

**Supplement table 1. Paired comparison of LINE-1 and Alu methylation patterns among MEC cell subtypes.**

LINE-1 methylation		
% <sup>m</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> <0.001
	N:S	<i>p</i> <0.001
	I:M	<i>p</i> =0.555
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> <0.001
% <sup>m</sup> C <sup>m</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.286
	N:S	<i>p</i> =0.198
	I:M	<i>p</i> =0.155
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.935
% <sup>m</sup> C <sup>u</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.037
	N:S	<i>p</i> =0.097
	I:M	<i>p</i> =0.674
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.270
% <sup>u</sup> C <sup>m</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.542
	N:S	<i>p</i> =0.043
	I:M	<i>p</i> =0.081
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.408
% <sup>u</sup> C <sup>u</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.013
	N:S	<i>p</i> <0.001
	I:M	<i>p</i> =0.006
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.310

Alu methylation		
% <sup>m</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.032
	N:S	<i>p</i> <0.001
	I:M	<i>p</i> =0.368
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.008
% <sup>m</sup> C <sup>m</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.313
	N:S	<i>p</i> =0.631
	I:M	<i>p</i> =0.850
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.738
% <sup>m</sup> C <sup>u</sup> C+ <sup>u</sup> C <sup>m</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.937
	N:S	<i>p</i> =0.210
	I:M	<i>p</i> =0.563
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.283
% <sup>u</sup> C <sup>u</sup> C	N:I	Not analysed
	N:M	<i>p</i> =0.032
	N:S	<i>p</i> <0.001
	I:M	<i>p</i> =0.368
	I:S	Not analysed
	M:S	<i>p</i> =0.008

MEC: Mucoepidermoid carcinoma  
N: Adjacent normal salivary gland cell  
I: Intermediate cell  
M: Mucous cell  
S: Squamous cell