

GO:ID sorted	FRG7	FRG4	FRG6	FRG2	FRG3	FRG5	FRG28	FRG27	FRG26	FRG24	FRG11	FRG1	FRG25	Number of shaGO function	
6066	2.8E-11	9.7E-10	4.4E-07	6E-11	8.3E-06	0.00001	9.8E-16	8.4E-15	4E-08	1.9E-11	7E-07	2.2E-07	2.4E-07	13	alcohol metabolic process
6629	1.1E-14	8.8E-17	8.5E-12	3E-21	7.6E-11	1.1E-13	2.7E-16	3E-15	1.9E-11	4.5E-12	6.2E-20	1.4E-07	3E-19	13	lipid metabolic process
6694	6.2E-16	1.8E-17	1E-12	1.2E-12	2.9E-09	9.7E-10	5.1E-29	6.1E-26	1.7E-20	4.3E-22	7.6E-17	1.1E-15	1.6E-14	13	steroid biosynthetic process
6696	1.1E-17	5.6E-17	1.8E-12	6.5E-12	1.6E-11	6.1E-10	6.7E-27	1.3E-28	8.3E-21	3.3E-24	8.6E-15	1.6E-17	3.2E-16	13	ergosterol biosynthetic process
8202	9.3E-18	1.4E-17	6.3E-12	7.7E-14	5.9E-09	6.4E-08	1.4E-26	9.7E-26	5.8E-18	5.4E-20	7.9E-16	7.7E-14	1.4E-11	13	steroid metabolic process
8204	2.1E-17	1.7E-16	6.3E-12	2.7E-11	4E-11	9.7E-10	1.9E-26	3.5E-28	1.7E-20	6.2E-24	4.4E-14	2.6E-17	1.4E-15	13	ergosterol metabolic process
8610	4.6E-12	1.4E-17	6.4E-14	7.2E-17	1.4E-09	1.1E-13	1.6E-18	9.1E-16	7.2E-12	1.9E-15	2.4E-27	3.7E-08	1.2E-17	13	lipid biosynthetic process
16125	7.9E-18	1.1E-17	1.8E-12	1.9E-13	2.7E-09	3.4E-08	6.7E-27	5E-26	2.4E-18	2.6E-20	1.9E-16	4.1E-14	4.9E-12	13	sterol metabolic process
16126	6.2E-16	1.8E-17	1E-12	1.2E-12	2.9E-09	9.7E-10	5.1E-29	6.1E-26	1.7E-20	4.3E-22	7.6E-17	1.1E-15	1.6E-14	13	sterol biosynthetic process
16128	2.1E-17	1.7E-16	6.3E-12	2.7E-11	4E-11	9.7E-10	1.9E-26	3.5E-28	1.7E-20	6.2E-24	4.4E-14	2.6E-17	1.4E-15	13	phytosteroid metabolic process
16129	1.1E-17	5.6E-17	1.8E-12	6.5E-12	1.6E-11	6.1E-10	6.7E-27	1.3E-28	8.3E-21	3.3E-24	8.6E-15	1.6E-17	3.2E-16	13	phytosteroid biosynthetic process
43094	8E-08	0.0001	0.00486	0.0024	0.00032	0.00047	2.1E-08	1E-09	5.8E-07	1.3E-08	0.00002	0.00006	0.00007	13	cellular metabolic compound salvage
44255	7.7E-10	1.5E-10	1.3E-08	7.2E-17	7.6E-09	9.7E-10	0.00001	2.4E-06	0.00003	0.00012	5.3E-15	0.00025	3.2E-16	13	cellular lipid metabolic process
44281	4.5E-06	0.00008	9.4E-07	1.9E-13	0.00062	0.00001	2.6E-07	1.7E-07	0.00083	7.8E-06	1.7E-06	4E-06	3.4E-06	13	small molecule metabolic process
6633	0.04578	0.00033	0.0077	0.00011	4E-07	0.00094	0.02845	0.04052	0.00804	0.00069	0.00039	#N/A	0.00007	12	fatty acid biosynthetic process
55114	0.00745	0.00448	0.00666	0.00013	0.00341	#N/A	0.00002	6E-06	0.00422	0.00015	0.01519	0.00014	0.00038	12	oxidation reduction
9058	#N/A	0.0115	0.00116	0.00004	0.00744	0.00039	0.00119	0.03087	#N/A	0.00119	0.02966	0.01695	#N/A	10	biosynthetic process
6631	0.00172	0.02001	#N/A	0.00038	0.00021	0.04024	#N/A	0.02279	#N/A	0.0126	0.00218	#N/A	0.00026	9	fatty acid metabolic process
44238	#N/A	#N/A	#N/A	0.00225	0.00345	0.00012	0.01536	#N/A	#N/A	0.00661	0.01519	0.03686	#N/A	7	primary metabolic process
6643	#N/A	0.00018	1.5E-06	1.6E-10	0.00002	0.00494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00449	#N/A	0.00001	7	membrane lipid metabolic process
6665	#N/A	0.00018	1.5E-06	1.6E-10	0.00002	0.00494	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00449	#N/A	0.00001	7	sphingolipid metabolic process
6810	#N/A	0.01931	0.00014	0.00003	2.2E-06	0.00012	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00017	#N/A	0.00001	7	transport
8104	#N/A	0.01478	0.00003	0.00075	1.2E-07	0.00001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.01528	#N/A	0.01206	7	protein localization
9987	#N/A	0.01478	3.1E-06	7.7E-09	1.6E-09	0.00002	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00411	#N/A	0.00387	7	cellular process
15031	#N/A	0.02366	0.00011	0.00057	9.6E-07	0.00003	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.01512	#N/A	0.02074	7	protein transport
33036	#N/A	0.00879	3E-06	0.00011	9.3E-09	5.4E-06	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00267	#N/A	0.01168	7	macromolecule localization
45184	#N/A	0.0115	0.00018	0.00075	1.6E-06	0.00001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.01512	#N/A	0.00852	7	establishment of protein localization
46907	#N/A	0.02611	0.00005	0.00033	7E-06	0.00372	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.02329	#N/A	0.02047	7	intracellular transport
48193	0.01205	0.00033	0.00513	0.00008	7.2E-06	0.04739	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	3.4E-06	7	Golgi vesicle transport
51179	#N/A	0.02366	1.9E-06	0.00009	5.7E-09	0.00006	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00031	#N/A	9.8E-06	7	localization
51234	#N/A	0.0175	0.00003	0.00006	3.4E-07	0.00005	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00008	#N/A	8.5E-06	7	establishment of localization
51641	#N/A	0.04925	9.9E-08	0.00007	2.5E-09	0.00009	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.01948	#N/A	0.00822	7	cellular localization
6869	#N/A	0.03848	0.00034	0.01302	0.02377	0.01642	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.02329	#N/A	#N/A	6	lipid transport
6984	#N/A	0.01795	0.00528	0.02047	0.00333	0.01311	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00819	#N/A	#N/A	6	ER-nucleus signaling pathway
10876	#N/A	0.04428	0.00051	0.01617	0.02848	0.01925	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00819	#N/A	#N/A	6	lipid localization
6644	#N/A	0.00568	0.02149	0.00016	#N/A	0.00001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00002	#N/A	0.00096	6	phospholipid metabolic process
6650	#N/A	0.01341	0.04343	0.00368	#N/A	0.00035	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00005	#N/A	0.00991	6	glycerophospholipid metabolic process
16192	#N/A	8.6E-06	0.00513	6E-09	5.8E-11	0.00003	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	1.5E-08	6	vesicle-mediated transport
19637	#N/A	0.00674	0.02705	0.00007	#N/A	0.00001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00002	#N/A	0.00129	6	organophosphate metabolic process
32787	0.02809	0.01139	#N/A	0.00075	0.03196	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.02329	#N/A	0.00331	6	monocarboxylic acid metabolic process
46486	#N/A	0.0175	0.02889	0.00653	#N/A	0.0001	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00002	#N/A	0.0154	6	glycerolipid metabolic process
51649	#N/A	#N/A	5.9E-06	0.00004	9.6E-08	0.00035	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00287	#N/A	0.01819	6	establishment of localization in cell
6464	#N/A	0.00074	0.00107	0.01459	0.0119	0.01311	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	5	protein modification process
6673	#N/A	0.03763	0.03084	0.00275	0.01996	0.00372	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	5	inositolphosphoceramide metabolic process
8152	#N/A	#N/A	#N/A	0.00028	0.00089	0.00004	#N/A	#N/A	#N/A	0.02464	#N/A	0.02404	#N/A	5	metabolic process
16053	#N/A	#N/A	0.00513	0.00954	0.00147	0.00476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.04902	#N/A	#N/A	5	organic acid biosynthetic process
23033	#N/A	0.0243	0.01859	0.00129	0.00002	0.04106	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	5	signaling pathway
23034	#N/A	0.0132	0.01753	0.0026	0.00002	0.01971	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	5	intracellular signaling pathway
46394	#N/A	#N/A	0.00513	0.00954	0.00147	0.00476	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.04902	#N/A	#N/A	5	carboxylic acid biosynthetic process
6672	#N/A	#N/A	0.0274	0.00033	0.01539	0.00145	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00062	5	ceramide metabolic process
46519	#N/A	#N/A	0.04047	0.00007	0.02393	0.00252	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00129	5	sphingoid metabolic process
70972	#N/A	#N/A	0.00681	0.04887	#N/A	0.04003	#N/A	#N/A	#N/A	#N/A	0.00198	#N/A	0.00031	5	protein localization in endoplasmic reticulum

P-values of enrichment relative to the yeast genome