

Supplementary Table 2
Normalized Enrichment Scores from ASSESS for Lactation and Involution

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution												
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4			
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	
GLUTAMINE_DOWN_PENG	2.07	-1.46	1.86	1.97	2.29	2.07	2.05	2.17	2.06	1.94	2.22	1.63	-1.32	-1.39	-1.59	-1.33	-1.34	-1.69	-1.43	-1.37	-1.44	-1.56	-1.69	-1.44
ANDROGEN_UP_NELSON	2.05	-0.94	2.16	1.98	2.08	2.14	1.92	2.30	2.13	1.99	1.70	-0.92	-1.43	-1.01	-1.14	-1.25	-1.25	-1.10	-1.45	-1.31	-1.03	-1.23	-1.04	
LEUCINE_DOWN_PENG	2.03	-1.48	1.90	1.92	2.31	1.85	2.04	2.22	1.97	1.94	2.16	-1.71	-1.33	-1.44	-1.43	-1.40	-1.44	-1.61	-1.44	-1.31	-1.56	-1.69	-1.46	
MYC_P493_TET_UP	2.01	-1.47	1.84	1.88	2.07	2.26	1.97	2.16	2.09	1.94	1.89	-1.15	-1.53	-1.50	-1.95	-1.36	-1.35	-1.73	-1.40	-1.42	-1.05	-1.49	-1.71	
VOXPHOS	1.99	-1.54	2.10	2.01	1.96	2.00	2.08	2.10	1.68	1.85	2.16	-1.20	-2.05	-1.44	-1.38	-1.65	-1.66	-1.43	-1.52	-1.93	-1.65	-1.02	-1.57	
ELECTRON_TRANSPORT_CHAIN	1.99	-1.53	2.08	2.07	1.96	2.09	1.97	2.00	1.66	1.93	2.13	-1.31	-1.58	-1.60	-1.33	-1.71	-1.54	-1.27	-1.63	-1.86	-1.53	-1.38	-1.56	
Electron_Transport_Chain	1.94	-1.41	1.97	2.09	1.97	2.02	1.93	1.96	1.61	1.88	2.06	-1.21	-1.60	-1.48	-1.19	-1.58	-1.46	-1.14	-1.49	-1.79	-1.43	-1.11	-1.47	
ptdinsPathway	1.94	-0.25	2.30	1.79	2.11	1.99	1.97	2.19	1.93	2.11	1.09	0.99	-0.89	-0.88	-1.10	-1.26	-1.59	1.14	-1.17	-1.28	0.96	1.05	1.01	
MYC_DATABASE_UP	1.93	-1.56	1.71	2.12	2.11	2.04	2.02	2.20	2.07	1.60	1.53	-1.62	-1.59	-1.51	-1.84	-1.58	-1.48	-1.98	-1.76	-1.32	-1.24	-1.33	-1.47	
RAPAMYCIN_DOWN_PENG	1.92	-1.29	1.68	1.93	2.18	1.96	1.79	2.12	1.89	1.82	1.90	-1.18	-1.22	-1.11	-1.58	-1.41	-1.43	-1.23	-1.34	-1.24	-1.29	-1.32	-1.17	
ANDROGEN_REGULATED_GENES	1.89	-1.10	2.12	2.01	2.18	2.07	1.51	1.77	1.37	1.85	2.12	-1.13	-1.34	-1.08	-1.17	-0.99	-1.14	-1.08	-1.23	-1.20	-0.68	-1.09	-1.04	
Pyruvate metabolism	1.87	-1.48	1.79	1.87	1.95	2.14	1.97	1.70	1.73	1.84	1.83	-1.55	-1.62	-1.54	-1.43	-1.65	-1.63	-1.46	-1.21	-1.40	-1.08	-1.70	-1.48	
Butanoate metabolism	1.86	-1.06	1.86	1.74	1.97	1.98	1.89	1.81	2.09	1.64	1.77	-1.85	-1.41	-1.16	-1.04	-1.28	-1.42	1.33	-1.02	-1.33	-0.91	-1.50	-1.07	
TARTE_PC	1.86	-1.35	1.85	2.02	2.04	1.68	1.85	2.09	1.82	1.75	1.62	-1.23	-1.54	-2.07	-0.88	-1.36	-1.59	-1.41	-1.09	-1.40	-1.03	-1.40	-1.18	
Glycolysis_and_Gluconeogenesis	1.83	-1.45	1.92	1.78	1.97	2.12	1.61	1.64	1.87	1.74	1.80	-1.47	-1.36	-1.39	-1.54	-1.71	-1.62	-1.25	-1.45	-1.67	-1.20	-1.62	-1.18	
Glycolysis	1.83	-1.29	2.01	1.62	1.95	1.99	1.79	1.85	1.84	1.58	1.81	-1.73	-1.37	-1.43	-1.17	-1.34	-1.47	-1.11	-1.07	-1.42	-1.16	-1.42	-0.85	
Gluconeogenesis	1.83	-1.29	2.01	1.62	1.95	1.99	1.79	1.85	1.84	1.58	1.81	-1.73	-1.37	-1.43	-1.17	-1.34	-1.47	-1.11	-1.07	-1.42	-1.16	-1.42	-0.85	
MYELIN_DOWN_LE	1.80	0.42	1.88	1.62	1.83	1.79	1.87	1.84	1.68	1.87	1.87	1.42	-1.43	-1.12	1.36	1.24	-1.40	1.47	1.56	-1.41	1.41	-0.01	1.41	
Ribosomal_Proteins	1.80	-1.38	1.87	1.79	2.01	1.94	2.06	1.89	1.30	1.54	1.78	-1.58	-1.44	-1.11	-1.40	-1.35	-1.38	-1.61	-1.25	-1.34	-1.44	-1.50	-1.21	
Krebs_TCA_Cycle	1.80	-0.96	1.73	1.68	2.09	2.02	2.05	1.69	1.41	1.70	1.79	-1.24	-1.42	-1.08	-1.13	-1.32	-0.87	1.33	-1.17	-1.21	-0.91	-1.29	-1.19	
KREBS_TCA_CYCLE	1.79	-1.04	1.68	1.71	2.05	1.84	2.04	1.64	1.41	1.94	1.81	-1.43	-1.35	-1.16	-1.23	-1.41	-1.01	1.06	-1.05	-1.33	-0.90	-1.21	-1.43	
MITOCHONDRIA	1.75	-0.33	1.62	1.75	1.91	1.66	1.90	1.84	1.57	1.66	1.83	-0.99	-1.54	-1.19	-1.14	-0.95	-1.14	1.50	1.26	-1.05	1.13	-0.97	1.08	
HTERT_DOWN_SMITH	1.74	0.20	1.73	1.49	1.87	1.70	1.64	1.71	1.54	1.98	1.98	-1.40	-1.59	-1.17	-0.72	1.06	1.32	1.15	1.35	-1.14	1.04	1.27	1.15	
Oxidative phosphorylation	1.72	-1.17	1.82	1.80	1.82	1.79	1.65	1.77	1.34	1.70	1.79	-1.21	-1.22	-1.16	-1.11	-1.17	-1.24	-1.13	-1.14	-1.18	-1.16	-0.89	-1.36	
TARTE_PLASMA_BLASTIC	1.68	-0.82	1.78	1.53	1.82	1.69	1.67	1.82	1.48	1.76	1.61	-1.01	-1.22	-1.04	-0.98	-1.10	-1.09	-1.01	-0.01	-1.11	-1.19	1.05	-1.15	
SASAKI_TSLC1	1.66	0.18	1.70	1.72	1.59	1.67	1.77	1.65	1.60	1.68	1.56	-0.81	-1.05	-0.98	-0.94	1.24	-1.10	-0.88	1.28	1.45	1.33	1.22	1.36	
GLUCOSE_UP_PENG	1.63	-1.00	1.90	1.48	1.63	1.78	1.59	1.77	1.71	1.29	1.49	-1.58	-0.89	-1.71	-1.11	-0.95	-1.05	-1.08	0.82	-1.13	-1.31	-0.98	-1.08	
crebPathway	1.59	1.13	2.14	1.76	1.31	2.38	1.34	1.82	1.09	1.32	1.13	1.01	1.17	1.41	1.32	-0.83	1.09	1.64	1.48	1.50	1.55	0.97	1.28	
HUMAN_MITODB_6_2002	1.58	-0.55	0.00	1.81	1.87	1.69	1.91	1.80	1.60	1.65	1.88	-0.92	-1.61	-1.18	-1.05	-1.05	-1.15	1.37	-1.05	-1.15	1.13	-1.05	1.04	
PANCREAS_CHR17_AGUIRRE	1.54	-1.19	1.67	2.06	0.91	1.50	1.44	1.68	1.15	1.59	1.85	-1.27	-1.11	-1.43	-1.27	-0.90	-1.28	-1.43	-0.96	-0.89	-1.40	-1.12	-1.19	
PEL_UP_KLEIN	1.53	-0.45	1.46	1.41	1.65	1.49	1.80	1.31	1.17	1.95	1.49	-0.94	-1.22	-1.13	-1.04	-0.93	-0.84	-0.77	-0.76	-1.20	1.31	0.78	1.28	
PGC	1.49	1.04	1.56	1.66	1.79	1.72	1.74	1.73	0.00	1.52	1.69	0.00	1.12	1.05	1.58	1.34	-1.12	1.51	1.59	1.52	1.32	1.42	1.20	
IFNG_5ENDOTHELIAL_DOWN	1.47	0.04	1.42	1.24	1.56	1.60	1.71	1.57	1.55	1.23	1.37	-1.06	-1.30	-1.01	1.19	-0.82	-1.00	1.28	-1.06	1.00	1.13	0.99	1.13	
MRNA_SPLICING	1.44	-1.00	1.49	1.01	1.50	1.63	1.60	1.21	1.71	1.41	1.41	-1.26	-1.48	-1.38	-1.31	-0.96	-1.57	-1.27	-1.13	-0.66	0.93	-1.14	-0.84	
ST_PHOSPHOINOSITIDE_3_KINASE_PATHWAY	1.42	-0.21	1.03	1.44	1.62	1.93	1.50	1.75	0.95	1.48	1.11	-0.79	-1.27	-1.30	-0.78	-1.01	-0.89	1.28	1.31	1.47	-0.98	-0.87	1.34	
chemicalPathway	1.42	0.23	1.51	1.28	1.76	1.20	1.68	1.44	1.29	1.51	1.12	1.71	-1.32	1.01	-1.02	-1.21	0.95	-1.07	1.53	1.27	-1.20	0.89	1.20	
Circadian_Exercise	1.42	0.77	1.47	1.32	1.01	1.85	1.31	1.43	1.49	1.31	1.59	-1.06	1.27	1.19	1.22	1.30	-0.94	1.55	1.20	-0.80	1.19	1.50	1.66	
UEDA_MOUSE_SCN	1.42	1.41	1.47	1.74	1.31	1.36	1.39	1.57	1.00	1.30	1.59	1.85	1.55	1.55	1.59	1.38	1.81	1.59	2.03	-0.85	1.37	1.56	1.54	
UEDA_MOUSE_LIVER	1.40	1.50	1.24	1.38	1.65	1.39	1.48	1.47	1.17	1.25	1.58	-1.09	1.72	1.69	1.36	1.78	1.86	1.71	2.14	1.91	1.55	1.71	1.66	
ANDROGEN_GENES	1.39	-0.88	1.53	1.28	1.54	1.19	1.42	1.52	1.70	1.01	1.30	-0.96	0.63	-0.83	-0.87	-1.04	-1.17	-1.00	-0.81	-1.15	-1.04	-1.23	-1.12	
PANCREAS_CHR1_AGUIRRE	1.39	-0.53	1.66	1.44	0.87	1.34	1.76	1.51	1.11	1.60	1.19	1.18	-0.64	0.62	-0.71	-0.80	-0.77	-0.91	-0.77	-0.88	-0.75	-0.97	-0.99	

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution											
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4		
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C
Translation_Factors	1.38	-1.18	1.52	1.51	1.43	1.51	1.30	1.60	1.37	1.31	0.88	-1.05	-1.42	-1.17	-1.43	-1.13	-0.76	-1.14	-1.12	-1.32	-0.95	-1.37	-1.27
Pyrimidine metabolism	1.36	-0.83	1.77	1.59	1.56	0.94	1.28	1.47	1.16	1.59	0.91	-0.95	-1.31	-1.02	-0.86	-0.82	-1.14	-1.15	-1.00	-1.01	-0.81	1.10	-1.01
Purine metabolism	1.33	-0.37	1.31	1.58	1.43	1.24	1.34	1.39	1.22	1.30	1.13	-0.86	-1.34	-1.09	1.29	-0.72	-0.73	-0.74	-0.81	-0.84	1.22	-0.80	0.99
Glycine, serine and threonine metabolism	1.32	-0.15	1.70	1.11	1.77	1.38	1.70	1.84	-0.70	1.63	1.45	-0.93	-1.35	-1.34	-1.05	0.97	1.11	1.06	1.46	1.21	-1.03	-1.04	-0.82
BRENTANI_DNA_MET_AND_MOD	1.32	-0.13	1.83	0.98	1.21	0.93	1.40	1.33	0.98	1.51	1.70	1.60	1.17	-1.05	-1.48	-0.92	1.37	0.93	-1.00	-1.09	-1.08	1.06	-1.12
gleevecPathway	1.28	1.40	1.22	1.12	1.41	1.25	1.65	1.64	1.12	1.10	1.01	1.21	1.47	1.52	1.62	1.54	1.44	1.40	1.18	1.41	1.52	1.23	1.24
MM_UP_MUNSHI	1.26	0.13	0.97	1.50	1.45	1.07	1.16	1.45	1.04	1.61	1.11	-0.81	1.00	-1.24	1.18	-1.20	1.22	-0.95	1.17	-0.69	-0.65	1.51	1.01
2ME2_CHAUHAN	1.25	0.77	1.46	1.33	1.06	1.21	1.25	1.22	1.44	1.33	0.92	1.07	1.08	1.01	-0.87	1.08	1.13	1.40	-0.75	1.00	0.84	1.29	0.92
Galactose metabolism	1.24	-1.03	1.73	1.15	1.80	1.37	1.20	1.72	1.63	1.57	-0.98	-1.49	-1.35	-1.45	-1.22	-1.05	-1.40	-1.10	-1.24	-1.28	0.98	-1.20	-0.67
eif4Pathway	1.20	0.66	1.19	1.58	1.30	1.83	1.49	1.76	1.35	1.22	-0.90	-0.93	1.34	1.38	1.36	-0.88	1.32	1.13	-1.02	0.99	1.00	1.10	1.18
UNDERHILL_PROLIFERATION	1.19	-1.03	1.80	1.04	1.53	1.25	1.46	1.58	-0.90	1.50	1.45	-1.29	-1.10	-1.05	-1.15	-0.71	-0.80	-1.04	-0.98	-0.93	-0.80	-1.16	-1.41
CRASH_AND_BURN_MUT_SHEPARD	1.17	1.46	-0.01	1.63	1.35	1.22	1.30	1.34	1.16	1.21	1.34	1.15	1.08	1.24	1.29	1.76	1.45	1.61	1.46	1.69	1.67	1.55	1.57
WNT_SIGNALING	1.14	1.16	1.52	1.44	1.61	-1.10	1.23	1.51	0.93	1.60	1.55	1.14	1.61	1.86	1.17	-0.83	1.39	1.43	1.46	1.11	1.16	1.50	0.86
BCELL_ASTIER	1.10	1.09	1.16	1.61	0.97	-0.72	1.75	1.41	1.22	1.31	1.22	-0.97	-0.86	1.54	1.60	1.82	1.48	1.71	1.51	1.79	1.13	1.16	1.18
ST_INTERLEUKIN_4_PATHWAY	1.10	-0.25	0.99	1.07	1.42	1.71	1.15	1.80	1.15	1.25	-0.61	-0.77	-1.01	-1.20	-0.64	-0.90	-0.83	0.98	1.10	1.31	-1.03	-0.91	0.95
no1Pathway	1.09	0.39	1.64	1.29	1.49	1.32	0.00	1.04	1.48	0.84	0.73	1.21	-1.29	-0.98	-0.98	1.44	1.06	0.96	1.16	-0.77	0.99	0.91	0.94
PANCREAS_CHR12_AGUIRRE	1.08	1.48	1.35	1.17	1.33	1.52	0.89	-0.77	1.60	1.21	1.38	1.51	1.63	1.59	1.62	1.39	1.68	1.42	1.11	1.89	1.05	1.34	1.50
MOUSE_MYC_TGFA_UP	1.05	1.23	1.18	1.19	1.54	1.18	1.36	1.37	1.27	1.30	-0.96	1.41	1.23	1.08	1.26	1.59	-0.82	1.59	1.63	1.49	1.36	1.52	1.44
ZF_POS_REG_OF_CELL_PROLIF	1.04	0.05	-0.74	1.61	1.42	0.96	1.37	1.23	1.11	1.09	1.32	-0.82	-0.80	-0.94	-0.91	0.87	-0.97	1.08	1.00	-0.71	1.07	0.89	0.83
WNT_NCCIT_ALL_UP	1.04	-0.33	1.55	1.42	1.17	1.17	-0.61	1.32	0.74	1.12	1.48	-1.16	-1.60	-1.94	-1.74	-0.76	-0.87	-0.76	0.91	0.84	1.05	1.15	0.97
LEUCINE_UP_PENG	1.04	1.22	1.27	1.39	-0.81	1.17	1.26	1.39	0.97	1.42	1.28	1.25	-0.94	1.04	1.62	1.79	1.24	1.61	1.66	1.21	1.53	1.28	1.31
HCV_HCC_MARKER	1.03	0.11	1.32	-0.89	0.81	1.44	1.05	1.46	1.40	1.45	1.26	0.76	-0.88	-1.35	-0.88	1.06	1.27	0.59	1.01	-0.72	-0.99	1.59	1.05
mtorPathway	1.03	-0.57	-0.57	1.59	1.38	1.79	1.24	1.89	1.42	1.44	-0.94	0.94	-0.84	-0.67	-0.73	-0.94	1.08	-0.80	-0.85	-1.06	-0.88	-1.23	-0.88
Phosphatidylinositol signaling system	1.02	0.67	1.03	1.40	-0.81	1.37	1.60	1.42	1.03	1.02	1.10	1.57	1.13	0.76	-1.13	-0.84	1.28	1.23	1.50	1.41	-0.80	0.91	0.97
MOUSE_MYC_E2F1_DOWN	1.02	0.21	1.22	1.40	1.40	1.39	1.32	1.32	1.07	-0.96	0.97	-1.13	-1.25	-1.17	1.19	1.54	-0.89	1.13	1.19	-0.87	0.84	0.86	1.13
PANCREAS_CHR22_AGUIRRE	1.01	0.40	0.87	1.25	0.91	1.07	1.59	1.18	-0.77	1.26	1.71	-1.03	-1.59	-1.15	1.53	1.28	1.27	-1.30	1.54	1.08	1.18	0.94	1.08
INSULIN_SIGNALLING	1.01	1.03	1.27	1.05	1.12	1.53	1.29	1.48	-1.04	1.30	1.06	1.16	-1.22	1.12	1.18	1.28	1.44	1.30	1.35	1.37	1.06	1.18	1.13
HISTONE_UP_PEART	1.00	-0.05	1.33	0.71	1.04	1.49	1.30	1.67	-0.73	1.04	1.14	-0.81	1.05	-0.86	-1.04	1.06	-0.88	1.08	-1.03	-0.66	-0.81	1.28	1.08
Tryptophan metabolism	0.99	-0.15	1.13	0.90	-0.70	0.99	1.60	1.23	1.17	1.15	1.42	-1.25	-1.06	-1.40	-0.70	1.11	-1.32	1.27	-0.73	-1.05	1.07	0.88	1.42
EPITHELIAL_UP_ZUCCHI	0.99	1.25	1.23	0.82	1.26	1.09	1.33	1.25	-0.81	1.25	1.45	1.38	1.65	1.27	1.49	1.42	-0.64	1.35	1.76	1.70	1.58	1.00	1.10
MOUSE_MYC_TGFA_DOWN	0.98	0.54	1.20	1.23	1.24	1.37	1.33	1.27	1.07	-0.82	0.96	-1.09	-0.99	-0.94	1.52	1.73	1.13	1.31	1.29	1.20	1.23	-1.09	1.23
ST_MYOCYTE_AD_PATHWAY	0.97	0.55	0.91	1.41	1.23	1.21	1.46	1.12	1.14	1.01	-0.78	1.13	1.15	1.51	-0.92	-0.73	-0.85	1.11	1.13	-0.67	1.15	1.36	1.18
sppaPathway	0.97	0.36	1.30	0.93	1.22	1.43	1.08	0.81	1.37	-0.80	1.37	0.55	1.42	1.19	-0.81	-1.06	1.14	0.95	-0.87	-0.76	0.89	0.65	1.02
BRENTANI_DEATH	0.95	0.92	0.94	1.25	1.21	0.94	1.41	1.13	-0.83	1.26	1.25	1.40	1.03	1.29	-0.93	-0.64	1.19	0.87	1.50	1.48	1.32	1.48	1.06
SIG_IL4RECEPTOR_IN_B_LYPHOCYTES	0.95	1.11	1.20	1.15	0.88	1.74	1.22	1.32	0.90	1.03	-0.90	1.29	1.48	1.01	1.26	1.28	1.51	1.19	1.31	1.34	1.09	-0.64	1.13
amiPathway	0.95	0.57	1.65	1.05	1.37	1.26	0.79	0.96	-0.78	1.05	1.19	1.10	-1.14	-0.92	1.67	1.38	-0.70	1.92	1.25	-0.78	1.15	0.63	1.28
cskPathway	0.95	0.57	1.65	1.05	1.37	1.26	0.79	0.96	-0.78	1.05	1.19	1.10	-1.14	-0.92	1.67	1.38	-0.70	1.92	1.25	-0.78	1.15	0.63	1.28
ELECTRON_TRANSPORTER_ACTIVITY	0.95	0.34	-0.01	-0.64	1.48	0.98	1.58	1.47	1.11	1.27	1.27	-1.00	-0.85	-1.27	1.27	1.28	-0.83	1.44	1.21	-0.78	1.10	1.10	1.34
IL5_DOWN_BYSTROM	0.94	1.06	1.26	1.12	1.17	0.99	1.22	1.17	1.00	1.28	-0.73	1.17	-0.85	0.98	1.89	1.65	1.55	1.18	1.58	-0.86	1.44	1.66	1.28
DNA_replication_Reactome	0.94	-0.99	1.50	1.14	1.47	1.20	1.08	1.67	-0.55	1.56	-0.66	-0.76	-0.81	-1.09	-0.77	-1.01	-1.08	-0.92	-0.94	-0.68	-1.11	-1.58	-1.19
nos1Pathway	0.92	0.56	1.47	1.46	1.21	-0.81	-0.22	1.15	1.31	1.09	1.64	1.06	-1.09	-0.92	0.89	1.21	-0.69	1.05	1.33	1.09	1.18	0.70	0.89
AML1_ETO_ROSS	0.90	1.05	-0.98	1.43	1.41	1.54	1.53	1.34	-0.98	1.13	1.65	-1.05	1.20	-0.85	1.21	1.53	1.73	1.77	1.49	1.79	1.27	1.25	1.30
Urea cycle and metabolism of amino groups	0.90	0.55	-0.79	1.28	0.71	1.22	0.86	0.92	1.19	1.18	1.49	-0.52	-1.26	0.78	1.05	1.48	-0.51	1.43	2.09	1.40	0.84	-1.20	1.03
MARSHALL_SPLEEN_BAL	0.89	0.61	1.46	-0.71	-0.92	0.99	1.11	1.60	1.18	1.72	1.59	1.07	-0.91	0.79	-0.88	-0.83	0.96	1.44	0.93	0.96	1.39	1.11	1.29
Glycerolipid metabolism	0.89	-0.47	-0.96	1.03	1.50	1.03	1.48	1.17	0.80	1.14	0.84	-1.09	-1.24	-1.25	-0.83	-0.74	-1.04	0.93	-0.71	-1.18	1.26	-0.80	1.03

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution											
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4		
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C
erk5Pathway	0.89	1.17	1.10	1.27	0.95	2.32	1.33	1.38	-0.75	1.11	-0.71	1.78	1.69	1.28	1.47	-0.80	1.24	1.62	1.60	1.22	0.87	0.75	1.30
Wnt_signaling	0.88	1.15	1.58	1.39	1.16	-0.93	1.02	1.39	-0.81	1.56	1.53	1.18	1.54	2.07	1.09	-0.87	1.44	1.37	1.41	1.11	1.23	1.39	0.91
BCL2_FAMILY_AND_REG_NETWORK	0.87	1.02	1.44	1.27	0.93	1.22	1.21	-0.75	0.85	0.91	0.71	1.86	-0.79	0.93	1.14	1.71	1.47	0.85	1.53	1.76	-0.80	1.14	1.42
Prostaglandin and leukotriene metabolism	0.85	0.45	1.18	1.09	1.27	1.28	1.49	-0.90	-0.66	1.57	1.36	1.30	0.60	0.79	-1.14	0.88	-0.70	1.39	-0.82	1.14	1.42	1.55	-0.96
Propanoate metabolism	0.79	1.12	-0.79	-0.80	1.38	0.98	1.38	1.09	1.12	1.45	1.27	1.67	-0.89	-0.82	1.62	1.08	1.57	1.77	1.77	1.49	1.46	1.15	1.52
PANCREAS_CHR8_AGUIRRE	0.77	1.08	-0.94	1.21	1.34	1.13	1.51	1.41	-1.03	1.14	1.15	-1.36	1.42	1.15	1.42	2.07	1.53	1.53	1.66	1.67	-0.76	1.52	1.11
WNT_SW480_UP	0.77	0.83	1.29	1.10	-0.89	1.15	1.25	1.18	-0.75	1.08	1.50	1.35	-1.14	-0.95	1.35	1.77	1.38	1.44	1.47	1.45	-0.97	1.31	1.48
CBF_LEUKEMIA_ROSS	0.77	0.74	-0.86	1.11	1.39	1.39	1.20	-0.84	1.09	1.05	1.37	-0.81	1.09	-1.01	1.00	1.61	1.24	1.53	-0.71	1.23	1.35	1.12	1.28
WNT_MOUSEHC11_DOWN	0.73	0.43	-0.70	1.07	-1.18	0.97	1.10	1.15	1.44	1.38	1.36	-1.16	-0.80	-0.85	1.07	0.94	-0.77	1.05	1.17	0.91	1.42	1.15	1.06
SIG_PIP3SIGINCARDIACMYOCTES	0.73	0.86	-0.83	1.13	1.03	1.55	1.15	1.35	-0.88	1.11	0.94	1.16	-0.84	-0.91	1.35	-0.71	1.52	1.25	1.68	1.57	1.71	1.03	1.49
ghPathway	0.72	1.09	-0.70	0.89	0.80	1.20	1.49	1.62	0.76	-0.77	1.21	-0.73	1.56	1.37	1.79	1.15	1.06	1.07	1.23	1.11	1.18	1.15	1.14
erkPathway	0.72	1.34	1.28	1.19	-0.91	0.97	1.17	1.54	-1.04	1.02	1.24	1.24	1.56	2.01	1.67	1.95	1.03	1.99	1.27	1.14	1.48	-0.87	1.56
WNT_DB	0.70	0.20	1.22	1.27	1.43	-0.89	1.20	1.00	-0.53	0.94	0.68	-0.91	-1.20	0.75	-1.08	1.29	1.53	0.66	0.96	-0.69	0.91	-0.63	0.85
INSULIN_2F_UP_ROME	0.67	1.26	1.18	1.06	1.16	1.06	1.29	1.26	-1.23	-0.88	1.10	1.21	1.24	-0.03	1.48	1.42	1.45	1.25	1.74	1.34	0.99	1.54	1.48
ESC_UP_BHATTACHARYA	0.67	-0.38	0.80	1.19	-0.70	1.39	0.74	0.91	-0.78	1.00	1.46	-0.91	-1.47	-0.25	-0.97	-0.63	-0.80	-1.07	0.93	-0.77	1.07	-0.65	1.01
ST_GA13_PATHWAY	0.66	1.09	-0.58	1.00	1.06	1.29	1.01	1.14	1.04	1.20	-1.18	1.51	1.27	0.89	1.20	1.11	1.51	1.18	1.33	1.38	-0.72	1.16	1.24
GOLDRATH_HP	0.66	1.53	-1.12	1.06	-1.04	0.94	1.08	1.27	1.33	1.22	1.14	1.82	1.61	0.00	1.82	1.72	1.96	1.61	1.95	1.60	1.55	1.45	1.31
HYPOXIA_DOWN_MANALO	0.64	1.09	1.20	1.11	1.27	1.18	1.02	0.89	-1.04	1.06	-0.89	0.95	1.48	1.27	1.72	1.20	1.45	1.07	0.94	1.23	-0.60	1.14	1.25
CBF_ROSS	0.64	1.58	-1.01	0.93	1.19	1.14	1.13	-0.94	1.04	0.97	1.30	1.38	1.35	1.36	1.48	1.89	1.86	1.85	1.66	1.83	1.51	1.57	1.25
E2F1_CHIP	0.63	1.25	1.07	1.00	0.91	0.88	-0.76	1.07	-0.86	1.34	1.04	1.24	1.60	1.36	1.58	1.75	1.55	1.26	-0.75	1.57	1.19	1.34	1.34
mitochondriaPathway	0.62	1.21	-0.95	0.99	1.44	-1.13	1.14	0.97	0.96	1.16	0.98	1.45	0.73	1.29	0.59	1.55	1.28	0.64	1.43	1.63	0.92	1.50	1.57
ST_DIFFERENTIATION_PATHWAY_IN_PC12_CELLS	0.62	1.20	0.86	0.97	0.92	1.15	1.04	1.25	-0.76	0.84	-0.72	1.01	1.38	0.91	0.96	1.13	1.35	1.07	1.53	1.34	1.31	0.97	1.48
GLUCOSE_DOWN_PENG	0.61	1.59	-0.81	1.11	1.10	1.28	-0.01	1.12	-0.86	1.43	1.10	1.18	1.46	1.65	1.56	1.97	1.65	1.87	1.40	1.80	1.60	1.47	1.50
ELECTRON_TRANSPORT	0.60	1.40	-0.01	1.38	-1.19	1.26	1.23	1.32	-1.14	1.20	1.34	1.34	1.13	0.95	1.39	1.85	1.50	1.33	1.62	1.66	1.45	1.37	1.23
MYC_5CELLS_CHIP	0.60	1.58	1.32	1.33	1.57	-1.05	1.40	1.34	-0.81	1.21	-0.91	1.21	1.47	1.14	1.72	1.72	1.75	1.54	1.71	1.79	1.63	1.48	1.77
S1P_Signaling	0.60	1.14	1.18	0.90	0.87	1.01	0.92	1.11	1.33	-0.84	-1.10	1.34	1.17	-0.80	1.72	1.07	1.38	1.39	1.56	1.46	1.12	0.77	1.48
COPD_UP_NING	0.59	1.58	1.10	1.16	1.18	-0.93	-0.05	1.31	-1.05	1.13	1.46	1.20	1.51	1.21	1.56	1.95	1.39	1.73	2.08	1.81	1.65	1.28	1.59
tob1Pathway	0.56	0.99	1.16	-0.77	-1.02	1.22	0.83	1.05	0.98	0.90	0.72	0.69	1.13	1.10	1.72	0.95	0.81	1.36	-0.69	0.91	1.53	1.32	1.01
BRENTANI_REPAIR	0.56	1.17	0.98	1.03	-0.90	0.90	-0.90	1.09	0.92	1.05	0.85	1.18	1.38	1.16	1.49	1.39	1.43	-0.63	1.67	1.77	0.77	1.33	1.13
il2Pathway	0.55	0.67	-0.83	0.73	1.01	-1.11	1.38	1.00	1.01	0.65	1.15	-0.91	0.94	1.49	-0.64	1.27	0.91	1.20	-0.79	1.51	1.30	0.89	0.89
LU_IL4CELL	0.54	0.36	-0.80	1.50	1.26	-0.83	1.06	1.53	0.84	-0.89	1.21	1.27	-0.83	1.01	-0.68	-0.64	-0.93	1.32	1.38	1.12	1.23	-1.09	1.12
HTERT_UP_SMITH	0.53	1.59	1.27	1.17	-1.07	1.17	1.16	1.22	-0.88	1.48	-0.72	1.35	1.35	1.41	1.57	1.65	1.59	1.82	2.20	1.65	1.49	1.52	1.44
nktPathway	0.53	1.38	-0.85	0.96	0.70	0.76	0.95	-0.79	0.95	1.23	0.86	1.44	1.03	1.07	1.70	1.56	1.19	1.67	1.43	1.06	1.69	1.22	1.53
caspasePathway	0.53	-0.01	-1.11	1.29	1.46	-0.78	1.09	0.77	1.44	1.42	-0.83	-1.26	-0.90	-0.88	-0.92	-1.00	1.00	0.87	0.87	-0.83	1.07	1.18	0.72
Arginine and proline metabolism	0.53	0.74	-0.85	-0.70	0.81	0.69	1.11	0.80	0.95	1.01	0.92	-0.81	-1.29	-0.93	1.15	1.68	1.06	1.63	1.87	1.63	1.79	0.89	1.24
hdacPathway	0.52	1.11	0.87	0.91	0.89	1.46	0.00	1.20	0.95	-0.82	-0.77	1.48	1.28	1.18	1.30	0.77	1.80	1.37	1.42	-0.67	0.93	1.18	1.33
Glycogen_Metabolism	0.51	0.51	1.43	1.06	1.10	-1.15	-0.14	1.11	1.15	-0.98	1.05	-1.96	1.37	1.17	1.00	1.20	0.85	1.14	0.88	-0.85	-1.11	1.27	1.11
nfatPathway	0.47	1.25	0.95	1.17	0.96	1.27	0.00	0.93	-0.85	0.85	-1.02	1.12	1.13	1.29	1.11	1.16	1.86	1.07	1.37	1.58	1.09	1.03	1.24
Valine, leucine and isoleucine degradation	0.47	1.51	-0.81	-0.77	1.25	-1.41	1.28	1.00	1.30	1.18	1.18	1.57	1.21	1.18	1.83	1.24	1.89	1.77	1.59	1.31	1.74	1.08	1.73
BRCA_UP_WELCSH	0.44	0.97	1.24	1.10	1.26	1.37	-1.24	-0.98	1.13	0.91	-0.81	-0.95	1.12	1.28	1.07	1.78	-1.02	1.37	1.55	1.28	1.64	1.24	1.23
PASSERINI_GROWTH	0.42	0.77	1.16	0.94	-0.57	0.62	-0.69	0.91	-0.76	0.87	1.27	-0.79	0.99	-0.77	1.19	1.31	-0.65	1.81	1.52	1.14	1.07	0.87	1.57
edg1Pathway	0.40	1.44	1.28	-0.72	0.78	0.78	1.19	0.88	-0.83	-0.73	0.95	1.96	1.59	1.51	1.60	1.19	1.04	1.43	1.57	1.28	1.67	1.04	1.40
BRENTANI_CELL_CYCLE	0.40	1.41	1.04	0.97	0.91	1.05	-0.91	1.17	-0.90	-0.79	1.01	1.16	1.41	1.43	1.17	1.47	1.30	1.60	1.29	1.16	1.67	1.67	1.64
ST_ADRENERGIC	0.37	1.34	-0.67	1.14	1.05	1.40	1.47	1.22	-0.74	-0.72	-0.83	1.64	1.41	1.60	1.26	0.85	1.38	1.37	1.44	1.31	1.32	1.18	1.38
FETAL_LIVER_HS_ENRICHED_TF	0.36	1.59	-0.89	0.85	-1.01	-0.83	0.98	0.98	1.15	0.79	1.20	1.29	0.95	1.44	1.59	1.99	1.65	1.56	2.01	1.70	1.81	1.49	1.56

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution											
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4		
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C
HISTONE_DOWN_PEART	0.34	1.52	0.85	0.93	1.00	-1.26	0.99	0.95	-0.80	-0.65	1.06	0.94	1.48	1.19	2.15	1.50	1.71	1.83	1.84	1.44	1.24	1.44	1.47
MOUSE_E2F1_DOWN	0.29	0.77	-0.84	0.93	1.40	1.06	1.31	1.21	-0.88	-0.80	-0.80	-1.02	0.73	-1.04	1.65	1.74	1.38	1.48	1.37	-0.73	1.08	1.16	1.39
gpcrPathway	0.29	1.21	1.06	1.10	0.99	0.91	-0.05	-0.70	-0.82	-0.75	0.83	0.98	0.87	1.53	0.90	1.61	1.07	1.42	1.12	1.67	1.30	0.89	1.17
PASSERINI_PROLIFERATION	0.26	0.46	-0.73	0.92	-0.91	-0.77	1.03	1.17	-0.87	1.20	1.34	1.18	-0.62	-0.63	-0.87	1.20	0.80	1.54	-0.52	-0.55	1.45	1.22	1.34
epoPathway	0.26	0.79	-1.06	-0.82	1.05	-1.19	1.53	1.19	1.25	-0.85	1.28	-0.91	1.21	1.95	-0.61	1.31	0.96	1.39	-0.90	1.56	1.36	1.16	1.00
INS_RECEPT_PATH_IN_CARDIACMYOCYTES	0.26	1.63	-0.95	1.02	1.05	1.86	1.25	1.27	-1.30	-1.10	-0.74	1.71	1.29	1.47	1.75	1.48	1.62	1.82	1.69	1.68	1.88	1.38	1.76
GLUTAMINE_UP_PENG	0.24	1.48	-1.01	-0.88	-0.96	-0.91	1.33	1.07	1.30	1.15	1.08	1.32	1.33	1.15	1.55	1.64	1.52	1.52	1.64	1.61	1.46	1.53	1.45
LOTEM_LEUKEMIA	0.21	1.24	-1.02	-0.74	1.58	-0.77	1.13	1.01	-1.41	1.15	0.98	0.94	1.22	1.32	1.19	1.53	1.04	1.44	1.26	1.01	1.38	1.21	1.34
ER_UP_FRASOR	0.19	0.39	-0.94	-0.78	0.87	0.93	0.95	-0.79	1.17	1.17	-0.88	0.91	-1.16	-0.86	-0.70	1.27	-0.55	1.69	1.12	1.65	1.15	-1.08	1.21
integrinPathway	0.16	0.72	-0.78	-0.84	0.76	-0.68	0.95	1.08	-0.85	0.73	1.02	1.02	1.25	1.42	-0.69	-1.21	1.03	1.64	1.22	1.06	1.61	-0.72	1.04
gsk3Pathway	0.15	1.83	1.17	-0.98	-1.22	-1.10	-1.41	1.41	1.17	1.12	1.16	2.08	2.11	1.81	1.52	2.17	2.30	1.67	1.98	1.91	1.15	1.83	1.43
G13_SIGNALING_PATHWAY	0.14	0.63	0.98	-0.82	-0.77	0.71	-0.36	1.00	0.81	0.69	-1.02	1.03	-0.79	1.31	-0.56	-0.68	0.88	1.47	1.70	-0.73	1.19	1.38	1.40
ACTIN_CYTOSKELETON_REG_BY_RHO_GTPASES	0.12	0.91	0.89	-0.78	0.96	1.05	0.76	-0.78	1.12	-0.95	-1.21	1.63	-0.65	0.99	1.11	-0.89	1.51	1.16	1.32	1.13	1.10	1.37	1.13
SIG_PIP3_SIGNALING_IN_B_LYMPHOCYTES	0.08	1.48	-0.82	-0.80	1.22	1.41	1.04	1.31	-0.95	-0.87	-0.82	1.70	1.51	1.13	1.50	1.12	1.33	1.62	1.78	1.80	1.36	1.34	1.54
ST_GAQ_PATHWAY	0.05	1.40	-0.66	-0.60	1.09	0.97	1.02	1.13	-0.81	-0.60	-1.06	1.57	1.44	1.11	1.29	0.93	1.51	1.56	1.73	1.69	1.25	1.26	1.47
PASSERINI_SIGNAL	0.01	1.56	-0.80	1.02	-0.93	-0.83	1.13	1.04	-0.72	-0.78	0.98	1.43	1.50	1.27	2.79	1.69	1.53	1.43	1.71	1.48	1.20	1.24	1.51
ZF_NEG_REG_OF_CELL_PROLIF	0.01	1.27	-0.93	0.96	-0.88	-0.80	-0.82	1.16	-0.74	1.10	1.02	1.10	1.36	0.93	1.00	1.30	1.28	1.66	1.30	1.02	1.29	1.41	1.59
Apoptosis_KEGG	-0.02	1.53	-1.12	0.83	0.96	-1.58	-1.08	-1.03	0.89	0.93	1.02	1.59	1.43	1.46	1.49	1.75	1.75	1.21	1.55	1.84	1.35	1.34	1.55
OKUMURA_MC_LPS	-0.02	1.48	-1.17	0.96	-0.76	-0.89	-0.83	1.20	-0.81	0.95	1.14	1.86	1.21	1.47	1.59	1.25	1.79	1.62	1.52	1.36	1.35	1.31	1.44
rac1Pathway	-0.05	1.41	-0.95	-1.09	1.04	-0.91	0.98	1.22	-0.88	0.98	-0.82	1.22	1.32	1.13	1.45	1.55	0.83	1.75	1.52	1.36	1.65	1.57	1.53
WNT_MOUSEHHC11_UP	-0.05	1.56	-0.86	-0.81	0.95	1.12	1.00	-1.00	-0.93	-0.80	0.84	1.72	0.98	0.92	1.65	1.90	1.22	2.11	1.92	1.13	1.59	1.78	1.84
ST_ERK1_ERK2_MAPK_PATHWAY	-0.07	0.96	-1.22	1.41	-1.00	0.83	1.01	-0.84	-1.00	1.13	-0.97	1.38	1.39	1.27	-0.63	0.91	1.38	-0.74	1.22	1.71	1.24	1.06	1.36
ST_FAS_SIGNALING_PATHWAY	-0.07	1.40	-0.88	1.06	1.02	-1.12	1.01	-0.92	0.78	-0.73	-0.88	1.14	1.54	1.18	1.36	1.73	1.56	1.55	1.56	1.62	1.09	1.19	1.25
GNATENKO_PLATELET	-0.08	1.26	1.16	0.92	-0.79	-0.84	-0.80	0.96	-1.14	-1.11	0.92	1.34	1.65	1.63	1.47	1.56	1.45	1.59	1.64	1.12	-0.73	0.96	1.42
ST_WNT_BETA_CATENIN_PATHWAY	-0.09	1.32	0.86	-0.76	-1.42	-1.01	-0.96	-0.85	1.13	1.37	0.85	1.18	1.32	1.10	1.61	1.54	1.81	1.79	1.42	1.71	-0.67	1.65	1.42
CELL_CYCLE_REGULATOR	-0.09	1.64	1.20	-0.93	1.12	-0.83	-0.79	0.86	-1.12	0.73	-1.04	1.56	1.58	1.40	1.60	1.40	1.99	1.77	1.74	1.61	1.90	1.16	1.94
ST_B_CELL_ANTIGEN_RECEPTOR	-0.09	1.56	-0.82	-1.07	0.89	-0.86	1.05	1.23	-0.98	0.85	-1.14	1.85	1.85	1.20	1.22	1.79	1.86	1.54	1.78	1.53	1.42	1.22	1.41
TENEDINI_MK	-0.12	1.14	-0.91	-0.96	0.82	-0.99	-0.64	0.78	0.82	0.92	-0.92	1.36	1.59	1.56	-0.58	1.60	1.57	1.31	1.64	-0.57	1.43	1.11	1.65
wntPathway	-0.12	1.20	-0.96	1.10	-1.33	-1.19	-0.79	1.12	-0.88	1.02	0.81	-0.94	1.36	1.90	1.58	2.04	1.86	1.65	1.36	1.03	-0.85	2.10	1.35
ST_G_ALPHA_I_PATHWAY	-0.14	1.49	-0.74	-0.76	0.86	-0.70	1.24	1.14	-0.72	-0.72	-0.82	1.88	1.59	1.64	1.18	1.21	1.60	1.69	1.56	1.22	1.41	1.22	1.67
DNA_DAMAGE_SIGNALLING	-0.14	1.58	-1.01	1.02	-1.06	-0.87	-1.09	1.00	-1.08	0.89	0.94	1.57	1.43	1.60	1.59	1.92	1.65	1.35	1.73	1.97	1.19	1.29	1.65
YAGI_AML_PROGNOSIS	-0.15	1.08	-1.12	1.49	-1.04	0.63	1.15	1.14	-1.52	-0.77	-1.32	1.27	-0.59	1.19	1.25	1.16	0.76	1.68	1.56	1.01	1.40	1.14	1.10
Glycerophospholipid metabolism	-0.21	0.98	-0.92	-0.59	-1.01	-0.97	1.21	1.27	-0.93	-1.01	1.07	1.73	1.15	0.74	-1.07	-0.76	1.26	1.56	1.66	1.82	1.23	0.93	1.48
GPCRDB_Other	-0.21	0.42	-0.58	-0.86	-0.71	0.79	-0.59	0.85	-0.82	-0.98	0.99	1.10	-0.67	-0.80	1.30	1.12	-0.67	1.47	1.01	-0.82	1.43	-0.84	1.39
IL5_UP_BYSTROM	-0.22	1.43	-0.78	-0.69	-0.91	-1.00	-0.78	1.19	0.98	1.18	-1.14	1.09	1.60	-0.01	1.96	1.78	1.34	1.57	1.41	1.41	1.41	1.48	1.54
Integrin_mediated_cell_adhesion_KEGG	-0.22	0.57	-0.89	0.94	-0.68	0.97	-0.84	-0.78	1.00	-0.75	-0.94	-0.68	0.86	1.14	-0.75	-0.78	-0.70	1.52	1.44	1.28	1.16	1.18	1.15
Glutathione metabolism	-0.23	1.37	-0.73	-1.00	-0.74	-0.72	1.08	1.11	-0.95	0.84	-0.96	1.13	1.24	0.89	1.42	1.69	1.35	1.54	1.86	1.01	1.38	1.56	1.41
alkPathway	-0.23	1.09	0.75	-0.63	-0.87	-0.82	-1.00	-0.73	-0.54	0.77	0.97	0.90	1.74	1.41	1.67	0.69	1.40	1.21	-0.57	0.73	1.40	1.59	0.92
ST_DICTY_DISCOIDEUM_CAMP_CHEMOTAXIS	-0.28	1.57	-0.68	-0.94	0.92	-0.79	0.90	0.87	-0.88	-0.96	1.77	1.73	1.84	1.60	0.89	1.51	1.63	1.91	1.56	1.27	1.54	1.53	
PML_RAR_ROSS	-0.30	1.17	-1.14	0.92	-1.12	-0.95	0.83	-0.62	-0.74	-0.85	0.95	1.41	-0.81	1.55	1.27	1.66	1.06	1.57	1.63	1.04	0.96	1.34	1.41
Inflammatory_Response_Pathway	-0.32	0.93	-1.25	-0.90	-0.67	0.99	0.76	-1.05	-0.82	-0.75	0.83	-0.85	-0.87	-0.65	1.56	1.63	1.45	1.96	1.20	1.10	1.70	1.29	1.67
mcalpainPathway	-0.33	1.39	0.52	-0.93	-0.56	-0.95	0.84	-0.84	-1.22	-0.78	0.94	1.50	1.69	1.31	1.62	1.79	1.41	1.92	1.43	1.55	1.86	-0.85	1.42
ST_T_CELL_SIGNAL_TRANSDUCTION	-0.35	1.08	-1.04	-0.81	-0.81	-0.99	0.68	-1.00	0.92	0.81	-0.90	1.39	-0.65	0.86	1.39	1.33	1.19	1.43	1.20	1.18	0.97	1.23	1.44
ST_P38_MAPK_PATHWAY	-0.35	1.61	-0.90	1.03	1.08	-1.11	-1.00	-1.05	-0.76	1.07	-1.53	1.54	1.59	1.83	1.87	1.76	1.67	1.39	1.77	1.64	1.53	1.18	1.58
HADDAD_10VS7	-0.38	1.53	-0.97	-0.86	-0.74	-0.88	-0.01	-0.92	-0.91	0.95	0.95	1.52	1.47	1.52	1.56	1.52	1.58	1.39	1.88	1.56	1.49	1.41	1.42

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution											
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4		
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C
ecmPathway	-0.38	1.48	-1.18	-1.17	-0.86	0.61	0.90	-0.77	-1.03	-0.78	0.84	0.95	2.12	1.64	1.69	1.42	1.73	1.53	1.54	1.00	1.48	1.33	1.36
LK_DOWN_MAGRANGEAS	-0.40	1.13	0.90	-0.55	-0.81	-0.92	-0.67	-0.88	1.12	-1.03	-0.75	1.09	1.06	1.22	2.00	1.38	1.11	1.21	1.74	1.08	1.11	-0.68	1.26
ST_INTEGRIN_SIGNALING_PATHWAY	-0.43	1.42	-0.86	-0.72	-0.68	-0.74	0.93	-0.80	-0.84	0.69	-0.81	1.43	1.12	1.16	1.58	1.18	1.67	1.71	1.95	1.80	1.16	1.14	1.18
CELL_GROWTH_AND_OR_MAINTENANCE	-0.44	1.19	-0.87	-1.04	-0.68	-1.04	-0.82	1.07	-0.83	-0.73	1.01	1.26	1.19	1.21	0.97	1.43	1.13	1.37	0.92	1.07	1.19	1.12	1.49
Striated_muscle_contraction	-0.44	1.04	-0.85	-0.57	-0.65	-0.88	0.63	-1.05	-0.61	-1.11	1.11	-0.66	1.41	1.84	0.94	-0.52	1.82	1.73	1.20	1.19	0.99	1.29	1.21
ST_TUMOR_NECROSIS_FACTOR_PATHWAY	-0.45	1.32	-0.74	0.89	-0.65	-1.04	-0.91	-1.00	-0.69	0.86	-0.75	1.37	1.18	0.89	1.31	1.30	1.36	1.45	1.95	1.58	0.81	0.95	1.64
pyk2Pathway	-0.46	0.89	-1.32	-0.88	0.78	-1.13	-0.21	-0.82	-0.70	-0.76	0.93	1.01	1.85	1.64	0.73	-0.69	1.22	-0.76	0.92	1.35	1.18	1.03	1.25
FETAL_LIVER_VS_ADULT_LIVER_GNF2	-0.47	1.22	-0.67	-0.79	-0.77	-0.94	-0.97	0.87	-0.97	0.82	-0.80	1.14	-0.99	1.22	1.75	1.42	1.61	1.44	1.42	1.49	1.15	1.38	1.56
BRENTANI_SIGNALLING	-0.49	1.61	-1.27	-1.19	-1.00	-1.04	0.00	1.10	-0.96	-1.00	0.93	1.41	1.30	1.44	1.61	1.73	2.08	1.57	1.77	1.64	1.50	1.69	1.59
biopeptidesPathway	-0.50	1.37	-1.35	-0.85	-0.81	-1.30	-0.13	-0.79	0.72	-0.94	1.03	1.47	1.99	1.97	1.69	1.36	1.60	1.20	1.42	1.26	1.37	1.07	1.49
CELL_CYCLE	-0.51	1.61	-1.11	-0.80	-0.74	-1.01	-0.92	0.81	-1.03	0.95	-0.76	1.63	1.44	1.52	2.05	1.88	1.73	1.54	1.75	1.21	1.59	1.33	1.68
MOUSE_CIP_UP	-0.53	1.48	-1.14	-1.00	-0.80	-1.13	-0.86	-0.88	0.86	1.09	-0.88	1.51	1.29	1.13	1.75	1.70	1.12	1.53	1.63	1.56	1.54	1.71	1.26
HEMO_TRANSCRIPTION_FACTORS	-0.54	1.78	-1.19	-0.77	-1.01	-1.12	-0.81	-0.86	0.84	-0.78	0.86	1.47	1.36	1.28	2.09	2.18	1.77	1.95	1.83	2.19	1.70	1.64	1.85
MOUSE_DENA_DOWN	-0.58	0.72	-0.94	-0.78	-0.74	-0.79	-0.67	1.15	-0.83	-0.71	-0.87	-0.80	0.93	-0.92	1.42	1.49	-0.64	1.65	1.10	1.25	1.02	0.88	1.31
deathPathway	-0.62	1.49	-1.31	-0.88	0.95	-1.39	-1.08	-0.67	-0.91	0.94	-1.23	1.89	1.54	1.53	1.21	1.86	1.51	1.35	1.34	1.54	1.20	1.45	1.50
Smooth_muscle_contraction	-0.63	1.56	-1.10	-0.75	-0.97	0.94	-0.04	-0.96	-0.79	-1.17	-0.78	1.62	1.45	1.24	1.58	1.82	1.68	1.65	1.76	1.59	1.73	1.28	1.38
JISON_STRESS	-0.65	1.85	-1.18	1.33	-1.13	-1.13	-1.00	-1.37	0.96	-1.25	-1.05	2.15	1.34	1.76	1.92	2.11	1.71	1.72	1.82	1.99	1.85	1.82	1.98
HOXA9_UP_DORSAM	-0.67	1.65	-1.11	-1.15	-1.13	-1.15	-1.73	0.95	-1.32	1.05	-1.42	1.60	1.45	1.65	1.91	1.64	1.33	1.91	1.65	1.63	1.65	1.42	1.91
BREAST_CANCER_ESTROGEN_SIGNALLING	-0.68	1.72	-0.92	-0.79	-0.96	-1.00	-0.84	-0.85	-0.90	-1.03	1.16	1.59	1.61	1.82	1.87	2.18	1.81	1.63	1.81	1.61	1.59	1.35	1.72
COPD_DOWN_NING	-0.73	1.49	-0.67	-1.08	-1.28	-0.96	-0.91	-0.80	-1.08	-0.81	1.04	1.10	1.28	0.00	1.62	1.88	1.65	1.79	1.57	1.87	1.83	1.51	1.80
SA_B_CELL_RECEPTOR_COMPLEXES	-0.77	1.58	-1.13	-1.18	-0.91	-1.06	1.12	-0.98	-0.94	-0.75	-1.08	1.46	1.65	2.12	1.21	1.72	1.14	1.52	1.69	1.67	1.88	1.61	1.27
fasPathway	-0.78	1.59	-1.47	-0.96	0.97	-0.77	-1.16	-0.94	-1.00	-0.75	-0.95	1.58	1.42	1.43	1.56	1.81	1.70	1.90	1.44	1.45	1.79	1.64	1.40
MAPK_CASCADE	-0.79	1.54	-1.29	-1.17	0.89	-1.56	0.68	-1.58	-1.03	-0.86	-1.17	1.13	1.75	1.49	1.88	1.31	1.71	1.03	1.81	1.81	1.40	1.49	1.68
nfbkPathway	-0.81	1.64	-0.86	-1.32	-1.05	-1.09	-1.44	0.92	-0.89	-0.64	-0.96	1.67	1.50	1.66	1.96	1.72	1.70	1.36	2.36	1.49	1.27	1.24	1.74
RNA_transcription_Reactome	-0.82	0.67	-0.85	0.84	-0.77	-1.34	-0.89	-0.92	-1.31	-1.07	-1.05	1.50	1.04	1.02	1.21	1.07	1.42	-0.72	1.24	-0.81	1.16	0.70	-0.77
ER_DOWN_FRASOR	-0.82	2.11	1.15	-1.87	-1.35	-1.30	-1.48	-1.27	0.88	-1.14	-1.04	2.06	2.27	2.19	2.72	2.38	2.26	1.86	1.94	2.35	1.46	1.85	1.98
KRAS_TOP100_CONTROL_CORDERO	-0.83	1.54	-1.16	1.08	-1.30	-0.92	-1.02	-1.00	-1.09	-1.17	-1.02	1.01	1.60	1.87	2.09	1.93	1.94	1.74	1.63	2.14	1.20	1.52	1.79
cellcyclePathway	-0.84	2.00	-1.11	-0.92	-1.23	-1.14	-0.93	-0.92	-1.23	-0.94	0.92	2.00	1.81	2.14	2.32	1.78	1.77	1.92	2.02	1.95	1.99	1.91	2.38
IFNA_HT1080_UP	-0.84	1.88	-1.41	-0.96	-1.09	-1.29	-0.95	0.96	-0.86	-1.23	-0.75	1.85	1.73	1.54	1.98	1.59	2.24	2.03	2.14	2.62	1.66	1.32	1.85
egfPathway	-0.85	1.89	-1.35	-1.13	-0.93	-1.23	1.03	-1.11	-1.09	-0.95	-0.86	1.70	1.99	2.15	2.23	2.19	1.67	2.00	1.90	1.44	2.15	1.52	1.74
GOLDRATH_MEMORY	-0.85	1.81	-0.96	-0.94	-1.30	-1.24	-0.90	-1.04	-1.30	-1.03	1.08	1.42	1.79	1.57	2.20	2.10	1.98	2.05	2.08	1.62	1.71	1.61	1.84
Fatty acid metabolism	-0.85	1.59	-1.18	-0.97	-1.04	-1.36	-0.77	-1.06	-1.30	-1.24	1.24	1.25	1.84	1.54	1.85	1.54	1.68	1.65	1.66	1.62	1.71	1.07	1.67
PROTEASOME_DEGRADATION	-0.85	1.44	1.52	-1.41	-1.30	-1.02	-1.20	-1.18	-1.16	-1.03	-0.89	1.45	1.67	1.47	1.94	1.90	1.65	1.22	2.03	1.77	-0.98	1.54	1.61
CA_NF_AT_SIGNALLING	-0.85	1.53	-0.97	-0.96	-1.04	-1.15	-0.06	-0.74	-0.95	-0.87	-0.94	1.23	1.06	1.19	1.80	1.81	1.55	1.65	1.65	1.54	1.61	1.81	1.42
Apoptosis_GenMAPP	-0.87	1.70	-1.10	-0.83	-0.85	-1.66	-1.18	-0.99	-0.87	0.79	-1.14	1.67	1.55	1.86	1.48	2.20	1.89	1.12	1.92	1.89	1.44	1.51	1.88
par1Pathway	-0.87	1.41	-0.96	-1.26	-1.26	-0.93	-1.00	0.70	-1.11	-1.25	-0.80	1.30	1.71	1.36	1.40	1.57	1.71	1.59	1.56	0.96	1.16	1.13	1.43
tpoPathway	-0.89	1.91	-1.06	-1.33	-1.40	-1.48	1.03	-0.95	-0.96	-1.16	-0.73	1.67	2.13	2.33	2.21	1.95	1.73	2.06	1.91	1.55	2.11	1.50	1.72
TUMOR_SUPPRESSOR	-0.90	1.60	-1.27	-0.95	-1.01	-1.02	-0.99	-0.86	-1.38	0.66	-1.29	1.75	1.44	1.58	1.75	1.26	1.68	1.74	1.34	1.38	1.57	2.01	1.76
g1Pathway	-0.91	2.06	-1.25	-0.97	-1.26	-1.54	-0.98	-0.95	-1.15	-0.92	0.88	2.07	2.06	2.21	2.54	2.45	1.85	1.64	1.74	1.89	2.07	1.87	2.38
CELL_ADHESION_MOLECULE_ACTIVITY	-0.91	1.07	-0.82	-0.97	-0.99	-0.89	-0.94	-1.03	-0.83	-0.80	-0.91	-0.96	-0.84	1.22	1.73	1.43	1.37	1.74	1.41	1.66	1.37	1.31	1.44
SIG_CHEMOTAXIS	-0.92	1.67	-0.96	-0.99	-0.89	-0.76	-0.68	-0.91	-1.04	-1.00	-1.03	1.79	1.63	1.30	1.80	0.95	1.92	1.84	1.97	1.68	1.54	1.63	1.98
PASSERINI_EM	-0.93	0.99	-1.19	-1.04	-1.11	-1.09	-1.18	-1.09	-0.08	-0.75	-0.83	-0.98	-0.90	-0.93	2.06	2.19	1.14	1.60	2.13	1.54	1.32	1.34	1.32
MAPK_Cascade	-0.93	1.55	-1.44	-1.04	0.84	-1.29	-0.92	-1.52	-0.99	-0.86	-1.20	1.00	1.73	1.41	2.22	1.39	1.68	1.09	1.90	1.80	1.49	1.21	1.72
CELL_ADHESION	-0.94	1.24	-0.65	-0.93	-0.93	-1.05	-0.90	-0.96	-0.92	-0.86	-1.23	1.11	-0.83	1.21	1.25	1.60	1.46	1.66	1.75	1.64	1.42	1.32	1.34
G_Protein_Signaling	-0.94	1.64	-1.10	-1.13	-1.05	-1.02	-0.15	-0.99	-1.07	-0.92	-1.05	1.31	1.51	0.91	2.01	1.99	2.05	1.53	1.97	1.80	1.74	1.27	1.59

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution											
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4		
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C
ALMM_UP_ABRAHAM	-0.94	1.26	-1.10	-0.80	-0.83	-0.96	-0.88	-1.04	-0.96	-0.95	-0.95	-0.84	1.19	1.13	1.47	1.71	1.70	1.38	1.87	1.02	1.64	1.37	1.47
at1rPathway	-0.95	1.42	-1.08	-1.17	-0.98	-1.23	-0.21	-1.19	-0.93	-0.87	-0.84	1.64	2.00	1.59	1.61	0.90	1.19	1.42	1.50	1.45	0.96	1.21	1.54
SIG_BCR_SIGNALING_PATHWAY	-0.95	1.60	-0.86	-1.12	-0.99	-0.96	-0.85	-0.72	-1.08	-0.95	-1.02	1.75	1.62	1.37	1.44	1.64	1.52	1.62	1.93	1.68	1.61	1.39	1.63
fcgr1Pathway	-0.95	1.46	-1.15	-1.31	-1.07	-1.24	-0.17	-0.94	-0.94	-0.83	-0.92	1.29	1.44	1.47	1.35	1.51	1.51	1.41	1.50	1.62	1.54	1.51	1.43
MOUSE_ACOX1_UP	-0.97	1.86	-1.75	-1.19	-0.99	-1.27	-0.92	-1.16	0.89	-1.11	-1.18	1.97	1.78	1.65	2.34	1.72	1.41	1.90	1.99	2.10	1.84	1.85	1.73
HYPOXIA_UP_MANALO	-0.97	1.65	-1.45	-1.06	-0.84	-1.02	-0.79	-1.03	-0.90	-0.87	-0.77	1.82	1.77	1.62	1.44	1.79	1.67	1.44	1.85	1.71	1.74	1.44	1.50
igf1Pathway	-0.97	1.82	-1.27	-1.14	-1.33	-1.40	0.77	-1.13	-1.10	-1.26	-0.89	1.39	1.81	2.07	2.18	2.08	1.59	2.03	1.72	1.62	2.19	1.73	1.49
IFNA_HEPATO_UP	-0.98	1.13	-1.44	-0.90	-1.01	-1.10	-0.94	-0.79	-0.90	-1.02	-0.71	1.00	-0.70	1.27	1.56	1.31	-0.93	1.54	1.83	1.85	1.51	1.52	1.83
Matrix_Metalloproteinases	-0.98	0.55	-1.11	-0.65	-0.94	-1.15	-0.98	-0.95	-1.01	-0.95	-1.10	-0.66	-1.07	-1.07	0.39	1.37	-0.57	1.37	1.41	1.43	1.28	1.39	1.32
bcrPathway	-0.99	1.31	-1.18	-1.27	-0.84	-1.36	-0.15	-1.13	-0.87	-0.88	-1.18	1.21	1.39	2.09	-0.89	1.47	1.20	1.43	1.40	1.70	1.64	1.67	1.47
ngfPathway	-0.99	1.74	-1.35	-1.18	-1.37	-1.22	0.85	-1.31	-0.98	-1.12	-1.19	1.24	1.81	2.11	1.85	1.89	1.46	1.94	1.62	1.68	1.96	1.70	1.60
rhoPathway	-1.00	1.73	-1.08	-1.29	-1.13	-1.04	-0.76	-0.90	-0.88	-1.06	-0.83	1.24	2.32	1.56	1.87	1.51	1.90	1.89	1.69	1.35	1.74	1.84	1.82
fmlpPathway	-1.00	1.69	-1.25	-0.81	-1.11	-1.53	-0.24	-0.90	-1.09	-1.02	-1.09	1.51	1.57	2.18	1.81	1.66	1.75	1.49	1.81	1.97	1.43	1.53	1.63
HUMAN_CD34_ENRICHED_TF	-1.01	1.87	-1.29	-0.96	-1.02	-1.37	-0.94	-1.39	-1.13	-0.90	-0.06	1.74	1.66	1.45	2.18	2.21	2.00	1.83	1.92	1.85	1.86	1.98	1.73
GO_ROS	-1.01	1.06	-0.84	-0.63	-0.94	-1.37	-1.09	-0.94	-1.50	-0.96	-0.81	0.79	-0.85	-0.83	1.68	1.47	1.14	1.66	1.09	1.58	1.61	1.53	1.83
MOUSE_CIP_DOWN	-1.01	1.08	-1.09	-0.79	-0.82	-0.98	-1.03	-1.13	-0.98	-0.94	-1.34	-0.89	1.01	1.03	1.19	1.89	1.15	1.69	1.37	0.91	1.23	1.00	1.43
SURVIVAL_ALL_POOR	-1.01	1.74	0.87	-1.24	-1.54	-1.10	-1.25	-1.48	-1.19	-1.04	-1.16	1.74	2.10	0.00	2.05	1.88	2.12	1.78	2.07	2.07	1.39	1.80	1.82
CELL_ADHESION_RECEPTOR_ACTIVITY	-1.02	0.99	-1.09	-0.80	-1.17	-0.82	-0.93	-1.30	-0.96	-1.01	-1.10	0.92	0.88	-0.69	-0.81	1.30	1.35	1.62	1.55	1.59	1.22	1.50	1.44
SIG_CD40PATHWAYMAP	-1.02	1.58	-1.05	-0.86	-0.88	-1.02	-1.02	-0.93	-1.56	-0.88	-1.00	1.44	1.79	1.36	2.00	1.49	1.68	1.64	1.28	1.85	1.37	1.59	1.48
CHEN_LUNG_SURVIVAL	-1.02	2.10	-1.21	1.09	-1.65	-1.89	-1.00	-1.41	-1.31	-1.03	-0.79	2.14	1.95	2.26	2.38	1.84	2.77	1.88	2.62	1.87	2.14	1.40	1.97
CELL_CYCLE_ARREST	-1.04	1.69	-1.22	-1.01	-1.51	-1.48	-1.18	-1.25	-1.39	0.78	-1.09	1.69	1.05	1.49	2.17	1.92	1.94	1.62	2.08	1.68	1.49	1.45	1.65
BMYP_MORPHOLINO_UP_SHEPARD	-1.04	1.94	-1.21	-1.14	-1.03	-1.29	-1.34	-0.99	-0.15	-1.11	-1.11	1.80	1.80	1.86	1.93	1.97	1.89	2.06	2.45	2.27	1.92	1.65	1.67
IL6_BROCKE	-1.04	1.99	-1.25	-1.15	-0.91	-1.02	-0.76	-1.00	-1.10	-1.06	-1.14	2.17	1.99	2.02	2.25	2.16	2.02	1.95	2.15	1.94	1.73	1.77	1.78
insulinPathway	-1.05	1.85	-1.39	-1.23	-1.37	-1.47	0.71	-1.31	-1.16	-1.23	-1.02	1.39	1.77	1.79	2.24	1.93	1.63	2.06	1.89	1.74	2.13	1.89	1.73
cardiacegfPathway	-1.05	1.70	-1.49	-1.03	-1.02	-1.11	-0.97	-0.72	-1.15	-0.97	-1.04	1.66	1.73	2.15	1.74	1.84	1.42	1.32	1.90	2.15	1.63	1.38	1.46
EMT_UP_JECHLINGER	-1.06	1.27	-1.17	-1.13	-1.18	-1.09	-0.89	-1.16	-0.87	-1.04	-0.99	1.30	1.36	1.50	1.41	1.48	-0.88	1.63	1.40	1.56	1.43	1.48	1.52
il1rPathway	-1.07	1.58	-0.98	-1.49	-1.26	-1.28	-1.01	-1.07	-0.79	-0.77	-1.00	1.33	1.58	1.71	2.35	1.57	1.67	1.32	1.33	1.69	1.73	1.50	1.24
TH_UP_KIM	-1.07	1.15	-0.83	-1.12	-0.83	-1.02	-1.29	-1.09	-1.11	-1.02	-1.33	1.80	1.10	1.31	1.49	-0.56	1.21	1.69	1.50	-0.53	1.71	1.53	1.57
IFNG_5ENDOTHELIAL_UP	-1.08	1.66	-1.40	-1.03	-1.18	-1.12	-0.89	-0.95	-1.09	-1.28	-0.79	1.57	1.97	1.33	1.60	1.82	1.57	1.71	1.78	2.04	1.80	1.36	1.41
tnfr1Pathway	-1.09	1.78	-1.41	-1.22	-1.02	-1.00	-1.13	-1.12	-1.04	-0.79	-1.09	1.77	1.63	1.39	1.91	2.02	1.89	1.89	1.66	1.89	2.26	1.52	1.59
RAS_STROMA_DOWN_CROONQUIST	-1.10	1.65	-0.96	-1.11	-1.20	-1.34	-1.08	-0.90	-1.08	-1.44	-0.75	1.41	1.29	1.52	1.92	1.82	1.76	1.80	1.92	1.97	1.56	1.37	1.47
proteasomePathway	-1.10	1.31	-1.13	-1.16	-0.86	-1.40	-0.89	-1.02	-1.33	-1.01	-1.09	1.37	1.29	1.20	1.57	1.71	1.78	0.79	1.91	1.77	-0.97	1.76	1.54
PASSERINI_TRANSCRIPTION	-1.11	1.71	-1.05	-0.98	-1.57	-1.00	-1.12	-1.40	-0.99	-0.92	-1.00	1.80	1.49	2.24	1.45	1.91	1.74	1.76	1.70	1.44	1.43	1.67	1.93
TGF_BETA_SIGNALING_PATHWAY	-1.12	1.91	-1.18	-1.14	-1.01	-1.09	-1.13	-1.14	-1.26	-0.86	-1.22	1.74	1.95	2.02	1.90	1.97	2.14	1.72	2.16	1.67	1.97	1.91	1.79
BRENTANI_PROTEIN_MODIFICATION	-1.12	1.95	-1.17	-1.13	-1.13	-1.07	-0.95	-1.04	-1.22	-1.23	-1.17	1.79	1.60	1.94	1.96	2.15	2.24	2.20	2.31	1.89	1.78	1.66	1.88
DRUG_RESISTANCE_AND_METABOLISM	-1.13	1.94	-1.26	-0.96	-1.23	-1.16	-1.25	-0.94	-1.27	-1.18	-0.88	1.95	1.76	2.21	1.82	2.17	1.85	1.82	2.11	2.12	1.77	1.77	1.98
IFNG_HT1080_UP	-1.13	1.81	-1.34	-0.97	-1.15	-1.57	-1.12	-0.91	-0.85	-1.32	-0.90	1.84	1.70	1.60	1.86	1.50	2.20	1.94	2.10	2.31	1.49	1.38	1.73
PASSERINI_ADHESION	-1.13	1.27	-0.82	-1.05	-1.29	-1.18	-1.14	-1.34	-1.14	-1.16	-1.03	2.20	1.44	1.42	1.04	1.67	1.39	1.38	1.04	1.29	1.26	1.02	1.13
Prostaglandin_synthesis_regulation	-1.14	2.12	-1.00	-1.26	-1.42	-1.52	-1.00	-1.13	-0.93	-0.90	-1.07	1.86	2.37	2.42	2.60	2.37	1.93	1.98	2.22	2.44	1.99	1.48	1.77
Apoptosis	-1.14	1.79	-1.32	-1.11	-0.93	-1.49	-1.16	-1.09	-0.95	-0.90	-1.27	1.69	1.60	1.59	1.70	1.80	1.94	1.45	1.92	2.06	2.07	1.69	2.01
MLL_FUSION_ROSS	-1.14	1.85	-0.92	-1.00	-1.15	-1.32	-1.17	-1.11	-1.14	-1.24	-1.23	1.66	1.66	1.67	2.14	1.78	2.23	1.83	1.99	2.11	1.60	1.67	1.83
vipPathway	-1.16	1.65	-1.13	-1.23	-1.49	-1.56	-0.23	-1.25	-1.13	-1.00	-1.40	1.65	1.37	1.75	1.59	1.98	1.88	1.23	2.05	1.64	1.60	1.63	1.42
tcRPathway	-1.16	1.83	-1.40	-1.54	-1.28	-1.56	-0.15	-1.13	-1.17	-1.01	-1.23	1.59	1.69	2.35	2.06	1.89	1.62	1.81	1.93	1.97	1.61	1.91	1.58
P53_SIGNALLING	-1.17	1.97	-1.33	-1.26	-1.01	-1.29	-1.14	-0.92	-1.23	-1.25	-1.06	1.83	1.72	1.98	2.34	2.23	2.11	2.19	1.97	2.00	1.71	1.68	1.85
pparaPathway	-1.17	1.92	-1.21	-1.55	-1.06	-1.62	-0.95	-0.99	-1.23	-1.10	-0.85	1.73	2.12	1.79	2.07	2.07	2.09	1.82	2.07	1.67	2.07	1.82	1.77

NAME	Ave Preg NES	Ave Inv NES	Lactation									Involution											
			Day 1			Day 3			Day 7			Day 1			Day 2			Day 3			Day 4		
			A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C
BRENTANI_IMMUNE_FUNCTION	-1.18	1.77	-1.34	-1.03	-1.30	-1.32	-1.21	-1.06	-1.23	-1.18	-0.91	1.44	1.36	1.22	2.15	2.15	1.76	1.89	2.08	1.81	1.69	1.84	1.84
TGF_Beta_Signaling_Pathway	-1.18	1.99	-1.29	-1.23	-1.04	-1.17	-1.20	-1.22	-1.34	-0.89	-1.23	1.76	2.13	2.22	1.70	2.07	2.21	1.78	2.27	1.90	2.07	1.92	1.90
TNFA_5ENDOTHELIAL_DOWN	-1.18	1.85	-1.22	-0.97	-1.55	-1.26	-1.41	-1.00	-1.02	-1.08	-1.10	2.17	1.79	2.02	2.03	2.28	1.69	1.75	1.83	1.87	1.58	1.51	1.71
IL6_STROMA_UP_CROONQUIST	-1.18	1.53	-1.05	-1.06	-1.30	-1.58	-1.17	-1.03	-0.98	-1.54	-0.91	1.31	1.17	1.50	1.50	1.81	1.61	1.70	1.74	1.59	1.52	1.38	1.49
NFKB_UP_HINATA	-1.20	1.65	-1.39	-1.09	-1.04	-1.50	-1.31	-1.29	-1.00	-1.00	-1.14	1.59	1.59	2.11	1.81	1.70	0.00	1.74	2.20	1.95	1.85	1.61	1.62
raccycdPathway	-1.20	2.16	-1.04	-1.05	-1.24	-1.64	-1.10	-0.93	-1.10	-1.10	-1.55	2.09	2.08	2.07	2.49	2.23	2.17	2.16	2.23	2.06	2.05	2.46	1.79
PASSERINI_INFLAMMATION	-1.21	1.74	-1.22	-1.37	-1.41	-1.36	-1.18	-1.46	-0.94	-1.10	-0.84	1.77	1.52	2.33	1.84	1.69	1.64	1.52	1.98	1.85	1.54	1.61	1.62
pdgfPathway	-1.21	2.02	-1.21	-1.42	-1.41	-1.58	-0.78	-1.33	-1.18	-1.22	-0.81	1.84	2.21	2.30	2.57	2.29	1.63	2.07	2.04	1.37	2.47	1.66	1.85
41bbPathway	-1.22	1.67	-1.00	-1.18	-1.18	-1.33	-1.29	-1.32	-1.37	-0.85	-1.42	1.66	1.36	1.71	2.46	1.45	1.72	1.35	1.88	1.31	1.68	1.83	1.62
Fatty_Acid_Degradation	-1.22	1.89	-1.55	-0.96	-1.61	-1.28	-0.98	-1.03	-1.30	-1.13	-1.16	1.76	2.30	1.85	1.73	1.86	2.09	1.86	1.90	1.88	1.77	1.85	1.87
tollPathway	-1.22	1.80	-1.31	-1.32	-1.27	-1.30	-1.48	-1.18	-1.06	-0.93	-1.16	1.59	1.33	1.61	1.92	2.18	1.71	1.69	2.00	2.00	1.74	1.71	2.11
Proteasome_Degradation	-1.23	1.53	-1.06	-1.64	-0.92	-1.48	-1.24	-1.07	-1.40	-1.15	-1.08	1.75	1.68	1.60	1.87	1.56	2.01	1.42	2.10	1.91	-0.81	1.58	1.75
IFNB_HT1080_UP	-1.23	2.01	-1.44	-1.19	-1.26	-1.28	-1.22	-1.16	-1.19	-1.31	-1.02	1.89	2.02	1.77	2.00	1.90	2.17	2.12	2.25	2.35	1.95	1.70	2.05
hivnefPathway	-1.23	1.75	-1.44	-1.37	-1.16	-1.17	-1.50	-1.04	-1.40	-0.87	-1.14	1.76	1.86	1.53	1.60	1.96	1.91	1.73	1.68	1.72	2.09	1.64	1.55
keratinocytePathway	-1.24	1.84	-1.43	-1.40	-1.01	-1.55	-1.04	-1.15	-1.39	-0.91	-1.25	1.55	1.91	1.72	2.19	2.09	1.68	1.98	1.88	2.06	1.98	1.51	1.56
ccr5Pathway	-1.24	1.77	-1.47	-1.38	-1.20	-1.46	-0.31	-1.53	-1.07	-1.40	-1.36	1.71	1.63	1.87	2.05	2.27	1.42	1.93	1.86	1.99	1.59	1.35	1.55
MOUSE_DENA_UP	-1.25	1.78	-1.41	-1.17	-1.22	-1.41	-0.98	-1.35	-1.14	-1.29	-1.25	1.68	1.40	1.31	1.75	2.04	3.44	1.61	1.96	1.94	1.43	1.29	1.50
EMT_DOWN_JECHLINGER	-1.25	2.03	-1.29	-1.58	-1.20	-1.46	-1.41	-1.27	-1.05	-1.11	-0.85	1.57	2.00	2.05	3.02	1.91	2.03	1.86	1.89	2.36	2.20	1.75	1.75
metPathway	-1.25	1.89	-1.21	-1.26	-1.44	-1.07	-1.05	-1.41	-1.32	-1.48	-1.01	1.83	2.12	1.84	2.04	2.20	2.02	2.00	1.76	1.46	2.12	1.84	1.49
TARTE_BCELL	-1.25	2.00	-1.18	-1.10	-1.30	-1.32	-1.31	-1.48	-0.91	-1.51	-1.14	1.45	1.97	1.81	2.60	1.87	2.47	1.91	2.46	2.58	1.35	1.70	1.85
mapkPathway	-1.26	1.89	-1.41	-1.14	-1.27	-1.22	-0.95	-1.50	-1.21	-1.14	-1.47	1.86	2.01	1.72	2.24	1.69	1.96	1.88	1.82	2.00	1.89	1.67	1.98
ceramidePathway	-1.26	1.92	-1.07	-1.30	-1.27	-1.78	-1.40	-0.99	-1.39	-0.93	-1.25	1.60	1.93	1.61	2.30	2.55	1.79	1.46	2.47	2.12	1.81	1.43	1.94
p53hypoxiaPathway	-1.28	2.12	-1.37	-0.89	-1.33	-1.32	-1.10	-1.26	-1.72	-1.21	-1.28	2.20	2.09	2.13	2.26	2.64	2.20	1.86	2.15	1.50	2.00	2.17	2.18
calcineurinPathway	-1.28	1.90	-1.51	-1.70	-1.55	-1.62	-0.16	-1.06	-1.39	-1.29	-1.25	1.86	1.28	2.23	1.98	1.98	1.75	2.30	2.23	1.90	1.78	1.67	1.82
ICHIBA_GVHD	-1.29	1.46	-1.25	-1.35	-1.03	-1.48	-1.37	-1.20	-1.51	-1.15	-1.24	1.46	1.57	1.52	1.71	1.44	1.88	1.73	0.00	1.55	1.47	1.56	1.66
CBF_MYH_ROSS	-1.29	1.70	-1.03	-1.67	-1.20	-1.53	-1.25	-1.15	-1.00	-1.20	-1.55	1.84	1.31	-0.88	1.63	2.16	2.68	1.89	2.24	2.86	1.65	1.47	1.52
CELL_MOTILITY	-1.30	1.93	-1.35	-1.40	-1.47	-1.15	-1.19	-1.16	-1.57	-1.25	-1.15	2.17	1.95	1.91	1.93	2.21	2.02	1.73	2.04	2.07	1.89	1.53	1.67
rasPathway	-1.31	1.95	-1.21	-1.24	-0.99	-1.17	-1.55	-1.27	-1.15	-1.58	-1.66	2.25	1.65	1.70	2.04	2.12	1.80	1.30	2.30	2.09	1.89	2.08	2.15
BRENTANI_TRANSCRIPTION_FACTORS	-1.32	2.11	-1.39	-1.26	-1.52	-1.44	-1.36	-1.26	-0.97	-1.50	-1.14	1.72	1.74	2.07	2.20	2.28	2.09	2.13	2.32	2.21	2.32	2.09	2.14
EPITHELIAL_DOWN_ZUCCHI	-1.33	1.80	-1.28	-1.46	-1.48	-1.37	-1.14	-1.34	-1.22	-1.29	-1.42	1.65	1.64	1.53	2.35	1.95	2.04	1.56	1.84	2.11	1.59	1.67	1.60
il6Pathway	-1.34	1.93	-1.59	-1.51	-1.42	-1.57	-1.13	-1.42	-0.77	-1.44	-1.24	1.57	1.74	2.08	2.22	1.99	1.87	2.04	1.92	1.88	1.88	2.04	1.88
p38mapkPathway	-1.35	1.80	-1.41	-1.31	-1.21	-1.56	-1.14	-1.70	-1.10	-1.22	-1.53	1.76	2.25	1.77	2.06	1.46	1.87	1.69	1.96	1.55	1.63	1.84	1.75
MGUS_MM_DAVIES	-1.37	1.85	-1.32	-1.82	-1.45	-1.62	-1.25	-1.25	-0.99	-1.45	-1.21	1.82	1.54	1.63	2.24	2.09	1.85	1.93	2.04	1.88	2.01	1.71	1.43
P53_UP_KANNAN	-1.39	2.06	-1.29	-1.52	-1.31	-1.28	-1.35	-1.62	-1.56	-1.18	-1.37	2.16	1.70	2.37	2.38	2.29	2.32	1.96	2.15	2.19	1.71	1.64	1.83
hcmvPathway	-1.40	2.04	-1.54	-1.68	-1.54	-1.17	-1.49	-1.23	-1.41	-1.13	-1.41	2.07	2.11	1.73	2.33	2.58	1.95	2.11	2.11	2.12	1.95	1.67	1.79
cxcr4Pathway	-1.41	1.89	-1.23	-1.69	-1.50	-1.51	-1.50	-1.12	-1.35	-1.58	-1.21	2.01	2.28	2.11	2.37	2.03	1.97	1.74	2.12	1.72	1.55	1.42	1.39
KRAS_TOP100_KNOCKDOWN_CORDERO	-1.42	1.99	-1.38	-1.25	-1.23	-1.69	-1.17	-1.31	-1.74	-1.73	-1.25	1.79	2.02	1.82	2.35	2.20	2.03	1.86	2.30	2.15	1.84	1.74	1.78
stressPathway	-1.42	1.95	-1.56	-1.38	-1.28	-1.77	-1.47	-1.76	-1.27	-0.94	-1.39	1.77	1.76	1.65	2.11	2.18	1.74	1.75	2.36	2.26	2.10	1.56	2.21
RADIATION_SENSITIVITY	-1.46	2.28	-1.97	-1.28	-1.32	-1.47	-1.17	-1.41	-1.86	-1.51	-1.16	2.50	2.53	2.27	2.28	2.43	2.31	2.16	2.31	2.18	2.10	1.87	2.37
PASSERINI_APOPTOSIS	-1.49	2.19	-1.48	-1.32	-1.35	-1.90	-1.71	-1.61	-1.60	-0.87	-1.57	2.37	2.21	2.19	2.68	2.18	2.35	2.33	2.43	2.21	1.92	1.61	1.80