

Exon	Forward	Reverse
MKS1		
1	CCGTTGCCAGGAAAACAG	AAGCAGAAAGTGGGGACCTC
2	CTTGGAACCCTACCTCCTC	TGCCGGGCAACTCTATAAC
3	CCACAGAACAAGAAGTGGTGC	CCAGCCATGTGGAGGTAGAC
4	AAAACATGTCAGATAGCATCAGTTC	AGACAGGCTACTTGTCTCCCC
5	TCTTCTTTGGGTTGTTTGGC	TCCCTTCCCTCTCTCTGAGG
6	GAAGTGGCTCTCCACTGGG	GCTGGTGAGAGGAGAAAAGG
7	CCTGCAGTGGGCTCAGTATC	AAGTGCAACCAAGGGAAGG
8	CTGGGCTGGGAGCTATCC	CAGCTCCAGGCACTGAGG
9	TGAACCTTGGTCTAGCTTGGG	CCACAGTCAGAATGCTCCG
10	GATTTGTAGATGGGGCTGGA	AGCAGACAAGGCCTCTACCA
11	TTGGGTGCTAAGGGTGGTAG	AGCCTGACCAAATGCCTCTA
12	CTCTCCGAGAAACACCCAAG	CCACACACAAGTCACCCAAC
13	TTGGGTGTCCTTTTGCATCT	TCTGGGAGCAAGGAGAGAAG
14	AGTGCTGTCTTGGTGAAGG	CCAGAAGCATTGAGTGTTAG
15	GTCATTGCTGGGGAGTCAG	CACCTCCTACAGAAGGACAGG
16-17	GGGGGTGTCTAGAGAGAGCA	GCACTGCAGAGAGAAACAGG
18	CATGGGCCTGTTTCTCTCTG	CCACAGGGTCTCTGGCTTTA
TMEM216		
1	CGTCGCTCACACCTTTTCTT	GGGTTTAGGTCAAGCTCTGG
2	CAGCGTCTAGTTTCCCCAAA	GGGCAGAAAAGAACGGAAAA
3	GCTGAGACTGATGTCCTCTTTT	CAGATCCAGTCTATGATAGTCAACC
4	TTGCCATTCCATCACATCTC	CCCCTTAGGCTTCAGAAGAA
5a	TATCCTTTGGGGCCAGGAG	ACAGCTCGTACAGGGAGCAT
5b	CCCCTGCTGACCTCAAGTT	GCTCCTGAGAACAAACTGCTG
TMEM138		
1	TGCAACTGGAGTGGTACCTG	GTCCTGGGATTATGGGTGTG
2	ACTTTGCCCTCAGCATCTCC	TGCCTGTAATTCCAGCACTTT
TMEM67		
1	GGAGGCTGTGAGGCTTCC	GGTGAAACTCCATTTACGGG
2	TTATTAAGTTTCACTATCTGGGAAC	AATTTTAAAGTCTGTGGGGAAAC
3	CATACTCTTATGGCATTGAACTTAC	AGAATTGCTTGAGCCACTGC
4	TTTATTATGGAGATACTTGTATGCC	TGGGCCTCAGCTTCTGTATC
5	CTAATCCATTGTTTAGAAAGACAGC	CCTGAAATTAATAATGGATGAAATG
6	TTCAGTTGCTTATGCCTTTTCA	CAAAAGGGTTTCTATTCTAGCC
7	TGTGAGACATTTCCATTCAAC	GCCACAAGAAAGAGTTTATTC
8	TGGAACAGACCTGCACAAAG	GCCAAGGAAGATTCTGTCTCC
9	CTGCTGGACTGAGCACTGTT	CAATCCAGAAGTATCCACATATTCA
10	AAAACCACTAATTCTTTCAAGGTC	CTCTTGGCTTTGTCTCAGGC
11	TATCCATGTTGCGGTTTGGAG	GCAACAAGAGCAAACTCCATC
12	TGCTTGCTAATTTCAATTGTG	CAACAGTTTCTAAGTCCACCAGC
13	GAACGCCATTGTCAGGTG	CCGACCAACTGTTCCAATTC
14	TGTGTAACCTTCTTAGTCCTTG	TCAGGATCCATAAGAACTCACC
15	TGGTAAAACCCAGCTACAAATG	TCTGGGGAAAGAATAGCTGG
16	GAGCACTTCTTACTTGTTCACAG	TGAGAAGGATCCAGAATGGTC
17-18	GGCTTCAGGCTTAAGAAATGG	TGCTTTCTTTCAAACCAAAGTG
19-20	TCCTTAGTGGTATTATAACTTCATGTG	TGGCTTCACAACAATATTTCAAC
21	GGTGAGTAGGGAGAGGTTTTCTG	TGCTACAGAAAGAAGGATGTGG
22	GAACTGTAAAGGCCACTG	ACAACCAGTGGAAAATTGGC

23	TTGCCAGACTTGTTTCTCC	CACTTGAACCCAGAAGGCAG
24-25	TGAATTTACTTAGCACCTGAATC	AGGGAAGGTCTTAAGGTGGG
26	TCCTGCTGATTTTACATTAATTGC	TTGGGAAGCTGAGGCAAG
27	TTGTCACCAGAAGTTTATCACAGAC	TATTCCTTCTTTTGGTGGGG
28	TGTATCACTATGGGATTCAGATACC	TGCATTAATACTACACACAATGGG

CEP290

2	ACCAATAATACTGTGTACCTTG	CAGATTGTGACAATTATAGTTG
3	CAACTATAATTGTCACAATCTG	GTTCCACTAATAGCCAAACC
4	GTGCTTACATTCCAGTATAAAG	GTTTAATGAACAAATGGAATTCA
5	ACCTTATAATCATGATGGACTC	AATAACCATGATTACAATCATCC
6	TTGTTGACTCATTTGAACCTC	AAAAAGCCAGGTAACCTGAAC
7	ACTGCTGAATTTTATCTTCTTC	TTAGAAGACTCCAGTCCTGG
8-9	CAAGATAATATGCATCATTTTCCC	ATGAAATTAAGTTTTTAGGAACC
10	AGAGGACACTTATGGCTGCG	GTAATGAGATAATATGAAGTCTG
11	CACATATGTAATGTAATGTATCC	CTAATAAACGTGTTATAAACAG
12	GTATCATAAATCTACTAACGGTG	ATCGTTCAGAGTTCCAAGT
13	CTTGTAACCAAGAAAATATG	AGAAAACCAATATTGACTTGAC
14	TGATTTGAAGGAATAAGTAGTC	CTGTGAATGGCAAGAATAATTC
15	GTACATTTTCTTTAGACTTAG	ACTTGAAATCAGGTTGCGC
16-17	CATTTTGCAGCTTATTTGAATG	ATATCCAGACAACCTCACTTATC
18	ATTAAGTGTTGGAATAGTAGG	TATTTTCTTTACTCTCTTTGC
19	ATTGATCAAACCTTTCTTAACTTG	ACAGAGGTAATTAGGAGTAAAG
20	CCAATGATGTCTTTGGTATATG	AAATATCTCATCAGAACTATGG
21	GTCCATTTTATTTAAAGACAGAC	TTAATTCAAGGGGCATTTTCTC
22	TATGGTTGAGGTAAAATTCCTG	AGTACTATCTGCATGCTTTGG
23	TAACCTTCTATAATGTTGTCAG	TAAGTTCCTAACAGTAGTTACC
24	ATACCTCTTGTTGAGAAAAC	CACAAAGACACATCCATATTAC
25	TATGCAATATTGTACAAAGTAGG	TGATACCATCCTATCTTCTGC
26	AAAGTGGCTAGTGCTTGACC	TGTTAAATTTATATAAATGCAGGC
27	AACTGGATTGTGAGTTTTAAGG	AGGATTATTCATCTGCCTAAG
28	ACAGCATCTAAAATATCTGAGG	AGATCCAGACAAACCACTTAAC
29	AAGCCAAGTAAAGAGGATTG	TACTACTAAGAATTGTATACCTG
30	TAGAAAGTGTACTTAATTGTTCC	CCCCTCCCAACATCTAATG
31	CATTTGGATTTAAGTTTGTTGA	AGCCCAGGAGTTCCAGCTAT
32	CATTATCATCAATGGAGGAATG	TAGTCATTTGTGCAATATTCTTG
33	CCTGTTATGTGCCTGATGTC	TGAGTTAACACTCTAGACTATG
34	ATCTATGTTTTATCATAAGCTG	ATCATTCTATGCATTGCCCTC
35	GCATTTTAAAGGGAAAAAGATAC	CACTTTAGGGTAAAATAATATTTAG
36	ATATGGAGATACTGTTTCTTCC	GCTGAATTTAATTTACATGGTC
37	AATATGGAATAAGTATGGCATTG	AGCAAACACTTATGTTTATCTTC
38	GTGACAGAGTGAGACTGGG	ACAACACGGAGATTTATACTAC
39	ATAGTAGGAAGTAATAAAGCTTG	TAGTGAATTCTCTTCCAATAGG
40	GTTCTTTTATCATTGATACTTC	AAGTAGAAATAAACTACTACCTC
41	GTGATAGCTTCAGAAAGTTGC	CAGAATTAATACAGCCAGGTC
42	AACATATTTACATATTCTCTAGG	TAAAGCTATATAATTTCCAGGTC
43	TTTGGTTTGGTAATGAGTATGC	TTCAATTTCTAGGGGTCAACC
44	CATGGAGGGTCTGTAGGTCA	GGCCAGATTAAGAAAGAAGTTGAT
45	TATCCAGTATGTCTTTTATGGC	ACCATCACCATGATATATTAGG
46	TTTGCCTTTCTTTCAATGGC	TATCTAACTTTTCAATTTCTGGC
47	TGTTGTATTGTTGGTACTTCG	TTAGCCTTGCCTCTCATAAG

48	TGGTTTCTAAACTACTTTGAAG	ACTTCCAGTTTTTCCAAGAGG
49	TAGAGCCCCAGGTTATTTTTG	TGTTTCATCAGGAAGAAACCAG
50	TTAGTACAGTTATTTGAACTGAC	ACAATGCAAGGAACATCTTGC
51	ACGCTTTGTTAAAAATGTGTATC	ATGCTTGTCTCTAGTTGTAGC
52	TCACTAGTTCATAAGAAATGCC	AATTCGATTTTACAGGGAGAC
53	CCATTACCTTGAACTCATTTCG	TAGGATACGTAGTTAAAGATGG
54	ATTCAGGAATACTTTGGCTTTC	TTCGGAGAACTGCTTATTTCC

RPGRIP1L

1	TTTGGTTCATTCCATTGCATAG	ACTTAAATGGTTTGGTTTGTATGAG
2	AATGGATACTATTGTTATTCAAATTCC	CATCCTGCCTTGTCCAAAC
3	TCTTCACAGTGATTATGTTCCTTTC	TTTCTCTTCTAAAGACACTTAAAAGC
4	TGGCTGAGATCACATATTCCC	GCTGTATTTCAAGTGGAGCAAAC
5	ATTTCACTGTGTGCAGAGGC	GCAGTTAGTAGGTCGAGCATAGG
6	CCATAGATTTTCTTCTAACTTGCG	AACAACCTGAATACTACTTTTGAATCC
7	GGTGAACCTCGGGAGTAAATTC	TTTGCTGTGCTCAAAACACC
8	GCAGCTACCATTTAGCAATCG	TCTGACAACAGCAAATGCTTAC
9	GGTCTCTGCGCCACTAAAAG	TGACTGATTCAATGAAGAAACATTAG
10-11	TTTGAAATGTGCTCTTAAACCTG	AAGGGTTACAGATAAGGGTCATC
12	TCCATCAGGAATGAAGCAGTC	GGGTGACAACAGCAAAACTC
13	TGCTTGAATCATAGTTGCTTTG	CACTGTAAGTGCAGATTTGGATG
14	TTCAAAAGCCAGTTTTCATTTTC	GTCCTTGCTCTAAAGGCACC
15	CCAATCTCACATCATTTGTGC	AAAAGACACTTGATGGCTGTG
16	TATCTTATTTGGGGCTTGGC	AAAGACTGAGAAGAGGTTAGGGTG
17-18	TTCACATGGTAGAGCATGAGTC	TGTTTCCATTTAAATCAGGTAGGG
19	TTGAACATTTGCATTGCTCTC	GGGAAATGCTATGACTTCTCTG
20	TTTACATGCTTTATTATTCAACTGTTCC	AACAGGTATCGTGAAGTAGACGC
21	TTTTCCCTAAAATGTAATGTGTCTG	TGTACTGTGAATGAAAGGCAGC
22	TGACATGCTGAGATGAAGTTGTC	CGGATCATGAGGTCGGG
23	TTCAAGAAAAGAAGCCCATTG	TTCTTAATCTTTATGCTACTGGTTTG
24	GTGAGGTGGCATGACTTGTG	TGCCTTTTATTTAACCATGTCC
25	GTTTTGTCTCGTGGTGATTC	AGCACCTTGGAGCCAG
26	CCCAAGATGCCAGTGAACCT	GAGGGGTGGCAGTTATGAGA

CC2D2A

1	GGTTCCTGGTGAGTGGAAG	GTGCAATAGATGCTGGTTGG
2	GATGATGAGAGCCGCACAG	GTATGGACCCCCGCTTATT
3	ATAAGGCGGGGTCCATACT	CTCAAATGGCGTCTCTCTC
4	TCAGGTGACAGAGACTGTGGTT	TGGGGTAAAGTGGGTGGAG
5	TCCAATCTGAAATGTGACCTTC	TGTTAGTCCATTTTGCATTGCT
6	TAAATTACCCAGTCTCAGATATTCC	CCTTCAGAGCCATGAGAAAA
7	GGCAGGACTGAGTTTTTGTG	TGTGCCAATGCAAATAAGA
8	TTTCTTGCTCTTCCCCTTA	CTTGGACTCAAGCGATCCTC
9	GAAGATAAGCCTTTGGGATGG	ACACCCGGCCTGTAGTCA
10	CAACTGCCTGTGGCAGATATT	CGTGGAGTGTCTATTCTCTG
11	CATGAGTTTGGTATTGTGAATTATTTT	GGAATCAGTTCTGGAGATGAGG
12	TCATCTTTTCTTGGTTCTGC	TGGGTTTTGAGCAGTTGAGA
13	GGGGGAGGAAGTACATGAAA	GCCTGATGTTTGTCTTTATGTGT
14	TGGCCTCTAAAACCTGGAAA	CACACATCCTAAACCGAGGA
15	CACCATTTTGGCCAGGAG	TGACCATTTCTTACATCCTCA
16	TCTGCCTAAAGAGAACAAAATCAA	CCTGGGAAGTGGTTACATGC
17	AGCATCTGCCTCACAGGATT	AGCCAGTCAATTCATTATCC

18	AGGCACAGAGAGGTCAGGTG	CCCATGTCGTGCATGTGT
19	TGTGCCCTTTTCAGTGTCTG	GTCTCGAACTCCTGGCCTTA
20	TTAGGGCTGGAACAGTGACC	TGGTTGTCTGGGAAGTGAAA
21	CACCCACTCCAAGTTCCATT	TGGCACCTGACAATAAAAGG
22	GCTTCCTCAAGTCATGCTGTC	ATAGCCAGGCAAGAAGCACA
23	AGGGAAGCATGAACACCAAA	CCGCTATTGCTAGTGACAACA
24	AGCCACCTGTCTCAGAATCC	TGGCTTGCATAAGCTCACAT
25	GGGGGACACTGAGATGACA	CATTATTCCTGGCCCAAATG
26	GAGTTTTTCAGGGGCGTGT	AACCACGTTAAGAATGAGAGTGA
27	GGCGACAGAGTGAGACCCTA	CTTCACCTTAGCCGTTTCTCA
28	TTGGGTATTTTCAAATGCTG	GATCGGGACCCCTTTCTG
29	AATCTTGCTGCTTTCCTGCT	AGGCTCATCTCCAACCTCTG
30	CCTTCTGGCGAGTGCTTAG	TTGCTGATTGACCCGATTACT
31	TCCCAAACCATACATTTCTG	AGTCATCTGCCCGCCTTG
32	AGGATGTTTGGTGAGGATGG	TTTTTATGGCTAATGAATGTTGC
33	GAGAAAACACCATGCCCACT	CCTGAGGACCACTGAAAACC
34	TGCAAAACTAAGCATTGCACTT	GCTTTGTCATTCTGCTTCTCG
35	TGCGGCCTATATGAACACTT	CTGTTTCTTGTTGTGAGTTGAGC
36	CTTTTGGTGGGTCATGGGTA	AAGTTGCCTAAATTGTTTACATTC
37	CAATCATCTGAATCCCCACT	TGAAAAATGGTGGTATTTTGCT
38	GCTGAGTAGAAAAACACAAGCAAA	TTGCCCAAGCAAAGGTAAG

TMEM237

1	ACACCCAGGCCTGCACAGACTCG	AGATGAGTGAGGCGTCGTCGTG
2	TGCACGCCTCTCACCGCAACAT	TTCCACCCACCCAGAGACCCAACC
3	GATGGTATTTGAAGTAAAGAT	GAGTTTCCTGAATCATTGTA
4	TGCACGCCTCTCACCGCAACAT	GGTGCAGTCCTCATTATAG
5	TCTTCCCCTAATCTATAAACG	ACTGGCCTTAATTCTATCCTC
6	TGAAAGAGATGGGGTTATTC	GCTTAAGCCATTGGAGTTAT
7	AAAACATTTTTGCCCAATTA	CAAACAAAGCATCAGGGTAA
8	GCCCTCAGAAATGTAAGTA	TCAGATTTCCAGAAGTATAAAG
9	TCGCTAGTTGTTAGTAATTACG	TACCTACCATTTTAAGTTGT
10	TAAACATCCTATTGGAATTG	AAAGAACAGAAGTAGACTGGC
11	CATGCGTGTTAAGTATACACT	AGGTAATGTTTATAAGGAGC
12	GGATGTCTGGCCTATTGAAA	GCAGGTGGACATAACAATAG
13	TTTCTTAGGAGAGGACTGCT	TTGGCATTCTGTTACACC
14	CTTGAGGGCTTTCTATTAGT	CTTCTACCATATTGCTAAAT