

Additional File 10. CSEP nucleotide diversity within families

The table shows the level of diversity at the nucleotide level in pair-wise comparisons between members of three CSEP families. Diversity is calculated as percentage of different nucleotides for the two exons, the intron and the 500 bp up- and downstream of the coding region. In case there is no homology in parts of the up- and downstream regions only the homologous region is used for the calculation.

Family 7	% differences at nucleotide level				
Pair-wise comparison	500 bp upstream	1. exon	intron	2. exon	500 bp downstream
CSEP0301 - CSEP0302	1,7	0,0	1,7	1,8	0,6
CSEP0301 - CSEP0304	10,5	13,7	6,8	9,5	7
CSEP0301 - CSEP0305	12,3	13,7	11,9	10,7	8
CSEP0301 - CSEP0306	12,0	14,3	11,9	11,2	8,2
CSEP0302 - CSEP0304	11,2	13,7	5,1	8,9	6,8
CSEP0302 - CSEP0305	12,9	13,7	10,2	11,2	8
CSEP0302 - CSEP0306	12,7	14,3	10,2	11,8	8
CSEP0304 - CSEP0305	6,7	1,7	5,1	7,1	6,4
CSEP0304 - CSEP0306	7,1	1,7	5,1	7,7	6,4
CSEP0305 - CSEP0306	1,3	1,1	0,0	0,6	0,4
Average of all pairs	8,8	8,8	6,8	8,0	6,0
Length of fragments	< / = 500	175	59	169	< / = 500
Family 8	% differences at nucleotide level				
Pair-wise comparison	500 bp upstream	1. exon	intron	2. exon	500 bp downstream
CSEP0147 - CSEP0148	9,5	21,3	7,8	25,7	11,2
CSEP0147 - CSEP0149	10,3	23,4	23,5	25,7	12,7
CSEP0147 - CSEP0150	10,2	24,7	19,6	29,2	12,7
CSEP0147 - CSEP0151	12,0	25,5	17,6	31,0	11,3
CSEP0148 - CSEP0149	9,0	17,4	15,7	24,8	12,0
CSEP0148 - CSEP0150	9,6	26,4	11,8	28,3	9,3
CSEP0148 - CSEP0151	6,9	24,7	9,8	30,1	11,9
CSEP0149 - CSEP0150	1,0	20,9	17,6	15,0	13,3
CSEP0149 - CSEP0151	10,7	23,0	15,7	27,4	15,8
CSEP0150 - CSEP0151	10,9	26,4	15,7	32,7	
Average of all pairs	9,0	23,4	15,5	27,0	12,3

Length of fragments	< / = 500	235	51	113	< / = 500
Family 30	% differences at nucleotidelevel				
Pair-wise comparison	500 bp upstream	1. exon	intron	2. exon	500 bp downstream
<i>CSEP0069 - CSEP0070</i>	5,6	7,1	5,2	8,0	4,6
<i>CSEP0069 - CSEP0071</i>	0,8	12,6	5,2	10,6	6,0
<i>CSEP0069 - CSEP0072</i>	6,4	17,8	6,9	28,3	8,4
<i>CSEP0070 - CSEP0071</i>	6,0	14,6	1,7	13,3	4,6
<i>CSEP0070 - CSEP0072</i>	6,8	19,8	3,4	33,6	10,8
<i>CSEP0071 - CSEP0072</i>	6,8	18,2	1,7	31,9	9,3
Average of all pairs	5,4	15,0	4,0	20,9	7,3
Length of fragments	< / = 500	250	58	113	< / = 500