

SUPPLEMENTARY TABLE S3. HETEROGENEITY TEST FOR STUDIES OF EACH GENOTYPE IN SENSITIVITY ANALYSES FOR OVERALL AND SUBGROUPS WITH COCHRAN'S Q TEST AND THE QUANTITY I²

Group	T vs. C			TT vs. CC			CT vs. CC			TT vs. CT			TT/CT vs. CC			TT vs. CT/CC			TT/CC vs. CT				
	N ^a	Q	P (%)	I ² (95%CI)	Q	P (%)	I ² (95%CI)	Q	P (%)	I ² (95%CI)	Q	P (%)	I ² (95%CI)	Q	P (%)	I ² (95%CI)	Q	P (%)	I ² (95%CI)	Q	P (%)	I ² (95%CI)	
Overall	62	94.64	0.00	35 (12, 53)	77.63	0.07	21 (0, 43)	66.97	0.28	8 (0, 34)	69.62	0.21	12 (0, 37)	78.18	0.07	22 (0, 44)	78.80	0.06	22 (0, 44)	67.54	0.26	9 (0, 34)	
Ethnicity																							
Asian	24	32.73	0.09	29 (0, 57)	25.35	0.33	9 (0, 43)	21.81	0.53	0 (0, 45)	29.31	0.17	21 (0, 52)	24.30	0.39	5 (0, 37)	31.81	0.10	27 (0, 56)	27.04	0.25	14 (0, 48)	
European	25	45.36	0.01	47 (16, 67)	36.23	0.05	33 (0, 59)	34.01	0.09	29 (0, 57)	30.01	0.18	20 (0, 51)	39.47	0.02	39 (2, 62)	34.37	0.08	30 (0, 57)	31.61	0.14	24 (0, 54)	
Cancer type																							
breast	3	0.36	0.83	0 (0, 90)	1.10	0.58	0 (0, 90)	0.23	0.89	0 (0, 90)	1.50	0.47	0 (0, 90)	0.06	0.97	0 (0, 90)	1.33	0.51	0 (0, 90)	0.49	0.78	0 (0, 90)	
cervical	2	0.15	0.70	0	0.00	0.98	0	0.49	0.48	0	0.80	0.37	0	0.20	0.66	0	0.12	0.72	0	3.27	0.07	69	
gastric	12	20.67	0.04	46 (0, 73)	17.38	0.10	36 (0, 68)	8.23	0.69	0 (0, 58)	23.81	0.01	53 (11, 76)	10.12	0.52	0 (0, 58)	25.36	0.01	56 (17, 77)	17.78	0.09	38 (0, 69)	
Asian	8	12.09	0.09	42 (0, 74)	8.18	0.31	14 (0, 57)	4.48	0.72	0 (0, 68)	10.17	0.17	31 (0, 69)	6.19	0.51	0 (0, 68)	11.89	0.10	41 (0, 74)	8.39	0.29	16 (0, 60)	
European	2	2.10	0.14	52	2.33	0.12	57	0.09	0.76	0	1.75	0.18	43	0.78	0.37	0	2.22	0.13	55	0.01	0.94	0	
hepatocellular	3	2.01	0.37	0 (0, 90)	0.98	0.61	0 (0, 90)	0.30	0.86	0 (0, 90)	3.10	0.21	35 (0, 79)	0.37	0.83	0 (0, 90)	3.08	0.21	35 (0, 79)	2.20	0.33	9 (0, 91)	
prostate	6	13.09	0.02	61 (7, 84)	9.41	0.09	46 (0, 79)	9.06	0.11	44 (0, 78)	3.91	0.56	0 (0, 75)	12.17	0.03	58 (0, 83)	6.46	0.26	22 (0, 67)	6.06	0.30	17 (0, 62)	
Study design																							
HCC	36	39.42	0.27	11 (0, 41)	44.76	0.12	21 (0, 48)	29.48	0.73	0 (0, 38)	44.09	0.13	20 (0, 48)	32.40	0.59	0 (0, 38)	45.90	0.10	23 (0, 50)	32.54	0.58	0 (0, 38)	
PCC	25	49.69	0.00	51 (24, 69)	28.93	0.22	17 (0, 49)	3.69	0.09	28 (0, 56)	24.54	0.43	2 (0, 45)	41.12	0.01	41 (6, 64)	30.55	0.16	21 (0, 52)	34.37	0.07	30 (0, 57)	
Sample size																							
<500	42	49.57	0.17	17 (0, 44)	44.27	0.34	7 (0, 36)	37.84	0.61	0 (0, 35)	46.15	0.27	11 (0, 39)	42.31	0.41	3 (0, 29)	47.63	0.22	13 (0, 42)	42.10	0.42	2 (0, 27)	
≥500	20	39.21	0.00	51 (19, 71)	27.73	0.09	31 (0, 60)	27.21	0.10	30 (0, 59)	21.56	0.31	11 (0, 47)	32.77	0.03	42 (1, 66)	26.69	0.11	28 (0, 59)	25.37	0.15	25 (0, 59)	
Genotyping method																							
PCR-RFLP	14	26.45	0.02	50 (9, 73)	25.27	0.02	48 (5, 72)	25.99	0.02	50 (8, 73)	9.53	0.73	0 (0, 55)	31.36	0.00	58 (25, 77)	13.39	0.42	2 (0, 56)	9.94	0.70	0 (0, 55)	
TaqMan	22	34.23	0.03	38 (0, 63)	28.04	0.14	25 (0, 56)	24.35	0.28	13 (0, 48)	30.74	0.08	31 (0, 59)	26.06	0.20	19 (0, 52)	32.73	0.05	35 (0, 62)	28.99	0.11	27 (0, 57)	
other	26	29.46	0.25	15 (0, 47)	19.56	0.77	0 (0, 43)	15.39	0.93	0 (0, 43)	26.23	0.40	4 (0, 35)	18.56	0.82	0 (0, 43)	27.98	0.31	10 (0, 44)	28.15	0.30	11 (0, 44)	

^aNumber of studies. CI, confidence interval; HWE, Hardy-Weinberg equilibrium.