

		69	107	
Xanthomonadales	<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	194364072	GPAYKGIPLATAMACELAQGRGRELPL	SFNRKEAKAHGEG
	<i>Stenotrophomonas sp. SKA14</i>	254524635	-----D----	-----D----
	<i>Xanthomonas albilineans</i>	285017194	-----L--Y-R--D-A-	A-----I----
	<i>Xanthomonas fuscans</i>	294666112	-----L--TY-G--D---	A-----D----
	<i>Xanthomonas oryzae</i>	166713818	-----L--AY-G--D---	A-----D----
	<i>Xanthomonas campestris</i>	289666317	-----L--AY-G--D---	A-----D----
	<i>Xanthomonas axonopodis</i>	21244622	-----L--AY-G--D---	A-----D----
	<i>Xanthomonas oryzae</i>	188578885	-----L--AY-G--D---	A-----D----
	<i>Xylella fastidiosa</i>	28198058	-----L--Y--E-D-L-	T-----V-N----
	<i>Acinetobacter calcoaceticus</i>	262280500	-----FVA-T-VA-S-VHNKSVPL	W G-----D----
<i>Actinobacillus minor</i>	257465331	-----I--TV-VA--NQFNVDKPL	C C-----D----	
<i>Actinobacillus succinogenes</i>	152978105	-----IG-TVSVAFN-FGLDKPL	V C-----D----	
<i>Aeromonas hydrophila</i>	117618078	-----I-S-T-VQ-VEQHDVDVPL	W C-----D----	
<i>Aggregatibacter aphrophilus</i>	251793340	-----I--VSVAFN-QFNVDKPL	V C-----D----	
<i>Alcanivorax borkumensis</i>	110833068	-----VA-VSVA--EHHGRDYP	W A-----D----	
<i>Alteromonas macleodii</i>	239994378	-----I--TT-VA--DSHDLDVPL	Y C-----T----	
<i>Cardiobacterium hominis</i>	258545111	-----VA-V-VI-HAEHGLSLPL	W T-----D----	
<i>Chromohalobacter salexigens</i>	92115319	-----TT-VA--DHHDRDLP	F A-----D----	
<i>Citrobacter koseri</i>	157149260	-----I--TT-VA--EHHDKDLP	Y C-----D----	
<i>Congregibacter litoralis</i>	88705454	-----TT-VA--DHHGRDVP	F AY-----S----	
<i>Dickeya zeae</i>	251791522	-----I--TT-VA--EHHDRDVP	Y C-----D----	
<i>Edwardsiella ictaluri</i>	238918031	-----I--TT-VA--EHHDRDMP	Y C-----D----	
<i>Enterobacter cloacae</i>	295095227	-----I--TT-VA--EHHDRDVP	Y C-----T----	
<i>Erwinia pyrifoliae</i>	259906755	-----I--TTVVA--DHHDRDVP	Y C-----D----	
<i>Escherichia albertii</i>	170766648	-----I--TT-VA--EHHDRDLP	Y C-----D----	
<i>Escherichia coli</i>	15804183	-----I--TT-VA--EHHDLDLPL	Y C-----D----	
<i>Grimontia hollisae</i>	262273501	-----I--TT-VA--EHHNVDTPL	Y C-----D----	
<i>Haemophilus ducreyi</i>	33152772	-----I--TV-VA--NQFAIDKPL	C C-----T----	
<i>Haemophilus influenzae</i>	301168925	-----IG-SVSVAFN-YGIDKPL	V C-----V-D----	
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	206579381	-----I--TT-VA--EHHDRDLP	Y C-----T----	
<i>Methylococcus capsulatus</i>	53803127	-----VA-T-IA--RVSG-EIPL	Y A-----D----	
<i>Nitrococcus mobilis</i>	88813080	-----C-T-IA--EHHGRDVP	Y A-D---T-T----	
<i>Oceanobacter sp. RED65</i>	94502049	-----ATT-MA-S-EFNRDTP	Y T-----K-Y----	
<i>Oceanospirillum</i>	89093848	-----ATT-VA--SDQHG-DVPL	Y V-----D----	
<i>Pantoea ananatis</i>	291619461	-----I--TT-VA--DHHDRDVP	Y C-----D----	
<i>Pectobacterium wasabiae</i>	261823587	-----I--TA-VA--EHHDRDLP	Y C-----D----	
<i>Photobacterium damsela</i>	269103913	-----I--TT-VA--DQHDIDTPL	Y C-----D----	
<i>Proteus penneri</i>	226326903	-----I--TT-VA--VEHHDIDIP	Y C-----D----	
<i>Providencia stuartii</i>	183597212	-----I--TT-VA--EHHVDMP	Y C-----D----	
<i>Pseudomonas stutzeri</i>	146280861	-----GA-T-IA--EQHQRDLP	W C-----D----	
<i>Salmonella enterica</i>	161505732	-----I--TT-VA--EHHDKDLP	Y C-----D----	
<i>Serratia odorifera</i>	270265233	-----I--TT-VA--EHHDRDVP	Y C-----T----	
<i>Shigella dysenteriae</i>	82779133	-----I--TT-VA--EHHDLDLPL	Y C-----D----	
<i>Sodalis glossinidius</i>	85060190	-----I--TT-VA--EQHQRDVP	Y C-----D----	
<i>Tolomonas auensis</i>	237806962	-----I-S-T-VQ--ELHQDQVPL	W C-----D----	
<i>Xenorhabdus bovienii</i>	290477305	-----I--TT-VA--E-HDIDMP	Y C-----D----	
<i>Yersinia aldovae</i>	238760456	-----I--TT-VA--EHHDRDVP	Y C-----D----	
<i>Ralstonia pickettii</i>	171363652	-----T--S-T-VA--GM--DVGF	AY-----D----	
<i>Cupriavidus taiwanensis</i>	188590963	-----T--S-T-VA--GM--DVGF	AY-----D----	
<i>Sutterella wadsworthensis</i>	319940716	-----ASV-MN-SRM-CDV-W	A-----I-D----	
<i>Variovorax paradoxus</i>	319790981	-----GATV-A--R--NY-F	AY-----D----	
<i>Polaromonas naphthalenivorans</i>	121603085	-----A-V-I--RL--N--F	AY-----D----	
<i>Candidatus Accumulibacter</i>	257092321	-----VA-I-VA--RA--NF-F	-----D----	
<i>Methylibium petroleiphilum</i>	124265281	-----T--A-V-I--RL--N--Y	AY-----T-D----	

Figure S38

Partial sequence alignment of a conserved region of Orotate phosphoribosyltransferase showing a 1 aa deletion that is present in all Xanthomonadales. The deletion has also been found to be shared by species from β -Proteobacteria.