

Riggs Supp Table 1

SYMBOL	mESC fold Δ	iPSC fold Δ	ROF fold Δ	Myc fold Δ	MycTA Fold Δ	MycTA+Klf4 fold Δ	SV40 fold Δ
0610005K03Rik	1.18	1.22	1.30	-1.08	-1.02	90.13	-1.03
0610041G09Rik	-2.38	-1.26	-1.55	-3.81	-3.14	-6.25	-2.66
1110021N19Rik	-1.11	1.20	1.25	1.07	1.05	28.69	-1.02
1110032E23Rik	-3.57	-1.65	-1.66	-6.51	-8.50	-19.72	-3.79
1110033J19Rik	5.12	-1.01	-2.44	-4.32	-4.27	-2.86	-7.36
1110065D03Rik	-1.16	-1.15	-1.34	1.06	2.72	5.31	8.76
1190002C06Rik	-1.37	-1.99	-2.73	-1.75	-1.66	-1.39	-6.44
1190003J15Rik	6.53	24.71	24.42	-1.20	-1.22	5.67	-1.10
1190007F08Rik	1.14	1.55	1.16	1.38	-1.37	3.15	5.86
1200015N20Rik	-1.00	-1.16	-1.03	2.39	1.83	3.31	5.80
1200016E24Rik	-2.00	-1.73	1.08	-1.75	-1.62	4.93	30.76
1600023A02Rik	8.73	3.85	26.17	-1.91	-1.91	-1.74	-1.70
1700012H05Rik	8.59	1.14	-1.05	-1.04	1.00	-1.04	-1.01
1700019D03Rik	4.87	6.50	3.46	-1.12	-1.07	-1.03	1.02
1700112C13Rik	-1.25	1.09	2.00	-1.13	8.29	2.88	-1.34
1810008K03Rik	-2.82	-2.28	-3.67	-4.93	1.33	-6.42	3.32
18S_rRNA_X00686_301	2.54	1.93	42.14	1.69	1.03	-1.18	11.03
18S_rRNA_X00686_849	2.07	1.92	17.30	1.71	1.20	1.23	5.75
2010001M09Rik	-1.15	7.87	1.02	-1.03	-1.02	-1.00	1.03
2010323F13Rik	1.02	1.41	1.93	1.04	1.47	5.62	-1.28
2200001I15Rik	5.73	6.66	23.78	-1.10	-1.14	1.13	-1.22
2210023G05Rik	-1.10	2.40	1.18	-1.05	-1.05	5.52	1.15
2210401J11Rik	1.09	16.74	23.98	1.02	-1.01	1.04	-1.08
2210415K03Rik	-1.27	1.10	-1.23	8.90	1.45	-2.16	14.95
2300009N04Rik	-1.59	-1.49	-1.30	-1.35	-1.50	-1.46	10.20
2310006J04Rik	1.57	2.23	2.18	2.31	2.57	7.24	1.05
2310010M24Rik	1.36	2.73	3.08	1.00	1.03	6.77	-1.05
2310042E22Rik	-1.04	1.22	1.98	1.02	1.07	5.30	-1.06
2310043N10Rik	1.22	2.12	3.55	4.83	7.87	13.75	10.99
2310047C17Rik	-1.31	1.26	3.37	2.18	2.69	5.24	-1.24
2310047I15Rik	-1.05	1.14	1.86	3.99	5.50	7.08	2.66
2310061N23Rik	-6.66	-5.01	-3.72	2.53	-10.86	3.01	1.20
2410004F06Rik	17.57	1.18	1.09	1.07	1.00	1.11	1.04
2410039E07Rik	8.87	4.77	7.78	1.02	-1.01	1.02	1.01
2410116G06Rik	20.29	1.56	2.53	-1.05	-1.04	-1.01	1.00
2410146L05Rik	48.63	2.40	1.91	-1.13	-1.10	-1.11	-1.01
2610002D18Rik	5.29	1.61	1.95	1.65	1.81	-1.02	1.64
2610036A22Rik	9.97	1.24	1.06	-1.11	-1.08	1.52	-1.16
2610206G21Rik	12.53	2.27	2.48	1.03	1.22	1.47	-1.09
2610528A11Rik	1.07	2.93	2.15	1.23	1.07	20.27	-1.00
2700031B12Rik	-2.53	-3.66	-3.88	-10.52	-1.25	-3.74	-10.41
3110018A08Rik	-5.08	-3.39	-3.35	2.38	-2.06	1.08	-2.66
3110054C06Rik	-2.28	-1.80	-2.23	-3.74	-6.31	-4.27	-5.33
4632401N01Rik	-3.22	-2.23	-2.21	-4.43	-6.04	-5.44	1.39
4632428N05Rik	-1.12	-1.00	-1.06	2.70	1.37	6.57	1.21
4833414E09Rik	-1.15	-1.01	1.02	1.08	1.19	2.09	10.05
4930583H14Rik	1.85	-1.21	-1.10	-1.25	2.64	7.09	2.35
4932409I22Rik	1.32	1.04	1.06	-1.00	1.19	5.16	1.35
5230401C23Rik	-1.08	-1.02	1.04	1.05	1.21	10.93	1.03
5430431G03Rik	-1.39	-1.11	-1.24	1.22	-1.34	8.40	2.04
5430432N15Rik	-1.10	-1.07	1.02	1.10	-1.02	6.52	1.03
6330403K07Rik	-3.85	-3.94	-4.87	-6.37	-7.77	-7.70	-7.93
6330403M23Rik	1.49	1.42	1.85	1.86	1.78	2.37	5.78
6330406I15Rik	-3.95	-2.66	-2.81	1.20	-3.11	3.99	-5.88
6330505N24Rik	-1.20	1.93	2.68	-1.81	-1.68	-1.42	10.38
6430524C05Rik	1.16	-1.12	1.56	-1.13	-1.13	-1.11	9.93
6430559E15Rik	-2.02	1.08	-1.21	2.19	2.97	5.87	1.31
7330410H16Rik	1.47	1.57	1.85	-1.08	2.48	8.14	1.03
9030408N13Rik	-1.22	-1.12	1.13	1.59	2.43	6.44	1.25
9030611O19Rik	1.07	1.64	1.54	-1.23	-1.21	3.76	5.49
9430052C07Rik	-1.86	-1.80	-1.55	5.51	4.84	1.08	6.63
9626100_15	4.71	184.36	357.14	82.61	154.46	175.00	209.63
9626100_224	7.21	207.48	305.49	92.65	161.88	182.66	194.69
9626958_317	9.45	209.91	330.89	100.03	152.15	170.84	216.99
9629514_325	1.62	54.72	147.25	15.88	36.88	51.77	33.36
9630007E23Rik	-1.21	1.43	1.33	1.16	1.81	5.01	-1.08
9930017A07Rik	1.12	1.35	2.44	1.24	-1.00	10.89	-1.01
A130062D16Rik	1.17	-1.02	1.18	2.03	2.23	3.50	5.11
A630084D02Rik	-1.87	-2.00	-2.81	1.96	1.39	-2.11	-5.93
A730054J21Rik	-3.44	-2.45	-2.70	-4.12	-2.32	-7.20	2.21
Acta1	-7.63	-2.95	-15.88	-24.30	-30.52	-30.21	-32.90
Acta2	-5.28	-1.71	-4.12	-10.35	-7.18	-20.44	-13.14
Actc1	-21.52	-25.79	-30.28	-32.01	-32.72	-32.14	-32.43
Actg2	-4.98	-1.65	-3.28	-16.06	-29.22	-86.38	-32.92
Actn2	-7.71	-5.84	-4.31	-10.49	-9.27	-9.75	-9.60
Acvr2b	8.66	2.45	2.09	1.54	3.06	3.74	1.12

Adam19	-1.67	-1.99	-1.56	-3.24	-8.05	-13.25	-4.44
Adamts9	-1.36	-1.72	-1.49	-1.04	-2.21	-2.21	7.27
Add3	1.38	1.47	1.82	1.54	1.46	3.32	6.49
Adpn	1.36	7.08	6.12	1.07	1.10	1.27	-1.25
Adra2a	-3.06	-1.94	-2.30	-3.48	-5.08	-5.62	-3.28
Adss1	-1.03	1.39	1.36	5.78	5.44	9.20	-1.55
Al132321	-1.09	1.11	1.03	11.56	3.85	-1.00	1.03
Aif1	-1.18	-1.09	-1.07	9.40	-1.03	-1.14	-1.09
Ak1	-1.48	1.25	-1.13	-2.35	-2.70	-2.13	-5.40
Akap12	1.40	-1.20	2.76	-4.89	-8.80	-5.63	-2.26
Akr1b3	1.89	1.14	1.98	1.07	1.06	1.92	5.22
Akr1c18	-1.01	2.98	2.22	-1.05	1.02	6.17	-1.07
Aldh1a1	-1.36	-1.12	-1.33	-1.25	-1.22	-1.21	12.28
Aldh3a1	1.34	3.66	2.28	-1.07	1.17	161.49	-1.10
Alox5ap	1.16	2.00	1.98	11.72	8.01	21.09	-1.90
Amhr2	1.23	-1.04	-1.05	1.01	-1.04	1.09	6.58
Angptl7	1.12	1.31	-1.06	-1.19	-1.16	1.03	5.06
Ankrd1	-7.05	-2.24	-1.58	-8.39	-6.40	-14.18	-2.38
Anxa8	-1.10	3.94	1.83	-1.77	2.58	8.36	-1.49
Aox3	1.00	1.81	1.07	1.20	-1.00	8.51	1.03
Apobec1	-1.59	1.62	1.32	10.64	4.33	-1.39	-1.52
Apoc1	5.26	1.38	1.83	1.46	-1.14	-1.06	-1.22
Apod	-2.48	-1.08	-1.66	13.33	6.38	-3.55	-3.08
Apoe	3.61	1.07	-1.21	11.18	2.26	-1.93	-1.48
Aqp1	1.70	1.61	-1.38	1.04	1.27	10.77	1.06
Aqp3	1.63	4.97	6.72	-1.13	1.19	13.26	-1.02
Aqp5	-1.00	1.36	1.35	-1.25	-1.21	15.74	1.49
Arg1	-1.00	3.01	1.10	-1.16	-1.17	7.22	-1.06
Arhgap30	1.26	-1.12	1.81	5.19	2.59	-1.12	-1.22
Arhgdib	-2.75	-1.62	-2.56	1.67	1.09	-2.70	-5.58
Arhgef3	2.09	2.24	5.43	2.14	1.37	5.26	1.78
Armxc2	-1.77	-1.74	-1.82	-1.20	-1.68	-5.44	1.50
Arbb2	1.94	1.19	1.27	5.17	2.68	1.57	2.02
Arrdc3	1.51	1.13	1.06	1.59	1.31	6.42	-1.48
Ass1	1.27	1.29	1.57	-2.39	-1.93	-1.93	-6.97
Atp1b1	1.62	1.01	-1.57	-3.38	-1.15	-4.75	26.42
Atp2a1	-5.97	-5.77	-4.95	-6.25	-5.85	-5.40	-6.36
Atp2a3	1.13	5.63	13.11	1.03	1.32	-1.11	1.93
AU018778	-1.09	-1.06	1.11	-1.08	1.07	5.75	1.07
AW491445	-1.12	1.32	-1.06	5.24	1.95	1.42	-1.15
AY078069	3.79	1.30	1.27	5.76	2.03	-1.05	-1.08
B230104P22Rik	-3.91	-1.92	-1.97	-4.43	-2.44	-6.61	-1.23
B230114P05Rik	-1.06	1.02	2.28	1.02	-1.02	1.80	13.92
B230208J24Rik	-1.17	2.64	2.67	-1.01	-1.09	2.15	5.53
B230343A10Rik	-1.99	-1.49	1.54	6.51	2.13	8.01	-1.46
B930008G03Rik	1.85	1.24	1.42	1.39	2.01	2.94	5.72
BC004728	5.75	6.26	8.08	1.40	1.11	1.74	1.02
BC011468	-1.18	-1.01	1.41	1.80	3.21	2.48	5.57
BC018222	1.06	14.22	12.48	-1.06	1.06	18.92	-1.02
BC030476	6.81	2.29	2.52	2.58	7.84	11.42	10.46
BC032204	-1.07	-1.05	-1.01	5.53	2.80	-1.07	-1.09
BC064033	-1.53	-1.43	-2.09	-2.03	-1.19	1.69	13.37
Bcl2a1d	-1.48	-1.12	-1.18	5.33	2.72	-1.50	-1.68
Bex4	13.73	2.26	5.64	-5.26	-4.70	-3.07	3.57
Bicc1	-3.03	-2.11	-2.98	1.29	1.00	1.17	5.82
Bing4	6.70	-1.02	1.14	-1.01	1.06	-1.03	-1.15
Blvrb	1.85	1.46	3.61	2.91	1.68	5.40	1.37
Bmp4	-1.88	-2.06	-3.56	-6.63	-9.41	-3.53	2.29
Bmper	-3.92	-2.20	-2.90	-3.23	-7.31	-3.90	2.71
Bnc1	-1.15	-1.17	1.06	-1.05	-1.23	2.79	11.64
Btk	-1.00	1.15	-1.03	11.05	4.79	1.07	-1.07
C1qa	-1.08	1.19	1.19	5.10	-1.02	-1.02	-1.18
C1qb	-1.82	-1.03	-1.11	25.50	-1.31	-2.48	-2.83
C1qg	-1.79	1.02	-1.01	20.50	-1.38	-2.10	-2.34
C1qtnf3	-3.15	-1.57	-3.41	-3.82	-1.27	-5.31	1.40
C230070D10Rik	1.25	1.08	1.64	1.88	2.61	3.10	5.55
C3	1.02	1.06	1.48	2.96	2.17	16.19	22.60
C330034C07Rik	6.14	1.40	1.01	1.08	-1.02	-1.01	-1.00
C430020H24Rik	7.86	1.19	-1.00	1.01	-1.05	-1.03	-1.15
C730010K05Rik	-1.06	-1.03	1.05	-1.01	1.14	6.30	1.01
C920027I18Rik	-4.12	-1.92	-2.76	-7.54	-3.73	-8.67	-1.98
Capn5	1.53	2.35	5.43	1.35	1.05	7.24	1.83
Car12	-1.04	1.56	2.63	2.63	9.71	9.35	4.98
Car4	7.23	1.47	1.80	-1.02	1.01	-1.04	-1.03
Car9	-1.04	-1.04	-1.06	1.08	17.81	6.46	1.19
Card4	1.90	2.38	1.20	1.30	-1.47	12.24	6.03
Casp1	-1.25	1.12	-1.02	10.55	4.73	1.35	-1.38

Ccl7	-2.48	-1.33	-4.27	-2.83	-3.52	-6.37	-12.75
Ccl9	1.09	2.04	-1.36	50.64	4.97	-1.04	-1.74
Ccnd2	-1.33	1.17	-4.38	-3.20	-2.89	-8.11	-9.72
Ccng1	-1.36	1.07	-1.16	-3.53	-3.22	-5.53	-7.74
Cd14	-1.43	1.65	1.03	16.39	10.00	1.94	3.82
Cd40	-2.49	-2.41	-2.58	-3.85	-4.34	-3.68	-5.02
Cd52	-1.12	1.15	1.17	18.19	2.17	1.20	-1.18
Cd68	-1.07	1.32	-1.07	18.55	10.13	1.14	-1.54
Cda	1.17	1.23	1.13	2.96	1.62	5.68	1.26
Cdc42ep2	-1.67	1.15	1.44	2.63	1.07	6.99	-1.49
Cdc42ep3	-6.66	-3.20	-2.49	-1.97	-1.70	-3.98	2.35
Cdh1	6.18	2.92	15.92	-1.03	1.03	1.22	1.02
Cdkn1a	-2.46	1.05	-1.27	-3.85	-3.90	-3.08	-11.48
Cdkn1c	-4.10	-11.86	-13.53	-10.31	-3.34	-3.61	-4.94
Cdkn2a	1.94	3.37	2.13	-1.11	-1.42	3.54	10.83
CDKN2A_p16_Ink4a_136	3.31	4.89	2.71	1.81	1.42	3.22	6.66
Cdo1	-2.53	-1.39	-4.52	1.15	-5.51	-4.26	1.73
Ch25h	-3.97	-2.81	-5.47	-11.44	-5.78	-12.67	-5.02
Chi311	1.19	3.82	7.92	1.10	3.63	7.94	1.33
Chrd	1.04	1.04	1.37	-1.16	-1.44	5.71	2.29
Chrna1	-5.87	-5.85	-7.20	-7.68	-7.99	-7.46	-8.14
Chst1	1.04	1.99	1.31	-1.36	-2.26	8.27	-1.67
Chst2	-4.00	-2.22	-4.42	-1.75	-3.48	-6.23	-6.25
Chst8	1.10	-1.11	-1.27	6.20	2.73	-1.29	-1.26
Ckb	1.97	1.70	1.89	-1.37	-2.11	-4.50	-8.49
Cldn11	-1.42	11.91	2.81	3.29	-1.09	4.86	-1.18
Cldn4	5.04	3.90	7.90	-1.87	-1.87	-1.15	-2.12
Cldn6	16.64	3.56	3.21	-1.36	-1.42	-1.30	-1.34
Clecsf8	-1.57	1.21	-1.21	20.54	12.98	-1.17	-1.92
Clu	-1.70	-1.37	1.45	-3.15	3.65	-1.54	6.63
Cmkor1	-1.09	-1.00	-1.01	1.01	1.14	5.65	-1.09
Col17a1	-1.04	1.18	-1.03	1.02	-1.10	5.28	-1.04
Col18a1	1.81	1.57	1.96	2.98	1.63	-3.28	-7.07
Col6a3	-1.63	-1.30	-3.88	1.11	1.30	2.88	-6.99
Col8a1	-2.15	-1.04	-2.23	-8.22	-5.12	-14.04	-3.07
Coq10b	-2.29	-1.45	-1.70	-4.31	-5.01	-5.46	-1.57
Coro1a	1.02	-1.10	1.10	22.26	7.59	-1.12	-1.51
Crabp1	-4.74	-2.33	-5.84	-11.00	-4.21	-1.98	-18.79
Crf1	1.50	2.70	1.64	1.26	-1.66	-3.80	-5.69
Csf1r	-1.19	-1.10	-1.07	9.00	2.26	-1.21	-1.27
Ctgf	-2.65	1.02	1.13	-10.24	-5.83	-31.14	-1.30
Ctse	-1.04	-1.05	1.03	5.32	1.34	-1.07	1.02
Ctsk	-3.60	-1.72	-4.09	-5.17	-15.23	-4.06	-15.76
Cx3cr1	-1.29	-1.23	-1.16	6.40	1.05	-1.25	-1.31
Cxadr	1.06	1.46	2.11	-2.20	1.05	-1.52	16.35
Cxcl12	-3.53	-1.95	-2.24	2.73	-1.65	-3.25	7.65
Cxcl16	-1.08	1.29	1.47	5.87	1.13	-1.01	1.68
Cxxc6	8.99	1.96	3.19	1.09	1.13	1.16	1.21
Cyp7b1	-1.32	-1.44	-2.33	3.79	-3.13	5.06	-1.11
D030026A21Rik	5.48	1.24	1.97	-2.36	-1.23	-2.01	-1.58
D0H4S114	-2.75	-2.34	-6.55	1.04	-4.66	-6.32	1.20
D10Ert438e	-1.69	-1.67	-1.98	-1.82	-1.54	-1.47	-5.63
D11Ert4636e	5.10	1.39	1.15	1.01	-1.01	-1.01	-1.03
D11Ert4759e	-3.12	-1.91	1.35	3.26	-1.17	-1.93	5.27
D12Ert4647e	-1.82	-1.19	-1.71	1.33	-7.78	1.16	1.34
D1Ert471e	-2.46	-2.22	-1.58	-1.30	-2.05	2.86	12.48
D430044G18Rik	-1.17	-1.13	1.02	1.36	1.12	1.44	5.33
D4Bwg0951e	-5.59	-1.96	-4.88	-1.00	-4.35	-3.06	-5.85
D5Ert4593e	-4.11	-3.07	-2.79	-5.26	-1.64	-2.69	-1.13
D630040I23Rik	-1.09	1.17	1.39	1.03	-1.13	1.05	7.40
D930010J01Rik	-1.59	-1.36	-1.38	1.65	4.11	6.15	-1.43
Daf1	-1.06	1.73	2.08	-1.66	-1.72	26.36	4.05
Dbp	-1.00	1.04	-1.90	-1.19	1.11	5.74	-1.51
Dcn	-3.90	-1.89	-3.20	-1.61	-5.85	4.35	6.77
Ddc	1.39	5.01	1.90	-2.30	-2.52	-1.48	-1.98
Ddit3	-12.09	-7.00	-12.06	-6.11	-4.43	-11.34	-3.15
Ddit4	1.78	1.85	1.12	1.42	4.60	7.74	1.01
Ddx3y	1.40	1.55	1.35	-1.23	1.88	5.12	3.78
Des	-6.85	-7.48	-8.34	-10.40	-9.63	-9.84	-4.40
Dkk3	1.18	1.74	1.73	-4.69	-8.60	-4.77	-2.47
DIK1	-11.97	-8.03	-4.39	2.52	1.82	1.27	-1.30
Dmkn	-1.08	4.04	8.37	-1.12	-1.05	8.99	-1.08
Dnmt3b	47.93	7.61	9.17	2.60	2.08	1.33	1.62
Dnmt3l	54.28	3.52	2.20	-1.05	2.17	2.01	-1.27
Dok2	1.90	14.89	18.60	2.11	1.62	1.04	-1.06
Dppa3	15.81	1.11	1.11	1.02	1.02	-1.02	1.06
Dppa4	17.26	1.63	3.31	-1.01	1.03	1.02	1.03

Dppa5	324.04	14.60	36.19	1.04	1.03	1.03	-1.01
Dpysl3	-3.51	-1.29	-2.67	-3.89	-4.41	-4.19	-7.64
Dyrk3	5.21	3.41	2.87	1.01	1.53	1.00	-1.40
E030026110Rik	-2.85	-1.50	-1.33	2.22	-1.30	-1.12	5.53
E130012A19Rik	14.12	11.79	20.14	2.37	2.78	2.36	-1.07
E130201N16Rik	-1.10	-1.01	-1.03	1.07	-1.03	4.68	5.98
E430002G05Rik	1.05	1.02	-1.10	-1.04	-1.12	11.68	1.18
E430003D02Rik	6.96	4.87	6.39	1.95	3.30	1.48	1.59
Ebaf	26.71	2.75	2.93	1.01	-1.03	-1.02	1.06
Ebi2	-1.00	-1.09	-1.12	6.93	1.61	-1.05	-1.04
Edn1	-2.90	-1.85	-2.07	-3.04	-2.91	-2.28	5.10
Ednra	-4.12	-3.19	-3.12	-1.89	-10.20	-4.00	-3.77
Efs	-1.69	-1.82	-3.75	-8.32	-8.49	-1.21	-5.84
EG638695	1.19	6.05	5.96	1.03	1.03	1.03	1.04
Elavl2	3.38	6.71	11.38	-1.89	-1.50	-1.49	-1.30
Eln	-4.89	-4.31	-6.47	-3.06	-5.45	1.25	-1.94
Emb	9.77	1.46	-1.52	8.95	1.61	3.36	1.61
Emcn	-5.02	-5.34	-4.16	-5.71	-5.29	-5.77	-5.48
Emilin2	-1.64	-1.25	1.21	4.01	2.98	17.86	-1.01
Emr1	-1.29	-1.06	-1.14	5.02	2.61	-1.33	-1.50
Eno2	-2.03	1.16	1.46	1.28	3.22	8.61	1.66
Entpd2	1.17	-1.00	1.27	5.16	2.43	1.78	1.43
Epb4.1l4b	1.79	1.38	1.84	1.64	2.02	5.04	1.62
Eraf	1.00	-1.03	-1.10	-1.00	1.00	15.96	-1.13
Eras	10.10	1.03	-1.03	-1.17	-1.15	-1.06	-1.14
Esrrb	19.98	1.32	1.19	-1.07	-1.03	-1.04	-1.10
Etsrp71	7.12	1.43	1.88	1.02	1.10	1.10	1.10
Etv5	5.84	3.41	3.64	-1.15	-1.33	-1.48	1.29
F11r	2.36	2.24	2.21	-1.21	-1.26	4.61	8.38
F2r	-2.23	-1.37	-1.01	-6.73	-2.75	-2.79	1.23
F730003H07Rik	1.27	1.21	1.71	1.25	1.34	1.40	11.48
Fabp3	1.69	-2.48	-2.14	-3.45	-3.31	-5.33	-3.69
Fbxo15	23.11	5.42	11.92	1.07	-1.02	1.08	-1.06
Fbxo2	2.00	1.47	3.47	-1.11	1.98	3.39	5.80
Fcgr3	-1.44	1.16	1.22	9.41	4.76	-1.55	-1.61
Fcgrt	-1.32	-1.07	-1.45	4.00	2.00	8.17	2.97
Fetub	1.04	6.32	3.97	-1.04	1.24	10.33	-1.07
Fez1	-3.32	-1.16	-1.93	-3.13	-1.82	-1.69	-5.26
Fgd2	1.27	-1.07	-1.00	7.13	1.87	-1.09	-1.10
Fgf17	5.63	1.21	1.01	1.03	-1.01	1.05	-1.02
Fgf21	-2.88	-2.88	-3.07	-3.00	-1.00	-2.67	5.66
Fgf5	6.72	1.53	1.35	5.91	2.35	-1.17	1.19
Fgf7	-1.84	-1.12	-1.11	1.03	-2.04	-7.33	-1.28
Fgf8	8.96	2.47	1.15	1.06	1.02	1.09	1.77
Fgfbp1	2.21	12.03	17.03	-1.14	-1.16	1.92	-1.14
Fhl1	-2.81	-2.13	-2.36	-12.90	-22.05	-12.17	-2.89
Fhl2	-5.21	-2.36	-3.15	-3.30	-2.03	-5.76	-2.38
Flrt2	-3.27	-1.39	-2.55	-4.66	-5.35	-2.58	-2.11
Fos	-5.35	-2.10	-2.26	-1.28	-2.18	-3.45	-1.92
Fst	-1.22	-1.36	-1.49	-3.23	-9.47	-11.47	-3.77
Fxyd3	-1.12	-1.24	1.02	-1.21	-1.29	6.88	1.16
Fxyd6	1.48	-1.46	-2.55	-15.09	-16.47	-9.26	-1.70
G1p2	-11.02	-5.47	-13.56	-1.24	-28.04	-23.48	-2.25
Gab1	5.65	-1.07	1.16	1.24	1.38	1.12	3.73
Gadd45a	-2.38	-2.89	-2.96	-5.32	-2.16	-2.00	-1.00
Gap43	-2.20	-2.65	-2.13	-1.61	-1.32	-7.91	-8.72
Gas6	-1.45	1.44	1.48	-1.18	-4.71	-7.84	1.94
Gata6	-1.21	-2.04	1.18	1.81	-4.13	4.63	17.85
Gbx2	12.83	3.57	2.45	-1.16	-1.35	-1.37	2.20
Gdf10	-1.65	-1.67	-1.76	-2.03	-2.09	7.90	-1.75
Gdf3	15.73	6.35	7.64	-1.03	-1.02	-1.04	1.10
Gfpt2	1.82	-1.02	1.61	-1.36	-1.62	15.50	-2.53
Gjb3	6.28	2.86	4.78	-1.54	-1.00	3.05	-1.41
Gldc	12.78	1.20	1.31	1.96	-1.29	-1.02	-1.28
Glipr1	-4.28	-2.22	-1.27	1.43	1.22	-4.45	-5.64
Gm1012	-5.81	-1.97	-3.79	-2.75	-1.70	-4.66	-3.37
Gm347	1.25	1.11	1.15	1.28	2.28	1.31	5.95
Gm484	1.05	1.68	5.77	1.15	1.19	27.78	1.18
Gna14	1.67	6.69	2.63	-1.00	1.05	1.25	1.44
Gngt2	1.05	2.52	1.51	1.97	1.25	9.24	-1.16
Gp38	-1.14	-1.16	-1.37	-1.37	-15.53	-1.33	3.07
Gpc3	-1.59	-3.51	-5.75	-2.98	-5.15	1.25	2.21
Gpm6a	1.04	-1.01	1.01	-1.00	-1.03	1.30	7.66
Gpnm6	-2.58	-1.53	-2.81	5.82	9.87	-1.76	-2.65
Gpr23	-3.29	-1.51	-2.47	-1.61	-1.71	-9.56	-9.02
Gpr65	-1.05	-1.09	-1.09	5.68	2.02	-1.03	-1.03
Gpx7	-3.09	-1.76	-8.21	-1.42	-19.23	-6.58	-2.64

Grb7	23.89	3.76	12.91	-1.06	-1.05	2.25	3.05
Gsc	7.22	1.69	-1.15	-1.37	-1.46	2.45	-1.18
Gsta4	7.50	7.10	5.79	-1.85	-2.02	-1.01	1.66
Gstm1	1.45	-1.13	-1.14	1.83	3.31	7.66	2.26
Gsto1	-3.14	1.30	1.23	-3.35	-2.99	-2.49	-5.11
Gstp2	7.16	2.16	59.47	-1.06	-1.07	18.74	-1.06
H19	-11.83	-9.71	-9.24	-1.24	-19.47	-9.39	-8.89
H1f0	-2.50	-2.15	1.19	1.07	1.05	2.26	5.38
H2-Ke6	-1.36	1.57	2.13	1.67	4.08	5.88	1.91
H2-Q5	-1.69	-1.35	-1.33	5.48	-1.41	2.74	1.52
H2-T17	-4.20	-2.92	-4.03	-1.14	-5.21	-2.35	-2.09
H6pd	-1.61	1.02	-1.26	1.01	1.13	5.49	1.89
Hal	1.23	-1.02	-1.05	1.56	2.30	1.04	7.19
Hap1	1.68	1.45	2.59	1.05	-1.03	1.09	7.02
Has2	-1.12	1.54	-1.03	1.52	-5.23	-2.57	-1.94
Hcph	2.16	1.21	1.10	6.70	3.22	-1.00	1.13
Hic1	-4.17	-2.90	-3.94	-1.29	-5.77	-4.78	-3.34
Hoxc9	-6.30	-1.59	-2.14	-2.67	-1.08	1.09	-1.48
Hpgd	-1.21	-1.16	-1.16	11.08	1.98	3.35	-1.24
Hsd11b1	-1.01	-1.03	-1.06	-1.07	1.14	11.30	-1.03
Hsd3b7	-1.01	3.00	1.98	2.71	3.22	11.27	2.17
Htra1	-5.85	-1.48	-1.25	-3.55	-4.02	-1.81	-3.44
Htra3	-1.12	-1.01	-1.11	1.26	-1.12	26.14	-1.25
Icsbp1	1.07	1.11	1.05	5.39	1.67	1.11	-1.03
Ifi47	-1.07	3.15	-1.13	9.77	-1.08	-1.18	1.84
Ifit3	-3.25	-1.42	-5.25	4.39	-3.67	-5.45	-2.22
Igf2	-6.58	-5.65	-2.21	-1.68	-285.31	-29.61	-14.35
Igfbp3	1.74	2.74	-1.14	-1.92	-4.23	-2.66	11.73
Igfbp4	-1.94	-1.84	-3.88	1.63	1.70	7.76	1.35
Igfbp5	-12.69	-12.52	-11.84	-12.35	-22.70	-25.36	-3.61
Igfbp6	-3.20	-1.47	-2.64	1.22	-1.48	8.89	1.30
Igh-6	-1.00	-1.01	-1.05	11.71	1.28	1.10	-1.06
Igsf4a	1.33	1.15	1.19	5.72	3.04	1.19	3.65
Ii1r1	-1.74	-1.26	-5.54	-3.92	1.28	-12.91	-12.31
Inhba	-2.05	1.28	1.44	-10.61	-5.61	-15.20	-6.76
Irak2	-3.04	-1.56	-1.44	-4.02	-3.80	-5.26	-1.92
Irak3	1.41	5.26	2.84	1.65	-1.89	2.46	1.20
Islr	1.15	-1.04	-1.34	6.83	-1.32	-1.35	1.00
Itga3	1.56	2.57	10.26	-1.39	1.60	1.60	5.60
Itgb4	1.25	11.23	9.81	-1.08	-1.05	14.58	1.68
Itm2a	-2.38	-2.66	-3.48	1.53	-2.07	-2.95	-7.88
Itpk1	4.59	6.96	15.94	1.68	2.26	3.49	1.49
Itp1	1.24	1.41	2.19	1.19	1.35	1.15	5.19
Jundm2	-5.30	-3.10	-4.15	-2.07	-2.74	-4.80	-1.70
Klf2	5.53	-1.25	-1.84	1.21	-1.38	-1.36	-1.95
Klh6	-1.24	-1.27	-1.36	7.15	2.48	-1.31	-1.41
Kng1	1.24	1.17	1.10	6.03	4.83	1.01	1.04
Krt1-14	-3.58	11.45	28.27	-4.50	-4.53	27.25	-2.61
Krt1-16	-1.12	5.64	2.35	-1.43	-1.33	2.05	-1.32
Krt1-17	3.69	6.47	73.49	-2.28	-2.55	-1.13	-1.96
Krt2-8	7.15	4.84	16.27	-1.84	-1.79	4.56	-1.21
Krt42	16.35	9.75	16.78	-1.00	1.14	1.14	1.13
Krtdap	-1.05	8.29	33.91	-1.33	-1.28	9.75	-1.33
L1td1	25.88	19.57	45.62	-1.03	1.01	-1.04	1.11
Lama5	2.59	2.63	3.30	-1.18	1.73	7.08	4.99
Laptm5	2.50	5.62	2.45	16.55	6.57	-2.18	-9.74
Lbp	1.02	1.24	-1.01	2.08	2.16	102.41	3.23
Lcp1	-1.17	1.08	-1.03	7.30	2.27	-1.08	-1.16
Leftb	17.12	2.86	3.21	-1.30	-1.44	1.15	1.23
Lgals3	-4.01	-1.01	1.56	1.20	1.77	2.45	-5.48
Lgals7	-1.03	6.51	9.04	-1.10	-1.16	21.48	3.30
Lgmn	-1.71	-1.23	-1.15	5.38	2.84	1.53	1.27
Lhx1	7.57	1.56	-1.08	1.02	-1.01	-1.07	-1.07
Lin28	7.03	1.42	1.29	-1.07	-1.08	-1.12	-1.12
Llgl2	6.94	3.02	7.62	-1.35	-1.68	-1.10	2.73
Lmo2	1.12	1.48	3.39	7.95	4.51	-1.13	-1.33
LOC212399	-1.65	-1.66	-2.13	-3.23	-2.11	-6.19	-6.66
LOC218617	-1.07	1.24	1.52	6.31	3.01	1.49	-1.10
LOC226691	-1.16	1.11	-1.60	5.16	1.18	-1.19	-1.66
LOC226866	-1.21	7.39	1.30	-1.32	-1.31	-1.33	-1.27
LOC231663	1.50	-1.04	-1.29	2.15	3.97	8.41	2.15
LOC233038	1.17	51.08	24.78	1.01	-1.07	19.11	-1.05
LOC240327	1.12	1.56	-1.07	9.77	-1.09	-1.12	1.04
LOC380706	-6.18	-1.62	-7.28	1.28	-11.64	-5.53	-2.02
LOC380980	-2.02	-1.42	-2.91	-6.13	-17.15	-16.15	-5.78
LOC381283	-1.02	1.16	1.93	-7.13	-8.09	-6.82	-5.50
LOC381284	1.15	1.15	-1.07	14.55	1.67	1.23	1.05

LOC381591	27.90	16.14	21.33	-1.07	-1.00	-1.02	1.00
LOC383308	19.98	1.03	1.13	1.17	1.60	1.65	-1.14
LOC383576	10.74	1.50	4.07	-1.72	-1.51	-1.43	3.33
LOC384179	5.17	1.11	1.05	1.04	1.16	1.18	1.01
LOC385086	1.11	1.04	16.16	1.31	2.24	1.55	5.42
LOC385959	2.35	1.20	1.28	1.23	1.02	1.23	5.40
LOC386112	1.28	1.21	1.63	1.26	1.63	1.90	8.30
LOC386144	1.26	1.16	1.27	1.07	1.21	1.15	5.33
LOC386169	1.05	1.05	1.10	-1.04	1.19	1.07	5.15
LOC386192	1.69	1.54	2.69	1.60	2.33	2.55	21.05
LOC386330	1.23	1.15	1.50	1.33	1.38	1.78	10.22
LOC386360	6.32	1.19	1.61	1.06	1.30	1.67	12.17
LOC386405	12.53	8.85	2.98	1.06	2.75	1.18	1.27
LOC620807	6.26	3.03	1.21	1.07	1.17	1.03	1.13
LOC634428	5.06	1.21	38.09	1.00	1.03	-1.03	1.06
Lpl	-2.98	-3.25	-2.79	4.77	3.68	4.67	16.91
Lpxn	-1.49	-1.36	-1.23	6.21	4.05	-1.37	-1.34
Lrg1	-1.12	-1.11	-1.08	-1.12	1.05	8.96	-1.15
Lrrc15	-5.48	-1.94	-2.05	-10.31	-2.82	-11.56	-13.16
Lrrc17	-8.63	-3.35	-7.83	-1.08	-4.56	-7.84	-11.27
Lrrn1	-3.95	-5.34	-5.17	-5.14	-5.23	-5.21	-5.39
Ly6a	-1.08	7.14	4.54	2.11	1.60	5.36	-14.66
Ly6c	-1.22	18.06	12.17	4.82	4.86	19.21	-2.40
Ly86	-1.14	1.07	-1.30	24.78	1.30	1.18	-1.19
Lyl1	-1.02	-1.02	1.04	5.10	3.31	1.06	-1.06
Lyz	-1.22	2.57	-1.16	6.84	6.42	-1.15	-9.38
Lyzs	-1.29	2.77	-1.24	13.72	11.51	-1.38	-4.80
M32486	-1.08	3.96	1.96	-1.32	1.60	5.93	-1.60
Mal	-1.01	15.56	8.83	1.01	1.01	4.72	1.01
Manba	8.52	1.32	1.20	3.07	-1.07	1.06	2.16
Mdk	-1.00	-2.62	-3.54	-11.72	-12.67	-13.96	-3.89
Mela	11.65	9.58	15.72	7.78	-1.52	7.00	2.58
Mest	-1.36	-2.65	-1.29	1.37	-3.37	-7.37	1.04
Mfap4	-8.70	-8.73	-13.48	-5.32	-2.60	-6.91	-7.34
Mgl1	1.12	1.18	1.11	6.67	1.76	1.15	1.08
Mgl2	-1.02	-1.02	-1.02	5.60	1.44	1.11	1.00
Mglap	5.72	3.80	-1.21	4.87	2.72	-1.09	2.66
Mgst1	-1.56	1.32	1.15	3.28	1.78	10.71	11.35
Mgst2	1.29	1.65	1.32	5.67	9.81	14.02	2.29
Mmp23	-1.68	-1.12	-3.75	-5.21	-5.77	-5.90	-1.44
Mpeg1	-1.15	1.08	1.19	7.16	2.74	-1.34	-1.40
Mreg	7.94	1.66	3.09	1.14	1.88	1.80	1.16
Mrgprf	1.02	1.80	-1.17	3.19	2.47	8.82	-2.18
Mrppif3	5.91	9.16	3.62	29.78	-1.22	1.66	-1.07
Ms4a6d	-1.55	-1.17	-1.23	10.91	3.07	-1.64	-2.04
Msc	3.03	13.80	1.40	-1.20	-1.19	-1.12	-1.25
Msh6	6.29	1.90	3.60	1.21	1.79	1.41	4.24
Msln	-1.04	12.53	13.02	-1.05	1.04	4.84	2.29
Msr2	-1.13	-1.06	1.19	5.66	-1.28	-1.39	-1.31
mtDNA_ND6	-1.04	1.05	1.22	-1.03	6.76	1.41	1.05
Mybl2	5.26	2.11	3.05	1.45	1.83	1.10	1.90
Myh3	-14.17	-17.18	-12.96	-18.31	-17.75	-16.51	-18.49
Myl1	-34.40	-33.25	-33.29	-31.35	-33.95	-31.09	-31.85
Myl4	-22.12	-32.16	-24.57	-30.77	-46.71	-41.99	-34.77
Myl7	1.06	-1.05	2.06	-1.25	-1.18	10.72	-1.17
Myl9	-5.03	-1.93	-3.01	-10.56	-18.72	-23.53	-4.31
Mylk	-6.34	-2.77	-7.07	1.29	-1.54	-10.46	1.66
Mylpf	-1.49	-4.80	-5.25	-33.13	-28.80	-31.47	-35.76
Nanog	32.68	2.79	20.81	1.10	1.04	1.04	1.18
Ncf4	-1.34	-1.12	-1.18	11.91	4.00	-1.07	-1.37
Ndn	-2.54	-1.57	-1.39	-2.29	-7.25	-17.80	-3.71
Ndrp1	-3.07	-2.82	-2.16	-1.69	1.60	5.42	-1.09
Nes	-2.05	-1.43	-1.01	-2.56	-2.92	-7.33	-2.78
Nfil3	-5.50	-2.75	-3.70	1.02	1.42	2.08	1.08
Nid2	1.88	-1.10	1.06	2.22	-1.81	-1.12	5.36
Nme7	1.74	1.16	-1.16	-1.10	1.07	-1.35	10.76
Nodal	10.11	2.86	1.99	1.04	1.02	-1.03	-1.05
Nqo3a2	-2.21	-1.51	-4.70	-3.27	-2.86	-8.18	-1.85
Nr6a1	10.00	1.80	2.40	1.61	1.36	1.36	1.94
Nrn1	1.81	3.58	17.48	6.77	12.89	45.14	3.46
Nt5e	3.03	6.31	5.84	4.25	4.97	9.52	1.01
Nup210	9.84	4.50	15.10	10.13	7.69	2.67	4.99
Oasl2	-3.56	-2.26	-6.04	2.91	-6.39	-2.91	1.38
Ogn	-5.35	-2.80	-3.67	2.31	1.37	1.55	1.32
Olig1	15.24	1.20	1.05	1.49	1.35	-1.10	1.01
Orm1	1.10	-1.08	1.05	-1.02	1.07	12.73	-1.00
Osr2	-2.53	-2.18	-2.35	4.46	1.86	5.55	-1.36

Otx2	13.42	1.98	2.85	1.06	1.02	1.07	-1.02
P2ry14	-1.19	-1.13	-1.23	-1.02	9.79	4.73	-1.23
P2ry6	1.01	1.41	1.54	9.32	1.74	-1.79	-1.72
Pappa	-3.36	-1.69	-3.63	-3.58	-6.00	-7.68	-4.68
Pcp411	-1.16	1.02	-1.25	-1.68	6.29	-1.68	5.08
Pdk1	6.82	2.54	3.01	2.75	7.33	9.40	1.53
Pdlim4	-1.45	-1.19	-2.44	1.95	2.33	6.05	1.56
Pdrg1	-1.30	1.06	-1.68	-1.93	-4.14	-6.58	-4.45
Pem	57.92	7.22	28.14	-1.29	-1.30	-1.31	-1.31
Pfkl	3.08	2.39	2.85	2.15	3.27	5.07	2.52
Phlda1	-1.38	1.70	2.27	-1.10	-2.93	-5.95	-1.12
Phlda2	17.55	3.21	15.99	-1.28	1.13	-1.10	-1.39
Phlda3	-2.23	-1.22	-2.24	-2.99	-3.09	-2.79	-9.97
Piwil2	1.72	1.24	1.28	1.16	1.11	5.75	1.01
Pkia	-3.82	-2.81	-3.08	-6.52	-3.59	-6.81	-1.27
Pla2g1b	29.25	1.24	1.24	1.05	1.07	-1.08	-1.00
Plac8	1.18	-1.42	-1.14	3.35	1.01	-1.61	-11.12
Plcg2	4.18	1.62	3.38	9.38	3.78	-1.23	-1.22
Plekhf2	5.11	3.48	3.05	1.42	-1.16	-1.10	-1.07
Plekhh1	2.34	5.25	9.32	-1.39	-1.02	-1.10	1.10
Plf	3.89	5.12	2.73	20.74	-1.09	1.33	-1.06
Plf2	7.21	10.03	3.89	32.85	-1.16	1.74	-1.02
Plk2	-5.42	-2.23	-2.07	-3.35	-3.50	-10.25	-1.30
Plp	-1.75	-1.81	-1.80	5.71	4.95	-1.59	-1.33
Pnma2	5.12	2.11	3.83	-1.08	-1.06	1.14	1.39
Pou5f1	65.47	49.92	45.81	1.06	1.00	1.01	-1.04
Ppap2b	1.36	1.85	-1.06	6.36	-1.79	6.61	-1.16
Ppbp	2.26	6.86	2.00	-1.22	-1.14	-1.14	-1.34
Ppp1r3c	1.04	-1.07	-1.33	1.94	4.90	6.52	1.85
Prelp	2.66	10.14	1.27	7.74	-1.09	22.63	1.01
Prf1	4.45	1.81	2.02	1.99	9.05	8.93	7.54
Prg	-1.10	7.78	6.34	1.59	1.06	1.00	1.02
Prg4	1.05	1.65	1.40	-1.49	-1.38	43.24	-1.24
Prkcdp	-5.14	-1.27	-3.56	-1.13	-1.39	1.13	-4.19
Prss19	1.26	-1.19	2.67	1.06	-4.93	-1.33	-6.86
Pscd4	-1.15	-1.03	-1.04	10.88	3.68	-1.22	-1.45
Pscdbp	-1.15	-1.19	-1.06	7.78	2.81	1.13	1.14
Psemb9	1.54	2.09	1.36	5.30	1.19	1.98	1.25
Ptgis	1.14	-1.61	-1.24	-3.52	-1.43	6.72	5.65
Ptpn18	1.21	1.10	1.08	5.13	2.30	1.14	1.02
Ptpns1	-1.25	-1.21	-1.12	7.28	3.43	2.34	2.35
Ptx3	-8.58	-2.85	-9.49	1.12	1.41	-6.31	1.83
Pygl	-1.01	1.31	1.17	-1.03	1.56	6.61	-1.09
Rasl11a	-1.40	-1.21	1.04	1.16	2.64	5.34	18.89
Rasl11b	-3.12	-2.78	-2.80	-5.40	-3.71	-3.16	-1.02
Rassf4	1.03	1.03	-1.04	5.56	2.30	1.30	1.20
Rbm35a	15.00	7.30	29.46	-1.03	1.04	1.85	-1.04
Rbp4	1.01	-1.00	1.08	1.09	9.05	1.93	1.14
Rbpms2	8.01	1.79	1.24	-1.68	-1.29	-2.30	-1.18
Rgs16	-1.38	1.23	-1.05	1.15	-1.03	-5.18	-3.68
Rgs4	-5.64	-3.55	-4.68	-3.09	-1.39	-6.60	-5.53
Rhbdl2	2.69	1.64	2.26	1.95	4.44	7.33	9.83
Rhoe	-2.20	-1.67	-2.35	-1.51	-2.48	-5.44	1.30
Rin2	-1.21	-1.11	-1.08	3.58	2.28	2.43	5.42
Ris2	2.73	1.22	2.36	1.38	2.48	1.11	5.23
Rnf130	-2.56	-2.16	-3.36	1.59	1.14	-6.46	1.06
Rnu6	-1.63	-1.91	-3.14	1.52	1.15	-1.94	-5.56
Rog	5.59	19.15	27.79	1.12	1.26	1.27	-1.01
Rpp25	5.23	2.02	4.78	-1.08	-1.29	1.63	6.32
Rragb	5.56	1.56	1.27	1.18	1.83	1.17	1.91
S100a3	-1.14	12.52	9.79	-1.12	1.01	1.20	-1.03
Saa3	1.02	7.66	5.56	1.03	1.61	51.28	71.72
Sall4	22.25	4.62	4.95	-1.05	-1.02	1.04	-1.03
Sbsn	-1.01	1.30	1.33	1.07	1.34	11.06	-1.02
Scara5	1.11	2.02	7.98	1.47	-1.03	59.54	1.15
Scin	-1.16	-1.15	-1.16	-1.14	-1.28	6.95	-1.21
scl000057.1_28_REVCOM	1.75	-1.07	-1.38	-1.91	1.02	-2.45	22.05
scl0001849.1_2273	1.45	2.02	1.46	-2.98	-3.27	-6.37	1.01
scl0002617.1_582	1.42	1.31	2.16	2.67	2.41	5.99	2.47
scl0002956.1_592	-1.92	-1.03	-1.28	-2.79	-3.03	-5.36	1.05
scl0003799.1_2	-2.69	-2.22	-2.47	1.64	-1.07	1.28	7.78
Sdc3	-1.84	-1.12	-1.23	-1.25	-1.28	-6.63	-6.16
Sdpr	-1.05	1.85	1.09	-3.57	-9.14	-6.92	1.65
Selenbp1	1.06	1.11	1.10	3.11	6.55	23.46	1.31
Selenbp2	-1.04	-1.01	-1.03	1.65	2.60	7.95	-1.04
Sema4a	1.72	1.69	2.29	5.68	1.61	6.32	3.74
Serpina3n	1.13	1.41	-1.11	2.35	-1.09	9.41	1.13

Serpinb6b	-1.29	-1.13	1.06	-1.45	-1.39	2.18	7.29
Serping1	-1.44	1.34	-1.82	-1.09	-2.17	12.79	3.60
Sesn1	1.12	1.12	1.13	6.56	2.89	2.82	2.62
Sfn	3.44	6.06	8.19	-1.10	-1.13	1.25	-1.16
Sfrp1	-1.10	-1.06	-1.12	7.31	1.30	-1.85	14.17
Sfrp2	-1.43	-1.92	-1.91	9.04	1.06	2.70	5.72
Siat10	-1.30	7.69	4.74	-1.15	2.06	3.87	1.50
Sim2	1.09	1.29	1.06	-1.18	1.08	5.16	2.74
Sirpb1	-1.12	-1.02	-1.09	7.48	1.52	1.17	-1.17
Slc2a3	14.66	7.09	8.78	1.02	-1.22	-1.45	1.29
Slc38a5	1.62	133.20	87.26	1.02	1.02	1.02	1.20
Slc7a3	3.31	2.39	1.89	-4.38	-1.39	-4.49	5.00
Slc9a3r1	4.30	3.36	3.60	1.04	1.27	1.76	12.44
Slp	-1.08	1.01	-1.10	1.54	2.40	27.54	2.24
Slpi	4.22	1.02	-1.01	1.30	18.09	6.91	1.51
Smpd3	1.00	1.11	1.04	-1.09	-1.02	1.16	5.38
Smpdl3b	3.07	1.84	1.70	4.66	9.27	6.23	4.19
Snrpn	7.92	3.23	2.98	-1.42	-1.00	1.03	-4.84
Snurf	7.59	3.95	2.10	-1.35	1.08	-1.11	-6.30
Socs3	2.62	2.83	2.16	4.08	3.69	6.73	2.58
Sox10	-1.64	-1.80	-1.90	7.44	7.50	-1.96	-1.86
Sox11	-1.36	-2.03	-2.29	-5.84	-1.58	-2.83	-3.89
Sp5	19.10	4.83	2.72	1.03	-1.10	-1.13	1.14
Spink3	17.89	1.50	1.09	-1.10	-1.01	-1.06	-1.09
Spint1	6.67	3.57	5.39	1.05	1.00	1.66	3.98
Spon2	-2.49	-1.61	-2.98	1.88	-1.57	21.65	-1.62
Spp1	2.53	2.35	3.29	1.40	1.42	-3.94	-5.86
Sprr1b	-1.29	1.16	2.51	-1.27	-1.22	19.72	-1.32
Sprr2k	-1.98	1.81	-1.09	-4.80	-5.68	-3.53	-2.25
Srpx2	-2.26	-1.47	-2.47	1.86	-1.24	-7.13	-7.46
Srr	3.19	1.75	1.99	1.89	3.43	4.23	6.32
Stac2	1.23	-1.01	1.40	1.47	1.83	7.05	1.02
Stc2	-1.58	-1.16	-1.49	4.62	5.71	1.44	2.37
Stmn2	5.54	9.56	9.86	-2.09	-1.57	-1.32	-2.01
Stxbp2	2.01	2.26	2.86	3.73	5.51	6.97	2.73
Sulf1	-1.00	1.36	-1.01	-4.30	-4.27	-6.89	1.88
Sult4a1	5.49	2.31	6.91	-2.27	1.04	-2.26	-2.95
T	12.82	3.61	1.25	1.05	1.00	-1.01	-1.02
Tcea3	16.40	2.88	2.91	4.59	2.19	1.26	2.61
Tcf15	5.16	2.01	1.15	-1.03	-1.06	-1.03	-1.08
Tcf21	-1.17	-1.10	-1.15	1.05	-1.02	-1.04	16.43
Tcfap2c	9.72	2.39	3.52	-1.01	-1.03	5.99	1.20
Tcfcp2l1	28.56	3.52	8.55	-1.05	1.01	-1.02	5.88
Tdh	42.45	7.50	4.12	-1.04	1.06	1.04	1.07
Tes	-1.89	-1.10	-1.06	-2.19	-2.83	-5.06	-1.48
Tex19	14.56	1.30	7.23	1.02	1.07	1.04	1.02
Tgfb1i1	-3.78	-1.97	-5.47	-2.20	-19.08	-2.26	-4.42
Tgfb3	-5.79	-2.18	-2.79	-5.53	-2.50	-3.98	-1.81
Tgfb1	-1.48	-1.10	-1.43	6.63	6.24	2.21	2.16
Thbd	1.33	2.19	1.62	-2.64	-3.08	5.16	2.67
Thbs2	-5.13	-2.18	-2.01	-1.35	-1.40	-1.53	-2.39
Thy1	-2.78	-1.72	-1.26	-3.91	-26.15	-1.56	-6.01
Tle6	1.35	1.36	2.09	2.72	3.04	5.75	1.17
Tlr2	-1.48	2.78	1.35	11.99	4.76	1.78	1.14
Tlr4	-1.16	-1.01	-1.19	1.44	1.51	6.11	-1.11
Tlr7	1.04	1.04	-1.07	6.73	2.02	1.13	1.09
Tm4sf3	1.16	1.40	2.92	1.06	1.10	26.06	6.53
Tmem108	-1.36	-1.27	-1.12	-1.39	-1.41	-1.25	6.03
Tmie	1.08	1.19	1.33	-1.03	4.02	5.52	1.31
Tnc	-1.94	-1.21	1.09	-1.94	-3.52	-9.40	-2.07
Tnfrsf11b	-2.38	1.23	-1.76	-2.72	-6.33	-8.76	-4.18
Tnfrsf12a	-2.64	-1.23	-1.31	-4.39	-2.18	-5.12	-1.07
Tnnc1	-42.07	-29.81	-36.90	-34.10	-25.72	-15.86	-50.02
Tnnc2	-6.96	-6.83	-7.27	-7.11	-6.72	-7.56	-7.35
Tnni1	-5.84	-4.99	-6.05	-6.00	-5.50	-5.58	-5.61
Tnnt1	-9.94	-13.05	-13.06	-16.23	-15.33	-20.53	-8.59
Tnxb	-1.02	-1.01	1.03	-1.04	1.07	5.57	-1.02
Trem2	-1.30	-1.03	-1.02	13.79	8.09	3.07	-1.18
Trf	1.19	-1.14	-1.25	3.79	1.13	-1.20	5.46
Trh	158.63	16.84	1.12	1.06	-1.09	-1.05	-1.04
Trib3	-6.81	-5.54	-7.15	-7.29	-1.99	-12.84	1.12
Trim72	-5.68	-5.24	-5.67	-5.12	-5.28	-5.51	-5.34
Tspan32	1.10	5.51	1.94	1.93	2.57	3.98	-1.10
Tuba1	-2.07	-1.85	-1.04	-1.79	-2.42	-7.70	-1.73
Tuba1a	-1.63	-1.73	-1.85	-1.82	-2.79	-6.77	-2.83
Tubb2b	-1.33	-1.69	-1.01	-1.78	-1.84	-5.03	-3.03
Twist2	-4.25	-2.09	-2.61	-2.64	-1.62	-1.79	-7.44

Txnip	-1.18	-1.13	1.02	1.91	2.48	8.42	5.51
Tyrobp	-1.09	1.12	1.02	16.14	7.47	1.00	-1.32
Ucn2	-1.15	1.08	1.09	7.91	3.03	-1.17	-1.08
Ugt1a10	1.15	3.31	2.49	9.72	2.41	17.91	2.76
Ugt1a9	1.18	3.44	2.59	8.64	2.32	16.58	2.61
Unc13b	1.28	-1.00	1.77	-1.01	-1.35	-1.21	7.63
Upk1b	-1.20	5.50	6.86	-1.15	-1.26	3.16	15.30
Upk3b	-1.15	1.01	3.75	-1.15	-1.16	2.17	26.76
Upp1	35.13	10.00	5.35	-1.19	-1.04	-1.21	-1.24
Usp18	-7.33	-3.78	-9.49	-1.01	-13.16	-12.02	-2.05
Utf1	18.43	2.08	3.07	1.06	1.01	1.06	1.00
Vav1	-1.10	1.04	1.07	7.04	2.34	-1.13	-1.04
Vil2	4.50	1.94	3.14	-1.06	1.24	2.59	8.84
Was	1.15	1.08	-1.16	8.40	3.77	-1.17	-1.04
Wisp1	-7.37	-3.53	-5.62	-4.12	-2.79	-9.08	-2.08
Wisp2	1.58	4.72	-1.74	1.21	-1.29	-1.36	-5.75
Wt1	-1.96	-2.06	3.35	-2.15	-1.99	2.00	27.00
Xdh	-1.06	1.00	1.00	1.92	3.09	14.42	3.44
Xlr4a	-1.46	-1.57	3.21	-1.59	-2.34	7.10	1.24
Ybx3	1.09	1.68	2.42	-2.89	-1.74	1.51	5.78
Zcchc5	-4.54	-4.20	-5.49	-1.06	-1.92	-5.69	-5.36
Zfp296	7.43	3.19	3.24	1.30	1.39	1.41	-1.03
Zfp42	13.66	1.43	3.03	-1.13	-1.03	-1.01	-1.04
Zic1	-3.04	-1.66	-3.37	-5.57	-5.54	-2.21	1.11
Zic3	12.09	3.46	4.32	-1.31	-1.33	-1.28	-1.36
Zscan10	6.21	2.36	2.60	-1.01	-1.04	-1.12	-1.07
Zxda	2.87	1.55	2.05	1.66	3.81	7.08	6.52