

WPANALVGVRPLFNPDGADSGNAR

FELMRVDAAGKPQPNGLKITLVRELRYD

-----D-----

-----N-----K-----

---D-----DVAS---A--M--

---T---GVD---S-K---A-----

---K-----DD-----A-T-

---VT---D-----K---V-----

---K-----DDA---A-T-

---VT---D-----K---V-----

---K-----DDG---A-T-

---VT---D-----K---V-----

---K-----DDA---A-T-

---VT---D-----K---V-----

---K-----DDK---A-T-

---T---D-----K---A-----

---K-----DDK---A-T-

---IT---D-----K---A-----

---AV-----DDKQ-S-A-T-G

---IA-M---T---RLSGQ---V---R-----

---P-----E-A---PAES---G

---V---Q---R---EL-----

---D-----D-KQ---E-EAP-G

---IV-AN-N-ERVAGAH---VR-Q---F

---TDT-P-I---Q-ASKAVY-YRTD-T

VNQPIVDEGGNAA

-DIVYA---Q-NKKA-S---QVR-I---R---

---D----I---Q-GEKAVY-YRTDDT

VSQPMVDENGNA

-DIVYAN-Q-EKVAVK---VR---R---

---A---P-I---Q-ASKAVY-YRTDTT

VNQPIVDEGNAS

-DIVYA---T-AKKAVS---QVR---R---

---D---P-L---Q-ASKSVY-YRTDST

VKQPIVDEGSNAA

-DIVYS---Q-VKKAVS---QVR-I---R---

---G---P-I---Q-TLK-VY-YRTDTT

VKQPVVDENSNAA

-DIVYA---K-EKKAVS---QVR-I---R---

---EKG---I---GQKQVYNVRTGRD

QSRYNVDENSLAE

-DIVYA---N-EKYA-KD-TAR---Y-R---

---TH-A-I---V-AKKEVY-YRNDKY

KSGYSDENSM

-IVYT-QE---KL---DD---VRFIY-RY---

---KK---I---EKKEIY-YRTDRY

AKRYNVDENSLAE

-IVMS-M---HKLA-EN-TAR---Y-R---

---EH-P---A---GSSTSS-DYDDEA

KGEAQTNQDGPAD

-IVMA---NKLA-DNV-VR---R---

---DT-P-I---Q-TAKAVY-YRTD-T

VNQPIVDEDSNAA

-DIVYAN-Q-EKKAVS---QVR-I---R---

---KQIY-YRS-SY

QAQPVVDENTQAG

-DIVYAN---EKLAVS---AR---R---

---D---P-L---Q-ALKSVY-YRTDST

VKQPIVDEGSNAA

-DIVYS---Q-VKKAVS---QVR-I---R---

---EKG---I---KKSIIYNVRTGHD

ENRYNVDENSLAE

-DVVYA---S---KYAT-D-RTR-IY-R---

---KQ-----KKTIYNYSTGKD

ENRYNVDENSQAE

-IAYA---K---KYATSE-RAR-IY-R---

---D---A-I---KQQVY-YRSDSY

KSQAMVDQDTTAD

-IIYAN-S---KLA-D---VK---R---

---D---A-I---KQQVY-YRSDSY

KSQAMVDQDTQAD

-IVYAN-E-EK-AVE---VK-I---R---

Figure S9

Partial sequence alignment of a conserved region in alpha-2-macroglobulin domain-containing protein showing a 13 aa deletion that is uniquely present in all Xanthomonadales.

Alpha and beta have 1-5 aa deletion at the same position