

**Supplemental table 2. Recombinant inbred lines (RILs) derived from the cross between tomato inbreds Fla. 7781 and Fla. 8680, their genotypes for the Ty-3 region of chromosome 6, and their phenotypes across two growing seasons.**

Recombinant	Chromosome 6 Introgressed Segment <sup>z</sup>											Mean RIL Rating <sup>y</sup>		
	C2_At2g39590	MI23	TG436	TG178	T0892	T1563	T0774	cLEG-31_P16	P6-25	T1079	T1098	T0834	Fall 2007	Spring 2008
683	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3.4 <sup>ab</sup>	
343	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1.8 <sup>f-i</sup>	2.5 <sup>c-e</sup>
463	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-		3.3 <sup>ab</sup>
11	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	3.0 <sup>b</sup>	3.7 <sup>ab</sup>
359	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	3.2 <sup>ab</sup>	3.9 <sup>ab</sup>
503	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	1.2 <sup>k-n</sup>	3.0 <sup>bc</sup>
506	+	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	2.4 <sup>cd</sup>	3.0 <sup>bc</sup>
724	+	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	2.3 <sup>de</sup>	2.7 <sup>c-e</sup>
186	+	+	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	3.0 <sup>b</sup>	3.7 <sup>ab</sup>
403	+	+	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	2.0 <sup>d-g</sup>	2.1 <sup>e-h</sup>
554	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	-	2.1 <sup>d-f</sup>	0.9 <sup>o-r</sup>
78	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	1.3 <sup>j-m</sup>	1.0 <sup>m-r</sup>
705	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	1.1 <sup>k-n</sup>	2.1 <sup>e-h</sup>
432	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	0.8 <sup>n-p</sup>	1.6 <sup>h-n</sup>
362	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	0.6 <sup>o-q</sup>	1.6 <sup>h-m</sup>
116	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	0.6 <sup>o-r</sup>	0.9 <sup>o-r</sup>
718	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	+	1.3 <sup>j-l</sup>	1.9 <sup>f-j</sup>
688	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	+	1.1 <sup>l-m</sup>	0.9 <sup>o-r</sup>
552	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	+	1.2 <sup>k-n</sup>	2.0 <sup>f-i</sup>
71	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	+		1.5 <sup>h-o</sup>
719	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	+	1.0 <sup>l-o</sup>	1.1 <sup>l-r</sup>
157	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	1.8 <sup>f-i</sup>	2.4 <sup>d-g</sup>
553	-	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	0.9 <sup>m-o</sup>	1.5 <sup>h-o</sup>
367	-	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	0.9 <sup>m-o</sup>	2.0 <sup>f-h</sup>
18	-	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	1.0 <sup>l-o</sup>	1.6 <sup>h-m</sup>
6 <sup>x</sup>	-	-	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+		
616	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	+	+	3.1 <sup>b</sup>	3.7 <sup>a</sup>
517	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	+	+	2.8 <sup>bc</sup>	
390	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	3.5 <sup>a</sup>	2.9 <sup>b-d</sup>
405	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	1.9 <sup>e-h</sup>	2.7 <sup>c-e</sup>
Horizon	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	2.8 <sup>bc</sup>	2.9 <sup>b-d</sup>
Fla. 8602	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	1.7 <sup>gi</sup>	
Tygress	-	/	/	/	/	/	/	/	/	-	-	-		1.9 <sup>g-k</sup>
HA3074	-	/	/	/	/	/	/	/	/	-	-	-	0.4 <sup>p-s</sup>	
Security 28	-	/	/	/	/	/	/	/	/	-	-	-		1.5 <sup>h-o</sup>

<sup>z</sup> + = homozygous *Solanum chilense*, / = heterozygous, - = homozygous *S. lycopersicum*

<sup>y</sup> Different superscript letters represent statistically significant differences at  $P < 0.05$  based on Duncan's multiple range test.

<sup>x</sup> RIL was not tested in Fall 2007 or Spring 2008; evaluation in Fall 2008 indicated susceptibility (data not shown).