

		583	638
Xanthomonadales	Xanthomonas albilineans	285018805	LTIIDWAVKAINVRHARAGIPAVEITAIPLDDVPT Y KDIFASGSGTGAVFQFESSGM
	Xanthomonas axonopodis	21242159	-----DP-D----- - -GV----N-----
	Xanthomonas fuscans	294666388	-----DP-D----- - -GV----N-----
	Xanthomonas campestris	78047019	-----DP-D----- - -GV----N-----
	Xanthomonas oryzae	166712747	-----DP-D-T----- - -GV----N-----
	Xanthomonas gardneri	325923963	-----DP-D-TL----- - -GV----N-----
	Xanthomonas vesicatoria	325916626	-----DP-D-T----- - -GV----N-----
	Xanthomonas perforans	325929585	-----DP-D----- - -GV----N-----
	Xylella fastidiosa	71898629	-----K-----C-DP-D---L---I--- - -V----N-S-----
	Stenotrophomonas maltophilia	194365029	-----K-E---P-D-A-----T-- - ----N-N-----
	Stenotrophomonas sp. SKA14	254524078	-----K-E---P-D-A-----T-- - ----N-N-----
	Pseudoxanthomonas suwonensis	319787804	-----R-E---PLD-A-L---AA- - ----N-----
	Rhodanobacter sp. 2APBS1	352086322	-----A-R-K--EALL--S-L---PAS YELLKKAQ-V----L----
	Alcanivorax borkumensis	110834019	-----A-KR--E-LDDLVDH----S-S F-LLKR-D-T----L--Q--
	Alcanivorax sp. DG881	254428613	-----A-KRG-E-LDDLVDH----G-S F-LLKR-D-T----L--Q--
	Alkalilimnicola ehrlichii	114321000	-----T---V-ALREQR-ETPLD-AR----RA- F-LLKRCQ-T----L--R--
	Alteromonadales bacterium	119471146	---LQ--DMT---MQ-E-KDP-D-NT----KKS IELLRAE-T----L--R--
	Cardiobacterium hominis	258546181	---V---LGH--A-RT-E-Q-PLD-ATL---PQ- YALLQ-TR-T----L----
	Chromohalobacter salexigens	92112711	-----LEMVDTVR--E-QGPLD-AS----- F-MLKKA-E-T----L--R--
	Citrobacter koseri	157147384	-----N-LEM--A-REKN-E-PLD-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--
Cronobacter turicensis	260596604	---N--LDM--A-R-KQ-LEPID-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Dickeya zeae Ech1591	251790730	---N--LEM--A-REKQ-LEP-D-A-----KNS F-MLQRSE-T----L--R--	
Edwardsiella ictaluri	238918790	---N--LEM--A-R-CQ-LEP-D-A-----QKS F--LQRAE-T----L--R--	
Enterobacter cancerogenus	261338818	-----L-M--P-REKQ-LEPID-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Erwinia amylovora	292489212	-----LAM--AKR-KS-EAPID-A-----E-KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Escherichia coli	19548812	---N--LEM--K-R-KN-E-PLD-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Haemophilus influenzae	301169460	---K--LDM---MV-E-K-R-D-A-----PES FELLKRSE-T----L--R--	
Hahella chejuensis	83644688	---V---DI--RQ--EK-Q-PLD-NF----A-- FNLLKH-E-T----L--R--	
Klebsiella pneumoniae	206579408	---N--LEM--K-R-KN-EGPLD-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Legionella longbeachae	270156895	-----LATV-RQRG-E-L-PID-SQ--T--PAS F-LLKACQ-T----L--R--	
Marinobacter algicola	149377463	-----L-M--P-LEKQ-K--LD-NE-----S F-MLKKA-E-T----L--R--	
Methylococcus capsulatus	53804349	-----LAD--AKRRA--EEP-D-NR----PK- YELLGRCA-T----L--R--	
Pantoea ananatis LMG	291616361	-----L-M--P-REKQ-L-PID-AT---E-KKS F-MLQRAE-T----L--R--	
Pasteurella multocida	15601899	---K--LDM--T-L-KE-K-P-D-AT----PAS FELLKRSE-T----L--R--	
Pectobacterium atrosepticum	50119986	-----LEM--A-R-KL-QEPID-AT---G-KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Photobacterium symbiotica	253988140	---N--LEM--A-R-KK-LEPID-A-----N-NKS F-MLQRAE-T----L--R--	
Proteus mirabilis	227357235	---N--LEM--A-R-KKSLEP-D-S--S-T-QRS F-MLQRSE-T----L--R--	
Providencia stuartii	188025561	---N--LEM--A-R-KKNLEP-D-A-----QKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Pseudomonas aeruginosa	152987648	---K--MEI--REQ-KK-LEP-N-DF----K-- YALLQKAE-T----L--R--	
Salmonella enterica	213609772	---N--LEM--K-R-KN-E-PLD-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Serratia odorifera	270264805	-----LGM--A-R-KS-LEPID-A-----E-KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Shewanella amazonensis	119774291	-----LGM--P-L-KL-K-P-D-A-----SKS FSVLKRYE-T----L--R--	
Shigella flexneri	41817835	---N--LEM--K-R-KN-E-PLD-A-----KKS F-MLQRSE-T----L--R--	
Teredinibacter turnerae	254785234	-----TM-DQRT-L-E-PLD-S-----PT- F-MLKKA-E-T----L--R--	
Tolunomas auensis	237808841	---K--LDM--P-LKTE-K-P-D-A-----PTS FK-LKNSE-T----L--R--	
Vibrio cholerae	940886	-----LGLV-P-LKK--K-P-R-E-----ARS FRNLQDAK-T----L--R--	
Xenorhabdus bovienii	290473672	---N--LDMV-A-RTHKNLEPID-----QIS F-MLQRSE-T----L--R--	
Yersinia intermedia	238792741	---N--LEM--AKR-KT-LEPID-AS---E-KKS F-MLQRSE-T----L--R--	

Figure S19

Partial sequence alignment DNA polymerase III subunit alpha showing a 1 aa insert that is uniquely present in a subclade of Xanthomonadales except *Rhodanobacter* sp. 2APBS1.

Alpha and beta have 3 aa deletion at the same position