	154362225	154361274	183	291	11	25.28973515	1.10E-74	RAP2B	ENSG00000181467
3	154411250	154411429	154411340	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000222228
3	154416317	154416516	154416416	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000222228
3	154484831	154485010	154484920	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222228
3	154514078	154514580	154514383	48	67	4	14.13453691	6.62E-17		ENSG00000222228
3	154644250	154644429	154644339	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207323
3	154814914	154815593	154815272	110	150	5	26.15582197	4.75E-40		ENSG00000200162
3	155260199	155260639	155260471	14	23	4	4.988660084	6.05E-05		ENSG00000201398
3	155290017	155290261	155290139	16	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000114790
3	155333463	155333812	155333637	13	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000114790
3	155357867	155358051	155357898	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000114790
3	155362347	155362527	155362437	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000114790
3	155424936	155425147	155425041	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DHX36	ENSG00000174953
3	155711722	155711955	155711818	11	13	3	3.637564645	0.0050909	GPR149	ENSG00000174948
3	155752930	155753181	155753045	10	10	1	5.716173013	0.00260397	GPR149	ENSG00000174948
3	156582932	156583146	156583039	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000208662
3	156627381	156627644	156627534	17	20	0	21.82538787	3.17E-07		ENSG00000208662
3	156779681	156779860	156779732	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PLCH1	ENSG00000114805
3	156836002	156836192	156836097	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PLCH1	ENSG00000114805
3	156945522	156945795	156945653	12	15	3	4.157216737	0.00170423	C3orf33	ENSG00000174928

3	157054803	157055548	157055038	15	39	13	2.969440526	7.78E-05	SLC33A1	ENSG00000169359
3	157196155	157196339	157196247	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000208661
3	157217933	157218146	157217988	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CASRL1	ENSG00000174930
3	157350930	157351267	157351096	13	17	5	3.117912553	0.00407023	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157562038	157562217	157562127	9	9	1	5.196520921	0.00490062	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157585042	157585252	157585206	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KCNAB1	ENSG00000169282
3	157648812	157648992	157648902	8	8	4	1.870747532	0.118863	SSR3	ENSG00000114850
3	157755769	157755996	157755893	12	13	7	1.818782322	0.0805123	SSR3	ENSG00000114850
3	157830959	157831189	157831074	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TIPARP	ENSG00000163659
3	157874948	157875214	157875081	9	12	7	1.688869299	0.11395	TIPARP	ENSG00000163659
3	157876547	157876825	157876678	8	10	6	1.63319229	0.146906	TIPARP	ENSG00000163659
3	157910788	157911000	157910894	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000174912
3	158006412	158006621	158006516	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213198
3	158288965	158289209	158289087	11	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000201778
3	158289774	158290009	158289869	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000201778
3	158308281	158308494	158308446	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000201778
3	158360670	158361007	158360840	10	15	12	1.279143611	0.251893	CCNL1	ENSG00000163660
3	158375174	158375905	158375529	12	35	10	3.401359148	4.64E-05		ENSG00000208656
3	158695183	158695372	158695294	8	9	8	1.154782427	0.375434	VEPH1	ENSG00000197415
3	158699858	158700123	158699990	9	12	6	1.930136342	0.071303	VEPH1	ENSG00000197415
3	158700153	158700498	158700325	10	15	6	2.375552421	0.0212094	VEPH1	ENSG00000197415
3	158733251	158733463	158733357	10	10	5	1.905391004	0.0915982	C3orf55	ENSG00000174899
3	158807178	158807478	158807328	12	15	4	3.32577339	0.00462646	C3orf55	ENSG00000174899
3	158827275	158827607	158827445	11	15	9	1.662886695	0.0970566	C3orf55	ENSG00000174899
3	159065952	159066143	159066066	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000208653
3	159304427	159304751	159304587	10	15	5	2.771477825	0.0105836	SHOX2	ENSG00000168779
3	159310042	159310314	159310163	11	14	9	1.558956276	0.132279	RSRC1	ENSG00000174891
3	159310372	159310589	159310489	8	10	7	1.429043253	0.21536	RSRC1	ENSG00000174891
3	159310928	159311241	159311084	10	14	5	2.598260461	0.0167748	RSRC1	ENSG00000174891
3	159634957	159635225	159635065	9	10	1	5.716173013	0.00260397	MLF1	ENSG00000178053
3	159844898	159845110	159845047	11	11	2	4.157216737	0.0052913	GFM1	ENSG00000168827
3	159872947	159873315	159873110	9	15	4	3.32577339	0.00462646	LXN	ENSG00000079257
3	159923594	159923881	159923737	10	13	8	1.616695398	0.123553	RARRES1	ENSG00000118849
3	159973654	159973932	159973824	8	11	4	2.494330042	0.0324033	MFSD1	ENSG00000118855

3	160118548	160118855	160118701	8	13	2	4.850086193	0.00164564	MFSD1	ENSG00000118855
3	160527585	160527873	160527710	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SCHIP1	ENSG00000151967
3	160630089	160630487	160630309	9	15	0	16.62886695	1.12E-05	SCHIP1	ENSG00000151967
3	160921919	160922140	160922029	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000208651
3	160969089	160969342	160969215	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000208651
3	160987649	160987859	160987754	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000208651
3	161030032	161030434	161030211	184	204	6	30.4367654	7.40E-55		ENSG00000208651
3	161082215	161082635	161082467	16	23	4	4.988660084	6.05E-05		ENSG00000208651
3	161766655	161766834	161766689	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KPNA4	ENSG00000186432
3	161955731	161955967	161955834	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PPM1L	ENSG00000163590
3	162229099	162229355	162229227	9	10	9	1.143234603	0.378307	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162270578	162270815	162270682	8	9	1	5.196520921	0.00490062	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162307728	162308037	162307900	10	14	5	2.598260461	0.0167748	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162354986	162355192	162355034	8	9	1	5.196520921	0.00490062	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162357989	162358211	162358100	9	9	1	5.196520921	0.00490062	B3GALNT1	ENSG00000169255
3	162421188	162421474	162421331	8	11	5	2.078608368	0.0614303	NMD3	ENSG00000169251
3	162476494	162476754	162476639	12	15	1	8.314433474	0.000102308	NMD3	ENSG00000169251
3	162525851	162526031	162525941	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C3orf57	ENSG00000196542
3	162540062	162540449	162540272	8	14	12	1.199197136	0.313881	C3orf57	ENSG00000196542
3	162547249	162547506	162547374	11	11	1	6.235825105	0.0013754	C3orf57	ENSG00000196542
3	162572087	162572570	162572322	20	30	11	2.684869143	0.000957822	C3orf57	ENSG00000196542
3	162603844	162604117	162603955	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000129973
3	162605063	162605288	162605175	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000129973
3	162605910	162606201	162606055	11	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000129973
3	162613090	162613299	162613234	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000129973
3	162621079	162621672	162621432	23	41	11	3.637564645	6.05E-06		ENSG00000129973
3	162917126	162917338	162917199	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000182447
3	163049295	163049556	163049425	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000182447
3	163165821	163166002	163165911	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000182447
3	164245013	164245256	164245122	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221205
3	164272240	164272619	164272440	11	17	9	1.870747532	0.0498299		ENSG00000221205
3	165140344	165140730	165140626	8	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000214210
3	165580696	165581000	165580848	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000221755
3	165882694	165882950	165882825	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000221755

3	165884122	165884364	165884197	8	9	16	0.611355402	0.899375		ENSG00000221755
3	166493145	166493363	166493224	9	10	1	5.716173013	0.00260397	SLITRK3	ENSG00000121871
3	166733453	166733652	166733553	9	10	3	2.858086507	0.0242838	BCHE	ENSG00000114200
3	167319063	167319242	167319152	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208614
3	167625650	167625849	167625755	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208601
3	167935159	167935550	167935371	20	27	5	4.850086193	2.10E-05		ENSG00000208599
3	168008678	168008864	168008730	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000185790
3	168030488	168030751	168030619	13	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000185790
3	168123589	168123919	168123744	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000215922
3	168396557	168396762	168396672	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000220343
3	168455297	168455504	168455400	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ZBBX	ENSG00000169064
3	168580429	168581040	168580671	17	36	11	3.204521235	6.58E-05	ZBBX	ENSG00000169064
3	168827032	168827264	168827186	10	10	2	3.810782009	0.00936112	WDR49	ENSG00000174776
3	168935255	168935522	168935395	8	12	5	2.251825733	0.0404733	PDCD10	ENSG00000114209
3	168936198	168936383	168936290	8	9	8	1.154782427	0.375434	SERPINI1	ENSG00000163536
3	169015217	169015425	169015317	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SERPINI1	ENSG00000163536
3	169016296	169016498	169016388	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SERPINI1	ENSG00000163536
3	169099862	169100125	169099993	11	14	3	3.897390691	0.00295882	SERPINI1	ENSG00000163536
3	169140751	169141054	169140902	15	17	3	4.676868829	0.000552213	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169178414	169178858	169178591	8	15	9	1.662886695	0.0970566	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169191817	169192218	169191989	10	16	4	3.533634226	0.00276486	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169247731	169248040	169247884	16	18	12	1.518983039	0.117837	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169296584	169297017	169296849	13	22	3	5.975999059	2.96E-05	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169354724	169354911	169354765	8	9	3	2.598260461	0.0397929	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169366210	169366462	169366336	9	11	3	3.117912553	0.0146045	GOLIM4	ENSG00000173905
3	169681080	169681310	169681154	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222357
3	169749367	169749610	169749488	11	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000207717
3	169871622	169871924	169871757	22	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000207717
3	170078346	170078705	170078525	28	35	8	4.157216737	7.29E-06	C3orf50	ENSG00000206120
3	170090208	170090472	170090337	8	12	6	1.930136342	0.071303	C3orf50	ENSG00000206120
3	170286369	170286634	170286488	12	14	3	3.897390691	0.00295882	EVI1	ENSG00000085276
3	170425696	170426035	170425871	17	20	1	10.91269393	3.71E-06	EVI1	ENSG00000085276
3	170469520	170469711	170469615	9	9	2	3.464347281	0.0163838	MDS1	ENSG00000206115
3	170491299	170491570	170491444	10	12	2	4.503651465	0.002963	MDS1	ENSG00000206115

3	170549977	170550165	170550068	8	8	5	1.558956276	0.191397	MDS1	ENSG00000206115
3	170590735	170590937	170590898	9	10	1	5.716173013	0.00260397	MDS1	ENSG00000206115
3	170661232	170661411	170661362	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213178
3	170787811	170787995	170787941	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000213178
3	170809700	170809928	170809817	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000184531
3	170958859	170959094	170959015	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000200182
3	170963469	170963784	170963626	11	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000200182
3	170973885	170974295	170974042	9	16	9	1.766817113	0.0700694	MYNN	ENSG00000085274
3	171247162	171247448	171247321	12	15	6	2.375552421	0.0212094	GPR160	ENSG00000173890
3	171250038	171250270	171250118	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000201342
3	171250289	171250531	171250393	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000201342
3	171254645	171254915	171254768	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000201342
3	171558930	171559123	171559026	8	8	4	1.870747532	0.118863	SKIL	ENSG00000136603
3	171666717	171666941	171666861	9	10	7	1.429043253	0.21536	CLDN11	ENSG00000013297
3	171674064	171674255	171674132	9	9	6	1.484720263	0.204387	CLDN11	ENSG00000013297
3	171687508	171687700	171687619	9	9	8	1.154782427	0.375434	CLDN11	ENSG00000013297
3	171693346	171693785	171693637	12	21	10	2.078608368	0.0193227	CLDN11	ENSG00000013297
3	171700242	171700454	171700348	8	8	6	1.336248237	0.277651	CLDN11	ENSG00000013297
3	171889794	171890263	171889945	15	27	4	5.820103432	6.01E-06		ENSG00000213174
3	171941803	171941993	171941898	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000213174
3	172065406	172065802	172065623	9	17	3	4.676868829	0.000552213	RPL22L1	ENSG00000163584
3	172070186	172070507	172070331	11	15	15	1.039304184	0.456923	RPL22L1	ENSG00000163584
3	172070521	172070969	172070741	17	28	15	1.883738834	0.0179382	RPL22L1	ENSG00000163584
3	172193401	172193636	172193518	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000199488
3	172224696	172224881	172224788	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SLC2A2	ENSG00000163581
3	172367927	172368146	172368029	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207963
3	172577757	172577941	172577881	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222506
3	172660938	172661362	172661219	8	13	5	2.425043097	0.0262442	TNIK	ENSG00000154310
3	172687865	172688046	172687955	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207114
3	172760336	172760529	172760411	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207114
3	172840978	172841290	172841134	11	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000208522
3	172953491	172953670	172953543	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000183657
3	172989324	172989558	172989453	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000183657
3	173016488	173016708	173016598	8	10	3	2.858086507	0.0242838	PLD1	ENSG00000075651

3	173072201	173072410	173072330	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TMEM212	ENSG00000186329
3	173235591	173235835	173235713	9	12	5	2.251825733	0.0404733	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173239890	173240142	173239978	9	13	7	1.818782322	0.0805123	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173241556	173241756	173241635	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173335788	173336016	173335902	11	12	3	3.377738599	0.00867157	FNDC3B	ENSG00000075420
3	173341068	173341416	173341246	9	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000222342
3	173342602	173343204	173342900	12	27	6	4.157216737	6.29E-05		ENSG00000222342
3	173419498	173419680	173419558	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000222342
3	173448237	173448416	173448370	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208521
3	173509540	173509770	173509634	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208521
3	173516680	173516939	173516809	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208521
3	173677822	173678064	173677958	10	11	4	2.494330042	0.0324033	GHSR	ENSG00000121853
3	173678490	173678801	173678636	10	12	5	2.251825733	0.0404733	GHSR	ENSG00000121853
3	173717327	173717683	173717505	14	19	14	1.385738912	0.166049	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173737151	173737914	173737629	15	44	7	5.846086036	1.65E-08	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173749645	173749883	173749780	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173791753	173791932	173791842	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TNFSF10	ENSG00000121858
3	173823704	173823911	173823807	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000208518
3	173824289	173824631	173824454	17	21	8	2.540521339	0.00602138		ENSG00000208518
3	173838502	173838736	173838648	12	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000208518
3	173848475	173848767	173848683	8	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000208518
3	173873931	173874262	173874096	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000208518
3	173885807	173886406	173886167	21	38	6	5.790409026	1.41E-07		ENSG00000208518
3	173892509	173892703	173892606	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208518
3	173911502	173912258	173911864	12	34	13	2.598260461	0.000664816	AADAACL1	ENSG00000144959
3	173950815	173951119	173950967	14	17	8	2.078608368	0.0303558	ECT2	ENSG00000114346
3	174732249	174732436	174732310	8	9	2	3.464347281	0.0163838	NLGN1	ENSG00000169760
3	174891188	174891404	174891296	8	10	5	1.905391004	0.0915982	NLGN1	ENSG00000169760
3	174912143	174912460	174912304	20	23	1	12.47165021	4.94E-07	NLGN1	ENSG00000169760
3	175329337	175329724	175329545	21	30	0	32.21842971	2.55E-10	NLGN1	ENSG00000169760
3	175407741	175407952	175407846	11	11	1	6.235825105	0.0013754	NLGN1	ENSG00000169760
3	175426807	175427021	175426929	10	10	1	5.716173013	0.00260397	NLGN1	ENSG00000169760
3	175493670	175493906	175493801	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NLGN1	ENSG00000169760
3	175619167	175619346	175619256	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213169

3	176062639	176062943	176062781	13	18	4	3.9493559	0.000961379	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176063935	176064325	176064150	10	16	6	2.524024447	0.0137633	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176150045	176150321	176150183	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176155982	176156340	176156161	12	17	5	3.117912553	0.00407023	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176327849	176328032	176327885	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176351437	176351643	176351576	9	11	8	1.385738912	0.224757	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176413100	176413339	176413246	9	9	2	3.464347281	0.0163838	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176425347	176425591	176425476	12	14	0	15.58956276	2.28E-05	NAALADL2	ENSG00000177694
3	176470946	176471372	176471204	8	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000199792
3	176485299	176485478	176485388	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199792
3	176513159	176513338	176513273	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000199792
3	176513341	176513692	176513516	13	19	6	2.969440526	0.0035096		ENSG00000199792
3	176517203	176517680	176517508	8	17	5	3.117912553	0.00407023		ENSG00000199792
3	176536936	176537162	176537098	9	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000199792
3	176539217	176539601	176539473	16	22	10	2.173090567	0.0132845		ENSG00000199792
3	176547479	176547765	176547639	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000199792
3	176549148	176549454	176549301	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000199792
3	176692028	176692333	176692180	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000199792
3	176751586	176751822	176751689	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000201648
3	176771679	176771956	176771834	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000201648
3	176848058	176848257	176848157	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000201648
3	176857074	176857407	176857240	10	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000201648
3	176883117	176883613	176883450	13	26	3	7.015303244	2.63E-06	UBE2V1P2	ENSG00000214192
3	176895671	176895881	176895776	8	8	4	1.870747532	0.118863	UBE2V1P2	ENSG00000214192
3	176932117	176932361	176932239	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000208500
3	176936470	176936691	176936587	13	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000208500
3	176978021	176978236	176978117	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000201452
3	177157490	177157754	177157622	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000201452
3	177367853	177368152	177367998	8	12	13	0.965068171	0.538344		ENSG00000201452
3	177834117	177834326	177834183	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000208490
3	177946506	177946685	177946564	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208490
3	178014778	178015038	178014908	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000208490
3	178056357	178056787	178056498	14	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000208490
3	178097221	178097427	178097324	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208490

3	178560454	178560694	178560574	13	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000208471
3	178653546	178653725	178653634	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000208471
3	178721858	178722065	178721961	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000208471
3	178791573	178791768	178791670	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000203635
3	178791986	178792184	178792066	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000203635
3	178801606	178801853	178801729	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000203635
3	178803362	178803675	178803514	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000203635
3	178823159	178823396	178823310	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000200288
3	178885688	178885878	178885849	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000200288
3	179010556	179010895	179010720	9	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000200288
3	179635741	179635925	179635818	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208463
3	179806754	179806946	179806849	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208463
3	180054650	180054829	180054692	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KCNMB2	ENSG00000197584
3	180269785	180269991	180269913	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180270449	180271052	180270695	96	129	5	22.51825733	7.24E-34	ZMAT3	ENSG00000172667
3	180309079	180309351	180309253	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000200616
3	180348372	180348738	180348551	10	16	6	2.524024447	0.0137633	PIK3CA	ENSG00000121879
3	180523849	180524115	180523982	10	12	4	2.702190879	0.0203088	ZNF639	ENSG00000121864
3	180804915	180805257	180805086	8	12	9	1.35109544	0.232899	MRPL47	ENSG00000136522
3	181170004	181170397	181170209	40	50	0	53.0045134	1.65E-16	PEX5L	ENSG00000114757
3	181268809	181269071	181268940	10	10	4	2.286469205	0.0509017	PEX5L	ENSG00000114757
3	181435992	181436247	181436119	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000213158
3	181496359	181496610	181496459	12	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000213158
3	181507300	181507492	181507444	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000213158
3	182316963	182317181	182317072	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000206932
3	183051509	183051806	183051658	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000213155
3	183088097	183088294	183088228	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213155
3	183148935	183149117	183149026	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213155
3	183174798	183174988	183174825	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213155
3	183220191	183220547	183220369	10	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000213155
3	183532549	183532802	183532675	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ATP11B	ENSG00000058063
3	183685900	183686104	183685953	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ATP11B	ENSG00000058063
3	183798060	183798304	183798210	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ATP11B	ENSG00000058063
3	183830779	183831040	183830893	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ATP11B	ENSG00000058063

3	183939691	183939940	183939815	16	17	5	3.117912553	0.00407023	ATP11B	ENSG00000058063
3	183941252	183941499	183941371	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ATP11B	ENSG00000058063
3	184308467	184308658	184308563	9	10	6	1.63319229	0.146906	MCCC1	ENSG00000078070
3	184394213	184394541	184394377	13	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000208403
3	184492138	184492484	184492311	13	18	9	1.97467795	0.0349428		ENSG00000202502
3	184495783	184496187	184495962	13	20	9	2.182538787	0.0165356		ENSG00000202502
3	184550067	184550387	184550227	8	12	2	4.503651465	0.002963	MCF2L2	ENSG00000053524
3	184648069	184648478	184648299	12	20	5	3.637564645	0.000902929		ENSG00000201229
3	184915243	184915426	184915361	8	8	0	9.353737658	0.00163931	YEATS2	ENSG00000163872
3	185013610	185013841	185013764	10	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000212778
3	185085341	185085702	185085457	9	14	7	1.948695345	0.0559175	PARL	ENSG00000175193
3	185095848	185096063	185095969	11	11	5	2.078608368	0.0614303	PARL	ENSG00000175193
3	185112632	185112814	185112706	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PARL	ENSG00000175193
3	185166826	185167090	185166928	15	16	4	3.533634226	0.00276486	ABCC5	ENSG00000114770
3	185206527	185206896	185206667	15	20	8	2.425043097	0.00917565	ABCC5	ENSG00000114770
3	185211662	185211935	185211798	8	11	10	1.133786383	0.380636	ABCC5	ENSG00000114770
3	185334566	185334941	185334851	8	14	5	2.598260461	0.0167748	EIF2B5	ENSG00000145191
3	185335725	185336114	185335956	12	19	7	2.598260461	0.00730518	EIF2B5	ENSG00000145191
3	185374877	185375178	185375033	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	AP2M1	ENSG00000161203
3	185449355	185449590	185449417	8	11	4	2.494330042	0.0324033	ALG3	ENSG00000214160
3	185450787	185451004	185450891	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ECE2	ENSG00000145194
3	185501334	185501513	185501380	8	9	7	1.29913023	0.286504	PSMD2	ENSG00000175166
3	185546228	185546487	185546357	10	11	7	1.558956276	0.158273	FAM131A	ENSG00000175182
3	185563585	185564126	185563855	9	21	5	3.810782009	0.000537724	POLR2H	ENSG00000163882
3	185571909	185572281	185572037	10	15	7	2.078608368	0.038229	THPO	ENSG00000090534
3	185618363	185618644	185618503	9	11	3	3.117912553	0.0146045	CHRD	ENSG00000090539
3	185640599	185641018	185640891	9	14	9	1.558956276	0.132279	CHRD	ENSG00000090539
3	185644428	185644689	185644558	11	11	2	4.157216737	0.0052913	CHRD	ENSG00000090539
3	185669004	185669284	185669158	8	11	1	6.235825105	0.0013754	CHRD	ENSG00000090539
3	185672037	185672362	185672199	12	17	2	6.235825105	0.000146695	CHRD	ENSG00000090539
3	185714242	185714515	185714346	8	10	3	2.858086507	0.0242838	EPHB3	ENSG00000182580
3	185741594	185741787	185741690	8	8	1	4.676868829	0.0091584	EPHB3	ENSG00000182580
3	185766175	185766609	185766508	10	17	10	1.700679574	0.0766266	EPHB3	ENSG00000182580
3	185927911	185928172	185928004	9	11	6	1.781664316	0.103344	MAGEF1	ENSG00000177383

3	185960920	185961179	185961045	8	10	0	11.43234603	0.000394183	MAGEF1	ENSG00000177383
3	185967064	185967503	185967320	33	50	3	13.25112835	5.72E-13	VPS8	ENSG00000156931
3	185978386	185978579	185978482	8	8	2	3.117912553	0.0283184	VPS8	ENSG00000156931
3	185982866	185983197	185983031	16	19	0	20.78608368	6.46E-07	VPS8	ENSG00000156931
3	186013526	186013725	186013572	8	8	1	4.676868829	0.0091584	VPS8	ENSG00000156931
3	186075677	186075856	186075766	8	8	2	3.117912553	0.0283184	VPS8	ENSG00000156931
3	186110783	186110964	186110873	8	8	0	9.353737658	0.00163931	VPS8	ENSG00000156931
3	186365585	186365782	186365681	8	8	4	1.870747532	0.118863	C3orf70	ENSG00000187068
3	186471041	186471231	186471136	8	8	0	9.353737658	0.00163931	EHHADH	ENSG00000113790
3	186481373	186481578	186481506	10	10	5	1.905391004	0.0915982	EHHADH	ENSG00000113790
3	186536231	186536635	186536410	10	17	5	3.117912553	0.00407023	MAP3K13	ENSG00000073803
3	186563118	186563327	186563222	9	9	2	3.464347281	0.0163838	MAP3K13	ENSG00000073803
3	186699415	186699696	186699584	9	13	12	1.11925066	0.384109	TMEM41A	ENSG00000163900
3	186786337	186786646	186786491	8	12	10	1.228268581	0.305344	SENP2	ENSG00000163904
3	186873169	186873348	186873258	9	9	1	5.196520921	0.00490062	C3orf65	ENSG00000163915
3	186918257	186918802	186918436	44	63	6	9.502209684	3.93E-14	C3orf65	ENSG00000163915
3	186961541	186961721	186961703	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C3orf65	ENSG00000163915
3	187047269	187047453	187047404	8	9	0	10.39304184	0.000803859	IGF2BP2	ENSG00000073792
3	187137599	187137813	187137706	10	11	4	2.494330042	0.0324033	SFRS10	ENSG00000136527
3	187144030	187144279	187144133	10	10	3	2.858086507	0.0242838	SFRS10	ENSG00000136527
3	187251531	187251766	187251644	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208376
3	187276465	187276789	187276623	27	28	1	15.06991067	1.67E-08		ENSG00000208376
3	187508074	187508373	187508226	8	11	6	1.781664316	0.103344	DGKG	ENSG00000058866
3	187569300	187569520	187569410	13	13	2	4.850086193	0.00164564	DGKG	ENSG00000058866
3	187673191	187673468	187673294	8	10	5	1.905391004	0.0915982	CRYGS	ENSG00000213139
3	187676709	187677112	187676888	32	42	2	14.89669331	1.32E-11	CRYGS	ENSG00000213139
3	187815404	187815634	187815509	15	16	7	2.208521392	0.0257604	AHSG	ENSG00000145192
3	187922940	187923166	187923087	8	9	3	2.598260461	0.0397929	KNG1	ENSG00000113889
3	187960908	187961288	187961065	10	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000207505
3	187983758	187984031	187983870	17	21	6	3.266384579	0.0013436	EIF4A2	ENSG00000156976
3	187984047	187984280	187984163	8	9	3	2.598260461	0.0397929	EIF4A2	ENSG00000156976
3	187991045	187991280	187991137	11	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000199430
3	188006756	188007050	188006898	8	10	4	2.286469205	0.0509017	RFC4	ENSG00000163918
3	188042115	188042407	188042279	13	15	4	3.32577339	0.00462646	ADIPOQ	ENSG00000181092

3	188056415	188056609	188056512	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ADIPOQ	ENSG00000181092
3	188123367	188123700	188123537	8	11	7	1.558956276	0.158273	ST6GAL1	ENSG00000073849
3	188264325	188264554	188264439	10	13	2	4.850086193	0.00164564	ST6GAL1	ENSG00000073849
3	188267183	188267399	188267286	10	11	4	2.494330042	0.0324033	ST6GAL1	ENSG00000073849
3	188313772	188314123	188313947	12	18	1	9.87338975	1.41E-05	RPL39L	ENSG00000163923
3	188383661	188384050	188383871	57	67	0	70.67268453	9.02E-22	RTP1	ENSG00000175077
3	188452378	188452584	188452497	8	11	1	6.235825105	0.0013754	MASP1	ENSG00000127241
3	188945720	188946184	188946084	9	17	5	3.117912553	0.00407023	BCL6	ENSG00000113916
3	188946344	188946702	188946523	9	15	4	3.32577339	0.00462646	BCL6	ENSG00000113916
3	188948554	188948898	188948730	8	12	4	2.702190879	0.0203088	BCL6	ENSG00000113916
3	188950636	188951042	188950911	10	18	5	3.291129917	0.00248584	BCL6	ENSG00000113916
3	188965038	188965251	188965138	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BCL6	ENSG00000113916
3	188989663	188989931	188989793	10	12	1	6.755477198	0.000722752	BCL6	ENSG00000113916
3	189008999	189009241	189009127	8	11	1	6.235825105	0.0013754	BCL6	ENSG00000113916
3	189009495	189010103	189009644	12	22	8	2.655999582	0.0039122	BCL6	ENSG00000113916
3	189102998	189103178	189103088	10	10	1	5.716173013	0.00260397	BCL6	ENSG00000113916
3	189133415	189133606	189133472	9	11	3	3.117912553	0.0146045	BCL6	ENSG00000113916
3	189237028	189237232	189237130	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213132
3	189237664	189237984	189237824	16	20	7	2.728173484	0.00469378		ENSG00000213132
3	189399167	189399346	189399256	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LPP	ENSG00000145012
3	189562689	189562912	189562749	8	10	3	2.858086507	0.0242838	LPP	ENSG00000145012
3	189562984	189563213	189563098	9	11	5	2.078608368	0.0614303	LPP	ENSG00000145012
3	190039741	190040065	190039915	8	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000207651
3	190155148	190155330	190155258	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TPRG1	ENSG00000188001
3	190176958	190177381	190177130	28	35	1	18.70747532	1.40E-10	TPRG1	ENSG00000188001
3	190296804	190297006	190296908	10	11	4	2.494330042	0.0324033	TPRG1	ENSG00000188001
3	190299481	190299680	190299590	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TPRG1	ENSG00000188001
3	190339433	190339636	190339502	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TPRG1	ENSG00000188001
3	190504965	190505686	190505423	13	34	19	1.818782322	0.0141578	TPRG1	ENSG00000188001
3	190658998	190659453	190659121	12	18	14	1.316451967	0.209896		ENSG00000208357
3	190956811	190957022	190956974	10	10	5	1.905391004	0.0915982	TP63	ENSG00000073282
3	190957218	190957476	190957355	11	13	8	1.616695398	0.123553	TP63	ENSG00000073282
3	190966963	190967352	190967138	11	16	7	2.208521392	0.0257604	TP63	ENSG00000073282
3	191042399	191042652	191042525	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000216058

3	191144953	191145162	191145008	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000216058
3	191238534	191239017	191238713	29	39	4	8.314433474	4.21E-09	LEPREL1	ENSG00000090530
3	191317167	191317589	191317377	50	63	8	7.390607532	9.62E-13	LEPREL1	ENSG00000090530
3	191356747	191356926	191356836	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212489
3	191367896	191368082	191367989	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000212489
3	191526589	191526939	191526730	8	13	2	4.850086193	0.00164564	CLDN1	ENSG00000163347
3	192358117	192358434	192358275	22	26	1	14.03060649	6.50E-08	OSTN	ENSG00000188729
3	192530353	192530532	192530442	8	8	6	1.336248237	0.277651	CCDC50	ENSG00000152492
3	192617548	192617786	192617653	10	11	3	3.117912553	0.0146045	PYDC2	ENSG00000221856
3	192670577	192670756	192670608	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PYDC2	ENSG00000221856
3	192699736	192699955	192699845	8	8	4	1.870747532	0.118863	PYDC2	ENSG00000221856
3	193388844	193389056	193388892	9	9	10	0.944821986	0.553851		ENSG00000222583
3	193474197	193474489	193474325	9	10	2	3.810782009	0.00936112	FGF12	ENSG00000114279
3	193649451	193649668	193649581	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FGF12	ENSG00000114279
3	193667797	193668138	193667967	10	13	9	1.455025858	0.177172	FGF12	ENSG00000114279
3	193767380	193767567	193767473	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000208337
3	193771775	193772009	193771892	11	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000208337
3	193798020	193798483	193798208	19	32	17	1.905391004	0.0116023		ENSG00000208337
3	193807771	193807952	193807861	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208337
3	193928157	193928373	193928265	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000200184
3	193939230	193939467	193939378	10	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000200184
3	193950856	193951081	193950995	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200184
3	194013314	194013723	194013539	10	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000200184
3	194016362	194016687	194016524	10	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000200184
3	194016847	194017098	194016972	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000200184
3	194019442	194019764	194019620	9	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000200184
3	194052365	194052629	194052497	12	15	13	1.187776211	0.317363	C3orf59	ENSG00000180611
3	194052676	194053000	194052838	12	16	3	4.417042783	0.00097367	C3orf59	ENSG00000180611
3	194080185	194080521	194080353	13	17	6	2.672496474	0.00882337	C3orf59	ENSG00000180611
3	194082010	194082189	194082182	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C3orf59	ENSG00000180611
3	194097363	194097763	194097611	16	25	4	5.404381758	1.92E-05	C3orf59	ENSG00000180611
3	194100926	194101119	194101061	9	10	6	1.63319229	0.146906	C3orf59	ENSG00000180611
3	194108434	194108718	194108586	12	15	6	2.375552421	0.0212094	C3orf59	ENSG00000180611
3	194118542	194118751	194118648	9	9	6	1.484720263	0.204387	C3orf59	ENSG00000180611

3	194241645	194241887	194241768	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000220985
3	194287123	194287430	194287294	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000220985
3	194287966	194288173	194288062	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000220985
3	194309669	194309867	194309811	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000220985
3	194338359	194338562	194338460	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000220985
3	194431687	194432044	194431902	9	13	6	2.078608368	0.0483393	HRASLS	ENSG00000127252
3	194475864	194476043	194475953	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ATP13A5	ENSG00000187527
3	194492744	194492963	194492873	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ATP13A5	ENSG00000187527
3	194700569	194700924	194700850	9	13	8	1.616695398	0.123553	ATP13A4	ENSG00000127249
3	194793233	194793839	194793660	28	43	5	7.621564018	1.77E-09	OPA1	ENSG00000198836
3	194882213	194882392	194882302	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000207370
3	194928888	194929111	194928999	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000208326
3	194987594	194987895	194987744	13	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000208326
3	194991998	194992453	194992209	18	29	15	1.948695345	0.0128944		ENSG00000208326
3	195005993	195006400	195006196	15	25	20	1.286757561	0.192726		ENSG00000208326
3	195015170	195015385	195015267	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208326
3	195026940	195027284	195027112	9	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000208326
3	195027764	195027989	195027846	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000208326
3	195029055	195029359	195029207	21	25	10	2.456537163	0.00405907		ENSG00000208326
3	195030286	195030624	195030457	16	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000208326
3	195037953	195038151	195038038	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000208326
3	195049451	195049762	195049617	17	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000208326
3	195052056	195052316	195052186	13	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000208326
3	195054105	195054439	195054272	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000208326
3	195072726	195073133	195072940	23	33	15	2.208521392	0.00315413		ENSG00000214146
3	195079561	195079740	195079695	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000214146
3	195080018	195080277	195080154	11	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000214146
3	195085457	195085674	195085580	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000214146
3	195111471	195111826	195111695	25	30	12	2.478340747	0.00182253		ENSG00000214146
3	195122767	195123320	195123042	18	33	12	2.718180174	0.000523509		ENSG00000214146
3	195170732	195170932	195170808	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000214146
3	195203749	195204312	195204024	9	22	9	2.390399624	0.00747467		ENSG00000214146
3	195271099	195271369	195271264	11	13	5	2.425043097	0.0262442	HES1	ENSG00000114315
3	195276080	195276259	195276237	9	9	10	0.944821986	0.553851	HES1	ENSG00000114315

3	195305629	195305837	195305726	8	9	3	2.598260461	0.0397929	HES1	ENSG00000114315
3	195332909	195333284	195333105	10	16	7	2.208521392	0.0257604	HES1	ENSG00000114315
3	195335308	195335498	195335393	8	8	8	1.039304184	0.46786	HES1	ENSG00000114315
3	195336264	195336944	195336556	14	34	15	2.273477903	0.00217414	HES1	ENSG00000114315
3	195342519	195342698	195342605	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000223332
3	195348824	195349164	195348994	9	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000208324
3	195350866	195351224	195351045	8	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000208324
3	195355255	195355453	195355354	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208324
3	195359293	195359846	195359513	17	30	20	1.534210939	0.0617334		ENSG00000208323
3	195377811	195378005	195377888	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000208323
3	195404902	195405552	195405318	42	65	9	6.859407616	1.25E-12		ENSG00000208323
3	195413609	195413813	195413716	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000208323
3	195515886	195516193	195516039	8	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000214145
3	195572592	195572797	195572759	8	10	6	1.63319229	0.146906	LRRRC15	ENSG00000172061
3	195684643	195684829	195684736	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ATP13A3	ENSG00000133657
3	195696941	195697253	195697104	11	15	11	1.385738912	0.19225		ENSG00000198579
3	195796833	195797107	195796970	10	12	12	1.039304184	0.461227	TMEM44	ENSG00000145014
3	195859750	195859944	195859898	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000221718
3	195874236	195874620	195874453	21	30	13	2.301316408	0.00328017	LSG1	ENSG00000041802
3	195884681	195884908	195884794	9	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM43A	ENSG00000185112
3	195887746	195888031	195887898	9	13	3	3.637564645	0.0050909	FAM43A	ENSG00000185112
3	195888433	195888714	195888572	10	12	3	3.377738599	0.00867157	FAM43A	ENSG00000185112
3	195893745	195893924	195893824	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM43A	ENSG00000185112
3	195971253	195971562	195971407	8	13	7	1.818782322	0.0805123	FAM43A	ENSG00000185112
3	196073449	196073647	196073483	8	9	9	1.039304184	0.466079	FAM43A	ENSG00000185112
3	196073681	196074098	196073919	12	20	13	1.558956276	0.0943292	FAM43A	ENSG00000185112
3	196135695	196135905	196135788	8	9	7	1.29913023	0.286504	C3orf21	ENSG00000173950
3	196139246	196139457	196139382	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C3orf21	ENSG00000173950
3	196187133	196187389	196187261	9	14	2	5.196520921	0.000907371	C3orf21	ENSG00000173950
3	196216847	196217036	196216941	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C3orf21	ENSG00000173950
3	196233001	196233425	196233157	10	20	10	1.98412617	0.0277883	C3orf21	ENSG00000173950
3	196304591	196304991	196304724	9	15	8	1.847651883	0.0631662	C3orf21	ENSG00000173950
3	196307359	196307607	196307483	13	14	14	1.039304184	0.458308	C3orf21	ENSG00000173950
3	196307998	196308218	196308100	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C3orf21	ENSG00000173950

3	196311132	196311311	196311213	9	9	7	1.29913023	0.286504	C3orf21	ENSG00000173950
3	196346824	196347003	196346858	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222825
3	196389407	196390392	196389815	108	168	5	29.27373452	2.21E-45	C3orf21	ENSG00000173950
3	196466133	196466312	196466222	8	8	5	1.558956276	0.191397	C3orf21	ENSG00000173950
3	196473754	196474155	196473998	9	14	3	3.897390691	0.00295882	C3orf21	ENSG00000173950
3	196759649	196760009	196759802	8	13	1	7.27512929	0.000378098	PPP1R2P3	ENSG00000184203
3	196792386	196792762	196792550	18	24	1	12.9913023	2.52E-07	APOD	ENSG00000189058
3	196910684	196910943	196910812	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000207650
3	196916695	196916963	196916829	8	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000205814
3	196921947	196922161	196922054	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000205814
3	196987537	196987759	196987648	10	10	3	2.858086507	0.0242838	MUC4	ENSG00000145113
3	197062218	197062518	197062355	14	15	10	1.511715177	0.140236	MUC4	ENSG00000145113
3	197132916	197133189	197133093	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TNK2	ENSG00000061938
3	197284767	197284954	197284860	8	8	9	0.935373766	0.560286	TFRC	ENSG00000072274
3	197293180	197293442	197293332	8	10	1	5.716173013	0.00260397	TFRC	ENSG00000072274
3	197319318	197319547	197319432	8	11	7	1.558956276	0.158273	TFRC	ENSG00000072274
3	197321790	197322064	197321958	10	11	2	4.157216737	0.0052913	TFRC	ENSG00000072274
3	197324712	197324952	197324832	11	14	1	7.794781382	0.000197021	TFRC	ENSG00000072274
3	197347145	197347329	197347237	8	10	4	2.286469205	0.0509017	TFRC	ENSG00000072274
3	197347359	197348082	197347851	64	98	12	7.914701095	3.14E-19	TFRC	ENSG00000072274
3	197353656	197353982	197353819	12	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000208298
3	197354327	197354651	197354476	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000208298
3	197358354	197358611	197358480	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000208298
3	197380299	197380517	197380420	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000208298
3	197407972	197408155	197408063	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208298
3	197446746	197447030	197446888	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000163959
3	197464646	197464937	197464791	8	9	6	1.484720263	0.204387	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197489180	197489488	197489334	12	15	1	8.314433474	0.000102308	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197490832	197491088	197490934	9	12	5	2.251825733	0.0404733	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197498524	197498829	197498654	9	14	2	5.196520921	0.000907371	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197498847	197499308	197499048	21	31	6	4.751104842	7.27E-06	PCYT1A	ENSG00000161217
3	197531352	197531759	197531526	29	39	2	13.85738912	9.79E-11	TCTEX1D2	ENSG00000213123
3	197554284	197554515	197554399	11	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000212146
3	197570476	197570667	197570572	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212146

3	197643879	197644215	197644047	9	13	11	1.212521548	0.309909	UBXN7	ENSG00000163960
3	197683005	197683213	197683071	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RNF168	ENSG00000163961
3	197714801	197715233	197714949	14	23	5	4.157216737	0.000186738	RNF168	ENSG00000163961
3	197811254	197811622	197811505	8	15	4	3.32577339	0.00462646	FBXO45	ENSG00000174013
3	197820598	197820864	197820735	8	10	8	1.27026067	0.293854	LRRRC33	ENSG00000174004
3	197843707	197843932	197843804	9	10	5	1.905391004	0.0915982	LRRRC33	ENSG00000174004
3	197844887	197845100	197844962	9	10	2	3.810782009	0.00936112	LRRRC33	ENSG00000174004
3	197862147	197862455	197862301	17	19	5	3.464347281	0.00150447	LRRRC33	ENSG00000174004
3	197871713	197871982	197871847	10	11	9	1.247165021	0.300052	LRRRC33	ENSG00000174004
3	197873326	197873537	197873410	10	11	2	4.157216737	0.0052913	LRRRC33	ENSG00000174004
3	197896081	197896401	197896238	10	10	14	0.762156402	0.758589		ENSG00000201441
3	197919832	197920100	197920011	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000201441
3	197955378	197955581	197955479	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000202181
3	197999002	197999429	197999181	13	21	15	1.429043253	0.134782		ENSG00000206892
3	198004292	198004854	198004655	17	32	16	2.017472828	0.00740095		ENSG00000206892
3	198161765	198161944	198161854	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NCBP2	ENSG00000114503
3	198163321	198163500	198163410	9	9	2	3.464347281	0.0163838	NCBP2	ENSG00000114503
3	198189997	198190215	198190091	8	8	6	1.336248237	0.277651	PIGZ	ENSG00000119227
3	198217520	198217701	198217607	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MFI2	ENSG00000163975
3	198312038	198312291	198312138	8	11	11	1.039304184	0.462773	MFI2	ENSG00000163975
3	198435391	198435589	198435490	9	10	9	1.143234603	0.378307	DLG1	ENSG00000075711
3	198510539	198510796	198510667	9	11	2	4.157216737	0.0052913	DLG1	ENSG00000075711
3	198578820	198579043	198578931	9	9	0	10.39304184	0.000803859	DLG1	ENSG00000075711
3	198583613	198583802	198583707	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DLG1	ENSG00000075711
3	198614489	198614769	198614629	12	14	2	5.196520921	0.000907371	DLG1	ENSG00000075711
3	198639658	198639895	198639736	8	10	1	5.716173013	0.00260397	BDH1	ENSG00000161267
3	198678312	198678492	198678343	8	9	4	2.078608368	0.0785659	BDH1	ENSG00000161267
3	198694643	198694921	198694792	13	16	6	2.524024447	0.0137633	BDH1	ENSG00000161267
3	198699282	198699734	198699588	13	22	6	3.414856605	0.000820885	BDH1	ENSG00000161267
3	198714885	198715259	198715036	12	17	3	4.676868829	0.000552213	BDH1	ENSG00000161267
3	198716008	198716189	198716128	8	10	3	2.858086507	0.0242838	BDH1	ENSG00000161267
3	198721111	198721359	198721216	8	10	3	2.858086507	0.0242838	BDH1	ENSG00000161267
3	198734194	198734373	198734221	8	8	2	3.117912553	0.0283184	BDH1	ENSG00000161267
3	198750190	198750395	198750235	8	10	3	2.858086507	0.0242838	BDH1	ENSG00000161267

3	198751091	198751372	198751214	12	14	6	2.227080395	0.0322529	BDH1	ENSG00000161267
3	198752379	198752691	198752549	10	15	14	1.10859113	0.386477	BDH1	ENSG00000161267
3	198765818	198766118	198765968	12	16	5	2.944695189	0.00659886	BDH1	ENSG00000161267
3	198786699	198786985	198786821	11	13	7	1.818782322	0.0805123	BDH1	ENSG00000161267
3	198810290	198810493	198810434	10	11	7	1.558956276	0.158273	BDH1	ENSG00000161267
3	198869767	198870065	198869916	10	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000216042
3	198870485	198870847	198870672	14	20	13	1.558956276	0.0943292		ENSG00000216042
3	198881847	198882026	198881916	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216042
3	198923605	198923954	198923779	10	15	6	2.375552421	0.0212094	KIAA0226	ENSG00000145016
3	199003170	199003469	199003330	8	9	1	5.196520921	0.00490062	LRCH3	ENSG00000186001
3	199117365	199117686	199117540	8	12	12	1.039304184	0.461227		ENSG00000199306
3	199161218	199161679	199161569	10	22	12	1.838768941	0.0349935	RPL35A	ENSG00000182899
3	199167691	199167873	199167860	8	10	2	3.810782009	0.00936112	IQCG	ENSG00000114473
3	199227818	199227997	199227934	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000201622
3	199282855	199283038	199282900	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212297
4	6293	6800	6505	138	154	3	40.27303714	9.33E-44	ZNF595	ENSG00000197701
4	19226	19456	19356	12	12	5	2.251825733	0.0404733	ZNF595	ENSG00000197701
4	34460	34655	34606	9	11	6	1.781664316	0.103344	ZNF595	ENSG00000197701
4	35010	35256	35133	8	10	5	1.905391004	0.0915982	ZNF595	ENSG00000197701
4	42864	43398	43236	12	24	22	1.129678461	0.335754	ZNF595	ENSG00000197701
4	45824	46132	45964	8	10	13	0.816596145	0.696946	ZNF718	ENSG00000215383
4	47136	47358	47200	9	12	9	1.35109544	0.232899	ZNF718	ENSG00000215383
4	48913	49255	49087	9	14	4	3.117912553	0.00766354	ZNF718	ENSG00000215383
4	197824	198022	197956	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ZNF732	ENSG00000198155
4	789287	789592	789439	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CPLX1	ENSG00000168993
4	1526795	1527043	1526951	10	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000207009
4	1742332	1742656	1742501	20	24	1	12.9913023	2.52E-07	FGFR3	ENSG00000068078
4	2359931	2360124	2360009	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ZFYVE28	ENSG00000159733
4	2555050	2555394	2555221	12	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000206738
4	3163526	3163944	3163774	16	23	3	6.235825105	1.63E-05	C4orf44	ENSG00000188981
4	3186895	3187142	3186988	8	9	4	2.078608368	0.0785659	C4orf44	ENSG00000188981
4	3408413	3408831	3408596	85	100	3	26.24243065	1.37E-27	HGFAC	ENSG00000109758
4	3412519	3412741	3412639	8	8	3	2.338434415	0.0641221	HGFAC	ENSG00000109758
4	3457550	3457813	3457681	9	10	1	5.716173013	0.00260397	DOK7	ENSG00000175920

4	3756032	3756344	3756183	16	18	0	19.7467795	1.32E-06	ADRA2C	ENSG00000184160
4	3992726	3992977	3992857	16	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000151539
4	5038553	5038864	5038714	25	25	1	13.5109544	1.28E-07	CYTL1	ENSG00000170891
4	5175429	5175608	5175445	8	8	1	4.676868829	0.0091584	STK32B	ENSG00000152953
4	5418466	5418647	5418556	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000201496
4	5825759	5826200	5826021	37	46	0	48.84729666	2.85E-15	EVC	ENSG00000072840
4	5965179	5965647	5965428	22	35	7	4.676868829	2.52E-06	CRMP1	ENSG00000072832
4	6064362	6064579	6064481	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000181215
4	6080635	6080817	6080663	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000181215
4	6317308	6317653	6317480	18	24	0	25.98260461	1.83E-08	WFS1	ENSG00000109501
4	6380074	6380253	6380199	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PPP2R2C	ENSG00000074211
4	6693178	6693357	6693315	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MRFAP1	ENSG00000179010
4	6726550	6726765	6726651	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000170846
4	6740627	6740897	6740775	12	12	5	2.251825733	0.0404733	S100P	ENSG00000163993
4	6741448	6741775	6741570	8	13	0	14.55025858	4.65E-05	S100P	ENSG00000163993
4	6748359	6748780	6748522	8	14	9	1.558956276	0.132279	S100P	ENSG00000163993
4	7039491	7039692	7039603	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000202392
4	7308311	7308494	7308402	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SORCS2	ENSG00000184985
4	7754696	7755160	7754958	24	35	1	18.70747532	1.40E-10	AFAP1	ENSG00000196526
4	7858182	7858501	7858341	8	13	2	4.850086193	0.00164564	AFAP1	ENSG00000196526
4	7992636	7992853	7992769	10	10	2	3.810782009	0.00936112	AFAP1	ENSG00000196526
4	8116331	8116670	8116491	32	36	1	19.22712741	7.03E-11		ENSG00000207807
4	8235996	8236232	8236080	8	11	6	1.781664316	0.103344	SH3TC1	ENSG00000125089
4	8335014	8335208	8335173	9	9	0	10.39304184	0.000803859	HTRA3	ENSG00000170801
4	8639269	8639474	8639371	10	10	2	3.810782009	0.00936112	CPZ	ENSG00000109625
4	8772245	8772479	8772362	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CPZ	ENSG00000109625
4	9726690	9727008	9726849	9	14	1	7.794781382	0.000197021	WDR1	ENSG00000071127
4	9785087	9785285	9785209	10	10	4	2.286469205	0.0509017	WDR1	ENSG00000071127
4	10826860	10827076	10826968	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207716
4	10909761	10910015	10909895	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000207716
4	11077506	11077699	11077532	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HS3ST1	ENSG00000002587
4	13444108	13444343	13444225	8	10	0	11.43234603	0.000394183	FAM44A	ENSG00000038219
4	14611902	14612313	14612081	21	30	0	32.21842971	2.55E-10	CPEB2	ENSG00000137449
4	14613241	14613426	14613299	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CPEB2	ENSG00000137449

4	14842151	14842398	14842297	9	10	2	3.810782009	0.00936112	C1QTNF7	ENSG00000163145
4	14849615	14849860	14849694	11	14	1	7.794781382	0.000197021	C1QTNF7	ENSG00000163145
4	15291930	15292646	15292235	47	77	5	13.5109544	7.70E-19	BST1	ENSG00000109743
4	15567050	15567242	15567157	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FGFBP2	ENSG00000137441
4	15612073	15612431	15612252	9	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000209943
4	15761970	15762149	15762084	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PROM1	ENSG00000007062
4	17633377	17633635	17633539	9	9	1	5.196520921	0.00490062	LCORL	ENSG00000178177
4	21080283	21080491	21080399	12	12	2	4.503651465	0.002963	KCNIP4	ENSG00000185774
4	22132788	22132967	22132877	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GPR125	ENSG00000152990
4	24242833	24243027	24242930	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DHX15	ENSG00000109606
4	24298084	24298301	24298249	8	10	5	1.905391004	0.0915982	DHX15	ENSG00000109606
4	24374404	24374767	24374588	18	25	0	27.02190879	8.98E-09	SOD3	ENSG00000109610
4	24474271	24474535	24474431	11	12	1	6.755477198	0.000722752	CCDC149	ENSG00000181982
4	24479785	24479972	24479878	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CCDC149	ENSG00000181982
4	24584190	24584401	24584340	13	14	4	3.117912553	0.00766354	CCDC149	ENSG00000181982
4	24631992	24632308	24632144	12	14	1	7.794781382	0.000197021	LGI2	ENSG00000153012
4	24884306	24884491	24884345	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222358
4	25270469	25270648	25270558	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLC34A2	ENSG00000157765
4	25931285	25931571	25931428	10	12	2	4.503651465	0.002963	RBPJ	ENSG00000168214
4	26017417	26017734	26017586	37	40	3	10.65286789	3.85E-10	RBPJ	ENSG00000168214
4	26194634	26194843	26194738	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TBC1D19	ENSG00000109680
4	26558833	26559024	26558928	8	8	0	9.353737658	0.00163931	STIM2	ENSG00000109689
4	26705593	26705873	26705733	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000205830
4	27295317	27295504	27295410	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000221807
4	27925177	27925384	27925280	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000210070
4	27962482	27962882	27962703	24	31	3	8.314433474	1.18E-07		ENSG00000210070
4	29110853	29111111	29111006	14	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000209052
4	29493768	29493947	29493857	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212045
4	32968636	32968921	32968804	8	9	1	5.196520921	0.00490062		
4	33425107	33425343	33425225	10	10	3	2.858086507	0.0242838		
4	34924991	34925318	34925157	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000206665
4	35178851	35179200	35179025	17	23	1	12.47165021	4.94E-07		ENSG00000206665
4	35197958	35198473	35198294	117	134	4	28.06121297	1.72E-36		ENSG00000206665
4	36677961	36678262	36678125	9	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000215243

4	37206246	37206474	37206368	9	9	2	3.464347281	0.0163838	C4orf19	ENSG00000154274
4	37480180	37480359	37480266	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PGM2	ENSG00000169299
4	37513979	37514280	37514143	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PGM2	ENSG00000169299
4	38209256	38209435	38209341	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211560
4	38243372	38243554	38243463	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000211560
4	38248127	38248376	38248243	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000211560
4	38281170	38281349	38281259	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KLF3	ENSG00000109787
4	38845028	38845547	38845276	24	39	0	41.57216737	4.18E-13	WDR19	ENSG00000157796
4	39136680	39136877	39136778	9	9	1	5.196520921	0.00490062	RPL9	ENSG00000163682
4	39147455	39147693	39147574	9	10	5	1.905391004	0.0915982	LIAS	ENSG00000121897
4	39934451	39934644	39934547	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RHOH	ENSG00000168421
4	40014017	40014212	40014106	8	10	6	1.63319229	0.146906	CHRNA9	ENSG00000174343
4	40279284	40279463	40279373	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RBM47	ENSG00000163694
4	40326623	40326967	40326795	9	13	3	3.637564645	0.0050909	RBM47	ENSG00000163694
4	40327122	40327301	40327211	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RBM47	ENSG00000163694
4	40605594	40605773	40605683	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000210261
4	40829026	40829369	40829194	21	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000207198
4	40841596	40842184	40841775	37	55	0	58.20103432	4.67E-18		ENSG00000207198
4	40892526	40892705	40892615	8	8	0	9.353737658	0.00163931	APBB2	ENSG00000163697
4	40913281	40913592	40913436	8	11	3	3.117912553	0.0146045	APBB2	ENSG00000163697
4	41015680	41015915	41015797	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207481
4	41686843	41687084	41686963	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SLC30A9	ENSG00000014824
4	42020555	42020969	42020792	14	22	2	7.967998746	6.43E-06	SHISA3	ENSG00000178343
4	42354065	42354307	42354187	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ATP8A1	ENSG00000124406
4	47818060	47818253	47818211	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000210391
4	48037774	48037975	48037915	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SLAIN2	ENSG00000109171
4	48476851	48477098	48477026	8	10	1	5.716173013	0.00260397	FRYL	ENSG00000075539
4	48498957	48499136	48499046	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FRYL	ENSG00000075539
4	48541723	48541928	48541778	8	11	0	12.47165021	0.000193293	OCIAD1	ENSG00000109180
4	48659901	48660131	48660008	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000109182
4	48794277	48794456	48794427	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000222437
4	48804557	48804886	48804721	17	17	13	1.336248237	0.204556		ENSG00000222437
4	48816077	48816406	48816241	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000222437
4	48846365	48846702	48846533	59	59	73	0.842679068	0.839363		ENSG00000222437

4	48850241	48850579	48850410	36	38	38	1.039304184	0.432628		ENSG00000222437
4	49191702	49192030	49191872	23	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000221256
4	49336204	49336386	49336232	14	14	10	1.417232979	0.185113		ENSG00000223099
4	49347369	49347702	49347535	19	20	24	0.873015515	0.679256		ENSG00000223099
4	52405613	52405833	52405710	9	9	3	2.598260461	0.0397929	DCUN1D4	ENSG00000109184
4	52612762	52613195	52612936	43	52	2	18.36104059	1.58E-14	SPATA18	ENSG00000163071
4	53529149	53529454	53529304	10	12	1	6.755477198	0.000722752	RASL11B	ENSG00000128045
4	54152532	54152779	54152655	8	10	3	2.858086507	0.0242838	LNX1	ENSG00000072201
4	54205652	54205859	54205736	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LNX1	ENSG00000072201
4	54980675	54981035	54980854	24	31	1	16.62886695	2.16E-09	PDGFRA	ENSG00000134853
4	55219742	55219929	55219848	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KIT	ENSG00000157404
4	55404070	55404435	55404236	10	14	3	3.897390691	0.00295882	KIT	ENSG00000157404
4	57724533	57724791	57724662	11	11	0	12.47165021	0.000193293	IGFBP7	ENSG00000163453
4	67946748	67947443	67946926	66	111	119	0.970017239	0.592117		ENSG00000206629
4	67947930	67948684	67948149	72	168	213	0.820758912	0.973079		ENSG00000206629
4	67948778	67949307	67948956	13	24	39	0.649565115	0.957933		ENSG00000206629
4	69969491	69969703	69969594	9	10	1	5.716173013	0.00260397	UGT2B7	ENSG00000171234
4	70331255	70331476	70331365	13	13	10	1.32275078	0.240023		ENSG00000210783
4	70549933	70550212	70550072	12	15	0	16.62886695	1.12E-05	UGT2A1	ENSG00000173610
4	70608192	70608538	70608365	8	13	1	7.27512929	0.000378098	SULT1B1	ENSG00000173597
4	70723841	70724088	70723924	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	SULT1E1	ENSG00000109193
4	71098236	71098416	71098299	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ODAM	ENSG00000109205
4	71170079	71170282	71170180	9	10	0	11.43234603	0.000394183	CSN3	ENSG00000171209
4	71772748	71773059	71772887	16	19	6	2.969440526	0.0035096	UTP3	ENSG00000132467
4	71785946	71786218	71786082	16	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000207448
4	72077804	72078075	72077920	10	13	3	3.637564645	0.0050909	DCK	ENSG00000156136
4	72242788	72243026	72242936	8	11	0	12.47165021	0.000193293	SLC4A4	ENSG00000080493
4	72739039	72739277	72739158	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210828
4	73478862	73479143	73479002	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ADAMTS3	ENSG00000156140
4	74044035	74044241	74044138	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000210833
4	74370461	74370686	74370573	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000221639
4	75500339	75500519	75500429	10	10	1	5.716173013	0.00260397	AREG	ENSG00000109321
4	76030731	76031122	76030926	80	93	1	48.84729666	3.96E-28		ENSG00000169116
4	76262292	76262600	76262449	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000179272

4	76796884	76797074	76796979	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000201644
4	77026067	77026401	77026234	17	17	13	1.336248237	0.204556		ENSG00000210905
4	77053538	77053717	77053627	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PPEF2	ENSG00000156194
4	77136033	77136317	77136175	19	21	0	22.86469205	1.55E-07	SDAD1	ENSG00000198301
4	77288402	77288727	77288564	9	14	7	1.948695345	0.0559175	NUP54	ENSG00000138750
4	77348589	77348824	77348698	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SCARB2	ENSG00000138760
4	77528650	77528941	77528806	16	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000210916
4	77720170	77720604	77720459	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000207307
4	77922066	77922419	77922314	17	21	4	4.572938411	0.000186332	SHROOM3	ENSG00000138771
4	78106126	78106339	78106281	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000186210
4	78473093	78473475	78473272	45	53	0	56.12242595	1.94E-17	CCNG2	ENSG00000138764
4	78482586	78482983	78482788	27	35	0	37.41495063	7.22E-12	CXCL13	ENSG00000156234
4	78484174	78484547	78484368	44	52	5	9.180520294	6.83E-12	CXCL13	ENSG00000156234
4	78704623	78704902	78704762	8	11	4	2.494330042	0.0324033	CXCL13	ENSG00000156234
4	78958445	78958734	78958589	11	14	3	3.897390691	0.00295882	CNOT6L	ENSG00000138767
4	79002764	79003188	79002976	10	18	10	1.795161773	0.055383	MRPL1	ENSG00000169288
4	79020885	79021406	79021169	31	47	2	16.62886695	4.62E-13	MRPL1	ENSG00000169288
4	80492568	80492869	80492718	10	12	17	0.750608578	0.78992	ARD1B	ENSG00000156269
4	83514233	83514413	83514335	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HNRNPD	ENSG00000138668
4	83683467	83683757	83683612	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000213632
4	83817664	83817862	83817763	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000198594
4	84174905	84175521	84175078	11	23	5	4.157216737	0.000186738	COPS4	ENSG00000138663
4	84250521	84250916	84250779	9	16	4	3.533634226	0.00276486	PLAC8	ENSG00000145287
4	84311104	84311743	84311367	109	139	1	72.7512929	3.40E-42	PLAC8	ENSG00000145287
4	86106709	86106960	86106834	9	12	1	6.755477198	0.000722752	C4orf12	ENSG00000180769
4	87459599	87459931	87459764	42	43	4	9.145876821	3.46E-10	MAPK10	ENSG00000109339
4	87727633	87727859	87727761	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	PTPN13	ENSG00000163629
4	88117916	88118138	88118027	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000152575
4	88381514	88381818	88381666	16	17	2	6.235825105	0.000146695	KLHL8	ENSG00000145332
4	88382048	88382240	88382144	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KLHL8	ENSG00000145332
4	88444877	88445140	88444979	13	14	2	5.196520921	0.000907371	HSD17B13	ENSG00000170509
4	89245185	89245485	89245335	11	14	2	5.196520921	0.000907371	ABCG2	ENSG00000118777
4	89285122	89285380	89285281	12	14	2	5.196520921	0.000907371	ABCG2	ENSG00000118777
4	89424794	89425113	89424953	9	13	2	4.850086193	0.00164564	PPM1K	ENSG00000163644

4	89595646	89595878	89595710	9	10	0	11.43234603	0.000394183	HERC5	ENSG00000138646
4	90821313	90821883	90821545	113	145	4	30.34768218	9.18E-40	SNCA	ENSG00000145335
4	91277549	91277737	91277643	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000184305
4	91981023	91981334	91981191	15	18	1	9.87338975	1.41E-05	TMSL3	ENSG00000187653
4	93137309	93137513	93137418	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000214910
4	93846153	93846334	93846238	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211179
4	94725671	94725988	94725825	10	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000209063
4	96331310	96331542	96331459	8	9	1	5.196520921	0.00490062	BMP1B	ENSG00000138696
4	97883650	97883975	97883812	11	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000109238
4	98072155	98072362	98072258	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000109238
4	98131240	98131419	98131329	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000109238
4	98730354	98730585	98730489	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000216036
4	99383165	99383360	99383232	9	10	2	3.810782009	0.00936112	RAP1GDS1	ENSG00000138698
4	99714113	99714304	99714201	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000203420
4	100103679	100103916	100103751	13	15	1	8.314433474	0.000102308	FAM177A2	ENSG00000214886
4	100187519	100187698	100187608	8	8	3	2.338434415	0.0641221	METAP1	ENSG00000164024
4	101328039	101328241	101328088	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DDIT4L	ENSG00000145358
4	101920440	101920623	101920531	8	8	3	2.338434415	0.0641221	EMCN	ENSG00000164035
4	101949036	101949284	101949114	10	10	2	3.810782009	0.00936112	EMCN	ENSG00000164035
4	102185799	102186031	102185910	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000214865
4	102229396	102229594	102229486	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000214865
4	102309468	102309792	102309624	13	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000197473
4	102341694	102341950	102341851	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000197473
4	103121869	103122117	103121993	10	11	5	2.078608368	0.0614303	BANK1	ENSG00000153064
4	103805772	103805982	103805877	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000213538
4	103819306	103819500	103819403	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000213538
4	104649972	104650380	104650151	10	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000221522
4	106020095	106020290	106020169	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000211278
4	106112055	106112519	106112340	25	34	1	18.18782322	2.77E-10		ENSG00000211278
4	106163940	106164246	106164107	9	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000211278
4	106285791	106286216	106286037	10	20	3	5.456346967	9.70E-05	TET2	ENSG00000168769
4	106333575	106333754	106333664	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TET2	ENSG00000168769
4	106735343	106735569	106735456	15	17	2	6.235825105	0.000146695		ENSG00000138784
4	106754010	106754213	106754106	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000138784

4	106773945	106774223	106774084	14	14	1	7.794781382	0.000197021	INTS12	ENSG00000138785
4	106823665	106824001	106823837	12	16	2	5.889390377	0.000270741	INTS12	ENSG00000138785
4	106848962	106849251	106849089	9	12	1	6.755477198	0.000722752	INTS12	ENSG00000138785
4	106849268	106849456	106849337	10	11	0	12.47165021	0.000193293	GSTCD	ENSG00000138780
4	107034913	107035254	107035084	19	24	3	6.495651151	8.89E-06	NPNT	ENSG00000168743
4	107040622	107040808	107040712	9	9	1	5.196520921	0.00490062	NPNT	ENSG00000168743
4	107075576	107075776	107075676	10	10	1	5.716173013	0.00260397	NPNT	ENSG00000168743
4	107097632	107097892	107097718	9	10	3	2.858086507	0.0242838	NPNT	ENSG00000168743
4	107106792	107107080	107106945	8	10	1	5.716173013	0.00260397	NPNT	ENSG00000168743
4	107116900	107117179	107117011	10	11	3	3.117912553	0.0146045	NPNT	ENSG00000168743
4	107155133	107155338	107155235	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NPNT	ENSG00000168743
4	107375795	107375980	107375887	9	9	0	10.39304184	0.000803859	SCYE1	ENSG00000164022
4	107456890	107457194	107457057	9	12	4	2.702190879	0.0203088	SCYE1	ENSG00000164022
4	108519933	108520373	108520194	28	40	1	21.30573578	4.48E-12		ENSG00000211308
4	109490970	109491404	109491145	9	16	4	3.533634226	0.00276486	LEF1	ENSG00000138795
4	111029552	111029758	111029722	8	8	1	4.676868829	0.0091584	EGF	ENSG00000138798
4	111908513	111908726	111908619	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216134
4	112782733	112783076	112782897	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000200963
4	112915302	112915545	112915423	9	9	3	2.598260461	0.0397929	C4orf32	ENSG00000174749
4	114493566	114493899	114493732	11	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000209187
4	114701771	114702159	114701955	15	23	2	8.314433474	3.41E-06		ENSG00000206820
4	114786600	114786793	114786696	9	9	3	2.598260461	0.0397929	CAMK2D	ENSG00000145349
4	115198373	115198606	115198501	9	11	0	12.47165021	0.000193293	ARSJ	ENSG00000180801
4	116565460	116565697	116565584	10	11	2	4.157216737	0.0052913	NDST4	ENSG00000138653
4	116722236	116722435	116722303	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NDST4	ENSG00000138653
4	116985037	116985216	116985126	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209247
4	117110423	117110731	117110577	14	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000209247
4	119537878	119538221	119538049	22	27	0	29.10051716	2.16E-09	PRSS12	ENSG00000164099
4	119626441	119626740	119626590	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	CEP170L	ENSG00000154608
4	119904214	119904393	119904303	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SEC24D	ENSG00000150961
4	120006518	120006733	120006656	9	10	1	5.716173013	0.00260397	SYNPO2	ENSG00000172403
4	122366933	122367254	122367102	30	33	1	17.66817113	5.50E-10		ENSG00000212169
4	123743872	123744200	123744045	26	28	1	15.06991067	1.67E-08	IL21	ENSG00000138684
4	123917578	123917925	123917751	28	32	0	34.29703808	6.12E-11	BBS12	ENSG00000181004

4	123938688	123939231	123938988	83	108	3	28.32103902	5.72E-30	FGF2	ENSG00000138685
4	124979117	124979376	124979246	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213466
4	125853648	125853830	125853742	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ANKRD50	ENSG00000151458
4	126028425	126028662	126028525	11	11	7	1.558956276	0.158273	ANKRD50	ENSG00000151458
4	126054096	126054523	126054327	33	48	0	50.92590503	6.85E-16	ANKRD50	ENSG00000151458
4	128402104	128402494	128402306	42	52	1	27.54156088	1.11E-15		ENSG00000199862
4	128923916	128924299	128924130	26	33	1	17.66817113	5.50E-10	HSPA4L	ENSG00000164070
4	129429434	129429623	129429528	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PGRMC2	ENSG00000164040
4	129826661	129827047	129826886	20	27	1	14.55025858	3.30E-08		ENSG00000209148
4	132951139	132951518	132951306	33	39	1	20.78608368	8.93E-12		ENSG00000209132
4	133199860	133200108	133199988	11	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000209132
4	134530930	134531136	134531033	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221637
4	136277303	136277652	136277477	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000221569
4	138670362	138670548	138670485	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PCDH18	ENSG00000189184
4	140051465	140051725	140051593	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000208970
4	140120495	140120752	140120622	17	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000208970
4	140384111	140384355	140384229	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000206722
4	140594076	140594389	140594247	8	11	3	3.117912553	0.0146045	RAB33B	ENSG00000172007
4	140817601	140817947	140817774	34	40	1	21.30573578	4.48E-12		ENSG00000201533
4	141281896	141282116	141282006	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SCOC	ENSG00000153130
4	141868698	141868929	141868813	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000207155
4	143041319	143041525	143041422	11	12	2	4.503651465	0.002963	IL15	ENSG00000164136
4	144441498	144441701	144441616	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000200049
4	144476567	144476790	144476678	10	12	1	6.755477198	0.000722752	GAB1	ENSG00000109458
4	147382702	147382934	147382803	8	9	0	10.39304184	0.000803859	LSM6	ENSG00000164167
4	148348901	148349082	148349075	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221369
4	148824609	148825054	148824886	9	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000164169
4	149187917	149188402	149188223	15	23	2	8.314433474	3.41E-06		ENSG00000208847
4	150905151	150905343	150905247	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000208833
4	151356386	151356591	151356422	8	9	2	3.464347281	0.0163838	DCLK2	ENSG00000170390
4	153399531	153399918	153399790	22	31	0	33.2577339	1.25E-10		ENSG00000208788
4	153493129	153493429	153493279	12	16	1	8.834085566	5.30E-05	FBXW7	ENSG00000109670
4	157911887	157912406	157912184	67	88	3	23.1245181	4.91E-24	PDGFC	ENSG00000145431
4	159311747	159312223	159312003	37	50	1	26.5022567	4.44E-15	C4orf18	ENSG00000164125

4	160824717	160824954	160824799	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000208635
4	161459836	161460088	161459962	8	8	8	1.039304184	0.46786		ENSG00000208632
4	163478851	163479127	163479011	12	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000208630
4	164635103	164635297	164635200	8	8	5	1.558956276	0.191397	C4orf43	ENSG00000198498
4	165677439	165677737	165677565	21	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000223037
4	166969570	166969761	166969665	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TLL1	ENSG00000038295
4	169054889	169055303	169055060	37	47	2	16.62886695	4.62E-13		ENSG00000221576
4	169699579	169699784	169699723	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PALLD	ENSG00000129116
4	169943185	169943364	169943251	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000214676
4	170191523	170191772	170191647	11	12	5	2.251825733	0.0404733	CBR4	ENSG00000145439
4	170227756	170227973	170227864	13	15	3	4.157216737	0.00170423	CBR4	ENSG00000145439
4	170729192	170729428	170729304	10	10	0	11.43234603	0.000394183	NEK1	ENSG00000137601
4	174139963	174140408	174140185	27	39	3	10.39304184	7.32E-10		ENSG00000205182
4	174325512	174325867	174325639	9	13	2	4.850086193	0.00164564	GALNT7	ENSG00000109586
4	177477694	177477879	177477786	8	8	4	1.870747532	0.118863	SPCS3	ENSG00000129128
4	178669797	178670104	178669950	27	29	3	7.794781382	4.12E-07		ENSG00000221499
4	187857497	187857963	187857676	25	33	0	35.33634226	3.00E-11	FAT1	ENSG00000083857
4	188078662	188079027	188078841	18	24	0	25.98260461	1.83E-08	FAT1	ENSG00000083857
4	190812168	190812347	190812257	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000202215
5	67609	67987	67808	45	54	0	57.16173013	9.52E-18	PLEKHG4B	ENSG00000153404
5	148986	149194	149085	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PLEKHG4B	ENSG00000153404
5	972529	972809	972669	12	16	2	5.889390377	0.000270741	TRIP13	ENSG00000071539
5	1126509	1126908	1126686	20	25	0	27.02190879	8.98E-09	NKD2	ENSG00000145506
5	1257986	1258245	1258085	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SLC6A19	ENSG00000174358
5	1300004	1300241	1300122	9	9	0	10.39304184	0.000803859	SLC6A18	ENSG00000164363
5	1853652	1853932	1853792	8	10	0	11.43234603	0.000394183	NDUFS6	ENSG00000145494
5	1997522	1997810	1997660	10	10	3	2.858086507	0.0242838	IRX4	ENSG00000113430
5	2253703	2254068	2253889	8	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000201026
5	2833561	2833765	2833695	13	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000215233
5	4072553	4072942	4072804	14	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000221195
5	6549084	6549276	6549180	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000215218
5	6552215	6552394	6552304	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000215218
5	6729137	6729527	6729286	22	28	0	30.13982134	1.06E-09	POLS	ENSG00000112941
5	6818824	6819099	6818933	17	19	9	2.078608368	0.0241848	POLS	ENSG00000112941

5	8510277	8510463	8510348	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209923
5	10360523	10360775	10360649	10	12	4	2.702190879	0.0203088	CMBL	ENSG00000164237
5	10363528	10363749	10363638	9	11	1	6.235825105	0.0013754	CMBL	ENSG00000164237
5	10406162	10406569	10406319	8	13	1	7.27512929	0.000378098	6-Mar	ENSG00000145495
5	10406783	10407024	10406903	8	10	1	5.716173013	0.00260397	6-Mar	ENSG00000145495
5	10581403	10581938	10581741	40	59	1	31.17912553	8.52E-18		ENSG00000214179
5	10592147	10592458	10592302	14	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000214179
5	10643744	10644035	10643889	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ANKRD33B	ENSG00000164236
5	14381584	14381770	14381677	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TRIO	ENSG00000038382
5	14780500	14780745	14780622	8	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000212736
5	14847035	14847407	14847194	8	13	3	3.637564645	0.0050909	ANKH	ENSG00000154122
5	14999821	15000287	15000124	30	41	4	8.730155148	1.21E-09		ENSG00000212036
5	16605541	16605750	16605648	8	9	0	10.39304184	0.000803859	FAM134B	ENSG00000154153
5	16802912	16803161	16803022	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000210038
5	17359432	17359621	17359526	11	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000185296
5	17365461	17365738	17365599	15	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000185296
5	17383496	17383771	17383633	9	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000201715
5	17393932	17394294	17394121	9	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000201715
5	17479537	17479724	17479630	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000185041
5	18542916	18543264	18543106	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000210087
5	19358599	19359007	19358763	21	29	2	10.39304184	7.12E-08		ENSG00000210097
5	19436936	19437227	19437081	16	19	4	4.157216737	0.000560204	CDH18	ENSG00000145526
5	19599578	19599777	19599715	9	9	0	10.39304184	0.000803859	CDH18	ENSG00000145526
5	19820126	19820410	19820294	19	20	2	7.27512929	2.27E-05	CDH18	ENSG00000145526
5	19916696	19916927	19916811	10	12	3	3.377738599	0.00867157	CDH18	ENSG00000145526
5	20145153	20145585	20145503	8	16	6	2.524024447	0.0137633	CDH18	ENSG00000145526
5	23244837	23245016	23244970	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000206912
5	24484016	24484203	24484063	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CDH10	ENSG00000040731
5	27507867	27508157	27508011	12	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000207261
5	28891581	28891829	28891705	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000210223
5	32266692	32266891	32266772	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000199731
5	32952531	32952745	32952638	8	9	5	1.73217364	0.133894	C5orf23	ENSG00000181495
5	34742824	34743053	34742949	8	10	7	1.429043253	0.21536	RAI14	ENSG00000039560
5	35039301	35039522	35039472	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000212082

5	35223972	35224244	35224080	14	16	6	2.524024447	0.0137633	PRLR	ENSG00000113494
5	35233589	35233844	35233716	11	13	1	7.27512929	0.000378098	PRLR	ENSG00000113494
5	35234046	35234451	35234190	9	17	2	6.235825105	0.000146695	PRLR	ENSG00000113494
5	35249420	35249788	35249609	16	23	9	2.494330042	0.00494866	PRLR	ENSG00000113494
5	35249983	35250363	35250190	14	20	5	3.637564645	0.000902929	PRLR	ENSG00000113494
5	35266182	35266510	35266341	9	13	5	2.425043097	0.0262442	PRLR	ENSG00000113494
5	35342633	35342873	35342715	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PRLR	ENSG00000113494
5	35512667	35512902	35512784	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000201368
5	35887147	35887425	35887310	8	11	2	4.157216737	0.0052913	IL7R	ENSG00000168685
5	36187730	36187946	36187838	9	10	1	5.716173013	0.00260397	LMBRD2	ENSG00000164187
5	36478091	36478931	36478411	191	273	9	28.47693465	1.08E-71		ENSG00000222178
5	36732012	36732202	36732024	9	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC1A3	ENSG00000079215
5	36780958	36781371	36781211	12	18	7	2.468347438	0.0112499	NIPBL	ENSG00000164190
5	36913922	36914225	36914162	8	12	2	4.503651465	0.002963	NIPBL	ENSG00000164190
5	37704473	37704781	37704628	9	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000206743
5	37883696	37884191	37883927	92	115	3	30.13982134	4.68E-32	GDNF	ENSG00000168621
5	38462957	38463555	38463255	35	58	2	20.43964896	2.70E-16	EGFLAM	ENSG00000164318
5	38728788	38728968	38728829	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LIFR	ENSG00000113594
5	38766940	38767180	38767060	12	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000205785
5	38866940	38867265	38867096	11	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000205783
5	39752475	39752697	39752586	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DAB2	ENSG00000153071
5	40296653	40296832	40296753	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199361
5	40637165	40637461	40637294	17	19	4	4.157216737	0.000560204		ENSG00000199552
5	40714916	40715182	40715064	10	11	5	2.078608368	0.0614303	PTGER4	ENSG00000171522
5	40733142	40733321	40733170	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PTGER4	ENSG00000171522
5	40791036	40791277	40791197	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	TTC33	ENSG00000113638
5	40871122	40871433	40871266	9	13	6	2.078608368	0.0483393	RPL37	ENSG00000145592
5	40940610	40940829	40940713	15	17	3	4.676868829	0.000552213	C7	ENSG00000112936
5	41158394	41158829	41158568	22	29	3	7.794781382	4.12E-07		ENSG00000171495
5	41481144	41481345	41481244	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PLCXD3	ENSG00000182836
5	42072333	42072525	42072429	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000199487
5	42619136	42619440	42619288	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000215083
5	42634157	42634574	42634365	46	57	3	15.06991067	5.62E-15		ENSG00000215083
5	42635054	42635233	42635143	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000215083

5	42691904	42692101	42692002	11	11	0	12.47165021	0.000193293	CCDC152	ENSG00000198865
5	43043219	43043787	43043533	68	99	3	25.98260461	2.71E-27		ENSG00000177738
5	43078033	43078212	43078156	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000215068
5	43141560	43141793	43141645	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ZNF131	ENSG00000172262
5	43244394	43244882	43244537	13	24	5	4.330434101	0.000108998		ENSG00000177453
5	43465597	43465849	43465723	16	17	2	6.235825105	0.000146695	CCL28	ENSG00000151882
5	43550824	43551009	43550950	8	9	4	2.078608368	0.0785659	C5orf34	ENSG00000172244
5	43618307	43618488	43618397	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213960
5	43995575	43995754	43995607	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000212561
5	44038484	44038751	44038603	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000212561
5	44071596	44071823	44071704	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212561
5	44572431	44572749	44572590	12	16	3	4.417042783	0.00097367	FGF10	ENSG00000070193
5	44764125	44764419	44764272	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000222995
5	44844588	44844832	44844710	9	10	7	1.429043253	0.21536	MRPS30	ENSG00000112996
5	45302870	45303069	45302969	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222945
5	46433326	46433654	46433490	14	14	14	1.039304184	0.458308		
5	49486215	49486551	49486383	32	32	41	0.816596145	0.81062	EMB	ENSG00000170571
5	49537848	49538030	49537875	12	12	12	1.039304184	0.461227	EMB	ENSG00000170571
5	49755065	49755305	49755174	10	11	0	12.47165021	0.000193293	EMB	ENSG00000170571
5	49987589	49987787	49987695	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PARP8	ENSG00000151883
5	52280154	52280359	52280259	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ITGA2	ENSG00000164171
5	52822108	52822619	52822440	37	46	4	9.769459332	5.21E-11	FST	ENSG00000134363
5	53114386	53114635	53114494	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222077
5	53233416	53233595	53233531	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000222960
5	53288369	53288566	53288467	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000207627
5	53736128	53736448	53736288	25	27	0	29.10051716	2.16E-09	HSPB3	ENSG00000169271
5	53772145	53772498	53772321	10	16	0	17.66817113	5.48E-06	HSPB3	ENSG00000169271
5	54221445	54221661	54221580	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221073
5	54236051	54236306	54236180	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000221073
5	54924709	54925063	54924908	10	14	1	7.794781382	0.000197021	PPAP2A	ENSG00000067113
5	55326748	55326928	55326837	8	9	1	5.196520921	0.00490062	IL6ST	ENSG00000134352
5	55452572	55452780	55452676	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210667
5	55767097	55767310	55767194	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000216408
5	55792301	55792621	55792447	8	11	11	1.039304184	0.462773		ENSG00000216408

5	56152343	56152680	56152511	15	20	4	4.365077574	0.000324139	MAP3K1	ENSG00000095015
5	56193734	56193978	56193862	9	11	2	4.157216737	0.0052913	C5orf35	ENSG00000155542
5	56241573	56241845	56241709	9	10	5	1.905391004	0.0915982	C5orf35	ENSG00000155542
5	56399123	56399573	56399313	94	113	0	118.480677	5.24E-36		ENSG00000218706
5	56505367	56505744	56505535	9	15	4	3.32577339	0.00462646	GPBP1	ENSG00000062194
5	56826199	56826696	56826472	46	63	3	16.62886695	1.03E-16	ACTBL2	ENSG00000169067
5	57166674	57167230	57167002	124	160	1	83.66398683	1.24E-48		ENSG00000209041
5	57193955	57194623	57194262	13	33	9	3.533634226	5.15E-05		ENSG00000209041
5	57285339	57285605	57285472	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000209041
5	57412303	57412515	57412409	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000209041
5	57476021	57476201	57476111	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000209041
5	57519858	57520082	57519971	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000209041
5	57793590	57794049	57793870	80	92	0	96.65528913	1.65E-29	PLK2	ENSG00000145632
5	57914490	57914768	57914605	12	13	4	2.910051716	0.0125532	RAB3C	ENSG00000152932
5	58144901	58145092	58144996	9	10	2	3.810782009	0.00936112	PDE4D	ENSG00000113448
5	58633440	58633718	58633594	13	15	2	5.542955649	0.000497081	PDE4D	ENSG00000113448
5	58648912	58649091	58649052	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PDE4D	ENSG00000113448
5	59819706	59819927	59819816	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000152931
5	59980957	59981193	59981075	11	14	7	1.948695345	0.0559175	DEPDC1B	ENSG00000035499
5	60031227	60031568	60031397	9	13	3	3.637564645	0.0050909	DEPDC1B	ENSG00000035499
5	60277522	60277734	60277628	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NDUFAF2	ENSG00000164182
5	60494405	60494593	60494564	8	9	8	1.154782427	0.375434	C5orf43	ENSG00000188725
5	60494948	60495184	60495066	10	12	7	1.688869299	0.11395	C5orf43	ENSG00000188725
5	60540003	60540254	60540128	11	12	2	4.503651465	0.002963	C5orf43	ENSG00000188725
5	60952569	60952925	60952747	9	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000212215
5	60952995	60953200	60953097	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000212215
5	60986636	60986866	60986756	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000212215
5	61136726	61136991	61136858	21	24	5	4.330434101	0.000108998		ENSG00000178722
5	61149429	61149699	61149564	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000178722
5	61342020	61342245	61342132	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KIF2A	ENSG00000068796
5	61611648	61612316	61611927	33	56	1	29.62016925	6.88E-17	KIF2A	ENSG00000068796
5	61735663	61735891	61735762	9	9	11	0.86608682	0.635181	DIMT1L	ENSG00000086189
5	64100318	64100537	64100387	10	12	5	2.251825733	0.0404733	SDCCAG10	ENSG00000153015
5	65690387	65690609	65690541	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210801

5	65750109	65750288	65750198	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000176228
5	65929100	65929376	65929238	11	13	1	7.27512929	0.000378098	MAST4	ENSG00000069020
5	66426345	66426740	66426542	19	28	0	30.13982134	1.06E-09	MAST4	ENSG00000069020
5	66497706	66497928	66497817	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CD180	ENSG00000134061
5	67841004	67841219	67841111	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PIK3R1	ENSG00000145675
5	67880911	67881126	67881018	12	12	1	6.755477198	0.000722752	PIK3R1	ENSG00000145675
5	68374721	68375058	68374893	9	12	2	4.503651465	0.002963	SLC30A5	ENSG00000145740
5	68425339	68425518	68425428	9	9	0	10.39304184	0.000803859	SLC30A5	ENSG00000145740
5	71182350	71182844	71182527	101	142	105	1.402080173	0.00394834		ENSG00000210845
5	71204960	71205292	71205134	20	23	1	12.47165021	4.94E-07		ENSG00000210845
5	71238766	71239112	71238939	28	34	3	9.093911612	1.78E-08		ENSG00000210845
5	71951358	71951547	71951429	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ZNF366	ENSG00000178175
5	72150692	72150873	72150772	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TNPO1	ENSG00000083312
5	72286704	72287093	72286914	23	33	3	8.834085566	3.36E-08	FCHO2	ENSG00000157107
5	72287164	72287478	72287341	11	14	3	3.897390691	0.00295882	FCHO2	ENSG00000157107
5	72568148	72568474	72568320	13	18	0	19.7467795	1.32E-06	TMEM174	ENSG00000164325
5	72829773	72830016	72829885	9	11	10	1.133786383	0.380636	BTF3	ENSG00000145741
5	72896762	72897121	72896945	19	25	3	6.755477198	4.84E-06	ANKRA2	ENSG00000164331
5	73531470	73531659	73531571	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210914
5	73572575	73572870	73572707	14	17	10	1.700679574	0.0766266		ENSG00000222551
5	73658633	73658816	73658754	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000210920
5	73978683	73979054	73978878	29	36	0	38.45425482	3.54E-12	ENC1	ENSG00000171617
5	74098571	74098875	74098712	12	17	1	9.353737658	2.73E-05	GFM2	ENSG00000164347
5	74099510	74099749	74099629	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000164346
5	74368796	74369142	74368969	8	12	0	13.5109544	9.48E-05	GCNT4	ENSG00000176928
5	74378010	74378454	74378170	31	40	1	21.30573578	4.48E-12	GCNT4	ENSG00000176928
5	74574817	74575002	74574925	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ANKRD31	ENSG00000145700
5	75621832	75622057	75621924	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000171601
5	76500437	76500825	76500590	11	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000222316
5	77536037	77536288	77536128	8	10	4	2.286469205	0.0509017	AP3B1	ENSG00000132842
5	77626473	77626685	77626605	8	10	4	2.286469205	0.0509017	AP3B1	ENSG00000132842
5	77677151	77677726	77677485	55	83	4	17.4603103	1.66E-21	SCAMP1	ENSG00000085365
5	77926680	77926881	77926756	9	9	3	2.598260461	0.0397929	LHFPL2	ENSG00000145685
5	77939291	77939477	77939310	9	10	2	3.810782009	0.00936112	LHFPL2	ENSG00000145685

5	78010677	78010934	78010805	11	11	9	1.247165021	0.300052	LHFPL2	ENSG00000145685
5	78306674	78306919	78306796	10	11	2	4.157216737	0.0052913	ARSB	ENSG00000113273
5	78488895	78489101	78489006	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000201955
5	78505212	78505628	78505449	10	18	2	6.582259834	7.91E-05		ENSG00000201955
5	78525324	78525695	78525465	16	21	3	5.716173013	5.37E-05		ENSG00000201955
5	78567164	78567358	78567249	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000152409
5	78844758	78844966	78844862	8	10	5	1.905391004	0.0915982	HOMER1	ENSG00000152413
5	78910389	78910804	78910640	13	17	1	9.353737658	2.73E-05	PAPD4	ENSG00000164329
5	79021687	79021971	79021829	13	14	3	3.897390691	0.00295882	CMYA5	ENSG00000164309
5	79270151	79270516	79270330	21	28	1	15.06991067	1.67E-08	MTX3	ENSG00000177034
5	79407160	79407400	79407280	9	10	0	11.43234603	0.000394183	THBS4	ENSG00000113296
5	79414323	79414502	79414397	8	8	1	4.676868829	0.0091584	THBS4	ENSG00000113296
5	79586676	79586921	79586798	12	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000211056
5	79586942	79587175	79587019	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000211056
5	79798273	79798596	79798434	9	11	3	3.117912553	0.0146045	FAM151B	ENSG00000152380
5	79798731	79799168	79798989	26	37	2	13.16451967	3.70E-10	FAM151B	ENSG00000152380
5	79937509	79937715	79937560	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ANKRD34B	ENSG00000189127
5	80037764	80037997	80037880	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MSH3	ENSG00000113318
5	80676705	80676891	80676798	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ZCCHC9	ENSG00000131732
5	81082757	81083128	81082936	14	21	2	7.621564018	1.21E-05	SSBP2	ENSG00000145687
5	81183308	81183783	81183617	10	18	10	1.795161773	0.055383		ENSG00000214857
5	81187252	81187547	81187393	20	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000214857
5	81683465	81683767	81683616	10	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000205462
5	81790760	81791089	81790924	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000205462
5	82762093	82762296	82762162	12	13	4	2.910051716	0.0125532	VCAN	ENSG00000038427
5	82805095	82805484	82805244	11	15	7	2.078608368	0.038229	VCAN	ENSG00000038427
5	82839000	82839296	82839148	9	12	6	1.930136342	0.071303	VCAN	ENSG00000038427
5	82895343	82895573	82895458	10	13	3	3.637564645	0.0050909	VCAN	ENSG00000038427
5	83319555	83319788	83319672	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000216125
5	83612170	83612359	83612264	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000211127
5	83619566	83619804	83619685	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000211127
5	83713107	83713317	83713212	10	11	0	12.47165021	0.000193293	EDIL3	ENSG00000164176
5	84259073	84259309	84259226	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000214853
5	86248701	86248912	86248817	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000221694

5	86542493	86542711	86542590	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000196836
5	86573789	86574101	86573945	24	25	2	9.00730293	9.47E-07		ENSG00000196836
5	86902520	86902757	86902634	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000211203
5	87112745	87112952	87112810	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000211203
5	87992722	87993107	87992914	9	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000207570
5	88297455	88297716	88297604	8	9	0	10.39304184	0.000803859	MEF2C	ENSG00000081189
5	89890117	89890407	89890275	12	15	8	1.847651883	0.0631662	GPR98	ENSG00000164199
5	90326325	90326629	90326484	13	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000199643
5	90494360	90494553	90494456	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000199643
5	90645783	90645963	90645873	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000211248
5	90711546	90711747	90711614	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90714769	90714951	90714849	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90715115	90715495	90715294	9	17	5	3.117912553	0.00407023	ARRDC3	ENSG00000113369
5	90716517	90716696	90716606	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ARRDC3	ENSG00000113369
5	91271326	91271630	91271498	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000213731
5	92101850	92102035	92101900	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221810
5	92396749	92396928	92396868	8	9	6	1.484720263	0.204387	CCT7P2	ENSG00000214816
5	92665869	92666081	92665975	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213730
5	93038909	93039149	93039005	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000205434
5	93256051	93256230	93256165	8	8	4	1.870747532	0.118863	FAM172A	ENSG00000113391
5	93505112	93505355	93505235	11	11	2	4.157216737	0.0052913	FAM172A	ENSG00000113391
5	93728250	93728718	93728539	17	25	2	9.00730293	9.47E-07		ENSG00000218494
5	93979708	93979911	93979809	10	11	2	4.157216737	0.0052913	ANKRD32	ENSG00000133302
5	94215262	94215533	94215397	12	13	2	4.850086193	0.00164564	MCTP1	ENSG00000175471
5	94648924	94649151	94649022	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MCTP1	ENSG00000175471
5	95008529	95008826	95008677	8	10	2	3.810782009	0.00936112	RFESD	ENSG00000175449
5	95059788	95060100	95059955	12	15	3	4.157216737	0.00170423	SPATA9	ENSG00000145757
5	95089423	95089682	95089552	10	13	8	1.616695398	0.123553	RHOBTB3	ENSG00000164292
5	95092280	95092509	95092387	13	14	3	3.897390691	0.00295882	RHOBTB3	ENSG00000164292
5	95113756	95113937	95113846	9	9	2	3.464347281	0.0163838	RHOBTB3	ENSG00000164292
5	95142495	95142787	95142653	12	14	6	2.227080395	0.0322529	GLRX	ENSG00000173221
5	95208249	95208709	95208554	12	18	8	2.194086611	0.0206188	GLRX	ENSG00000173221
5	95286245	95286465	95286355	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ELL2	ENSG00000118985
5	95327529	95327740	95327634	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ELL2	ENSG00000118985

5	95455352	95455651	95455501	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207578
5	95511158	95511351	95511254	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000206997
5	96296102	96296415	96296258	9	14	4	3.117912553	0.00766354	LNPEP	ENSG00000113441
5	96297340	96297576	96297442	9	10	5	1.905391004	0.0915982	LNPEP	ENSG00000113441
5	96544675	96545064	96544849	10	17	4	3.741495063	0.00163722	RIOK2	ENSG00000058729
5	97622736	97622940	97622838	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000176183
5	97770511	97770721	97770621	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000211349
5	98135234	98135519	98135394	11	14	1	7.794781382	0.000197021	RGMB	ENSG00000174136
5	98136694	98137094	98136873	9	17	6	2.672496474	0.00882337	RGMB	ENSG00000174136
5	98138220	98138446	98138377	9	10	3	2.858086507	0.0242838	RGMB	ENSG00000174136
5	98210186	98210530	98210354	32	34	1	18.18782322	2.77E-10		ENSG00000211353
5	98331794	98331973	98331883	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000200351
5	98813267	98813546	98813422	16	18	1	9.87338975	1.41E-05		
5	99545537	99545906	99545734	40	47	5	8.314433474	1.52E-10		ENSG00000207077
5	100001792	100002093	100001948	16	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000207269
5	100011062	100011428	100011208	14	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000207269
5	100413481	100413769	100413625	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000203447
5	100854370	100854729	100854550	12	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000222929
5	100881415	100881707	100881548	13	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000222929
5	101027000	101027461	101027306	16	25	3	6.755477198	4.84E-06		ENSG00000222929
5	101359330	101359581	101359455	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000199786
5	102335428	102335624	102335561	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000175749
5	102483673	102484109	102483852	18	29	14	2.078608368	0.00804141	HISPPD1	ENSG00000145725
5	102621905	102622136	102622077	10	12	4	2.702190879	0.0203088	C5orf30	ENSG00000181751
5	102807925	102808353	102808130	16	28	9	3.013982134	0.000552057	NUDT12	ENSG00000112874
5	102809273	102809614	102809443	10	16	11	1.472347594	0.147517	NUDT12	ENSG00000112874
5	103035805	103035984	103035894	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NUDT12	ENSG00000112874
5	103056223	103056423	103056319	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NUDT12	ENSG00000112874
5	103680219	103680608	103680365	11	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000209151
5	103734283	103734475	103734379	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209151
5	103791152	103791354	103791261	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209151
5	104980259	104980699	104980469	11	21	8	2.540521339	0.00602138		ENSG00000201790
5	105457830	105458096	105457963	14	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000201790
5	105605062	105605604	105605230	10	24	14	1.73217364	0.0420666		ENSG00000209251

5	105654308	105654576	105654435	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000209251
5	106144005	106144274	106144135	9	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000209177
5	106836294	106836724	106836459	13	21	8	2.540521339	0.00602138	EFNA5	ENSG00000184349
5	106931850	106932204	106932029	13	18	0	19.7467795	1.32E-06	EFNA5	ENSG00000184349
5	107341315	107341498	107341383	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000209157
5	107360630	107360809	107360703	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000209157
5	107447663	107448121	107447828	11	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000209157
5	108536909	108537160	108537042	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000176857
5	108893637	108893912	108893774	12	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000214794
5	109054674	109054903	109054825	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MAN2A1	ENSG00000112893
5	109175790	109176020	109175927	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000202512
5	109183496	109183728	109183632	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000202512
5	110065464	110065669	110065566	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000207177
5	110455646	110455962	110455804	9	13	4	2.910051716	0.0125532	WDR36	ENSG00000134987
5	110835025	110835401	110835187	8	15	5	2.771477825	0.0105836	STARD4	ENSG00000164211
5	110857918	110858599	110858371	178	227	2	78.987118	1.89E-67	STARD4	ENSG00000164211
5	111121858	111122046	111122007	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C5orf13	ENSG00000134986
5	111574337	111574519	111574352	8	9	2	3.464347281	0.0163838	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111591542	111591786	111591690	9	9	0	10.39304184	0.000803859	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111592378	111592598	111592448	9	9	1	5.196520921	0.00490062	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111603650	111603894	111603808	10	11	4	2.494330042	0.0324033	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111702570	111702766	111702648	8	9	4	2.078608368	0.0785659	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111779279	111779478	111779368	10	10	5	1.905391004	0.0915982	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111842962	111843354	111843200	35	41	0	43.65077574	1.00E-13	EPB41L4A	ENSG00000129595
5	111999858	112000188	112000027	13	16	2	5.889390377	0.000270741	APC	ENSG00000134982
5	112070939	112071230	112071112	12	15	4	3.32577339	0.00462646	APC	ENSG00000134982
5	112187354	112187658	112187512	12	15	5	2.771477825	0.0105836	SRP19	ENSG00000153037
5	112211868	112212088	112212003	9	11	6	1.781664316	0.103344	SRP19	ENSG00000153037
5	112224564	112225042	112224863	11	21	7	2.858086507	0.0029864	SRP19	ENSG00000153037
5	112228265	112228444	112228373	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SRP19	ENSG00000153037
5	112284517	112284800	112284658	10	12	7	1.688869299	0.11395	REEP5	ENSG00000129625
5	112321947	112322368	112322194	22	31	7	4.157216737	2.13E-05	DCP2	ENSG00000172795
5	112340003	112340182	112340090	8	8	10	0.850339787	0.645072	DCP2	ENSG00000172795
5	112344586	112344931	112344758	17	21	0	22.86469205	1.55E-07	DCP2	ENSG00000172795

5	112531622	112531971	112531838	20	25	3	6.755477198	4.84E-06	MCC	ENSG00000171444
5	112658649	112658828	112658675	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MCC	ENSG00000171444
5	113038614	113039125	113038946	26	43	7	5.716173013	2.92E-08	YTHDC2	ENSG00000047188
5	113042641	113042874	113042768	9	10	6	1.63319229	0.146906	YTHDC2	ENSG00000047188
5	113210579	113211073	113210731	11	20	7	2.728173484	0.00469378	YTHDC2	ENSG00000047188
5	114024758	114025002	114024881	8	9	0	10.39304184	0.000803859	KCNN2	ENSG00000080709
5	114288396	114288702	114288549	16	20	4	4.365077574	0.000324139	TRIM36	ENSG00000152503
5	114396326	114396676	114396501	31	36	1	19.22712741	7.03E-11	TRIM36	ENSG00000152503
5	114729896	114730259	114730048	12	16	5	2.944695189	0.00659886		ENSG00000177962
5	114950091	114950325	114950208	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TICAM2	ENSG00000134970
5	115112689	115112948	115112796	15	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000222598
5	115221515	115221814	115221664	10	12	3	3.377738599	0.00867157	AP3S1	ENSG00000177879
5	115663588	115664013	115663844	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000197255
5	115854245	115854424	115854334	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SEMA6A	ENSG00000092421
5	115882093	115882422	115882247	26	28	3	7.534955336	7.67E-07	SEMA6A	ENSG00000092421
5	116221191	116221390	116221232	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RPS17P2	ENSG00000197575
5	116311504	116311801	116311669	20	23	4	4.988660084	6.05E-05	RPS17P2	ENSG00000197575
5	116818819	116819121	116818956	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000182152
5	116850397	116850927	116850785	17	29	11	2.598260461	0.00146165		ENSG00000182152
5	117346483	117346743	117346657	12	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000182152
5	117373436	117373875	117373615	9	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000182152
5	117385685	117386010	117385834	8	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000182152
5	117894982	117895234	117895065	12	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000197744
5	118163425	118163843	118163581	23	28	3	7.534955336	7.67E-07		ENSG00000197744
5	118351606	118351878	118351780	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DTWD2	ENSG00000169570
5	118418922	118419130	118419026	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209207
5	118607883	118608129	118608008	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000222450
5	118686092	118686446	118686269	9	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000222450
5	118687195	118687666	118687466	102	122	2	42.61147155	1.75E-35		ENSG00000222450
5	118751559	118751738	118751674	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TNFAIP8	ENSG00000145779
5	118751960	118752237	118752098	8	10	0	11.43234603	0.000394183	TNFAIP8	ENSG00000145779
5	118877667	118877860	118877771	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213663
5	118893608	118893885	118893746	9	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000213663
5	121166026	121166217	121166117	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FTMT	ENSG00000181867

5	121325351	121325561	121325456	12	13	3	3.637564645	0.0050909	SRFBP1	ENSG00000151304
5	121842615	121842947	121842781	9	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000197462
5	121868065	121868295	121868120	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000197462
5	122138646	122138917	122138800	11	13	3	3.637564645	0.0050909	SNX2	ENSG00000205302
5	122786791	122787170	122786991	10	16	3	4.417042783	0.00097367	CEP120	ENSG00000168944
5	122875437	122875645	122875504	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CSNK1G3	ENSG00000151292
5	122875705	122875928	122875832	10	11	5	2.078608368	0.0614303	CSNK1G3	ENSG00000151292
5	123246657	123246836	123246729	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000222901
5	123496332	123496698	123496537	17	23	3	6.235825105	1.63E-05		ENSG00000214750
5	123605999	123606532	123606170	14	24	2	8.660868202	1.80E-06		ENSG00000214750
5	124010087	124010578	124010229	24	36	4	7.690850963	2.68E-08	ZNF608	ENSG00000168916
5	124019385	124019841	124019519	8	16	9	1.766817113	0.0700694	ZNF608	ENSG00000168916
5	124116570	124116778	124116674	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ZNF608	ENSG00000168916
5	124377967	124378186	124378076	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000214748
5	124411623	124411802	124411712	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214748
5	124613347	124613547	124613425	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208973
5	124773654	124773941	124773797	10	14	10	1.417232979	0.185113		ENSG00000208973
5	125729349	125729904	125729593	11	24	2	8.660868202	1.80E-06	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125731999	125732388	125732189	14	24	9	2.598260461	0.0032455	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125732466	125732664	125732567	9	9	1	5.196520921	0.00490062	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125786756	125786982	125786869	9	12	6	1.930136342	0.071303	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125800849	125801090	125800960	8	10	2	3.810782009	0.00936112	GRAMD3	ENSG00000155324
5	125879051	125879257	125879128	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000200347
5	125879779	125879990	125879884	15	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000200347
5	125880541	125880833	125880667	11	15	6	2.375552421	0.0212094		ENSG00000200347
5	125902747	125902984	125902828	9	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000200347
5	125907804	125908052	125907923	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000200347
5	126039772	126040117	126039944	14	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000213630
5	126040818	126041096	126040957	18	19	8	2.309564854	0.0138337		ENSG00000213630
5	126140075	126140337	126140177	8	11	9	1.247165021	0.300052	LMNB1	ENSG00000113368
5	126143855	126144098	126143976	12	12	6	1.930136342	0.071303	LMNB1	ENSG00000113368
5	126475897	126476315	126476106	12	20	2	7.27512929	2.27E-05		ENSG00000214743
5	126881232	126881442	126881337	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PRRC1	ENSG00000164244
5	127239155	127239476	127239324	9	12	5	2.251825733	0.0404733	SLC12A2	ENSG00000064651

5	127298451	127298858	127298679	10	19	7	2.598260461	0.00730518	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127400655	127400839	127400810	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127517622	127517964	127517742	15	20	0	21.82538787	3.17E-07	SLC12A2	ENSG00000064651
5	127902949	127903130	127903075	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FBN2	ENSG00000138829
5	128490076	128490455	128490246	15	20	8	2.425043097	0.00917565	ISOC1	ENSG00000066583
5	128541114	128541594	128541335	103	124	14	8.660868202	1.08E-24	ISOC1	ENSG00000066583
5	128605361	128605720	128605577	23	27	7	3.637564645	0.000166657	ISOC1	ENSG00000066583
5	129131495	129131786	129131647	10	13	4	2.910051716	0.0125532	KIAA1024L	ENSG00000186367
5	129333530	129333980	129333805	8	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000208941
5	130534266	130534944	130534768	10	28	6	4.305688763	3.69E-05	LYRM7	ENSG00000186687
5	130535166	130535371	130535243	8	9	3	2.598260461	0.0397929	LYRM7	ENSG00000186687
5	130731145	130731402	130731273	9	13	2	4.850086193	0.00164564	CDC42SE2	ENSG00000158985
5	130817530	130817717	130817651	8	8	3	2.338434415	0.0641221	RAPGEF6	ENSG00000158987
5	130884988	130885210	130885143	10	11	2	4.157216737	0.0052913	RAPGEF6	ENSG00000158987
5	130948380	130948567	130948464	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RAPGEF6	ENSG00000158987
5	130998932	130999233	130999090	10	14	5	2.598260461	0.0167748	RAPGEF6	ENSG00000158987
5	131035857	131036261	131035974	14	20	1	10.91269393	3.71E-06		ENSG00000177622
5	131359846	131360036	131359925	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ACSL6	ENSG00000164398
5	131371473	131371697	131371548	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ACSL6	ENSG00000164398
5	131454399	131454643	131454513	8	11	4	2.494330042	0.0324033	CSF2	ENSG00000164400
5	131457538	131457742	131457640	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CSF2	ENSG00000164400
5	131494262	131494448	131494317	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000216782
5	131673463	131673759	131673611	8	10	1	5.716173013	0.00260397	SLC22A4	ENSG00000197208
5	131742264	131742539	131742381	12	13	8	1.616695398	0.123553	SLC22A5	ENSG00000197375
5	131753321	131753559	131753440	10	10	2	3.810782009	0.00936112	SLC22A5	ENSG00000197375
5	131814101	131814612	131814264	10	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000202533
5	131853157	131853385	131853223	8	9	3	2.598260461	0.0397929	IRF1	ENSG00000125347
5	132163136	132163382	132163268	11	14	6	2.227080395	0.0322529	ANKRD43	ENSG00000198944
5	132208613	132208805	132208709	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000201274
5	132229881	132230318	132230151	12	20	3	5.456346967	9.70E-05	UQCRQ	ENSG00000164405
5	132400381	132400726	132400553	11	13	0	14.55025858	4.65E-05	ZCCHC10	ENSG00000155329
5	132404251	132404464	132404372	10	10	5	1.905391004	0.0915982	HSPA4	ENSG00000170606
5	132404788	132405108	132404967	11	15	0	16.62886695	1.12E-05	HSPA4	ENSG00000170606
5	132609335	132609616	132609446	12	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000221287

5	132662768	132662947	132662857	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221287
5	132679968	132680198	132680076	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221287
5	132787369	132787577	132787476	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221287
5	132974564	132974794	132974668	9	10	1	5.716173013	0.00260397	FSTL4	ENSG00000053108
5	132999724	132999919	132999821	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FSTL4	ENSG00000053108
5	133204476	133204715	133204595	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208898
5	133211857	133212121	133211966	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000208898
5	133276585	133276840	133276712	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C5orf15	ENSG00000113583
5	133357263	133357491	133357359	10	12	2	4.503651465	0.002963	VDAC1	ENSG00000213585
5	133403229	133403433	133403331	10	10	4	2.286469205	0.0509017	VDAC1	ENSG00000213585
5	133441425	133441604	133441509	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TCF7	ENSG00000081059
5	133452466	133452797	133452644	9	13	2	4.850086193	0.00164564	TCF7	ENSG00000081059
5	133465509	133465865	133465646	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	TCF7	ENSG00000081059
5	133472037	133472237	133472139	11	11	0	12.47165021	0.000193293	TCF7	ENSG00000081059
5	133610350	133610573	133610478	9	10	2	3.810782009	0.00936112	PPP2CA	ENSG00000113575
5	133643388	133643605	133643496	8	8	6	1.336248237	0.277651	PPP2CA	ENSG00000113575
5	133814834	133815034	133814934	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CDKN2AIPM	ENSG00000145835
5	133829921	133830296	133830160	8	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000207222
5	133830445	133830634	133830539	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207222
5	133890499	133890757	133890663	12	12	3	3.377738599	0.00867157	PHF15	ENSG00000043143
5	133996312	133996564	133996438	10	13	3	3.637564645	0.0050909	SAR1B	ENSG00000152700
5	134101142	134101504	134101412	9	15	3	4.157216737	0.00170423	CAMLG	ENSG00000164615
5	134214924	134215129	134215026	8	9	2	3.464347281	0.0163838	C5orf24	ENSG00000181904
5	134268082	134268288	134268192	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PCBD2	ENSG00000132570
5	134287997	134288346	134288171	63	63	54	1.209372142	0.149617		ENSG00000208861
5	134290491	134290822	134290656	14	15	22	0.722994215	0.845414		ENSG00000208849
5	134331718	134331977	134331858	12	13	6	2.078608368	0.0483393	CATSPER3	ENSG00000152705
5	134700677	134701067	134700828	33	38	2	13.5109544	1.90E-10	H2AFY	ENSG00000113648
5	134820955	134821402	134821178	8	17	6	2.672496474	0.00882337	TIFAB	ENSG00000214707
5	134830146	134830325	134830235	8	8	4	1.870747532	0.118863	TIFAB	ENSG00000214707
5	134924478	134924773	134924632	10	12	1	6.755477198	0.000722752	CXCL14	ENSG00000145824
5	135221397	135221676	135221536	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000145832
5	135471731	135472312	135471944	54	95	5	16.62886695	5.58E-24	SMAD5	ENSG00000113658
5	135575795	135575988	135575891	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SMAD5OS	ENSG00000164621

5	135728738	135729017	135728868	8	10	13	0.816596145	0.696946	TRPC7	ENSG00000069018
5	135788575	135788819	135788696	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213568
5	136076215	136076407	136076311	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000214684
5	136702783	136702962	136702785	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SPOCK1	ENSG00000152377
5	137142407	137142736	137142560	9	13	5	2.425043097	0.0262442	HNRNPA0	ENSG00000177733
5	137197123	137197353	137197238	9	10	7	1.429043253	0.21536	NPY6R	ENSG00000159279
5	137396779	137397008	137396893	10	11	2	4.157216737	0.0052913	FAM13B1	ENSG00000031003
5	137399666	137399893	137399786	8	9	3	2.598260461	0.0397929	FAM13B1	ENSG00000031003
5	137542366	137542772	137542545	8	15	5	2.771477825	0.0105836	KIF20A	ENSG00000112984
5	137601852	137602031	137601885	8	9	5	1.73217364	0.133894	CDC23	ENSG00000094880
5	137646723	137647011	137646858	9	11	2	4.157216737	0.0052913	GFRA3	ENSG00000146013
5	137669445	137669806	137669602	38	43	4	9.145876821	3.46E-10	CDC25C	ENSG00000158402
5	137701033	137701248	137701132	8	9	5	1.73217364	0.133894	FAM53C	ENSG00000120709
5	137827525	137827736	137827670	8	10	5	1.905391004	0.0915982	EGR1	ENSG00000120738
5	137906922	137907272	137907091	8	13	3	3.637564645	0.0050909	ETF1	ENSG00000120705
5	137972645	137972993	137972819	12	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000208810
5	137973017	137973515	137973266	11	23	7	3.117912553	0.00117689		ENSG00000208810
5	137993097	137993362	137993267	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208810
5	137994920	137995159	137995039	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208810
5	137996742	137996995	137996844	13	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000208810
5	138068633	138069174	138068903	13	25	14	1.801460586	0.0308364	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138088293	138088547	138088420	8	10	4	2.286469205	0.0509017	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138088760	138089431	138088985	16	36	5	6.409042469	1.18E-07	CTNNA1	ENSG00000044115
5	138234376	138234591	138234483	12	13	3	3.637564645	0.0050909	LRRTM2	ENSG00000146006
5	138426209	138426547	138426378	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000201532
5	138428339	138428634	138428486	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000201532
5	138464451	138464668	138464516	10	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000201532
5	138512023	138512306	138512156	15	18	3	4.936694875	0.000311102	SIL1	ENSG00000120725
5	138512325	138512514	138512419	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SIL1	ENSG00000120725
5	138595743	138596329	138595949	135	178	0	186.035449	4.01E-56		ENSG00000208799
5	138597439	138597667	138597590	12	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000208799
5	138657782	138657962	138657925	8	9	1	5.196520921	0.00490062	MATR3	ENSG00000015479
5	138767187	138767371	138767305	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000170469
5	139098891	139099302	139099130	12	20	3	5.456346967	9.70E-05		ENSG00000200756

5	139204221	139204445	139204333	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PSD2	ENSG00000146005
5	139474649	139474845	139474747	11	11	3	3.117912553	0.0146045	PURA	ENSG00000185129
5	139535685	139535864	139535769	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C5orf32	ENSG00000120306
5	139613824	139614064	139613940	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PFDN1	ENSG00000113068
5	139655205	139655384	139655325	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PFDN1	ENSG00000113068
5	139900275	139900461	139900374	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ANKHD1	ENSG00000131503
5	139917118	139917476	139917297	23	29	4	6.235825105	1.85E-06	SRA1	ENSG00000213523
5	140024360	140024648	140024520	8	10	2	3.810782009	0.00936112	WDR55	ENSG00000120314
5	140027310	140027505	140027406	8	8	5	1.558956276	0.191397	WDR55	ENSG00000120314
5	140051073	140051315	140051194	11	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000112855
5	140070982	140071230	140071106	17	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000199990
5	140077918	140078246	140078082	11	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000202111
5	140078576	140078886	140078731	13	16	11	1.472347594	0.147517		ENSG00000202111
5	140085908	140086125	140086016	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000202515
5	140228576	140228779	140228647	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PCDHA11	ENSG00000214608
5	140288620	140288887	140288789	9	12	2	4.503651465	0.002963	PCDHA10	ENSG00000081842
5	140400095	140400290	140400231	9	10	6	1.63319229	0.146906	PCDHB1	ENSG00000171815
5	140444394	140444658	140444526	11	13	5	2.425043097	0.0262442	PCDHB2	ENSG00000112852
5	140509441	140509632	140509546	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PCDHB6	ENSG00000113211
5	140532263	140532527	140532395	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PCDHB7	ENSG00000113212
5	140552005	140552218	140552099	8	9	1	5.196520921	0.00490062	PCDHB9	ENSG00000120324
5	140836296	140836486	140836425	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PCDHGC4	ENSG00000081853
5	140923936	140924207	140924071	16	19	2	6.928694562	4.25E-05	DIAPH1	ENSG00000131504
5	140977893	140978146	140977980	10	10	3	2.858086507	0.0242838	DIAPH1	ENSG00000131504
5	141034372	141034574	141034473	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ARAP3	ENSG00000120318
5	141064459	141064680	141064600	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ARAP3	ENSG00000120318
5	141073824	141074113	141073935	10	13	4	2.910051716	0.0125532	ARAP3	ENSG00000120318
5	141209509	141209804	141209669	9	13	5	2.425043097	0.0262442	PCDH1	ENSG00000156453
5	141225848	141226181	141226015	16	18	4	3.9493559	0.000961379	PCDH1	ENSG00000156453
5	141236836	141237016	141236926	8	8	5	1.558956276	0.191397	PCDH1	ENSG00000156453
5	141295276	141295455	141295339	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KIAA0141	ENSG00000081791
5	141363867	141364292	141364046	15	24	5	4.330434101	0.000108998	GNPDA1	ENSG00000113552
5	141581225	141581480	141581339	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SPRY4	ENSG00000187678
5	141763420	141763719	141763553	15	17	3	4.676868829	0.000552213	SPRY4	ENSG00000187678

5	141928763	141929000	141928881	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000219227
5	141947128	141947307	141947217	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000219227
5	142072717	142073017	142072862	8	11	4	2.494330042	0.0324033	FGF1	ENSG00000113578
5	142100339	142100534	142100436	8	9	6	1.484720263	0.204387	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142225055	142225317	142225151	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142342554	142342744	142342666	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142362986	142363228	142363063	8	9	9	1.039304184	0.466079	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142371274	142371453	142371331	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142434238	142434815	142434570	54	74	6	11.13540197	3.78E-17	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142446470	142446708	142446589	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ARHGAP26	ENSG00000145819
5	142502889	142503097	142502993	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NR3C1	ENSG00000113580
5	142542799	142543189	142543107	8	14	8	1.73217364	0.0890835	NR3C1	ENSG00000113580
5	142545315	142545505	142545410	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NR3C1	ENSG00000113580
5	142560451	142560878	142560616	13	19	1	10.39304184	7.23E-06	NR3C1	ENSG00000113580
5	142566164	142566391	142566265	9	12	3	3.377738599	0.00867157	NR3C1	ENSG00000113580
5	142582648	142582915	142582789	9	11	9	1.247165021	0.300052	NR3C1	ENSG00000113580
5	142605797	142606263	142605976	10	18	5	3.291129917	0.00248584	NR3C1	ENSG00000113580
5	142907420	142907639	142907517	10	10	4	2.286469205	0.0509017	NR3C1	ENSG00000113580
5	142931244	142931441	142931385	9	11	4	2.494330042	0.0324033	NR3C1	ENSG00000113580
5	142954508	142955365	142954857	44	102	13	7.646309355	1.30E-19	NR3C1	ENSG00000113580
5	142956047	142956366	142956206	8	11	2	4.157216737	0.0052913	NR3C1	ENSG00000113580
5	143019440	143019634	143019537	11	13	7	1.818782322	0.0805123	HMHB1	ENSG00000158497
5	143220150	143220362	143220256	10	10	2	3.810782009	0.00936112	HMHB1	ENSG00000158497
5	143235183	143235362	143235271	8	8	1	4.676868829	0.0091584	HMHB1	ENSG00000158497
5	143258169	143258348	143258213	8	8	0	9.353737658	0.00163931	HMHB1	ENSG00000158497
5	143530351	143530708	143530529	9	14	5	2.598260461	0.0167748	YIPF5	ENSG00000145817
5	143693254	143693607	143693430	17	23	0	24.94330042	3.74E-08	KCTD16	ENSG00000183775
5	143793612	143793791	143793701	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213488
5	144607258	144607539	144607397	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000213487
5	144891210	144891452	144891331	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213487
5	145185594	145185773	145185683	8	8	6	1.336248237	0.277651	PRELID2	ENSG00000186314
5	145195021	145195237	145195147	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PRELID2	ENSG00000186314
5	145430070	145430301	145430224	8	8	4	1.870747532	0.118863	PLAC8L1	ENSG00000173261
5	145431517	145431750	145431638	14	14	2	5.196520921	0.000907371	PLAC8L1	ENSG00000173261

5	145542169	145542566	145542444	9	17	11	1.558956276	0.111389	LARS	ENSG00000133706
5	145652483	145652706	145652574	11	11	0	12.47165021	0.000193293	POU4F3	ENSG00000091010
5	146094641	146094837	146094723	9	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000222212
5	146815037	146815218	146815131	8	9	2	3.464347281	0.0163838	DPYSL3	ENSG00000113657
5	147485523	147485728	147485625	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000196800
5	147661424	147661657	147661497	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SPINK7	ENSG00000145879
5	147743373	147743792	147743552	12	22	3	5.975999059	2.96E-05	FBXO38	ENSG00000145868
5	147881932	147882289	147882125	24	28	0	30.13982134	1.06E-09	HTR4	ENSG00000164270
5	147912892	147913106	147913050	8	11	3	3.117912553	0.0146045	HTR4	ENSG00000164270
5	148180675	148180901	148180816	8	8	7	1.169217207	0.371848	ADRB2	ENSG00000169252
5	148185818	148186170	148185994	19	24	1	12.9913023	2.52E-07	ADRB2	ENSG00000169252
5	148265408	148265589	148265498	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ADRB2	ENSG00000169252
5	148485382	148485720	148485607	10	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000200161
5	148488949	148489281	148489108	12	16	8	1.963130126	0.0441028	ABLIM3	ENSG00000173210
5	148684934	148685203	148685068	11	13	3	3.637564645	0.0050909	GRPEL2	ENSG00000164284
5	148704992	148705259	148705137	12	13	10	1.32275078	0.240023	GRPEL2	ENSG00000164284
5	148727196	148727571	148727407	9	14	3	3.897390691	0.00295882	PCYOX1L	ENSG00000145882
5	148794259	148794503	148794381	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000207700
5	148845445	148845966	148845757	11	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000207700
5	148906687	148907122	148906943	14	20	4	4.365077574	0.000324139		ENSG00000214490
5	148911318	148911716	148911537	12	19	8	2.309564854	0.0138337	CSNK1A1	ENSG00000113712
5	149124784	149125131	149124957	26	31	1	16.62886695	2.16E-09	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149230053	149230290	149230206	9	11	3	3.117912553	0.0146045	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149237859	149238126	149238020	15	15	12	1.279143611	0.251893	PPARGC1B	ENSG00000155846
5	149240938	149241164	149241031	16	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000200334
5	149246498	149246745	149246636	12	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000200334
5	149261947	149262201	149262074	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000200334
5	149264058	149264240	149264149	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000200334
5	149264807	149265060	149264921	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000200334
5	149275431	149275702	149275566	13	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000200334
5	149297420	149297678	149297559	8	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000200334
5	149319179	149319579	149319358	12	20	3	5.456346967	9.70E-05	SLC26A2	ENSG00000155850
5	149321745	149322132	149321962	9	16	9	1.766817113	0.0700694	SLC26A2	ENSG00000155850
5	149336542	149336749	149336692	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SLC26A2	ENSG00000155850

5	149487949	149488425	149488127	22	35	1	18.70747532	1.40E-10	CSF1R	ENSG00000182578
5	149632386	149632565	149632522	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CAMK2A	ENSG00000070808
5	149670065	149670281	149670173	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ARSI	ENSG00000183876
5	149709476	149709696	149709536	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TCOF1	ENSG00000070814
5	149798882	149799061	149798941	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RPS14	ENSG00000164587
5	149844980	149845174	149845038	8	9	6	1.484720263	0.204387	RPS14	ENSG00000164587
5	149904530	149904807	149904679	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000208629
5	149921808	149921988	149921898	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208629
5	149964087	149964425	149964256	9	12	1	6.755477198	0.000722752	SYNPO	ENSG00000171992
5	149975745	149975953	149975812	8	8	6	1.336248237	0.277651	SYNPO	ENSG00000171992
5	150138034	150138263	150138148	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000181368
5	150516366	150516546	150516523	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ANXA6	ENSG00000197043
5	150561383	150561562	150561520	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CCDC69	ENSG00000198624
5	150562722	150562919	150562824	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CCDC69	ENSG00000198624
5	150634431	150634696	150634565	9	11	4	2.494330042	0.0324033	GM2A	ENSG00000196743
5	150766026	150766205	150766122	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SLC36A1	ENSG00000123643
5	150930370	150930679	150930524	13	16	4	3.533634226	0.00276486	FAT2	ENSG00000086570
5	150977802	150978203	150977981	14	20	13	1.558956276	0.0943292	FAT2	ENSG00000086570
5	150979549	150979776	150979662	10	12	4	2.702190879	0.0203088	FAT2	ENSG00000086570
5	151078165	151078368	151078233	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000222102
5	151117328	151117654	151117489	9	13	4	2.910051716	0.0125532	ATOX1	ENSG00000177556
5	151131019	151131335	151131177	8	12	3	3.377738599	0.00867157	G3BP1	ENSG00000145907
5	151132713	151132892	151132769	9	9	7	1.29913023	0.286504	G3BP1	ENSG00000145907
5	151177141	151177320	151177240	8	8	3	2.338434415	0.0641221	G3BP1	ENSG00000145907
5	151251678	151251970	151251799	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222308
5	151283619	151283808	151283713	8	8	3	2.338434415	0.0641221	GLRA1	ENSG00000145888
5	151297515	151297882	151297694	9	15	6	2.375552421	0.0212094	GLRA1	ENSG00000145888
5	151476750	151476975	151476914	9	9	3	2.598260461	0.0397929	GLRA1	ENSG00000145888
5	151589895	151590315	151590136	13	20	2	7.27512929	2.27E-05	NMUR2	ENSG00000132911
5	151971254	151971443	151971355	9	9	1	5.196520921	0.00490062	NMUR2	ENSG00000132911
5	152171746	152172126	152171925	36	44	3	11.69217207	2.89E-11	NMUR2	ENSG00000132911
5	153251527	153251748	153251648	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000208592
5	153523833	153524165	153523999	10	11	0	12.47165021	0.000193293	GALNT10	ENSG00000164574
5	153643615	153643794	153643752	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221070

5	153656544	153656786	153656665	17	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000221070
5	153713340	153713519	153713443	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000223089
5	153805493	153805674	153805583	8	8	5	1.558956276	0.191397	SAP30L	ENSG00000164576
5	153947416	153947610	153947468	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000221552
5	154042253	154042449	154042364	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000221552
5	154060968	154061181	154061074	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000208575
5	154114757	154114947	154114852	9	9	2	3.464347281	0.0163838	LARP1	ENSG00000155506
5	154169213	154169454	154169315	10	11	0	12.47165021	0.000193293	C5orf4	ENSG00000170271
5	154203075	154203366	154203238	9	12	6	1.930136342	0.071303	C5orf4	ENSG00000170271
5	154204496	154205032	154204764	14	24	7	3.247825576	0.000729793	C5orf4	ENSG00000170271
5	154218014	154218408	154218193	12	19	3	5.196520921	0.000174201	CNOT8	ENSG00000155508
5	154237779	154238101	154237952	39	41	4	8.730155148	1.21E-09	CNOT8	ENSG00000155508
5	154300687	154301090	154300851	11	17	11	1.558956276	0.111389	MRPL22	ENSG00000082515
5	154650869	154651133	154650980	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000208570
5	154944365	154944626	154944495	18	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000208570
5	155330447	155330626	155330508	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000208554
5	156201154	156201333	156201243	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000196360
5	156227416	156227611	156227513	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000196360
5	156508612	156508816	156508738	8	8	4	1.870747532	0.118863	MED7	ENSG00000155868
5	156720699	156720878	156720795	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C5orf40	ENSG00000172568
5	157886037	157886275	157886156	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212796
5	157954475	157954809	157954642	10	13	5	2.425043097	0.0262442		ENSG00000212796
5	158130019	158130377	158130198	12	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000212796
5	158535218	158535528	158535381	17	20	5	3.637564645	0.000902929	RNF145	ENSG00000145860
5	158701507	158701756	158701613	8	10	0	11.43234603	0.000394183	IL12B	ENSG00000113302
5	158869984	158870231	158870119	10	12	6	1.930136342	0.071303	IL12B	ENSG00000113302
5	158871107	158871431	158871278	12	15	3	4.157216737	0.00170423	IL12B	ENSG00000113302
5	158931529	158931820	158931674	12	15	5	2.771477825	0.0105836	IL12B	ENSG00000113302
5	159325346	159325557	159325406	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000199398
5	159424920	159425116	159425018	9	10	0	11.43234603	0.000394183	PWWP2A	ENSG00000170234
5	159515016	159515207	159515111	8	9	7	1.29913023	0.286504	FABP6	ENSG00000170231
5	159564762	159565173	159565015	11	18	1	9.87338975	1.41E-05	FABP6	ENSG00000170231
5	159993406	159993622	159993483	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ATP10B	ENSG00000118322
5	162276266	162276445	162276319	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208481

5	162797117	162797706	162797472	35	63	3	16.62886695	1.03E-16	CCNG1	ENSG00000113328
5	162798746	162798966	162798856	9	10	0	11.43234603	0.000394183	CCNG1	ENSG00000113328
5	162819063	162819487	162819313	8	16	2	5.889390377	0.000270741	NUDCD2	ENSG00000170584
5	162865545	162865724	162865634	8	8	6	1.336248237	0.277651	MAT2B	ENSG00000038274
5	162869008	162869281	162869128	11	15	4	3.32577339	0.00462646	MAT2B	ENSG00000038274
5	162925722	162925906	162925814	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MAT2B	ENSG00000038274
5	163173765	163173954	163173859	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208477
5	163479440	163479952	163479653	50	62	1	32.7380818	1.05E-18		ENSG00000208477
5	166943345	166943524	166943434	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221741
5	167650525	167650708	167650616	8	8	2	3.117912553	0.0283184	WWC1	ENSG00000113645
5	167675908	167676209	167676059	12	12	6	1.930136342	0.071303	WWC1	ENSG00000113645
5	167684467	167684763	167684631	9	11	2	4.157216737	0.0052913	WWC1	ENSG00000113645
5	167689066	167689261	167689163	9	10	1	5.716173013	0.00260397	WWC1	ENSG00000113645
5	167845907	167846151	167846070	13	15	5	2.771477825	0.0105836	RARS	ENSG00000113643
5	167939207	167939445	167939343	13	13	2	4.850086193	0.00164564	PANK3	ENSG00000120137
5	167951598	167952019	167951777	16	26	11	2.338434415	0.00495238	PANK3	ENSG00000120137
5	167960002	167960352	167960177	14	18	9	1.97467795	0.0349428	PANK3	ENSG00000120137
5	168018117	168018501	168018329	19	26	6	4.008744711	0.000106454	PANK3	ENSG00000120137
5	168030603	168030782	168030692	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PANK3	ENSG00000120137
5	168056941	168057245	168057093	14	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000207739
5	168329169	168329360	168329264	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000202345
5	168460396	168460715	168460555	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000208441
5	168508974	168509153	168509118	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208441
5	168536920	168537143	168537031	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208441
5	168582556	168582799	168582682	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208441
5	168646677	168646965	168646811	11	12	2	4.503651465	0.002963	SLIT3	ENSG00000184347
5	168943505	168943723	168943614	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CCDC99	ENSG00000040275
5	169000891	169001107	169000999	9	10	0	11.43234603	0.000394183	DOCK2	ENSG00000134516
5	169012432	169012633	169012532	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DOCK2	ENSG00000134516
5	169338883	169339080	169338981	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000204767
5	169340070	169340275	169340172	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000204767
5	169377607	169377803	169377651	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000204767
5	169460016	169460245	169460130	13	13	3	3.637564645	0.0050909	FOXI1	ENSG00000168269
5	169585555	169585796	169585675	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000198424

5	169788712	169788957	169788834	23	24	0	25.98260461	1.83E-08	KCNMB1	ENSG00000145936
5	169926928	169927171	169927026	9	10	3	2.858086507	0.0242838	KCNIP1	ENSG00000182132
5	170428945	170429206	170429070	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000208431
5	170633006	170633200	170633103	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TLX3	ENSG00000164438
5	170746997	170747297	170747147	8	11	6	1.781664316	0.103344	NPM1	ENSG00000181163
5	170843542	170843910	170843807	8	13	3	3.637564645	0.0050909	FGF18	ENSG00000156427
5	171194645	171194837	171194741	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C5orf50	ENSG00000185662
5	171271732	171272032	171271905	12	16	2	5.889390377	0.000270741	FBXW11	ENSG00000072803
5	171366510	171366845	171366681	15	19	9	2.078608368	0.0241848	FBXW11	ENSG00000072803
5	171419381	171419580	171419480	9	10	2	3.810782009	0.00936112	FBXW11	ENSG00000072803
5	171466317	171466568	171466442	9	12	3	3.377738599	0.00867157	STK10	ENSG00000072786
5	171513931	171514212	171514107	8	12	2	4.503651465	0.002963	STK10	ENSG00000072786
5	171626686	171626884	171626780	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222732
5	171653135	171653384	171653257	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000204762
5	171801717	171801909	171801839	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000216127
5	171996314	171997215	171996782	71	125	12	10.07325594	2.08E-26		ENSG00000214357
5	172021727	172021964	172021863	10	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000214357
5	172048636	172048924	172048756	10	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000214357
5	172292175	172292429	172292349	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000204758
5	172318865	172319174	172319019	11	14	11	1.29913023	0.246308	RPL26L1	ENSG00000037241
5	172398728	172398938	172398838	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000207210
5	172416723	172416911	172416817	9	9	6	1.484720263	0.204387	C5orf41	ENSG00000164463
5	172503915	172504332	172504094	14	21	11	1.905391004	0.031399	BNIP1	ENSG00000113734
5	172651870	172652421	172652199	63	89	4	18.70747532	3.01E-23		ENSG00000208394
5	172653531	172653710	172653620	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208394
5	172662341	172662859	172662600	12	21	8	2.540521339	0.00602138		ENSG00000208394
5	172675795	172675978	172675916	8	8	3	2.338434415	0.0641221	STC2	ENSG00000113739
5	172688719	172688932	172688822	8	9	7	1.29913023	0.286504	STC2	ENSG00000113739
5	172810768	172811002	172810845	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000199219
5	172819366	172819604	172819482	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199219
5	172925325	172925532	172925468	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM44B	ENSG00000145919
5	172927146	172927486	172927277	10	15	5	2.771477825	0.0105836	FAM44B	ENSG00000145919
5	172929127	172929600	172929421	21	31	5	5.542955649	2.18E-06	FAM44B	ENSG00000145919
5	172941493	172941674	172941583	11	11	5	2.078608368	0.0614303	FAM44B	ENSG00000145919

5	172975429	172975612	172975520	9	9	6	1.484720263	0.204387	FAM44B	ENSG00000145919
5	172975673	172975955	172975814	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM44B	ENSG00000145919
5	172978629	172978834	172978686	9	9	18	0.547002202	0.94615	FAM44B	ENSG00000145919
5	173036207	173036467	173036325	8	9	6	1.484720263	0.204387	FAM44B	ENSG00000145919
5	173153416	173153660	173153518	8	11	1	6.235825105	0.0013754	CPEB4	ENSG00000113742
5	173183762	173184152	173183941	20	28	11	2.511651779	0.00221344	CPEB4	ENSG00000113742
5	173243816	173244162	173243989	14	20	4	4.365077574	0.000324139	CPEB4	ENSG00000113742
5	173247608	173247932	173247771	10	13	3	3.637564645	0.0050909	CPEB4	ENSG00000113742
5	173284802	173284981	173284886	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CPEB4	ENSG00000113742
5	173285136	173285421	173285302	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CPEB4	ENSG00000113742
5	173526363	173526668	173526507	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000170091
5	173687112	173687588	173687442	11	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000213376
5	173687649	173687904	173687769	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000213376
5	173688048	173688935	173688467	324	432	6	64.2883874	1.68E-123		ENSG00000213376
5	173698005	173698257	173698103	12	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000213376
5	173698303	173698569	173698436	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000213376
5	173784891	173785142	173785064	10	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000213376
5	173820961	173821237	173821073	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000213376
5	173843098	173843308	173843203	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000213376
5	173883535	173883735	173883633	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213376
5	173892111	173892450	173892280	12	18	7	2.468347438	0.0112499		ENSG00000213376
5	173931268	173931749	173931447	11	20	10	1.98412617	0.0277883		ENSG00000213376
5	174058877	174059186	174059026	9	12	4	2.702190879	0.0203088	MSX2	ENSG00000120149
5	174136776	174137001	174136838	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000222422
5	174295544	174295804	174295717	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000204754
5	174332192	174332425	174332294	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000204754
5	174349551	174349748	174349649	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000204754
5	174359211	174359431	174359323	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000204754
5	174374808	174374988	174374894	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000204754
5	174474199	174474535	174474367	10	13	14	0.970017239	0.534076		ENSG00000204754
5	174644438	174644787	174644613	13	18	10	1.795161773	0.055383	DRD1	ENSG00000184845
5	174646437	174646624	174646530	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DRD1	ENSG00000184845
5	174647717	174648096	174647980	8	14	10	1.417232979	0.185113	DRD1	ENSG00000184845
5	174738080	174738442	174738326	9	14	2	5.196520921	0.000907371	DRD1	ENSG00000184845

5	174894099	174894278	174894172	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SFXN1	ENSG00000164466
5	175017403	175017663	175017533	8	9	5	1.73217364	0.133894	HRH2	ENSG00000113749
5	175138788	175139164	175138952	11	17	7	2.338434415	0.0171287	CPLX2	ENSG00000145920
5	175169230	175169676	175169518	10	17	3	4.676868829	0.000552213	CPLX2	ENSG00000145920
5	175681981	175682160	175682070	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C5orf25	ENSG00000170085
5	175721406	175721642	175721531	8	9	7	1.29913023	0.286504	KIAA1191	ENSG00000122203
5	175748085	175748357	175748220	11	12	3	3.377738599	0.00867157	NOP16	ENSG00000048162
5	175748438	175748761	175748594	12	16	2	5.889390377	0.000270741	HIGD2A	ENSG00000146066
5	175807726	175807915	175807861	8	8	8	1.039304184	0.46786	FAF2	ENSG00000113194
5	175900290	175900469	175900379	9	9	0	10.39304184	0.000803859	RNF44	ENSG00000146083
5	176154559	176154742	176154632	8	8	5	1.558956276	0.191397	UNC5A	ENSG00000113763
5	176176216	176176416	176176327	10	11	0	12.47165021	0.000193293	UNC5A	ENSG00000113763
5	176197264	176197598	176197431	14	19	6	2.969440526	0.0035096	UNC5A	ENSG00000113763
5	176365360	176365687	176365511	12	17	6	2.672496474	0.00882337	UIMC1	ENSG00000087206
5	176366430	176366665	176366547	9	9	4	2.078608368	0.0785659	UIMC1	ENSG00000087206
5	176382005	176382244	176382155	9	9	8	1.154782427	0.375434	ZNF346	ENSG00000113761
5	176445826	176446133	176445979	11	14	5	2.598260461	0.0167748	FGFR4	ENSG00000160867
5	176661161	176661442	176661301	12	16	11	1.472347594	0.147517	RAB24	ENSG00000169228
5	176661490	176661740	176661615	16	17	7	2.338434415	0.0171287	RAB24	ENSG00000169228
5	176695867	176696125	176695982	8	8	4	1.870747532	0.118863	LMAN2	ENSG00000169223
5	176711243	176711553	176711398	11	13	10	1.32275078	0.240023	LMAN2	ENSG00000169223
5	176748031	176748257	176748144	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SLC34A1	ENSG00000131183
5	176761916	176762115	176762034	8	8	6	1.336248237	0.277651	PFN3	ENSG00000196570
5	176762118	176762542	176762297	15	25	15	1.688869299	0.0455215	PFN3	ENSG00000196570
5	176762705	176762904	176762790	8	8	5	1.558956276	0.191397	PFN3	ENSG00000196570
5	176785602	176785885	176785781	14	19	6	2.969440526	0.0035096	GRK6	ENSG00000198055
5	176857468	176857713	176857598	11	12	2	4.503651465	0.002963	PDLIM7	ENSG00000196923
5	176860538	176860802	176860670	8	8	6	1.336248237	0.277651	PDLIM7	ENSG00000196923
5	176876499	176876979	176876658	19	26	8	3.117912553	0.000638503	DDX41	ENSG00000183258
5	176935793	176936117	176935968	31	34	2	12.12521548	2.69E-09	TMED9	ENSG00000184840
5	177217294	177217476	177217462	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000170089
5	177435526	177435876	177435701	10	16	13	1.262012224	0.256887		ENSG00000218227
5	177435879	177436108	177435947	10	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000218227
5	177437863	177438263	177438084	8	14	16	0.917033104	0.598778		ENSG00000218227

5	177441233	177441527	177441378	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000218227
5	177443744	177444011	177443877	9	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000218227
5	177458398	177458601	177458542	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000145911
5	177467923	177468147	177468028	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000145911
5	177480470	177480804	177480637	12	16	11	1.472347594	0.147517		ENSG00000145911
5	177483430	177484441	177483968	22	61	32	1.952632104	0.000689782	RMND5B	ENSG00000145916
5	177505563	177506297	177505858	10	29	15	1.948695345	0.0128944	NHP2	ENSG00000145912
5	177511399	177511809	177511498	9	15	9	1.662886695	0.0970566	NHP2	ENSG00000145912
5	177513304	177513862	177513609	15	30	11	2.684869143	0.000957822	NHP2	ENSG00000145912
5	177621903	177622108	177622005	9	10	3	2.858086507	0.0242838	AGXT2L2	ENSG00000175309
5	177648476	177648949	177648792	8	17	13	1.336248237	0.204556	AGXT2L2	ENSG00000175309
5	177667905	177668104	177667999	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000223150
5	177738223	177738402	177738312	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000223150
5	177986457	177986665	177986593	8	8	4	1.870747532	0.118863	CLK4	ENSG00000113240
5	177994813	177995015	177994906	9	11	3	3.117912553	0.0146045	CLK4	ENSG00000113240
5	178002254	178002594	178002416	10	14	7	1.948695345	0.0559175	CLK4	ENSG00000113240
5	178035648	178035864	178035756	9	11	2	4.157216737	0.0052913	CLK4	ENSG00000113240
5	178059615	178060042	178059754	8	14	6	2.227080395	0.0322529	ZNF354A	ENSG00000169131
5	178090276	178090587	178090431	11	14	2	5.196520921	0.000907371	ZNF354A	ENSG00000169131
5	178383911	178384101	178384006	9	10	1	5.716173013	0.00260397	GRM6	ENSG00000113262
5	178467215	178467586	178467386	8	13	1	7.27512929	0.000378098	ZNF354C	ENSG00000177932
5	178577559	178577751	178577655	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ADAMTS2	ENSG00000087116
5	178721262	178721496	178721370	10	10	4	2.286469205	0.0509017	ADAMTS2	ENSG00000087116
5	178722325	178722504	178722401	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ADAMTS2	ENSG00000087116
5	178983351	178983542	178983460	8	9	3	2.598260461	0.0397929	HNRNPH1	ENSG00000169045
5	179079953	179080197	179080089	9	10	9	1.143234603	0.378307	MAML1	ENSG00000161021
5	179092039	179092328	179092216	8	13	14	0.970017239	0.534076	MAML1	ENSG00000161021
5	179092333	179092512	179092395	8	8	7	1.169217207	0.371848	MAML1	ENSG00000161021
5	179181046	179181256	179181151	8	9	6	1.484720263	0.204387	SQSTM1	ENSG00000161011
5	179181334	179181621	179181468	9	13	9	1.455025858	0.177172	SQSTM1	ENSG00000161011
5	179181661	179181895	179181742	8	10	6	1.63319229	0.146906	SQSTM1	ENSG00000161011
5	179218119	179218452	179218295	14	17	8	2.078608368	0.0303558	C5orf45	ENSG00000161010
5	179255512	179255692	179255602	8	8	4	1.870747532	0.118863	TBC1D9B	ENSG00000197226
5	179444166	179444396	179444250	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000213306

5	179617331	179617764	179617593	18	28	5	5.023303557	1.20E-05	MAPK9	ENSG00000050748
5	179648967	179649472	179649145	8	17	10	1.700679574	0.0766266	MAPK9	ENSG00000050748
5	179688326	179688546	179688436	8	9	3	2.598260461	0.0397929	GFPT2	ENSG00000131459
5	179691979	179692184	179692081	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GFPT2	ENSG00000131459
5	179853610	179853816	179853713	9	10	7	1.429043253	0.21536	CNOT6	ENSG00000113300
5	180169835	180170066	180169950	11	11	5	2.078608368	0.0614303	MGAT1	ENSG00000131446
5	180220361	180220725	180220550	10	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000214302
5	180228666	180228896	180228727	9	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000214302
5	180274861	180275050	180274955	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000208346
5	180471383	180471717	180471552	18	20	2	7.27512929	2.27E-05		ENSG00000214293
5	180472070	180472490	180472316	9	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000214293
5	180474759	180474955	180474828	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000214293
5	180533130	180533518	180533349	10	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000208343
5	180541601	180541993	180541766	10	17	7	2.338434415	0.0171287		ENSG00000208343
5	180551116	180551510	180551295	13	20	7	2.728173484	0.00469378	TRIM7	ENSG00000146054
5	180566188	180566398	180566291	8	9	6	1.484720263	0.204387	TRIM7	ENSG00000146054
5	180566461	180566707	180566584	8	9	7	1.29913023	0.286504	TRIM7	ENSG00000146054
5	180567263	180567576	180567408	16	21	18	1.203404845	0.275531	TRIM7	ENSG00000146054
5	180575738	180575958	180575880	9	11	5	2.078608368	0.0614303	TRIM41	ENSG00000146063
5	180575966	180576248	180576137	8	11	7	1.558956276	0.158273	TRIM41	ENSG00000146063
5	180577585	180578017	180577846	9	18	16	1.161575265	0.325582	TRIM41	ENSG00000146063
5	180581688	180582058	180581841	18	23	18	1.312805285	0.185024	TRIM41	ENSG00000146063
5	180582592	180582945	180582768	10	15	10	1.511715177	0.140236	TRIM41	ENSG00000146063
5	180583010	180583481	180583134	15	23	4	4.988660084	6.05E-05	TRIM41	ENSG00000146063
5	180603462	180603775	180603618	14	17	11	1.558956276	0.111389	GNB2L1	ENSG00000204628
5	180603835	180604082	180603958	10	12	8	1.501217155	0.168286	GNB2L1	ENSG00000204628
6	562544	562752	562672	11	12	6	1.930136342	0.071303	HUS1B	ENSG00000188996
6	625704	625965	625823	12	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000219712
6	1586629	1586828	1586728	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000203569
6	2154554	2154759	2154656	9	10	1	5.716173013	0.00260397	GMDS	ENSG00000112699
6	2334042	2334221	2334131	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000205779
6	2393986	2394277	2394131	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000203564
6	2452254	2452612	2452435	12	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000203564
6	2710038	2710297	2710213	8	12	1	6.755477198	0.000722752	WRNIP1	ENSG00000124535

6	2791624	2791844	2791776	13	14	4	3.117912553	0.00766354	SERPINB1	ENSG00000021355
6	2933712	2933965	2933889	8	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000215076
6	2934945	2935292	2935073	10	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000215076
6	2944643	2944845	2944768	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NQO2	ENSG00000124588
6	3148829	3149047	3148938	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000221674
6	3378377	3378612	3378523	9	11	3	3.117912553	0.0146045	SLC22A23	ENSG00000137266
6	3415350	3415895	3415622	25	44	5	7.794781382	9.60E-10	SLC22A23	ENSG00000137266
6	3456778	3457012	3456884	9	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC22A23	ENSG00000137266
6	3660621	3660881	3660782	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C6orf145	ENSG00000168994
6	3964111	3964297	3964143	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000215066
6	4199143	4199355	4199213	9	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000216307
6	4268173	4268392	4268282	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000201185
6	4303978	4304218	4304098	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000201185
6	4329050	4329567	4329273	30	40	2	14.20382385	5.03E-11		ENSG00000201185
6	4975808	4975987	4975968	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000209924
6	5851301	5851559	5851426	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000222735
6	6703618	6703797	6703707	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219986
6	6704542	6704795	6704668	10	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000219986
6	6704865	6705085	6704926	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219986
6	7146498	7146719	7146593	10	13	1	7.27512929	0.000378098	RREB1	ENSG00000124782
6	7207495	7207769	7207616	10	13	3	3.637564645	0.0050909	RREB1	ENSG00000124782
6	7268420	7268731	7268553	24	28	2	10.04660711	1.36E-07	ATP5GP1	ENSG00000219375
6	7363529	7363773	7363628	13	16	6	2.524024447	0.0137633	RIOK1	ENSG00000124784
6	7408945	7409385	7409166	49	64	2	22.51825733	4.52E-18		ENSG00000215042
6	7425124	7425483	7425304	8	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000215042
6	7477608	7477798	7477703	10	10	0	11.43234603	0.000394183	DSP	ENSG00000096696
6	7506432	7507201	7506768	10	27	9	2.910051716	0.000869703	DSP	ENSG00000096696
6	7618315	7618531	7618423	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216985
6	9619486	9619732	9619605	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222597
6	10207143	10207424	10207275	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000216368
6	10271220	10271855	10271610	20	41	3	10.91269393	2.02E-10		ENSG00000216368
6	10424720	10425028	10424874	9	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000216781
6	10456047	10456266	10456156	12	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000216781
6	10539694	10539971	10539866	16	19	0	20.78608368	6.46E-07	C6orf218	ENSG00000183674

6	10629528	10629707	10629614	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GCNT2	ENSG00000111846
6	10802674	10803114	10802994	16	25	5	4.503651465	6.33E-05		ENSG00000137434
6	10826855	10827229	10827053	35	42	3	11.17251998	1.06E-10	TMEM14C	ENSG00000111843
6	10855587	10855956	10855742	12	17	4	3.741495063	0.00163722	TMEM14B	ENSG00000137210
6	11076070	11076311	11076160	9	9	1	5.196520921	0.00490062	ELOVL2	ENSG00000197977
6	11098004	11098266	11098135	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ELOVL2	ENSG00000197977
6	11175588	11175955	11175776	8	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000209088
6	11252803	11253042	11252884	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000212121
6	11337946	11338225	11338085	8	12	3	3.377738599	0.00867157	NEDD9	ENSG00000111859
6	11542979	11543206	11543085	12	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000202313
6	11871072	11871251	11871154	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C6orf105	ENSG00000111863
6	12399582	12399825	12399688	8	10	2	3.810782009	0.00936112	EDN1	ENSG00000078401
6	12710607	12711005	12710836	13	20	8	2.425043097	0.00917565	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12711662	12711866	12711764	11	11	2	4.157216737	0.0052913	RPL15P3	ENSG00000212802
6	12746442	12746623	12746541	9	9	4	2.078608368	0.0785659	PHACTR1	ENSG00000112137
6	12924424	12924894	12924632	16	29	4	6.235825105	1.85E-06		ENSG00000223291
6	13116312	13116515	13116413	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PHACTR1	ENSG00000112137
6	13145859	13146051	13145889	8	8	5	1.558956276	0.191397	PHACTR1	ENSG00000112137
6	13356104	13356600	13356425	25	33	0	35.33634226	3.00E-11	PHACTR1	ENSG00000112137
6	13487051	13487247	13487149	9	9	1	5.196520921	0.00490062	GFOD1	ENSG00000145990
6	13833914	13834142	13834019	9	10	2	3.810782009	0.00936112	RANBP9	ENSG00000010017
6	13981979	13982224	13982085	8	10	1	5.716173013	0.00260397	RNF182	ENSG00000180537
6	14175106	14175355	14175263	9	10	3	2.858086507	0.0242838	CD83	ENSG00000112149
6	14213741	14214007	14213874	10	13	2	4.850086193	0.00164564	CD83	ENSG00000112149
6	14482966	14483220	14483093	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CD83	ENSG00000112149
6	14871556	14871749	14871571	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000206960
6	15254012	15254191	15254101	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210050
6	15799567	15799889	15799731	11	14	6	2.227080395	0.0322529	DTNBP1	ENSG00000047579
6	16359903	16360275	16360082	11	18	2	6.582259834	7.91E-05	GMPR	ENSG00000137198
6	16908241	16908439	16908320	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000215019
6	17072922	17073202	17073100	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000215019
6	17120727	17120935	17120831	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000209103
6	17424955	17425197	17425076	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RBM24	ENSG00000112183
6	17497517	17497912	17497726	16	25	0	27.02190879	8.98E-09	CAP2	ENSG00000112186

6	17502377	17502575	17502476	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CAP2	ENSG00000112186
6	17708275	17708538	17708406	12	14	4	3.117912553	0.00766354	FAM8A1	ENSG00000137414
6	17732827	17733040	17732972	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000206881
6	17815156	17815365	17815260	10	10	1	5.716173013	0.00260397	NUP153	ENSG00000124789
6	18136514	18136835	18136675	25	28	0	30.13982134	1.06E-09		ENSG00000210163
6	18198539	18198915	18198718	23	30	1	16.10921486	4.28E-09	NHLRC1	ENSG00000187566
6	18434275	18434590	18434445	21	22	2	7.967998746	6.43E-06		ENSG00000200681
6	18495454	18495823	18495680	9	16	4	3.533634226	0.00276486	RNF144B	ENSG00000137393
6	18704598	18704894	18704748	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207775
6	18954058	18954497	18954279	31	48	0	50.92590503	6.85E-16		ENSG00000207775
6	20000578	20000924	20000745	13	18	3	4.936694875	0.000311102	ID4	ENSG00000172201
6	20096834	20097133	20096986	18	21	2	7.621564018	1.21E-05		ENSG00000177246
6	20479034	20479267	20479161	9	10	3	2.858086507	0.0242838	E2F3	ENSG00000112242
6	20870588	20870809	20870698	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216591
6	20967583	20967781	20967650	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000216591
6	20974877	20975417	20975056	44	66	7	8.704172543	3.28E-14		ENSG00000216591
6	21296776	21297056	21296916	17	20	1	10.91269393	3.71E-06	CXorf29	ENSG00000205147
6	21541949	21542195	21542085	8	9	3	2.598260461	0.0397929	SOX4	ENSG00000124766
6	22471438	22471636	22471548	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PRL	ENSG00000172179
6	22529378	22529559	22529455	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PRL	ENSG00000172179
6	22551004	22551506	22551286	70	92	0	96.65528913	1.65E-29	HDGFL1	ENSG00000112273
6	24391700	24391900	24391783	9	10	4	2.286469205	0.0509017	KAAG1	ENSG00000146049
6	24712441	24712620	24712576	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000218186
6	24829890	24830099	24829994	9	9	3	2.598260461	0.0397929	C6orf62	ENSG00000112308
6	24871839	24872080	24872003	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	GMNN	ENSG00000112312
6	24882926	24883241	24883082	8	11	4	2.494330042	0.0324033	GMNN	ENSG00000112312
6	24935412	24935856	24935609	64	82	4	17.25244946	3.23E-21	FAM65B	ENSG00000111913
6	25045302	25045485	25045393	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000217083
6	25093617	25093946	25093770	21	24	4	5.196520921	3.42E-05		ENSG00000214975
6	25279556	25279813	25279728	10	14	9	1.558956276	0.132279		ENSG00000217805
6	25557402	25557740	25557571	15	21	2	7.621564018	1.21E-05		ENSG00000210368
6	26066918	26067176	26067090	13	16	0	17.66817113	5.48E-06	TRIM38	ENSG00000112343
6	26128623	26128854	26128710	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HIST1H3A	ENSG00000198366
6	26129735	26129958	26129851	8	9	7	1.29913023	0.286504	HIST1H4A	ENSG00000196176

6	26135299	26135676	26135541	15	21	9	2.286469205	0.0111772	HIST1H4B	ENSG00000124529
6	26140122	26140480	26140301	12	17	9	1.870747532	0.0498299	HIST1H3B	ENSG00000124693
6	26162908	26163134	26163049	9	11	3	3.117912553	0.0146045	HIST1H1C	ENSG00000187837
6	26163525	26163896	26163797	9	15	11	1.385738912	0.19225	HIST1H1C	ENSG00000187837
6	26231346	26231533	26231439	8	8	5	1.558956276	0.191397	HIST1H2BC	ENSG00000180596
6	26264378	26264901	26264645	10	21	6	3.266384579	0.0013436	HIST1H1E	ENSG00000168298
6	26297343	26297522	26297432	8	9	7	1.29913023	0.286504	HIST1H4D	ENSG00000188987
6	26312658	26312878	26312768	10	11	10	1.133786383	0.380636	HIST1H4E	ENSG00000198518
6	26380717	26381272	26381093	10	22	4	4.780799247	0.00010647	HIST1H2BI	ENSG00000168242
6	26393576	26393817	26393662	9	11	8	1.385738912	0.224757	HIST1H4H	ENSG00000158406
6	26394492	26394859	26394635	8	13	11	1.212521548	0.309909	HIST1H4H	ENSG00000158406
6	26419211	26419643	26419314	8	17	5	3.117912553	0.00407023	H3F3AP1	ENSG00000220875
6	26435715	26435921	26435766	11	12	9	1.35109544	0.232899	H3F3AP1	ENSG00000220875
6	26449822	26450172	26449997	9	13	7	1.818782322	0.0805123		ENSG00000210378
6	26645626	26645840	26645733	10	10	7	1.429043253	0.21536	HMG4	ENSG00000182952
6	26704005	26704268	26704136	11	12	2	4.503651465	0.002963	ABT1	ENSG00000146109
6	26795041	26795395	26795218	17	22	0	23.90399624	7.62E-08		ENSG00000210409
6	26813262	26813457	26813342	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000210409
6	27095933	27096233	27096097	10	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000220581
6	27207563	27207962	27207742	17	25	3	6.755477198	4.84E-06	HIST1H2BJ	ENSG00000124635
6	27209677	27209856	27209758	8	8	4	1.870747532	0.118863	HIST1H2AC	ENSG00000196787
6	27221457	27222046	27221745	9	23	11	2.078608368	0.0154752	HIST1H2BK	ENSG00000197903
6	27238068	27238370	27238219	10	16	7	2.208521392	0.0257604	HIST1H2AF	ENSG00000184825
6	27306265	27306510	27306360	11	13	7	1.818782322	0.0805123	PRSS16	ENSG00000112812
6	27313084	27313464	27313312	13	17	8	2.078608368	0.0303558	PRSS16	ENSG00000112812
6	27356007	27356397	27356157	9	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000210450
6	27371145	27371432	27371316	10	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000210452
6	27464495	27464760	27464630	8	11	2	4.157216737	0.0052913	ZNF391	ENSG00000124613
6	27548760	27549150	27548977	11	18	3	4.936694875	0.000311102	ZNF184	ENSG00000096654
6	27555309	27555569	27555439	8	11	6	1.781664316	0.103344	ZNF184	ENSG00000096654
6	27617507	27617719	27617604	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000218347
6	27623425	27623627	27623537	8	10	10	1.039304184	0.464387		ENSG00000219738
6	27659140	27659346	27659243	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000206671
6	27668409	27668722	27668552	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000206671

6	27681465	27681682	27681560	8	8	11	0.779478138	0.719708		ENSG00000206671
6	27693526	27693720	27693653	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000206671
6	27726585	27726764	27726674	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000216676
6	27743613	27743882	27743747	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000216676
6	27744205	27744523	27744366	8	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000216676
6	27746229	27746496	27746362	8	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000216676
6	27763645	27764315	27763932	10	26	8	3.117912553	0.000638503		ENSG00000216676
6	27796671	27797066	27796892	8	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000216915
6	27885597	27885881	27885748	10	13	3	3.637564645	0.0050909	HIST1H3H	ENSG00000203813
6	27913114	27913297	27913191	8	8	4	1.870747532	0.118863	HIST1H2AK	ENSG00000184348
6	27914007	27914187	27914097	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HIST1H2AK	ENSG00000184348
6	27943149	27943339	27943294	9	10	3	2.858086507	0.0242838	HIST1H1B	ENSG00000184357
6	27966163	27966495	27966329	9	14	5	2.598260461	0.0167748	HIST1H3J	ENSG00000197153
6	28288655	28288993	28288854	10	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000176933
6	28550236	28550505	28550370	15	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000210498
6	28618226	28618602	28618405	10	17	4	3.741495063	0.00163722	GPX6	ENSG00000198704
6	28618611	28618836	28618682	8	11	7	1.558956276	0.158273	GPX6	ENSG00000198704
6	33787240	33787436	33787338	9	9	4	2.078608368	0.0785659	C6orf125	ENSG00000137288
6	33807717	33807954	33807821	11	13	4	2.910051716	0.0125532	IHPK3	ENSG00000161896
6	33820244	33820604	33820423	25	32	0	34.29703808	6.12E-11	IHPK3	ENSG00000161896
6	33821469	33821822	33821645	8	11	3	3.117912553	0.0146045	IHPK3	ENSG00000161896
6	33828005	33828434	33828255	10	17	4	3.741495063	0.00163722	IHPK3	ENSG00000161896
6	33915865	33916143	33916022	8	11	5	2.078608368	0.0614303	MLN	ENSG00000096395
6	34064110	34064336	34064213	10	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000221697
6	34131873	34132094	34131948	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221697
6	34468703	34468922	34468812	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NUDT3	ENSG00000112664
6	34541851	34542112	34541983	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PACSN1	ENSG00000124507
6	34612282	34612676	34612435	12	19	11	1.73217364	0.0607469	SPDEF	ENSG00000124664
6	34622912	34623112	34623040	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SPDEF	ENSG00000124664
6	34628898	34629127	34629012	12	13	1	7.27512929	0.000378098	SPDEF	ENSG00000124664
6	34674449	34674653	34674508	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000216636
6	34833079	34833423	34833251	11	15	5	2.771477825	0.0105836	SNRPC	ENSG00000124562
6	34963601	34963798	34963699	8	8	5	1.558956276	0.191397	TAF11	ENSG00000064995
6	35215756	35215940	35215853	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TCP11	ENSG00000124678

6	35335152	35335453	35335322	10	13	3	3.637564645	0.0050909	ZNF76	ENSG00000065029
6	35373390	35373590	35373505	8	8	4	1.870747532	0.118863	DEF6	ENSG00000023892
6	35417882	35418217	35418050	15	17	5	3.117912553	0.00407023	PPARD	ENSG00000112033
6	35422519	35422726	35422647	8	8	6	1.336248237	0.277651	PPARD	ENSG00000112033
6	35537096	35537314	35537216	15	16	3	4.417042783	0.00097367	RPL10A	ENSG00000198755
6	35561814	35562046	35561930	10	11	1	6.235825105	0.0013754	TEAD3	ENSG00000007866
6	35598679	35598979	35598825	9	12	3	3.377738599	0.00867157	TULP1	ENSG00000112041
6	36103197	36103639	36103376	13	20	1	10.91269393	3.71E-06	MAPK14	ENSG00000112062
6	36208705	36209043	36208874	8	12	2	4.503651465	0.002963	MAPK13	ENSG00000156711
6	36230118	36230378	36230248	14	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000221743
6	36321541	36321725	36321642	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PNPLA1	ENSG00000180316
6	36462547	36462809	36462701	11	14	5	2.598260461	0.0167748	ETV7	ENSG00000010030
6	36669334	36669588	36669455	8	9	2	3.464347281	0.0163838	SFRS3	ENSG00000112081
6	36683875	36684247	36684052	14	20	2	7.27512929	2.27E-05	SFRS3	ENSG00000112081
6	36742684	36743305	36743007	135	166	3	43.39094969	2.25E-47		ENSG00000213500
6	36751897	36753361	36752233	404	677	15	44.04051481	1.65E-184	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36753447	36753772	36753603	11	14	2	5.196520921	0.000907371	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36754143	36754366	36754254	11	13	1	7.27512929	0.000378098	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36754482	36754674	36754535	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36756164	36756562	36756383	12	19	1	10.39304184	7.23E-06	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36757855	36758064	36757890	8	11	5	2.078608368	0.0614303	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36758080	36758637	36758392	57	78	5	13.68417176	4.01E-19	CDKN1A	ENSG00000124762
6	36961496	36961679	36961587	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C6orf89	ENSG00000198663
6	37099119	37099375	37099239	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000146192
6	37217817	37218099	37217958	10	10	2	3.810782009	0.00936112	PIM1	ENSG00000137193
6	37248058	37248302	37248177	13	14	3	3.897390691	0.00295882	PIM1	ENSG00000137193
6	37320587	37320932	37320759	29	33	2	11.77878075	5.19E-09		ENSG00000210733
6	37457342	37457553	37457447	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000223195
6	37549234	37549458	37549353	9	10	6	1.63319229	0.146906	C6orf129	ENSG00000198937
6	37867164	37867405	37867284	9	12	4	2.702190879	0.0203088	ZFAND3	ENSG00000156639
6	37883979	37884270	37884120	8	11	6	1.781664316	0.103344	ZFAND3	ENSG00000156639
6	37884843	37885022	37884923	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ZFAND3	ENSG00000156639
6	37894859	37895089	37894974	11	12	3	3.377738599	0.00867157	ZFAND3	ENSG00000156639
6	37965317	37965626	37965471	12	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000200597

6	38180910	38181100	38181019	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000218521
6	38470395	38470610	38470459	8	10	2	3.810782009	0.00936112	BTBD9	ENSG00000183826
6	38507245	38507443	38507350	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199938
6	38715010	38715311	38715173	8	10	6	1.63319229	0.146906	BTBD9	ENSG00000183826
6	38831057	38831254	38831153	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000219273
6	38849107	38849384	38849250	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000219273
6	38852360	38852631	38852495	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000219273
6	38968328	38968563	38968442	9	10	0	11.43234603	0.000394183	DNAH8	ENSG00000124721
6	39084571	39084778	39084674	10	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000220556
6	39173055	39173264	39173171	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C6orf64	ENSG00000112167
6	39645510	39645689	39645634	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218939
6	40008234	40008424	40008329	9	9	0	10.39304184	0.000803859	MOCS1	ENSG00000124615
6	40259751	40260080	40259915	14	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000204092
6	40472355	40472840	40472586	33	53	9	5.612242595	1.26E-09		ENSG00000210787
6	40599175	40599564	40599366	15	23	1	12.47165021	4.94E-07	LRFN2	ENSG00000156564
6	40724631	40724910	40724770	8	10	4	2.286469205	0.0509017	LRFN2	ENSG00000156564
6	40744636	40744815	40744689	8	8	0	9.353737658	0.00163931	LRFN2	ENSG00000156564
6	40774814	40774994	40774858	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LRFN2	ENSG00000156564
6	40790640	40790819	40790679	8	8	3	2.338434415	0.0641221	LRFN2	ENSG00000156564
6	41147321	41147536	41147425	9	10	3	2.858086507	0.0242838	C6orf130	ENSG00000124596
6	41265555	41265932	41265734	19	27	2	9.700172386	2.61E-07	TREML2	ENSG00000112195
6	41689358	41689562	41689432	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000214738
6	41811390	41811626	41811488	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TFEB	ENSG00000112561
6	41842866	41843278	41843154	16	22	6	3.414856605	0.000820885	FRS3	ENSG00000137218
6	41844448	41844795	41844626	16	20	0	21.82538787	3.17E-07	FRS3	ENSG00000137218
6	41855663	41855882	41855730	8	10	3	2.858086507	0.0242838	FRS3	ENSG00000137218
6	41863175	41863650	41863388	8	17	8	2.078608368	0.0303558	TOMM6	ENSG00000214736
6	41922233	41922850	41922467	67	105	4	22.03324871	6.33E-28		ENSG00000206977
6	41996765	41997131	41996952	10	17	2	6.235825105	0.000146695	BYSL	ENSG00000112578
6	42120012	42120253	42120167	10	13	9	1.455025858	0.177172	CCND3	ENSG00000112576
6	42293423	42293714	42293581	8	10	3	2.858086507	0.0242838	MRPS10	ENSG00000048544
6	42468985	42469219	42469124	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000210840
6	43135027	43135214	43135145	9	10	1	5.716173013	0.00260397	MRPL2	ENSG00000112651
6	43172065	43172707	43172419	48	70	3	18.44764927	9.50E-19		ENSG00000223079

6	43503321	43503502	43503393	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ABCC10	ENSG00000124574
6	43651834	43652155	43651994	31	36	1	19.22712741	7.03E-11	POLH	ENSG00000170734
6	43743998	43744577	43744257	13	29	2	10.39304184	7.12E-08		ENSG00000210930
6	43763326	43763515	43763454	8	8	4	1.870747532	0.118863	MRPS18A	ENSG00000096080
6	43874606	43874785	43874718	9	9	2	3.464347281	0.0163838	VEGFA	ENSG00000112715
6	44042299	44042499	44042346	10	10	2	3.810782009	0.00936112	C6orf223	ENSG00000181577
6	44150203	44150500	44150357	8	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000183239
6	44204450	44204682	44204566	14	16	1	8.834085566	5.30E-05	TMEM63B	ENSG00000137216
6	44209450	44209631	44209584	8	8	5	1.558956276	0.191397	TMEM63B	ENSG00000137216
6	44313213	44313562	44313380	11	15	0	16.62886695	1.12E-05	HSP90AB1	ENSG00000096384
6	44322227	44322464	44322336	8	10	5	1.905391004	0.0915982	HSP90AB1	ENSG00000096384
6	44322669	44323011	44322840	10	16	2	5.889390377	0.000270741	HSP90AB1	ENSG00000096384
6	44388977	44389346	44389098	10	16	4	3.533634226	0.00276486	AARS2	ENSG00000124608
6	44760920	44761315	44761099	79	87	2	30.48625607	6.20E-25	SUPT3H	ENSG00000196284
6	46897356	46897692	46897524	16	21	1	11.43234603	1.90E-06	MEP1A	ENSG00000112818
6	47210346	47210540	47210457	8	9	4	2.078608368	0.0785659	GPR110	ENSG00000153292
6	47557477	47557855	47557725	16	20	3	5.456346967	9.70E-05	CD2AP	ENSG00000198087
6	48186708	48187102	48186877	35	43	1	22.86469205	5.66E-13		ENSG00000214653
6	51445943	51446320	51446152	10	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000212532
6	52257430	52257711	52257576	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MCM3	ENSG00000112118
6	52967815	52968085	52967950	11	14	6	2.227080395	0.0322529	GSTA4	ENSG00000170899
6	53085309	53085489	53085400	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000211047
6	53144761	53145043	53144886	8	9	2	3.464347281	0.0163838	GCM1	ENSG00000137270
6	53299296	53299665	53299501	10	16	3	4.417042783	0.00097367		ENSG00000217527
6	53383487	53383700	53383593	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000211072
6	53438480	53438830	53438654	13	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000212065
6	53445735	53446046	53445890	24	27	0	29.10051716	2.16E-09		ENSG00000212065
6	53520731	53521179	53521006	8	15	1	8.314433474	0.000102308	GCLC	ENSG00000001084
6	53691709	53691984	53691857	8	9	8	1.154782427	0.375434	KLHL31	ENSG00000124743
6	53842758	53843048	53842913	10	13	5	2.425043097	0.0262442	LRRRC1	ENSG00000137269
6	53928986	53929180	53929104	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000218143
6	54088639	54089136	54088972	27	39	3	10.39304184	7.32E-10	C6orf142	ENSG00000146147
6	54817424	54817645	54817534	10	10	0	11.43234603	0.000394183	FAM83B	ENSG00000168143
6	54819024	54819630	54819333	11	24	8	2.886956067	0.00160675	FAM83B	ENSG00000168143

6	54851972	54852197	54852084	9	9	5	1.73217364	0.133894	FAM83B	ENSG00000168143
6	55185021	55185312	55185175	9	12	1	6.755477198	0.000722752	HCRTR2	ENSG00000137252
6	55609276	55609456	55609444	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000220725
6	55868794	55869033	55868903	10	11	3	3.117912553	0.0146045	BMP5	ENSG00000112175
6	56342975	56343184	56343130	8	11	2	4.157216737	0.0052913	COL21A1	ENSG00000124749
6	56824629	56824858	56824743	8	9	2	3.464347281	0.0163838	DST	ENSG00000151914
6	57002064	57002279	57002171	10	12	5	2.251825733	0.0404733	KIAA1586	ENSG00000168116
6	57062452	57062851	57062631	13	19	2	6.928694562	4.25E-05	ZNF451	ENSG00000112200
6	57162973	57163152	57163043	8	9	3	2.598260461	0.0397929	BAG2	ENSG00000112208
6	57464794	57465013	57464844	10	12	1	6.755477198	0.000722752	PRIM2	ENSG00000146143
6	57482323	57482596	57482482	9	10	3	2.858086507	0.0242838	PRIM2	ENSG00000146143
6	57550693	57550966	57550833	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000214566
6	57553658	57553844	57553765	8	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000214566
6	57573777	57574080	57573931	17	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000214566
6	58881682	58882037	58881859	29	33	40	0.861862006	0.741243		ENSG00000214561
6	58882336	58882678	58882507	54	54	44	1.27026067	0.11562		ENSG00000214561
6	58882796	58883129	58882962	37	39	19	2.078608368	0.00277514		ENSG00000214561
6	58884051	58887390	58886888	248	2129	2308	0.958734479	0.919747		ENSG00000214561
6	58887624	58887960	58887792	24	25	22	1.1748656	0.285497		ENSG00000214561
6	61958643	61958973	61958808	32	32	44	0.762156402	0.884833		ENSG00000220030
6	61959521	61959848	61959692	11	11	12	0.959357709	0.543005		ENSG00000220030
6	61971328	61971511	61971482	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000220030
6	64328898	64329168	64329054	10	12	1	6.755477198	0.000722752	PTP4A1	ENSG00000112245
6	64341407	64341906	64341617	141	167	4	34.92062059	2.47E-46	PTP4A1	ENSG00000112245
6	64342182	64342467	64342324	9	11	2	4.157216737	0.0052913	PTP4A1	ENSG00000112245
6	64366520	64366736	64366666	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000213309
6	65517566	65517813	65517689	17	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000219332
6	69006038	69006303	69006170	10	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000218834
6	69734941	69735121	69735030	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000211141
6	72133937	72134578	72134347	168	203	3	53.0045134	1.44E-58		ENSG00000199094
6	72134661	72135100	72134921	9	18	5	3.291129917	0.00248584		ENSG00000199094
6	73554206	73554385	73554295	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KCNQ5	ENSG00000185760
6	76038638	76038966	76038788	17	21	1	11.43234603	1.90E-06	TMEM30A	ENSG00000112697
6	76290938	76291133	76291041	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000219722

6	79019520	79019700	79019610	8	8	0	9.353737658	0.00163931		
6	79901393	79901637	79901516	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PHIP	ENSG00000146247
6	80220012	80220291	80220151	13	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000218748
6	80311472	80311707	80311555	9	11	3	3.117912553	0.0146045	LCA5	ENSG00000135338
6	80995252	80995533	80995392	8	11	0	12.47165021	0.000193293	BCKDHB	ENSG00000083123
6	81302643	81303073	81302861	37	51	2	18.01460586	3.11E-14		ENSG00000216352
6	82526284	82526694	82526463	24	33	0	35.33634226	3.00E-11		ENSG00000206886
6	83250579	83250779	83250669	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TPBG	ENSG00000146242
6	83336573	83336790	83336749	9	12	3	3.377738599	0.00867157	TPBG	ENSG00000146242
6	88157808	88158065	88157936	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C6orf164	ENSG00000203871
6	88188043	88188348	88188195	12	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000216324
6	89697153	89697332	89697243	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221224
6	94715467	94715723	94715605	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000220370
6	94911284	94911655	94911484	59	64	3	16.88869299	5.30E-17		ENSG00000220370
6	96711054	96711413	96711236	30	34	4	7.27512929	9.12E-08		ENSG00000223167
6	100391155	100391410	100391313	11	11	2	4.157216737	0.0052913	MCHR2	ENSG00000152034
6	100551826	100552052	100551939	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MCHR2	ENSG00000152034
6	100995538	100995729	100995641	9	9	0	10.39304184	0.000803859	SIM1	ENSG00000112246
6	101047757	101048016	101047884	9	11	2	4.157216737	0.0052913	SIM1	ENSG00000112246
6	101073241	101073463	101073352	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000220695
6	102953596	102953957	102953796	13	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000219757
6	104449550	104449757	104449651	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000216817
6	106652987	106653389	106653164	36	43	2	15.24312804	6.77E-12	PRDM1	ENSG00000057657
6	107656724	107657025	107656860	16	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000203285
6	107658396	107658824	107658572	48	59	5	10.39304184	8.31E-14		ENSG00000220237
6	109325172	109325701	109325489	126	162	1	84.70329102	3.01E-49		ENSG00000185796
6	109436613	109437176	109436859	22	39	6	5.938881053	7.94E-08	SESN1	ENSG00000080546
6	109811086	109811302	109811194	8	8	5	1.558956276	0.191397	CD164	ENSG00000135535
6	109812405	109812639	109812522	8	11	1	6.235825105	0.0013754	CD164	ENSG00000135535
6	110310064	110310421	110310243	19	24	1	12.9913023	2.52E-07	GPR6	ENSG00000146360
6	110493274	110493491	110493392	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GPR6	ENSG00000146360
6	110818966	110819191	110819054	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DDO	ENSG00000203797
6	111386454	111386841	111386735	9	13	4	2.910051716	0.0125532	GTF3C6	ENSG00000155115
6	111534971	111535376	111535171	48	62	0	65.47616361	3.18E-20		ENSG00000200926

6	111911741	111912320	111912023	142	195	2	67.9012067	1.12E-57	REV3L	ENSG00000009413
6	111979353	111979576	111979464	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TRAF3IP2	ENSG00000056972
6	112019377	112019861	112019526	9	18	8	2.194086611	0.0206188	TRAF3IP2	ENSG00000056972
6	112415274	112415537	112415380	16	17	1	9.353737658	2.73E-05	WISP3	ENSG00000112761
6	114070934	114071136	114071083	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000221559
6	114422825	114423028	114422891	10	10	0	11.43234603	0.000394183	HDAC2	ENSG00000196591
6	115498757	115499153	115498936	25	35	1	18.70747532	1.40E-10		ENSG00000208800
6	116672242	116672432	116672337	10	10	2	3.810782009	0.00936112	TSPYL4	ENSG00000187189
6	116961622	116961817	116961713	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM26D	ENSG00000164451
6	119001790	119002280	119002043	35	45	1	23.90399624	1.42E-13		ENSG00000217330
6	119467150	119467329	119467239	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM184A	ENSG00000111879
6	119600133	119600549	119600372	201	241	167	1.497092932	2.48E-05		ENSG00000216316
6	120127864	120128126	120127977	10	10	0	11.43234603	0.000394183	MAN1A1	ENSG00000111885
6	120219074	120219254	120219164	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208766
6	122972708	122972961	122972834	8	11	2	4.157216737	0.0052913	PKIB	ENSG00000135549
6	123003219	123003538	123003371	20	23	2	8.314433474	3.41E-06	PKIB	ENSG00000135549
6	123055013	123055210	123055111	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PKIB	ENSG00000135549
6	125408937	125409177	125409057	13	13	1	7.27512929	0.000378098	RNF217	ENSG00000146373
6	125517767	125517971	125517869	10	11	4	2.494330042	0.0324033	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125564772	125565379	125565219	12	25	8	3.00243431	0.0010168	TPD52L1	ENSG00000111907
6	125947368	125947788	125947531	12	20	2	7.27512929	2.27E-05	HEY2	ENSG00000135547
6	126372894	126373101	126373050	9	9	0	10.39304184	0.000803859	TRMT11	ENSG00000066651
6	128870921	128871160	128871076	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PTPRK	ENSG00000152894
6	129081385	129081606	129081514	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208672
6	130030540	130030759	130030606	8	9	3	2.598260461	0.0397929	ARHGAP18	ENSG00000146376
6	132366477	132366729	132366610	10	10	0	11.43234603	0.000394183	CTGF	ENSG00000118523
6	133161849	133162037	133161943	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C6orf192	ENSG00000146409
6	133635621	133635956	133635788	18	21	23	0.952695502	0.566563		ENSG00000208647
6	133702447	133702797	133702622	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000208647
6	134363714	134363919	134363782	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TBPL1	ENSG00000208839
6	134420336	134420662	134420484	16	20	0	21.82538787	3.17E-07	SLC2A12	ENSG00000146411
6	136652481	136652661	136652571	8	9	2	3.464347281	0.0163838	BCLAF1	ENSG00000209363
6	137952231	137952444	137952360	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000213108
6	138041332	138041511	138041421	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000220412

6	138397834	138398248	138398041	64	78	3	20.52625764	4.32E-21		ENSG00000219463
6	138750538	138750731	138750651	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000218499
6	139738252	139738458	139738375	10	10	3	2.858086507	0.0242838	CITED2	ENSG00000164442
6	139794101	139794440	139794268	15	18	4	3.9493559	0.000961379	CITED2	ENSG00000164442
6	139799597	139799835	139799727	8	9	5	1.73217364	0.133894	CITED2	ENSG00000164442
6	141915426	141915709	141915583	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222764
6	142352146	142352390	142352268	12	12	2	4.503651465	0.002963	NMBR	ENSG00000135577
6	143813539	143813718	143813660	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PEX3	ENSG00000034693
6	147407076	147407411	147407243	25	29	0	31.17912553	5.19E-10		ENSG00000216063
6	149248848	149249144	149249010	16	18	4	3.9493559	0.000961379		ENSG00000203725
6	149442655	149443072	149442827	38	45	6	6.829713211	2.35E-09		ENSG00000219487
6	149699444	149699836	149699623	46	55	2	19.40034477	2.07E-15	MAP3K7IP2	ENSG00000055208
6	149741889	149742192	149742040	13	14	1	7.794781382	0.000197021	SUMO4	ENSG00000177688
6	149841546	149841801	149841699	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	ZC3H12D	ENSG00000178199
6	150510342	150510581	150510461	15	17	1	9.353737658	2.73E-05	PPP1R14C	ENSG00000198729
6	151220024	151220350	151220176	27	29	0	31.17912553	5.19E-10	MTHFD1L	ENSG00000120254
6	151815068	151815343	151815211	12	14	4	3.117912553	0.00766354	C6orf211	ENSG00000146476
6	151886755	151887298	151887066	34	48	0	50.92590503	6.85E-16	C6orf97	ENSG00000120262
6	151920897	151921189	151921043	16	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000207422
6	152020859	152021236	152021024	16	22	10	2.173090567	0.0132845	ESR1	ENSG00000091831
6	152021602	152021847	152021741	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ESR1	ENSG00000091831
6	152029613	152029792	152029702	8	8	6	1.336248237	0.277651	ESR1	ENSG00000091831
6	152038680	152038948	152038814	9	13	7	1.818782322	0.0805123	ESR1	ENSG00000091831
6	152040087	152040286	152040186	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ESR1	ENSG00000091831
6	152126952	152127151	152127054	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ESR1	ENSG00000091831
6	152128284	152128704	152128445	30	38	2	13.5109544	1.90E-10	ESR1	ENSG00000091831
6	152454146	152454326	152454236	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C6orf98	ENSG00000222029
6	152584671	152585037	152584876	25	31	0	33.2577339	1.25E-10	SYNE1	ENSG00000131018
6	152676903	152677188	152677050	23	24	0	25.98260461	1.83E-08	SYNE1	ENSG00000131018
6	154655880	154656207	154656043	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000074706
6	154873356	154873635	154873495	8	9	2	3.464347281	0.0163838	CNKSR3	ENSG00000153721
6	157989369	157989869	157989690	11	22	0	23.90399624	7.62E-08	ZDHHHC14	ENSG00000175048
6	158381402	158381731	158381566	16	19	4	4.157216737	0.000560204	SYNJ2	ENSG00000078269
6	158390560	158390887	158390731	19	22	5	3.983999373	0.000317941	SYNJ2	ENSG00000078269

6	158463214	158463411	158463341	9	9	2	3.464347281	0.0163838	SYNJ2	ENSG00000078269
6	159001408	159001636	159001526	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SYTL3	ENSG00000164674
6	159122498	159122683	159122590	8	8	1	4.676868829	0.0091584	EZR	ENSG00000092820
6	159238354	159238698	159238526	20	25	0	27.02190879	8.98E-09		ENSG00000213076
6	159251526	159251708	159251609	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213076
6	159593955	159594335	159594134	25	32	2	11.43234603	1.00E-08	FNDC1	ENSG00000164694
6	159974221	159974446	159974330	10	12	1	6.755477198	0.000722752	SOD2	ENSG00000112096
6	163728371	163728677	163728536	30	33	0	35.33634226	3.00E-11		ENSG00000217514
6	163975544	163976099	163975858	56	81	1	42.61147155	1.79E-24		ENSG00000222470
6	164162627	164162834	164162730	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000222470
6	165714238	165714425	165714331	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000199523
6	166025926	166026105	166026015	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000206681
6	169037205	169037437	169037321	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	SMOC2	ENSG00000112562
6	169539351	169539652	169539501	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000219031
6	170183689	170183933	170183840	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000218716
6	170383553	170383802	170383681	17	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000218716
6	170495972	170496160	170496022	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FAM120B	ENSG00000112584
6	170524050	170524318	170524177	10	11	1	6.235825105	0.0013754	FAM120B	ENSG00000112584
6	170680890	170681069	170681040	8	8	7	1.169217207	0.371848	PSMB1	ENSG00000008018
7	544382	544685	544533	11	15	3	4.157216737	0.00170423	PDGFA	ENSG00000197461
7	545666	545848	545757	10	10	2	3.810782009	0.00936112	PDGFA	ENSG00000197461
7	545989	546946	546156	49	90	6	13.5109544	1.27E-21	PDGFA	ENSG00000197461
7	628096	628610	628242	10	20	4	4.365077574	0.000324139	PRKAR1B	ENSG00000188191
7	647498	647685	647593	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PRKAR1B	ENSG00000188191
7	711668	711892	711780	10	12	3	3.377738599	0.00867157	PRKAR1B	ENSG00000188191
7	842660	842848	842754	8	8	2	3.117912553	0.0283184	UNC84A	ENSG00000164828
7	887661	887939	887800	11	13	8	1.616695398	0.123553	C7orf20	ENSG00000105972
7	933532	933767	933649	9	11	3	3.117912553	0.0146045	ADAP1	ENSG00000105963
7	1035069	1035268	1035168	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000199023
7	1050405	1050593	1050499	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000212776
7	1053143	1053335	1053159	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000212776
7	1053603	1053782	1053712	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000212776
7	1102717	1102916	1102781	9	9	1	5.196520921	0.00490062	GPER	ENSG00000164850
7	1308944	1309395	1309188	36	48	0	50.92590503	6.85E-16	UNCX	ENSG00000164853

7	1419337	1419658	1419497	12	14	3	3.897390691	0.00295882	MICALL2	ENSG00000164877
7	1562412	1562813	1562634	8	14	5	2.598260461	0.0167748	TMEM184A	ENSG00000215155
7	1898508	1898768	1898628	15	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000215135
7	1902564	1902827	1902738	19	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000215135
7	1928421	1928770	1928693	8	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000215135
7	1944568	1944859	1944713	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000215135
7	2176074	2176596	2176306	121	161	3	42.09181946	7.24E-46	MAD1L1	ENSG00000002822
7	2179145	2179369	2179257	12	14	5	2.598260461	0.0167748	MAD1L1	ENSG00000002822
7	2235630	2235915	2235809	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MAD1L1	ENSG00000002822
7	2243477	2243793	2243635	8	13	3	3.637564645	0.0050909	FTSJ2	ENSG00000122687
7	2251509	2251730	2251611	8	8	6	1.336248237	0.277651	NUDT1	ENSG00000106268
7	2277929	2278142	2278059	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CHST12	ENSG00000136213
7	2406274	2406507	2406390	8	10	5	1.905391004	0.0915982	CHST12	ENSG00000136213
7	2447199	2447500	2447349	11	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000175873
7	2518709	2518939	2518819	8	9	1	5.196520921	0.00490062	LFNG	ENSG00000106003
7	2677159	2677367	2677234	9	11	3	3.117912553	0.0146045	AMZ1	ENSG00000174945
7	3004504	3004722	3004613	12	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000201794
7	3222031	3222593	3222364	15	27	12	2.23850132	0.00591854		ENSG00000217455
7	3410709	3410977	3410843	14	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000211544
7	3634861	3635132	3634996	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000211544
7	4159923	4160109	4159997	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SDK1	ENSG00000146555
7	4838076	4838269	4838172	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000206895
7	5095218	5095461	5095384	14	16	5	2.944695189	0.00659886	RBAK	ENSG00000146587
7	5403324	5403731	5403503	16	25	4	5.404381758	1.92E-05		ENSG00000182095
7	5418814	5419067	5418940	11	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000182095
7	5430148	5430327	5430237	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000182095
7	5431712	5431918	5431841	11	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000182095
7	5432180	5432405	5432290	10	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000182095
7	5532044	5532551	5532365	35	51	1	27.02190879	2.22E-15	ACTB	ENSG00000075624
7	5562872	5563156	5563022	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000169549
7	5569817	5570029	5569923	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000169549
7	5653032	5653400	5653211	21	26	1	14.03060649	6.50E-08		ENSG00000215059
7	5833985	5834196	5834137	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222897
7	6001479	6002242	6001858	13	35	11	3.117912553	0.000104429		ENSG00000201990

7	6104128	6104307	6104217	8	9	0	10.39304184	0.000803859	USP42	ENSG00000106346
7	6391666	6391924	6391789	13	13	5	2.425043097	0.0262442	RAC1	ENSG00000136238
7	6409281	6409460	6409346	8	8	4	1.870747532	0.118863	RAC1	ENSG00000136238
7	6509909	6510192	6510075	10	13	7	1.818782322	0.0805123	KDEL2	ENSG00000136240
7	6636481	6636774	6636627	10	13	5	2.425043097	0.0262442	ZNF316	ENSG00000205903
7	6713090	6713348	6713219	8	9	5	1.73217364	0.133894	ZNF12	ENSG00000164631
7	7144557	7144746	7144651	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000201218
7	7327757	7328288	7328015	8	19	6	2.969440526	0.0035096		ENSG00000218370
7	7333693	7334070	7333872	13	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000218370
7	7360913	7361209	7361043	12	15	7	2.078608368	0.038229		ENSG00000218370
7	7570511	7570769	7570645	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000164654
7	7645951	7646253	7646109	8	12	5	2.251825733	0.0404733	RPA3	ENSG00000106399
7	7687439	7687693	7687566	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RPA3	ENSG00000106399
7	7802136	7802317	7802226	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219545
7	8002601	8002975	8002840	13	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000217142
7	8160463	8160764	8160618	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ICA1	ENSG00000003147
7	8297132	8297464	8297298	14	18	14	1.316451967	0.209896	ICA1	ENSG00000003147
7	8332110	8332341	8332228	8	10	10	1.039304184	0.464387	ICA1	ENSG00000003147
7	8395937	8396126	8395982	8	9	5	1.73217364	0.133894	NXPH1	ENSG00000122584
7	11088807	11089351	11089081	83	113	0	118.480677	5.24E-36		ENSG00000219777
7	11176268	11176534	11176401	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000220166
7	11205752	11205932	11205787	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000220166
7	11267604	11267915	11267738	10	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000220166
7	11347521	11347743	11347623	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000220166
7	12563502	12563982	12563735	67	89	1	46.76868829	6.57E-27	SCIN	ENSG00000006747
7	12692526	12692714	12692620	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ARL4A	ENSG00000122644
7	12808142	12808566	12808387	9	17	1	9.353737658	2.73E-05		ENSG00000222974
7	12815640	12815945	12815792	9	13	1	7.27512929	0.000378098		ENSG00000222974
7	12957735	12957929	12957819	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000216374
7	13748915	13749263	13749089	10	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000213875
7	13926480	13926660	13926541	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000213875
7	15701583	15701848	15701727	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000216759
7	16427944	16428250	16428097	11	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000214960
7	16651686	16651909	16651782	11	11	1	6.235825105	0.0013754	ANKMY2	ENSG00000106524

7	16659083	16659342	16659191	11	14	2	5.196520921	0.000907371	BZW2	ENSG00000136261
7	16853552	16853756	16853606	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000219389
7	16897557	16897848	16897701	9	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000217531
7	16996170	16996438	16996304	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000219142
7	17310965	17311328	17311192	9	14	2	5.196520921	0.000907371	AHR	ENSG00000106546
7	17496205	17496505	17496355	27	27	2	9.700172386	2.61E-07		ENSG00000199473
7	17624762	17624997	17624879	9	12	12	1.039304184	0.461227		ENSG00000199473
7	17680537	17680753	17680645	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SNX13	ENSG00000071189
7	17777250	17777486	17777368	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	SNX13	ENSG00000071189
7	18192329	18192534	18192507	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000221393
7	18389433	18389728	18389580	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000223030
7	18426927	18427296	18427103	33	41	4	8.730155148	1.21E-09	HDAC9	ENSG00000048052
7	22679358	22679683	22679520	10	14	11	1.29913023	0.246308		ENSG00000179460
7	23081165	23081383	23081208	9	12	5	2.251825733	0.0404733	KLHL7	ENSG00000122550
7	23340849	23341145	23340993	12	15	3	4.157216737	0.00170423	C7orf30	ENSG00000156928
7	23603440	23603653	23603585	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CCDC126	ENSG00000169193
7	23869454	23869656	23869576	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000210311
7	24887714	24888053	24887883	8	9	2	3.464347281	0.0163838	OSBPL3	ENSG00000070882
7	24977384	24977719	24977551	17	22	1	11.95199812	9.69E-07	OSBPL3	ENSG00000070882
7	26067795	26068111	26067953	10	13	5	2.425043097	0.0262442	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26089393	26089646	26089519	11	12	2	4.503651465	0.002963	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26090390	26090625	26090498	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26090746	26090998	26090852	9	11	0	12.47165021	0.000193293	NFE2L3	ENSG00000050344
7	26207139	26207515	26207361	11	17	7	2.338434415	0.0171287	CBX3	ENSG00000122565
7	26208703	26209009	26208852	8	9	3	2.598260461	0.0397929	CBX3	ENSG00000122565
7	26290774	26290960	26290867	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SNX10	ENSG00000086300
7	26291188	26291478	26291327	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SNX10	ENSG00000086300
7	26668794	26669038	26668916	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000222004
7	26870942	26871329	26871150	15	19	3	5.196520921	0.000174201	SKAP2	ENSG00000005020
7	27266421	27266622	27266541	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000213783
7	27790511	27790742	27790626	9	11	4	2.494330042	0.0324033	TAX1BP1	ENSG00000106052
7	27927382	27927582	27927477	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TAX1BP1	ENSG00000106052
7	28624516	28624776	28624676	11	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000205786
7	28780217	28780479	28780369	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CREB5	ENSG00000146592

7	29334857	29335103	29334980	11	12	1	6.755477198	0.000722752	CHN2	ENSG00000106069
7	29456103	29456377	29456240	10	13	2	4.850086193	0.00164564	CHN2	ENSG00000106069
7	29569346	29569531	29569438	8	9	6	1.484720263	0.204387	PRR15	ENSG00000176532
7	29851452	29851698	29851591	10	10	0	11.43234603	0.000394183	WIPF3	ENSG00000122574
7	30179023	30179471	30179317	10	18	5	3.291129917	0.00248584	C7orf41	ENSG00000180354
7	30354341	30354548	30354447	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000207771
7	30355396	30355603	30355499	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207771
7	30557312	30557816	30557637	39	54	8	6.351303348	1.94E-10		ENSG00000196295
7	30600760	30601100	30600937	9	13	5	2.425043097	0.0262442	GARS	ENSG00000106105
7	31051403	31051656	31051546	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ADCYAP1R1	ENSG00000078549
7	31390128	31390358	31390243	10	12	2	4.503651465	0.002963	NEUROD6	ENSG00000164600
7	31711675	31711879	31711777	8	9	5	1.73217364	0.133894	C7orf16	ENSG00000106341
7	31778634	31778885	31778784	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000223070
7	31978039	31978218	31978148	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PDE1C	ENSG00000154678
7	32136755	32136934	32136844	8	8	4	1.870747532	0.118863	PDE1C	ENSG00000154678
7	32170821	32171039	32170903	11	12	1	6.755477198	0.000722752	PDE1C	ENSG00000154678
7	32210485	32210786	32210608	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	PDE1C	ENSG00000154678
7	32388871	32389060	32388974	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PDE1C	ENSG00000154678
7	32433902	32434130	32434016	10	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000177329
7	32496471	32496745	32496594	17	19	7	2.598260461	0.00730518	LSM5	ENSG00000106355
7	32540007	32540280	32540139	8	9	1	5.196520921	0.00490062	AVL9	ENSG00000105778
7	32898108	32898333	32898239	9	10	0	11.43234603	0.000394183	KBTBD2	ENSG00000170852
7	32957050	32957289	32957158	8	12	2	4.503651465	0.002963	FKBP9	ENSG00000122642
7	33064966	33065149	33065118	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NT5C3	ENSG00000122643
7	33293893	33294471	33294145	127	166	3	43.39094969	2.25E-47		ENSG00000222741
7	33357799	33358301	33357985	32	53	3	14.03060649	7.92E-14		ENSG00000222741
7	33722755	33723027	33722919	13	15	2	5.542955649	0.000497081		ENSG00000173862
7	33814087	33814354	33814238	10	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000203495
7	33939176	33939366	33939271	8	8	10	0.850339787	0.645072	BMPER	ENSG00000164619
7	33940792	33941025	33940908	8	9	2	3.464347281	0.0163838	BMPER	ENSG00000164619
7	34040877	34041235	34041056	28	33	6	5.048048895	2.40E-06	BMPER	ENSG00000164619
7	34043162	34043421	34043315	8	9	5	1.73217364	0.133894	BMPER	ENSG00000164619
7	34106892	34107204	34107048	13	17	5	3.117912553	0.00407023	BMPER	ENSG00000164619
7	34363716	34363895	34363854	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000202431

7	34765580	34765799	34765689	12	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000197085
7	35031823	35032033	35031928	9	11	7	1.558956276	0.158273	DPY19L1	ENSG00000173852
7	35237494	35237763	35237628	8	11	4	2.494330042	0.0324033	TBX20	ENSG00000164532
7	35806457	35806661	35806567	9	9	5	1.73217364	0.133894	7-Sep	ENSG00000122545
7	36043492	36043698	36043569	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000205745
7	36054190	36054449	36054319	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000205745
7	36680676	36680922	36680835	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000221561
7	37000769	37001229	37001050	10	20	0	21.82538787	3.17E-07	ELMO1	ENSG00000155849
7	37359034	37359423	37359245	9	14	12	1.199197136	0.313881		ENSG00000222869
7	37494630	37494914	37494772	22	25	2	9.00730293	9.47E-07	ELMO1	ENSG00000155849
7	37598482	37598864	37598685	29	36	2	12.81808494	7.17E-10		ENSG00000178503
7	38112092	38112298	38112195	10	10	3	2.858086507	0.0242838	STARD3NL	ENSG00000010270
7	39400687	39400927	39400807	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000206947
7	39739433	39739783	39739550	9	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000210544
7	39956292	39956559	39956425	9	11	3	3.117912553	0.0146045	CDC2L5	ENSG00000065883
7	40532037	40532230	40532133	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C7orf10	ENSG00000175600
7	40542523	40542702	40542647	9	9	1	5.196520921	0.00490062	C7orf10	ENSG00000175600
7	40723307	40723844	40723610	185	218	1	113.8038082	1.88E-66		
7	40766207	40766428	40766317	8	10	2	3.810782009	0.00936112		
7	40849766	40850104	40849935	12	15	1	8.314433474	0.000102308		
7	40905411	40905621	40905512	11	11	1	6.235825105	0.0013754		
7	41065791	41066034	41065868	8	9	1	5.196520921	0.00490062		
7	41113576	41113811	41113693	8	10	1	5.716173013	0.00260397		
7	41230787	41230999	41230830	8	8	0	9.353737658	0.00163931	INHBA	ENSG00000122641
7	41961985	41962224	41962085	11	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000213721
7	42243548	42243759	42243632	8	9	6	1.484720263	0.204387	GLI3	ENSG00000106571
7	42407224	42407449	42407336	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	GLI3	ENSG00000106571
7	42500939	42501249	42501092	8	12	0	13.5109544	9.48E-05	GLI3	ENSG00000106571
7	42602916	42603215	42603073	13	16	1	8.834085566	5.30E-05	C7orf25	ENSG00000136197
7	42603422	42603765	42603598	26	31	3	8.314433474	1.18E-07	C7orf25	ENSG00000136197
7	43583597	43583956	43583777	63	69	4	14.55025858	1.78E-17	STK17A	ENSG00000164543
7	43735411	43735942	43735561	9	19	3	5.196520921	0.000174201	C7orf44	ENSG00000106603
7	43771122	43771366	43771242	11	13	4	2.910051716	0.0125532	BLVRA	ENSG00000106605
7	43805819	43806059	43805987	14	15	0	16.62886695	1.12E-05	BLVRA	ENSG00000106605

7	44159859	44160070	44159962	10	11	2	4.157216737	0.0052913	GCK	ENSG00000106633
7	44220589	44220784	44220686	10	10	0	11.43234603	0.000394183	YKT6	ENSG00000106636
7	44497108	44497304	44497211	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NUDCD3	ENSG00000015676
7	44549993	44550226	44550109	8	10	4	2.286469205	0.0509017	NPC1L1	ENSG00000015520
7	44550273	44550591	44550419	18	20	4	4.365077574	0.000324139	NPC1L1	ENSG00000015520
7	44580002	44580216	44580114	8	10	4	2.286469205	0.0509017	DDX56	ENSG00000136271
7	45031007	45031186	45031096	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CCM2	ENSG00000136280
7	45039957	45040306	45040135	18	22	1	11.95199812	9.69E-07	CCM2	ENSG00000136280
7	45160640	45160830	45160735	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RAMP3	ENSG00000122679
7	45353993	45354270	45354131	9	11	5	2.078608368	0.0614303	RAMP3	ENSG00000122679
7	46413226	46413481	46413360	9	10	6	1.63319229	0.146906	IGFBP3	ENSG00000146674
7	46461248	46461431	46461382	8	9	0	10.39304184	0.000803859		
7	47208331	47208513	47208422	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000214754
7	47386067	47386246	47386140	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TNS3	ENSG00000136205
7	47582046	47582417	47582248	12	18	12	1.518983039	0.117837	TNS3	ENSG00000136205
7	47641159	47641440	47641299	10	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000221845
7	47699539	47699748	47699643	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221845
7	47792694	47792903	47792798	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000136275
7	49025062	49025334	49025169	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000218305
7	51360371	51360702	51360537	16	19	1	10.39304184	7.23E-06	COBL	ENSG00000106078
7	52219266	52219558	52219413	13	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000210739
7	54809463	54809667	54809565	8	10	2	3.810782009	0.00936112	SEC61G	ENSG00000132432
7	55609630	55609931	55609780	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000154978
7	55809984	55810262	55810147	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000206729
7	56109284	56109539	56109424	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SUMF2	ENSG00000129103
7	56111990	56112172	56112024	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SUMF2	ENSG00000129103
7	61082958	61083220	61083121	10	12	3	3.377738599	0.00867157		
7	61083416	61083743	61083579	10	11	13	0.890832158	0.618492		
7	61083985	61084164	61084135	8	9	6	1.484720263	0.204387		
7	61255312	61255491	61255401	8	8	15	0.584608604	0.909754		
7	61268288	61268624	61268456	34	34	30	1.17340795	0.257326		
7	61285328	61285547	61285397	9	9	8	1.154782427	0.375434		
7	61432028	61432211	61432054	9	9	11	0.86608682	0.635181		
7	61605548	61605729	61605686	8	8	8	1.039304184	0.46786		

7	61606235	61607134	61606786	186	283	329	0.89443148	0.916422		
7	61607658	61607837	61607808	8	8	12	0.719518281	0.783103		
7	61608439	61608618	61608589	11	11	6	1.781664316	0.103344		
7	61610816	61611035	61610886	8	9	9	1.039304184	0.466079		ENSG00000207443
7	61614718	61614897	61614746	8	8	13	0.668124118	0.835294		ENSG00000207443
7	61623632	61623832	61623663	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000207443
7	61632299	61632627	61632458	16	16	11	1.472347594	0.147517		ENSG00000207443
7	63737373	63737667	63737520	10	12	2	4.503651465	0.002963	ZNF107	ENSG00000196247
7	66405035	66405224	66405102	8	8	1	4.676868829	0.0091584	STAG3L4	ENSG00000106610
7	66447195	66447600	66447429	15	23	0	24.94330042	3.74E-08	STAG3L4	ENSG00000106610
7	69939299	69939494	69939396	8	9	0	10.39304184	0.000803859	WBSCR17	ENSG00000185274
7	69952341	69952831	69952652	31	41	3	10.91269393	2.02E-10	WBSCR17	ENSG00000185274
7	70591219	70591629	70591460	20	25	0	27.02190879	8.98E-09		ENSG00000199940
7	72410405	72410648	72410516	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000206709
7	72794572	72794997	72794730	16	23	1	12.47165021	4.94E-07	ABHD11	ENSG00000106077
7	72795196	72795442	72795308	8	10	7	1.429043253	0.21536	ABHD11	ENSG00000106077
7	72795595	72795836	72795715	10	10	0	11.43234603	0.000394183	ABHD11	ENSG00000106077
7	72798649	72798997	72798820	9	14	4	3.117912553	0.00766354	ABHD11	ENSG00000106077
7	72822610	72822830	72822707	10	11	3	3.117912553	0.0146045	CLDN3	ENSG00000165215
7	72885718	72885897	72885807	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CLDN4	ENSG00000189143
7	73664578	73665031	73664745	11	16	5	2.944695189	0.00659886	GTF2I	ENSG00000077809
7	73708613	73708947	73708778	9	13	9	1.455025858	0.177172	GTF2I	ENSG00000077809
7	75195527	75196000	75195706	9	18	2	6.582259834	7.91E-05	HIP1	ENSG00000127946
7	75382003	75382211	75382107	8	8	1	4.676868829	0.0091584	POR	ENSG00000127948
7	75383502	75383732	75383649	10	10	0	11.43234603	0.000394183	POR	ENSG00000127948
7	75758809	75759125	75758964	13	16	14	1.177878075	0.320433		ENSG00000177679
7	75781531	75781800	75781666	11	13	11	1.212521548	0.309909	HSPB1	ENSG00000106211
7	76966392	76966617	76966527	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PTPN12	ENSG00000127947
7	77010238	77010433	77010335	9	9	4	2.078608368	0.0785659	PTPN12	ENSG00000127947
7	77265832	77266109	77265946	8	11	4	2.494330042	0.0324033	PHTF2	ENSG00000006576
7	77552262	77552558	77552410	8	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000211483
7	77724298	77724509	77724368	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000211483
7	77988640	77988823	77988720	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209138
7	78001179	78001381	78001268	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209138

7	78255109	78255523	78255303	38	47	1	24.94330042	3.55E-14		ENSG00000209138
7	78748393	78748581	78748491	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000212482
7	79618269	79618683	79618504	17	25	3	6.755477198	4.84E-06	GNAI1	ENSG00000127955
7	79895825	79896036	79895930	9	9	2	3.464347281	0.0163838	GNAT3	ENSG00000214415
7	80005364	80005710	80005524	41	45	3	11.95199812	1.51E-11	GNAT3	ENSG00000214415
7	80009768	80010017	80009892	12	13	8	1.616695398	0.123553	GNAT3	ENSG00000214415
7	80078948	80079406	80079180	10	19	11	1.73217364	0.0607469	CD36	ENSG00000135218
7	80110922	80111130	80111000	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CD36	ENSG00000135218
7	80132796	80133210	80133020	27	36	0	38.45425482	3.54E-12	CD36	ENSG00000135218
7	80202751	80203045	80202898	13	17	0	18.70747532	2.69E-06	CD36	ENSG00000135218
7	80241238	80241534	80241343	8	12	4	2.702190879	0.0203088	CD36	ENSG00000135218
7	80248871	80249121	80248982	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80350858	80351180	80351013	16	20	6	3.117912553	0.00218114	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80378713	80379014	80378863	25	28	2	10.04660711	1.36E-07	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80386026	80386346	80386200	13	16	10	1.606197376	0.104477	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80387360	80387625	80387492	10	14	5	2.598260461	0.0167748	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80388447	80388813	80388626	9	16	11	1.472347594	0.147517	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80389615	80389816	80389715	11	11	6	1.781664316	0.103344	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80407637	80408054	80407890	15	25	5	4.503651465	6.33E-05	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80409471	80409941	80409638	36	47	7	6.235825105	2.92E-09	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80410167	80410366	80410335	9	11	6	1.781664316	0.103344	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80540850	80541282	80541023	17	26	8	3.117912553	0.000638503	SEMA3C	ENSG00000075223
7	80600706	80601083	80600876	14	21	1	11.43234603	1.90E-06		ENSG00000209303
7	80906460	80906639	80906557	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209220
7	81071622	81071909	81071796	9	10	1	5.716173013	0.00260397	HGF	ENSG00000019991
7	81090517	81091023	81090755	44	66	3	17.40834509	1.39E-17	HGF	ENSG00000019991
7	81145440	81145657	81145552	10	10	2	3.810782009	0.00936112	HGF	ENSG00000019991
7	82171384	82171627	82171520	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000213530
7	82280072	82280267	82280205	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000214408
7	82452405	82452607	82452483	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000202281
7	82630371	82630607	82630461	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PCLO	ENSG00000186472
7	82935682	82935882	82935782	9	9	4	2.078608368	0.0785659	SEMA3E	ENSG00000170381
7	83014822	83015284	83015052	10	18	8	2.194086611	0.0206188	SEMA3E	ENSG00000170381
7	83079821	83080158	83079998	15	18	3	4.936694875	0.000311102	SEMA3E	ENSG00000170381

7	83123333	83123522	83123424	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SEMA3E	ENSG00000170381
7	83152141	83152543	83152364	10	16	7	2.208521392	0.0257604	SEMA3E	ENSG00000170381
7	83176089	83176457	83176278	41	49	4	10.39304184	7.73E-12	SEMA3E	ENSG00000170381
7	83403402	83403613	83403561	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000222994
7	83646078	83646357	83646217	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SEMA3A	ENSG00000075213
7	84003321	84003530	84003474	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000146736
7	84056344	84056565	84056467	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000146736
7	84789613	84789792	84789682	8	8	5	1.558956276	0.191397	SEMA3D	ENSG00000153993
7	85937036	85937276	85937156	8	9	4	2.078608368	0.0785659	GRM3	ENSG00000198822
7	86318865	86319117	86318977	9	11	3	3.117912553	0.0146045	KIAA1324L	ENSG00000164659
7	86558872	86559134	86559003	9	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000214406
7	86619372	86619581	86619467	8	8	6	1.336248237	0.277651	DMTF1	ENSG00000135164
7	86619701	86619887	86619794	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DMTF1	ENSG00000135164
7	86643599	86643841	86643724	8	9	6	1.484720263	0.204387	DMTF1	ENSG00000135164
7	86779672	86779908	86779732	8	9	4	2.078608368	0.0785659	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86784144	86784788	86784323	16	36	7	4.806781852	1.46E-06	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86790282	86790630	86790457	13	16	5	2.944695189	0.00659886	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86798185	86798616	86798440	29	46	0	48.84729666	2.85E-15	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86811754	86812094	86811924	41	44	4	9.353737658	1.84E-10	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86812187	86812446	86812316	8	10	7	1.429043253	0.21536	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86812502	86812756	86812629	11	13	5	2.425043097	0.0262442	TP53AP1	ENSG00000182165
7	86860369	86860548	86860458	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CROT	ENSG00000005469
7	87008775	87008954	87008892	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ABCB4	ENSG00000005471
7	87169572	87169839	87169722	10	13	5	2.425043097	0.0262442	ABCB1	ENSG00000085563
7	87235212	87235407	87235309	9	10	8	1.27026067	0.293854	ABCB1	ENSG00000085563
7	87343405	87343633	87343514	13	13	5	2.425043097	0.0262442	DBF4	ENSG00000006634
7	87687599	87687814	87687706	9	12	3	3.377738599	0.00867157	SRI	ENSG00000075142
7	87694071	87694391	87694231	9	13	8	1.616695398	0.123553	SRI	ENSG00000075142
7	87710689	87711056	87710865	10	16	9	1.766817113	0.0700694	SRI	ENSG00000075142
7	87792749	87792942	87792851	8	8	0	9.353737658	0.00163931	STEAP4	ENSG00000127954
7	87859746	87860235	87860057	11	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000207094
7	88256870	88257056	88256980	9	10	1	5.716173013	0.00260397	C7orf62	ENSG00000164645
7	88969495	88969735	88969620	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000164645
7	89870370	89870551	89870495	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CLDN12	ENSG00000157224

7	89870615	89870808	89870674	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CLDN12	ENSG00000157224
7	90647297	90647527	90647412	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000220307
7	90698956	90699135	90699045	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FZD1	ENSG00000157240
7	90731534	90731780	90731657	11	13	3	3.637564645	0.0050909	FZD1	ENSG00000157240
7	90881056	90881261	90881093	8	8	5	1.558956276	0.191397	FZD1	ENSG00000157240
7	91047666	91047903	91047784	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MTERF	ENSG00000127989
7	91073102	91073509	91073256	13	17	0	18.70747532	2.69E-06	MTERF	ENSG00000127989
7	91347836	91348348	91348003	21	35	14	2.494330042	0.000827091	MTERF	ENSG00000127989
7	91365960	91366244	91366102	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	MTERF	ENSG00000127989
7	91407647	91408026	91407886	10	16	4	3.533634226	0.00276486	AKAP9	ENSG00000127914
7	91515362	91515918	91515604	50	92	3	24.16382228	3.22E-25	AKAP9	ENSG00000127914
7	91524610	91525027	91524822	10	19	11	1.73217364	0.0607469	AKAP9	ENSG00000127914
7	91543804	91544079	91543941	8	10	6	1.63319229	0.146906	AKAP9	ENSG00000127914
7	91602065	91602349	91602207	9	11	6	1.781664316	0.103344	CYP51A1	ENSG00000001630
7	91631877	91632144	91632010	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000188693
7	91712665	91713013	91712826	14	19	9	2.078608368	0.0241848	KRIT1	ENSG00000001631
7	91713084	91713339	91713225	10	14	11	1.29913023	0.246308	KRIT1	ENSG00000001631
7	91742103	91742316	91742209	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ANKIB1	ENSG00000001629
7	91913941	91914152	91914066	10	10	3	2.858086507	0.0242838	GATAD1	ENSG00000157259
7	91931689	91932157	91931978	13	22	8	2.655999582	0.0039122	ERVWE1	ENSG00000197604
7	91995910	91996207	91996078	13	15	6	2.375552421	0.0212094	C7orf64	ENSG00000127993
7	92043313	92043492	92043402	9	9	1	5.196520921	0.00490062	C7orf64	ENSG00000127993
7	92141388	92141579	92141510	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000214343
7	92233820	92234082	92233951	9	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000206763
7	92401445	92401640	92401479	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000222576
7	92422530	92422762	92422661	10	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000222576
7	92496343	92496612	92496489	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222576
7	92699265	92699692	92699450	11	21	6	3.266384579	0.0013436	CCDC132	ENSG00000004766
7	93029389	93029665	93029527	12	13	1	7.27512929	0.000378098	CALCR	ENSG00000004948
7	93143511	93143761	93143591	8	10	5	1.905391004	0.0915982	CALCR	ENSG00000004948
7	93170242	93170421	93170331	8	8	4	1.870747532	0.118863	CALCR	ENSG00000004948
7	93370209	93370410	93370309	8	10	3	2.858086507	0.0242838	GNGT1	ENSG00000127928
7	93459990	93460192	93460074	8	9	3	2.598260461	0.0397929	BET1	ENSG00000105829
7	93578202	93578651	93578381	33	48	2	16.97530168	2.36E-13	BET1	ENSG00000105829

7	93756343	93756607	93756475	8	10	10	1.039304184	0.464387	COL1A2	ENSG00000164692
7	94301740	94302017	94301895	9	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000219807
7	94375634	94375902	94375812	10	11	5	2.078608368	0.0614303	PPP1R9A	ENSG00000158528
7	94843074	94843536	94843250	27	40	3	10.65286789	3.85E-10	PON3	ENSG00000105852
7	94896867	94897097	94896982	10	10	2	3.810782009	0.00936112	PON2	ENSG00000105854
7	94901646	94901960	94901787	10	13	5	2.425043097	0.0262442	PON2	ENSG00000105854
7	94959148	94959434	94959316	10	13	3	3.637564645	0.0050909	ASB4	ENSG00000005981
7	95012350	95012582	95012514	8	10	1	5.716173013	0.00260397	PDK4	ENSG00000004799
7	95338580	95338867	95338723	12	14	1	7.794781382	0.000197021	DYNC1I1	ENSG00000158560
7	95480981	95481165	95481127	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208025
7	95514150	95514363	95514253	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000208025
7	95602631	95602821	95602726	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208025
7	95797340	95797866	95797623	70	92	2	32.21842971	1.96E-26		ENSG00000207045
7	96417089	96417293	96417212	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222415
7	96635023	96635301	96635187	18	21	4	4.572938411	0.000186332		ENSG00000208926
7	97020317	97020496	97020406	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000199475
7	97094113	97094292	97094243	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199475
7	97553550	97553839	97553694	10	14	2	5.196520921	0.000907371	LMTK2	ENSG00000164715
7	97600922	97601202	97601062	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000208904
7	97718761	97719276	97718876	9	20	6	3.117912553	0.00218114		ENSG00000205356
7	97748221	97748513	97748362	10	14	3	3.897390691	0.00295882	BRI3	ENSG00000164713
7	97762091	97762295	97762182	8	9	5	1.73217364	0.133894	BRI3	ENSG00000164713
7	97782853	97783141	97783020	15	17	4	3.741495063	0.00163722	BRI3	ENSG00000164713
7	97821630	97822100	97821895	14	25	13	1.930136342	0.0200308		ENSG00000205871
7	97888258	97888462	97888327	8	10	4	2.286469205	0.0509017	BAIAP2L1	ENSG00000006453
7	98113471	98113669	98113566	10	11	1	6.235825105	0.0013754	NPTX2	ENSG00000106236
7	98446789	98446970	98446879	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214328
7	98534670	98534923	98534797	8	10	6	1.63319229	0.146906	SMURF1	ENSG00000198742
7	98748578	98748761	98748669	8	8	9	0.935373766	0.560286	ARPC1A	ENSG00000013455
7	98761141	98761324	98761232	8	9	9	1.039304184	0.466079	ARPC1A	ENSG00000013455
7	98901560	98901941	98901739	11	18	3	4.936694875	0.000311102	ATP5J2	ENSG00000160916
7	98908193	98908377	98908288	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ZNF789	ENSG00000198556
7	98935741	98936073	98935916	16	19	8	2.309564854	0.0138337	ZNF394	ENSG00000160908
7	98940194	98940507	98940371	8	12	6	1.930136342	0.071303	ZKSCAN5	ENSG00000196652

7	98998514	98998700	98998607	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF655	ENSG00000197343
7	99052255	99052611	99052433	8	14	6	2.227080395	0.0322529	ZNF498	ENSG00000197037
7	99173205	99173655	99173443	70	89	6	13.36248237	2.43E-21	CYP3A7	ENSG00000160870
7	99218163	99218349	99218304	8	8	5	1.558956276	0.191397	CYP3A4	ENSG00000160868
7	99429842	99430075	99429958	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000214313
7	99450728	99451204	99451079	11	21	7	2.858086507	0.0029864	ZKSCAN1	ENSG00000106261
7	99451593	99451803	99451668	9	10	3	2.858086507	0.0242838	ZKSCAN1	ENSG00000106261
7	99516456	99516635	99516545	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF3	ENSG00000166526
7	99525115	99525393	99525254	8	12	1	6.755477198	0.000722752	COPS6	ENSG00000168090
7	99536926	99537135	99537012	8	10	5	1.905391004	0.0915982	AP4M1	ENSG00000221838
7	99551679	99551858	99551768	8	8	5	1.558956276	0.191397	TAF6	ENSG00000106290
7	99554684	99555130	99554863	8	17	15	1.169217207	0.323156	TAF6	ENSG00000106290
7	99555553	99555793	99555689	10	11	5	2.078608368	0.0614303	CNPY4	ENSG00000166997
7	99557643	99558003	99557822	9	15	8	1.847651883	0.0631662	CNPY4	ENSG00000166997
7	99562464	99562748	99562592	8	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000214309
7	99593368	99593633	99593537	8	9	11	0.86608682	0.635181	C7orf43	ENSG00000146826
7	99598589	99598791	99598679	8	8	2	3.117912553	0.0283184	C7orf43	ENSG00000146826
7	99863619	99864133	99863798	11	23	12	1.918715417	0.0250463	ZCWPW1	ENSG00000078487
7	99891394	99891582	99891496	9	9	3	2.598260461	0.0397929	C7orf61	ENSG00000185955
7	100047715	100047932	100047823	11	13	8	1.616695398	0.123553	MOSPD3	ENSG00000106330
7	100077409	100077588	100077521	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TFR2	ENSG00000106327
7	100109032	100109278	100109155	12	14	7	1.948695345	0.0559175	GNB2	ENSG00000172354
7	100141229	100141723	100141408	14	23	6	3.563328632	0.000497701	POP7	ENSG00000172336
7	100205442	100205710	100205576	11	14	5	2.598260461	0.0167748	ZAN	ENSG00000146839
7	100237404	100238081	100237651	38	65	14	4.572938411	5.62E-10	EPHB4	ENSG00000196411
7	100263313	100263514	100263368	8	9	2	3.464347281	0.0163838	EPHB4	ENSG00000196411
7	100294317	100294503	100294444	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SLC12A9	ENSG00000146828
7	100365043	100365400	100365221	14	18	3	4.936694875	0.000311102	MUC3B	ENSG00000169894
7	100388595	100388919	100388757	16	16	11	1.472347594	0.147517	MUC3B	ENSG00000169894
7	100389078	100389303	100389192	9	13	7	1.818782322	0.0805123	MUC3B	ENSG00000169894
7	100462519	100462749	100462646	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MUC17	ENSG00000169876
7	100524917	100525162	100525039	8	10	2	3.810782009	0.00936112	TRIM56	ENSG00000169871
7	100574125	100574310	100574221	8	8	1	4.676868829	0.0091584	AP1S1	ENSG00000106367
7	100593447	100593647	100593542	9	10	3	2.858086507	0.0242838	VGF	ENSG00000128564

7	100647768	100648193	100647913	11	18	8	2.194086611	0.0206188	PLOD3	ENSG00000106397
7	100674261	100674657	100674424	9	15	6	2.375552421	0.0212094	FIS1	ENSG00000214253
7	100675182	100675394	100675288	10	11	6	1.781664316	0.103344	FIS1	ENSG00000214253
7	100682246	100682540	100682373	18	20	10	1.98412617	0.0277883	FIS1	ENSG00000214253
7	100832205	100832440	100832322	12	15	6	2.375552421	0.0212094	EMID2	ENSG00000160963
7	100948630	100948809	100948719	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214248
7	101013405	101013687	101013551	11	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000106436
7	101038876	101039139	101039007	19	23	10	2.267572766	0.00903625		ENSG00000106436
7	101286776	101287169	101286991	10	16	15	1.104260696	0.387363	CUX1	ENSG00000160967
7	101300642	101301206	101300899	11	25	9	2.702190879	0.00210968	CUX1	ENSG00000160967
7	101312894	101313212	101313037	8	12	11	1.125912866	0.382541	CUX1	ENSG00000160967
7	101434187	101434749	101434465	9	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000203383
7	101443891	101444102	101443996	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000203383
7	101674593	101675038	101674772	10	15	9	1.662886695	0.0970566		ENSG00000160999
7	101745925	101746250	101746087	10	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000208804
7	101832079	101832304	101832244	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000221510
7	102263879	102264173	102264026	8	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000208781
7	102345403	102345620	102345511	9	11	4	2.494330042	0.0324033	LRRRC17	ENSG00000128606
7	102502218	102502414	102502340	8	9	1	5.196520921	0.00490062	FBXL13	ENSG00000161040
7	102576566	102576937	102576790	8	13	10	1.32275078	0.240023	NAPEPLD	ENSG00000161048
7	102724826	102725184	102725005	10	16	7	2.208521392	0.0257604	PMPCB	ENSG00000105819
7	102772358	102772717	102772537	15	21	7	2.858086507	0.0029864	DNAJC2	ENSG00000105821
7	102775304	102775801	102775474	14	23	7	3.117912553	0.00117689	PSMC2	ENSG00000161057
7	102834621	102834862	102834721	10	11	9	1.247165021	0.300052	SLC26A5	ENSG00000170615
7	103080688	103080959	103080823	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000222386
7	103524434	103524695	103524527	12	14	8	1.73217364	0.0890835	RELN	ENSG00000189056
7	103537042	103537221	103537131	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ORC5L	ENSG00000164815
7	103550377	103550556	103550468	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ORC5L	ENSG00000164815
7	103619934	103620117	103620025	8	9	6	1.484720263	0.204387	ORC5L	ENSG00000164815
7	103635705	103635950	103635848	9	13	3	3.637564645	0.0050909	ORC5L	ENSG00000164815
7	103656290	103656469	103656402	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ORC5L	ENSG00000164815
7	103769153	103769493	103769294	9	13	5	2.425043097	0.0262442	LHFPL3	ENSG00000187416
7	104049019	104049204	104049082	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000197258
7	104235582	104235835	104235708	9	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000208761

7	104315139	104315388	104315263	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208761
7	104323929	104324187	104324062	11	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000208761
7	104407086	104407288	104407187	8	11	11	1.039304184	0.462773		ENSG00000208754
7	104410137	104410475	104410306	13	18	8	2.194086611	0.0206188		ENSG00000208754
7	104434423	104434602	104434510	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MLL5	ENSG00000005483
7	104439928	104440204	104440094	12	15	5	2.771477825	0.0105836	MLL5	ENSG00000005483
7	104440338	104440684	104440509	15	19	3	5.196520921	0.000174201	MLL5	ENSG00000005483
7	104441336	104441810	104441515	14	24	16	1.528388506	0.0846311	MLL5	ENSG00000005483
7	104452245	104452434	104452307	9	9	2	3.464347281	0.0163838	MLL5	ENSG00000005483
7	104452546	104452745	104452630	8	8	3	2.338434415	0.0641221	MLL5	ENSG00000005483
7	104534175	104534354	104534264	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MLL5	ENSG00000005483
7	104536664	104536991	104536842	8	11	5	2.078608368	0.0614303	MLL5	ENSG00000005483
7	104538017	104538264	104538107	8	8	7	1.169217207	0.371848	MLL5	ENSG00000005483
7	104550950	104551179	104551064	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MLL5	ENSG00000005483
7	104568890	104569069	104569000	8	8	9	0.935373766	0.560286	MLL5	ENSG00000005483
7	104648924	104649104	104649036	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SRPK2	ENSG00000135250
7	104660880	104661075	104660969	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000213361
7	104732198	104732430	104732314	9	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000208751
7	104804606	104804808	104804707	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SRPK2	ENSG00000135250
7	104948857	104949334	104949161	8	17	7	2.338434415	0.0171287	PUS7	ENSG00000091127
7	104950046	104950254	104950170	10	10	3	2.858086507	0.0242838	PUS7	ENSG00000091127
7	104959216	104959396	104959345	8	8	4	1.870747532	0.118863	RINT1	ENSG00000135249
7	104960378	104960562	104960469	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RINT1	ENSG00000135249
7	104992990	104993173	104993081	9	9	4	2.078608368	0.0785659	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105001393	105001590	105001473	8	8	5	1.558956276	0.191397	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105009114	105009574	105009311	28	41	7	5.456346967	9.08E-08	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105017056	105017310	105017183	9	11	10	1.133786383	0.380636	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105066322	105066508	105066464	9	10	2	3.810782009	0.00936112	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105075238	105075605	105075383	9	13	1	7.27512929	0.000378098	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105079927	105080274	105080195	8	13	5	2.425043097	0.0262442	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105082752	105082960	105082853	9	11	1	6.235825105	0.0013754	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105092678	105092865	105092755	8	9	6	1.484720263	0.204387	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105118299	105118511	105118461	8	9	3	2.598260461	0.0397929	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105119185	105119737	105119411	15	32	7	4.28712976	1.26E-05	EFCAB10	ENSG00000185055

7	105145264	105145496	105145406	8	8	5	1.558956276	0.191397	EFCAB10	ENSG00000185055
7	105162081	105162325	105162203	9	11	8	1.385738912	0.224757	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105179703	105179912	105179790	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105343112	105343312	105343196	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ATXN7L1	ENSG00000146776
7	105362342	105362641	105362491	9	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000128536
7	105426829	105427189	105427020	11	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000128536
7	105455218	105455539	105455378	12	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000128536
7	105470509	105470818	105470677	8	12	10	1.228268581	0.305344	SYPL1	ENSG00000008282
7	105486100	105486592	105486279	16	27	10	2.64550156	0.00175911	SYPL1	ENSG00000008282
7	105496724	105497032	105496878	13	16	9	1.766817113	0.0700694	SYPL1	ENSG00000008282
7	105499696	105500007	105499851	13	17	7	2.338434415	0.0171287	SYPL1	ENSG00000008282
7	105539772	105539988	105539880	10	10	3	2.858086507	0.0242838	SYPL1	ENSG00000008282
7	105583249	105583428	105583380	8	8	4	1.870747532	0.118863	SYPL1	ENSG00000008282
7	105845084	105845465	105845308	11	17	6	2.672496474	0.00882337	NAMPT	ENSG00000105835
7	105970285	105970492	105970388	12	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000177820
7	105991093	105991512	105991344	9	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000177820
7	105998958	105999144	105999066	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000177820
7	106012711	106012890	106012783	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000177820
7	106164293	106164511	106164458	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000177820
7	106220820	106221119	106220973	10	12	3	3.377738599	0.00867157	PIK3CG	ENSG00000105851
7	106385498	106385763	106385630	8	10	4	2.286469205	0.0509017	PRKAR2B	ENSG00000005249
7	106596352	106596681	106596520	11	16	8	1.963130126	0.0441028	HBP1	ENSG00000105856
7	106597429	106597839	106597608	10	17	9	1.870747532	0.0498299	HBP1	ENSG00000105856
7	106934236	106934574	106934415	15	20	10	1.98412617	0.0277883	GPR22	ENSG00000172209
7	106934648	106934967	106934807	10	13	5	2.425043097	0.0262442	GPR22	ENSG00000172209
7	106987404	106987583	106987464	8	8	4	1.870747532	0.118863	DUS4L	ENSG00000105865
7	107007596	107007854	107007725	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	BCAP29	ENSG00000075790
7	107089653	107089905	107089779	9	12	6	1.930136342	0.071303	SLC26A4	ENSG00000091137
7	107140676	107140976	107140823	15	18	4	3.9493559	0.000961379	CBLL1	ENSG00000105879
7	107171099	107171487	107171310	15	21	9	2.286469205	0.0111772	CBLL1	ENSG00000105879
7	107172023	107172266	107172122	11	11	8	1.385738912	0.224757	CBLL1	ENSG00000105879
7	107313234	107313464	107313349	8	8	0	9.353737658	0.00163931	DLD	ENSG00000091140
7	107322135	107322377	107322256	8	10	6	1.63319229	0.146906	DLD	ENSG00000091140
7	107380036	107380642	107380340	27	45	15	2.98799953	2.37E-05		ENSG00000208718

7	107423013	107423542	107423288	12	23	11	2.078608368	0.0154752		ENSG00000208718
7	107432468	107432889	107432550	10	18	5	3.291129917	0.00248584	LAMB1	ENSG00000091136
7	107483362	107483594	107483478	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000216085
7	107519131	107519487	107519309	13	19	8	2.309564854	0.0138337	LAMB4	ENSG00000091128
7	107525477	107525742	107525591	8	12	4	2.702190879	0.0203088	LAMB4	ENSG00000091128
7	107631586	107631786	107631708	8	8	3	2.338434415	0.0641221	NRCAM	ENSG00000091129
7	107650193	107650445	107650319	8	8	5	1.558956276	0.191397	NRCAM	ENSG00000091129
7	107665565	107665782	107665673	9	9	2	3.464347281	0.0163838	NRCAM	ENSG00000091129
7	107779414	107779690	107779552	10	12	3	3.377738599	0.00867157	NRCAM	ENSG00000091129
7	107786373	107786587	107786450	12	12	4	2.702190879	0.0203088	NRCAM	ENSG00000091129
7	107786725	107786964	107786844	8	9	1	5.196520921	0.00490062	NRCAM	ENSG00000091129
7	107813745	107813960	107813852	8	8	0	9.353737658	0.00163931	NRCAM	ENSG00000091129
7	107997397	107997667	107997489	10	13	6	2.078608368	0.0483393	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108023192	108023449	108023320	8	9	4	2.078608368	0.0785659	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108039020	108039315	108039167	11	16	5	2.944695189	0.00659886	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108041466	108041715	108041591	8	10	14	0.762156402	0.758589	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108106336	108106662	108106499	8	9	3	2.598260461	0.0397929	DNAJB9	ENSG00000128590
7	108270644	108270834	108270790	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000205174
7	108401608	108401818	108401713	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000205174
7	108437125	108437357	108437232	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000205174
7	108501072	108501305	108501188	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000205174
7	109026871	109027451	109027289	9	21	4	4.572938411	0.000186332		
7	109434623	109435000	109434802	48	57	4	12.05592854	4.51E-14		
7	109435017	109435233	109435057	9	11	3	3.117912553	0.0146045		
7	109477886	109478066	109477945	8	9	3	2.598260461	0.0397929		
7	109708798	109708999	109708939	9	9	2	3.464347281	0.0163838		
7	109710282	109710780	109710601	15	24	7	3.247825576	0.000729793		
7	109827028	109827224	109827139	8	9	2	3.464347281	0.0163838		
7	109869663	109870018	109869840	15	20	7	2.728173484	0.00469378		ENSG00000221279
7	109950040	109950682	109950335	16	34	9	3.637564645	3.15E-05		ENSG00000221279
7	109961492	109962511	109962027	345	503	25	20.14651188	2.34E-121		ENSG00000221279
7	110021515	110021792	110021653	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000221279
7	110106408	110106595	110106552	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221279
7	110204501	110204680	110204614	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000221279

7	110213777	110213970	110213873	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221279
7	110271021	110271234	110271127	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000221279
7	110351447	110351626	110351482	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221279
7	110591561	110591840	110591700	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000208701
7	110682886	110683150	110683018	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208701
7	110743448	110743668	110743525	8	8	1	4.676868829	0.0091584	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110785092	110785332	110785210	10	12	4	2.702190879	0.0203088	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110810472	110810749	110810585	14	14	2	5.196520921	0.000907371	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110856662	110856865	110856788	14	15	4	3.32577339	0.00462646	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110926327	110926695	110926504	18	24	10	2.362054964	0.00608507	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110988239	110988435	110988362	10	10	4	2.286469205	0.0509017	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110989851	110990217	110990038	10	15	13	1.187776211	0.317363	IMMP2L	ENSG00000184903
7	110992519	110992702	110992610	9	9	0	10.39304184	0.000803859	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111115596	111115783	111115698	8	8	4	1.870747532	0.118863	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111169124	111169358	111169194	8	10	6	1.63319229	0.146906	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111177286	111177743	111177572	20	34	12	2.79812665	0.00034067	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111179534	111179811	111179672	14	15	4	3.32577339	0.00462646	IMMP2L	ENSG00000184903
7	111190503	111190764	111190629	11	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000208691
7	111212382	111212592	111212494	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208691
7	111298499	111298782	111298649	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000208691
7	111323818	111324079	111323948	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000208691
7	111364660	111364851	111364755	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208691
7	111587356	111587607	111587462	8	9	6	1.484720263	0.204387	ZNF277	ENSG00000198839
7	111588034	111588404	111588211	10	16	8	1.963130126	0.0441028	ZNF277	ENSG00000198839
7	111589061	111589285	111589234	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ZNF277	ENSG00000198839
7	111638693	111638938	111638815	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ZNF277	ENSG00000198839
7	111750618	111750804	111750711	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000202406
7	111776462	111776641	111776495	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000208679
7	111815032	111815220	111815172	10	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000208671
7	111847746	111847963	111847918	8	9	9	1.039304184	0.466079	IFRD1	ENSG00000006652
7	111877345	111877552	111877488	12	14	7	1.948695345	0.0559175	IFRD1	ENSG00000006652
7	111877557	111877876	111877796	9	13	6	2.078608368	0.0483393	IFRD1	ENSG00000006652
7	111907773	111907980	111907887	9	9	10	0.944821986	0.553851	C7orf53	ENSG00000181016
7	111908975	111909542	111909273	14	26	18	1.476905946	0.0928898	C7orf53	ENSG00000181016

7	111910737	111910975	111910817	12	12	6	1.930136342	0.071303	C7orf53	ENSG00000181016
7	111923235	111923426	111923308	9	9	15	0.649565115	0.865365	C7orf53	ENSG00000181016
7	111924620	111924840	111924750	9	11	3	3.117912553	0.0146045	C7orf53	ENSG00000181016
7	111999953	112000271	112000127	14	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000182965
7	112011575	112012002	112011775	48	58	6	8.759849553	8.79E-13		ENSG00000182965
7	112024279	112024481	112024370	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000182965
7	112105057	112105386	112105216	12	14	7	1.948695345	0.0559175	TMEM168	ENSG00000146802
7	112171083	112171497	112171262	13	20	3	5.456346967	9.70E-05	TMEM168	ENSG00000146802
7	112197371	112197716	112197543	34	38	9	4.053286319	4.19E-06	TMEM168	ENSG00000146802
7	112209775	112210100	112209948	22	26	4	5.612242595	1.08E-05	TMEM168	ENSG00000146802
7	112217097	112217646	112217417	8	20	16	1.283846345	0.219275	TMEM168	ENSG00000146802
7	112279596	112279782	112279689	10	10	3	2.858086507	0.0242838	TMEM168	ENSG00000146802
7	112296534	112296939	112296685	8	16	13	1.262012224	0.256887	C7orf60	ENSG00000164603
7	112367117	112367356	112367246	8	9	9	1.039304184	0.466079	C7orf60	ENSG00000164603
7	112367540	112367785	112367662	10	11	2	4.157216737	0.0052913	C7orf60	ENSG00000164603
7	112526590	112526978	112526807	14	18	6	2.8209685	0.00559354	GPR85	ENSG00000164604
7	112545645	112546015	112545824	12	19	11	1.73217364	0.0607469		ENSG00000214194
7	112546033	112546368	112546204	15	20	8	2.425043097	0.00917565		ENSG00000214194
7	112557958	112558161	112558059	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000214194
7	112564599	112564800	112564654	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000214194
7	112579307	112579665	112579486	8	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000214194
7	112587119	112587381	112587250	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000214194
7	112696573	112696760	112696672	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214194
7	112707037	112707295	112707166	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000214194
7	112707830	112708074	112708004	9	12	11	1.125912866	0.382541		ENSG00000214194
7	112709172	112709418	112709321	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000214194
7	112722629	112722875	112722749	11	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000214194
7	112777039	112777315	112777203	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214194
7	112796253	112796451	112796352	9	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000214194
7	112846010	112846241	112846125	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000214194
7	112849052	112849264	112849124	8	10	9	1.143234603	0.378307		ENSG00000214194
7	113104951	113105151	113105013	8	9	2	3.464347281	0.0163838	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113137664	113137970	113137800	9	12	6	1.930136342	0.071303	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113190511	113191150	113190748	12	27	18	1.531606166	0.072168	PPP1R3A	ENSG00000154415

7	113220829	113221131	113220957	10	11	1	6.235825105	0.0013754	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113372432	113372702	113372561	9	10	4	2.286469205	0.0509017	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113439912	113440182	113440047	9	13	3	3.637564645	0.0050909	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113448491	113448684	113448616	8	9	5	1.73217364	0.133894	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113448689	113448888	113448788	9	9	7	1.29913023	0.286504	PPP1R3A	ENSG00000154415
7	113512936	113513232	113513084	12	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000208668
7	113610672	113610894	113610783	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000208668
7	113854267	113854446	113854406	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FOXP2	ENSG00000128573
7	115598252	115598489	115598370	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TES	ENSG00000135269
7	115867405	115867606	115867481	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CAV2	ENSG00000105971
7	115869451	115869689	115869606	12	13	4	2.910051716	0.0125532	CAV2	ENSG00000105971
7	115874791	115875023	115874907	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CAV2	ENSG00000105971
7	116208442	116208701	116208528	9	12	2	4.503651465	0.002963	CAPZA2	ENSG00000198898
7	117057835	117058227	117058009	32	41	1	21.82538787	2.25E-12		ENSG00000216672
7	117611228	117611474	117611389	10	11	4	2.494330042	0.0324033	LSM8	ENSG00000128534
7	120933115	120933451	120933283	37	39	0	41.57216737	4.18E-13		ENSG00000221690
7	120938427	120938865	120938606	36	46	0	48.84729666	2.85E-15		ENSG00000221690
7	123087721	123087904	123087794	9	9	1	5.196520921	0.00490062	LMOD2	ENSG00000170807
7	123673720	123674067	123673893	38	43	0	45.72938411	2.41E-14		ENSG00000213296
7	124357110	124357319	124357220	8	9	5	1.73217364	0.133894	POT1	ENSG00000128513
7	126982046	126982235	126982095	8	8	0	9.353737658	0.00163931	GCC1	ENSG00000179562
7	127411173	127411487	127411330	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C7orf54	ENSG00000221922
7	127694092	127694296	127694194	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000221429
7	127771084	127771360	127771222	15	16	2	5.889390377	0.000270741	RBM28	ENSG00000106344
7	127829122	127829350	127829236	8	10	1	5.716173013	0.00260397	IMPDH1	ENSG00000106348
7	128558763	128558958	128558840	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TSPAN33	ENSG00000158457
7	128850834	128851027	128850957	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM40B	ENSG00000128578
7	129280961	129281196	129281078	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000207691
7	129376274	129376472	129376420	9	10	2	3.810782009	0.00936112	UBE2H	ENSG00000186591
7	129396948	129397237	129397092	13	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000207184
7	129438010	129438215	129438112	12	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000201109
7	129478301	129478480	129478407	8	8	7	1.169217207	0.371848	ZC3HC1	ENSG00000091732
7	129705187	129705409	129705289	8	10	4	2.286469205	0.0509017	CPA2	ENSG00000158516
7	129800935	129801181	129801065	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CPA1	ENSG00000091704

7	129900624	129900961	129900782	9	11	2	4.157216737	0.0052913	MEST	ENSG00000106484
7	130186765	130187033	130186865	9	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000198981
7	130276717	130277271	130276994	10	19	8	2.309564854	0.0138337		ENSG00000207748
7	130408078	130408289	130408222	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000199627
7	130489660	130489961	130489830	8	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000199627
7	130682522	130682844	130682693	10	13	0	14.55025858	4.65E-05	MKLN1	ENSG00000128585
7	131109974	131110412	131110216	37	58	0	61.31894687	5.50E-19		ENSG00000172400
7	131365460	131365786	131365628	11	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000205067
7	131574991	131575194	131575125	8	9	0	10.39304184	0.000803859	PLXNA4	ENSG00000221866
7	132312547	132312726	132312636	8	8	1	4.676868829	0.0091584	CHCHD3	ENSG00000106554
7	132925302	132925632	132925467	22	22	1	11.95199812	9.69E-07		ENSG00000208439
7	133881312	133881715	133881549	17	22	0	23.90399624	7.62E-08	AKR1B10	ENSG00000198074
7	133958571	133958871	133958702	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	BPGM	ENSG00000172331
7	134180701	134181086	134180885	73	83	6	12.47165021	1.18E-19	CALD1	ENSG00000122786
7	134671237	134671416	134671326	8	8	3	2.338434415	0.0641221	STRA8	ENSG00000146857
7	134996550	134996747	134996653	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000212303
7	134997611	134997975	134997829	8	12	8	1.501217155	0.168286		ENSG00000212303
7	135109539	135109733	135109700	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000222219
7	135312635	135312847	135312741	8	9	8	1.154782427	0.375434	MTPN	ENSG00000105887
7	137314513	137314695	137314604	8	8	4	1.870747532	0.118863	CREB3L2	ENSG00000182158
7	137496862	137497119	137496990	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000222912
7	137500022	137500455	137500196	46	62	2	21.82538787	1.77E-17		ENSG00000222912
7	137523838	137524097	137523933	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000201465
7	137639057	137639239	137639201	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213238
7	137639290	137639542	137639380	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000213238
7	137766734	137767155	137766976	30	40	1	21.30573578	4.48E-12		ENSG00000202072
7	138074074	138074359	138074216	17	20	3	5.456346967	9.70E-05	ATP6V0A4	ENSG00000105929
7	138109260	138109454	138109362	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ATP6V0A4	ENSG00000105929
7	138453492	138453703	138453636	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZC3HAV1	ENSG00000105939
7	138643724	138644015	138643869	11	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000206843
7	138675505	138675693	138675599	8	9	5	1.73217364	0.133894	FMC1	ENSG00000164898
7	138675766	138676142	138675917	8	13	16	0.855897563	0.670115	FMC1	ENSG00000164898
7	138696059	138696327	138696193	11	14	1	7.794781382	0.000197021	LUC7L2	ENSG00000146963
7	138808986	138809166	138809076	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KLRG2	ENSG00000188883

7	139374317	139374539	139374446	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PARP12	ENSG00000059378
7	139521489	139521967	139521647	9	17	9	1.870747532	0.0498299	JHDM1D	ENSG00000006459
7	139546506	139546741	139546643	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000199971
7	139887688	139887922	139887845	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000221732
7	140043575	140043796	140043685	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NDUFB2	ENSG00000090266
7	140213881	140214141	140213987	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207040
7	140214163	140214438	140214304	21	22	0	23.90399624	7.62E-08		ENSG00000207040
7	140215269	140215448	140215358	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000207040
7	140361018	140361343	140361179	8	10	6	1.63319229	0.146906	MRPS33	ENSG00000090263
7	140996284	140996490	140996387	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000219583
7	141084272	141084702	141084523	16	25	6	3.860272684	0.00017915	SSBP1	ENSG00000106028
7	141789133	141789328	141789234	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000211719
7	142351141	142351381	142351260	13	14	2	5.196520921	0.000907371	C7orf34	ENSG00000165131
7	142564636	142564853	142564744	10	10	1	5.716173013	0.00260397	PIP	ENSG00000159763
7	143229723	143229923	143229834	11	12	1	6.755477198	0.000722752	FAM115A	ENSG00000198420
7	143230091	143230429	143230260	10	16	2	5.889390377	0.000270741	FAM115A	ENSG00000198420
7	143391700	143391957	143391791	10	12	4	2.702190879	0.0203088	OR2A25	ENSG00000221933
7	143999445	143999859	143999680	43	53	2	18.70747532	8.04E-15		ENSG00000214036
7	144059778	144059957	144059883	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000214036
7	147570441	147570682	147570536	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000199370
7	147590713	147591028	147590870	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000199370
7	147667201	147667628	147667449	15	22	2	7.967998746	6.43E-06		ENSG00000199370
7	147730130	147730649	147730385	48	68	0	71.71198871	4.42E-22		ENSG00000199370
7	147903711	147903919	147903836	11	14	3	3.897390691	0.00295882		ENSG00000213210
7	148000155	148000429	148000257	18	20	0	21.82538787	3.17E-07	CUL1	ENSG00000055130
7	148124861	148125075	148124968	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208293
7	148269421	148269799	148269576	11	16	9	1.766817113	0.0700694		ENSG00000208290
7	148311639	148312194	148311873	10	22	3	5.975999059	2.96E-05		ENSG00000202354
7	148315133	148315323	148315228	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000201098
7	148356994	148357397	148357218	9	16	7	2.208521392	0.0257604	PDIA4	ENSG00000155660
7	148393277	148393508	148393444	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000216832
7	148393923	148394132	148394027	10	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000216832
7	148419665	148419909	148419801	8	9	6	1.484720263	0.204387	ZNF786	ENSG00000197362
7	148454415	148454652	148454532	9	11	9	1.247165021	0.300052	ZNF425	ENSG00000204947

7	148455249	148455471	148455360	9	11	7	1.558956276	0.158273	ZNF425	ENSG00000204947
7	148472892	148473384	148473233	12	25	6	3.860272684	0.00017915	ZNF398	ENSG00000197024
7	148482169	148482450	148482326	13	13	3	3.637564645	0.0050909	ZNF398	ENSG00000197024
7	148495153	148495390	148495271	10	11	6	1.781664316	0.103344	ZNF398	ENSG00000197024
7	148510366	148510561	148510499	10	10	7	1.429043253	0.21536	ZNF282	ENSG00000170265
7	148534081	148534325	148534213	8	10	8	1.27026067	0.293854	ZNF282	ENSG00000170265
7	148556924	148557103	148557013	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZNF212	ENSG00000170260
7	148567311	148567664	148567487	10	16	11	1.472347594	0.147517	ZNF212	ENSG00000170260
7	148638436	148638642	148638604	9	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000219420
7	148683886	148684094	148683990	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208278
7	148722354	148722598	148722459	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000208277
7	148817497	148817676	148817586	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZNF746	ENSG00000181220
7	148972878	148973142	148972990	11	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000208271
7	149019165	149019353	149019275	8	9	6	1.484720263	0.204387	KRBA1	ENSG00000133619
7	149070119	149070473	149070296	11	16	7	2.208521392	0.0257604	ZNF467	ENSG00000181444
7	149073065	149073244	149073154	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF467	ENSG00000181444
7	149081720	149081940	149081809	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ZNF467	ENSG00000181444
7	149110659	149110910	149110784	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000197558
7	149121997	149122207	149122065	10	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000197558
7	149166247	149166506	149166387	11	13	4	2.910051716	0.0125532	ZNF862	ENSG00000106479
7	149182734	149183041	149182890	12	13	6	2.078608368	0.0483393	ZNF862	ENSG00000106479
7	149200829	149201020	149200878	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000171130
7	149344982	149345167	149345042	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000204934
7	149429060	149429271	149429165	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000106526
7	149697690	149697870	149697732	8	8	5	1.558956276	0.191397	REPIN1	ENSG00000214022
7	149733377	149733556	149733473	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZNF775	ENSG00000196456
7	150205242	150205434	150205338	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ABP1	ENSG00000002726
7	150226618	150226848	150226733	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ABP1	ENSG00000002726
7	150385997	150386216	150386073	10	10	3	2.858086507	0.0242838	CDK5	ENSG00000164885
7	150444203	150444528	150444373	11	13	4	2.910051716	0.0125532	AGAP3	ENSG00000133612
7	150460759	150460943	150460851	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000223157
7	150555340	150555650	150555515	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ABCF2	ENSG00000033050
7	150696181	150696407	150696279	8	10	5	1.905391004	0.0915982	NUB1	ENSG00000013374
7	150880344	150880751	150880523	8	16	6	2.524024447	0.0137633	RHEB	ENSG00000106615

7	151016100	151016511	151016299	25	34	1	18.18782322	2.77E-10	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151103653	151103832	151103776	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151147244	151147621	151147354	13	18	13	1.41048425	0.160361	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151179177	151179410	151179293	10	11	5	2.078608368	0.0614303	PRKAG2	ENSG00000106617
7	151400453	151400898	151400632	64	77	2	27.02190879	6.10E-22		ENSG00000208254
7	151410524	151410795	151410671	10	11	0	12.47165021	0.000193293	GALNT11	ENSG00000178234
7	151414589	151414778	151414744	8	9	3	2.598260461	0.0397929	GALNT11	ENSG00000178234
7	151818650	151818843	151818739	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CCT8L1	ENSG00000020219
7	151832476	151832726	151832625	15	15	3	4.157216737	0.00170423	CCT8L1	ENSG00000020219
7	151948377	151948556	151948466	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000212590
7	152061494	152061932	152061771	31	41	1	21.82538787	2.25E-12		ENSG00000214003
7	152260362	152260580	152260456	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ACTR3B	ENSG00000133627
7	152317676	152318225	152317992	29	45	6	6.829713211	2.35E-09		ENSG00000217267
7	153163439	153163621	153163465	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DPP6	ENSG00000130226
7	153576870	153577150	153577009	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	DPP6	ENSG00000130226
7	154152134	154152313	154152230	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221099
7	154227028	154227243	154227135	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DPP6	ENSG00000130226
7	154647120	154647468	154647290	30	35	1	18.70747532	1.40E-10		ENSG00000217825
7	154723171	154723389	154723211	8	10	4	2.286469205	0.0509017	INSIG1	ENSG00000186480
7	154865684	154865943	154865813	9	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000218672
7	154968085	154968275	154968150	8	8	0	9.353737658	0.00163931	EN2	ENSG00000164778
7	155145973	155146167	155146010	12	12	1	6.755477198	0.000722752	RBM33	ENSG00000184863
7	155163856	155164035	155163945	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RBM33	ENSG00000184863
7	155337372	155337656	155337506	11	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000221113
7	155346266	155346877	155346441	15	28	15	1.883738834	0.0179382		ENSG00000221113
7	155351452	155351944	155351711	13	22	9	2.390399624	0.00747467		ENSG00000221113
7	155352797	155353046	155352921	18	21	8	2.540521339	0.00602138		ENSG00000221113
7	155353086	155353345	155353215	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000221113
7	155694909	155695121	155695000	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000207061
7	156254556	156254788	156254671	8	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000206938
7	156315211	156315394	156315295	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000206938
7	156440262	156440576	156440419	13	16	1	8.834085566	5.30E-05	NOM1	ENSG00000146909
7	156493502	156493703	156493602	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MNX1	ENSG00000130675
7	156739405	156739656	156739530	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000213990

7	156762686	156762995	156762848	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000213990
7	156787907	156788096	156788032	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208243
7	156890461	156890766	156890613	13	17	1	9.353737658	2.73E-05	DNAJB6	ENSG00000105993
7	156978450	156978793	156978621	14	19	1	10.39304184	7.23E-06		ENSG00000178158
7	157810273	157810473	157810373	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000208234
7	158057668	158057901	158057784	9	10	2	3.810782009	0.00936112	PTPRN2	ENSG00000155093
7	158080543	158080735	158080639	18	18	13	1.41048425	0.160361	PTPRN2	ENSG00000155093
7	158266431	158266661	158266579	9	10	1	5.716173013	0.00260397	FAM62B	ENSG00000117868
7	158268258	158268479	158268323	8	10	5	1.905391004	0.0915982	FAM62B	ENSG00000117868
7	158288750	158288975	158288862	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM62B	ENSG00000117868
7	158304165	158304508	158304336	12	18	3	4.936694875	0.000311102	FAM62B	ENSG00000117868
7	158309614	158309801	158309707	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FAM62B	ENSG00000117868
7	158313379	158313689	158313534	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM62B	ENSG00000117868
7	158501014	158501308	158501161	10	14	9	1.558956276	0.132279	VIPR2	ENSG00000106018
7	158516061	158516264	158516162	8	9	7	1.29913023	0.286504	VIPR2	ENSG00000106018
7	158703767	158704010	158703884	10	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000220691
7	158796217	158796661	158796484	31	39	0	41.57216737	4.18E-13		ENSG00000220691
8	154535	154880	154707	26	30	1	16.10921486	4.28E-09	ZNF596	ENSG00000172748
8	1191074	1191322	1191195	9	12	3	3.377738599	0.00867157	DLGAP2	ENSG00000198010
8	2339776	2340039	2339921	8	9	0	10.39304184	0.000803859	MYOM2	ENSG00000036448
8	3163990	3164279	3164149	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CSMD1	ENSG00000183117
8	4907282	4907530	4907418	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000206661
8	6183985	6184192	6184088	12	12	0	13.5109544	9.48E-05	MCPH1	ENSG00000147316
8	8257694	8258095	8257849	88	100	2	34.98990754	7.68E-29		ENSG00000182319
8	8276195	8276377	8276286	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000182319
8	8301698	8301884	8301808	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000182319
8	8302129	8302808	8302405	65	91	4	19.12319699	7.87E-24		ENSG00000182319
8	8349661	8349951	8349805	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000182319
8	8402987	8403199	8403093	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222487
8	8550714	8550941	8550827	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000176305
8	8763423	8763602	8763534	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MFHAS1	ENSG00000147324
8	8908258	8908573	8908410	9	13	5	2.425043097	0.0262442	THEX1	ENSG00000104626
8	8924830	8925009	8924985	8	8	2	3.117912553	0.0283184	THEX1	ENSG00000104626
8	9021262	9021580	9021421	12	16	0	17.66817113	5.48E-06	PPP1R3B	ENSG00000173281

8	11369230	11369415	11369322	10	11	1	6.235825105	0.0013754	FAM167A	ENSG00000154319
8	11684487	11684725	11684565	8	10	2	3.810782009	0.00936112	FDFT1	ENSG00000079459
8	16874638	16874817	16874727	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FGF20	ENSG00000078579
8	17549402	17549614	17549528	10	11	5	2.078608368	0.0614303	MTUS1	ENSG00000129422
8	18464836	18465145	18464980	9	13	4	2.910051716	0.0125532	PSD3	ENSG00000156011
8	18905483	18905854	18905675	10	17	2	6.235825105	0.000146695	PSD3	ENSG00000156011
8	18943293	18943750	18943521	151	171	5	29.79338661	2.84E-46	PSD3	ENSG00000156011
8	20030705	20031002	20030839	11	12	3	3.377738599	0.00867157	SLC18A1	ENSG00000036565
8	20329868	20330190	20330024	23	27	0	29.10051716	2.16E-09		ENSG00000210340
8	21476034	21476246	21476145	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210349
8	22462676	22462908	22462793	9	10	2	3.810782009	0.00936112	SORBS3	ENSG00000120896
8	22669496	22669678	22669622	10	10	1	5.716173013	0.00260397	EGR3	ENSG00000179388
8	22927896	22928118	22928007	9	11	2	4.157216737	0.0052913	RHOBTB2	ENSG00000008853
8	22981520	22981733	22981596	9	11	0	12.47165021	0.000193293	TNFRSF10B	ENSG00000120889
8	22981852	22982611	22982104	14	35	1	18.70747532	1.40E-10	TNFRSF10B	ENSG00000120889
8	23557222	23557458	23557346	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NKX3-1	ENSG00000167034
8	25232724	25232967	25232852	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000215293
8	25321951	25322150	25322062	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000215293
8	25825002	25825181	25825153	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218407
8	27152182	27152386	27152288	8	8	2	3.117912553	0.0283184	STMN4	ENSG00000015592
8	27530749	27530969	27530820	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CLU	ENSG00000120885
8	27564539	27564718	27564611	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SCARA3	ENSG00000168077
8	28203632	28203811	28203724	8	8	2	3.117912553	0.0283184	PNOC	ENSG00000168081
8	28608376	28608567	28608471	12	12	0	13.5109544	9.48E-05	EXTL3	ENSG00000012232
8	29083995	29084182	29084088	8	8	0	9.353737658	0.00163931	KIF13B	ENSG00000197892
8	29200219	29200521	29200358	11	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000212034
8	29665751	29666022	29665886	9	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000221003
8	29673266	29673456	29673338	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221003
8	29683810	29684299	29684059	298	324	3	84.44346497	2.04E-95		ENSG00000221003
8	30425491	30425731	30425617	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RBPM5	ENSG00000157110
8	30679948	30680187	30680066	9	10	1	5.716173013	0.00260397	GSR	ENSG00000104687
8	30700043	30700488	30700161	12	19	3	5.196520921	0.000174201	GSR	ENSG00000104687
8	30780506	30780739	30780622	13	14	2	5.196520921	0.000907371	PPP2CB	ENSG00000104695
8	31149494	31149871	31149714	26	33	0	35.33634226	3.00E-11	PURG	ENSG00000172733

8	32762256	32762495	32762374	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000210559
8	33106569	33106832	33106700	22	23	1	12.47165021	4.94E-07		ENSG00000210596
8	37571557	37571954	37571736	29	37	4	7.8987118	1.45E-08		ENSG00000223215
8	37575279	37575674	37575400	12	17	2	6.235825105	0.000146695		ENSG00000223215
8	37892918	37893126	37893022	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000210679
8	38769772	38770047	38769897	11	12	8	1.501217155	0.168286	TACC1	ENSG00000147526
8	40080758	40080937	40080847	8	9	0	10.39304184	0.000803859	C8orf4	ENSG00000176907
8	40151563	40151812	40151677	11	13	1	7.27512929	0.000378098	C8orf4	ENSG00000176907
8	40178596	40178796	40178688	8	8	5	1.558956276	0.191397	C8orf4	ENSG00000176907
8	40337027	40337236	40337089	8	11	2	4.157216737	0.0052913	C8orf4	ENSG00000176907
8	41747323	41747669	41747496	11	14	1	7.794781382	0.000197021	ANK1	ENSG00000029534
8	41795374	41795825	41795616	105	132	0	138.2274565	6.90E-42		ENSG00000207101
8	42726218	42726527	42726372	21	24	0	25.98260461	1.83E-08	CHRNA6	ENSG00000147434
8	42875185	42875387	42875286	9	9	0	10.39304184	0.000803859	HOOK3	ENSG00000168172
8	43211912	43212604	43212076	74	111	154	0.750981088	0.990032	A26A1	ENSG00000188877
8	43214079	43214540	43214258	24	35	27	1.336248237	0.122755	A26A1	ENSG00000188877
8	43214767	43215304	43215108	48	65	105	0.647113926	0.997602	A26A1	ENSG00000188877
8	43215448	43216059	43215743	21	33	59	0.588939038	0.994241	A26A1	ENSG00000188877
8	43880933	43881270	43881101	42	42	28	1.541037239	0.0338156		ENSG00000221295
8	43887390	43887719	43887554	22	23	33	0.733626483	0.881043		ENSG00000221295
8	43913626	43913951	43913788	11	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000221295
8	43939561	43939883	43939722	10	10	18	0.601702422	0.917232		ENSG00000221295
8	43943399	43943734	43943566	15	15	14	1.10859113	0.386477		ENSG00000221295
8	46964425	46964767	46964596	79	79	48	1.696823158	0.00149193		ENSG00000210854
8	46971494	46971824	46971659	18	18	24	0.78987118	0.784577		ENSG00000210854
8	46988337	46988517	46988366	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000210854
8	47847418	47847597	47847507	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210859
8	47987832	47988019	47987925	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000215179
8	48123300	48123479	48123389	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000210917
8	49017183	49017513	49017351	10	15	2	5.542955649	0.000497081	PRKDC	ENSG00000121031
8	50185494	50185982	50185719	31	43	3	11.43234603	5.53E-11	C8orf22	ENSG00000168333
8	52999893	53000143	53000033	11	11	2	4.157216737	0.0052913	PCMTD1	ENSG00000168300
8	53000270	53000679	53000447	88	99	0	103.9304184	1.13E-31	PCMTD1	ENSG00000168300
8	53071076	53071368	53071207	9	11	4	2.494330042	0.0324033	PCMTD1	ENSG00000168300

8	53415431	53415820	53415641	8	15	1	8.314433474	0.000102308	ST18	ENSG00000147488
8	53621293	53621768	53621589	17	26	0	28.06121297	4.41E-09	FAM150A	ENSG00000196711
8	53704505	53704912	53704684	32	42	3	11.17251998	1.06E-10	FAM150A	ENSG00000196711
8	54348076	54348429	54348251	27	32	1	17.14851904	1.09E-09	OPRK1	ENSG00000082556
8	54933632	54933849	54933764	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RGS20	ENSG00000147509
8	55020059	55020279	55020153	11	15	1	8.314433474	0.000102308	RGS20	ENSG00000147509
8	55020482	55020849	55020724	8	13	3	3.637564645	0.0050909	RGS20	ENSG00000147509
8	56285975	56286168	56286074	9	9	0	10.39304184	0.000803859	XKR4	ENSG00000206579
8	56441346	56441525	56441435	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000215123
8	56847340	56847892	56847494	15	27	0	29.10051716	2.16E-09	TGS1	ENSG00000137574
8	56847912	56848152	56848007	9	12	1	6.755477198	0.000722752	TGS1	ENSG00000137574
8	56848624	56848807	56848686	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TMEM68	ENSG00000167904
8	56917594	56918018	56917770	26	32	16	2.017472828	0.00740095		ENSG00000211045
8	56961768	56961994	56961834	10	11	2	4.157216737	0.0052913	LYN	ENSG00000147507
8	57085765	57086053	57085921	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000211063
8	57149539	57149772	57149624	8	10	5	1.905391004	0.0915982	RPS20	ENSG00000008988
8	57286837	57287038	57286946	9	9	3	2.598260461	0.0397929	CHCHD7	ENSG00000170791
8	57547068	57547318	57547193	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PENK	ENSG00000181195
8	57676278	57676484	57676313	9	9	1	5.196520921	0.00490062	PENK	ENSG00000181195
8	57981117	57981413	57981265	21	23	0	24.94330042	3.74E-08		ENSG00000206975
8	58027481	58027855	58027676	16	23	1	12.47165021	4.94E-07		ENSG00000197334
8	58587874	58588053	58588028	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000202265
8	58612193	58612373	58612261	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000202265
8	58662431	58662660	58662545	12	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000202265
8	59106085	59106290	59106177	9	10	3	2.858086507	0.0242838	FAM110B	ENSG00000169122
8	59796104	59796294	59796199	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000211109
8	61422965	61423150	61423081	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CA8	ENSG00000178538
8	61800700	61800906	61800803	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222462
8	61944828	61945007	61944839	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222462
8	61986625	61986927	61986770	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000222462
8	62129676	62129972	62129824	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000213881
8	62765071	62765250	62765229	8	8	4	1.870747532	0.118863	ASPH	ENSG00000198363
8	66707848	66708029	66707938	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ARMC1	ENSG00000104442
8	67023410	67023733	67023567	11	16	5	2.944695189	0.00659886	DNAJC5B	ENSG00000147570

8	67040100	67040333	67040216	9	11	3	3.117912553	0.0146045	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67095730	67096063	67095896	9	11	7	1.558956276	0.158273	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67101318	67101611	67101448	8	11	8	1.385738912	0.224757	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67139885	67140080	67139982	13	13	3	3.637564645	0.0050909	DNAJC5B	ENSG00000147570
8	67187975	67188656	67188381	108	143	9	14.96598025	6.68E-34		ENSG00000209078
8	67188707	67189154	67188975	12	25	2	9.00730293	9.47E-07		ENSG00000209078
8	67199078	67199370	67199224	13	17	0	18.70747532	2.69E-06	TRIM55	ENSG00000147573
8	67514079	67514338	67514208	9	12	8	1.501217155	0.168286	ADHFE1	ENSG00000147576
8	67597258	67597566	67597414	13	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000206949
8	67616893	67617080	67616986	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000206949
8	67617232	67617461	67617346	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000206949
8	67665084	67665429	67665256	17	22	1	11.95199812	9.69E-07		ENSG00000219180
8	68000282	68000587	68000419	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000201719
8	68136887	68137273	68137105	10	17	9	1.870747532	0.0498299	COPS5	ENSG00000121022
8	68455798	68456168	68455966	14	18	3	4.936694875	0.000311102	ARFGEF1	ENSG00000066777
8	69096889	69097136	69097000	10	10	0	11.43234603	0.000394183	PREX2	ENSG00000046889
8	69705557	69705740	69705648	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C8orf34	ENSG00000165084
8	69774113	69774432	69774273	9	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000211280
8	69929329	69929594	69929451	9	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000211281
8	71017274	71017489	71017381	11	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000223293
8	71371906	71372085	71371976	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000213003
8	71914536	71914775	71914707	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000223220
8	73513593	73513911	73513752	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000212989
8	74045253	74045464	74045358	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TERF1	ENSG00000147601
8	74083224	74083452	74083338	10	12	4	2.702190879	0.0203088	TERF1	ENSG00000147601
8	74249275	74249519	74249397	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000164764
8	74250160	74250694	74250436	21	37	2	13.16451967	3.70E-10		ENSG00000164764
8	74431041	74431346	74431196	11	13	6	2.078608368	0.0483393	RPL7	ENSG00000147604
8	74822505	74822695	74822633	8	9	2	3.464347281	0.0163838	STAU2	ENSG00000040341
8	75046883	75047111	75046987	9	10	3	2.858086507	0.0242838	TCEB1	ENSG00000154582
8	75379248	75379486	75379367	13	14	0	15.58956276	2.28E-05	JPH1	ENSG00000104369
8	75425140	75425401	75425276	11	11	7	1.558956276	0.158273	GDAP1	ENSG00000104381
8	75651217	75651570	75651393	12	17	2	6.235825105	0.000146695		ENSG00000207417
8	76300685	76300965	76300825	13	15	2	5.542955649	0.000497081	HNF4G	ENSG00000164749

8	78625429	78625740	78625581	21	24	3	6.495651151	8.89E-06		
8	80042224	80042403	80042285	8	8	1	4.676868829	0.0091584	IL7	ENSG00000104432
8	80047640	80047837	80047778	8	10	4	2.286469205	0.0509017	IL7	ENSG00000104432
8	80199035	80199344	80199121	9	13	0	14.55025858	4.65E-05	IL7	ENSG00000104432
8	80965498	80965745	80965573	9	12	2	4.503651465	0.002963	HEY1	ENSG00000164683
8	81104398	81104626	81104466	11	11	2	4.157216737	0.0052913	MRPS28	ENSG00000147586
8	81105022	81105258	81105140	9	10	8	1.27026067	0.293854	MRPS28	ENSG00000147586
8	81143185	81143806	81143456	75	101	2	35.33634226	3.84E-29	TPD52	ENSG00000076554
8	81156043	81156331	81156187	8	10	8	1.27026067	0.293854	TPD52	ENSG00000076554
8	81159025	81159401	81159222	14	21	4	4.572938411	0.000186332	TPD52	ENSG00000076554
8	81166448	81166843	81166627	13	21	7	2.858086507	0.0029864	TPD52	ENSG00000076554
8	81219191	81219409	81219305	8	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000209175
8	81248400	81248765	81248567	8	13	11	1.212521548	0.309909		ENSG00000209175
8	81305589	81305838	81305713	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000209175
8	81441611	81441944	81441775	12	16	12	1.359090087	0.198699		ENSG00000206649
8	81510876	81511095	81511016	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81560167	81560481	81560324	8	13	9	1.455025858	0.177172	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81565542	81565724	81565659	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81575999	81576408	81576198	17	27	2	9.700172386	2.61E-07	ZBTB10	ENSG00000205189
8	81640567	81640746	81640656	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000188856
8	81643172	81643546	81643412	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000188856
8	81656338	81656721	81656542	25	32	4	6.859407616	3.06E-07		ENSG00000223327
8	81658394	81658582	81658488	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000223327
8	81827814	81828068	81827941	11	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000212429
8	81828111	81828383	81828250	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212429
8	81842651	81842939	81842771	12	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000209154
8	81882644	81882907	81882787	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000209154
8	82040350	82040619	82040477	12	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000215844
8	82807075	82807499	82807214	8	14	0	15.58956276	2.28E-05	CHMP4C	ENSG00000164695
8	82917163	82917503	82917333	29	29	26	1.154782427	0.292794	SNX16	ENSG00000104497
8	83237328	83237610	83237471	14	17	2	6.235825105	0.000146695	HNRNPA1P2	ENSG00000206228
8	86319540	86319809	86319644	10	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000176731
8	86529018	86529199	86529047	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CA3	ENSG00000164879
8	86541401	86541583	86541550	9	9	1	5.196520921	0.00490062	CA3	ENSG00000164879

8	86552216	86552479	86552347	10	13	2	4.850086193	0.00164564	CA2	ENSG00000104267
8	86562643	86562975	86562751	8	12	5	2.251825733	0.0404733	CA2	ENSG00000104267
8	87001090	87001400	87001235	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000205162
8	87041293	87041491	87041372	10	10	2	3.810782009	0.00936112	PSKH2	ENSG00000147613
8	87093053	87093263	87093158	9	10	1	5.716173013	0.00260397	PSKH2	ENSG00000147613
8	87115741	87115981	87115872	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PSKH2	ENSG00000147613
8	87179977	87180210	87180112	8	10	3	2.858086507	0.0242838	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87205396	87205635	87205516	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87206513	87206792	87206652	9	12	2	4.503651465	0.002963	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87229385	87229650	87229522	8	9	6	1.484720263	0.204387	ATP6V0D2	ENSG00000147614
8	87339775	87340224	87339950	12	19	12	1.598929514	0.0887417	SLC7A13	ENSG00000164893
8	87348125	87348339	87348251	9	10	6	1.63319229	0.146906	SLC7A13	ENSG00000164893
8	87382632	87382840	87382736	9	9	9	1.039304184	0.466079	SLC7A13	ENSG00000164893
8	87423601	87423916	87423758	12	15	10	1.511715177	0.140236	WWP1	ENSG00000123124
8	87442182	87442412	87442297	9	9	1	5.196520921	0.00490062	WWP1	ENSG00000123124
8	87481084	87481284	87481174	10	10	4	2.286469205	0.0509017	WWP1	ENSG00000123124
8	87511584	87512019	87511763	20	34	3	9.093911612	1.78E-08		ENSG00000214965
8	87525891	87526070	87525952	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000214965
8	87576428	87576663	87576545	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000214963
8	87589404	87589691	87589550	10	15	7	2.078608368	0.038229	FAM82B	ENSG00000176623
8	87595402	87595727	87595581	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000209264
8	87784721	87784996	87784858	15	17	9	1.870747532	0.0498299	CNGB3	ENSG00000170289
8	87899279	87899458	87899341	8	8	3	2.338434415	0.0641221	CNBD1	ENSG00000176571
8	87952313	87952675	87952465	9	13	7	1.818782322	0.0805123	CNBD1	ENSG00000176571
8	87974316	87974676	87974550	8	13	10	1.32275078	0.240023	CNBD1	ENSG00000176571
8	87981082	87981315	87981252	8	10	1	5.716173013	0.00260397	CNBD1	ENSG00000176571
8	88000657	88000836	88000821	8	8	8	1.039304184	0.46786	CNBD1	ENSG00000176571
8	88025223	88025507	88025401	9	13	1	7.27512929	0.000378098	CNBD1	ENSG00000176571
8	88128411	88128590	88128500	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CNBD1	ENSG00000176571
8	88184329	88184512	88184413	8	10	3	2.858086507	0.0242838	CNBD1	ENSG00000176571
8	88247738	88247951	88247831	9	10	3	2.858086507	0.0242838	CNBD1	ENSG00000176571
8	88641675	88641861	88641807	9	9	2	3.464347281	0.0163838	WDR21C	ENSG00000176566
8	88661282	88661551	88661411	8	8	4	1.870747532	0.118863	WDR21C	ENSG00000176566
8	88744075	88744345	88744201	17	18	2	6.582259834	7.91E-05	WDR21C	ENSG00000176566

8	88796155	88796456	88796308	8	11	6	1.781664316	0.103344	WDR21C	ENSG00000176566
8	88932179	88932429	88932297	8	8	2	3.117912553	0.0283184	WDR21C	ENSG00000176566
8	89079182	89079361	89079271	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000176562
8	89084294	89084571	89084429	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000176562
8	89170504	89170779	89170641	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000176562
8	89371108	89371474	89371295	11	17	6	2.672496474	0.00882337	MMP16	ENSG00000156103
8	89407985	89408382	89408164	10	17	5	3.117912553	0.00407023	MMP16	ENSG00000156103
8	89408532	89408798	89408676	9	11	2	4.157216737	0.0052913	MMP16	ENSG00000156103
8	89409547	89409739	89409643	8	9	1	5.196520921	0.00490062	MMP16	ENSG00000156103
8	89409886	89410517	89410187	17	37	14	2.632903933	0.000365839	MMP16	ENSG00000156103
8	89496789	89497206	89496968	21	30	17	1.789912762	0.021784		ENSG00000209292
8	89497615	89497850	89497723	12	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000209292
8	89501831	89502043	89501937	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000209292
8	89516159	89516392	89516286	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000209292
8	89518673	89519026	89518849	11	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000209292
8	89635780	89636137	89635946	12	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000209292
8	89666414	89666649	89666531	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000209292
8	89679973	89680208	89680090	13	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000209292
8	89742745	89742924	89742834	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000209292
8	89797224	89797450	89797308	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000209292
8	89851953	89852137	89852045	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000209292
8	89977674	89977982	89977826	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000209292
8	89978536	89978758	89978647	8	10	3	2.858086507	0.0242838		
8	90141725	90141904	90141843	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213771
8	90408538	90408742	90408632	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000213771
8	90477345	90477524	90477434	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213771
8	90706226	90706485	90706379	9	10	2	3.810782009	0.00936112	RIPK2	ENSG00000104312
8	90771399	90771593	90771496	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RIPK2	ENSG00000104312
8	90807219	90807455	90807373	10	12	7	1.688869299	0.11395	RIPK2	ENSG00000104312
8	90838842	90839024	90838890	8	8	4	1.870747532	0.118863	RIPK2	ENSG00000104312
8	90893872	90894051	90893981	8	8	5	1.558956276	0.191397	RIPK2	ENSG00000104312
8	90915306	90915485	90915360	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000207359
8	90918802	90919028	90918915	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000207359
8	90943378	90943582	90943472	10	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000207359

8	90963920	90964411	90964232	14	26	12	2.158554844	0.00861404		ENSG00000207359
8	90983102	90983411	90983256	12	17	13	1.336248237	0.204556	OSGIN2	ENSG00000164823
8	90994781	90994966	90994927	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OSGIN2	ENSG00000164823
8	91001458	91001773	91001614	9	11	6	1.781664316	0.103344	OSGIN2	ENSG00000164823
8	91029850	91030148	91029990	8	10	0	11.43234603	0.000394183	NBN	ENSG00000104320
8	91065512	91066094	91065915	15	28	20	1.435229588	0.100491	NBN	ENSG00000104320
8	91082089	91082474	91082309	9	17	2	6.235825105	0.000146695	DECR1	ENSG00000104325
8	91088589	91088788	91088681	8	9	0	10.39304184	0.000803859	DECR1	ENSG00000104325
8	91164229	91164447	91164388	8	10	6	1.63319229	0.146906	CALB1	ENSG00000104327
8	91210184	91210504	91210303	10	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000209140
8	91238358	91238620	91238488	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000209140
8	91396561	91396771	91396666	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000199354
8	91553963	91554175	91554050	9	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000199354
8	91617341	91617539	91617518	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000199354
8	91623228	91623522	91623393	12	12	5	2.251825733	0.0404733		ENSG00000199354
8	91675027	91675240	91675139	12	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000209319
8	91724816	91725016	91724884	9	10	5	1.905391004	0.0915982	TMEM64	ENSG00000180694
8	91726094	91726440	91726267	17	22	5	3.983999373	0.000317941	TMEM64	ENSG00000180694
8	92034367	92034618	92034446	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000209252
8	92115318	92115548	92115433	11	12	5	2.251825733	0.0404733	TMEM55A	ENSG00000155099
8	92151289	92151630	92151459	10	14	3	3.897390691	0.00295882	OTUD6B	ENSG00000155100
8	92151700	92151931	92151867	9	10	4	2.286469205	0.0509017	OTUD6B	ENSG00000155100
8	92309898	92310119	92310019	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SLC26A7	ENSG00000147606
8	92334709	92334923	92334816	8	9	6	1.484720263	0.204387	SLC26A7	ENSG00000147606
8	92405992	92406281	92406136	11	13	5	2.425043097	0.0262442	SLC26A7	ENSG00000147606
8	93616671	93617006	93616838	13	18	2	6.582259834	7.91E-05		ENSG00000221172
8	93683987	93684170	93684078	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000221172
8	93709782	93709993	93709887	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221172
8	94046188	94046538	94046365	23	28	10	2.739983758	0.00114395	C8orf83	ENSG00000205133
8	94046838	94047075	94046916	8	11	7	1.558956276	0.158273	C8orf83	ENSG00000205133
8	94149803	94150224	94149955	11	17	13	1.336248237	0.204556	C8orf83	ENSG00000205133
8	94442615	94442836	94442725	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000209199
8	94600649	94600966	94600807	13	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000209199
8	94832517	94832837	94832668	20	25	2	9.00730293	9.47E-07	TMEM67	ENSG00000164953

8	94876492	94876689	94876590	9	9	1	5.196520921	0.00490062	TMEM67	ENSG00000164953
8	95042254	95042447	95042296	9	9	5	1.73217364	0.133894	PPM2C	ENSG00000164951
8	95072234	95072612	95072434	50	58	3	15.32973672	2.89E-15	PPM2C	ENSG00000164951
8	95072762	95073178	95073012	17	25	9	2.702190879	0.00210968	PPM2C	ENSG00000164951
8	95117905	95118118	95118011	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PPM2C	ENSG00000164951
8	95199293	95199582	95199458	8	9	4	2.078608368	0.0785659	CDH17	ENSG00000079112
8	95237926	95238155	95238043	8	11	3	3.117912553	0.0146045	CDH17	ENSG00000079112
8	95248603	95248849	95248737	10	13	1	7.27512929	0.000378098	CDH17	ENSG00000079112
8	95326473	95326741	95326607	8	11	1	6.235825105	0.0013754	GEM	ENSG00000164949
8	95368442	95368668	95368555	8	9	5	1.73217364	0.133894	GEM	ENSG00000164949
8	95499188	95499377	95499282	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000197065
8	95528669	95528915	95528792	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000197065
8	95561175	95561370	95561315	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RAD54B	ENSG00000197275
8	95610096	95610459	95610283	22	27	5	4.850086193	2.10E-05		ENSG00000212997
8	95634518	95635447	95634884	9	33	14	2.355756151	0.00181986	KIAA1429	ENSG00000164944
8	95677341	95677533	95677443	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KIAA1429	ENSG00000164944
8	95720453	95720832	95720668	15	22	5	3.983999373	0.000317941	RBM35A	ENSG00000104413
8	95721657	95722118	95721804	9	17	12	1.439036563	0.154203	RBM35A	ENSG00000104413
8	95722222	95722656	95722401	14	23	16	1.467252966	0.109416	RBM35A	ENSG00000104413
8	95723789	95724017	95723903	13	15	5	2.771477825	0.0105836	RBM35A	ENSG00000104413
8	95738447	95739298	95739022	75	138	16	8.497840095	5.31E-27		ENSG00000209267
8	95800821	95801172	95801000	13	18	4	3.9493559	0.000961379	DPY19L4	ENSG00000156162
8	95801543	95801848	95801685	8	11	3	3.117912553	0.0146045	DPY19L4	ENSG00000156162
8	95894652	95894959	95894805	11	15	7	2.078608368	0.038229	INTS8	ENSG00000164941
8	95905128	95905389	95905258	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	INTS8	ENSG00000164941
8	96030818	96031341	96031003	61	79	1	41.57216737	7.28E-24	TP53INP1	ENSG00000164938
8	96032568	96033266	96032716	9	27	11	2.425043097	0.00332497	TP53INP1	ENSG00000164938
8	96049542	96049743	96049604	8	9	3	2.598260461	0.0397929	TP53INP1	ENSG00000164938
8	96072341	96072956	96072713	21	36	12	2.958019601	0.000141555	C8orf38	ENSG00000156170
8	96086537	96086716	96086626	8	8	7	1.169217207	0.371848	C8orf38	ENSG00000156170
8	96106019	96106379	96106220	8	13	4	2.910051716	0.0125532	C8orf38	ENSG00000156170
8	96138381	96138598	96138455	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000200525
8	96148786	96149183	96149010	8	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000200525
8	96155901	96156169	96156001	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000200525

8	96167095	96167515	96167295	12	22	7	2.98799953	0.00188278		ENSG00000200525
8	96177546	96177927	96177724	14	18	5	3.291129917	0.00248584	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96177974	96178458	96178216	8	17	2	6.235825105	0.000146695	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96193987	96194679	96194288	19	39	20	1.979627018	0.00440536	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96194767	96195171	96194969	14	24	10	2.362054964	0.00608507	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96196186	96196453	96196319	9	9	2	3.464347281	0.0163838	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96214508	96215036	96214831	13	23	6	3.563328632	0.000497701	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96215953	96216291	96216122	9	14	9	1.558956276	0.132279	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96232057	96232402	96232225	10	14	3	3.897390691	0.00295882	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96253567	96253748	96253705	8	9	7	1.29913023	0.286504	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96274190	96274778	96274572	15	31	22	1.44598843	0.0857085	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96281552	96281732	96281670	8	8	4	1.870747532	0.118863	PLEKHF2	ENSG00000175895
8	96306757	96307349	96307093	37	61	9	6.443685942	1.30E-11	C8orf37	ENSG00000156172
8	96307596	96307775	96307682	8	8	5	1.558956276	0.191397	C8orf37	ENSG00000156172
8	96330178	96330468	96330345	8	11	5	2.078608368	0.0614303	C8orf37	ENSG00000156172
8	96350810	96351205	96351026	12	20	17	1.212521548	0.272468	C8orf37	ENSG00000156172
8	96351580	96351762	96351671	8	9	3	2.598260461	0.0397929	C8orf37	ENSG00000156172
8	96479666	96479877	96479821	9	10	1	5.716173013	0.00260397	C8orf37	ENSG00000156172
8	96854475	96854816	96854653	23	27	6	4.157216737	6.29E-05		ENSG00000223297
8	97174833	97175012	97174892	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000183663
8	97409312	97409631	97409462	10	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000199732
8	97414632	97414811	97414782	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000199732
8	97551352	97551593	97551504	8	10	6	1.63319229	0.146906	SDC2	ENSG00000169439
8	97591186	97591365	97591296	9	9	3	2.598260461	0.0397929	SDC2	ENSG00000169439
8	98025004	98025210	98025107	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000104324
8	98251663	98251938	98251800	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TSPYL5	ENSG00000180543
8	98252041	98252230	98252135	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TSPYL5	ENSG00000180543
8	98347636	98347815	98347759	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TSPYL5	ENSG00000180543
8	98500332	98500511	98500421	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000207215
8	98505498	98505706	98505602	12	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000207215
8	98520151	98520343	98520247	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000207215
8	98677294	98677501	98677407	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000213750
8	98921277	98921753	98921574	8	17	0	18.70747532	2.69E-06	MATN2	ENSG00000132561
8	99007276	99007529	99007443	8	10	4	2.286469205	0.0509017	MATN2	ENSG00000132561

8	99094904	99095083	99095014	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000207067
8	99126654	99127141	99126922	10	19	8	2.309564854	0.0138337	RPL30	ENSG00000156482
8	99166876	99167200	99167038	11	14	8	1.73217364	0.0890835	C8orf47	ENSG00000177459
8	99198410	99198841	99198625	8	17	6	2.672496474	0.00882337	HRSP12	ENSG00000132541
8	99241030	99241245	99241190	10	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000208954
8	99245222	99245403	99245312	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208954
8	99246075	99246303	99246154	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000208954
8	99298248	99298429	99298338	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208954
8	99321554	99321777	99321672	12	12	1	6.755477198	0.000722752	NPAL2	ENSG00000104361
8	99340992	99341301	99341131	13	16	6	2.524024447	0.0137633	NPAL2	ENSG00000104361
8	99863546	99863759	99863652	8	9	3	2.598260461	0.0397929	STK3	ENSG00000104375
8	99898878	99899168	99899023	15	15	9	1.662886695	0.0970566	STK3	ENSG00000104375
8	99907454	99907644	99907554	8	9	4	2.078608368	0.0785659	STK3	ENSG00000104375
8	99915220	99915399	99915309	8	8	3	2.338434415	0.0641221	STK3	ENSG00000104375
8	99922229	99922471	99922350	8	11	2	4.157216737	0.0052913	STK3	ENSG00000104375
8	99957057	99957288	99957191	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000213745
8	100036655	100036834	100036744	8	8	0	9.353737658	0.00163931	OSR2	ENSG00000164920
8	100047862	100048243	100048007	11	17	6	2.672496474	0.00882337	OSR2	ENSG00000164920
8	100094420	100094678	100094551	16	18	7	2.468347438	0.0112499	VPS13B	ENSG00000132549
8	100577135	100577470	100577302	17	18	23	0.822782479	0.740651		ENSG00000206699
8	100756444	100756642	100756509	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000220387
8	100787301	100787594	100787478	11	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000220387
8	100872501	100872803	100872652	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000220387
8	100885719	100886032	100885885	11	13	8	1.616695398	0.123553	COX6C	ENSG00000164919
8	100941243	100941518	100941399	10	13	13	1.039304184	0.45974	COX6C	ENSG00000164919
8	100974900	100975283	100975104	12	19	5	3.464347281	0.00150447	COX6C	ENSG00000164919
8	100986008	100986753	100986605	11	28	8	3.348869038	0.000246424	COX6C	ENSG00000164919
8	101003411	101003626	101003533	8	10	2	3.810782009	0.00936112	COX6C	ENSG00000164919
8	101088661	101088988	101088823	15	19	3	5.196520921	0.000174201		ENSG00000212414
8	101204646	101204969	101204793	10	14	8	1.73217364	0.0890835	RGS22	ENSG00000132554
8	101227292	101227477	101227454	9	10	5	1.905391004	0.0915982	FBXO43	ENSG00000156509
8	101231861	101232138	101231990	10	13	13	1.039304184	0.45974	POLR2K	ENSG00000147669
8	101239797	101240003	101239908	8	10	3	2.858086507	0.0242838	SPAG1	ENSG00000104450
8	101340400	101340611	101340485	11	12	6	1.930136342	0.071303	RNF19A	ENSG00000034677

8	101342202	101342381	101342291	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RNF19A	ENSG00000034677
8	101343527	101343890	101343748	8	13	3	3.637564645	0.0050909	RNF19A	ENSG00000034677
8	101362511	101362694	101362602	10	11	1	6.235825105	0.0013754	RNF19A	ENSG00000034677
8	101477320	101477614	101477444	12	13	3	3.637564645	0.0050909	RNF19A	ENSG00000034677
8	101495418	101495667	101495542	8	9	4	2.078608368	0.0785659	RNF19A	ENSG00000034677
8	101497340	101497595	101497488	10	11	1	6.235825105	0.0013754	RNF19A	ENSG00000034677
8	101526118	101526372	101526242	14	15	2	5.542955649	0.000497081	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101537063	101537301	101537150	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101545305	101545574	101545433	9	9	5	1.73217364	0.133894	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101553547	101554043	101553699	9	18	7	2.468347438	0.0112499	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101566385	101566592	101566483	9	10	0	11.43234603	0.000394183	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101569295	101569641	101569465	22	27	6	4.157216737	6.29E-05	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101591592	101591909	101591751	12	16	4	3.533634226	0.00276486	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101608337	101608584	101608480	8	10	4	2.286469205	0.0509017	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101624233	101624469	101624362	8	10	0	11.43234603	0.000394183	ANKRD46	ENSG00000186106
8	101707075	101707283	101707179	8	9	1	5.196520921	0.00490062	SNX31	ENSG00000174226
8	101723707	101724111	101723884	9	15	8	1.847651883	0.0631662	SNX31	ENSG00000174226
8	101748877	101749450	101749180	8	22	5	3.983999373	0.000317941		ENSG00000208885
8	101754913	101755312	101755055	14	22	2	7.967998746	6.43E-06		ENSG00000208885
8	101788278	101788526	101788366	9	9	3	2.598260461	0.0397929	PABPC1	ENSG00000070756
8	101801555	101801740	101801667	8	9	4	2.078608368	0.0785659	PABPC1	ENSG00000070756
8	101803254	101803440	101803395	8	10	2	3.810782009	0.00936112	PABPC1	ENSG00000070756
8	101803455	101803646	101803550	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PABPC1	ENSG00000070756
8	101803908	101804139	101804028	9	11	6	1.781664316	0.103344	PABPC1	ENSG00000070756
8	101827565	101828093	101827917	18	29	12	2.398394271	0.00272121		ENSG00000208882
8	101829406	101829829	101829585	10	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000202001
8	101843727	101843950	101843838	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000202001
8	101862285	101862506	101862403	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000202001
8	101879914	101880158	101880036	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000222795
8	101906088	101906275	101906114	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222795
8	101908328	101908622	101908448	11	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000222795
8	101928738	101928966	101928858	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000222795
8	101944080	101944263	101944162	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222795
8	101963462	101963775	101963621	8	12	1	6.755477198	0.000722752	RPS26P6	ENSG00000212994

8	101981727	101982087	101981962	8	13	1	7.27512929	0.000378098	RPS26P6	ENSG00000212994
8	102014350	102014570	102014457	10	10	3	2.858086507	0.0242838	YWHAZ	ENSG00000164924
8	102034240	102034829	102034534	11	21	8	2.540521339	0.00602138	YWHAZ	ENSG00000164924
8	102133307	102133548	102133471	10	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000202360
8	102135160	102135617	102135443	10	17	3	4.676868829	0.000552213		ENSG00000202360
8	102143571	102143815	102143728	12	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000202360
8	102159618	102159959	102159788	9	12	9	1.35109544	0.232899		ENSG00000202360
8	102160812	102161140	102160981	8	11	8	1.385738912	0.224757		ENSG00000202360
8	102162381	102162911	102162601	8	19	11	1.73217364	0.0607469		ENSG00000202360
8	102408411	102408639	102408539	8	10	8	1.27026067	0.293854		ENSG00000180230
8	102414238	102414602	102414417	10	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000180230
8	102442187	102442893	102442366	11	27	20	1.385738912	0.126232		ENSG00000180230
8	102443046	102443260	102443153	8	8	7	1.169217207	0.371848		ENSG00000180230
8	102450346	102450542	102450444	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000180230
8	102457358	102457748	102457569	9	17	11	1.558956276	0.111389		ENSG00000180230
8	102467390	102467642	102467516	10	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000208832
8	102491255	102491667	102491488	12	20	14	1.455025858	0.129498		ENSG00000222841
8	102518324	102519078	102518661	35	59	21	2.834465957	3.86E-06		ENSG00000222841
8	102519754	102520357	102520055	24	40	16	2.50655715	0.000378378		ENSG00000222841
8	102523125	102523315	102523220	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222841
8	102527693	102527989	102527841	10	13	6	2.078608368	0.0483393	GRHL2	ENSG00000083307
8	102532634	102532813	102532704	8	8	5	1.558956276	0.191397	GRHL2	ENSG00000083307
8	102533048	102533499	102533227	11	20	12	1.67887599	0.0659142	GRHL2	ENSG00000083307
8	102534088	102534353	102534174	9	12	7	1.688869299	0.11395	GRHL2	ENSG00000083307
8	102539154	102539363	102539288	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GRHL2	ENSG00000083307
8	102540741	102540933	102540787	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GRHL2	ENSG00000083307
8	102542296	102542526	102542411	9	10	10	1.039304184	0.464387	GRHL2	ENSG00000083307
8	102547988	102548848	102548333	14	41	10	3.96825234	2.40E-06	GRHL2	ENSG00000083307
8	102551695	102551946	102551827	8	12	2	4.503651465	0.002963	GRHL2	ENSG00000083307
8	102555521	102555941	102555740	27	37	4	7.8987118	1.45E-08	GRHL2	ENSG00000083307
8	102562884	102563140	102563012	8	11	6	1.781664316	0.103344	GRHL2	ENSG00000083307
8	102565597	102565820	102565708	8	8	1	4.676868829	0.0091584	GRHL2	ENSG00000083307
8	102566296	102566510	102566397	8	9	7	1.29913023	0.286504	GRHL2	ENSG00000083307
8	102570114	102570443	102570278	10	14	7	1.948695345	0.0559175	GRHL2	ENSG00000083307

8	102573469	102574277	102574117	27	57	24	2.411185707	5.55E-05	GRHL2	ENSG00000083307
8	102575438	102576048	102575746	9	24	13	1.855900329	0.0279411	GRHL2	ENSG00000083307
8	102579220	102579455	102579353	8	11	1	6.235825105	0.0013754	GRHL2	ENSG00000083307
8	102582833	102583114	102582996	8	11	5	2.078608368	0.0614303	GRHL2	ENSG00000083307
8	102586102	102586402	102586241	12	16	5	2.944695189	0.00659886	GRHL2	ENSG00000083307
8	102603216	102603437	102603326	13	14	8	1.73217364	0.0890835		ENSG00000208823
8	102684942	102685369	102685121	35	46	11	4.070608055	4.97E-07		ENSG00000222247
8	102689364	102690082	102689652	14	29	13	2.227080395	0.00479511		ENSG00000222247
8	102716687	102716935	102716816	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000222247
8	102717154	102717409	102717278	14	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000222247
8	102732323	102732502	102732412	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000222247
8	102752119	102752318	102752257	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000222247
8	102784051	102784249	102784164	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000222247
8	102820082	102820274	102820218	8	8	2	3.117912553	0.0283184	NCALD	ENSG00000104490
8	103034856	103035035	103034945	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000208818
8	103242448	103242703	103242575	10	10	1	5.716173013	0.00260397	NCALD	ENSG00000104490
8	103278879	103279178	103279028	13	16	10	1.606197376	0.104477	RRM2B	ENSG00000048392
8	103312636	103313051	103312931	12	17	5	3.117912553	0.00407023	RRM2B	ENSG00000048392
8	103318006	103318655	103318270	167	206	9	21.51359661	4.99E-52	RRM2B	ENSG00000048392
8	103318881	103319125	103318947	10	11	1	6.235825105	0.0013754	RRM2B	ENSG00000048392
8	103353912	103354120	103354016	8	8	4	1.870747532	0.118863	RRM2B	ENSG00000048392
8	103451168	103451433	103451294	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000208813
8	103464662	103464841	103464795	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000208813
8	103494280	103494540	103494416	9	13	7	1.818782322	0.0805123	UBR5	ENSG00000104517
8	103508420	103508857	103508590	17	25	1	13.5109544	1.28E-07		ENSG00000221387
8	103538216	103538489	103538352	8	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000214885
8	103658247	103658653	103658521	12	18	9	1.97467795	0.0349428	ODF1	ENSG00000155087
8	103666565	103666875	103666720	13	18	0	19.7467795	1.32E-06	ODF1	ENSG00000155087
8	103682018	103682616	103682427	15	37	15	2.468347438	0.000682071	ODF1	ENSG00000155087
8	103683888	103684108	103683998	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ODF1	ENSG00000155087
8	103698420	103698681	103698548	11	13	5	2.425043097	0.0262442	KLF10	ENSG00000155090
8	103735006	103735284	103735145	10	13	6	2.078608368	0.0483393	KLF10	ENSG00000155090
8	103736908	103737118	103736966	9	9	4	2.078608368	0.0785659	KLF10	ENSG00000155090
8	103740055	103740265	103740135	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KLF10	ENSG00000155090

8	103754261	103754496	103754378	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KLF10	ENSG00000155090
8	103799928	103800168	103800048	8	9	1	5.196520921	0.00490062	KLF10	ENSG00000155090
8	103821381	103821662	103821521	11	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000217620
8	103849687	103849885	103849781	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000217620
8	103887659	103887912	103887821	9	11	9	1.247165021	0.300052		ENSG00000217620
8	103888853	103889255	103889032	16	24	9	2.598260461	0.0032455		ENSG00000217620
8	103890400	103890880	103890702	18	27	7	3.637564645	0.000166657		ENSG00000217620
8	103892353	103892559	103892456	11	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000217620
8	103896018	103896447	103896193	13	20	7	2.728173484	0.00469378		ENSG00000217620
8	103945352	103945675	103945513	10	16	7	2.208521392	0.0257604	AZIN1	ENSG00000155096
8	104003339	104003575	104003457	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000201216
8	104042953	104043174	104043063	12	13	6	2.078608368	0.0483393		ENSG00000201216
8	104061620	104061810	104061715	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000201216
8	104151397	104151576	104151486	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000208794
8	104155371	104155696	104155533	13	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000208794
8	104201748	104202061	104201904	12	15	4	3.32577339	0.00462646	BAALC	ENSG00000164929
8	104217503	104217709	104217640	12	13	14	0.970017239	0.534076	BAALC	ENSG00000164929
8	104218584	104218785	104218684	8	10	3	2.858086507	0.0242838	BAALC	ENSG00000164929
8	104291855	104292124	104291989	23	26	3	7.015303244	2.63E-06	BAALC	ENSG00000164929
8	104363619	104363798	104363699	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000205066
8	104380720	104380899	104380797	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FZD6	ENSG00000164930
8	104430635	104430859	104430686	8	9	1	5.196520921	0.00490062	CTHRC1	ENSG00000164932
8	104435125	104435304	104435214	8	8	4	1.870747532	0.118863	CTHRC1	ENSG00000164932
8	104496485	104496908	104496720	10	18	12	1.518983039	0.117837	WDSOF1	ENSG00000164934
8	104543039	104543285	104543149	8	10	5	1.905391004	0.0915982	RIMS2	ENSG00000176406
8	104556942	104557121	104557071	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RIMS2	ENSG00000176406
8	104583085	104583327	104583206	9	9	9	1.039304184	0.466079	RIMS2	ENSG00000176406
8	104725503	104725682	104725606	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000208758
8	104876978	104877274	104877115	12	15	6	2.375552421	0.0212094	RIMS2	ENSG00000176406
8	105378785	105379023	105378940	8	10	3	2.858086507	0.0242838	TM7SF4	ENSG00000164935
8	105396110	105396319	105396262	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TM7SF4	ENSG00000164935
8	105461851	105462108	105461979	10	10	7	1.429043253	0.21536		ENSG00000220279
8	105499420	105499958	105499588	16	26	12	2.158554844	0.00861404		ENSG00000179577
8	105544755	105544962	105544858	9	9	8	1.154782427	0.375434	DPYS	ENSG00000147647

8	105653617	105653851	105653707	9	12	2	4.503651465	0.002963	LRP12	ENSG00000147650
8	105670644	105670907	105670775	11	11	1	6.235825105	0.0013754	LRP12	ENSG00000147650
8	105841009	105841382	105841183	9	16	6	2.524024447	0.0137633	LRP12	ENSG00000147650
8	105858357	105858657	105858503	8	8	9	0.935373766	0.560286	LRP12	ENSG00000147650
8	105874795	105875099	105874956	13	15	3	4.157216737	0.00170423	LRP12	ENSG00000147650
8	106852490	106852728	106852609	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ZFPM2	ENSG00000169946
8	107240458	107240637	107240547	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000213708
8	107241283	107241568	107241420	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000213708
8	107479423	107479602	107479469	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213708
8	107636650	107636880	107636765	8	10	0	11.43234603	0.000394183	OXR1	ENSG00000164830
8	107689771	107690497	107690119	63	95	9	9.977320169	1.49E-20	OXR1	ENSG00000164830
8	107738822	107739317	107739082	14	25	10	2.456537163	0.00405907	OXR1	ENSG00000164830
8	107739754	107740077	107739899	12	16	6	2.524024447	0.0137633	OXR1	ENSG00000164830
8	107844358	107844575	107844466	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ABRA	ENSG00000174429
8	107937974	107938190	107938078	8	9	5	1.73217364	0.133894	ABRA	ENSG00000174429
8	108608375	108608567	108608471	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ANGPT1	ENSG00000154188
8	108761383	108761625	108761504	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ANGPT1	ENSG00000154188
8	108837837	108838116	108837976	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000200806
8	108920198	108920458	108920337	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000200806
8	109111723	109111902	109111812	8	8	5	1.558956276	0.191397	RSPO2	ENSG00000147655
8	109127494	109127705	109127599	11	12	1	6.755477198	0.000722752	RSPO2	ENSG00000147655
8	109166225	109166423	109166324	9	9	1	5.196520921	0.00490062	RSPO2	ENSG00000147655
8	109280738	109280937	109280837	8	9	4	2.078608368	0.0785659	EIF3E	ENSG00000104408
8	109281235	109281422	109281328	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EIF3E	ENSG00000104408
8	109302966	109303146	109303089	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EIF3E	ENSG00000104408
8	109329881	109330216	109330048	16	22	4	4.780799247	0.00010647	EIF3E	ENSG00000104408
8	109348572	109348801	109348686	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EIF3E	ENSG00000104408
8	109653829	109654312	109654102	13	22	4	4.780799247	0.00010647	TTC35	ENSG00000104412
8	109769761	109769979	109769848	8	8	5	1.558956276	0.191397	TMEM74	ENSG00000164841
8	109776962	109777378	109777260	9	16	5	2.944695189	0.00659886	TMEM74	ENSG00000164841
8	109999811	110000143	109999977	14	17	7	2.338434415	0.0171287	TMEM74	ENSG00000164841
8	110211257	110211500	110211365	8	9	6	1.484720263	0.204387	TRHR	ENSG00000174417
8	110264408	110264732	110264579	8	11	5	2.078608368	0.0614303	TRHR	ENSG00000174417
8	110341032	110341339	110341191	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NUDCD1	ENSG00000120526

8	110415412	110415992	110415584	16	32	19	1.714851904	0.0256863	NUDCD1	ENSG00000120526
8	110607845	110608024	110607925	8	9	1	5.196520921	0.00490062	EBAG9	ENSG00000147654
8	110620677	110621110	110620844	10	17	7	2.338434415	0.0171287	EBAG9	ENSG00000147654
8	110621330	110621820	110621641	12	23	10	2.267572766	0.00903625	EBAG9	ENSG00000147654
8	110657368	110657648	110657508	8	12	4	2.702190879	0.0203088	EBAG9	ENSG00000147654
8	110658669	110658865	110658787	8	8	6	1.336248237	0.277651	EBAG9	ENSG00000147654
8	110666069	110666483	110666317	9	17	7	2.338434415	0.0171287	EBAG9	ENSG00000147654
8	110667422	110667601	110667511	8	8	2	3.117912553	0.0283184	EBAG9	ENSG00000147654
8	110686356	110686535	110686445	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000147642
8	110771664	110772012	110771838	12	16	6	2.524024447	0.0137633		ENSG00000147642
8	111575139	111575364	111575251	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000208705
8	112302669	112302848	112302758	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000208693
8	112343949	112344128	112344085	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000208693
8	112969502	112969681	112969591	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000222146
8	113045843	113046022	113045924	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000222146
8	113831947	113832198	113832074	15	16	0	17.66817113	5.48E-06		ENSG00000208686
8	113882673	113882852	113882762	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208686
8	114928318	114928582	114928450	11	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000206719
8	115535981	115536214	115536096	8	8	2	3.117912553	0.0283184		
8	116192851	116193176	116193011	19	22	1	11.95199812	9.69E-07		
8	116244758	116244937	116244847	8	8	1	4.676868829	0.0091584		
8	116652237	116652420	116652328	8	8	2	3.117912553	0.0283184	TRPS1	ENSG00000104447
8	116748901	116749092	116749020	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TRPS1	ENSG00000104447
8	116750188	116750423	116750331	10	11	1	6.235825105	0.0013754	TRPS1	ENSG00000104447
8	116919620	116920143	116919923	27	40	7	5.326433944	1.59E-07	TRPS1	ENSG00000104447
8	116948729	116948917	116948823	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000199450
8	116949033	116949269	116949145	11	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000199450
8	117020241	117020725	117020451	8	17	16	1.100439724	0.388093		ENSG00000199450
8	117030836	117031027	117030944	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000199450
8	117069235	117069600	117069421	11	17	13	1.336248237	0.204556		ENSG00000199450
8	117079839	117080068	117079948	11	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000199450
8	117308660	117308863	117308773	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221793
8	117433082	117433289	117433185	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221793
8	117487501	117487704	117487600	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221793

8	117509062	117509247	117509154	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000221793
8	117553212	117553466	117553339	9	9	7	1.29913023	0.286504	EIF3H	ENSG00000147677
8	117584333	117584606	117584469	10	12	7	1.688869299	0.11395	EIF3H	ENSG00000147677
8	117866309	117866696	117866575	11	18	1	9.87338975	1.41E-05	UTP23	ENSG00000147679
8	117881707	117882165	117881986	13	23	5	4.157216737	0.000186738	UTP23	ENSG00000147679
8	117919386	117919583	117919484	8	9	1	5.196520921	0.00490062	RAD21	ENSG00000164754
8	117968717	117969038	117968878	9	13	3	3.637564645	0.0050909	RAD21	ENSG00000164754
8	117972771	117972964	117972867	8	8	2	3.117912553	0.0283184	RAD21	ENSG00000164754
8	118215219	118215488	118215352	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000208663
8	118257559	118257757	118257658	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000208663
8	118697823	118698112	118697970	8	12	2	4.503651465	0.002963	MED30	ENSG00000164758
8	118803952	118804168	118804062	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	MED30	ENSG00000164758
8	119170171	119170425	119170299	9	11	4	2.494330042	0.0324033	EXT1	ENSG00000182197
8	119546070	119546249	119546186	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SAMD12	ENSG00000177570
8	119612259	119612508	119612391	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SAMD12	ENSG00000177570
8	119702227	119702453	119702405	9	11	8	1.385738912	0.224757	SAMD12	ENSG00000177570
8	119931397	119931769	119931590	28	35	4	7.482990127	4.95E-08	TNFRSF11B	ENSG00000164761
8	119943697	119943967	119943843	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	TNFRSF11B	ENSG00000164761
8	120022695	120022884	120022789	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TNFRSF11B	ENSG00000164761
8	120282235	120282475	120282355	9	10	3	2.858086507	0.0242838	MAL2	ENSG00000147676
8	120307814	120308102	120307964	11	12	4	2.702190879	0.0203088	MAL2	ENSG00000147676
8	120309126	120309374	120309226	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MAL2	ENSG00000147676
8	120591172	120591365	120591268	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000213690
8	120702174	120702576	120702397	13	20	2	7.27512929	2.27E-05	ENPP2	ENSG00000136960
8	120722946	120723137	120723075	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENPP2	ENSG00000136960
8	120914042	120914295	120914169	8	11	3	3.117912553	0.0146045	TAF2	ENSG00000064313
8	120937566	120937818	120937689	11	12	10	1.228268581	0.305344	DSCC1	ENSG00000136982
8	121064244	121064631	121064459	13	20	3	5.456346967	9.70E-05		ENSG00000202356
8	121512938	121513143	121513001	9	11	3	3.117912553	0.0146045	MRPL13	ENSG00000172172
8	121519392	121519651	121519521	10	10	1	5.716173013	0.00260397	MRPL13	ENSG00000172172
8	121526521	121526740	121526606	9	10	5	1.905391004	0.0915982	MRPL13	ENSG00000172172
8	121643139	121643363	121643251	8	9	4	2.078608368	0.0785659	MTBP	ENSG00000172167
8	121657114	121657335	121657224	8	8	6	1.336248237	0.277651	MTBP	ENSG00000172167
8	121713611	121713793	121713652	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SNTB1	ENSG00000172164

8	121784200	121784414	121784307	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SNTB1	ENSG00000172164
8	121799885	121800071	121799971	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SNTB1	ENSG00000172164
8	121826650	121826829	121826743	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SNTB1	ENSG00000172164
8	121984064	121984258	121984235	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SNTB1	ENSG00000172164
8	122018081	122018575	122018326	37	54	5	9.526955022	1.95E-12	SNTB1	ENSG00000172164
8	122020433	122020860	122020681	12	20	9	2.182538787	0.0165356	SNTB1	ENSG00000172164
8	122032585	122032913	122032749	12	17	3	4.676868829	0.000552213	SNTB1	ENSG00000172164
8	122068987	122069237	122069112	8	11	6	1.781664316	0.103344	SNTB1	ENSG00000172164
8	122211217	122211396	122211303	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221644
8	122226894	122227569	122227057	12	26	9	2.806121297	0.00135991		ENSG00000221644
8	122232373	122232716	122232566	20	25	13	1.930136342	0.0200308		ENSG00000221644
8	122235853	122236255	122236000	9	16	7	2.208521392	0.0257604		ENSG00000221644
8	122245131	122245316	122245255	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221644
8	122246565	122247090	122246827	12	23	10	2.267572766	0.00903625		ENSG00000221644
8	122254579	122254759	122254669	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000221644
8	122279683	122279877	122279743	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221644
8	122289542	122289746	122289644	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221644
8	122322084	122322353	122322218	8	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000221644
8	122342433	122342701	122342567	11	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000221644
8	122508458	122508642	122508550	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000222786
8	122513714	122514039	122513878	8	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000222786
8	122536226	122536408	122536317	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222786
8	122553274	122553453	122553363	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000222786
8	122612904	122613162	122613006	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000222786
8	122723762	122723951	122723856	8	9	5	1.73217364	0.133894	HAS2	ENSG00000170961
8	122752267	122752466	122752366	9	9	3	2.598260461	0.0397929	HAS2	ENSG00000170961
8	122820194	122820428	122820264	9	10	1	5.716173013	0.00260397	HAS2	ENSG00000170961
8	122823178	122823487	122823327	9	12	13	0.965068171	0.538344	HAS2	ENSG00000170961
8	122852648	122852861	122852718	8	9	1	5.196520921	0.00490062	HAS2	ENSG00000170961
8	122857700	122858082	122857916	8	13	9	1.455025858	0.177172	HAS2	ENSG00000170961
8	122867781	122867967	122867831	9	9	3	2.598260461	0.0397929	HAS2	ENSG00000170961
8	122899040	122899294	122899215	8	10	1	5.716173013	0.00260397	HAS2	ENSG00000170961
8	123210789	123211024	123210906	10	10	0	11.43234603	0.000394183	HAS2	ENSG00000170961
8	123221313	123221504	123221408	9	9	8	1.154782427	0.375434	HAS2	ENSG00000170961

8	123383122	123383319	123383263	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000208620
8	123420458	123420946	123420732	15	26	2	9.353737658	4.98E-07		ENSG00000208620
8	123461009	123461232	123461120	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000208620
8	123548567	123548774	123548701	8	8	8	1.039304184	0.46786		ENSG00000208620
8	123579949	123580194	123580037	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208620
8	123592391	123592618	123592504	9	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000208620
8	123720578	123720833	123720725	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000208620
8	123725127	123725314	123725220	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000208620
8	123736538	123736822	123736675	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208620
8	123762322	123762501	123762411	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000208620
8	123765106	123765495	123765285	9	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000208620
8	123811007	123811186	123811096	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000217845
8	123834046	123834225	123834135	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000217845
8	123837320	123837499	123837398	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000217845
8	123860304	123860483	123860393	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ZHX2	ENSG00000178764
8	123861569	123861942	123861763	9	16	10	1.606197376	0.104477	ZHX2	ENSG00000178764
8	123862583	123863005	123862807	9	17	8	2.078608368	0.0303558	ZHX2	ENSG00000178764
8	123867151	123867752	123867357	27	46	21	2.220331666	0.000637679	ZHX2	ENSG00000178764
8	123867768	123867970	123867860	10	10	7	1.429043253	0.21536	ZHX2	ENSG00000178764
8	123871763	123871942	123871852	8	8	4	1.870747532	0.118863	ZHX2	ENSG00000178764
8	123887179	123887363	123887290	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZHX2	ENSG00000178764
8	123896608	123896816	123896712	9	9	6	1.484720263	0.204387		ENSG00000221542
8	123922606	123922797	123922640	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221542
8	123925431	123925632	123925532	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000221542
8	123944680	123944898	123944850	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221542
8	123946185	123946461	123946323	9	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000221542
8	123947724	123947903	123947785	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000221542
8	123965744	123965939	123965804	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000221542
8	123990904	123991121	123991046	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000221542
8	123991128	123991374	123991205	12	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000221542
8	124123274	124123454	124123339	8	8	7	1.169217207	0.371848	DERL1	ENSG00000136986
8	124123732	124124251	124124048	12	27	16	1.711795127	0.0365811	DERL1	ENSG00000136986
8	124153648	124154127	124153827	14	23	8	2.771477825	0.00251818	WDR67	ENSG00000156787
8	124154312	124154520	124154375	8	10	7	1.429043253	0.21536	WDR67	ENSG00000156787

8	124177931	124178202	124178040	10	12	3	3.377738599	0.00867157	WDR67	ENSG00000156787
8	124238429	124238956	124238777	22	39	18	2.188008809	0.00169081		ENSG00000208612
8	124249043	124249323	124249174	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000208612
8	124263677	124264095	124263916	11	20	12	1.67887599	0.0659142	FAM83A	ENSG00000147689
8	124302215	124302457	124302336	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000204949
8	124321876	124322406	124322189	9	20	10	1.98412617	0.0277883	C8orf76	ENSG00000189376
8	124354506	124354685	124354595	10	10	7	1.429043253	0.21536	ZHX1	ENSG00000165156
8	124476986	124477394	124477165	8	15	9	1.662886695	0.0970566	ATAD2	ENSG00000156802
8	124477901	124478441	124478068	16	30	15	2.013651857	0.00918451	ATAD2	ENSG00000156802
8	124497652	124497962	124497807	9	13	7	1.818782322	0.0805123	WDYHV1	ENSG00000156795
8	124524762	124524978	124524870	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222694
8	124535264	124535450	124535371	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000222694
8	124571502	124571759	124571581	9	11	4	2.494330042	0.0324033		ENSG00000222694
8	124574872	124575069	124574970	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000222694
8	124642267	124642548	124642407	9	12	2	4.503651465	0.002963	FBXO32	ENSG00000156804
8	124642648	124642854	124642751	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FBXO32	ENSG00000156804
8	124645409	124645847	124645610	18	27	24	1.164020686	0.289415		ENSG00000208595
8	124646590	124646773	124646711	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000208595
8	124693730	124694343	124693963	135	175	2	60.97251214	1.41E-51		ENSG00000208595
8	124714008	124714234	124714182	8	11	5	2.078608368	0.0614303	KLHL38	ENSG00000175946
8	124737486	124737680	124737590	9	9	1	5.196520921	0.00490062	KLHL38	ENSG00000175946
8	124771919	124772098	124772008	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ANXA13	ENSG00000104537
8	124801529	124801871	124801700	23	26	4	5.612242595	1.08E-05	ANXA13	ENSG00000104537
8	124844949	124845172	124845060	9	10	8	1.27026067	0.293854	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124847726	124847995	124847823	8	12	13	0.965068171	0.538344	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124848985	124849559	124849390	9	21	14	1.524312804	0.0996258	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124849796	124850027	124849911	9	10	4	2.286469205	0.0509017	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124876069	124876271	124876170	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124909344	124909527	124909435	8	8	3	2.338434415	0.0641221	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124925897	124926785	124926389	366	441	3	114.8431124	3.14E-131	FAM91A1	ENSG00000176853
8	124979260	124979462	124979368	9	9	1	5.196520921	0.00490062	FER1L6	ENSG00000214814
8	125008455	125008642	125008547	8	9	5	1.73217364	0.133894	FER1L6	ENSG00000214814
8	125034912	125035114	125035024	8	10	5	1.905391004	0.0915982	FER1L6	ENSG00000214814
8	125088178	125088392	125088247	9	10	4	2.286469205	0.0509017	C8orf54	ENSG00000181171

8	125097251	125097478	125097425	9	10	0	11.43234603	0.000394183	C8orf54	ENSG00000181171
8	125186354	125186598	125186481	9	9	4	2.078608368	0.0785659	C8orf54	ENSG00000181171
8	125219605	125219981	125219781	23	29	9	3.117912553	0.000347956	C8orf54	ENSG00000181171
8	125247366	125247681	125247526	11	13	9	1.455025858	0.177172		ENSG00000214803
8	125261749	125262173	125262007	16	24	6	3.711800658	0.000299603		ENSG00000214803
8	125262469	125262672	125262537	9	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000214803
8	125272829	125273014	125272921	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214803
8	125281485	125282278	125281689	20	50	19	2.65022567	4.34E-05		ENSG00000214803
8	125286938	125287128	125286986	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000214803
8	125330175	125330392	125330247	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000214803
8	125452911	125453095	125453003	8	9	1	5.196520921	0.00490062	TMEM65	ENSG00000164983
8	125507428	125507715	125507567	14	16	7	2.208521392	0.0257604	TRMT12	ENSG00000183665
8	125529417	125529659	125529538	9	9	2	3.464347281	0.0163838	TRMT12	ENSG00000183665
8	125532001	125532477	125532161	11	22	16	1.406117426	0.139742	TRMT12	ENSG00000183665
8	125555643	125556357	125555948	12	27	15	1.818782322	0.0247174	RNF139	ENSG00000170881
8	125556602	125556886	125556724	11	14	7	1.948695345	0.0559175	RNF139	ENSG00000170881
8	125556965	125557260	125557113	9	14	6	2.227080395	0.0322529	RNF139	ENSG00000170881
8	125557503	125557718	125557604	9	9	9	1.039304184	0.466079	RNF139	ENSG00000170881
8	125572643	125573089	125572822	16	26	23	1.169217207	0.28753	RNF139	ENSG00000170881
8	125593966	125594184	125594075	8	8	4	1.870747532	0.118863	TATDN1	ENSG00000147687
8	125619823	125620759	125620439	15	51	18	2.844411452	1.47E-05	TATDN1	ENSG00000147687
8	125622047	125622314	125622188	9	9	1	5.196520921	0.00490062	NDUFB9	ENSG00000147684
8	125631828	125632115	125631997	10	14	7	1.948695345	0.0559175	NDUFB9	ENSG00000147684
8	125674473	125674684	125674578	8	10	7	1.429043253	0.21536	MTSS1	ENSG00000170873
8	125736806	125737022	125736911	9	9	6	1.484720263	0.204387	MTSS1	ENSG00000170873
8	125760678	125760917	125760797	11	14	5	2.598260461	0.0167748	MTSS1	ENSG00000170873
8	125808281	125808559	125808458	9	12	2	4.503651465	0.002963	MTSS1	ENSG00000170873
8	125820131	125820333	125820250	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MTSS1	ENSG00000170873
8	125820967	125821152	125821092	10	11	3	3.117912553	0.0146045	MTSS1	ENSG00000170873
8	125912937	125913116	125913046	8	8	2	3.117912553	0.0283184	MTSS1	ENSG00000170873
8	125938125	125938648	125938370	12	25	4	5.404381758	1.92E-05	ZNF572	ENSG00000180938
8	125939537	125939788	125939662	8	8	6	1.336248237	0.277651	ZNF572	ENSG00000180938
8	126005650	126005911	126005780	10	11	3	3.117912553	0.0146045	ZNF572	ENSG00000180938
8	126074377	126074633	126074505	10	11	2	4.157216737	0.0052913	SQLE	ENSG00000104549

8	126079214	126079630	126079451	9	19	7	2.598260461	0.00730518	SQLE	ENSG00000104549
8	126082753	126083044	126082922	8	10	7	1.429043253	0.21536	SQLE	ENSG00000104549
8	126091520	126091715	126091617	9	9	1	5.196520921	0.00490062	SQLE	ENSG00000104549
8	126103631	126103845	126103700	8	9	4	2.078608368	0.0785659	SQLE	ENSG00000104549
8	126142716	126142952	126142834	8	10	3	2.858086507	0.0242838	KIAA0196	ENSG00000164961
8	126151585	126151829	126151712	9	11	3	3.117912553	0.0146045	KIAA0196	ENSG00000164961
8	126151911	126152199	126152025	8	12	6	1.930136342	0.071303	KIAA0196	ENSG00000164961
8	126152610	126152801	126152705	9	10	6	1.63319229	0.146906	KIAA0196	ENSG00000164961
8	126173154	126173391	126173322	10	12	6	1.930136342	0.071303	NSMCE2	ENSG00000156831
8	126191811	126192100	126191946	8	10	5	1.905391004	0.0915982	NSMCE2	ENSG00000156831
8	126199888	126200093	126199990	8	9	5	1.73217364	0.133894	NSMCE2	ENSG00000156831
8	126269775	126269972	126269873	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000222813
8	126270040	126270260	126270150	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000222813
8	126270695	126271075	126270872	55	64	3	16.88869299	5.30E-17		ENSG00000222813
8	126309929	126310145	126310037	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000222813
8	126329566	126329807	126329686	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000222813
8	126334611	126334970	126334855	8	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000222813
8	126370762	126371019	126370890	15	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000222813
8	126508615	126508801	126508705	10	10	3	2.858086507	0.0242838	TRIB1	ENSG00000173334
8	126511515	126511901	126511722	21	32	9	3.429703808	8.38E-05	TRIB1	ENSG00000173334
8	126513199	126513738	126513581	15	26	6	4.008744711	0.000106454	TRIB1	ENSG00000173334
8	126528197	126528429	126528279	9	10	1	5.716173013	0.00260397	TRIB1	ENSG00000173334
8	126533453	126533883	126533632	13	22	9	2.390399624	0.00747467	TRIB1	ENSG00000173334
8	126547242	126547428	126547400	8	8	9	0.935373766	0.560286	TRIB1	ENSG00000173334
8	126576709	126576945	126576827	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TRIB1	ENSG00000173334
8	126628755	126629219	126628898	9	18	8	2.194086611	0.0206188	TRIB1	ENSG00000173334
8	126641628	126641893	126641753	8	8	4	1.870747532	0.118863	TRIB1	ENSG00000173334
8	126657128	126657430	126657261	9	12	5	2.251825733	0.0404733	TRIB1	ENSG00000173334
8	126695853	126696037	126695991	8	10	2	3.810782009	0.00936112	TRIB1	ENSG00000173334
8	126712906	126713184	126713036	10	12	2	4.503651465	0.002963	TRIB1	ENSG00000173334
8	126717990	126718178	126718058	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TRIB1	ENSG00000173334
8	126725929	126726290	126726108	14	21	12	1.758822466	0.048324	TRIB1	ENSG00000173334
8	126735428	126735607	126735493	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TRIB1	ENSG00000173334
8	126745929	126746202	126746065	12	15	5	2.771477825	0.0105836	TRIB1	ENSG00000173334

8	126767625	126767889	126767736	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000206695
8	126787616	126787916	126787766	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000206695
8	126919891	126920170	126920022	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000206695
8	126963127	126963330	126963302	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000206695
8	126998665	126998853	126998702	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000206695
8	127012218	127012442	127012330	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000206695
8	127260984	127261240	127261111	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000221706
8	127382377	127382647	127382512	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000221706
8	127458155	127458334	127458295	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000207138
8	127465120	127465380	127465238	9	11	10	1.133786383	0.380636		ENSG00000207138
8	127533519	127533842	127533680	19	22	6	3.414856605	0.000820885		ENSG00000207138
8	127582702	127582947	127582824	8	9	8	1.154782427	0.375434		ENSG00000207138
8	127591735	127592034	127591868	12	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000207138
8	127603074	127603285	127603221	11	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000207138
8	127638994	127639913	127639337	18	51	23	2.251825733	0.000296805	FAM84B	ENSG00000168672
8	127640046	127640356	127640199	11	14	10	1.417232979	0.185113	FAM84B	ENSG00000168672
8	127640428	127640637	127640584	8	9	10	0.944821986	0.553851	FAM84B	ENSG00000168672
8	127645771	127646140	127645961	15	21	11	1.905391004	0.031399	FAM84B	ENSG00000168672
8	127646146	127646325	127646264	8	8	6	1.336248237	0.277651	FAM84B	ENSG00000168672
8	127647791	127647970	127647857	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FAM84B	ENSG00000168672
8	127651900	127652319	127652216	14	22	7	2.98799953	0.00188278	FAM84B	ENSG00000168672
8	127652835	127653311	127652994	14	28	13	2.152844382	0.00695052	FAM84B	ENSG00000168672
8	127653313	127653539	127653426	10	13	4	2.910051716	0.0125532	FAM84B	ENSG00000168672
8	127661135	127662041	127661607	192	264	12	21.18581606	1.04E-65	FAM84B	ENSG00000168672
8	127666224	127666416	127666338	9	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM84B	ENSG00000168672
8	127680276	127680455	127680365	8	8	0	9.353737658	0.00163931	FAM84B	ENSG00000168672
8	127690863	127691286	127691009	10	18	11	1.645564958	0.0828462	FAM84B	ENSG00000168672
8	127780477	127780660	127780495	8	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000212451
8	127792946	127793125	127793081	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000212451
8	127812079	127812361	127812205	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000212451
8	127891398	127891577	127891491	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000212451
8	127958107	127958469	127958290	18	25	3	6.755477198	4.84E-06		ENSG00000212451
8	128120174	128120397	128120263	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212451
8	128282026	128282229	128282184	8	9	0	10.39304184	0.000803859	POU5F1P1	ENSG00000212993

8	128288425	128288765	128288590	13	18	6	2.8209685	0.00559354	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128295835	128296293	128295992	8	15	10	1.511715177	0.140236	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128296410	128296957	128296589	10	24	13	1.855900329	0.0279411	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128297639	128297935	128297794	13	16	1	8.834085566	5.30E-05	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128307088	128307365	128307226	10	11	7	1.558956276	0.158273	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128350303	128350553	128350414	14	17	1	9.353737658	2.73E-05	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128352464	128352707	128352550	9	12	9	1.35109544	0.232899	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128410276	128410562	128410411	8	10	6	1.63319229	0.146906	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128413237	128413555	128413413	10	13	6	2.078608368	0.0483393	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128423578	128423766	128423696	8	9	3	2.598260461	0.0397929	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128439045	128439224	128439134	8	8	3	2.338434415	0.0641221	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128459420	128459658	128459539	9	10	4	2.286469205	0.0509017	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128479385	128479656	128479561	8	12	4	2.702190879	0.0203088	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128485138	128485473	128485297	9	14	7	1.948695345	0.0559175	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128490965	128491191	128491111	8	9	4	2.078608368	0.0785659	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128530981	128531160	128531073	8	8	5	1.558956276	0.191397	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128634016	128634506	128634187	11	21	11	1.905391004	0.031399	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128654786	128655027	128654920	10	10	7	1.429043253	0.21536	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128655050	128655286	128655177	9	11	2	4.157216737	0.0052913	POU5F1P1	ENSG00000212993
8	128701701	128701911	128701840	9	12	2	4.503651465	0.002963	MYC	ENSG00000136997
8	128707034	128707247	128707176	8	9	3	2.598260461	0.0397929	MYC	ENSG00000136997
8	128724192	128724490	128724341	10	13	5	2.425043097	0.0262442	MYC	ENSG00000136997
8	128742805	128743049	128742921	8	8	5	1.558956276	0.191397	MYC	ENSG00000136997
8	128748861	128749087	128748974	8	8	6	1.336248237	0.277651	MYC	ENSG00000136997
8	128749878	128750144	128750030	10	13	16	0.855897563	0.670115	MYC	ENSG00000136997
8	128750146	128750821	128750504	15	38	24	1.621314527	0.0273137	MYC	ENSG00000136997
8	128794660	128794919	128794825	10	10	7	1.429043253	0.21536	MYC	ENSG00000136997
8	128808701	128808966	128808847	9	12	2	4.503651465	0.002963	MYC	ENSG00000136997
8	128815385	128815937	128815574	18	38	21	1.842402872	0.00924621	MYC	ENSG00000136997
8	128816099	128816665	128816278	10	25	7	3.377738599	0.000449165	MYC	ENSG00000136997
8	128817121	128817342	128817193	10	11	9	1.247165021	0.300052	MYC	ENSG00000136997
8	128817399	128817580	128817527	8	9	5	1.73217364	0.133894	MYC	ENSG00000136997
8	128819286	128819913	128819564	11	27	10	2.64550156	0.00175911	MYC	ENSG00000136997
8	128828426	128828698	128828551	9	10	9	1.143234603	0.378307	MYC	ENSG00000136997

8	128833199	128833453	128833326	9	12	10	1.228268581	0.305344	MYC	ENSG00000136997
8	128849153	128849347	128849261	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000214789
8	128864035	128864339	128864119	13	17	8	2.078608368	0.0303558		ENSG00000214789
8	128875359	128875585	128875509	9	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000214789
8	128876090	128876347	128876218	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000214789
8	128876426	128877671	128877204	406	628	23	27.2384305	5.79E-160		ENSG00000221315
8	128877753	128878025	128877889	11	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000221315
8	128882032	128882437	128882258	21	29	14	2.078608368	0.00804141		ENSG00000221315
8	128884025	128884259	128884114	12	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000221315
8	128890830	128891103	128890966	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000221315
8	128891127	128891392	128891283	9	11	7	1.558956276	0.158273		ENSG00000221315
8	128901303	128901602	128901452	8	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000221315
8	128901609	128901909	128901754	9	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000221315
8	128922215	128922404	128922329	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221315
8	128930768	128931002	128930885	13	14	16	0.917033104	0.598778		ENSG00000221315
8	128933529	128933832	128933671	12	15	10	1.511715177	0.140236		ENSG00000221315
8	128935764	128936025	128935913	9	12	6	1.930136342	0.071303		ENSG00000221315
8	128940834	128941073	128940905	8	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000221315
8	128941105	128941709	128941530	19	36	16	2.262014989	0.00177076		ENSG00000221315
8	128944969	128945228	128945098	8	10	5	1.905391004	0.0915982		ENSG00000221315
8	128945453	128945959	128945780	10	18	11	1.645564958	0.0828462		ENSG00000221315
8	128946445	128946774	128946609	9	14	11	1.29913023	0.246308		ENSG00000221315
8	128947304	128947608	128947464	11	14	11	1.29913023	0.246308		ENSG00000221315
8	128948120	128948508	128948329	8	15	8	1.847651883	0.0631662		ENSG00000221315
8	128949210	128949509	128949360	10	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000221315
8	128951847	128952299	128952026	14	24	12	1.998661893	0.0177296		ENSG00000221315
8	128980507	128980739	128980622	8	12	5	2.251825733	0.0404733	TMEM75	ENSG00000184090
8	128986484	128986676	128986580	8	9	2	3.464347281	0.0163838	TMEM75	ENSG00000184090
8	129018066	129018253	129018159	9	9	3	2.598260461	0.0397929	TMEM75	ENSG00000184090
8	129031029	129031274	129031151	8	10	0	11.43234603	0.000394183	TMEM75	ENSG00000184090
8	129033596	129034072	129033746	14	25	12	2.078608368	0.0124196	TMEM75	ENSG00000184090
8	129042008	129042355	129042181	8	12	7	1.688869299	0.11395		ENSG00000221771
8	129066987	129067271	129067140	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000207110
8	129067523	129067736	129067649	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000207110

8	129069659	129069904	129069758	9	12	2	4.503651465	0.002963	ENSG00000207110
8	129083998	129084258	129084132	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ENSG00000207110
8	129091332	129091789	129091658	8	15	8	1.847651883	0.0631662	ENSG00000222501
8	129092150	129092349	129092249	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000222501
8	129094042	129094363	129094202	11	16	6	2.524024447	0.0137633	ENSG00000222501
8	129096280	129096459	129096367	8	8	12	0.719518281	0.783103	ENSG00000222501
8	129107026	129107380	129107203	9	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000222501
8	129114462	129114778	129114620	14	20	4	4.365077574	0.000324139	ENSG00000221176
8	129116718	129116915	129116817	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000221176
8	129119089	129119296	129119192	9	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000221176
8	129120193	129120440	129120312	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000221176
8	129123463	129123691	129123638	11	13	11	1.212521548	0.309909	ENSG00000221176
8	129129593	129129778	129129689	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000221176
8	129138485	129138907	129138729	12	19	13	1.484720263	0.123861	ENSG00000221176
8	129144249	129144445	129144312	9	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000221176
8	129146190	129146619	129146369	8	16	9	1.766817113	0.0700694	ENSG00000221176
8	129148200	129148379	129148328	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000221176
8	129159103	129159369	129159201	9	11	0	12.47165021	0.000193293	ENSG00000221176
8	129164210	129164391	129164300	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000221176
8	129168208	129168590	129168371	9	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000221176
8	129169996	129170427	129170160	13	23	18	1.312805285	0.185024	ENSG00000221176
8	129174429	129174658	129174543	10	10	10	1.039304184	0.464387	ENSG00000221176
8	129175993	129176258	129176125	13	16	10	1.606197376	0.104477	ENSG00000221176
8	129185058	129185240	129185149	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000221261
8	129190372	129190567	129190503	8	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000221261
8	129192375	129192654	129192529	10	13	7	1.818782322	0.0805123	ENSG00000221261
8	129195405	129195641	129195523	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ENSG00000221261
8	129203596	129203926	129203761	12	14	5	2.598260461	0.0167748	ENSG00000221261
8	129204400	129204812	129204636	11	18	4	3.9493559	0.000961379	ENSG00000221261
8	129205359	129205636	129205497	9	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000221261
8	129205753	129206145	129205966	8	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000221261
8	129208684	129209182	129208863	14	26	23	1.169217207	0.28753	ENSG00000221261
8	129219048	129219553	129219227	12	22	13	1.707428303	0.0525925	ENSG00000221261
8	129220521	129221767	129221461	21	69	45	1.581549846	0.00712162	ENSG00000221261

8	129222800	129224107	129223495	80	170	45	3.863500337	7.23E-20	ENSG00000221261
8	129224718	129224931	129224833	8	9	12	0.799464757	0.707717	ENSG00000221261
8	129226300	129226650	129226475	10	15	10	1.511715177	0.140236	ENSG00000221261
8	129228798	129229044	129228947	8	11	10	1.133786383	0.380636	ENSG00000221261
8	129229823	129230123	129229954	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000221261
8	129230429	129230848	129230669	10	17	7	2.338434415	0.0171287	ENSG00000221261
8	129231794	129232068	129231948	8	11	8	1.385738912	0.224757	ENSG00000221261
8	129232194	129232495	129232337	14	18	10	1.795161773	0.055383	ENSG00000221261
8	129232662	129232883	129232780	8	11	7	1.558956276	0.158273	ENSG00000221261
8	129233186	129233430	129233272	9	13	8	1.616695398	0.123553	ENSG00000221261
8	129233541	129233915	129233720	9	16	11	1.472347594	0.147517	ENSG00000221261
8	129234138	129235264	129234635	30	78	37	2.160658699	2.55E-05	ENSG00000221261
8	129235471	129235735	129235616	8	11	13	0.890832158	0.618492	ENSG00000221261
8	129236368	129236565	129236466	9	11	1	6.235825105	0.0013754	ENSG00000221261
8	129238775	129239164	129238919	11	17	16	1.100439724	0.388093	ENSG00000221261
8	129242115	129242414	129242264	8	12	15	0.84443465	0.678289	ENSG00000221261
8	129245843	129246191	129246017	10	16	10	1.606197376	0.104477	ENSG00000221261
8	129247794	129248064	129247929	10	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000221261
8	129248146	129248412	129248318	9	12	14	0.900730293	0.611333	ENSG00000221261
8	129248903	129249462	129249078	15	31	20	1.583701614	0.047672	ENSG00000221261
8	129249625	129250229	129250008	16	32	35	0.952695502	0.580789	ENSG00000221261
8	129251027	129251439	129251177	10	17	21	0.850339787	0.697991	ENSG00000221261
8	129251968	129252475	129252140	9	18	8	2.194086611	0.0206188	ENSG00000221261
8	129257940	129258542	129258243	11	27	18	1.531606166	0.072168	ENSG00000221261
8	129258780	129259005	129258882	10	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000221261
8	129259474	129259676	129259548	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000221261
8	129260808	129261080	129260943	8	9	5	1.73217364	0.133894	ENSG00000221261
8	129264435	129264628	129264537	8	9	1	5.196520921	0.00490062	ENSG00000221261
8	129265040	129265260	129265107	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000221261
8	129266122	129266361	129266241	8	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000221261
8	129272558	129272862	129272686	8	11	6	1.781664316	0.103344	ENSG00000201782
8	129273178	129273401	129273349	8	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000201782
8	129273418	129273622	129273520	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000201782
8	129274966	129275145	129275055	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000201782

8	129277142	129277574	129277302	11	18	16	1.161575265	0.325582	ENSG00000201782
8	129278275	129279649	129279267	22	78	44	1.824556235	0.00048944	ENSG00000201782
8	129282676	129282909	129282806	9	12	6	1.930136342	0.071303	ENSG00000201782
8	129284716	129285284	129285018	12	23	7	3.117912553	0.00117689	ENSG00000201782
8	129287108	129287315	129287173	8	10	7	1.429043253	0.21536	ENSG00000201782
8	129288291	129288511	129288401	9	9	10	0.944821986	0.553851	ENSG00000201782
8	129291917	129292343	129292093	9	17	12	1.439036563	0.154203	ENSG00000201782
8	129296202	129296405	129296352	10	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000201782
8	129298008	129298187	129298140	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ENSG00000201782
8	129318589	129318770	129318636	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000201782
8	129327728	129328065	129327896	9	13	5	2.425043097	0.0262442	ENSG00000201782
8	129330252	129330579	129330415	9	12	11	1.125912866	0.382541	ENSG00000201782
8	129333239	129333486	129333352	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000201782
8	129333774	129333953	129333832	8	8	11	0.779478138	0.719708	ENSG00000201782
8	129340837	129341062	129340949	8	9	8	1.154782427	0.375434	ENSG00000201782
8	129351228	129351554	129351392	8	12	5	2.251825733	0.0404733	ENSG00000201782
8	129352828	129353317	129353003	11	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000201782
8	129366002	129366187	129366094	8	8	4	1.870747532	0.118863	ENSG00000201782
8	129383435	129383657	129383558	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000201782
8	129393212	129393391	129393301	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000201782
8	129395081	129395324	129395202	9	10	5	1.905391004	0.0915982	ENSG00000201782
8	129403745	129403972	129403850	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ENSG00000201782
8	129411194	129411511	129411309	11	15	7	2.078608368	0.038229	ENSG00000201782
8	129424173	129424548	129424369	12	19	9	2.078608368	0.0241848	ENSG00000201782
8	129437563	129437803	129437651	9	11	4	2.494330042	0.0324033	ENSG00000201782
8	129441653	129441869	129441761	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000201782
8	129465521	129465766	129465627	9	10	6	1.63319229	0.146906	ENSG00000201782
8	129471043	129471323	129471185	9	11	5	2.078608368	0.0614303	ENSG00000201782
8	129509456	129509946	129509767	11	20	6	3.117912553	0.00218114	ENSG00000201782
8	129595822	129596095	129595957	10	10	4	2.286469205	0.0509017	ENSG00000201782
8	129681899	129682088	129682047	8	8	7	1.169217207	0.371848	ENSG00000221351
8	129747521	129747751	129747671	8	8	1	4.676868829	0.0091584	ENSG00000221351
8	129777776	129777993	129777884	8	8	5	1.558956276	0.191397	ENSG00000221351
8	129813773	129814098	129813935	9	11	2	4.157216737	0.0052913	ENSG00000221351

8	129867956	129868135	129868048	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000221351
8	130812662	130812946	130812804	8	11	2	4.157216737	0.0052913	GSDMC	ENSG00000147697
8	131021914	131022093	131022003	9	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM49B	ENSG00000153310
8	131034642	131034906	131034766	9	10	4	2.286469205	0.0509017	FAM49B	ENSG00000153310
8	131070550	131070758	131070584	8	10	7	1.429043253	0.21536	FAM49B	ENSG00000153310
8	131070822	131071001	131070907	9	9	3	2.598260461	0.0397929	FAM49B	ENSG00000153310
8	131078094	131078390	131078242	12	15	14	1.10859113	0.386477	FAM49B	ENSG00000153310
8	131116349	131116556	131116458	10	10	8	1.27026067	0.293854	FAM49B	ENSG00000153310
8	131123709	131124158	131123912	13	23	11	2.078608368	0.0154752	FAM49B	ENSG00000153310
8	131176344	131176768	131176609	10	16	8	1.963130126	0.0441028		ENSG00000203377
8	131368738	131368943	131368797	8	9	0	10.39304184	0.000803859	ASAP1	ENSG00000153317
8	131383960	131384203	131384081	9	12	4	2.702190879	0.0203088	ASAP1	ENSG00000153317
8	131387229	131387471	131387350	11	13	2	4.850086193	0.00164564	ASAP1	ENSG00000153317
8	131525331	131525646	131525477	10	12	4	2.702190879	0.0203088	ASAP1	ENSG00000153317
8	131564573	131565170	131564994	9	21	5	3.810782009	0.000537724	ASAP1	ENSG00000153317
8	131580850	131581187	131581029	8	11	2	4.157216737	0.0052913	ASAP1	ENSG00000153317
8	131708928	131709131	131709073	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000208512
8	131766925	131767269	131767097	25	30	0	32.21842971	2.55E-10		ENSG00000208512
8	131831100	131831331	131831215	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000208512
8	131870666	131870871	131870768	9	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000208512
8	132696840	132697073	132696962	11	11	1	6.235825105	0.0013754	EFR3A	ENSG00000132294
8	132943676	132943976	132943808	8	10	1	5.716173013	0.00260397	EFR3A	ENSG00000132294
8	133106681	133107022	133106860	30	33	0	35.33634226	3.00E-11	OC90	ENSG00000132297
8	133136961	133137195	133137089	9	12	6	1.930136342	0.071303	OC90	ENSG00000132297
8	133481168	133481349	133481190	8	8	1	4.676868829	0.0091584	KCNQ3	ENSG00000184156
8	133485299	133485571	133485460	12	15	2	5.542955649	0.000497081	KCNQ3	ENSG00000184156
8	133571009	133571193	133571108	9	9	6	1.484720263	0.204387	KCNQ3	ENSG00000184156
8	133976635	133976885	133976777	8	10	2	3.810782009	0.00936112	TG	ENSG00000042832
8	133980452	133980662	133980557	9	10	0	11.43234603	0.000394183	TG	ENSG00000042832
8	134284251	134284511	134284400	10	11	2	4.157216737	0.0052913	WISP1	ENSG00000104415
8	134286472	134286705	134286584	9	11	2	4.157216737	0.0052913	WISP1	ENSG00000104415
8	134331096	134331609	134331259	12	21	7	2.858086507	0.0029864	NDRG1	ENSG00000104419
8	134472466	134472707	134472582	12	15	3	4.157216737	0.00170423		ENSG00000213627
8	134562680	134562873	134562776	8	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000212992

8	134653223	134653416	134653273	9	10	1	5.716173013	0.00260397	ST3GAL1	ENSG00000008513
8	134767408	134767621	134767476	8	8	6	1.336248237	0.277651		ENSG00000212273
8	134778023	134778247	134778151	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000212273
8	134850344	134850531	134850467	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000208501
8	134944954	134945383	134945242	9	15	5	2.771477825	0.0105836		ENSG00000208501
8	135772799	135773070	135772932	11	13	5	2.425043097	0.0262442	ZFAT	ENSG00000066827
8	135793769	135793979	135793930	9	10	4	2.286469205	0.0509017	ZFAT	ENSG00000066827
8	135816253	135816452	135816347	8	9	6	1.484720263	0.204387	ZFAT	ENSG00000066827
8	135835585	135835860	135835756	8	10	1	5.716173013	0.00260397	ZFAT	ENSG00000066827
8	135913916	135914383	135914090	10	18	3	4.936694875	0.000311102		ENSG00000199153
8	136430011	136430192	136430101	9	9	3	2.598260461	0.0397929	KHDRBS3	ENSG00000131773
8	136696574	136696783	136696640	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000199652
8	136773154	136773376	136773230	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000199652
8	137472088	137472312	137472200	8	8	2	3.117912553	0.0283184		
8	140017691	140017885	140017786	8	9	4	2.078608368	0.0785659	COL22A1	ENSG00000169436
8	140026494	140026750	140026622	9	9	7	1.29913023	0.286504	COL22A1	ENSG00000169436
8	140315957	140316136	140316046	8	8	1	4.676868829	0.0091584	COL22A1	ENSG00000169436
8	140579994	140580329	140580162	12	12	4	2.702190879	0.0203088	KCNK9	ENSG00000169427
8	140976192	140976547	140976369	10	16	2	5.889390377	0.000270741	C8orf17	ENSG00000211505
8	141149287	141149508	141149453	8	8	3	2.338434415	0.0641221	C8orf17	ENSG00000211505
8	141176265	141176459	141176352	9	9	3	2.598260461	0.0397929	C8orf17	ENSG00000211505
8	141375199	141375511	141375350	12	14	5	2.598260461	0.0167748	TRAPPC9	ENSG00000167632
8	141469748	141469978	141469863	8	8	1	4.676868829	0.0091584	TRAPPC9	ENSG00000167632
8	141715708	141715946	141715827	9	10	5	1.905391004	0.0915982	EIF2C2	ENSG00000123908
8	142080742	142080934	142080885	8	8	4	1.870747532	0.118863	PTK2	ENSG00000169398
8	142120807	142120994	142120948	8	9	3	2.598260461	0.0397929	PTK2	ENSG00000169398
8	142136965	142137156	142137024	9	10	3	2.858086507	0.0242838	PTK2	ENSG00000169398
8	142163070	142163261	142163192	9	11	1	6.235825105	0.0013754	DENND3	ENSG00000105339
8	142240245	142240439	142240342	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000214762
8	142417993	142418198	142418074	9	10	1	5.716173013	0.00260397	GPR20	ENSG00000204882
8	142938084	142938263	142938173	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000221123
8	143021371	143021778	143021511	9	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000221123
8	143086711	143086901	143086806	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000221123
8	143209709	143210050	143209879	13	18	0	19.7467795	1.32E-06		ENSG00000222423

8	143300079	143300290	143300191	8	8	5	1.558956276	0.191397		ENSG00000222423
8	143559752	143559987	143559866	8	9	3	2.598260461	0.0397929	BAI1	ENSG00000181790
8	143754299	143754482	143754347	8	8	1	4.676868829	0.0091584	PSCA	ENSG00000167653
8	143754518	143754793	143754669	18	20	4	4.365077574	0.000324139	PSCA	ENSG00000167653
8	143783613	143783889	143783782	12	12	1	6.755477198	0.000722752	LY6K	ENSG00000160886
8	143835655	143835853	143835696	8	9	2	3.464347281	0.0163838	LYPD2	ENSG00000197353
8	143866820	143867048	143866908	11	13	5	2.425043097	0.0262442	LY6D	ENSG00000167656
8	143893683	143894996	143894280	414	595	9	61.94252938	2.35E-168	GML	ENSG00000104499
8	144191823	144192018	144191990	9	11	3	3.117912553	0.0146045	C8orf31	ENSG00000177335
8	144223773	144223965	144223869	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000203366
8	144260856	144261080	144260968	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000203366
8	144261560	144261751	144261652	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000203366
8	144268360	144268539	144268403	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000203366
8	144269717	144270800	144270176	119	190	15	12.4066937	7.88E-42		ENSG00000203366
8	144327867	144328159	144327996	9	10	0	11.43234603	0.000394183	LY6H	ENSG00000176956
8	144435013	144435412	144435271	15	23	6	3.563328632	0.000497701	GLI4	ENSG00000221850
8	144749522	144749701	144749611	8	8	3	2.338434415	0.0641221	EEF1D	ENSG00000104529
8	144872999	144873185	144873109	8	8	7	1.169217207	0.371848	MAPK15	ENSG00000181085
8	144892737	144892970	144892851	9	10	1	5.716173013	0.00260397	FAM83H	ENSG00000180921
8	144893339	144893710	144893531	14	22	7	2.98799953	0.00188278	FAM83H	ENSG00000180921
8	144927459	144927657	144927591	12	12	2	4.503651465	0.002963		ENSG00000214733
8	144969057	144969437	144969258	17	22	6	3.414856605	0.000820885	SCRIB	ENSG00000180900
8	144975494	144975815	144975654	8	10	0	11.43234603	0.000394183	SCRIB	ENSG00000180900
8	144990642	144990841	144990715	10	10	0	11.43234603	0.000394183	NRBP2	ENSG00000185189
8	145000816	145001124	145000979	10	14	0	15.58956276	2.28E-05	NRBP2	ENSG00000185189
8	145032319	145032539	145032429	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	NRBP2	ENSG00000185189
8	145089329	145089782	145089508	9	17	3	4.676868829	0.000552213	PLEC1	ENSG00000178209
8	145098288	145098474	145098393	8	8	4	1.870747532	0.118863	PLEC1	ENSG00000178209
8	145099679	145099860	145099792	9	9	5	1.73217364	0.133894	PLEC1	ENSG00000178209
8	145102642	145103221	145102810	8	21	5	3.810782009	0.000537724	PLEC1	ENSG00000178209
8	145120915	145121152	145121065	10	13	6	2.078608368	0.0483393	PLEC1	ENSG00000178209
8	145149539	145149893	145149716	8	14	12	1.199197136	0.313881	SPATC1	ENSG00000186583
8	145151333	145151958	145151518	83	107	9	11.22448519	7.83E-24	SPATC1	ENSG00000186583
8	145205265	145205575	145205401	8	13	7	1.818782322	0.0805123	EXOSC4	ENSG00000178896

8	145230000	145230188	145230077	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SHARPIN	ENSG00000179526
8	145506869	145507086	145507030	9	10	1	5.716173013	0.00260397	DGAT1	ENSG00000185000
8	145644409	145644704	145644544	12	14	1	7.794781382	0.000197021	NFKBIL2	ENSG00000160949
8	145651440	145651740	145651572	16	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000204763
8	145660025	145660373	145660199	12	17	4	3.741495063	0.00163722	CYHR1	ENSG00000187954
8	145668323	145668693	145668523	9	15	2	5.542955649	0.000497081	FOXH1	ENSG00000160973
8	145706126	145706305	145706178	8	8	4	1.870747532	0.118863	MFSD3	ENSG00000167700
8	145725622	145725879	145725754	8	10	1	5.716173013	0.00260397	C8orf82	ENSG00000213563
8	145897988	145898419	145898214	38	53	6	8.017489421	1.90E-11		ENSG00000204756
8	145983481	145983798	145983622	10	13	1	7.27512929	0.000378098	ZNF34	ENSG00000196378
8	145986940	145987137	145987048	9	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000161016
8	146222916	146223113	146223029	9	10	11	0.952695502	0.548138	C8orf33	ENSG00000182307
9	325999	326269	326136	11	13	3	3.637564645	0.0050909	DOCK8	ENSG00000107099
9	674042	674315	674201	8	10	2	3.810782009	0.00936112	KANK1	ENSG00000107104
9	743620	743799	743709	8	8	3	2.338434415	0.0641221	KANK1	ENSG00000107104
9	925440	925721	925598	9	10	5	1.905391004	0.0915982	DMRT3	ENSG00000064218
9	999152	999736	999424	39	79	6	11.87776211	1.54E-18		ENSG00000216922
9	1697300	1697656	1697492	33	38	1	20.26643159	1.78E-11		ENSG00000218148
9	2282620	2282799	2282759	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000222973
9	3499073	3499350	3499225	13	14	1	7.794781382	0.000197021	RFX3	ENSG00000080298
9	4733249	4733573	4733400	15	19	1	10.39304184	7.23E-06	AK3	ENSG00000147853
9	4782451	4782718	4782584	10	10	1	5.716173013	0.00260397	RCL1	ENSG00000120158
9	4856194	4856519	4856386	8	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000199065
9	4911573	4911860	4911739	10	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000214204
9	5787031	5787333	5787182	17	19	1	10.39304184	7.23E-06	ERMP1	ENSG00000099219
9	6077310	6077660	6077485	20	25	0	27.02190879	8.98E-09	RANBP6	ENSG00000137040
9	6854392	6854847	6854611	14	29	2	10.39304184	7.12E-08		ENSG00000220077
9	7424152	7424342	7424247	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000216892
9	11090829	11091020	11090944	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000220830
9	12730441	12730652	12730546	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210274
9	12788181	12788371	12788265	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C9orf150	ENSG00000153714
9	13043558	13043747	13043652	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000216614
9	14321409	14321624	14321488	9	11	4	2.494330042	0.0324033	NFIB	ENSG00000147862
9	14455526	14455793	14455698	13	14	2	5.196520921	0.000907371		ENSG00000217828

9	19894806	19895003	19894904	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SLC24A2	ENSG00000155886
9	22124480	22124754	22124616	17	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000215221
9	23642906	23643085	23642965	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000217432
9	25603754	25604040	25603923	9	12	1	6.755477198	0.000722752	TUSC1	ENSG00000198680
9	26966534	26966850	26966677	12	14	1	7.794781382	0.000197021	IFT74	ENSG00000096872
9	27352506	27352786	27352646	13	14	0	15.58956276	2.28E-05	C9orf11	ENSG00000120160
9	30018090	30018269	30018179	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000210600
9	31035860	31036144	31036010	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000217724
9	32284075	32284405	32284228	8	13	3	3.637564645	0.0050909		ENSG00000210615
9	33151632	33151961	33151796	11	15	1	8.314433474	0.000102308	B4GALT1	ENSG00000086062
9	33201929	33202109	33202008	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SPINK4	ENSG00000122711
9	33219439	33219767	33219603	17	20	6	3.117912553	0.00218114	SPINK4	ENSG00000122711
9	33224087	33224391	33224213	8	11	2	4.157216737	0.0052913	SPINK4	ENSG00000122711
9	33254854	33255050	33254905	8	8	0	9.353737658	0.00163931	CHMP5	ENSG00000086065
9	33364864	33365130	33365002	10	11	1	6.235825105	0.0013754	AQP7	ENSG00000165269
9	33405690	33405942	33405794	15	18	3	4.936694875	0.000311102	AQP7	ENSG00000165269
9	33550283	33550542	33550444	15	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000219282
9	33611185	33611398	33611291	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000216740
9	34062371	34062956	34062605	128	161	5	28.06121297	2.64E-43		ENSG00000210706
9	34367089	34367297	34367193	8	8	2	3.117912553	0.0283184	KIAA1161	ENSG00000164976
9	34979155	34979334	34979232	8	8	2	3.117912553	0.0283184	DNAJB5	ENSG00000137094
9	35086206	35086561	35086384	9	13	5	2.425043097	0.0262442	PIGO	ENSG00000165282
9	35816060	35816424	35816239	23	30	2	10.73947657	3.71E-08	C9orf128	ENSG00000204930
9	36013556	36013740	36013643	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000217675
9	36402160	36402339	36402212	8	8	0	9.353737658	0.00163931	RNF38	ENSG00000137075
9	36409879	36410160	36410019	9	13	1	7.27512929	0.000378098	RNF38	ENSG00000137075
9	36876386	36876668	36876527	11	13	1	7.27512929	0.000378098	PAX5	ENSG00000196092
9	37380784	37381023	37380906	8	8	3	2.338434415	0.0641221	GRHPR	ENSG00000137106
9	37582551	37582759	37582629	8	8	0	9.353737658	0.00163931	TOMM5	ENSG00000175768
9	38084875	38085054	38085006	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SHB	ENSG00000107338
9	38262348	38262550	38262449	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000210816
9	66583502	66583830	66583666	14	14	5	2.598260461	0.0167748	ANKRD36	ENSG00000158185
9	67902651	67903262	67902951	15	30	11	2.684869143	0.000957822		ENSG00000219132
9	67903671	67904399	67903842	20	41	20	2.078608368	0.00224993		ENSG00000217091

9	67907014	67907215	67907073	11	13	15	0.909391161	0.604792		ENSG00000217091
9	67908331	67908621	67908474	11	14	22	0.677807077	0.884881		ENSG00000217091
9	67909218	67909527	67909386	11	15	15	1.039304184	0.456923		ENSG00000217091
9	67909998	67910204	67910121	8	9	19	0.519652092	0.96137		ENSG00000217091
9	67910406	67910708	67910563	14	17	16	1.100439724	0.388093		ENSG00000217091
9	67911097	67911389	67911260	10	14	10	1.417232979	0.185113		ENSG00000217091
9	67913842	67914053	67913936	8	9	22	0.451871384	0.986686		ENSG00000217091
9	67915612	67915878	67915766	11	13	11	1.212521548	0.309909		ENSG00000217091
9	70260200	70260451	70260325	15	15	1	8.314433474	0.000102308	C9orf71	ENSG00000181778
9	70754165	70754416	70754290	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000207000
9	71781045	71781290	71781173	8	10	1	5.716173013	0.00260397	MAMDC2	ENSG00000165072
9	72223577	72223804	72223690	10	11	5	2.078608368	0.0614303	KLF9	ENSG00000119138
9	73472814	73472993	73472832	8	9	0	10.39304184	0.000803859	TMEM2	ENSG00000135048
9	73588258	73588465	73588341	8	9	10	0.944821986	0.553851	TMEM2	ENSG00000135048
9	74236253	74236495	74236398	15	15	1	8.314433474	0.000102308		ENSG00000217630
9	75489043	75489424	75489217	34	42	3	11.17251998	1.06E-10		ENSG00000219821
9	76859939	76860118	76860026	9	9	0	10.39304184	0.000803859	C9orf41	ENSG00000156017
9	76868993	76869188	76869090	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C9orf95	ENSG00000106733
9	77420134	77420376	77420255	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000211133
9	78198373	78198636	78198504	8	11	1	6.235825105	0.0013754	RFK	ENSG00000135002
9	78376328	78376542	78376435	39	39	18	2.188008809	0.00169081		ENSG00000211139
9	78376554	78376803	78376678	13	14	5	2.598260461	0.0167748		ENSG00000211139
9	79261785	79261967	79261834	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000218284
9	79384326	79384568	79384454	10	11	5	2.078608368	0.0614303		ENSG00000218284
9	79782604	79782908	79782768	9	9	2	3.464347281	0.0163838	GNAQ	ENSG00000156052
9	79786165	79786346	79786255	8	8	2	3.117912553	0.0283184	GNAQ	ENSG00000156052
9	79870306	79870533	79870419	13	13	1	7.27512929	0.000378098	GNAQ	ENSG00000156052
9	80093316	80093547	80093401	11	12	2	4.503651465	0.002963	PSAT1	ENSG00000135069
9	80831004	80831466	80831183	30	43	5	7.621564018	1.77E-09		ENSG00000220535
9	81294338	81294639	81294495	9	12	3	3.377738599	0.00867157	TLE4	ENSG00000106829
9	83125842	83126092	83126008	8	11	3	3.117912553	0.0146045		ENSG00000218379
9	83397007	83397361	83397184	18	23	1	12.47165021	4.94E-07	TLE1	ENSG00000196781
9	83825968	83826439	83826144	84	102	1	53.52416549	7.11E-31		ENSG00000214929
9	84739809	84740040	84739891	12	13	2	4.850086193	0.00164564	RASEF	ENSG00000165105

9	85024509	85024734	85024621	10	10	6	1.63319229	0.146906	FRMD3	ENSG00000172159
9	85236475	85236663	85236569	8	9	2	3.464347281	0.0163838		ENSG00000211262
9	85513096	85513312	85513204	9	10	12	0.879411233	0.62639	UBQLN1	ENSG00000135018
9	85785296	85785486	85785391	8	10	5	1.905391004	0.0915982	HNRNPK	ENSG00000165119
9	86043309	86043893	86043644	75	98	2	34.29703808	3.07E-28		ENSG00000221282
9	86317296	86317635	86317456	19	23	2	8.314433474	3.41E-06		ENSG00000217944
9	86593795	86593990	86593822	8	8	5	1.558956276	0.191397	NTRK2	ENSG00000148053
9	86656614	86656995	86656816	71	79	1	41.57216737	7.28E-24	NTRK2	ENSG00000148053
9	86821197	86821410	86821303	9	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000218863
9	88157682	88157995	88157838	10	12	1	6.755477198	0.000722752	ZCCHC6	ENSG00000083223
9	88296026	88296274	88296159	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000222293
9	88500855	88501047	88500951	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GAS1	ENSG00000180447
9	88526100	88526306	88526203	10	10	0	11.43234603	0.000394183	GAS1	ENSG00000180447
9	88924068	88924585	88924406	9	21	10	2.078608368	0.0193227		ENSG00000204446
9	89504882	89505164	89505040	13	16	2	5.889390377	0.000270741	CTSL1	ENSG00000135047
9	89571510	89571816	89571659	15	17	4	3.741495063	0.00163722	CTSL3	ENSG00000188029
9	89638390	89638569	89638479	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000219238
9	90324627	90324972	90324800	22	26	2	9.353737658	4.98E-07	NXNL2	ENSG00000130045
9	90805691	90805875	90805821	8	9	4	2.078608368	0.0785659	S1PR3	ENSG00000213694
9	91115627	91115816	91115718	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CKS2	ENSG00000123975
9	91251770	91252068	91251914	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000219641
9	91402988	91403175	91403081	8	9	3	2.598260461	0.0397929	GADD45G	ENSG00000130222
9	91411288	91411509	91411417	8	9	4	2.078608368	0.0785659	GADD45G	ENSG00000130222
9	91416823	91417017	91416875	8	10	0	11.43234603	0.000394183	GADD45G	ENSG00000130222
9	91469629	91470005	91469832	18	23	7	3.117912553	0.00117689	GADD45G	ENSG00000130222
9	91490786	91491311	91491105	145	174	6	25.98260461	5.64E-46	GADD45G	ENSG00000130222
9	91600832	91601089	91600960	10	13	3	3.637564645	0.0050909	GADD45G	ENSG00000130222
9	91608957	91609286	91609112	18	21	0	22.86469205	1.55E-07	GADD45G	ENSG00000130222
9	91624680	91624872	91624814	8	9	0	10.39304184	0.000803859	GADD45G	ENSG00000130222
9	91971673	91971863	91971778	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000185074
9	92161509	92161688	92161604	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000105061
9	92167773	92168101	92167927	11	14	1	7.794781382	0.000197021		ENSG00000105061
9	92179822	92180049	92179935	8	11	0	12.47165021	0.000193293		ENSG00000105061
9	92235581	92235879	92235730	10	14	7	1.948695345	0.0559175		ENSG00000105061

9	92257281	92257803	92257445	12	23	5	4.157216737	0.000186738	DIRAS2	ENSG00000165023
9	92319302	92319508	92319405	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DIRAS2	ENSG00000165023
9	92479563	92479752	92479657	8	8	3	2.338434415	0.0641221	DIRAS2	ENSG00000165023
9	92603992	92604264	92604170	9	12	2	4.503651465	0.002963	SYK	ENSG00000165025
9	92749223	92749408	92749323	10	10	5	1.905391004	0.0915982	SYK	ENSG00000165025
9	92839415	92839624	92839526	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000219788
9	93766024	93766222	93766123	8	8	0	9.353737658	0.00163931	ROR2	ENSG00000169071
9	93949341	93950082	93949586	224	259	1	135.109544	4.57E-79		ENSG00000209034
9	93954254	93954497	93954371	21	22	3	5.975999059	2.96E-05		ENSG00000209034
9	94095779	94096077	94095939	12	16	4	3.533634226	0.00276486	IARS	ENSG00000196305
9	94115068	94115356	94115186	19	20	3	5.456346967	9.70E-05	NOL8	ENSG00000198000
9	94129631	94130005	94129806	10	15	4	3.32577339	0.00462646	CENPP	ENSG00000188312
9	94265067	94265246	94265156	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ASPN	ENSG00000106819
9	94409775	94409956	94409865	9	9	0	10.39304184	0.000803859	CENPP	ENSG00000188312
9	94602385	94602797	94602562	78	83	4	17.4603103	1.66E-21	ANKRD19	ENSG00000218940
9	94776357	94776559	94776452	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FGD3	ENSG00000127084
9	94777648	94777827	94777737	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FGD3	ENSG00000127084
9	94790150	94791001	94790502	96	144	4	30.13982134	1.82E-39	FGD3	ENSG00000127084
9	94893937	94894205	94894050	10	11	1	6.235825105	0.0013754	C9orf89	ENSG00000165233
9	94934765	94935136	94934944	19	27	1	14.55025858	3.30E-08	NINJ1	ENSG00000131669
9	95114828	95115031	95114940	11	12	6	1.930136342	0.071303	WNK2	ENSG00000165238
9	95115161	95115465	95115299	14	16	1	8.834085566	5.30E-05	WNK2	ENSG00000165238
9	95255942	95256183	95256016	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM120AOS	ENSG00000188938
9	95326853	95327035	95326944	8	8	0	9.353737658	0.00163931	PHF2	ENSG00000197724
9	95581284	95581463	95581365	8	8	0	9.353737658	0.00163931	BARX1	ENSG00000131668
9	96356456	96356635	96356545	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FBP2	ENSG00000130957
9	96585307	96585583	96585445	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C9orf3	ENSG00000148120
9	96621459	96621788	96621623	17	21	0	22.86469205	1.55E-07	C9orf3	ENSG00000148120
9	96716407	96716605	96716506	10	10	6	1.63319229	0.146906	C9orf3	ENSG00000148120
9	96719002	96719205	96719056	8	10	2	3.810782009	0.00936112	C9orf3	ENSG00000148120
9	96999731	97000284	96999962	48	63	3	16.62886695	1.03E-16		ENSG00000209183
9	97567113	97567400	97567256	9	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000175611
9	97677999	97678258	97678128	8	10	3	2.858086507	0.0242838	C9orf130	ENSG00000214847
9	97739239	97739594	97739416	25	30	1	16.10921486	4.28E-09		ENSG00000217452

9	97796427	97796606	97796556	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000204330
9	98068948	98069224	98069074	14	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000207276
9	98911457	98911636	98911485	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000213612
9	98970296	98970616	98970456	21	24	2	8.660868202	1.80E-06		ENSG00000209181
9	99694450	99694629	99694539	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C9orf156	ENSG00000136932
9	99974827	99975081	99974912	8	11	7	1.558956276	0.158273	CORO2A	ENSG00000106789
9	100108640	100108850	100108745	11	11	3	3.117912553	0.0146045	TBC1D2	ENSG00000095383
9	100257525	100257802	100257663	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000217589
9	100567420	100567745	100567582	11	14	0	15.58956276	2.28E-05	ANKS6	ENSG00000165138
9	100593330	100593550	100593440	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ANKS6	ENSG00000165138
9	101101745	101101994	101101858	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222026
9	101215821	101216022	101215921	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000222026
9	101830389	101830623	101830461	10	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000218959
9	102177842	102178176	102178009	30	35	0	37.41495063	7.22E-12	TEX10	ENSG00000136891
9	102238145	102238324	102238234	8	8	0	9.353737658	0.00163931	C9orf30	ENSG00000066697
9	102492622	102492812	102492717	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000219293
9	103086989	103087179	103087085	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000220569
9	106103922	106104101	106104011	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218103
9	106959221	106959402	106959311	9	9	3	2.598260461	0.0397929		ENSG00000205741
9	107046341	107046579	107046432	11	11	1	6.235825105	0.0013754	SLC44A1	ENSG00000070214
9	107215658	107215872	107215756	9	9	2	3.464347281	0.0163838	FSD1L	ENSG00000106701
9	107228029	107228213	107228090	8	8	2	3.117912553	0.0283184	FSD1L	ENSG00000106701
9	107666589	107666853	107666721	9	12	1	6.755477198	0.000722752		ENSG00000218063
9	107714978	107715271	107715102	11	14	4	3.117912553	0.00766354		ENSG00000218063
9	107913406	107913742	107913574	12	16	4	3.533634226	0.00276486		ENSG00000218063
9	108472667	108472878	108472804	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000200131
9	108596265	108596564	108596414	9	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000212276
9	109045926	109046300	109046105	17	24	11	2.16521705	0.0106896	RAD23B	ENSG00000119318
9	109051254	109051692	109051467	75	89	4	18.70747532	3.01E-23	RAD23B	ENSG00000119318
9	109139164	109139350	109139265	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RAD23B	ENSG00000119318
9	109143330	109143559	109143471	15	15	4	3.32577339	0.00462646	RAD23B	ENSG00000119318
9	109224382	109224574	109224490	8	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000213558
9	109539998	109540770	109540318	113	171	5	29.79338661	2.84E-46		ENSG00000208975
9	109541840	109542148	109541994	15	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000208975

9	109557308	109557690	109557476	12	19	5	3.464347281	0.00150447		ENSG00000208975
9	110169835	110170165	110169988	15	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000222512
9	110291766	110292027	110291896	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000222512
9	110370115	110370485	110370294	18	26	3	7.015303244	2.63E-06		ENSG00000169253
9	110587317	110587540	110587430	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000217990
9	110922088	110922387	110922237	9	12	8	1.501217155	0.168286	C9orf5	ENSG00000106771
9	111151655	111151861	111151758	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000207329
9	111339846	111340025	111339935	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000213539
9	111860590	111860843	111860690	11	12	5	2.251825733	0.0404733	AKAP2	ENSG00000157654
9	111891730	111892024	111891877	10	12	6	1.930136342	0.071303	AKAP2	ENSG00000157654
9	113424323	113424566	113424480	9	10	1	5.716173013	0.00260397	C9orf29	ENSG00000204173
9	113433131	113433444	113433299	9	11	6	1.781664316	0.103344	C9orf29	ENSG00000204173
9	113659710	113659890	113659782	8	8	3	2.338434415	0.0641221		ENSG00000206907
9	113669828	113670013	113669905	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000206907
9	113698266	113698467	113698366	8	8	3	2.338434415	0.0641221	UGCG	ENSG00000148154
9	113812648	113812829	113812689	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000208841
9	113814111	113814629	113814450	10	22	9	2.390399624	0.00747467		ENSG00000208841
9	113864213	113864504	113864358	16	18	1	9.87338975	1.41E-05		ENSG00000208841
9	113946769	113947294	113947052	54	74	1	38.97390691	2.41E-22		ENSG00000208835
9	114101714	114101998	114101866	11	12	0	13.5109544	9.48E-05	ROD1	ENSG00000119314
9	114567070	114567253	114567139	8	8	3	2.338434415	0.0641221	SNX30	ENSG00000148158
9	115024098	115024307	115024209	9	10	3	2.858086507	0.0242838	SLC31A1	ENSG00000136868
9	115096147	115096378	115096251	10	10	3	2.858086507	0.0242838	RNF183	ENSG00000165188
9	115212301	115212596	115212432	8	11	3	3.117912553	0.0146045	POLE3	ENSG00000148229
9	115212600	115212945	115212772	9	15	5	2.771477825	0.0105836	POLE3	ENSG00000148229
9	115218467	115218646	115218534	8	8	1	4.676868829	0.0091584	C9orf43	ENSG00000157653
9	115267571	115267848	115267707	9	12	5	2.251825733	0.0404733	RGS3	ENSG00000138835
9	115343874	115344076	115343992	8	9	2	3.464347281	0.0163838	RGS3	ENSG00000138835
9	115723628	115723807	115723717	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF618	ENSG00000157657
9	116078873	116079174	116079020	11	15	0	16.62886695	1.12E-05	ORM1	ENSG00000187681
9	116191505	116191734	116191661	11	12	1	6.755477198	0.000722752	AKNA	ENSG00000106948
9	116206447	116206626	116206536	9	9	0	10.39304184	0.000803859	AKNA	ENSG00000106948
9	116289666	116289927	116289796	8	9	1	5.196520921	0.00490062	DFNB31	ENSG00000095397
9	116354153	116354344	116354255	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000208798

9	116389243	116389489	116389319	8	11	0	12.47165021	0.000193293	ATP6V1G1	ENSG00000136888
9	116709960	116711057	116710650	138	231	18	12.69045109	1.12E-50	TNFSF8	ENSG00000106952
9	117746134	117746832	117746406	119	152	3	39.75338505	3.73E-43	C9orf27	ENSG00000204148
9	118441671	118441995	118441826	8	9	2	3.464347281	0.0163838	ASTN2	ENSG00000148219
9	118489110	118489435	118489272	29	32	0	34.29703808	6.12E-11	ASTN2	ENSG00000148219
9	118587768	118588015	118587886	10	10	2	3.810782009	0.00936112	TRIM32	ENSG00000119401
9	118790463	118790679	118790563	9	9	3	2.598260461	0.0397929	RPL10P3	ENSG00000216739
9	121214562	121214998	121214650	8	15	11	1.385738912	0.19225	DBC1	ENSG00000078725
9	121231219	121231557	121231378	10	14	2	5.196520921	0.000907371	DBC1	ENSG00000078725
9	121255561	121255765	121255663	9	10	1	5.716173013	0.00260397	DBC1	ENSG00000078725
9	122382187	122382482	122382334	11	12	6	1.930136342	0.071303	CDK5RAP2	ENSG00000136861
9	122447859	122448038	122447948	9	9	3	2.598260461	0.0397929	CDK5RAP2	ENSG00000136861
9	122738742	122738941	122738836	10	10	0	11.43234603	0.000394183	TRAF1	ENSG00000056558
9	122996999	122997213	122997106	11	12	3	3.377738599	0.00867157	RAB14	ENSG00000119396
9	123122250	123122434	123122342	8	9	2	3.464347281	0.0163838	GSN	ENSG00000148180
9	123124341	123124924	123124646	251	294	6	43.79924776	8.85E-82	GSN	ENSG00000148180
9	123128470	123128708	123128589	8	9	0	10.39304184	0.000803859	GSN	ENSG00000148180
9	123321234	123321508	123321400	31	32	1	17.14851904	1.09E-09		ENSG00000213467
9	123400209	123400486	123400347	9	12	3	3.377738599	0.00867157	DAB2IP	ENSG00000136848
9	124301414	124301844	124301679	11	17	0	18.70747532	2.69E-06	OR1J2	ENSG00000197233
9	124353522	124353849	124353685	20	21	0	22.86469205	1.55E-07	OR1N2	ENSG00000171501
9	124733516	124733768	124733642	10	11	4	2.494330042	0.0324033	ZBTB26	ENSG00000171448
9	124892797	124893034	124892906	10	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000207740
9	125129685	125130023	125129854	10	16	7	2.208521392	0.0257604	CRB2	ENSG00000148204
9	125187660	125187840	125187748	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CRB2	ENSG00000148204
9	125762952	125763225	125763081	8	8	1	4.676868829	0.0091584	DENND1A	ENSG00000119522
9	126061573	126061804	126061719	8	10	4	2.286469205	0.0509017	NEK6	ENSG00000119408
9	126217493	126217763	126217611	15	18	5	3.291129917	0.00248584	PSMB7	ENSG00000136930
9	126353807	126354032	126353955	9	9	2	3.464347281	0.0163838	NR5A1	ENSG00000136931
9	126404295	126404632	126404464	21	26	5	4.676868829	3.65E-05		ENSG00000217017
9	126406095	126406663	126406379	42	60	6	9.056793606	2.55E-13		ENSG00000223143
9	126514088	126514383	126514241	11	13	2	4.850086193	0.00164564		ENSG00000207737
9	127043138	127043410	127043287	8	8	2	3.117912553	0.0283184	HSPA5	ENSG00000044574
9	127043615	127044019	127043743	9	16	5	2.944695189	0.00659886	HSPA5	ENSG00000044574

9	127099039	127099307	127099173	10	13	1	7.27512929	0.000378098	GAPVD1	ENSG00000165219
9	127251830	127252029	127251929	8	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000208649
9	127312489	127312832	127312660	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000208649
9	127314390	127314656	127314523	9	10	4	2.286469205	0.0509017		ENSG00000208649
9	127340271	127340542	127340373	14	17	4	3.741495063	0.00163722		ENSG00000222288
9	128013543	128014030	128013786	13	23	0	24.94330042	3.74E-08	FAM125B	ENSG00000196814
9	128303053	128303251	128303146	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000221768
9	128435258	128435471	128435397	10	10	4	2.286469205	0.0509017	LMX1B	ENSG00000136944
9	128445073	128445316	128445197	13	13	8	1.616695398	0.123553	LMX1B	ENSG00000136944
9	128463784	128464015	128463898	8	8	1	4.676868829	0.0091584	LMX1B	ENSG00000136944
9	128596206	128596492	128596369	10	11	2	4.157216737	0.0052913	ZBTB43	ENSG00000169155
9	129097131	129097530	129097305	27	36	1	19.22712741	7.03E-11		ENSG00000220303
9	129131433	129131760	129131598	10	13	4	2.910051716	0.0125532		ENSG00000220303
9	129138930	129139228	129139049	12	16	2	5.889390377	0.000270741		ENSG00000220303
9	129219275	129219505	129219413	14	14	0	15.58956276	2.28E-05	ZNF79	ENSG00000196152
9	129221375	129221627	129221525	8	8	2	3.117912553	0.0283184	ZNF79	ENSG00000196152
9	129226155	129226435	129226295	8	13	5	2.425043097	0.0262442	ZNF79	ENSG00000196152
9	129226480	129226920	129226659	26	37	8	4.388173222	2.55E-06	ZNF79	ENSG00000196152
9	129253600	129253898	129253749	8	11	5	2.078608368	0.0614303	LRSAM1	ENSG00000148356
9	129363799	129364261	129364101	14	24	2	8.660868202	1.80E-06	FAM129B	ENSG00000136830
9	129369192	129369424	129369342	9	11	3	3.117912553	0.0146045	FAM129B	ENSG00000136830
9	129371744	129371949	129371834	8	9	4	2.078608368	0.0785659	FAM129B	ENSG00000136830
9	129376622	129376908	129376762	12	15	8	1.847651883	0.0631662	FAM129B	ENSG00000136830
9	129386405	129386687	129386546	17	18	0	19.7467795	1.32E-06	FAM129B	ENSG00000136830
9	129502708	129502959	129502845	9	10	3	2.858086507	0.0242838	TTC16	ENSG00000167094
9	129537436	129537661	129537548	8	9	8	1.154782427	0.375434	TOR2A	ENSG00000160404
9	129771711	129772108	129771890	12	19	9	2.078608368	0.0241848	FAM102A	ENSG00000167106
9	129849392	129849600	129849496	9	9	3	2.598260461	0.0397929	NAIF1	ENSG00000171169
9	129874556	129874768	129874668	8	9	0	10.39304184	0.000803859	SLC25A25	ENSG00000148339
9	129919848	129920027	129919926	8	8	8	1.039304184	0.46786	PTGES2	ENSG00000148334
9	130100813	130101020	130100916	9	10	4	2.286469205	0.0509017	C9orf119	ENSG00000175854
9	130124644	130124864	130124757	9	11	4	2.494330042	0.0324033	COQ4	ENSG00000167113
9	130130944	130131430	130131251	36	52	1	27.54156088	1.11E-15	COQ4	ENSG00000167113
9	130142204	130142502	130142355	10	13	4	2.910051716	0.0125532	SLC27A4	ENSG00000167114

9	130143541	130143734	130143637	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SLC27A4	ENSG00000167114
9	130459074	130459333	130459209	8	9	3	2.598260461	0.0397929	WDR34	ENSG00000119333
9	130487074	130487309	130487171	8	8	2	3.117912553	0.0283184	SET	ENSG00000119335
9	130838198	130838445	130838330	9	11	3	3.117912553	0.0146045	FAM73B	ENSG00000148343
9	130905232	130905451	130905341	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000221521
9	130941845	130942163	130942012	12	15	7	2.078608368	0.038229	PPP2R4	ENSG00000119383
9	130943291	130943571	130943429	9	9	0	10.39304184	0.000803859	PPP2R4	ENSG00000119383
9	131122985	131123184	131123069	8	8	4	1.870747532	0.118863	C9orf106	ENSG00000179082
9	131136186	131136564	131136385	8	15	5	2.771477825	0.0105836	C9orf106	ENSG00000179082
9	131164398	131164755	131164623	21	25	2	9.00730293	9.47E-07		ENSG00000223137
9	131262448	131262678	131262563	9	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000204054
9	131291052	131291243	131291147	8	8	4	1.870747532	0.118863		ENSG00000204054
9	131449022	131449331	131449176	9	14	3	3.897390691	0.00295882	ASB6	ENSG00000148331
9	131687781	131688052	131687914	8	12	0	13.5109544	9.48E-05		ENSG00000216693
9	132316830	132317053	132316943	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000208562
9	132572594	132572837	132572715	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ABL1	ENSG00000097007
9	132636261	132636517	132636378	8	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000218774
9	132731647	132732032	132731853	14	19	4	4.157216737	0.000560204	QRFP	ENSG00000188710
9	132857651	132858039	132857847	41	50	8	5.889390377	1.94E-09	LAMC3	ENSG00000050555
9	132990490	132991100	132990902	11	26	7	3.507651622	0.000274507	NUP214	ENSG00000126883
9	133215320	133215557	133215416	8	11	5	2.078608368	0.0614303	BAT2L	ENSG00000130723
9	133261094	133261349	133261252	9	10	5	1.905391004	0.0915982	BAT2L	ENSG00000130723
9	133598689	133598997	133598854	13	14	5	2.598260461	0.0167748	RAPGEF1	ENSG00000107263
9	134007973	134008161	134008067	8	8	1	4.676868829	0.0091584	NTNG2	ENSG00000196358
9	134809822	134810092	134809957	10	12	5	2.251825733	0.0404733	TSC1	ENSG00000165699
9	134842991	134843189	134843120	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GFI1B	ENSG00000165702
9	134887655	134887862	134887765	8	10	5	1.905391004	0.0915982	GTF3C5	ENSG00000148308
9	134896004	134896195	134896089	8	9	1	5.196520921	0.00490062	GTF3C5	ENSG00000148308
9	134926456	134926681	134926546	13	13	0	14.55025858	4.65E-05	CEL	ENSG00000170835
9	134998854	134999274	134999055	16	25	3	6.755477198	4.84E-06	RALGDS	ENSG00000160271
9	135192847	135193094	135192974	8	10	4	2.286469205	0.0509017	SURF6	ENSG00000148296
9	135243330	135243685	135243507	13	18	2	6.582259834	7.91E-05	C9orf96	ENSG00000198870
9	135272991	135273329	135273160	8	14	1	7.794781382	0.000197021	REXO4	ENSG00000148300
9	135637103	135637400	135637251	10	10	0	11.43234603	0.000394183	SARDH	ENSG00000123453

9	135729004	135729308	135729162	20	22	2	7.967998746	6.43E-06	VAV2	ENSG00000160293
9	135729418	135729607	135729533	9	9	1	5.196520921	0.00490062	VAV2	ENSG00000160293
9	135735868	135736738	135736255	274	355	4	73.99845792	3.13E-103	VAV2	ENSG00000160293
9	135736767	135736962	135736855	9	10	2	3.810782009	0.00936112	VAV2	ENSG00000160293
9	135743338	135743557	135743484	8	10	2	3.810782009	0.00936112	VAV2	ENSG00000160293
9	136388625	136388889	136388757	9	12	0	13.5109544	9.48E-05	RXRA	ENSG00000186350
9	136388905	136389124	136389014	9	10	1	5.716173013	0.00260397	RXRA	ENSG00000186350
9	136399452	136399787	136399619	15	20	5	3.637564645	0.000902929	RXRA	ENSG00000186350
9	136438122	136438323	136438283	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000214473
9	136831552	136831804	136831670	9	10	0	11.43234603	0.000394183	COL5A1	ENSG00000130635
9	136927404	136927634	136927522	10	11	3	3.117912553	0.0146045	FCN2	ENSG00000160339
9	137055081	137055277	137055238	9	9	5	1.73217364	0.133894	OLFM1	ENSG00000130558
9	137402416	137402750	137402586	35	36	1	19.22712741	7.03E-11	C9orf62	ENSG00000178243
9	137424324	137424558	137424481	8	11	1	6.235825105	0.0013754	C9orf62	ENSG00000178243
9	137425264	137425547	137425385	15	19	5	3.464347281	0.00150447	C9orf62	ENSG00000178243
9	137920468	137920676	137920572	8	9	0	10.39304184	0.000803859	CAMSAP1	ENSG00000130559
9	138003732	138003919	138003825	8	8	4	1.870747532	0.118863	UBAC1	ENSG00000130560
9	138140066	138140335	138140175	14	14	3	3.897390691	0.00295882	NACC2	ENSG00000148411
9	138140960	138141732	138141518	66	88	7	11.56225905	3.28E-20	NACC2	ENSG00000148411
9	138203177	138203465	138203321	9	13	1	7.27512929	0.000378098	LHX3	ENSG00000107187
9	138466018	138466301	138466176	8	10	5	1.905391004	0.0915982	SEC16A	ENSG00000148396
9	138564656	138565410	138564835	110	154	3	40.27303714	9.33E-44	NOTCH1	ENSG00000148400
9	138615926	138616234	138616066	8	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000203275
9	138636918	138637218	138637068	14	19	2	6.928694562	4.25E-05		ENSG00000203275
9	138637419	138637613	138637516	9	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000203275
9	138645733	138645993	138645858	10	12	3	3.377738599	0.00867157		ENSG00000203275
9	138693835	138694028	138693928	9	10	1	5.716173013	0.00260397	AGPAT2	ENSG00000169692
9	138863458	138863967	138863807	40	62	3	16.3690409	2.02E-16	PHPT1	ENSG00000054148
9	139212233	139212502	139212367	8	10	5	1.905391004	0.0915982	C9orf75	ENSG00000176058
9	139237781	139237979	139237895	8	9	1	5.196520921	0.00490062	C9orf169	ENSG00000197191
9	139240258	139240570	139240405	15	19	3	5.196520921	0.000174201	C9orf169	ENSG00000197191
9	139315037	139315257	139315097	8	9	3	2.598260461	0.0397929	NRARP	ENSG00000198435
9	139549080	139549550	139549244	14	20	7	2.728173484	0.00469378	PNPLA7	ENSG00000130653
9	139564665	139564844	139564754	8	8	3	2.338434415	0.0641221	PNPLA7	ENSG00000130653

9	139695363	139695558	139695404	10	10	4	2.286469205	0.0509017	EHMT1	ENSG00000181090
9	139734704	139734918	139734855	9	9	0	10.39304184	0.000803859	EHMT1	ENSG00000181090
MT	1	7325	280	473	5530	8260	0.695846924		1	ENSG00000223073
MT	7344	16711	16222	785	10504	###	0.695717228		1	ENSG00000210196
X	3304201	3304459	3304330	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000215325
X	4638602	4639050	4638811	130	145	0	151.7384109	6.54E-46		ENSG00000222834
X	6657696	6657877	6657807	8	8	1	4.676868829	0.0091584	VCX3A	ENSG00000169059
X	7060644	7060823	7060733	8	8	3	2.338434415	0.0641221	HDHD1A	ENSG00000130021
X	7529471	7529776	7529623	8	10	1	5.716173013	0.00260397	VCX	ENSG00000182583
X	7625079	7625310	7625194	8	9	0	10.39304184	0.000803859	VCX	ENSG00000182583
X	7639239	7639437	7639394	12	13	0	14.55025858	4.65E-05	VCX	ENSG00000182583
X	10689564	10689831	10689688	16	17	0	18.70747532	2.69E-06	MID1	ENSG00000101871
X	13574105	13574356	13574230	9	11	2	4.157216737	0.0052913		ENSG00000176896
X	16517943	16518150	16518046	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000222290
X	16590479	16590855	16590676	12	18	7	2.468347438	0.0112499	S100G	ENSG00000169906
X	16714170	16714439	16714321	9	11	3	3.117912553	0.0146045	CXorf15	ENSG00000086712
X	17219609	17219788	17219698	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000214321
X	17475785	17476138	17475952	16	21	5	3.810782009	0.000537724		ENSG00000221408
X	18721743	18722004	18721867	20	22	0	23.90399624	7.62E-08		ENSG00000203503
X	19815882	19816086	19815997	8	8	0	9.353737658	0.00163931	SH3KBP1	ENSG00000147010
X	19835917	19836145	19836049	10	10	1	5.716173013	0.00260397	SH3KBP1	ENSG00000147010
X	19902345	19902531	19902438	8	8	2	3.117912553	0.0283184	CXorf23	ENSG00000173681
X	22128971	22129155	22129075	8	8	5	1.558956276	0.191397	ZNF645	ENSG00000175809
X	23046724	23046908	23046819	8	10	1	5.716173013	0.00260397		ENSG00000221786
X	24077036	24077251	24077180	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ZFX	ENSG00000005889
X	27662255	27662434	27662344	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000218243
X	30724033	30724250	30724141	8	9	2	3.464347281	0.0163838	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30726853	30727217	30727029	20	27	1	14.55025858	3.30E-08	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30727436	30727616	30727526	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30728990	30729332	30729161	16	20	0	21.82538787	3.17E-07	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30823369	30823573	30823486	9	9	3	2.598260461	0.0397929	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30832411	30832637	30832524	10	12	0	13.5109544	9.48E-05	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	30832785	30833015	30832894	11	12	2	4.503651465	0.002963	MAP3K7IP3	ENSG00000157625
X	33088420	33088760	33088590	15	19	0	20.78608368	6.46E-07	DMD	ENSG00000198947

X	33884368	33884720	33884544	12	17	2	6.235825105	0.000146695	FAM47A	ENSG00000185448
X	34487443	34487732	34487602	18	19	0	20.78608368	6.46E-07		ENSG00000222668
X	40262404	40262592	40262498	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000216880
X	40937176	40937428	40937302	15	15	4	3.32577339	0.00462646		ENSG00000199564
X	42720875	42721196	42721035	16	20	0	21.82538787	3.17E-07		ENSG00000102055
X	44419607	44419882	44419744	13	16	1	8.834085566	5.30E-05		ENSG00000214017
X	44719888	44720120	44720001	13	14	0	15.58956276	2.28E-05		ENSG00000203505
X	46536972	46537176	46537074	9	10	0	11.43234603	0.000394183	SLC9A7	ENSG00000065923
X	46703132	46703499	46703322	14	19	0	20.78608368	6.46E-07	PHF16	ENSG00000102221
X	47560222	47560608	47560429	40	46	0	48.84729666	2.85E-15	WASF4	ENSG00000188459
X	47563356	47563671	47563517	22	25	0	27.02190879	8.98E-09	ZNF81	ENSG00000197779
X	53427193	53427639	53427401	19	31	2	11.0859113	1.93E-08	SMC1A	ENSG00000072501
X	58507445	58507773	58507609	9	9	7	1.29913023	0.286504		ENSG00000219753
X	58529417	58529597	58529446	9	9	3	2.598260461	0.0397929		
X	58568334	58568664	58568499	17	17	9	1.870747532	0.0498299		
X	58577954	58578310	58578131	29	33	34	1.009609779	0.484681		
X	61622415	61622594	61622567	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000216395
X	61676849	61677185	61677017	42	42	39	1.117251998	0.306409		ENSG00000216395
X	61685054	61685234	61685205	8	8	9	0.935373766	0.560286		ENSG00000216395
X	61731732	61732060	61731896	12	13	8	1.616695398	0.123553		ENSG00000216395
X	61755869	61756200	61756034	34	35	44	0.831443347	0.797718		ENSG00000216395
X	61764083	61764265	61764250	10	10	6	1.63319229	0.146906		ENSG00000216395
X	61813999	61814328	61814163	17	17	6	2.672496474	0.00882337		ENSG00000216395
X	62541019	62541202	62541110	8	8	1	4.676868829	0.0091584	SPIN4	ENSG00000186767
X	65774979	65775606	65775293	61	86	2	30.13982134	1.24E-24	EDA2R	ENSG00000131080
X	67539326	67539509	67539454	9	9	0	10.39304184	0.000803859	OPHN1	ENSG00000079482
X	69247747	69248079	69247913	16	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000219613
X	71263324	71263542	71263433	8	9	0	10.39304184	0.000803859	NHSL2	ENSG00000204131
X	74410612	74410797	74410696	8	8	0	9.353737658	0.00163931	UPRT	ENSG00000094841
X	83876691	83876978	83876834	27	30	0	32.21842971	2.55E-10		ENSG00000219196
X	84451639	84451891	84451793	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000209072
X	86407182	86407492	86407340	12	13	0	14.55025858	4.65E-05		ENSG00000200422
X	93502570	93503153	93502748	21	35	4	7.482990127	4.95E-08		ENSG00000209165
X	93542170	93542590	93542372	34	43	1	22.86469205	5.66E-13		ENSG00000209165

X	96367820	96368041	96367930	8	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000222977
X	96817032	96817211	96817121	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000209212
X	97506916	97507095	97506996	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000217946
X	99756701	99757170	99756934	38	53	5	9.353737658	3.65E-12	TSPAN6	ENSG00000000003
X	99961536	99961785	99961666	8	10	1	5.716173013	0.00260397	CSTF2	ENSG00000101811
X	100532303	100532830	100532482	10	21	3	5.716173013	5.37E-05	HNRNPH2	ENSG00000126945
X	103501576	103501835	103501702	9	10	2	3.810782009	0.00936112	ESX1	ENSG00000123576
X	103934619	103934878	103934726	8	10	3	2.858086507	0.0242838		ENSG00000219091
X	104148951	104149306	104149128	26	31	0	33.2577339	1.25E-10	TEX13A	ENSG00000133149
X	105932444	105932644	105932537	8	8	3	2.338434415	0.0641221	TBC1D8B	ENSG00000133138
X	106806972	106807282	106807127	8	11	2	4.157216737	0.0052913	PRPS1L1	ENSG00000147224
X	106855817	106856064	106855928	10	12	3	3.377738599	0.00867157	TSC22D3	ENSG00000157514
X	107130657	107131080	107130907	16	24	0	25.98260461	1.83E-08	TEX13B	ENSG00000170925
X	107252649	107253246	107252883	38	56	1	29.62016925	6.88E-17	ATG4A	ENSG00000101844
X	107400091	107400501	107400275	29	40	1	21.30573578	4.48E-12		ENSG00000189372
X	107442851	107443294	107443115	20	30	1	16.10921486	4.28E-09		ENSG00000189372
X	107465676	107465862	107465769	8	9	1	5.196520921	0.00490062		ENSG00000189372
X	108183915	108184638	108184463	37	57	44	1.339547615	0.0690642		ENSG00000219692
X	108893765	108894033	108893908	12	14	1	7.794781382	0.000197021	ACSL4	ENSG00000068366
X	108992307	108992524	108992415	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000179418
X	110308122	110308313	110308217	8	8	2	3.117912553	0.0283184		ENSG00000220220
X	111400397	111400576	111400491	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000213534
X	111809403	111809616	111809509	10	10	2	3.810782009	0.00936112	LHFPL1	ENSG00000182508
X	113200997	113201282	113201139	13	17	0	18.70747532	2.69E-06		ENSG00000212611
X	113222551	113222730	113222697	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000212611
X	113401207	113401567	113401424	16	21	0	22.86469205	1.55E-07		ENSG00000219648
X	114171505	114171797	114171666	16	18	2	6.582259834	7.91E-05		ENSG00000208831
X	115768044	115768407	115768223	30	36	1	19.22712741	7.03E-11		ENSG00000217238
X	117453054	117453335	117453194	9	9	0	10.39304184	0.000803859	WDR44	ENSG00000131725
X	118033497	118033806	118033642	9	12	4	2.702190879	0.0203088	LONRF3	ENSG00000175556
X	118419502	118419825	118419660	10	13	1	7.27512929	0.000378098	SLC25A43	ENSG00000077713
X	118477727	118478067	118477896	18	19	2	6.928694562	4.25E-05	SLC25A5	ENSG00000005022
X	118810072	118810251	118810161	8	8	1	4.676868829	0.0091584	RPL39	ENSG00000198918
X	118961652	118961907	118961831	15	16	4	3.533634226	0.00276486	NKAP	ENSG00000101882

X	119278453	119278659	119278513	9	9	2	3.464347281	0.0163838	ZBTB33	ENSG00000177485
X	119975073	119975404	119975241	21	25	1	13.5109544	1.28E-07		ENSG00000215359
X	120784945	120785282	120785113	11	15	0	16.62886695	1.12E-05		ENSG00000213498
X	122394056	122394236	122394142	8	8	1	4.676868829	0.0091584		ENSG00000179101
X	122531631	122531831	122531731	10	11	1	6.235825105	0.0013754		ENSG00000207655
X	122764867	122765180	122765023	12	17	5	3.117912553	0.00407023		ENSG00000213737
X	122794929	122795179	122795054	10	12	4	2.702190879	0.0203088		ENSG00000199705
X	123074385	123074564	123074494	8	8	0	9.353737658	0.00163931		ENSG00000219856
X	128468410	128468745	128468577	14	17	0	18.70747532	2.69E-06	SMARCA1	ENSG00000102038
X	128568591	128568846	128568734	9	9	2	3.464347281	0.0163838	APLN	ENSG00000171388
X	128943868	128944077	128943972	8	9	3	2.598260461	0.0397929	BCORL1	ENSG00000085185
X	129127835	129128096	129127965	10	11	3	3.117912553	0.0146045	AIFM1	ENSG00000156709
X	130527627	130527843	130527735	10	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000219078
X	130569545	130569872	130569708	33	37	1	19.7467795	3.54E-11		ENSG00000219221
X	131081343	131081522	131081454	8	9	2	3.464347281	0.0163838	FRMD7	ENSG00000165694
X	131133240	131133515	131133364	8	11	6	1.781664316	0.103344		ENSG00000219713
X	131150011	131150324	131150189	18	21	0	22.86469205	1.55E-07	RAP2C	ENSG00000123728
X	131291827	131292117	131291972	9	11	0	12.47165021	0.000193293	MBNL3	ENSG00000076770
X	131837504	131837727	131837615	9	10	2	3.810782009	0.00936112		ENSG00000218958
X	131839795	131840311	131840074	85	102	1	53.52416549	7.11E-31		ENSG00000218958
X	131910719	131911002	131910887	8	8	6	1.336248237	0.277651	HS6ST2	ENSG00000171004
X	132406637	132406816	132406677	8	9	0	10.39304184	0.000803859	GPC4	ENSG00000076716
X	132748065	132748447	132748268	24	31	0	33.2577339	1.25E-10		ENSG00000219153
X	132754157	132754550	132754336	12	20	4	4.365077574	0.000324139		ENSG00000219153
X	133588243	133588443	133588307	8	9	4	2.078608368	0.0785659		ENSG00000218119
X	135014064	135014292	135014197	8	9	0	10.39304184	0.000803859		ENSG00000218223
X	136211934	136212149	136212025	9	10	0	11.43234603	0.000394183		ENSG00000217721
X	136327954	136328203	136328078	9	9	5	1.73217364	0.133894		ENSG00000134598
X	136347927	136348279	136348103	34	37	42	0.91845486	0.650155		ENSG00000134598
X	136994984	136995264	136995124	17	20	0	21.82538787	3.17E-07		ENSG00000208536
X	137680580	137680760	137680670	8	8	1	4.676868829	0.0091584	FGF13	ENSG00000129682
X	138590249	138590476	138590362	11	12	2	4.503651465	0.002963	MCF2	ENSG00000101977
X	139402010	139402426	139402253	14	21	5	3.810782009	0.000537724	SOX3	ENSG00000134595
X	141129657	141129879	141129768	8	8	1	4.676868829	0.0091584	MAGEC2	ENSG00000046774

X	148400694	148400882	148400709	8	9	2	3.464347281	0.0163838	IDS	ENSG00000010404
X	148586801	148587057	148586957	8	11	1	6.235825105	0.0013754	MAGEA11	ENSG00000185247
X	150462878	150463243	150463029	40	44	0	46.76868829	1.18E-14	PASD1	ENSG00000166049
X	151131623	151131802	151131687	8	8	0	9.353737658	0.00163931	MAGEA10	ENSG00000124260
X	152359985	152360322	152360147	46	50	2	17.66817113	6.11E-14	TREX2	ENSG00000183479
X	152682559	152682837	152682710	9	13	4	2.910051716	0.0125532	PLXNB3	ENSG00000198753
X	152865953	152866170	152866061	8	9	0	10.39304184	0.000803859	RENBP	ENSG00000102032
X	153255185	153255501	153255347	11	14	3	3.897390691	0.00295882	FLNA	ENSG00000196924
X	153408215	153408776	153408401	16	32	7	4.28712976	1.26E-05	FAM3A	ENSG00000071889
X	153422417	153422787	153422639	10	15	2	5.542955649	0.000497081	IKBKG	ENSG00000073009
X	154703083	154703492	154703313	18	28	1	15.06991067	1.67E-08		ENSG00000219128
X	154851048	154851391	154851221	23	27	0	29.10051716	2.16E-09		ENSG00000220501
Y	10594361	10594675	10594518	11	14	6	2.227080395	0.0322529		ENSG00000219679
Y	10629217	10629708	10629390	25	32	57	0.591328243	0.993207		ENSG00000219584
Y	10629769	10630097	10629933	12	12	12	1.039304184	0.461227		ENSG00000219584
Y	10630432	10630820	10630642	27	33	26	1.308753417	0.146119		ENSG00000219584
Y	10632173	10632704	10632468	36	46	37	1.285455175	0.123233		ENSG00000218597
Y	10633018	10633394	10633365	13	24	25	0.999330946	0.501681		ENSG00000218597
Y	10634103	10634283	10634132	8	8	12	0.719518281	0.783103		ENSG00000218597
Y	10635030	10635406	10635228	18	27	33	0.855897563	0.7313		ENSG00000218597
Y	10636559	10636895	10636727	13	17	14	1.247165021	0.261378		ENSG00000218597
Y	10637393	10637721	10637557	16	16	21	0.803098688	0.755224		ENSG00000218597
Y	10639385	10639824	10639648	39	48	55	0.909391161	0.687636		ENSG00000218597
Y	10641269	10641605	10641437	8	13	17	0.808347699	0.728863		ENSG00000218597
Y	10641811	10642159	10641985	14	19	11	1.73217364	0.0607469		ENSG00000221022
Y	10643375	10643703	10643539	20	20	17	1.212521548	0.272468		ENSG00000221022
Y	10644898	10645244	10645071	27	32	33	1.008736414	0.486341		ENSG00000223068
Y	10645450	10645635	10645480	11	13	17	0.808347699	0.728863		ENSG00000223068
Y	10645678	10645857	10645767	8	8	10	0.850339787	0.645072		ENSG00000223068
Y	10645893	10646289	10646117	17	26	31	0.876912905	0.694502		ENSG00000219313
Y	10646398	10646727	10646576	20	22	8	2.655999582	0.0039122		ENSG00000219313
Y	10647614	10648020	10647835	49	64	54	1.228268581	0.129828		ENSG00000222088
Y	11243325	11243655	11243490	21	21	9	2.286469205	0.0111772		
Y	11247678	11248012	11247845	31	35	23	1.558956276	0.0432947		

Y	11654994	11655173	11655023	9	9	3	2.598260461	0.0397929	ENSG00000221738
Y	11771876	11772055	11771959	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000221738
Y	11918275	11918607	11918441	26	26	16	1.650659587	0.048911	ENSG00000206163
Y	11920730	11921180	11920907	21	29	44	0.692869456	0.943176	ENSG00000206163
Y	11924413	11924784	11924582	8	13	15	0.909391161	0.604792	ENSG00000206161
Y	11925891	11926137	11926046	11	14	4	3.117912553	0.00766354	ENSG00000206161
Y	11927643	11928128	11927949	17	30	39	0.805460743	0.819719	ENSG00000206161
Y	11936416	11936738	11936577	9	12	13	0.965068171	0.538344	ENSG00000217642
Y	11941373	11941717	11941545	16	21	28	0.788437657	0.803211	ENSG00000217642
Y	11941763	11942095	11941929	16	21	25	0.879411233	0.673643	ENSG00000217642
Y	11942130	11942309	11942193	9	9	16	0.611355402	0.899375	ENSG00000217642
Y	11943192	11943373	11943245	8	9	4	2.078608368	0.0785659	ENSG00000217642
Y	11944433	11944924	11944608	18	25	28	0.931789958	0.604671	ENSG00000217642
Y	11945263	11945607	11945435	37	39	47	0.86608682	0.750895	ENSG00000217642
Y	12110662	12110991	12110826	10	10	13	0.816596145	0.696946	ENSG00000183704
Y	12127268	12127597	12127432	10	12	8	1.501217155	0.168286	ENSG00000183704
Y	12128533	12128862	12128697	21	21	14	1.524312804	0.0996258	ENSG00000183704
Y	12138442	12138621	12138471	8	8	6	1.336248237	0.277651	ENSG00000183704
Y	12312122	12312450	12312286	8	8	14	0.623582511	0.877092	ENSG00000220799
Y	12314651	12315022	12314829	13	19	14	1.385738912	0.166049	ENSG00000220799
Y	12320106	12320435	12320270	14	16	23	0.736173797	0.837668	ENSG00000220799
Y	12323329	12323862	12323683	20	29	26	1.154782427	0.292794	ENSG00000220799
Y	12327788	12328118	12327953	18	18	13	1.41048425	0.160361	ENSG00000220799
Y	12334249	12334429	12334277	9	9	22	0.451871384	0.986686	ENSG00000220799
Y	12361509	12361693	12361662	11	12	16	0.794762023	0.738004	ENSG00000220799
Y	12372449	12372777	12372613	19	19	23	0.86608682	0.685164	ENSG00000220799
Y	12372959	12373296	12373127	27	28	34	0.861137753	0.726418	ENSG00000220799
Y	12375093	12375272	12375122	8	8	9	0.935373766	0.560286	ENSG00000220799
Y	27209320	27209642	27209484	9	9	9	1.039304184	0.466079	ENSG00000219871
Y	57289644	57289973	57289808	8	8	3	2.338434415	0.0641221	ENSG00000217042
Y	57381662	57381997	57381829	21	21	31	0.714521627	0.891579	ENSG00000217042
Y	57394862	57395152	57395024	10	11	15	0.779478138	0.747877	ENSG00000217042
Y	57397696	57397975	57397835	8	12	1	6.755477198	0.000722752	ENSG00000217042
c6_Qt	31429455	31429656	31429555	12	12	1	6.755477198	0.000722752	ENSG00000219118

c6_Qf	31437992	31438171	31438081	9	9	0	10.39304184	0.000803859	ENSG00000206450
-------	----------	----------	----------	---	---	---	-------------	-------------	-----------------