

Table S1

CtIP SP/TP site	Recovered peptide sequence
S10	G.SSCGS(p)PNSADTSSDFKDLWTK.L
S163	K.IENDQQHQAAELECEEDVIPDS(p)PITAFSFGVNR.L
	K.IENDQQHQAAELECEEDVIPDS(p)PITAFSFGVNR.L
	E.CEEDVIPDS(p)PITAFSFGVNR.L
	E.CEEDVIPDS(p)PITAFSFGVNR.L
	E.DVIPDS(p)PITAFSFGVNR.L
S233	K.VSKSSTHPQHNPNEILVADTYDQSQS(p)PMAK.A
	K.SSTHPQHNPNEILVADTYDQS(p)QS(p)PMAK.A
	K.SSTHPQHNPNEILVADTYDQSQS(p)PMAK.A
	S.STHPQHNPNEILVADTYDQSQS(p)PMAK.A
	S.STHPQHNPNEILVADTYDQSQS(p)PMAKAH.G
	S.STHPQHNPNEILVADTYDQSQS(p)PMAKAH.G
	S.STHPQHNPNEILVADTYDQSQS(p)PMAKAHGTS.S
	E.ILVADTYDQSQS(p)PMAK.A
	E.ILVADTYDQSQS(p)PMAKAHGTS.S
T245	K.AHGTSSTY(p)PDKSSFNLTVAE.T
S276	K.AHGTSSTYTPDKSSFNLTVAEATLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCLEGNHK.K
	K.AHGTSSTYTPDKSSFNLTVAEATLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCLEGNHK.K
	K.AHGTS(p)SYTPDKSSFNLTVAEATLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCLEGNHK.K
	K.AHGTSSTYTPDKSSFNLTVAEATLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCLEGNHK.K
	K.SSFNLTVAEATLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCLEGNHK.K
	E.TLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDE.L
	E.TLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.E.G
	E.TLGLGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
	G.LGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYH.C
	G.LGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.E.G
	G.LGVQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
	G.VQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.E.G
	G.VQEESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
	E.ESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.E.G
	E.ESETQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
	E.SETQGPMS(p)PLGDELYHCL.E.G
	E.SETQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
	E.SETQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
	E.TQGPMS(p)PLGDELYHCL.E.G
	E.TQGPMS(p)PLGDELYHCL.EGNHK.K
T315	R.NTEDSLRFSDS(p)T(p)SKT(p)PPQEELPTR.V
	R.NTEDSLRFSDSTSKT(p)PPQEELPTRV.S(p)S(p)PVFGATSSIK.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTR.R
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTR.V
	R.FSDST(p)SKT(p)PPQEELPTR.V
	R.FSDS(p)TSKT(p)PPQE
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTR.V.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFG.A
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGAT.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGAT.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSI.K
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.FSDS(p)TSKT(p)PPQEELPTRV.S(p)SPVFGATSSIK.S
	R.FSDS(p)TSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.FS(p)DSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
S327	R.NTEDSLRFS(p)DS(p)TSKTPPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.NTEDSLRFS(p)DST(p)SKTTPPQEELPTRV.S(p)SPVFGATSSIK.S
	KTPPQEELPT(p)RVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.NTEDSLRFSDSTSKT(p)PPQEELPTRV.S(p)S(p)PVFGATSSIK.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFG.A
	R.FSDS(p)TSKTPPQEELPTRVSS(p)PVFG.A
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGAT.S
	R.FSDSTSKTPPQEELPTRVSS(p)PVFGAT.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGAT.S

	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATS.S
	R.FSDSTSKTPPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSI.K
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSI.K
	R.FSDSTSKTPPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.FSDSTSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	R.FSDS(p)TSKT(p)PPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	K.TPPQEELPTRVSS(p)PVFGATS.S
	K.TPPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIK.S
	K.TPPQEELPTRVSS(p)PVFGATSSIKSGLDLNTSLSPSLLQPGKK.K
	R.VSS(p)PVFGATSSIK.S
S347	K.SGLDLNTSLS(p)PSLLQPGK.K
	K.SGLDLNTSLS(p)PSLLQPGK.K
	K.SGLDLNTS(p)LS(p)PSLLQPGK.K
	K.SGLDLNTSLS(p)PSLLQPGKK.K
	K.SGLDLNTSLS(p)PSLLQPGKKK.H
S549	K.TIPKGFSSSRKASDGNCTLPKDS(p)PGEPCSQE.C
	K.GFSSSRKAS(p)DGNCTLPKDS(p)PGEPCSQE.C
	R.KASDGNCTLPKDS(p)PGEPCSQE.C
	NCTLPKDS(p)PGEPCSQE.C
	R.KASDGNCTLPKDS(p)PGEPCSQECIILQPLNK.C
	R.KASDGNCTLPKDS(p)PGEPCSQECIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQIK.E
	R.KASDGNCTLPKDS(p)PGEPCSQECIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQIK.E
	K.ASDGNCTLPKDS(p)PGEPCSQEC
S568	K.DSPGEPSCQECIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQ.I
	K.DSPGEPSCQECIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQIK.E
	K.DSPGEPSCQECIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQIKEENAVFK.I
	K.DSPGEPSCQECIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQIKEE.N
	E.CIILQPLNKCS(p)PDNKPSLQIKEENAVFK.I
	N.KCS(p)PDNKPSLQIKEENAVFK.I
S889	R.RQPYNAIFS(p)PK.G