

		164		213	
Xanthomonadales	<i>Xylella fastidiosa</i> Dixon	71275790	FTIFVMGINAGSLISPLITSWLAGQVFGT	PMQQNYK VVFIASGIGMFLSL	
	<i>Xanthomonas fuscans</i>	294667688	-----L-AM---VL-QL--EK----	EVMPs-- M--M---V--LI--	
	<i>Xanthomonas campestris</i>	78046035	-----L-AM---VL-QL--EK----	EVMPs-- M--M---V--LI--	
	<i>Xanthomonas perforans</i>	325927726	-----L-AM---VL-QL--EK----	EVMPs-- M--M---V--LI--	
	<i>Xanthomonas axonopodis</i>	21241222	-----L-AM---VL-QL--EK----	DVMPs-- M--M---V--LI--	
	<i>Xanthomonas gardneri</i>	325919443	-----L-AM---VL-QL--EK----	QAMPS-- M--M---V--LI--	
	<i>Xanthomonas oryzae</i>	58583697	-----GFVA-IL-GL--DKL----	EAMPA-- Y-----LI--	
	<i>Xanthomonas albilineans</i>	285019501	-----GFFA-IL-GL--DKL----	EAMPA-- Y-----LI--	
	<i>Xanthomonas vesicatoria</i>	325915181	-----L-AM---VL-QL--EK----	QAMPA-- M--M---A--LI--	
	<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	194367516	-----I-AM-A-VL-EY--RK----	SEMPs-- -----V--LI--	
	<i>Stenotrophomonas</i> sp. SKA14	254520981	-----I-AM-A-VL-EY--RK----	SEMPs-- -----V--LI--	
	<i>Rhodanobacter</i> sp. 2APBS1	352079924	--L-----A--A-IL--I--NK----	--GHH--H-----A--V--LI--	
	<i>Grimontia hollisae</i>	262275906	-----L---LAGI-AGTVMHYGWK	AG-LSA---L---	
	<i>Teredinibacter turnerae</i>	254786138	Y--Y-----I--FFAT-LCG--GETFGWS	YG-G-A-V--L-G-	
	<i>Pseudoalteromonas tunicata</i>	88857793	--L-----AFLA---CAY-GETYGWK	YG-GLA---LAG-	
	Other γ-Proteobacteria	<i>Vibrionales bacterium</i>	148980745	-----L-A-LGG--SGAA-ESYGWK	AG-L-A---VI--
		<i>Aeromonas hydrophila</i>	117618661	-----L---LAGV-CGAA-TAYGWQ	AA-V-A-V--LV--
<i>Klebsiella pneumoniae</i>		152971821	-SL-----I--F-A---SG--IKSHGWH	WG-GIG---LVA-	
<i>Vibrio fischeri</i>		197334596	-----L---LAGVVSQSVT-VWGWK	AG-V-A---II--	
<i>Acinetobacter baumannii</i>		301346734	-S-----M--F-A---GL--KDHGWH	LG-GIG---LIA-	
<i>Vibrio alginolyticus</i>		91225921	-----L-A-LAGVVSQSVTTSYGWK	AG-V-A-V--LV--	
<i>Colwellia psychrerythraea</i>		71282472	-----L-AFLA-ITVGI-GE--NWH	YG--LA-C--LIG-	
<i>Acinetobacter baumannii</i>		193077887	-S-----M--F-A---GL--KDHGWH	LG-GIG---LIA-	
<i>Aliivibrio salmonicida</i>		209694404	-----L---LAGVVSQSVT-IWGWK	AG-A-A---II--	
<i>Providencia stuartii</i>		183598535	-SL-----M--F-A---IGP-HEKYGWH	LG-GLG---LIA-	
<i>Vibrio orientalis</i>		261252243	-----L-A--AGVASQSVTNSFGWK	AG-LVA-L--II--	
<i>Arsenophonus nasoniae</i>		284007204	-SL-----M--F-A---IGP-YEYKYGWH	IG-GLG---LIA-	
<i>Shewanella baltica</i>		126173789	----A---L-ATLA---CAY-GETYGWK	YG-GLA-L--LAG-	
<i>Kangiella koreensis</i>		256821955	--L-----L--FL-SITCGIIGIIVGWGA	YG-GLA---L-G-	
<i>Alteromonas</i> sp. SN2		333894220	YALY-----I---AY-V-GY-QENWGWD	YA-G-AA---AIG-	
<i>Idiomarina baltica</i>		85711680	Y-LY-----I--I-GYFV-GY-QENAGYH	WG-G-AAV--AFG-	
α-Proteobacteria		<i>Glaciecola</i> sp. HTCC2999	221133332	Y-LY-----I-AV-GYTVCGY-QVNMGYH	WA-G-AAV--AIG-
	<i>Salmonella enterica</i>	224582899	-SLL-AAG-I--IAA-IACGLA-QWYGWH	-G-ALA-V---IG-	
	<i>Escherichia coli</i>	300947710	-SLL-AAG-I--IAA-IACGLA-QWYGWH	-G-ALA-G---IG-	
	<i>Novosphingobium nitrogenifigen</i>	326388414	-SL--V---I-ATAA--LCA---DRWGWA	PA-E-TSV--V-G-	
	<i>Nitrobacter hamburgensis</i>	92119225	YS---V---L-AMLA--VAGT-GEEIGWP	YG-G-A---MIG-	
	<i>Sphingomonas</i> sp. S17	332185434	-S-----GALG-IVCGV-GET-GWA	YG-G-A-V--L-G-	
	<i>Hirschia baltica</i>	254293389	-----L--F-ASFACGI-GIVYGWK	YG-GLA---L-G-	
	<i>Hyphomonas neptunium</i>	114800217	--L-----L--FLATWTCGI-GIVYGWA	WG-G-A-V--L-G-	
	<i>Erythrobacter</i> sp. SD-21	149185140	Y-----V-AATASI-CGY-GQTYGWQ	YG-GLA-F--L-G-	
	<i>Phenylobacterium zucineum</i>	197105272	-Q---L-----VIAA---AGT-GEG-GWH	YG-G-A-V--LIA-	
	<i>Sphingopyxis alaskensis</i>	103486444	Y-----L-AFLGS-LCGY-GETYGWA	YG-G-A-F--L-G-	
	<i>Erythrobacter litoralis</i>	85375324	Y-----L-AA-GS-LCGYGETYGWA	YG-GLA---L-G-	
	<i>Zymomonas mobilis</i>	56551897	-----L-GALG---CGYVGEKYGWR	YG-GMA-V--AIG-	
	<i>Parvularcula bermudensis</i>	304321342	--L--V---L-AFLGAIWAGY-GEVHGWK	YG-GLA-V--L-G-	
	<i>Citromicrobium bathyomarinum</i>	296282079	Y----I---L-AAAGTI-AGY-GETIGWA	YG-G-A---L-G-	
	β-Proteobacteria	<i>Chromobacterium violaceum</i>	34496617	-----T----A--VCGT-GDTGNPA	DF-WG-M-A-F--L---
		<i>Laribacter hongkongensis</i>	226941725	Y-----L--FLA---CGY-GDTGNPA	DFRWG-LTA-V--L--V
<i>Methylphilales bacterium</i>		118594916	YSF--V---M-AF-A--LIGYVGEIDWH	YG-VLAAV---MG-	

Figure S2

Partial sequence alignment of a conserved region in the amino acid/peptide transporter showing a 7 aa insert that is specific for all Xanthomonadales.