

**Supplementary Table 1.** DNA sequences of individual clones containing PCR-amplified repair junctions from ten different plants following BAR expression cassette removal.

DNA Sequence	Plant Number	Number of Clones
GAGGATCCTCCGGGTCGTACGACCCGGAGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	1	2
GAGGATCCTCCGGGTCG.....GAATTCGTAATCATGT	1	3
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	1	5
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	1	6
GAG.....CTCGAATTCGTAATCATGT	1	7
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	2	1
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	2	2
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	2	3
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	2	4
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	2	6
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	2	8
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	5	1
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	5	3
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	5	4
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	5	5
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....47bp	5	8
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	8	1
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	8	2
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	8	3
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	8	5
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	8	7
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	8	8
GAGGATCCTCCGG.....AGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	9	1
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	9	3
GAGGATCCTCCGG.....AGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	9	4
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CCGGAGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	9	5
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	9	7

GAGGATCCTCCGGGTCGTACGACCCGGAGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	9	8
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	10	2
GAGGATCCTCCGGGTCGTACGACCCGGAGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	10	3
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	10	3*
GAGGATCCTCCGGGTCGTACGACCCGGAGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	10	4
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	10	5
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	11	4
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	11	5
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	11	6
GAGGATCCTCCGGGTCGTACGACCCGGAGGTACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	11	7
GAGGATCCTCCGGGTCGTA.....ATCATGT	11	8
GAGGATC.....TACCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	15	1
GAGGATCCTCCGGGT.....atCGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	15	3
GAGGATCCTCCG.....AGCTCGAATTCGTAATCATGT	20	2
GA.....GCTCGAATTCGTAATCATGT	23	3
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	23	4
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	23	5
GAGGATCCTCCGGGTCGTAC.....CGAGCTCGAATTCGTAATCATGT	23	6