

		306	354
Xanthomonadales	<i>Xylella fastidiosa</i>	28197970	LRTLWEQELTQMRERIHGLRAGLVARLKALGAPEFD
	<i>Xanthomonas campestris</i>	21229575	--DV-----E-----A-----K-A-----E
	<i>Xanthomonas axonopodis</i>	21240899	--D-----E-----S-----EK-AT-----
	<i>Xanthomonas fuscans</i>	294625499	--D-----D-----S-----EK-AT-----
	<i>Xanthomonas oryzae</i>	58424233	--DV-----E-----A-----EK-AT-----E
	<i>Xanthomonas albilineans</i>	285016839	--AM-----E-----A---M-QK-A-----G
	<i>Xanthomonas vesicatoria</i>	325918790	--DV-----E-----A-----EK-AT-----A
	<i>Xanthomonas perforans</i>	325926773	--D-----E-----S-----EK-AT-----
	<i>Xanthomonas gardneri</i>	325920984	--D-----E-----A-----K-AT-----
	<i>Rhodanobacter</i> sp. 2APBS1	352086152	--AR--E--GG--G---AM---F-EK-A---D-G
	<i>Pseudoxanthomonas suwonensis</i>	319785658	--G---D--R-----A-----K-AEQ-R---A
	<i>Pseudoxanthomonas spadix</i>	357415998	--AD--T---A-----A-----QK-ADA--GD-S
	<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	194363799	--AM-----E-----A--Q--EK-A-A---Q-G
	<i>Stenotrophomonas</i> sp. SKA14	254524792	--AM-----E-----A--Q--EK-A-A---Q-G
	<i>Aliivibrio salmonicida</i>	209695181	--E---VQE--A--QEM-TLF-TT--EQ-VDANF
	<i>Azotobacter vinelandii</i>	226944117	--A---S--AE--G--QSM-QAM-EQ-A-Q--KRDF
	<i>Chromohalobacter salexigens</i>	92113446	-A-V-RE---E-D-N--RDF-EA--PY-LD-RF
	<i>Citrobacter koseri</i>	157146380	--AI-----D--Q--QRM-LLF-NT-QEK--DRDF
	<i>Cronobacter turicensis</i>	260597328	--M-----D--Q--QRM-QLF-NT-AEK--NRDF
	<i>Dickeya dadantii</i>	307131493	--NI-----A---QRM-HLF-ST-QEK--NQDF
<i>Edwardsiella tarda</i>	294635623	--M-----D--Q--QRM-QLF-NT-QEK--EQDF	
<i>Erwinia billingiae</i>	300716099	--AI-----AD-Q--RM-QLF-NT-QEK--KGDF	
<i>Escherichia albertii</i>	170769330	--AI-----D--Q--QRM-QLF-NT-QEK--SRDF	
<i>Escherichia coli</i>	297520301	--AI-----D--Q--QRM-QLF-NT-QEK--NRDF	
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	262040972	--AI-----D--Q--QRM-LLF-NT-QEK--SRDF	
<i>Klebsiella variicola</i>	288936274	--AI-----D--Q--QRM-LLF-NT-QEK--SRDF	
<i>Marinomonas</i> sp. MED121	87121047	--S---M--ES--K---EM-SLF-ST-R-N-VEQDF	
<i>Pantoea</i> sp. At-9b	258636143	--I-----D--Q--QRM-QLF-NT-ASS--EQDF	
<i>Photobacterium damsela</i>	269102889	--AE---VAE--D--QEM-TLF-DT--S--IDRDF	
<i>Photorhabdus asymbiotica</i>	253990243	-KAV-----T-----QRM-QLF-NT-QEK--NQDF	
<i>Pseudoalteromonas tunicata</i>	88860457	-TA--H--AE--D--N--TLI-DS-N-Q-IDQDF	
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	20559868	--A-----GE--D--RDM-LAM-EQ-A-H--KRDF	
<i>Reinekea</i> sp. MED297	88797991	-KAK-I--VAD--QH-----KLM-ET--D--VEKDF	
<i>Salmonella enterica</i>	161503873	--AI-----D--Q--QRM-QLF-NT-QEK--NRDF	
<i>Serratia odorifera</i>	270261211	--A-----D--Q--RM-QLF-NT-QEK--EQDF	
<i>Shewanella woodyi</i>	170726758	-KA--R--KE-----AKM-TLF-ET--SE-VTQDF	
<i>Shigella flexneri</i>	281600288	--AI-----D--Q--QRM-QLF-NT-QEK--NRDF	
<i>Sodalis glossinidius</i>	85060109	-N--RE-VAA--Q--LAM-HS---A--VALPDHQF	
<i>Vibrio alginolyticus</i>	91227221	M-AE--A-VAE--D--QEM-ELF--T---E-VDADF	
<i>Vibrio cholerae</i>	229515668	--AE--A-VAE-----QEM-VLF-NT--EV-VDADF	
<i>Yersinia pestis</i>	108806701	--AI-----D--Q--QRM-QLF-NT-QEK--QQDF	
<i>Yersinia ruckeri</i>	238754324	--AI-----D--Q--RM-QLF-KT-QEK--KQDF	
<i>Beijerinckia indica</i>	182680498	-TA--HD--AL--D--KAM-E--AE--RVQVPRDF	
<i>Maritimibacter alkaliphilus</i>	84684244	--E--T--EEV-NTML---TQ-AEA-Q-RTGSDRF	
<i>Sagittula stellata</i>	126730888	--AD--E-VREI--GVL---EQ-A-E-QR-TGSDRF	
<i>Methyloversatilis universalis</i>	334129888	--SM--E--GE-----RAM-T--DK-S-R-VARDF	
<i>Burkholderia xenovorans</i>	91782671	--AT--T--AE--D--RAM-N---E---S-VDRDF	
<i>Verminephrobacter eiseniae</i>	121609327	--A--R--A--L--KAM-QQ---G--A-VRQDM	
			FIQRQAGMFSYSG

Figure S12

Partial sequence alignment of a conserved region of aromatic amino acid aminotransferase showing a 1 aa deletion that is uniquely shared by all Xanthomonadales.