

Chr	Pos	Ref SNP	Left (Forward) Primer	Right (Reverse) Primer	Mouse1	Mouse2	Mouse3	Sanger:
chr10	51889817	A	TGAAAGCTTTGAATAATTTAAGGACAA	GAATAGTGAAGTGAATGCTGTTTCC	1/1	0/1	0/1	TP
chr1	46261086	A	ATGAAATACAGTGAATAACATGAGCA	CACACTGTAGGAGTGTGACACAT	1/0	1/1	1/1	FP
chr11	72731358	T	GATGTTGCTGAAGAAAGGTTGTA	TACCTTTATGACCTTTGAATGAAGC	1/0	1/0	1/1	TP
chrX	3907117	G	TCAGAATCTGTAGTAGAGAAACCCA	GAGGTCCATGAACATTAGAACTTGT	1/1	1/1	0/1	FP
chr11	101187980	T	CTATATCAACACAGCCTTCATGAGT	CTTTCTGAGCTCACTCCTTGAATTT	0/1	0/1	0/1	TP
chr7	149044528	T	ACTCCTCTCAGCTCAGCTCAGT	GACAAAGAAAGCCTTTGAGGTT	0/1	0/1	0/1	TP
chr12	114018097	C	ATCTTTGAGCTGGGCATCT	CTGAAGACCCCTGACCTGAG	1/0	0/0	1/0	TP
chr14	43347611	G	CTTGGTCTGGTCTGTGTGTTATT	GAGAACCTTAGAATCTTCTGTGATG	1/1	1/1	1/1	FP
chr2	145747631	A	ATACATTCAACTTGGGATCTCAAC	AAAGGATACATAGAAGCTGGAACCTGC	0/0	1/0	1/1	TP
chr2	82823507	G	AAAAAGTAAACGATTCACAGAAGA	AAAGGAAATTTGCCCTTGACATAAAA	0/1	1/1	1/1	Unknown
chr5	139048775	A	ATACTGCTTTTGTGTTGAAGGATTT	GTTTATCTGTGGAAGGACGTGTAT	0/0	0/1	1/1	TP
chr11	68628466	G	GTTGGAGAGTGAAGCCTTGTTTAGA	TTGACATCACTGGTCTTACTTTCTG	0/1	0/1	./.	Unknown
chr4	137104386	C	AATATGTGTGCAGCCTTCTGAG	CAGGTCTCAAAGAGCTTTTCTTCT	0/1	1/1	1/1	TP
chr14	66378562	A	GTGACATGGATTTCAACAATGATTC	GTACCTTACCTCACCATCCTTACCT	0/0	0/0	1/1	FP
chr6	126688537	G	GATGTGGAGTCGGAAAGGTAGC	ATGAOCCACGGTAGGTTATGGG	0/0	0/1	1/1	TP
chr11	70028825	C	AGAAGAGGGGCTAAAGAATGTTTG	AAAGTATCAAGGAGGAACTGCAAG	0/1	0/1	1/1	TP
chr6	32135423	A	TCATTATCAATGAGCTCAGCCAGTAG	AAAGTGTTCCTGCTCTCTTTTCAT	0/1	0/0	0/1	FP
chr1	53549974	T	ATCTGGTGTAAATCTGATAGCCTTG	GAATGAAGATTTTCAACTCAAAGGA	1/1	1/1	1/1	FP
chr2	83262425	A	AACTGTGAAAGTCTTGTGTTAGGTG	ATCTCAGAGAATAGAATGTGAAGCC	0/0	1/1	1/1	FP
chr9	21356924	T	AGTCTGTAAGCTGAGGTAAAAGAAAT	AGTTCAAAAAGCTACTCTATGGCAA	1/1	1/0	1/0	FP
chr4	43597914	C	AAAAAGCACCCCAAGATAAACTTC	CTCCTCCAGAGTCAGCAGAAAT	1/1	1/1	1/0	FP
chr4	3182839	T	TATTTGGCTCATAAATATTGCTGTGA	TCCTCTCGAGGACTTTTGAAGTTATTA	1/0	1/0	1/0	Unknown
chr5	87716559	C	CAGCTATCATTCACCTTCAATCAGAA	GGCCTGGTTGTTAATGGTAGATAAT	0/0	0/0	1/0	FP
chr1	4329977	G	GAAAATTTCTTGAATAGAACAGCAA	CATTTGATTTTGTGATTTTCTGGAGT	0/0	0/0	1/1	FP
chr10	3042685	T	TTGTATTTACAACATATAGCCAGGTG	CACACACACAGAGAGAGAGAGAG	0/1	0/0	0/1	FP
chr2	94795429	A	AAACAGGTTTTTTCAGAGTTGATGAC	TGAAGTTATAATCATTCACAGGGGT	0/0	1/1	1/1	FP
chr3	82193049	C	GGATAGTACCATGACTTATGTCCCA	ACAGAAAACGTGGATTAAGTACAGG	0/0	1/0	1/0	TP
chr3	91370835	A	ATAGCTGACTGTGAGCATCCACTAC	CATGGAAGGAGTTAAAGAGACAAAA	0/0	0/0	0/1	FP
chr4	89184839	A	AGAATGGTTTTCCAAAGCTACAAGAT	TGTTCAAAACATATCCAGTAGGCAA	1/0	1/1	1/0	TP
chr2	165946667	G	GGTGGAGTACTAAGCATTGGAAAAG	ACAATCTCACATGCTAGATCAACAA	0/0	0/0	1/0	FP
chr6	136724323	A	TAAAATGTCAAGAAAACAACATCTG	AGCTTACAACCTCTCGGAAAACCTCC	0/0	1/0	1/1	TP
chr14	66527259	C	AGGGACGAAATACATCTTCTTAGGAT	AAAGAAAAGAGCTGAATGTTGAGAA	0/0	0/0	1/1	FP
chr16	18592638	T	CTCTCCTCTCCTCTCCTCTCCT	AGGATCTCTGCATTTGAAAAGTTAG	1/1	./.	./.	Unknown
chr5	143163864	A	GCTGTAATTTTGTCTCCTGTTATGAT	CTTTCAATGTGCAAGAGGTTGAAG	0/0	1/0	1/1	Unknown
chr1	13025454	A	TCAGAAAATGAAAAGGGAAACAATAAA	TCAAAATAGCAAAACCTTTTGAAG	0/1	0/1	0/1	TP
chr1	6170534	G	CACCTGAGATCATTTGAAAACATA	TCTTTTACCTTTCTCGAAGCTTCG	0/0	./.	1/1	TP
chr3	74125312	G	GAGTGTGGCTTAGTCTCTATAACAA	TGGAAAATGAACCAAAAATAGTCTCT	0/0	0/1	1/1	TP
chr11	99020131	A	CCGAAATCTTTCTCTCTACATTTTC	GTCCAAACACTAAAAGATCCTTGTCC	0/1	0/1	0/1	TP
chr3	83183859	C	GAGTTACAGAGACAAAATTTGGAGC	CTCCTTTGGGTACTTTTCTCTAGCTCT	0/0	1/0	0/0	FP

chr2	102124138	A	G	CCCTAGCCCCATTTTATTATGTTAT	TAAAGCATGAACGTAAACAACTGAAA	0/0	1/1	1/1	TP
chr6	33734748	A	T	ATAAAGTAGAAAGAGTGCCTTG	GGACTTCACTGGAGACATTTTACAT	1/1	0/0	1/1	TP
chr17	84861317	G	A	ACACACACACTTACTGCCCTAGTCT	ACTAGACAGTAAGTGTGTGTGG	1/1	./.	1/1	Unknown
chr16	63177786	A	G	CACCTCGTGAAACAACATACAATAG	GTAGAAGAGAAAAGAAAGACCTGGTT	0/0	0/1	0/1	TP
chr10	53641804	T	A	CATTTCTCATTTAATGCAACTGAACA	CATAGTTTATTTAGGAGGCAGCAA	1/1	0/1	0/1	TP
chr6	60489599	G	T	GAATCTCACTTAGAAGGGGAATAA	TCACTCCTATTGATTTCTAGATGCC	0/1	0/1	0/1	TP
chr3	59781263	A	G	GACTTACACACACACACACAAAA	GACTAAGACATTTGGGAAAACCTGAGA	0/0	1/0	1/1	TP
chr11	78281164	T	A	AAAAAGCTAAAATTTCTGCTGC	GTGTCACTACCGAGTTAGCTGAGTT	0/0	1/0	1/1	TP
chr6	122418894	A	T	TGGATGTCTCTATTTACGAGATGG	AGGTATCTTTACCTTTGTGCTTTG	0/0	1/0	1/1	TP
chr11	81178333	C	A	AGTTTTAGCAAAGTAAAGTTGGAGA	TAAGTGGATATCCTTACCCACCTGTC	0/1	0/1	1/1	TP
chr6	133915812	T	A	TGTATTTGGTTTTTATGTGAGGTTCT	TAGACATAGCCATTTTACCAAAAGTC	0/0	1/0	1/1	TP
chr6	38167512	A	T	CTCCCCAGTTCAGAGACTAGTTAAT	AGACTCGCTCATCTTACTGACCTAA	1/0	1/0	1/0	TP
chr17	38389993	T	C	TTTTTTCTCAGCCTGTTTATCAAT	CTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCC	0/0	1/0	1/0	Unknown
chr2	115767708	T	A	CTTTTCTCGCTGAAGTCACTAAAG	GGAGAGAAAAGTGCAACTCATTTTTA	0/0	1/1	1/1	TP
chr6	34942306	A	G	ATTCAGCTGTATACATTTTGTAGGC	CGTTCTTAACTTTCACAGTCAATG	1/0	0/0	1/0	FP
chr3	56214691	A	G	AAACCTTTAGTGTAGATGTAGGCCA	ATCAAAACAACCTTGTAGTGGCAAGTC	0/1	./.	0/1	FP
chrX	84319042	T	C	CTCTTTGATGATTTGTTTTTGCTTT	TCTTTAATCTCATCACTCAGAAAGGC	./.	1/1	1/1	Unknown
chr2	82823507	G	T	AAAAAGTAAACGATTCACAGAAGA	AAAGGAATTTGCTTTGACATAAAA	0/1	1/1	1/1	FP
chr2	25471530	G	A	CAACAGACTTACACTGACGCTCTT	GGACTCAGCCAAAATAGGCTTC	1/0	1/1	1/0	TP
chr10	59791020	T	C	TTATATTTAGGGAATGGAGGGAAG	ATACATTTACAGAAAAGTCTGAAGG	1/1	1/1	1/1	TP
chr14	44082649	G	A	GAACTGGAATAGATCTCGTTGAA	GGCTATACTCAAAAACAACTGGAAAA	1/0	1/0	0/0	FP
chr5	144295535	A	T	TATTTATTTTAAATTTAGCCGGGCA	CTAGGCTCCCAACTCACTATGTA	0/0	0/1	1/1	TP
chr4	137271581	C	A	CATGTAATAGACCAGGACAGACAG	AATAGTAATTTGAAGTCTCCTGTGG	1/1	1/0	1/0	TP
chrX	4767755	G	C	AGTGACCTGTGAGTAAAAGCC	GCATCTCTATTCACACTGACAACAC	1/1	./.	1/1	Unknown
chr12	118561783	A	G	GTTTTCTTACCACCTTCTCAGACTCA	AGAAGTTCTCAGTTGTGCCCTCTCT	1/1	1/0	./.	Unknown
chrX	3918573	T	G	ACTACTTTACCTTTGTGCCACTATGC	CAGGAAAATCTCAACAGAACTCAAT	1/0	1/0	1/0	TP
chr6	142116493	T	A	TGTGCTTTCATGTTGCTACTTTTAT	AAATGAAAAGATTTCTCGAAATCCC	1/1	0/1	1/1	Unknown
chr4	105692962	A	T	TTTTGGGCTCCAATAATAAGTAAG	CTGGTCCACTTTGCTTTATCATTAGT	1/0	1/1	1/0	TP
chr19	43900761	T	A	GAGCTCAGTTGTCAGTATGAGTCAG	CTGACATCCTCACACAGACATAACAT	1/1	1/1	1/0	TP
chr17	30176494	A	G	TTTGAAGATCATGGATGCATAGTAA	AAAAGGAGATTTACAGACGAGTTTCA	0/0	1/0	1/0	TP
chr3	60540665	A	G	GTAATTTGATGCATATTTCTTGCCC	ATGACTACTTTGTGGGAATCACTTGT	0/0	0/1	1/1	Unknown
chr14	81758650	A	G	TTCTCAACAATAAAGAACTCTGG	AGACAGGTTTCTCTGTGTAGTCCCT	0/0	0/0	1/0	Unknown
chrX	124413795	T	C	ACAGTGAACAATAATGAGCCAAAG	ATCTTCTCTGAGACTCTGCTACCTG	1/1	1/1	./.	Unknown
chr1	54858008	A	T	TGTTCATTAAGATTTGTGACAGTGA	AGTAAAGGCTGTTGGATATACTGTG	0/0	1/0	1/1	TP
chr17	84843952	A	T	TGGTTAGAAGCTGCCTAGTAAAAGA	CAGTTTGGCCTTATTTGTAATTTTG	./.	1/1	1/1	TP
chr3	65616079	T	C	ACTTGCTTTTCTCCTTTTACCATT	CAGGAGTCAAAACCAATCATTTCTAT	0/0	0/1	1/1	TP
chr2	118251979	A	G	CAGCATCTGATTTATCTTTTGGGA	AAAAGAAAAAGAAAAACCAACAACA	0/1	1/1	1/1	TP
chr12	5066118	C	T	GAGTCTTTGGTAGCCTGGTATC	AAGCAAGGCTACCAAAAGTACTCC	0/1	0/1	0/1	Unknown
chr14	7559653	T	C	TGAAGAATATGTTTCTCTTAAAGGC	CTTCTCTCACATGGTGTCTATCT	1/1	1/1	./.	TP
chr11	107967175	G	A	CCAGACCTCACTTTTCTTTTCAATTA	GGACACCTGTCTCTCTGGTCC	1/1	1/1	1/1	Unknown
chr6	138241120	A	T	GAGAGAGAGAGAAAAGAAAGGAAGA	TCTTTTCTTTCTTTCTTCTTCTCTCC	0/0	0/0	1/1	Unknown

chr5	92151731	A	T	GTCCTGAAACTGTGGTAAAGTTAGAA	CATGCTTTACACAGCTTTGACTCTA	0/0	0/0	1/0	FP
chr5	101596050	A	C	TATGTCACAGCAATGAATAAAGCAT	TGAACCTATCTTTTAAAGCCCTTTTCT	0/0	0/0	1/1	FP
chr5	146494346	A	C	GAAGAATTGAGTTGGAATTTTGATG	CACAAATAATACAAAAGACCTTGGC	1/0	1/0	1/0	TP
chrX	4260792	T	G	AATCACAGGAGACAGAGATAAGCAG	ACATTATCACCCAGCTTTCTGTTTTTC	1/1	1/0	1/1	TP
chr4	105057916	A	G	TGAGGCTGAAATCTTATCCCTTTCTA	TTTGTAGGGTTGAGCAAAAATAATG	1/0	1/1	1/0	TP
chr3	72456852	T	C	GGTACTTTCTCTAGCTCCTCCATTG	TGCATCAAATTTGGATAACATCAATA	0/0	0/0	1/1	TP