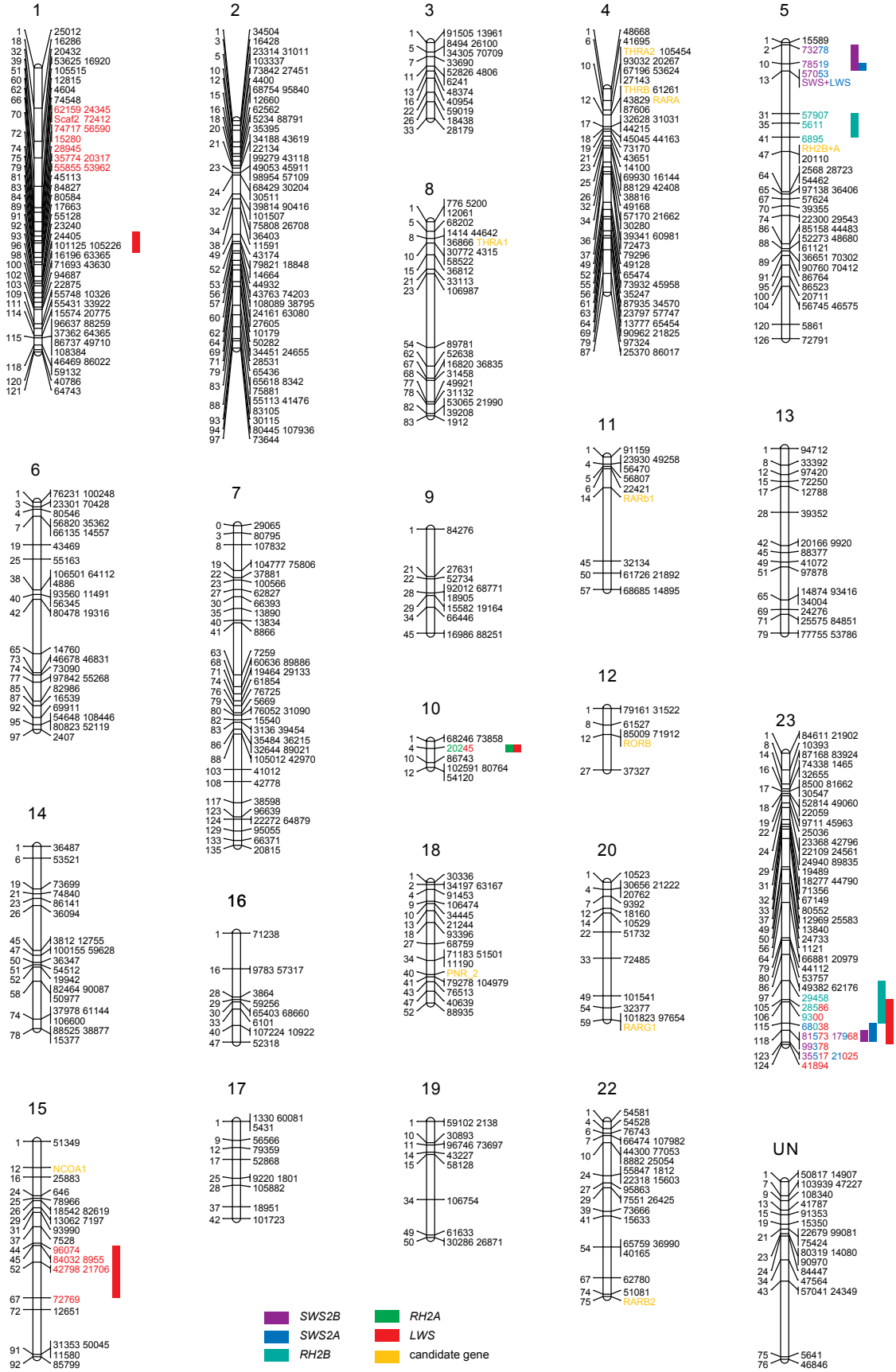
1
1 18 32 39 51 60 62 66 70 72 74 75 79 81 83 84 89 91 92 93 96 98 100 102 103 109 111 114 115 118 120 121
25012 16286 20432 53625 16920 105515 12815 4604 74548 62159 24345 Scaf2 72412 74717 56590 15280 28945 35774 20317 55855 53962 45113 84827 80584 17663 55128 23240 24405 101125 105226 16196 63365 71693 43630 94687 22875 55748 10326 55431 33922 15574 20775 96637 88259 37362 64365 86737 49710 108384 46469 86022 59132 40786 64743
2
1 3 5 10 12 15 16 18 20 21 23 24 32 34 38 49 52 53 56 57 60 62 64 69 71 79 83 88 93 94 97
34504 16428 23314 31011 103337 73842 27451 4400 68754 95840 12660 62562 5234 88791 35395 34188 43619 22134 99279 43118 49053 45911 98954 57109 68429 30204 30511 39814 90416 101507 75808 26708 36403 11591 43174 79821 18848 14664 44932 43763 74203 108089 38795 24161 63080 27605 10179 50282 34451 24655 28531 65436 65618 8342 75881 55113 41476 83105 30115 80445 107936 73644
3
1 5 7 11 13 16 22 26 33
91505 13961 8494 26100 34305 70709 33690 52826 4806 6241 48374 40954 59019 18438 28179
4
1 6 10 12 17 18 19 21 23 25 26 32 34 36 37 49 52 55 56 61 63 64 69 79 87
48668 41695 THRA2 105454 93032 20267 67196 53624 27143 THRB 61261 43829 RARA 87606 32628 31031 44215 45045 44163 73170 43651 14100 69930 16144 88129 42408 38816 49168 57170 21662 30280 39341 60981 72473 79296 49128 65474 73932 45958 35247 87935 34570 23797 57747 13777 65454 90962 21825 97324 25370 86017
5
1 2 10 13 31 35 41 47 64 65 67 70 74 86 88 89 91 95 100 104 120 126
15589 73278 78519 57053 SWS+LWS 57907 5611 6895 RH2B+A 20110 2568 28723 54462 97138 36406 57624 39355 22300 29543 85158 44483 52273 48680 61121 36651 70302 90760 70412 86764 86523 20711 56745 46575 5861 72791
6
1 3 4 7 19 25 38 40 42 65 73 74 77 85 87 92 95 97
76231 100248 23301 70428 80546 56820 35362 66135 14557 43469 55163 106501 64112 4886 93560 11491 56345 80478 19316 14760 46678 46831 73090 97842 55268 82986 16539 69911 54648 108446 80823 52119 2407
7
0 3 8 19 22 23 27 30 35 40 41 63 68 71 74 76 79 80 82 83 86 88 103 108 117 123 124 129 133 135
29065 80795 107832 104777 75806 37881 100566 62827 66393 13890 13834 8866 7259 60636 89886 19464 29133 61854 76725 5669 76052 31090 15540 3136 39454 35484 36215 32644 89021 105012 42970 41012 42778 38598 96639 122272 64879 95055 66371 20815
8
1 5 8 10 15 21 23 54 62 67 68 77 78 82 83
776 5200 12061 68202 1414 44642 36866 THRA1 30772 4315 58522 36812 33113 106987 89781 52638 16820 36835 31458 49921 31132 53065 21990 39208 1912
9
1 21 22 28 29 34 45
84276 27631 52734 92012 68771 18905 15582 19164 66446 16986 88251
10
1 4 10 12
68246 73858 20245 86743 102591 80764 54120
11
1 4 5 6 14 45 50 57
91159 23930 49258 56470 56807 22421 RARB1 32134 61726 21892 68685 14895
12
1 8 12 27
79161 31522 61527 85009 71912 RORB 37327
13
1 8 12 15 17 28 42 45 49 51 65 69 71 79
94712 33392 97420 72250 12788 39352 20166 9920 88377 41072 97878 14874 93416 34004 24276 25575 84851 77755 53786
14
1 6 19 21 23 26 45 47 50 51 52 58 74 78
36487 53521 73699 74840 86141 36094 3812 12755 100155 59628 36347 54512 19942 82464 90087 50977 37978 61144 106600 88525 38877 15377
15
1 12 16 24 25 26 29 31 37 44 45 52 67 72 91 92
51349 NCOA1 25883 646 78966 18542 82619 13062 7197 93990 7528 96074 84032 8955 42798 21706 72769 12651 31353 50045 11580 85799
16
1 16 28 29 30 33 40 47
71238 9783 57317 3864 59256 65403 68660 6101 107224 10922 52318
17
1 9 12 17 25 28 37 42
1330 60081 5431 56566 79359 52868 9220 1801 105882 18951 101723
18
1 2 4 9 10 13 18 27 34 40 41 43 47 52
30336 34197 63167 91453 106474 34445 21244 93396 68759 71183 51501 11190 PNR_2 179278 104979 76513 40639 88935
19
1 10 11 14 15 34 49 50
59102 2138 30893 96746 73697 43227 58128 106754 61633 30286 26871
20
1 4 7 12 14 22 33 49 54 59
10523 30656 21222 20762 9392 18160 10529 51732 72485 101541 32377 101823 97654 RARG1
22
1 4 6 7 10 24 27 29 39 41 54 67 74 75
54581 54528 76743 66474 107982 44300 77053 8882 25054 55847 1812 22318 15603 95863 17551 26425 73666 15633 65759 36990 40165 62780 51081 RARB2
23
1 8 14 16 17 18 19 22 24 29 31 32 33 37 49 50 56 64 79 80 86 97 105 106 115 118 123 124
84611 21902 10393 87168 83924 74338 1465 32655 8500 81662 30547 52814 49060 22059 9711 45963 25036 23368 42796 22109 24561 24940 89835 19489 18277 44790 71356 67149 80552 12969 25583 13840 24733 1121 66881 20979 44112 53757 49382 62176 29458 28586 9300 68038 81573 17968 99378 35517 21025 41894
UN
1 7 9 13 15 19 21 23 24 34 43 75 76
50817 14907 103939 47227 108340 41787 91353 15350 22679 99081 75424 80319 14080 90970 84447 47564 57041 24349 5641 46846
SWS2B
SWS2A
RH2B
RH2A
LWS
candidate gene