

ocNE_id	csn	srn	start	end	strand	seq	organism
1354045	reflig	reflig_11	1364789	1364828	-1	AAACACATTACCGTAAAAACAAACAGCTCCGATGACAAAA	Ciona savignyi
1354045	chromosome	36	20514674	20514711	1	GAACACAGCGGGGAGAGGAAATAGAAAGCTGAGAAAA	Canis familiaris
1354045	chromosome	2	173823341	173823378	1	GAACACAGCAGGGGAGAGGAAATAGGAGGCTGAGAAAA	Homo sapiens
1354045	scaffold	scaffold_100	599095	599132	-1	AAACACAGCGGGGAGAGGAAACAGGAGGCTGAGAAAA	Takifugu rubripes
1354045	chromosome	3q	989911	989950	1	AAACACATTACGAAAAAGCAACAGGAGCTGACAAAA	Ciona intestinalis
1354045	group	groupXVI	10088996	10089033	-1	AAACACAGCAGGGGAGAGGAAACAGGAGGCTGAGAAAA	Gasterosteus aculeatus
1354045	chromosome	21	24218352	24218389	1	AAACACAGCGGGGAGAGGAAACAGGAGGCTGAGAAAA	Oryzias latipes
1354045	toplevel	9	3495253	3495290	1	AAGCTCAGCGGGGAGAGGAAACAGGAGCTGAGAAAA	Danio rerio
1354045	chromosome	2	72264914	72264951	1	GAACACAGCAGGGGAGAGGAAATAGGAGGCTGAGAAAA	Mus musculus
1352888	reflig	reflig_1	1879540	1879580	1	TATATATTGCATAACATAAATGATAAATCGTCACTCACTC	Ciona savignyi
1352888	chromosome	36	18274289	18274327	1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTAATTTGTCC	Canis familiaris
1352888	chromosome	2	171279822	171279860	1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTCAATTAATTTGCC	Homo sapiens
1352888	scaffold	scaffold_100	795643	795681	-1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTCAATTAATTTGCC	Takifugu rubripes
1352888	chromosome	1q	2284631	2284670	1	TATATATTCCATTACGTTGTGATAAATCGTCAATCGTCC	Ciona intestinalis
1352888	group	groupXVI	10318893	10318931	-1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTCAATTAATTTGCC	Gasterosteus aculeatus
1352888	chromosome	21	23927463	23927501	1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTCAATTAATTTGCC	Oryzias latipes
1352888	toplevel	9	2582002	2582040	1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTCAATTAATTTGCC	Danio rerio
1352888	chromosome	2	70312907	70312945	1	TATACATTCCACATAGTACTTACTTCAATTAATTTGCC	Mus musculus
1353858	reflig	reflig_98	186679	186724	1	TTAAGCGTTAAAAAATCAATTCGAGAATAAATGAATTTGCGCG	Ciona savignyi
1353858	chromosome	26	11787209	11787251	-1	TGATCCATTTCAAAATCTAATCAACAGAAATAGGATCTTTTCAT	Canis familiaris
1353858	chromosome	12	109999767	109999809	-1	TGATCCATTTCAAAATCTAATCAACAGAAATAGGATCTTTTCAT	Homo sapiens
1353858	scaffold	scaffold_7	2309648	2309692	-1	TGATCCGTTTTGAAAAATCTAATCAACTGAATAGGATCTTGTCAT	Takifugu rubripes
1353858	chromosome	1q	6441339	6441384	1	TTAACCGTTAAAAAATCAATTCAGAAATAAATGAATTTCTTCTT	Ciona intestinalis
1353858	group	groupXIII	16458664	16458608	-1	TGATCCATTTGAAAAATCTAATCAACTGAATAGGATCTTTTCAT	Gasterosteus aculeatus
1353858	chromosome	9	25634234	25634278	-1	TGATCCATTTGAAAAATCTAATCAACTGAATAGGATCTTTTCAT	Oryzias latipes
1353858	toplevel	8	9203134	9203178	1	TGATCCCTTTGAAAAATCTAATCAACAGAGCAGGATCTTTTCAT	Danio rerio
1353858	chromosome	5	122467136	122467178	1	TGATCCATTTGAAAAATCTAATCAACAGAAATAGGATCTTTTCAT	Mus musculus
1353064	reflig	reflig_1	2399153	2399201	1	TGAATGAAGGACTGCTGCTGACGCTTGAATTTAATTTCCCGT	Ciona savignyi
1353064	chromosome	4	29078475	29078518	1	TGAGCAAAGGCGCCCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Canis familiaris
1353064	chromosome	10	77137864	77137907	1	TGAGCAAAGGCGCCCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Homo sapiens
1353064	scaffold	scaffold_59	1359247	1359290	-1	TGAGCAAAGGCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Takifugu rubripes
1353064	chromosome	3p	1225988	1226035	1	TGAATCAGGCGCTACTGCTGCAACTTTTGAATTTAATTTCCCGT	Ciona intestinalis
1353064	group	groupV	369914	369957	1	TGAGCAAAGGACTGCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Gasterosteus aculeatus
1353064	chromosome	19	9307763	9307806	1	TGAGCAAAGGCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Oryzias latipes
1353064	toplevel	13	15193231	15193274	1	TGAGCAAAGGCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Danio rerio
1353064	chromosome	14	23074767	23074810	1	TGAGCAAAGGCGCCCTGACAGGGATTATTTATTTGTCAT	Mus musculus
1349646	reflig	reflig_7	1868104	1868151	-1	GTCCGGAGCTGCCACTATGCGCGTGGAACAACCGGTCGCTTTTTT	Ciona savignyi
1349646	chromosome	1	4224433	4224477	1	GTCAGGAAGCCACAGATGAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Canis familiaris
1349646	chromosome	18	75103418	75103462	-1	GTCAGGAAGCCACAGTATGAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Homo sapiens
1349646	scaffold	scaffold_133	80382	80427	1	GTCAGGAAGCCACAGTATGAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Takifugu rubripes
1349646	chromosome	8q	2765559	2765605	1	GTCCGGGCTGGCACAATGAAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Ciona intestinalis
1349646	group	groupXX	4178858	4178903	1	GTCAGGAAGCCACAGTATGAGGGAACACAGCTGGATTCATTT	Gasterosteus aculeatus
1349646	ultracontig	182	1464731	1464776	1	GTCAGGAAGCCACAGTATGAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Oryzias latipes
1349646	toplevel	16	2588031	2588075	-1	GTCAGGAAGCCACAGTGGCAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Danio rerio
1349646	chromosome	18	81015555	81015599	1	GTCAGGAAGCCACAGTATGAGGGAACACAGCTGGCTTCATTT	Mus musculus
1353964	reflig	reflig_37	811342	811385	1	ATAAGTTGAATGAAAAATTTTAAACGTTAGTTGAATCAATGA	Ciona savignyi
1353964	chromosome	28	41540800	41540840	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTGATAATTAATGA	Canis familiaris
1353964	chromosome	10	131581705	131581745	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTGATAATTAATGA	Homo sapiens
1353964	scaffold	scaffold_97	430482	430522	-1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGA	Takifugu rubripes
1353964	scaffold	scaffold_850	474	516	1	GAAATGGAATGAAATATCAAACGTGGTTTATAATCAATGA	Ciona intestinalis
1353964	group	groupIV	14121821	14121861	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGA	Gasterosteus aculeatus
1353964	chromosome	10	16881724	16881764	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGA	Oryzias latipes
1353964	toplevel	21	26146580	26146619	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGA	Danio rerio
1353964	chromosome	7	144442366	144442406	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGA	Mus musculus
1353533	reflig	reflig_15	1376257	1376302	-1	CCATCTTCATATTTGCGCTCAGTTTCTTTAAGTTATTTCCGAT	Ciona savignyi
1353533	chromosome	28	16329483	16329525	1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Canis familiaris
1353533	chromosome	10	102372592	102372634	1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Homo sapiens
1353533	scaffold	scaffold_86	642642	642684	-1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Takifugu rubripes
1353533	chromosome	4q	410858	410902	1	TGTTCTTTTATTTTCTGCTCAGTTTCTTAAAGTTAATTCGCAT	Ciona intestinalis
1353533	group	groupVI	9653140	9653182	1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Gasterosteus aculeatus
1353533	chromosome	15	21110238	21110280	-1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Oryzias latipes
1353533	toplevel	12	47408161	47408203	-1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Danio rerio
1353533	chromosome	19	44716010	44716052	1	TATTTTTCAATTTGCTGCCACAGTATTAATTTATTCGATAT	Mus musculus
1351662	reflig	reflig_14	793616	793659	-1	TCCGATTAATCACTACTCAAAGAGTCCCGTCATGAATCAAATG	Ciona savignyi
1351662	chromosome	9	60731061	60731100	1	TCTGATTAATTAATCAAATGCTGCTGTATTCAAATG	Canis familiaris
1351662	chromosome	9	127573073	127573112	-1	TCTGATTAATTAATCAAATGCTGCTGTATTCAAATG	Homo sapiens
1351662	scaffold	scaffold_18	734017	734056	-1	TCTGATTAATTAATCAAATGCGCGCTGTTAATCAAATG	Takifugu rubripes
1351662	chromosome	1q	1814258	1814301	1	TCCGATTAATCACTACTCAAACCGTTCGCTGATAATCAAATG	Ciona intestinalis
1351662	group	groupXIII	13548502	13548541	-1	TCTGATTAATTAATCAAATGCTGCGCTGTTAATCAAATG	Gasterosteus aculeatus
1351662	chromosome	9	18952180	18952219	-1	TCTGATTAATTAATCAAATGCTGCGCTGTTAATCAAATG	Oryzias latipes
1351662	toplevel	8	32400757	32400794	-1	CTGATTAATTAATCAAATGCTGCGCTGTTAATCAAATG	Danio rerio
1351662	chromosome	2	34202687	34202726	1	TCTGATTAATTAATCAAATGCTGCTGTATTCAAATG	Mus musculus
1350007	reflig	reflig_15	1588562	1588605	-1	TGATCTTAAAAAATCAATATTCATCGACAGGCGGAGGATTAATA	Ciona savignyi
1350007	chromosome	22	28924476	28924520	1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Canis familiaris
1350007	chromosome	13	71199268	71199312	1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Homo sapiens
1350007	scaffold	scaffold_31	409143	409187	-1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Takifugu rubripes
1350007	chromosome	4q	825337	825379	1	GGCTTTTAAAAAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Ciona intestinalis
1350007	chromosome	21	9487993	9488037	1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Oryzias latipes
1350007	group	groupXVI	2722520	2722564	-1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Gasterosteus aculeatus
1350007	toplevel	9	24892417	24892461	-1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Danio rerio
1350007	chromosome	14	98446263	98446307	1	GGATATTTAATTAATCAAAATCTAATCTCGATTCATTAAGGCTCACAT	Mus musculus
1350761	reflig	reflig_19	4767823	4767882	1	CAAACTGCTAAATGCAATTAATTTCTAATGAATTAAGCTGAGGTGGGAAAACTT	Ciona savignyi
1350761	chromosome	28	41540800	41540855	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTGATAATTAATGAAAACCTGTCAATTTTT	Canis familiaris
1350761	chromosome	10	131581705	131581760	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTGATAATTAATGAAAACCTGTCAATTTTT	Homo sapiens
1350761	scaffold	scaffold_97	430467	430522	-1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGAAAACCTGTCAATTTTT	Takifugu rubripes
1350761	chromosome	2q	2591879	2591937	-1	AACITTTGCTGCACCTGAGTTAATCATTAGAATAATGCAATTTGTGGCAAGTTTG	Ciona intestinalis
1350761	group	groupIV	14121821	14121876	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGAAAACCTGTCAATTTTT	Gasterosteus aculeatus
1350761	chromosome	10	16881724	16881779	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGAAAACCTGTCAATTTTT	Oryzias latipes
1350761	toplevel	21	26146580	26146635	1	AAATTTGAATGCAATAGAATAATCTTTATAATTAATGAAAACCTGTCAATTTTT	Danio rerio

1350761	chromosome	7	144442366	144442421	1	AAATTTGAATTCGAAATAGAAATACTTTGATAAATTAAGAAAACCTGCAATTTTT	Mus musculus
1354218	reflig	reflig_145	233954	233992	1	GCAAAATGAACCTGATTGAATGCTGTAACCTACTTTGA	Ciona savignyi
1354218	chromosome	18	13326100	13326136	1	GCAAAATACATCAGACCTACAGCTGAACCCGACATT	Canis familiaris
1354218	chromosome	7	39360042	39360078	-1	GCAAAATACATCAGACCTACAGCTGAACCCGACATT	Homo sapiens
1354218	scaffold	scaffold_223	244985	245021	-1	GCAAAATCACCAGACCTACAGCTGATCCCGCATT	Takifugu rubripes
1354218	chromosome	14q	2152335	2152374	-1	GCAAAATGAACCTGATTGACGGTTGTAACCCAGATATT	Ciona intestinalis
1354218	group	groupXXI	9778795	9778831	-1	GCAAAATCACCAGACCTACAGCTGAGCCCGACATT	Gasterosteus aculeatus
1354218	chromosome	20	19212633	19212669	-1	GCAAAATCACCAGACCTACAGCTGAGCCCGCATT	Oryzias latipes
1354218	toplevel	24	9476635	9476671	1	GCAAAATCAGCAGACCTACAGCTGAGGCTGACATT	Danio rerio
1354218	chromosome	13	18310763	18310799	1	GCAAAATCACCAGACCTACAGCTGAACCCGACATT	Mus musculus
1353060	reflig	reflig_1	2399373	2399433	-1	GCTTGCTAATAGTCGGCGGACACATCAGACGTAAGGGTGTAAATAACAG	Ciona savignyi
1353060	chromosome	15	48058799	48058859	-1	GCTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGATGCTGTAATGGAGCGCATAATGACGG	Canis familiaris
1353060	chromosome	4	147793852	147793912	-1	ACTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGACGCTGTAATGGAGCGCATAATGACGG	Homo sapiens
1353060	scaffold	scaffold_17	1505614	1505674	-1	GCTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGACGCGACTAATGGCGGCATAATGACGG	Takifugu rubripes
1353060	chromosome	3p	1226207	1226265	-1	GCGCGCTAATAGCCCTGAGAGACACATTAGACGAACTAAGGGGCTAATAATAACAG	Ciona intestinalis
1353060	group	groupIX	6738411	6738471	1	GCTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGACGCGACTAATGGAGCGCATAATGACGG	Gasterosteus aculeatus
1353060	chromosome	1	22407811	22407871	-1	GCTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGACGCGGCTAATGGCGGCATAATGACGG	Oryzias latipes
1353060	toplevel	1	35364548	35364608	-1	GCTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGACGCGGCTAATGGGGCGCATAATGACGG	Danio rerio
1353060	chromosome	8	80945911	80945971	1	GCTTGACAAATGGTGCTTAGAAGCACCATTAAAGACGCGCTGTAATGGAGCGCATAATGACGG	Mus musculus
1351391	reflig	reflig_0	1560761	1560800	1	AACGAAATCTCTGCCAATCCCACCTAAAACACTTTGTC	Ciona savignyi
1351391	chromosome	21	42339036	42339075	1	GGCTAAATTAATTAACAATCTCACTGTTGCACCTTTCTC	Canis familiaris
1351391	chromosome	11	16382404	16382443	1	GGCTAAATTAATTAACAATCTCACTGTTGCACCTTTCTC	Homo sapiens
1351391	scaffold	scaffold_1	7079465	7079504	-1	GACTAAATTAATTAACAATCTCAATGTTACACACTTTCTC	Takifugu rubripes
1351391	chromosome	10q	2053503	2053542	-1	AACGAAATCTCTGCCAATCCCACCTAAAACACTTTGTC	Ciona intestinalis
1351391	group	groupII	9536214	9536253	-1	GACTAAATTAATTAACAATCTCAATGTTACACACTTTCTC	Gasterosteus aculeatus
1351391	chromosome	3	17581762	17581801	-1	GACTAAATTAATTAACAATCTCAATGTTGCACACTTTCTC	Oryzias latipes
1351391	toplevel	7	18360761	18360800	-1	GAGTAAATTAATTAACAATCTAGCTGTTACACACTTTCTC	Danio rerio
1351391	chromosome	7	123010778	123010817	1	GGCTAAATTAATTAACAATCTCGCTGTCACACTTTCTC	Mus musculus
1351111	reflig	reflig_58	897292	897336	1	TTAACGATGGCATGTGTTGATTATGCAATGAAATCATGCAA	Ciona savignyi
1351111	chromosome	24	30416500	30416547	1	AAATTAATGGTGCAATTTAGCTTTTATAATGTAATTTAATGATGCAA	Canis familiaris
1351111	chromosome	20	37158507	37158554	1	AAATTAATGGTGCAATTTAGCTTTTATAATGTAATTTAATGATGCAA	Homo sapiens
1351111	scaffold	scaffold_75	107131	107178	1	AAATTAATGGTGCAATTTAGCTTTTATAATGTAATTTAATGATGCAA	Takifugu rubripes
1351111	chromosome	9p	3236310	3236355	-1	AGTTAATGATGTCCTTTGTTGATATGTTGATTAATTAATGCAA	Ciona intestinalis
1351111	scaffold	scaffold_276	6470	6517	-1	AAATTAATGGTGCAATTTAGCTTTTATAATGTAATTTAATGATGCAA	Gasterosteus aculeatus
1351111	chromosome	7	15132248	15132294	1	AAATTAATGGTGCAATTTAGCTTTTATAATGTAATTTAATGATGCAA	Oryzias latipes
1351111	toplevel	23	2250526	2250573	-1	AAATTAATGGTGCAATTTACACTGTATAATGTTAATTAATGATGCAA	Danio rerio
1351111	chromosome	2	158727271	158727318	1	AAATTAATGGTGCAATTTAGCTTTTATAATGTAATTTAATGATGCAA	Mus musculus
1352843	reflig	reflig_209	87149	87192	1	CAATTACACCTCGTCAAGTCCCTGTTTGTCAAGTAAAATTT	Ciona savignyi
1352843	chromosome	28	31171911	31171956	1	CTGATATGACTAATAGCAAGTGCATGAAATGCTAATAGAAATTT	Canis familiaris
1352843	chromosome	10	119482500	119482545	1	CTGATATGACTAATAGCAAGTGCATGAAATGCTAATAGAAATTT	Homo sapiens
1352843	scaffold	scaffold_53	1106558	1106603	1	CAGATACGCTGGTAAACAAGTCCATGAAATTAAGTAAATTT	Takifugu rubripes
1352843	chromosome	2q	2868980	2869023	1	CAATTACACCTGGTACTAAGTGCATGTTTGTCAAGTAAAATTT	Ciona intestinalis
1352843	group	groupVI	2672015	2672060	1	CAGATATGGTGGTAAACAAGTCCATGAAATTAAGTAAATTT	Gasterosteus aculeatus
1352843	chromosome	15	29784369	29784414	-1	CAGATATGGTGGTAAACAAGTCCATGAAATTAAGTAAATTT	Oryzias latipes
1352843	toplevel	13	11960921	11960966	1	CAGATATGCTAATAACAAGTCCATGAAATTAAGTAAATTT	Danio rerio
1352843	chromosome	19	59713742	59713786	1	CTGATATGACTAATAGCAAGTGCATGAAATGCTAATAGAAATTT	Mus musculus
1350418	reflig	reflig_65	843844	843887	-1	AAACGATAGTTTTTAAATCGAATCTTTTCTGTAATTAATGTT	Ciona savignyi
1350418	chromosome	28	41540800	41540841	1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Canis familiaris
1350418	chromosome	10	131581705	131581746	1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Homo sapiens
1350418	scaffold	scaffold_97	430481	430522	-1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Takifugu rubripes
1350418	chromosome	8q	1649400	1649443	-1	AAACTAGGTTAATTAAGAACCTTCTCGTGAATTAATGTTG	Ciona intestinalis
1350418	group	groupIV	14121821	14121862	1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Gasterosteus aculeatus
1350418	chromosome	10	16881724	16881765	1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Oryzias latipes
1350418	toplevel	14	39203254	39203295	1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Danio rerio
1350418	chromosome	7	144442366	144442407	1	AAATTTGAATGCAATTAAGATAATCTTTGATAATTAATGAA	Mus musculus
1354116	reflig	reflig_20	373497	373536	1	TATCTTTCGCGATTATACAAAACGTCAGTAAAGTTGATAGAT	Ciona savignyi
1354116	chromosome	5	75938033	75938074	-1	TATTTTCAAATGATTTCAAATAATGATTTAAGGGGATGAT	Canis familiaris
1354116	chromosome	16	77068601	77068642	1	TATTTTCAAATGATTTCAAATAATGATTTAAGGGGATGAT	Homo sapiens
1354116	scaffold	scaffold_30	672665	672706	1	TATTTTCAAATGATTTCAAATAATGATTTAAGGGGATGAT	Takifugu rubripes
1354116	chromosome	8q	4944001	4944040	1	TATCTTTCAGATTATACCAACGAACTAAGCTGAAGAT	Ciona intestinalis
1354116	group	groupXIX	15524852	15524893	1	TATTTTCAAATGATTTCAAATAATGATTTAAGGGGATGAT	Gasterosteus aculeatus
1354116	chromosome	6	15918775	15918816	-1	TATTTTCAAATGATTTAAAATAATGATACATAAGCAGCCGAT	Oryzias latipes
1354116	toplevel	25	29771475	29771516	1	TATTTTCAAATGATTTCAAACCTGACGTAAGCAGTTGAT	Danio rerio
1354116	chromosome	8	117268987	117269028	1	TATTTTCAAATGATTTCAAATAATGATTTAAGGGGATGAT	Mus musculus
1350077	reflig	reflig_37	108655	108697	1	TAGAGTATCATTCTGATTCATCCGGCTTAATGTAATTAACA	Ciona savignyi
1350077	chromosome	22	28924487	28924529	1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Canis familiaris
1350077	chromosome	13	71199279	71199321	1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Homo sapiens
1350077	scaffold	scaffold_31	409134	409176	-1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Takifugu rubripes
1350077	chromosome	10p	954036	954078	1	TAGAGTATCATTCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Ciona intestinalis
1350077	chromosome	21	9488004	9488046	1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Oryzias latipes
1350077	group	groupXVI	2722511	2722553	-1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Gasterosteus aculeatus
1350077	toplevel	9	24892408	24892450	-1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Danio rerio
1350077	chromosome	14	98446274	98446316	1	TAAAATCTAATCTGCTCATTAAAGGCTCACATAAATTAAGC	Mus musculus
1353297	reflig	reflig_235	38311	38351	1	TCGCTCCACGGGATTAAGTACGACGCTAAAGATATAAG	Ciona savignyi
1353297	chromosome	28	31705237	31705278	1	CAACTACCACAATTAAGAGCTAATACAAACAAATATATA	Canis familiaris
1353297	chromosome	10	120066730	120066771	1	CAACTACCACAATTAAGAGCTAATACAAACAAATATATA	Homo sapiens
1353297	scaffold	scaffold_53	1197227	1197268	1	CCACTACCACAATTAAGGGCTAATACAAACAAATATATA	Takifugu rubripes
1353297	chromosome	9q	2332770	2332810	-1	TCACTCCACGGGATTAAGCGGACTTGTAAAGATATATA	Ciona intestinalis
1353297	group	groupVI	2766582	2766623	1	CCACTACCACAATTAAGGGCTAATACAAACAAATATATA	Gasterosteus aculeatus
1353297	chromosome	15	29604980	29605021	-1	CCACTACCACAATTAAGGGCTAATACAAACAAATATATA	Oryzias latipes
1353297	toplevel	13	12344609	12344650	1	CCACTACCACAATTAAGGGCTAATACAAACAAATATATA	Danio rerio
1353297	chromosome	19	60281574	60281615	1	CAACTACCACAATTAAGAGCTAATACAAACAAATATATA	Mus musculus
1352188	reflig	reflig_0	116459	116499	-1	CACAGGCCACAGGTTAGCAGCTAACCAACTACTAATCAAC	Ciona savignyi
1352188	chromosome	36	21299307	21299346	1	CACAGGCCACAGCAATTTCTAACCAATGACCACCTGAAC	Canis familiaris
1352188	chromosome	2	174750007	174750046	1	CACAGGCCACAGCAATTTCTAACCAATGACCACCTGAAC	Homo sapiens
1352188	scaffold	scaffold_100	537862	537901	-1	CACAGGCCACAGCAATTTCTAACCAACCACTGAC	Takifugu rubripes
1352188	chromosome	10p	798728	798767	1	CCAGGCCACAGGTTAGCGCTAACCAACTACTAATCAAC	Ciona intestinalis
1352188	group	groupXVI	10015908	10015947	-1	CACAGGCCACAGCAATTTCTAACCAACCGCCACTGAAC	Gasterosteus aculeatus
1352188	chromosome	21	24314870	24314909	1	CACAGGCCACCAATTTCTAACCAACCGCCACTGAAC	Oryzias latipes
1352188	toplevel	Zv7_scaffold2619	45963	46000	-1	CAGCCACGGCAATTTCTAACCAACCACTGAC	Danio rerio

1352188	chromosome	2	73018159	73018198	1	CACAGGCACCAGCAATTTCTAACCAATGACCACCTGAAC	Mus musculus
1352111	reflig	reflig_172	255102	255144	1	TAATTTAGTTTGGAGCTTCAAACTATCACGTTTTCACA	Ciona savignyi
1352111	chromosome	27	33017670	33017710	-1	TAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTACACA	Canis familiaris
1352111	chromosome	12	16833052	16833092	1	TAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTACACA	Homo sapiens
1352111	scaffold	scaffold_14	107567	107607	1	CAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTGCACA	Takifugu rubripes
1352111	chromosome	8q	3267484	3267526	-1	CAATTTAGTTGATTGAAGTTCAACAACGAATCACGATTTTCACA	Ciona intestinalis
1352111	group	groupII	9881014	9881054	1	CAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTGCACA	Gasterosteus aculeatus
1352111	chromosome	3	18032030	18032070	1	CAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTGCACA	Oryzias latipes
1352111	toplevel	7	23643838	23643878	-1	CAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTGCACA	Danio rerio
1352111	chromosome	6	138531344	138531384	1	TAATTAGTTTAAATTAACAAACAGCTAATAAAATTGCACA	Mus musculus
1353651	reflig	reflig_375	91986	92027	-1	ATAAATATTTCTTTCAGAAATAAATAAAGCACCGACAAA	Ciona savignyi
1353651	chromosome	9	26232197	26232237	-1	ACGAATGCATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Canis familiaris
1353651	chromosome	17	34972793	34972833	1	ACGAATGCATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Homo sapiens
1353651	scaffold	scaffold_80	807953	807993	-1	ACAAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Takifugu rubripes
1353651	chromosome	4q	1822883	1822924	1	ATAAATGAACATCTATCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Ciona intestinalis
1353651	group	groupIII	1309797	13098037	-1	ACAAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Gasterosteus aculeatus
1353651	chromosome	17	30337034	30337074	1	ACAAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Oryzias latipes
1353651	toplevel	24	30905730	30905770	1	ACAAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Danio rerio
1353651	chromosome	11	98145075	98145115	1	ACGAATGCATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATAACAAA	Mus musculus
1349971	reflig	reflig_2	2024168	2024207	-1	TGGCAAGTTGCTGGAAAACGGCAAAATGCTCCGGTATC	Ciona savignyi
1349971	chromosome	15	46500351	46500391	-1	TGGCAATATGTTTAGAAAACAGTAAATGCTTGTGTAATA	Canis familiaris
1349971	chromosome	4	145846653	145846693	-1	TGGCAATATGTTTAGAAAACAGTAAATGCTTGTGTAATA	Homo sapiens
1349971	scaffold	scaffold_17	1291164	1291204	-1	TGGCAACATGTTTAGAAAACATCAAATGCTTGTGTAATA	Takifugu rubripes
1349971	chromosome	7q	4546946	4546986	1	TGGCAGAGAGCTTGGAAAATGGCAAACTGCTCCGGAATA	Ciona intestinalis
1349971	group	groupX	6996427	6996467	1	TGGCAACATGTTTAGAAAACATCAAATGCTTGTGTAATA	Gasterosteus aculeatus
1349971	chromosome	1	22058323	22058363	-1	TGGCAACATGTTTAGAAAACATCAAATGCTTGTGTAATA	Oryzias latipes
1349971	toplevel	1	34730828	34730867	-1	TGGCAGCAAGTTGAAAACATGAAATGCTTGTGTAATA	Danio rerio
1349971	chromosome	8	82522644	82522684	1	TGGCAATATGTTTAGAAAACAGTAAATGCTTGTGTAATA	Mus musculus
1353047	reflig	reflig_14	894552	894588	-1	AAACATGTTTGGCAAGGTGATTAATCCTGCTTGAC	Ciona savignyi
1353047	chromosome	6	18672390	18672426	-1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Canis familiaris
1353047	chromosome	7	1234945	1234981	1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Homo sapiens
1353047	scaffold	scaffold_15	765095	765131	1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Takifugu rubripes
1353047	chromosome	1p	2720534	2720573	1	AAACATGTTTGGCAAGGTGATTAATCCTGCTTGAC	Ciona intestinalis
1353047	group	groupXI	14171730	14171766	1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Gasterosteus aculeatus
1353047	chromosome	8	7504886	7504922	-1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Oryzias latipes
1353047	toplevel	3	41260518	41260554	-1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Danio rerio
1353047	chromosome	5	140015368	140015404	1	AAGCACGTTTTCAGCAAGGTGATAAGTCAGTTTAAAT	Mus musculus
1353058	reflig	reflig_1	2399033	2399073	1	CTGTAATGTCATTTTCCCAATTAATTTGCCCAGCGCAG	Ciona savignyi
1353058	chromosome	2	82689563	82689602	1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Canis familiaris
1353058	chromosome	1	18967939	18967978	-1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Homo sapiens
1353058	scaffold	scaffold_56	1262550	1262589	-1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Takifugu rubripes
1353058	chromosome	3p	1225870	1225909	1	CTGTAATGTCATTTTCCCAATTAATTTGACCAGCGCG	Ciona intestinalis
1353058	scaffold	scaffold_27	5042926	5042965	1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Gasterosteus aculeatus
1353058	chromosome	5	7454421	7454460	-1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Oryzias latipes
1353058	toplevel	11	39887530	39887569	1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Danio rerio
1353058	chromosome	4	139281358	139281397	1	GTGAAAATGCATTTTAAATTAATTTGATCCTGCATG	Mus musculus
1352540	reflig	reflig_14	1100813	1100864	-1	CAATTTTCGTCATTAACAGCAATAAAGCGAATAAAGCGCT	Ciona savignyi
1352540	chromosome	4	29321323	29321371	1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Canis familiaris
1352540	chromosome	10	77397333	77397381	1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Homo sapiens
1352540	scaffold	scaffold_59	1337780	1337828	1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Takifugu rubripes
1352540	chromosome	1q	1037133	1037183	-1	TAATTTGCACATTAACAGCAATAAAGCGAATAAAGCGCGCA	Ciona intestinalis
1352540	chromosome	19	9344897	9344945	-1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Oryzias latipes
1352540	group	groupV	393489	393537	-1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Gasterosteus aculeatus
1352540	toplevel	13	15338542	15338590	1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Danio rerio
1352540	chromosome	14	23325050	23325098	1	TAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATAACTGGATGTCAAACATTC	Mus musculus
1352116	reflig	reflig_172	255104	255146	-1	CGTGTGAAAACGTGATAAGTTTGAAGCCTCAATCAAATAAT	Ciona savignyi
1352116	chromosome	2	67434665	67434703	-1	CATTTTAAATGATTAGAGTAAATTAATCAATGTAAT	Canis familiaris
1352116	chromosome	16	49406593	49406631	1	CATTTTAAATGATTAGAGTAAATTAATCAATGTAAT	Homo sapiens
1352116	scaffold	scaffold_28	636787	636825	1	CATTTGAAATGATTGGTGTAAATGAAATCAATGTCAT	Takifugu rubripes
1352116	chromosome	8q	3267482	3267524	1	CGTGTGAAATCGTGTTCGTTGTTGAATCAATCAAATAAT	Ciona intestinalis
1352116	chromosome	3	29411030	29411068	-1	CCTTTGAAATGATTGGTGTAAATGAAATCAATGTCAT	Oryzias latipes
1352116	group	groupII	17841808	17841846	-1	CGTTCGAAATGATCGGTTGTAATGAAATCAATGTCAT	Gasterosteus aculeatus
1352116	toplevel	7	25949775	25949811	1	TTTGAATGATTGGTGTAAATGAAATCAATGTCAT	Danio rerio
1352116	chromosome	8	91282522	91282560	1	CATTTTAAATGATTAGAGTAAATTAATCAATGTAAT	Mus musculus
1352362	reflig	reflig_1	122488	122528	-1	TCGCTTACAGAATTAATTTCTCCGCGCGGATTAGG	Ciona savignyi
1352362	chromosome	14	25022918	25022957	1	TTGCCAGCAAAATAGCTGTTATTACTGCTACTGTTTGT	Canis familiaris
1352362	chromosome	7	96481341	96481380	1	TTGCCAGCAAAATAGCTGTTATTACTGCTACTGTTTGT	Homo sapiens
1352362	scaffold	scaffold_292	287318	287357	-1	TCGCTTACAGAATTAATTTCTCCGCGCGGATTAGG	Takifugu rubripes
1352362	scaffold	scaffold_237	34451	34491	1	TCGCTTACAGAATTAATTTCTCCGCGCGGATTAGG	Ciona intestinalis
1352362	group	groupX	9485572	9485611	1	TTGCCAGCAAAATAGCTGTTATTACTGCTACTGTTTGT	Gasterosteus aculeatus
1352362	chromosome	11	9808775	9808814	1	TTGCCAGCAAAATAGCTGTTATTACTGCTACTGTTTGT	Oryzias latipes
1352362	toplevel	19	38250562	38250599	1	GCCTGCAAAATAGCGCTTATTACTGCTACTGTTTGT	Danio rerio
1352362	chromosome	6	6821660	6821699	1	TTGCCAGCAAAATAGCTGTTATTACTGCTACTGTTTGT	Mus musculus
1350896	reflig	reflig_281	55642	55689	-1	GTATGTCATTAATTTTTCGGCCTACCAATTTGTTTGTTCACAGT	Ciona savignyi
1350896	chromosome	9	61084548	61084595	1	GTGAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGT	Canis familiaris
1350896	chromosome	9	127181607	127181654	-1	GTGAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGT	Homo sapiens
1350896	scaffold	scaffold_18	637682	637729	-1	GTGAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGT	Takifugu rubripes
1350896	chromosome	1q	3808425	3808472	-1	GTGTCOAATTAATTTTGTTCGGCATCAATCATGTTTGTTCACAGT	Ciona intestinalis
1350896	group	groupXIII	13458012	13458059	-1	GTGAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGT	Gasterosteus aculeatus
1350896	chromosome	9	18840212	18840259	-1	GTGAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGT	Oryzias latipes
1350896	toplevel	8	33470485	33470532	-1	GTGAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGT	Danio rerio
1350896	chromosome	2	34521012	34521059	1	GAGAAAACAATTAGAATTTCTGCCTATTATCATGGTAATCTTATCAGC	Mus musculus
1353655	reflig	reflig_48	1877135	1877187	1	ATTTACTCATAAATCAGCACTTATGAGCTGCAATGATGTCTATAAT	Ciona savignyi
1353655	chromosome	4	29321243	29321294	1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Canis familiaris
1353655	chromosome	10	77397253	77397304	1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Homo sapiens
1353655	scaffold	scaffold_59	1337700	1337751	1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Takifugu rubripes
1353655	scaffold	scaffold_67	411082	411133	-1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Ciona intestinalis
1353655	chromosome	19	9344974	9345025	-1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Oryzias latipes
1353655	group	groupV	393566	393617	-1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Gasterosteus aculeatus
1353655	toplevel	13	15338462	15338513	1	ACTTACTTAAATCAATCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Danio rerio

1353655	chromosome	14	23324970	23325021	1	ACTTACTTAAAATCAACTCCACTTTGGCATCATTATCATGTATCAACATAAT	Mus musculus
1351739	reflig	reflig_268	28496	28540	-1	ACAACAAGCGATTACCCATTTAAGTGGCTAACCGTAATTTGAT	Ciona savignyi
1351739	chromosome	36	20514515	20514555	1	CTAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAATGTTATTTAAT	Canis familiaris
1351739	chromosome	2	173823182	173823222	1	CTAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAATGTTATTTAAT	Homo sapiens
1351739	scaffold	scaffold_100	599251	599291	-1	CCAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAACGTTATTTAAT	Takifugu rubripes
1351739	chromosome	1p	2567498	2567540	1	ACAAAAGTCAGCCCTCATTAAAATGGCTAACTGTAACCTAAT	Ciona intestinalis
1351739	group	groupXVI	10089152	10089192	-1	CCAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAACGTTATTTAAT	Gasterosteus aculeatus
1351739	chromosome	21	24218194	24218233	1	CCAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAACGTTATTTAAT	Oryzias latipes
1351739	toplevel	9	3495094	3495134	1	CCAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAATGTTATTTAAT	Danio rerio
1351739	chromosome	2	72264755	72264795	1	CTAGAAGTCATTTCTTTTCAAAGGCAAATGTTATTTAAT	Mus musculus
1350930	reflig	reflig_54	2658010	2658051	1	AATCCTACTGAATTTTGAAAAGCAGCATCAATTTATGATGG	Ciona savignyi
1350930	chromosome	5	80954870	80954912	-1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTGGAAATTATGC	Canis familiaris
1350930	chromosome	16	70833511	70833553	-1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTGGAAATTATGC	Homo sapiens
1350930	scaffold	scaffold_14	789771	789813	-1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTCAAATGATGG	Takifugu rubripes
1350930	chromosome	12q	2285249	2285290	1	AATCCAAGTGAATTTTCAAAGGCAAGCTAATGATTTGATGG	Ciona intestinalis
1350930	group	groupII	10691185	10691227	-1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTCAAATGATGG	Gasterosteus aculeatus
1350930	chromosome	3	19082839	19082881	-1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTCAAATGATGG	Oryzias latipes
1350930	toplevel	7	62447145	62447187	1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTCAAATGATGG	Danio rerio
1350930	chromosome	8	111941220	111941262	1	AATCAAGGTGAATTTTCAAAGGCTGCCATTTTGGAAATTATGC	Mus musculus
1350807	reflig	reflig_9	2293800	2293834	1	TTATCCAGAACTCAATGTTTTCATGCTGTTATAA	Ciona savignyi
1350807	chromosome	19	48758465	48758504	1	TTATGTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Canis familiaris
1350807	chromosome	2	144159021	144159060	1	TTATGTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Homo sapiens
1350807	scaffold	scaffold_110	508061	508100	-1	TTATGTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Takifugu rubripes
1350807	scaffold	scaffold_161	130530	130569	1	TTATCTAGAATCAATGTTTCCCTTTGTTATAGACAA	Ciona intestinalis
1350807	chromosome	2	5295410	5295449	1	TTATGTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Oryzias latipes
1350807	group	groupI	28060937	28060976	1	TTATGTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Gasterosteus aculeatus
1350807	toplevel	Zv7_NA1298	53651	53688	1	ATCTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Danio rerio
1350807	chromosome	2	44160384	44160423	1	TTATGTTATAATCCAAGTCTGCTCATTGTCACAGCCAA	Mus musculus
1352542	reflig	reflig_19	3623474	3623524	-1	GAGATAGCTAATGCAATGACCGGTATAAATAGAGCCAGCTGTAGC	Ciona savignyi
1352542	chromosome	15	48058757	48058807	-1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Canis familiaris
1352542	chromosome	4	147793810	147793860	-1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Homo sapiens
1352542	scaffold	scaffold_17	1505571	1505622	-1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Takifugu rubripes
1352542	chromosome	2q	3796598	3796647	1	TAGGAACGGCTAATTCGCGGAAACCGGTATAAATAGAGCCAGCTGTACT	Ciona intestinalis
1352542	group	groupIX	6738463	6738514	1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Gasterosteus aculeatus
1352542	chromosome	1	22407768	22407819	-1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Oryzias latipes
1352542	toplevel	1	35364505	35364556	-1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Danio rerio
1352542	chromosome	8	80945963	80946013	1	TAATGACGGCTAATTTTCGATCAGATATAAATAGAGCCCCAACAGTTATT	Mus musculus
1351751	reflig	reflig_48	3516996	3517041	1	TTTTTTCATGCTCCGATGTAATAGCGGGGCGAGTACGAAGTTGAAA	Ciona savignyi
1351751	chromosome	3	18321630	18321674	1	TTTGTCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Canis familiaris
1351751	chromosome	5	93253492	93253536	-1	TTTTGTCCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Homo sapiens
1351751	scaffold	scaffold_101	510819	510863	1	TTTTGTCCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Takifugu rubripes
1351751	chromosome	5q	2568567	2568611	-1	TTTTTTCATGTTCCGATGTAATAGCAGCAAGTACTAAGTTGAAA	Ciona intestinalis
1351751	group	groupXIII	11097881	11097925	-1	TTTTGTCCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Gasterosteus aculeatus
1351751	chromosome	9	15510424	15510468	-1	TTTTGTCCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Oryzias latipes
1351751	toplevel	5	46568889	46568933	1	TTTTGTCCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Danio rerio
1351751	chromosome	13	78032019	78032063	1	TTTTGTCCTGCTGTTTATGATGAATGAAGCAAGCAAAAAGGAGA	Mus musculus
1353498	reflig	reflig_14	664639	664680	1	ACTGTTGCCAATCTCTTAATTTATGTTTGTCAATAGCAAA	Ciona savignyi
1353498	chromosome	14	56795965	56796006	1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Canis familiaris
1353498	chromosome	7	114088239	114088280	1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Homo sapiens
1353498	scaffold	scaffold_8	3086013	3086054	-1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Takifugu rubripes
1353498	chromosome	1q	1951412	1951453	-1	ACTGTTACTTATCTCTAATATATATTTGTCATAAGCAAA	Ciona intestinalis
1353498	group	groupIV	19051005	19051046	-1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Gasterosteus aculeatus
1353498	chromosome	23	4508781	4508822	-1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Oryzias latipes
1353498	toplevel	4	40363406	40363447	1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Danio rerio
1353498	chromosome	6	15362651	15362692	1	ACTGCTCATTGCTCATTAAATATAAAATATCATATTCAGA	Mus musculus
1351484	reflig	reflig_131	89964	90007	1	CTGTCTTCCGTTCTCTCTTATTCGTGAATCCATTTCCACA	Ciona savignyi
1351484	chromosome	22	48663193	48663237	1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Canis familiaris
1351484	chromosome	13	94416908	94416952	1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Homo sapiens
1351484	scaffold	scaffold_103	117085	117129	-1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Takifugu rubripes
1351484	chromosome	7q	1593023	1593066	1	TCACTTTCCGTTCTCTCTTATTTGAGAATTCATTTCCACA	Ciona intestinalis
1351484	group	groupXVI	9268709	9268753	1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Gasterosteus aculeatus
1351484	chromosome	21	25474839	25474883	-1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Oryzias latipes
1351484	toplevel	14	2403074	2403119	-1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Danio rerio
1351484	chromosome	14	118835136	118835180	1	TCAATATCCCCTCTCTCATTATCTGTTGGATTGCACATCCACA	Mus musculus
1350371	reflig	reflig_90	316408	316448	1	CAATCTAATCGAAGAATTAAGCAATGCATAAATATAGC	Ciona savignyi
1350371	chromosome	22	28924489	28924529	1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Canis familiaris
1350371	chromosome	13	71199281	71199321	1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Homo sapiens
1350371	scaffold	scaffold_31	409134	409174	-1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Takifugu rubripes
1350371	chromosome	4q	5687507	5687547	1	CGATCTAATCAAGCAATTAATAGCAATACATAAATATAGC	Ciona intestinalis
1350371	chromosome	21	9488006	9488046	1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Oryzias latipes
1350371	group	groupXVI	2722511	2722551	-1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Gasterosteus aculeatus
1350371	toplevel	9	24892408	24892448	-1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Danio rerio
1350371	chromosome	14	98446276	98446316	1	AAATCTAATCTCGATTCTAATAGGCTCACATAAATTAAGC	Mus musculus
1351743	reflig	reflig_3	1183158	1183201	-1	ATTTGTGATGTTTTTCAATTCGCTAAATTTGCCGACAGATTTATT	Ciona savignyi
1351743	chromosome	22	52785243	52785289	1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTCTAGATATGATTTACC	Canis familiaris
1351743	chromosome	13	99312290	99312336	1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTCTAGATATGATTTACC	Homo sapiens
1351743	scaffold	scaffold_31	524379	524425	1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTAGCAGATATGATTTATT	Takifugu rubripes
1351743	chromosome	4q	1354083	1354126	-1	GTTTGTGATGTTTTTCAATTCGCCAAATCTGCCGATGGATTTATT	Ciona intestinalis
1351743	chromosome	21	9274507	9274553	-1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTCTAGATATGATTTATT	Oryzias latipes
1351743	group	groupXVI	2845296	2845342	1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTCTAGATATGATTTATT	Gasterosteus aculeatus
1351743	toplevel	9	25186295	25186340	1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTCTAGATATGATTTATT	Danio rerio
1351743	chromosome	14	122774095	122774141	1	GTCTTTGATGGTTTATATTTATGCAAAATCTCTAGATATGATTTACC	Mus musculus
1353914	reflig	reflig_27	1802645	1802684	1	TTTCACTTCACTGTTCTCTCTATTTTAAATCAAGCGAC	Ciona savignyi
1353914	chromosome	9	60663613	60663656	1	TTCAATCTCACCTCATCTCCACTACATAAACCCCTGGCAA	Canis familiaris
1353914	chromosome	9	127645984	127646027	-1	TTCAATCTCACCTCATCTCCACTACATAAACCCCTGGCAA	Homo sapiens
1353914	scaffold	scaffold_18	737856	737899	-1	TTCAATCTCACCTCATCTCCACTACATAAACCCCTGGCAA	Takifugu rubripes
1353914	chromosome	1q	4863406	4863445	1	TTACTCTCACCTGTTCTCTCTATTTTAACTACCTGGAA	Ciona intestinalis
1353914	group	groupXIII	13552526	13552569	-1	TTCAATCTCACCTCATCTCCACTACATAAACCCCTGGCAA	Gasterosteus aculeatus
1353914	chromosome	9	18956250	18956293	-1	TTCAATCTCACCTCATCTCCACTACATAAACCCCTGGCAA	Oryzias latipes
1353914	toplevel	8	32412548	32412589	-1	CAATATCACCTCATCTCCACTAGTACATAAACCCCTGGCAA	Danio rerio

1353914	chromosome	2	34144158	34144201	1	TTCAATCTCACCTACTCTCCACTACATTAACCCCTGGCAA	Mus musculus
1352645	reflig	reftig_41	258045	258083	1	GACTGCAAAATGAAAGATAATCACATTACGCCTATTGTT	Ciona savignyi
1352645	chromosome	36	20514701	20514742	1	GGCTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCACTGCCTCATGTC	Canis familiaris
1352645	chromosome	2	173823368	173823409	1	GGCTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCACTGCCTCATGTC	Homo sapiens
1352645	scaffold	scaffold_100	599063	599105	-1	GGCTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCCCTGCCTGGTGTG	Takifugu rubripes
1352645	chromosome	4q	4913960	4914001	-1	GACAGAGAAAATTAAGTGTGATTACGTTTCCGCCCTTTTGTG	Ciona intestinalis
1352645	group	groupXVI	10088964	10089006	-1	GGCTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCCCTGCCTGGTGTG	Gasterosteus aculeatus
1352645	chromosome	21	24218379	24218421	1	GGCTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCCCTGCCTGGTGTG	Oryzias latipes
1352645	toplevel	9	3495282	3495322	1	CTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCCCTGCCTGGTGTG	Danio rerio
1352645	chromosome	2	72264941	72264982	1	GGCTGAGAAAATGAGAGCTAATTTTCACTGCCTCATGTC	Mus musculus
1351357	reflig	reftig_148	64002	64043	1	CAGATTGGCATATGATCCATTGTGAAACCTGAACATGTAAC	Ciona savignyi
1351357	chromosome	28	4306495	4306534	-1	CAGATTATGTGATCCTGATTATAAATCTGAACATGAATC	Canis familiaris
1351357	chromosome	10	50267214	50267253	-1	CAGATTATGTGATCCTGATTATAAATCTGAACATGAATC	Homo sapiens
1351357	scaffold	scaffold_24	778986	779025	-1	CCGATTAAAAGAGAAAACATGCTAATTAATCTGAACATGAATC	Takifugu rubripes
1351357	chromosome	8q	3737412	3737453	-1	CAGATTGCCATATGATCCATTATACGACAGAACATGTAAC	Ciona intestinalis
1351357	group	groupVI	8146838	8146877	1	CCGATTACACATTCTCTATTATAAATCTGAACATGAATC	Gasterosteus aculeatus
1351357	chromosome	15	23041792	23041831	-1	CCGATTACAGATTCTCTATTATAAATCTGAACATGAATC	Oryzias latipes
1351357	toplevel	13	30384337	30384374	1	GATTACCCGATTCCTATTATAAATCTGAACATGAATC	Danio rerio
1351357	chromosome	14	33419384	33419423	1	CAGATTATGTGATCCTGATTATAAATCTGAACATGAATC	Mus musculus
1351013	reflig	reftig_56	467486	467525	1	GTCAATTAAGAGTAAAATCGATAAAAATAAATAAATGAA	Ciona savignyi
1351013	chromosome	28	31705315	31705354	1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTGATTAAATGAACATGCA	Canis familiaris
1351013	chromosome	10	120066808	120066847	1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTGATTAAATGAACATGCA	Homo sapiens
1351013	scaffold	scaffold_53	1197305	1197344	1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTAATTAATAAACAGCA	Takifugu rubripes
1351013	chromosome	10q	4015519	4015558	1	GTCAATTAAGAGAAAACATGCTAATTAATAAACAGCA	Ciona intestinalis
1351013	group	groupVI	2766663	2766702	1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTAATTAATAAACAGCA	Gasterosteus aculeatus
1351013	chromosome	15	29604904	29604943	-1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTAATTAATAAACAGCA	Oryzias latipes
1351013	toplevel	13	12344688	12344727	1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTAATTAATAAACAGCA	Danio rerio
1351013	chromosome	19	60281652	60281691	1	TTTAATTAAGAGAAAACATGCTGATTAAATGAACATGCA	Mus musculus
1352510	reflig	reftig_431	479444	479481	1	AAGCACCTTCCATCTGCTATAAATAAAGATCGAT	Ciona savignyi
1352510	chromosome	28	16355617	16355656	1	CTACAGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Canis familiaris
1352510	chromosome	10	102404273	102404312	1	CTACAGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Homo sapiens
1352510	scaffold	scaffold_59	812901	812940	1	CTCCAGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Takifugu rubripes
1352510	chromosome	2q	3365830	3365870	-1	CTACACCGTTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Ciona intestinalis
1352510	chromosome	19	10196963	10197002	-1	CTACTGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Oryzias latipes
1352510	group	groupV	960156	960195	-1	CTACGGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Gasterosteus aculeatus
1352510	toplevel	13	29145877	29145916	1	CTACAGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Danio rerio
1352510	chromosome	19	44744757	44744796	1	CTACAGGAATTCCTCAATTCCTATAAAAATGAAATTCAT	Mus musculus
1352154	reflig	reftig_22	617313	617359	-1	TATTGTGCATGGTAACCTATATGCTTGTCTAAATTAATGAATCAG	Ciona savignyi
1352154	chromosome	12	13260108	13260155	-1	TCATTTGATGCTGAGATTATGCTCAATTAATAAATGAAATTCAG	Canis familiaris
1352154	chromosome	6	41638053	41638100	-1	TCATTTGATGCTGAGATTATGCTCAATTAATAAATGAAATTCAG	Homo sapiens
1352154	scaffold	scaffold_79	142414	142461	1	TCATTTGATGCTTTAGATTATATGCTCAAAAAGTAATTTCCGAG	Takifugu rubripes
1352154	chromosome	2q	2703850	2703897	1	ACATGTCATGCTGAGATTATATGCTTTCGAAAAGTAATTTCCGAG	Ciona intestinalis
1352154	chromosome	5	28991790	28991837	-1	TCATTTGATGCTTTAGATTATATGCTCAAAAAGTAATTTCCGAG	Oryzias latipes
1352154	scaffold	scaffold_27	474549	474596	1	TCATTTGATGCTTTAGATTATATGCTCAAAAAGTAATTTCCGAG	Gasterosteus aculeatus
1352154	toplevel	11	19748801	19748848	1	TCATTTGATGCTTTAGATTATATGCTCAAAAAGTAATTTCCGAG	Danio rerio
1352154	chromosome	17	48044901	48044948	1	TCATTTGATGCTGAGATTATGCTCAATTAATAAATGAAATTCAG	Mus musculus
1351879	reflig	reftig_1	1815125	1815175	1	ACACCAGCCGCTGACGCTCATCAGATCACTGATGGTTATCGAATCGGACT	Ciona savignyi
1351879	chromosome	8	35281214	35281265	1	ATAACAGTGCAGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Canis familiaris
1351879	chromosome	14	56127212	56127263	1	ATAACAGTGCAGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Homo sapiens
1351879	scaffold	scaffold_193	59397	59448	1	ATAACAGGCTGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Takifugu rubripes
1351879	chromosome	3q	5201233	5201283	-1	ACACCAGCCCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Ciona intestinalis
1351879	group	groupXV	5078243	5078294	-1	ATAACGGGCTGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Gasterosteus aculeatus
1351879	chromosome	22	12452936	12452987	1	ATAACAGGCTGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Oryzias latipes
1351879	toplevel	17	42581599	42581642	-1	CCTGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Danio rerio
1351879	chromosome	14	49076465	49076516	1	ATAACGGGCTGCTCTCACTCAATTCAGATCTGCTAATGGAATCTGTCT	Mus musculus
1350874	reflig	reftig_24	416465	416509	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Ciona savignyi
1350874	chromosome	36	20514719	20514762	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Canis familiaris
1350874	chromosome	2	173823386	173823429	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Homo sapiens
1350874	scaffold	scaffold_100	599043	599087	-1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Takifugu rubripes
1350874	chromosome	8q	4503805	4503849	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Ciona intestinalis
1350874	group	groupXVI	10088944	10088988	-1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Gasterosteus aculeatus
1350874	chromosome	21	24218397	24218441	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Oryzias latipes
1350874	toplevel	9	3495298	3495342	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Danio rerio
1350874	chromosome	2	72264959	72265002	1	TAATTAATGACGGGCTGGCTCAGTCCAGTATATCGACTTGT	Mus musculus
1350782	reflig	reftig_24	412420	412470	-1	ACTCTGTAATTTGTAATTTATGCTGTTCTCGTGTGTTGAGTGGGCC	Ciona savignyi
1350782	chromosome	28	31748949	31749000	1	GCCTCGTAAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGCA	Canis familiaris
1350782	chromosome	10	120107882	120107933	1	GCCTCGTAAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGCA	Homo sapiens
1350782	scaffold	scaffold_53	1206955	1207006	1	GCCTCGTAAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGCA	Takifugu rubripes
1350782	chromosome	8q	4499440	4499490	-1	ACCTTGTAATTTGTAATTTATGCTGTTCTGTTGTTGTCAGGCGCTT	Ciona intestinalis
1350782	group	groupVI	2777375	2777426	1	GCCTTGTAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGTC	Gasterosteus aculeatus
1350782	chromosome	15	29591300	29591351	-1	GCCTTGTAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGTC	Oryzias latipes
1350782	toplevel	13	12377734	12377784	1	GCCTTGTAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGTC	Danio rerio
1350782	chromosome	19	60318646	60318697	1	GCCTCGTAAATTTGTTTTATCATCTCCAAGTGTGTTGCACAGGCAGCA	Mus musculus
1350084	reflig	reftig_13	1886316	1886370	-1	ATTATTTATGCAATCTTAATTAATGATCGGACGTTTATTACATTTTTAAA	Ciona savignyi
1350084	chromosome	22	28924540	28924591	1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Canis familiaris
1350084	chromosome	13	71199332	71199383	1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Homo sapiens
1350084	scaffold	scaffold_31	409072	409123	-1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Takifugu rubripes
1350084	scaffold	scaffold_78	503984	504034	1	ATAATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Ciona intestinalis
1350084	chromosome	21	9488057	9488108	1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Oryzias latipes
1350084	group	groupXVI	2722449	2722500	-1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Gasterosteus aculeatus
1350084	toplevel	9	24892346	24892397	-1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Danio rerio
1350084	chromosome	14	98446327	98446378	1	AAGATTTATGGATTCTCATTGCATATTGCATACAATTCATCAATTACTCAA	Mus musculus
1352046	reflig	reftig_27	282125	282168	-1	AGTTTTTGTGTAATTTATAGATCTTTAGAGGCTCAATATCAATA	Ciona savignyi
1352046	chromosome	35	12841896	12841934	1	GGCAGCATAAATTTACAGCTGAAGACTCATATCATTAA	Canis familiaris
1352046	chromosome	6	10138584	10138622	1	GGCAGCATAAATTTACAGCTGAAGACTCATATCATTAA	Homo sapiens
1352046	scaffold	scaffold_162	397443	397481	-1	GGCAGCATAAATTTACAGCTGAAGACTCATATCATTAA	Takifugu rubripes
1352046	chromosome	1q	7248540	7248580	-1	GGCCGTGTGTTATTTATGATCTCAAACTGATATCAATA	Ciona intestinalis
1352046	group	groupXXI	4172522	4172560	1	GGCAGCATAAATTTACAGCTGAAGACTCATATCATTAA	Gasterosteus aculeatus
1352046	chromosome	20	10931248	10931286	1	GGCAGTAAATTTACAGCTGAAGACTCATATCATTAA	Oryzias latipes
1352046	toplevel	21	45708466	45708504	-1	GGCAGCATAAATTTACAGCTGAAGACTCATATCATTAA	Danio rerio

1352046	chromosome	13	40477554	40477592	1	GGCAGCGCAATTTATTACAGCTGAAGACTCATATCATT	Mus musculus
1352662	reflitg	reflitg_244	114282	114331	-1	AGTCGATTGCTCAGATTCAATCTAATTTTCAGCACACAAATAAAAAATCC	Ciona savignyi
1352662	chromosome	9	60501061	60501108	1	AGATGATCCCAATGAACCTCAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Canis familiaris
1352662	chromosome	9	127817298	127817345	-1	AGATGATCCCAATGAACCTCAATATAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Homo sapiens
1352662	scaffold	scaffold_18	813902	813949	-1	AGATGATCCCAATGAACCTCAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Takifugu rubripes
1352662	chromosome	14p	192194	192243	-1	AGTCGATCGTCTGGATTAATAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Ciona intestinalis
1352662	group	groupXIII	13621103	13621150	-1	AGATGATCCCAATGAACCTCAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Gasterosteus aculeatus
1352662	chromosome	9	19052427	19052474	-1	AGATGATCCCAATGAACCTCAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Oryzias latipes
1352662	toplevel	16	32765265	32765312	-1	AGATGATCCCAATGAACCTCAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Danio rerio
1352662	chromosome	2	33992184	33992231	1	AGATGAAACCCATGAACCTCAATTTAATTTGGTGCAAAATAAAAAATCC	Mus musculus
1352077	reflitg	reflitg_1	2388713	2388755	-1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Ciona savignyi
1352077	chromosome	16	48528533	48528575	1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Canis familiaris
1352077	chromosome	4	186175741	186175783	-1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Homo sapiens
1352077	scaffold	scaffold_364	50783	50825	-1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Takifugu rubripes
1352077	chromosome	3p	1214837	1214879	-1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Ciona intestinalis
1352077	scaffold	scaffold461	267910	267952	1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Oryzias latipes
1352077	group	groupIX	8598715	8598756	-1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Gasterosteus aculeatus
1352077	toplevel	1	13423951	13423993	-1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Danio rerio
1352077	chromosome	8	47380731	47380773	1	AGAAAGGAGAAACAACTTCGAGTGGGAGGAGTGGGAGAGACGC	Mus musculus
1351049	reflitg	reflitg_251	130263	130303	1	TTACCGTAAAAGCTTTTGTGGGCCCTGCCACCTGCTTTA	Ciona savignyi
1351049	chromosome	22	52785194	52785232	1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Canis familiaris
1351049	chromosome	13	99312241	99312279	1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Homo sapiens
1351049	scaffold	scaffold_31	524330	524368	1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Takifugu rubripes
1351049	chromosome	2q	4288265	4288305	1	TTACTGTAAAAGCTTTTGTGGTCTGCTGACCTGCTCTG	Ciona intestinalis
1351049	chromosome	21	9274564	9274602	-1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Oryzias latipes
1351049	group	groupXVI	2845247	2845285	1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Gasterosteus aculeatus
1351049	toplevel	9	25186246	25186284	1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Danio rerio
1351049	chromosome	14	122774046	122774084	1	TTACAGTACAAAGCTTATAGGGTCTTGAAACCCCTTTG	Mus musculus
1352909	reflitg	reflitg_48	2432186	2432228	1	ATTTAATAGCTTTTGATAATTAATCCCGGCTTAATATTA	Ciona savignyi
1352909	chromosome	14	56795943	56795990	1	ACTATATCGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Canis familiaris
1352909	chromosome	7	114088217	114088264	1	ACTATATCGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Homo sapiens
1352909	scaffold	scaffold_8	3086029	3086076	-1	ACTATATAGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Takifugu rubripes
1352909	chromosome	5q	5026217	5026266	-1	ATTTAATAGCTTTTGATAATTAATCCCGGCTTAATATTA	Ciona intestinalis
1352909	group	groupIV	19051021	19051068	-1	ACTATATAGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Gasterosteus aculeatus
1352909	chromosome	23	4508797	4508844	-1	ACTATATAGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Oryzias latipes
1352909	toplevel	4	40363384	40363431	1	ACTATATAGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Danio rerio
1352909	chromosome	6	15362629	15362676	1	ACTATATCGCATGCATAATAAACTGCTCATTGCTCATAATATTA	Mus musculus
1352705	reflitg	reflitg_1	2394837	2394875	-1	CATTTAAAATAAAACCTCTGTTTTCCCTCGGTTAAT	Ciona savignyi
1352705	chromosome	28	4314295	4314334	-1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Canis familiaris
1352705	chromosome	10	50274929	50274968	-1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Homo sapiens
1352705	scaffold	scaffold_24	782162	782201	-1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Takifugu rubripes
1352705	chromosome	3p	1221633	1221672	-1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Ciona intestinalis
1352705	group	groupVI	8143314	8143353	1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Gasterosteus aculeatus
1352705	chromosome	15	23044672	23044711	-1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Oryzias latipes
1352705	toplevel	13	30381150	30381189	1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Danio rerio
1352705	chromosome	14	33411732	33411771	1	GCATTTAATAACCAAAATATCATTATATCCCTTTAAT	Mus musculus
1349653	reflitg	reflitg_375	84487	84429	-1	GGCGGGAATATTGATAAAACAACAGCTGCAACGGTAGCAGT	Ciona savignyi
1349653	chromosome	9	60661939	60661981	1	GGCAGGGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Canis familiaris
1349653	chromosome	9	127647618	127647660	-1	GGCAGGGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Homo sapiens
1349653	scaffold	scaffold_18	743877	743919	-1	GGCGGGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Takifugu rubripes
1349653	chromosome	4q	1830466	1830508	1	GGTGGAAATATTCTTAAACAACAAGCGGCTGCGCGGCATT	Ciona intestinalis
1349653	group	groupXIII	13554482	13554524	-1	GGCAGAGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Gasterosteus aculeatus
1349653	chromosome	9	18958029	18958071	-1	GCCAGGGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Oryzias latipes
1349653	toplevel	8	32421347	32421387	-1	CGGGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Danio rerio
1349653	chromosome	2	34142518	34142560	1	GGCAGGGAATATTGATAAAACAATATCTGTAGCCGTTTCATT	Mus musculus
1351072	reflitg	reflitg_19	4761683	4761745	-1	ATCCGAGTAAATGTTTATAAAAATTCAGAGCTCATTTCAAGTTCATGAACAGTTAATAAAA	Ciona savignyi
1351072	chromosome	36	5787696	5787759	1	ATCCATCTGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Canis familiaris
1351072	chromosome	2	157155105	157155168	1	ATCCATCTGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Homo sapiens
1351072	scaffold	scaffold_46	536036	536099	-1	ATCCATCTGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Takifugu rubripes
1351072	chromosome	2q	2586250	2586312	-1	ATCCGAGTAAATGTTTATAAAAATTCAGAGCTCATTTCAAGTTCATGAACAGTTAATAAAA	Ciona intestinalis
1351072	group	groupXVI	11261391	11261454	-1	ATCCATCTGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Gasterosteus aculeatus
1351072	chromosome	21	22606350	22606413	1	ATCCATCTGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Oryzias latipes
1351072	toplevel	Zv7_NA227	39433	39496	-1	ATCCATCGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Danio rerio
1351072	chromosome	2	57227856	57227919	1	ATCCATCTGAGCTTTGATAAATCTATTACAGTTTCATTTCACTGATTTCAACGTAATAAAA	Mus musculus
1353795	reflitg	reflitg_1	1225860	1225905	1	AACACGATAAATGAATAAACTATTATGACGGCTGAATGGGTATGTG	Ciona savignyi
1353795	chromosome	28	41543174	41543215	1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Canis familiaris
1353795	chromosome	10	131584267	131584308	1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Homo sapiens
1353795	scaffold	scaffold_76	482380	482421	1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Takifugu rubripes
1353795	chromosome	3p	1993482	1993524	-1	AACAAGATAATGAATAAACTATTATGACGTTTGAAGGTTTGG	Ciona intestinalis
1353795	group	groupVI	11277870	11277911	-1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Gasterosteus aculeatus
1353795	chromosome	15	18875869	18875910	1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Oryzias latipes
1353795	toplevel	12	39082204	39082245	1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Danio rerio
1353795	chromosome	7	144444767	144444808	1	ATCAAGCTAATAACAGTTATTATGGCATTTTTGAAGATGATG	Mus musculus
1352288	reflitg	reflitg_19	4533387	4533426	1	TGCGGATTTACTTGGTTAAAAATAATCAAAACAAAGTTT	Ciona savignyi
1352288	chromosome	11	39563489	39563526	1	CAGACTATGTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Canis familiaris
1352288	chromosome	9	16428417	16428454	1	CAGACTATGTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Homo sapiens
1352288	scaffold	scaffold_17	655292	655329	1	TGGGGTATTTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Takifugu rubripes
1352288	chromosome	2q	5696695	5696734	1	TGCGGATTTGCGGTGTTAAAAATAATCAAAACAAAGTTT	Ciona intestinalis
1352288	group	groupIX	7785368	7785405	-1	TGGGGTATTTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Gasterosteus aculeatus
1352288	chromosome	1	21193316	21193354	-1	TGGGGTATTTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Oryzias latipes
1352288	toplevel	1	24543954	24543990	1	TGGGGTATTTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Danio rerio
1352288	chromosome	4	83940443	83940480	1	CAGACTATGTGTTGTAATAATACATTAATAAAAGCATTT	Mus musculus
1351990	reflitg	reflitg_30	3415283	3415323	1	TCATCTGAGGTTTCAGATAGCGGCTGCGCTGCCAATCCG	Ciona savignyi
1351990	chromosome	23	54616564	54616606	1	CTCTCTGAAGTTCTCTAAATAGATTTAAATGCCAATTAG	Canis familiaris
1351990	chromosome	3	159365462	159365504	1	CTCTCTGAAGTTCTCTAAATAGATTTAAATGCCAATTAG	Homo sapiens
1351990	scaffold	scaffold_9	1521985	1522027	1	CGCTCTGAAGTTTCAGATAGCGGCTGCGCTGCCAATTAG	Takifugu rubripes
1351990	scaffold	scaffold_55	503518	503558	1	CGCTCTGAAGTTTCAGATAGCGGCTGCGCTGCCAATTAG	Ciona intestinalis
1351990	group	groupI	8784231	8784273	-1	GCCTCTGAAGTTCTCTAAATGGGTTTTAAATGCCAATTAG	Gasterosteus aculeatus
1351990	chromosome	13	14785256	14785298	1	GCCTCTGAAGTTCTCTAAATGGGTTTTAAATGCCAATTAG	Oryzias latipes
1351990	toplevel	15	1612515	1612554	1	TCTTGAAGTTCTCTAAATGGGTTTTAAATGCCAATTAG	Danio rerio

1351990	chromosome	3	66840376	66840418	1	CCTCTTGAAGTTCTCCAATAGATTTTAAATGCCAATTAG	Mus musculus
1353210	reflig	reflig_86	182174	182216	1	CTGTTTTGGTTATAATGACGTGCGGGTAAAGTCTGCTCA	Ciona savignyi
1353210	chromosome	28	41540848	41540884	1	CAATTTTTGTTTCATAAGTAATTTGATTAAACATGTTGA	Canis familiaris
1353210	chromosome	10	131581753	131581789	1	CAATTTTTGTTTCATAAGTAATTTGATTAAACATGTTGA	Homo sapiens
1353210	scaffold	scaffold_97	430438	430474	-1	CAATTTTTGGTTCATAAGTAATTTGATTAAAGTGGTGA	Takifugu rubripes
1353210	chromosome	8q	1976774	1976813	1	CTGTTTTGGTTATAATGACGTCTAGGCTAAAGTCTGG	Ciona intestinalis
1353210	group	groupIV	14121869	14121905	1	CAATTTTTGGTTCATAAGTAATTTGATTAAAGTGGTGA	Gasterosteus aculeatus
1353210	chromosome	10	16881772	16881808	1	CAATTTTTGGTTCATAAGTAATTTGATTAAAGTGGTGA	Oryzias latipes
1353210	toplevel	14	39203302	39203338	1	CAATTCGGTTCATAAGTAATTTGATTAAACGAGATGA	Danio rerio
1353210	chromosome	7	144442414	144442450	1	CAATTTTTGTTTCATAAGTAATTTGATTAAACATGTTGA	Mus musculus
1352107	reflig	reflig_172	254999	255039	-1	AAATTAAGGAATGATAATTTGTTTTGCTGCTAATCCGAC	Ciona savignyi
1352107	chromosome	X	20484108	20484149	-1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Canis familiaris
1352107	chromosome	X	24918514	24918555	-1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Homo sapiens
1352107	scaffold	scaffold_152	402545	402586	1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Takifugu rubripes
1352107	chromosome	8q	3267588	3267628	1	AAATTAACGGAAATGATAATTTGGCTTGTCTACTAATCCCGG	Ciona intestinalis
1352107	group	groupXXI	5928951	5928992	1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Gasterosteus aculeatus
1352107	chromosome	20	13321977	13322018	1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Oryzias latipes
1352107	toplevel	24	22507273	22507314	-1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Danio rerio
1352107	chromosome	X	90556032	90556073	1	AATTGCAGAGAATGAATAATTTGATTGACAATTTGACCAGTG	Mus musculus
1350763	reflig	reflig_19	4767777	4767814	-1	AAGTCGCGTGAATTAATTTATTCATCTTTATAAAGCAAT	Ciona savignyi
1350763	chromosome	1	123482508	123482551	1	ACTTACTTAATGAAATACATAATTAACATATTATAATGTCAGTA	Canis familiaris
1350763	chromosome	19	36332718	36332761	-1	ACTTACTTAATGAAATACATAATTAACATATTATAATGTCAGTA	Homo sapiens
1350763	scaffold	scaffold_133	415485	415528	-1	ACTTCTTAATGAAATAAGTAATTAACATATTATAATGTCGCG	Takifugu rubripes
1350763	chromosome	2q	2591824	2591868	1	ACTTCTTTATAAAAAATGAATAATTAATCCACACCCTTGTCATGG	Ciona intestinalis
1350763	group	groupXX	4606132	4606175	-1	ACTTCTTAATGAAATAAGTAATTAACATATTATAATGTCGCG	Gasterosteus aculeatus
1350763	ultracontig	ultracontig182	2432250	2432293	-1	ACTTCTTAATGAAATAAGTAATTAACATATTATAATGTCGCG	Oryzias latipes
1350763	toplevel	19	12361043	12361079	1	CCTTAATGAAATACGTAATTAACATATTATAATGTCG	Danio rerio
1350763	chromosome	7	37677879	37677922	1	ACTTACTTAATGAAATACATAATTAACATATTATAATGTCAGTA	Mus musculus
1351973	reflig	reflig_30	1337653	1337692	1	AATCTTAATGTCGAGCTGCTGATTTCAATTTGCTATATTG	Ciona savignyi
1351973	chromosome	6	18544466	18544508	-1	CATCTTAATAGTGATGTCACGAAATTAATGATGTTGTTAATG	Canis familiaris
1351973	chromosome	7	1410363	1410405	1	CATCTTAATAGTGATGTCACGAAATTAATGATGTTGTTAATG	Homo sapiens
1351973	scaffold	scaffold_40	1466607	1466649	-1	CAACTTAATCTGATGTCATGAATTAATGATGTTGTTAATG	Takifugu rubripes
1351973	chromosome	1q	7092238	7092279	-1	AATCTTAATGTCGAGCTGCTGATTTCAATTTGCTTTTTAATG	Ciona intestinalis
1351973	group	groupIX	18138487	18138529	-1	CAACTTAATCTGATGTCATGAATTAATGATGTTGTTAATG	Gasterosteus aculeatus
1351973	chromosome	1	27760919	27760961	-1	CAACTTAATCTGATGTCATGAATTAATGATGTTGTTAATG	Oryzias latipes
1351973	toplevel	1	3666546	3666588	-1	CATCTTAATAGTGATGTCACGAAATTAATGATGTTGTTAATG	Danio rerio
1351973	chromosome	5	140158147	140158189	1	CATCTTAATAGTGATGTCACGAAATTAATGATGTTGTTAATG	Mus musculus
1354068	reflig	reflig_1	4567437	4567479	-1	TTCTTCATTGAATTTGATGTTCTTGGATTAGTACGTTAGA	Ciona savignyi
1354068	chromosome	5	81521525	81521569	-1	GAATGATTGCATTAATGATGTCACCAATAAGAGAGCTGTTATA	Canis familiaris
1354068	chromosome	16	71441080	71441124	-1	GAATGATTGCATTAATGATGTCACCAATAAGAGAGCTGTTATA	Homo sapiens
1354068	scaffold	scaffold_14	886697	886741	-1	GAATGATTGCATTAATGATGTCACCAATAAGAGAGCTGTTATA	Takifugu rubripes
1354068	chromosome	3q	4752237	4752279	-1	GTATTCATTAATGATGTTGATGTTTTGGATTAGCTGTTAGA	Ciona intestinalis
1354068	chromosome	3	19213834	19213878	-1	CAATGATTGCATTAATGATGTCACCAATGTAAGCTGTTTACA	Oryzias latipes
1354068	group	groupII	10807691	10807735	-1	GCATGATTGCATTAATGATGTCACCAATGTAAGCTGTTTACA	Gasterosteus aculeatus
1354068	toplevel	7	62099765	62099809	1	GAATGATTGCATTAATGATGTCACCAATGTAAGCTGTTTACA	Danio rerio
1354068	chromosome	8	111419699	111419743	1	GAATGATTGCATTAATGATGTCACCAATAAGAGAGCTGTTTACA	Mus musculus
1353929	reflig	reflig_3	714592	714634	1	ATCGAATTAATGATGTCATGATGTCACCAATGATGTCACCAAT	Ciona savignyi
1353929	chromosome	11	56364491	56364532	1	ATAGAATTCATGATCAATCATGTTTCGGTGATAGTACCAT	Canis familiaris
1353929	chromosome	9	36969055	36969096	1	ATAGAATTCATGATCAATCATGTTTCGGTGATAGTACCAT	Homo sapiens
1353929	scaffold	scaffold_333	109480	109521	-1	ATGGAATTCATGATCAATCATGATGTCACCAATGATGTCACCAAT	Takifugu rubripes
1353929	chromosome	4q	3837277	3837317	-1	ATGGAATTCATGATCAATCATGATGTCACCAATGATGTCACCAAT	Ciona intestinalis
1353929	group	groupIX	1501806	1501847	1	ATGGAATTCATGATCAATCATGATGTCACCAATGATGTCACCAAT	Gasterosteus aculeatus
1353929	chromosome	1	16590106	16590147	1	ATGGAATTCATGATCAATCATGATGTCACCAATGATGTCACCAAT	Oryzias latipes
1353929	toplevel	12	47246605	47246643	1	GAATTCATGATCAATCATGATGTCACCAATGATGTCACCAAT	Danio rerio
1353929	chromosome	4	44669896	44669937	1	ATAGAATTCATGATCAATCATGTTTCGGTGATAGTACCAT	Mus musculus
1352298	reflig	reflig_76	2303576	2303615	-1	ATTTGACTGCGATAAATTTCCACCCAGTAAACTTATTG	Ciona savignyi
1352298	chromosome	9	26232196	26232236	-1	CGAATGCATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Canis familiaris
1352298	chromosome	17	34972794	34972834	1	CGAATGCATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Homo sapiens
1352298	scaffold	scaffold_80	807952	807992	-1	CAAATGAATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Takifugu rubripes
1352298	chromosome	14q	1957841	1957880	1	CAAATGAATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Ciona intestinalis
1352298	group	groupIII	13097996	13098036	-1	CAAATGAATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Gasterosteus aculeatus
1352298	chromosome	17	30337035	30337075	1	CAAATGAATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Oryzias latipes
1352298	toplevel	24	30905731	30905771	1	CAAATGAATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Danio rerio
1352298	chromosome	11	98145076	98145116	1	CGAATGCATTTTCAGCAGAATAATTAACCTAATTAACAAAT	Mus musculus
1349598	reflig	reflig_7	959931	959977	1	TGGACCCACTTAAACCTGACAAATTAACCTGACCAATTCGGTAAAC	Ciona savignyi
1349598	chromosome	9	60663634	60663682	1	CATACTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Canis familiaris
1349598	chromosome	9	127645958	127646006	-1	CATACTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Homo sapiens
1349598	scaffold	scaffold_18	737830	737878	-1	CATACTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Takifugu rubripes
1349598	chromosome	8q	575858	575903	1	CAAAACCTTTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Ciona intestinalis
1349598	group	groupXIII	13552500	13552548	-1	CATACTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Gasterosteus aculeatus
1349598	chromosome	9	18956224	18956272	-1	CATACTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Oryzias latipes
1349598	toplevel	8	32412525	32412570	-1	CATAGTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Danio rerio
1349598	chromosome	2	34144179	34144227	1	CATACTACATTAACCCCTGGCAATGCTTCCAATGACCCCAATTAAGC	Mus musculus
1349882	reflig	reflig_0	2698389	2698432	-1	TTGCTTTTATTCTAATGACTCTGGAAATGTAATTCATTTGCTCT	Ciona savignyi
1349882	chromosome	18	4720130	4720174	1	GTCATTTAATTAATGAGTTGAAATTTGCATTTGATGTTGCCAT	Canis familiaris
1349882	chromosome	7	50417470	50417514	1	GTCATTTAATTAATGAGTTGAAATTTGCATTTGATGTTGCCAT	Homo sapiens
1349882	scaffold	scaffold_53	920771	920815	-1	TTGCTTTTATTCTAATGACTCTGGAAATGTAATTCATTTGCTCT	Takifugu rubripes
1349882	chromosome	10p	1798566	1798610	-1	TTGCTTTAATTAATGAGTTGAAATTTGCATTTGATGTTGCCAT	Ciona intestinalis
1349882	group	groupVI	2474219	2474263	-1	TTGCTTTTATTCTAATGACTCTGGAAATGTAATTCATTTGCTCT	Gasterosteus aculeatus
1349882	scaffold	scaffold1046	33337	33381	-1	TTCACTTTAATCAATGAGCTGAAATTTGCATTTGATGTTGCCG	Oryzias latipes
1349882	toplevel	13	16565208	16565253	1	TTCACTTTAATCAATGAGCTGAAATTTGCATTTGATGTTGCCG	Danio rerio
1349882	chromosome	11	11653750	11653794	1	GTCATTTAATTAATGAGTTGAAATTTGCATTTGATGTTGCCAT	Mus musculus
1351347	reflig	reflig_19	4555562	4555603	-1	ATTCCTCTGGTTCTCACCGACACTTACGAAATGAGCTTT	Ciona savignyi
1351347	chromosome	2	63463463	63463503	-1	AGTCCCTTTAGTGCTCGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Canis familiaris
1351347	chromosome	16	53975811	53975851	1	AGTCCCTTTAGTGCTCGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Homo sapiens
1351347	scaffold	scaffold_28	1520008	1520048	1	ACTCCCTTTAGTGCTCGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Takifugu rubripes
1351347	chromosome	2q	5718488	5718529	-1	ATTCCTCTGGTCTTACCGACACTTACGAAATGAGTTT	Ciona intestinalis
1351347	group	groupII	16870807	16870847	-1	ACTCCCTTTAGTGCTCGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Gasterosteus aculeatus
1351347	chromosome	3	28042939	28042979	-1	ACTCCCTTTAGTGCTCGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Oryzias latipes
1351347	toplevel	7	28001305	28001344	1	CTCCCTTTAGTGCTCGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Danio rerio

1351347	chromosome	8	95259441	95259481	1	GGTCCCTTTAGTCGCTGGAGGACTTTAATAAAATGATTTT	Mus musculus
1350417	reflitg	65	843844	843887	-1	AAACGATAGTTTAAATTCGAATCTTCTTCTGTAATTAATGT	Ciona savignyi
1350417	chromosome	28	41540800	41540841	1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Canis familiaris
1350417	chromosome	10	131581705	131581746	1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Homo sapiens
1350417	scaffold	76	480635	480676	1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Takifugu rubripes
1350417	chromosome	8q	1649400	1649443	-1	AAACTTAGGTTTAAATTAGAACACCTTCTCGTGAATTAATGTG	Ciona intestinalis
1350417	group	groupVI	11279688	11279729	-1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Gasterosteus aculeatus
1350417	chromosome	15	18874102	18874143	1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Oryzias latipes
1350417	toplevel	12	39079495	39079536	1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Danio rerio
1350417	chromosome	7	144442366	144442407	1	AAATTTGAATTTGAATTAGAATAATCTTGATAAATTAATGAA	Mus musculus
1351352	reflitg	55	787245	787289	1	TTTCGAACATGATGAATGGCTGGCACATTAGACAATTGATCAGA	Ciona savignyi
1351352	chromosome	9	62384063	62384104	-1	TTAGTGAGCAAGCAGAGGATCACACATAATATTGATCAGA	Canis familiaris
1351352	chromosome	9	125594769	125594810	1	TTAGTGAGCAAGCAGAGGATCACACATAATATTGATCAGA	Homo sapiens
1351352	scaffold	scaffold_334	82241	82282	-1	TTAGTGAGCAAGCTCAGTATCACACATAATATTGATCAGA	Takifugu rubripes
1351352	chromosome	9q	472681	472726	1	TTTTTGAGCATGATGAATGAACCTGGCACATTAGACAATTGATCAGG	Ciona intestinalis
1351352	chromosome	9	27501569	27501610	1	TTAGTGAGCAAGCTCAGTATCACACATAATATTGATCAGA	Oryzias latipes
1351352	group	groupXIII	557066	557107	1	TTAGTGAGCAAGCTCAGTATCACACATAATATTGATCAGA	Gasterosteus aculeatus
1351352	toplevel	8	50437734	50437776	-1	TTAGTGAGCAAGTAGAGATCGTGGCATTAAATATTGATCAGA	Danio rerio
1351352	chromosome	2	38015409	38015450	1	TTAGTGAGCAAGCAGAGGATCACACATAATATTGATCAGA	Mus musculus
1353285	reflitg	55	454036	454085	-1	TATAATTTTACCACCGCTCATCTTTATTTTACCACCTCCCTTGAAGC	Ciona savignyi
1353285	chromosome	28	16329455	16329506	1	TTAAGTATTCAAACCTCATTACATCCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Canis familiaris
1353285	chromosome	10	102372564	102372615	1	TTAAGTATTCAAACCTCATTACATCCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Homo sapiens
1353285	scaffold	scaffold_59	792966	793017	1	TTAAGTATTCAAGCCTCATTACATCCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Takifugu rubripes
1353285	chromosome	9p	3475365	3475415	-1	TTAATTTTACCACCGCTCATCTTTATTTTACCACCGCTTGAAGT	Ciona intestinalis
1353285	chromosome	19	10220112	10220163	-1	TTAAGTATTCAAACCTCATTACATCCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Oryzias latipes
1353285	group	groupV	979774	979825	-1	TTAAGTATTCAAACCTCATTACATCCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Gasterosteus aculeatus
1353285	toplevel	12	47408180	47408231	-1	TTAAGTATTCAAACCTCATTGCGTCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Danio rerio
1353285	chromosome	19	44715982	44716033	1	TTAAGTATTCAAACCTCATTACATCCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGT	Mus musculus
1351380	reflitg	325	179070	179118	1	AGTCGAATTTAGTACAAATTTGATTTAAGATTACGAGTTATATTGCAG	Ciona savignyi
1351380	chromosome	1	123485630	123485677	1	GCAGCACAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Canis familiaris
1351380	chromosome	19	36328832	36328879	-1	GCAGCACAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Homo sapiens
1351380	scaffold	scaffold_117	608473	608521	1	AGCAGCACAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Takifugu rubripes
1351380	chromosome	8q	2366697	2366745	1	AGTCGATTTAGTACAAATTTGATTTAAGATTAGCAGTTATATTGCAG	Ciona intestinalis
1351380	group	groupII	1532514	1532562	-1	AGCGGCACAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Gasterosteus aculeatus
1351380	chromosome	3	35697936	35697984	1	AGCGGTGCAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Oryzias latipes
1351380	toplevel	7	42554933	42554980	1	GCAGCACAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Danio rerio
1351380	chromosome	7	37681703	37681750	1	GCAGCACAGATGAAAAATGTTTTAATTTTGAAGCTGCTTTATGGCAG	Mus musculus
1353403	reflitg	54	2939522	2939565	-1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCGCTCCGTTCCGCTT	Ciona savignyi
1353403	chromosome	21	35016926	35016969	1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Canis familiaris
1353403	chromosome	11	8308121	8308164	1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Homo sapiens
1353403	scaffold	scaffold_14	142379	142423	1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Takifugu rubripes
1353403	chromosome	12q	2066120	2066163	-1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Ciona intestinalis
1353403	group	groupIII	9921452	9921496	1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Gasterosteus aculeatus
1353403	chromosome	3	18097353	18097397	1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Oryzias latipes
1353403	toplevel	7	23558469	23558513	-1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Danio rerio
1353403	chromosome	7	116375545	116375588	1	GCTGCTTTTAAAGCAATGAACCTACGAGCTTATGAGATTAGCATTTATGAAT	Mus musculus
1352363	reflitg	1	122695	122736	-1	CGGTTTTTGTGAGTTTGTGCGAGCCGAGCTGAAGCTCGTGGT	Ciona savignyi
1352363	chromosome	2	88120119	88120159	1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Canis familiaris
1352363	scaffold	scaffold_20	10717071	10717111	-1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Homo sapiens
1352363	scaffold	scaffold_237	34242	34283	1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Takifugu rubripes
1352363	chromosome	7	9790164	9790204	-1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Ciona intestinalis
1352363	group	groupXII	9306643	9306683	-1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Oryzias latipes
1352363	toplevel	23	25556417	25556457	1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Gasterosteus aculeatus
1352363	chromosome	4	148235019	148235059	1	CATTTATGTTGAGTCTATTATAATCTGTTAGCAGGTGG	Danio rerio
1353009	reflitg	375	110783	110825	-1	ACAAACCGACAGTTCAAAATCATAGCGGCTTACCGGTAAC	Mus musculus
1353009	chromosome	20	23764424	23764461	-1	ACAAACCGACAGTTCAAAATCATAGCGGCTTACCGGTAAC	Ciona savignyi
1353009	chromosome	3	71360415	71360452	1	ACAAAGGACATAGTTCATCATGACATTTCCAGCAATT	Canis familiaris
1353009	scaffold	scaffold_150	645164	645201	1	ACAAAGGACATAGTTCATCATGACATTTCCAGCAATT	Homo sapiens
1353009	chromosome	4q	1806318	1806359	1	ATAAACCGACAGTTCAAAATCATAGCATTCTGCAATT	Takifugu rubripes
1353009	group	groupXVII	13921172	13921209	-1	ATAAACCGACAGTTCAAAATCATAGCATTCTGCAATT	Ciona intestinalis
1353009	chromosome	5	4936954	4936991	-1	ATACAGAGACATAGTTCATCATGACATTTTGTGCAATT	Gasterosteus aculeatus
1353009	toplevel	6	30555514	30555548	1	CAAGGACATAGTTCATCATGACATTTTGTGCAATT	Oryzias latipes
1353009	chromosome	6	99140069	99140106	1	ACAAAGGACATAGTTCATCATGACATTTTGTGCAATT	Danio rerio
1351235	reflitg	268	68196	68235	-1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Mus musculus
1351235	chromosome	21	41492368	41492407	1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Ciona savignyi
1351235	chromosome	11	15479848	15479887	1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Canis familiaris
1351235	scaffold	scaffold_1	7191474	7191513	-1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Homo sapiens
1351235	chromosome	1p	1633359	1633402	1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Takifugu rubripes
1351235	group	groupIII	9662103	9662142	-1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Ciona intestinalis
1351235	chromosome	3	17728807	17728846	-1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Gasterosteus aculeatus
1351235	toplevel	7	18612690	18612727	-1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Oryzias latipes
1351235	chromosome	7	122232668	122232707	1	AAATTCACCTGTTGATGTTGACGCGTGTATTGTTACCG	Danio rerio
1353035	reflitg	5	1570349	1570402	1	CGTAAAATTAACGCTGTTAATCTATGTCCTGTTCTGACCGGATAGATTAT	Mus musculus
1353035	chromosome	22	28924518	28924571	1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Ciona savignyi
1353035	chromosome	13	71199310	71199363	1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Canis familiaris
1353035	scaffold	scaffold_31	409092	409145	-1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Homo sapiens
1353035	chromosome	3q	1755860	1755911	-1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Takifugu rubripes
1353035	chromosome	21	9488035	9488088	1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Ciona intestinalis
1353035	group	groupXVI	2722469	2722522	-1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Oryzias latipes
1353035	toplevel	9	24892366	24892419	-1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Gasterosteus aculeatus
1353035	chromosome	14	98446305	98446358	1	CATAAATTAAGCTGTCATTCATAAGATTTATGGATTCTCATTGGCATATTGCAT	Danio rerio
1350231	reflitg	37	1557639	1557685	-1	TCAGTTGATTTAACACATATCATGCTGTTGAGATAGACTGTTTAT	Mus musculus
1350231	chromosome	9	26232169	26232214	-1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Ciona savignyi
1350231	chromosome	17	34972816	34972861	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Canis familiaris
1350231	scaffold	scaffold_29	1341496	1341541	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Homo sapiens
1350231	chromosome	10q	3268625	3268670	-1	ATCAGTTGATTTAACACTAATATGCATGTTGACTAGCCTAGTAC	Takifugu rubripes
1350231	chromosome	19	8639464	8639509	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Ciona intestinalis
1350231	group	groupV	8010973	8011018	-1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Oryzias latipes
1350231	toplevel	24	30905753	30905796	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Gasterosteus aculeatus
1350231	toplevel	24	30905753	30905796	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGATATTATCAGGCTATTAA	Danio rerio



1350231	chromosome	11	98145098	98145143	1	ATTAACCTAAATTAACAATAATTCACATGCATATTATCATCAGGCTATTAA	Mus musculus
1352950	reflig	reftig_35	883406	883453	1	TACTGGCATAACAAGGAAGTCTGCTGGAACAATAATCATGTTGCA	Ciona savignyi
1352950	chromosome	7	65038284	65038330	-1	TACTGTATGGAGAAATGAAGTCTGAGCCAGGGCAAAAAATAAATTATA	Canis familiaris
1352950	chromosome	18	22520972	22521018	1	TACTGTACGAGGAAATGAAGTCTGAGCCAGGGCAAAAAATAAATTATA	Homo sapiens
1352950	scaffold	scaffold_289	239597	239643	-1	TACTGGAGGAGAAATGAAGTCTGAGCCAGGCAATAATAAATAAATTATA	Takifugu rubripes
1352950	chromosome	3q	1319852	1319899	-1	TGCTGACGCAACAAGGAAGTCTGCTGGAACAATAATCATGTTGCA	Ciona intestinalis
1352950	group	groupIII	912491	912537	-1	TACTGGAGGAGAAATGAAGTCTGAGCCAGGCAATAATAAATAAATTATA	Gasterosteus aculeatus
1352950	chromosome	17	26518718	26518764	1	TACTGGAGGAGAAATGAAGTCTGAGCCAGGCAATAATAAATAAATTATA	Oryzias latipes
1352950	toplevel	20	18291001	18291039	-1	AGGGGAAATGAAGTCTGAGCCAGGCAATAATAAATAAATTATA	Danio rerio
1352950	chromosome	18	15334526	15334572	1	TACTGTACGAGGAAATGAAGTCTGAGCCAGGGCAAAAAATAAATTATA	Mus musculus
1352851	reflig	reftig_0	1543020	1543064	1	ATAACTTTTCATTTCAATATTTTAAATTTTCGGCGATCATAAA	Ciona savignyi
1352851	chromosome	38	18535428	18535470	-1	ACTTCCCTTTCAATATTTGTGCAACTTTATCTCCACCGCACAA	Canis familiaris
1352851	chromosome	1	219116734	219116776	-1	ACTTCCCTTTCAATATTTGTGCAACTTTATCTCCACCGGCAA	Homo sapiens
1352851	scaffold	scaffold_287	321946	321989	1	ACTTCCCTTTTCATATTTGTGCAACTTTATCTGACCGGCAA	Takifugu rubripes
1352851	chromosome	10q	2073859	2073900	-1	ACTTTCATTTCAATATTTGTTTAAATTTTCACGATCAGAAA	Ciona intestinalis
1352851	group	groupVIII	9772234	9772277	-1	ACTTCCCTTTTCATATTTGTGCAACTTTATCTGACCTGCAA	Gasterosteus aculeatus
1352851	chromosome	24	5612180	5612223	1	ACTTCCCTTTTCATATTTGTGCAACTTTATCTCAACCTGCAA	Oryzias latipes
1352851	toplevel	20	54495263	54495306	-1	ACTTCCCTTTTCATATTTGTGCAACTTTATCTCAACCTGCAA	Danio rerio
1352851	chromosome	1	186559127	186559169	1	ACTTCCCTTTTCATATTTGTGCAACTTTATCTCCACCGGCAA	Mus musculus
1350742	reflig	reftig_5	722808	722848	1	TCAGTTTTGTTTATCGTAATAAAGGCTTTACAATTTGGCA	Ciona savignyi
1350742	chromosome	35	21546948	21546987	1	CCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Canis familiaris
1350742	chromosome	6	20142626	20142665	1	CCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Homo sapiens
1350742	scaffold	scaffold_58	910644	910684	-1	TCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Takifugu rubripes
1350742	chromosome	1p	2161132	2161172	-1	TCATTTTTGTTTATCGTAATAAAGGCTTTACAATTTGGCT	Ciona intestinalis
1350742	group	groupXX	1433403	1433443	-1	TCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Gasterosteus aculeatus
1350742	chromosome	16	1699244	1699284	1	TCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Oryzias latipes
1350742	toplevel	16	6256203	6256242	-1	TCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Danio rerio
1350742	chromosome	13	48539415	48539455	1	CCCTCTTTGTTCTTCACAAATAAAGGTTTTTAAATAAAT	Mus musculus
1353497	reflig	reftig_14	664642	664685	1	GTTTGCAACTCTTAAATTTATATTTGTGCAAGCAAAATTTTA	Ciona savignyi
1353497	chromosome	29	27672371	27672411	1	ATGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Canis familiaris
1353497	chromosome	8	77761826	77761866	1	ATGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Homo sapiens
1353497	scaffold	scaffold_157	213660	213700	1	GTGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Takifugu rubripes
1353497	chromosome	1q	1951407	1951450	-1	GTTTACTATCTTAAATTTATATTTGTGCAAGCAAAATCTTC	Ciona intestinalis
1353497	group	groupXXI	4902546	4902586	1	GTGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Gasterosteus aculeatus
1353497	chromosome	20	11884944	11884984	1	GTGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Oryzias latipes
1353497	toplevel	24	21894672	21894710	-1	GTGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Danio rerio
1353497	chromosome	3	5224837	5224877	1	ATGTAATTAGTGCTTAATTTATTAACATATGCAAAATTTGTC	Mus musculus
1353839	reflig	reftig_25	1045488	1045537	1	CTCTAACACAAAATCGCAACTGTTACACCTATAATGGGACTTATGACGT	Ciona savignyi
1353839	chromosome	9	60610842	60610886	1	CCAAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Canis familiaris
1353839	chromosome	9	127702473	127702517	-1	CCAAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Homo sapiens
1353839	scaffold	scaffold_18	762981	763025	-1	CCAAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Takifugu rubripes
1353839	chromosome	7q	691518	691566	1	CCGGGCATAAAAATGCAACTGTTGCACTCATAATGGCACTTAAGACGT	Ciona intestinalis
1353839	group	groupXIII	13574837	13574881	-1	CCAAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Gasterosteus aculeatus
1353839	chromosome	9	18985620	18985664	-1	CCAAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Oryzias latipes
1353839	toplevel	8	32473222	32473266	-1	CCCAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Danio rerio
1353839	chromosome	2	34095209	34095253	1	CCAAGCAAAAATGCAAAATGTAGCACTGAAAGCTCCTTATTAAT	Mus musculus
1352295	reflig	reftig_132	316368	316410	1	TGTTTGTCTTCCCTTGACAGGGTATTTTATAGAGAAAATTTTC	Ciona savignyi
1352295	chromosome	9	60731113	60731155	1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGATATCATTTTC	Canis familiaris
1352295	chromosome	9	127573018	127573060	-1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGATATCATTTTC	Homo sapiens
1352295	scaffold	scaffold_18	733962	734004	-1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGAAATAAATTTTC	Takifugu rubripes
1352295	chromosome	9q	3166529	3166570	-1	TGTTTGTGTAACCTTAAACAAAGTATTTATAGAATTAATTTTC	Ciona intestinalis
1352295	group	groupXIII	13548447	13548489	-1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGAAATCATTTTC	Gasterosteus aculeatus
1352295	chromosome	9	18952125	18952167	-1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGAAATAAATTTTC	Oryzias latipes
1352295	toplevel	8	32400701	32400743	-1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGAAATAAATTTTC	Danio rerio
1352295	chromosome	2	34202739	34202781	1	TATTTGAATAACACTTGACAGAGTGCCTGAAGATATCATTTTC	Mus musculus
1351069	reflig	reftig_19	4761663	4761704	1	GGCAAAAATGAACATTTAATATTTTAAACTGTTTCATGAAT	Ciona savignyi
1351069	chromosome	28	41535111	41535152	1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGTGGAAAT	Canis familiaris
1351069	chromosome	10	131575957	131575998	1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGTGGAAAT	Homo sapiens
1351069	scaffold	scaffold_76	477158	477199	1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGTGGAAAT	Takifugu rubripes
1351069	chromosome	2q	2586230	2586271	1	GGCAAAAATGAACATTTAATATTTTAAAGTGTTCATGAAT	Ciona intestinalis
1351069	group	groupVI	11283167	11283208	-1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGTGGAAAT	Gasterosteus aculeatus
1351069	chromosome	15	18870500	18870541	1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGTGGAAAT	Oryzias latipes
1351069	toplevel	12	39064590	39064631	1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGCAGGAAAT	Danio rerio
1351069	chromosome	7	144436736	144436777	1	ACCAAAATGAATTTTTATGAGGACTAAAAGTCTCGCAGGAAAT	Mus musculus
1352875	reflig	reftig_1	2396776	2396829	-1	TGTCGAAATTAATTTGGTTTGGAGATTAAGTATGACAAATGAAGGAAAGTTT	Ciona savignyi
1352875	chromosome	1	123333223	123333273	1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Canis familiaris
1352875	chromosome	19	36498492	36498542	-1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Homo sapiens
1352875	scaffold	scaffold_117	553333	553383	1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Takifugu rubripes
1352875	chromosome	3p	1223684	1223736	-1	TGCCGAATTAATTTGGTTTGGAGATTAAGTATGACAAATAGCGAGCAAGTT	Ciona intestinalis
1352875	group	groupIII	1607776	1607826	-1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Gasterosteus aculeatus
1352875	chromosome	3	35628561	35628611	1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Oryzias latipes
1352875	toplevel	7	42455397	42455447	1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Danio rerio
1352875	chromosome	7	37516935	37516985	1	TGATGGATTATAAATCATTCAAGATTAATTAAGATAATGCACAAACTT	Mus musculus
1352300	reflig	reftig_76	2303576	2303615	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Ciona savignyi
1352300	chromosome	14	46790546	46790586	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Canis familiaris
1352300	chromosome	7	31241095	31241135	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Homo sapiens
1352300	scaffold	scaffold_80	807952	807992	-1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Takifugu rubripes
1352300	chromosome	14q	1957841	1957880	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Ciona intestinalis
1352300	group	groupIII	13097996	13098036	-1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Gasterosteus aculeatus
1352300	chromosome	17	30337035	30337075	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Oryzias latipes
1352300	toplevel	24	30905731	30905771	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Danio rerio
1352300	chromosome	6	55529722	55529762	1	CAAAATGAATTTTACTGGGTGAAATTTATCGCAGTACAAAT	Mus musculus
1353614	reflig	reftig_25	303794	303832	-1	TGTTCTAGAATTTAAAGCTTATGACGCTATAAGCGTGT	Ciona savignyi
1353614	chromosome	21	41492356	41492398	1	TGATTGAAAAGAAAATTAATCCTTTTATGATTTAATAATGTGT	Canis familiaris
1353614	chromosome	11	15479836	15479878	1	TGATTGAAAAGAAAATTAATCCTTTTATGATTTAATAATGTGT	Homo sapiens
1353614	scaffold	scaffold_1	7191483	7191525	-1	TGATTGAAAAGAAAATTAATCCTTTTATGATTTAATAATGTGT	Takifugu rubripes
1353614	scaffold	scaffold_65	140194	140237	1	TGTTCTAGAACAATAATTTAAACATTATGACGTCACAAAGCGTGT	Ciona intestinalis
1353614	group	groupIII	9662112	9662154	-1	TGATTGAAAAGAAAATTAATCCTTTTATGATTTAATAATGTGT	Gasterosteus aculeatus
1353614	chromosome	3	17728816	17728858	-1	TGATTGAAAAGAAAATTAATCCTTTTATGATTTAATAATGTGT	Oryzias latipes
1353614	toplevel	7	18612697	18612739	-1	TGATTGAAAAGAAAATTAATCCTTTTATGATTTAATAATGTGT	Danio rerio

1353614	chromosome	7	122232656	122232698	1	TGATTGAAAAGAAAATGAACCTTTTGATGTTATAAATGTGT	Mus musculus
1354015	reflig	reflig_41	1002502	1002540	-1	CTGGTTATTGATTAAAGACCTCGAGTGTCTAGCCAA	Ciona savignyi
1354015	chromosome	28	41548882	41548921	1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGTTCAGTAAA	Canis familiaris
1354015	chromosome	10	131589834	131589873	1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGTTCAGTAAA	Homo sapiens
1354015	scaffold	scaffold_76	486016	486056	1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGTTCAGTAAA	Takifugu rubripes
1354015	chromosome	4q	595006	595045	1	CTTGTATTGATTAACAGCAGTGGAAATGTCTTAGCCAA	Ciona intestinalis
1354015	group	groupVI	11274539	11274579	-1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGTTCAGTAAA	Gasterosteus aculeatus
1354015	chromosome	15	18880843	18880883	1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGTTCAGTAAA	Oryzias latipes
1354015	toplevel	12	39091939	39091978	1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGGCTCAGTAAA	Danio rerio
1354015	chromosome	7	144450296	144450335	1	CTCATTATTGTGTAATAAGTGTTCGGCAGTTCAGTAAA	Mus musculus
1350232	reflig	reflig_37	1557640	1557685	-1	TCAGTTGATTTAACACATATTCATGCATGTTGGAATAGACTAGTTTA	Ciona savignyi
1350232	chromosome	9	26232170	26232214	-1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Canis familiaris
1350232	chromosome	17	34972816	34972860	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Homo sapiens
1350232	scaffold	scaffold_15	1667382	1667426	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Takifugu rubripes
1350232	chromosome	10q	3268626	3268670	-1	ATCAGTTGATTTAAACACTAAATTCATGCATGTTGACTAGCCTAGTA	Ciona intestinalis
1350232	group	groupXI	6132209	6132253	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Gasterosteus aculeatus
1350232	chromosome	8	5817574	5817618	-1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Oryzias latipes
1350232	toplevel	24	30905753	30905796	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCATGCATATTCATCAAGCTATT	Danio rerio
1350232	chromosome	11	98145098	98145142	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Mus musculus
1350584	reflig	reflig_251	76575	76615	1	GTGTTGACGAATGACCCCTAATTCGACCTGTCGGATTGT	Ciona savignyi
1350584	chromosome	7	7536431	7536467	1	GCTTTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Canis familiaris
1350584	chromosome	1	196531285	196531321	-1	GCTTTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Homo sapiens
1350584	scaffold	scaffold_208	49252	49289	1	GCTTTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Takifugu rubripes
1350584	chromosome	2q	4246667	4246707	1	CCGTTTGACAAATGACCCCTAATTCGAAGTGTCCGATTGTT	Ciona intestinalis
1350584	group	groupVIII	8903108	8903145	1	GCTTTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Gasterosteus aculeatus
1350584	chromosome	4	15389496	15389533	-1	GCTTTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Oryzias latipes
1350584	toplevel	22	16394210	16394245	-1	GCTTTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Danio rerio
1350584	chromosome	1	140396780	140396816	1	GCTCTGACAGATGAAAAATGTCAACTGCCTGTTTTT	Mus musculus
1349616	reflig	reflig_19	4652332	4652374	1	CTTGCAAGTCATGAATTTAAAAGTGATGCGTATTAATAACAT	Ciona savignyi
1349616	chromosome	3	66582323	66582365	-1	CATACAATTTACAATAATTAACATCATGTTAATTAGTCACAT	Canis familiaris
1349616	chromosome	4	16263672	16263714	1	CATACAATTTACAATAATTAACATCATGTTAATTAGTCACAT	Homo sapiens
1349616	scaffold	scaffold_70	279015	279057	-1	CATGCAATTTACAATAATTAACGTTGTTAATTAGTCACAT	Takifugu rubripes
1349616	chromosome	2q	5787577	5787619	1	CATGCAATTTACAATAATTAACGTTGTTAATTAGTCACAT	Ciona intestinalis
1349616	group	groupIV	2753812	2753854	-1	CATGCAATTTACAATAATTAACGTTGTTAATTAGTCACAT	Gasterosteus aculeatus
1349616	ultracontig	ultracontig115	367182	367224	1	CATGCAATTTACAATAATTAACGTTGTTAATTAGTCACAT	Oryzias latipes
1349616	toplevel	20	51092060	51092102	1	CACGCAATTTACAATAATTAACGTTGTTAATTAGTCACAT	Danio rerio
1349616	chromosome	5	44971372	44971414	1	CATACAATTTACAATAATTAACATCATGTTAATTAGTCACAT	Mus musculus
1350234	reflig	reflig_37	1557640	1557685	-1	TCAGTTGATTTAACACATATTCATGCATGTTGGAATAGACTAGTTTA	Ciona savignyi
1350234	chromosome	14	46790568	46790612	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCATGCATATTCATCAGGCTATTG	Canis familiaris
1350234	chromosome	7	31241117	31241161	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCATGCATATTCATCAGGCTATTG	Homo sapiens
1350234	scaffold	scaffold_15	1667382	1667426	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCATGCATATTCATCAGGCTATTG	Takifugu rubripes
1350234	chromosome	10q	3268626	3268670	-1	ATCAGTTGATTTAAACACTAAATTCATGCATGTTGACTAGCCTAGTA	Ciona intestinalis
1350234	group	groupXI	6132209	6132253	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Gasterosteus aculeatus
1350234	chromosome	8	5817574	5817618	-1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGGCTATTA	Oryzias latipes
1350234	toplevel	24	30905753	30905796	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCATGCATATTCATCAAGCTATT	Danio rerio
1350234	chromosome	6	55297444	55297888	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCATGCATATTCATCAGGCTATTG	Mus musculus
1351012	reflig	reflig_56	467486	467533	1	GTCAAITAAAAGTGAAAAATCGATAAATAATTAATAAGTAAATTAATG	Ciona savignyi
1351012	chromosome	9	40230675	40230723	-1	CTTAATTTAAAAGCAACGGATTAAAAATGATTAATAAGAGTATTAATA	Canis familiaris
1351012	chromosome	17	32522037	32522085	-1	CTTAATTTAAAAGCAACGGATTAAAAATGATTAATAAGAGTATTAATA	Homo sapiens
1351012	scaffold	scaffold_6	785167	785215	1	CTTAATTTAAAAGCAACAGATTAAAAATGATTAATAAGGGCATTAAATG	Takifugu rubripes
1351012	chromosome	10q	4015519	4015565	1	GTCAAITAAAAGCGAAAAATCGTCAATAATTAAGAGAAATTAATG	Ciona intestinalis
1351012	group	groupVII	16342956	16343004	-1	CTTAATTTAAAAGCAACAGATTAAAAATGATTAATAAGCGTATTAATG	Gasterosteus aculeatus
1351012	chromosome	14	18233652	18233700	-1	CTTAATTTAAAAGCAACAGATTAAAAATGATTAATAAGGGCATTAAATG	Oryzias latipes
1351012	toplevel	5	49842500	49842549	-1	CTTAATTTAAAAGCAACGGATTAAAAATGATTAATAAGGGCATTAAATG	Danio rerio
1351012	chromosome	11	84209730	84209778	1	CTTAATTTAAAAGCAACGGATTAAAAATGATTAATAAGAGTATTAATA	Mus musculus
1352667	reflig	reflig_91	558890	558935	1	GAGCGTAATTTTACCAGAGATTAATAATAATTCATCCATAAG	Ciona savignyi
1352667	chromosome	30	7407163	7407210	1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Canis familiaris
1352667	chromosome	15	34966717	34966764	1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Homo sapiens
1352667	scaffold	scaffold_10	1659544	1659591	-1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Takifugu rubripes
1352667	group	groupXV	9284240	9284287	-1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Ciona intestinalis
1352667	chromosome	22	6797747	6797794	-1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Gasterosteus aculeatus
1352667	toplevel	17	50395912	50395958	-1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Danio rerio
1352667	chromosome	2	115685049	115685096	1	TTTATTGATCAGTCACTGAGCTAATGTAATATCCTCATCAATAGG	Mus musculus
1350900	reflig	reflig_148	446723	446764	1	GGGTCATAATAAAGTTTACCCTTGGTGATGATATGTGGT	Ciona savignyi
1350900	chromosome	6	18663467	18663504	-1	GGGTTATTATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Canis familiaris
1350900	chromosome	7	1243901	1243938	1	GGGTTATTATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Homo sapiens
1350900	scaffold	scaffold_15	771201	771239	1	GGGTTATAATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Takifugu rubripes
1350900	chromosome	8q	3494121	3494162	1	GAGTCATAATAAAGGTTTACCAGTTTGTATTGATGTTGAAAT	Ciona intestinalis
1350900	group	groupXI	14178293	14178331	1	GGGTTATAATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Gasterosteus aculeatus
1350900	chromosome	8	7499866	7499904	-1	GGGTTATAATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Oryzias latipes
1350900	toplevel	3	41253493	41253530	-1	GGGTTATAATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Danio rerio
1350900	chromosome	5	140024699	140024736	1	GGGTTATTATACATTACCGATTCTAGTGATATGAAAT	Mus musculus
1353951	reflig	reflig_27	1803648	1803692	-1	CAGAAAAAGTAAACGCCAAAGCATTCTTGGCCAAAGATCGAATTT	Ciona savignyi
1353951	chromosome	13	42020669	42020713	1	CATCGAAAAGTCAACAAGATTAAAGCTTAAGTAGAGAAAAGAAATTT	Canis familiaris
1353951	chromosome	4	41571708	41571752	1	CAATGAAAAGTCAACAAGAGTGTAGGCTTAATGAGATAAAGAAATTT	Homo sapiens
1353951	scaffold	scaffold_70	397475	397519	-1	CAAGAAAAGTCAACAAGAGAGCAGTCTTGATGACAGAAGGAATTT	Takifugu rubripes
1353951	chromosome	1q	4864418	4864462	-1	CAGAAAAGTCAACAAGAGAGCAGTCTTGATGACAGAAGGAATTT	Ciona intestinalis
1353951	group	groupIV	2909972	2910016	-1	CAAGAAAAGTCAACAAGAGAGCAGTCTTGATGACAGAAGGAATTT	Gasterosteus aculeatus
1353951	ultracontig	ultracontig115	98148	98192	1	CAAGAAAAGTCAACAAGAGAGTCTTGATGACAGAAGGAATTT	Oryzias latipes
1353951	toplevel	14	12551516	12551560	1	CAAGAAAAGTCAACAAGAGAGCAGTCTTGATGACAGAAGGAATTT	Danio rerio
1353951	chromosome	5	67615300	67615340	1	CAATGAAAAGTCAACAAGAGAGTGGCTTAAACAAAGAAATTT	Mus musculus
1349883	reflig	reflig_0	2698402	2698447	-1	GATCGAAAAGGAAAATTCGTTTATTCTAATGACTCTGGAATTGTA	Ciona savignyi
1349883	chromosome	8	52260391	52260436	1	GATTGAAAACACTCATCCGTGTAATCGGAATTTATTGGAATTAGA	Canis familiaris
1349883	chromosome	14	75807830	75807875	1	GATTGAAAACACTCATCCGTGTAATCGGAATTTATTGGAATTAGA	Homo sapiens
1349883	scaffold	scaffold_72	519125	519170	1	GATTGAAAACACTCATCCGTGTAATCGGAATTTATTGGAATTAGA	Takifugu rubripes
1349883	chromosome	10p	1798580	1798625	-1	GATCGAAAAGGAAAATTCGTTTAACTTAATCTCTGGAATTGTA	Ciona intestinalis
1349883	group	groupVIII	10446290	10446335	-1	GATTGAAAACACTCATCCGTGTAATCGGAATTTATTGGAATTAGA	Gasterosteus aculeatus
1349883	chromosome	24	677170	677215	1	GATTGAAAACACTCATCCGTGTAATCGGAATTTATTGGAATTAGA	Oryzias latipes
1349883	toplevel	17	48254281	48254325	-1	GATTGAAAACACTCATCCGTGTAATCGGAATTTATTGGAATTAGA	Danio rerio

1349883	chromosome	12	87672238	87672283	1	GATTGAAAACCACTCCGTGTAATCGGAATTATTTGGAATTAGA	Mus musculus
1351907	reflig	reflig_1	2387645	2387691	-1	ATTCTGCATCAAGTCCGGTGTGTAACACAGAGCAGCAATTAAGAGT	Ciona savignyi
1351907	chromosome	22	48663224	48663269	1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Canis familiaris
1351907	chromosome	13	94416939	94416984	1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Homo sapiens
1351907	scaffold	scaffold_103	117053	117098	-1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Takifugu rubripes
1351907	chromosome	3p	1213740	1213786	-1	ATTCTGCATCAAGTCCGGTGTGTAACACAGAGTGGAGCAATTAAGAGT	Ciona intestinalis
1351907	group	groupXVI	9268740	9268785	1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Gasterosteus aculeatus
1351907	chromosome	21	25474807	25474852	-1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Oryzias latipes
1351907	toplevel	14	2403042	2403087	-1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Danio rerio
1351907	chromosome	14	118835167	118835212	1	ATTGCACATCCACACTGTGACATAAACAGAGTGGAAAAATTAAGATT	Mus musculus
1350090	reflig	reflig_375	81579	81626	1	CCGCTGCCTGCACAGGGGGCTTTTGACGACGTGTAATTTCCAAGG	Ciona savignyi
1350090	chromosome	2	88119976	88120019	1	CCATTTTGCCAAACACAGGGGCCAGGCAGCAGGTTACCAAGG	Canis familiaris
1350090	chromosome	1	10717211	10717254	-1	CCATTTTGCCAAACACAGGGGCCAGGCAGCAGGTTACCAAGG	Homo sapiens
1350090	scaffold	scaffold_20	785376	785419	1	CCATTTTGCCAAACACAGGGGCCAGGCAGCAGGTTACCAAGG	Takifugu rubripes
1350090	chromosome	4q	1832834	1832881	-1	CCATTTGCCTCGGCACAGGTGGCTTTTGACGACGTGTAATTTCCAAGG	Ciona intestinalis
1350090	chromosome	7	9790304	9790347	-1	CCATTTTGCTGCGCAAGGGGCCCTGGAAGCAGGTTACCAAGG	Oryzias latipes
1350090	group	groupXII	9306783	9306826	-1	CCATTTTGCCAGCACAAGGGGCCCTGGAAGCAGGTTACCAAGG	Gasterosteus aculeatus
1350090	toplevel	23	25556274	25556317	1	CCATTTTGCCAGCACAAGGGGCCCTGGAAGCAGGTTACCAAGG	Danio rerio
1350090	chromosome	4	148234876	148234919	1	CCATTTTGCCAAACACAGGGGCCAGGCAGCAGGTTACCAAGG	Mus musculus
1351583	reflig	reflig_24	364349	364388	1	TTATTTTTATCTGTTGATCTATCAACAATAGTCTCCAAT	Ciona savignyi
1351583	chromosome	10	50380499	50380537	1	AGTATTTTATCTTTTCCTTATTATAGTGATCTCCAAT	Canis familiaris
1351583	chromosome	2	44920749	44920787	1	AGTATTTTATCTTTTCCTTATTATAGTGATCTCCAAT	Homo sapiens
1351583	scaffold	scaffold_124	511717	511755	-1	ACTATTTTATCTTAAATGATAGAGTGATCTCCAAT	Takifugu rubripes
1351583	chromosome	8q	4454696	4454735	1	ATATTTTTATCTGTTTACACATCAACAGTGATATCCCAAT	Ciona intestinalis
1351583	group	groupVI	13565185	13565223	1	ACTATTTTATCTTAAATGATAGAGTGATCTCCAAT	Gasterosteus aculeatus
1351583	chromosome	15	15504687	15504725	-1	ACTATTTTATCTTAAATGATAGAGTGATCTCCAAT	Oryzias latipes
1351583	toplevel	13	6042957	6042993	-1	TATTTTATCTCTCAATGATAGAGTGATCTCCAAT	Danio rerio
1351583	chromosome	17	85926575	85926613	1	AGTATTTTATCTTTTCCTTATTATAGTGATCTCCAAT	Mus musculus
1351665	reflig	reflig_1	1196723	1196769	1	TTTTTGTCATAAATTCCTGATTTGCAATTCCTCTTGCAATTTT	Ciona savignyi
1351665	chromosome	28	16329461	16329510	1	ATTCAAACCTCATTACATCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Canis familiaris
1351665	chromosome	10	102372570	102372619	1	ATTCAAACCTCATTACATCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Homo sapiens
1351665	scaffold	scaffold_59	792972	793021	1	ATTCAAGCTCATTATACCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Takifugu rubripes
1351665	chromosome	3p	2011235	2011283	-1	ATTTTGACCTCATGATTTCCGGATTTGCAAACTCCTGCTGCAATTT	Ciona intestinalis
1351665	chromosome	19	10220108	10220157	-1	ATTCAAACCTCATTACATCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Oryzias latipes
1351665	group	groupV	979770	979819	-1	ATTCAAACCTCATTACATCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Gasterosteus aculeatus
1351665	toplevel	12	47408176	47408225	-1	ATTCAAACCTCATTGCTGCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Danio rerio
1351665	chromosome	19	44715988	44716037	1	ATTCAAACCTCATTACATCTTATTTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTT	Mus musculus
1353652	reflig	reflig_375	91986	92027	-1	ATAAATTTCTATCTTTCAGAATAAATAAGCACCCACAAA	Ciona savignyi
1353652	chromosome	14	46790545	46790585	1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Canis familiaris
1353652	chromosome	7	31241094	31241134	1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Homo sapiens
1353652	scaffold	scaffold_80	807953	807993	-1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Takifugu rubripes
1353652	chromosome	4q	1822883	1822924	1	ATAAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Ciona intestinalis
1353652	group	groupIII	1309797	13098037	-1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Gasterosteus aculeatus
1353652	chromosome	17	30337034	30337074	1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Oryzias latipes
1353652	toplevel	24	30905730	30905770	1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Danio rerio
1353652	chromosome	6	55529721	55529761	1	ACAATGAATTTTCAGCAGAATAAATAACTTAATTAACAAA	Mus musculus
1353683	reflig	reflig_259	407612	407657	-1	GTCGCCCGGGCTGAATGCTGCTTTGATGTTCCCGAATTCGACGGC	Ciona savignyi
1353683	chromosome	21	34974199	34974246	1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Canis familiaris
1353683	chromosome	11	8261507	8261554	1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Homo sapiens
1353683	scaffold	scaffold_14	107600	107647	1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Takifugu rubripes
1353683	chromosome	12q	2804056	2804099	-1	ATTGCCAGGGCAAAGTTTCTTGATCTGCGGAATCGACTGC	Ciona intestinalis
1353683	group	groupII	9881047	9881094	1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Gasterosteus aculeatus
1353683	chromosome	3	18032063	18032110	1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Oryzias latipes
1353683	toplevel	7	23643799	23643845	-1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Danio rerio
1353683	chromosome	7	116335112	116335159	1	ATTGCACAGTCTCAATAGTCTTTGCTTTGCTCTAATTGACAGC	Mus musculus
1353915	reflig	reflig_27	1802771	1802815	1	AATTGAAAATTAATGAGTGGGCTCTGAACGTTTCCTTTACATTT	Ciona savignyi
1353915	chromosome	30	34700101	34700144	-1	ATTTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCATTACAATCCATCT	Canis familiaris
1353915	chromosome	15	65665355	65665398	-1	ATTTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCATTACAATCCATCT	Homo sapiens
1353915	scaffold	scaffold_1	3461808	3461851	1	AATTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCATTACAATCCATCT	Takifugu rubripes
1353915	chromosome	1q	4863534	4863576	1	AATTGAAAATTAATGAGTGGCCGAGCCTTTCCACCTTATTT	Ciona intestinalis
1353915	chromosome	3	11104228	11104271	1	AATTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCCTTTCCACCTTATTT	Oryzias latipes
1353915	group	groupII	18639805	18639848	-1	AATTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCCTTTCCACCTTATTT	Gasterosteus aculeatus
1353915	toplevel	18	14268076	14268117	1	AATTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCCTTTCCACCTTATTT	Danio rerio
1353915	chromosome	9	63186812	63186855	1	ATTTGACATTTCAATAAGTGAACACAGCATTACAATCCATCT	Mus musculus
1350687	reflig	reflig_580	213431	213474	1	GAGTTTTAATTAAGTATAATACGATTAGGTCATCGATCAAT	Ciona savignyi
1350687	chromosome	1	123753186	123753234	1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Canis familiaris
1350687	chromosome	19	36045557	36045605	-1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Homo sapiens
1350687	scaffold	scaffold_133	376640	376688	-1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Takifugu rubripes
1350687	chromosome	1q	4642013	4642056	-1	GAATTTTGTAGTCTAATGATGCGAATTTGCTCTCGATCAAT	Ciona intestinalis
1350687	group	groupXX	4561280	4561328	-1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Gasterosteus aculeatus
1350687	ultracontig	ultracontig182	2340477	2340525	-1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Oryzias latipes
1350687	toplevel	19	12450009	12450057	1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Danio rerio
1350687	chromosome	7	37945231	37945279	1	GATTTTTAGTTAGATTCAAATAGATGTTAATGTTGCTGATAAAT	Mus musculus
1350370	reflig	reflig_90	316408	316448	-1	GCTAATTTATGCTAATGCTTAATTTCTCGATTAGATTG	Ciona savignyi
1350370	chromosome	X	70267567	70267607	1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGACTGTTGGGATTAGATT	Canis familiaris
1350370	chromosome	X	85626159	85626199	1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Homo sapiens
1350370	scaffold	scaffold_31	409134	409174	1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Takifugu rubripes
1350370	chromosome	4q	5687507	5687547	-1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Ciona intestinalis
1350370	chromosome	21	9488006	9488046	-1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Oryzias latipes
1350370	group	groupXVI	2722511	2722551	1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Gasterosteus aculeatus
1350370	toplevel	9	24892408	24892448	1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Danio rerio
1350370	chromosome	X	110636058	110636098	1	GCTAATTTATGTGAGCTTTAAGAAATGTTGGATTAGATT	Mus musculus
1349849	reflig	reflig_19	3140779	3140828	1	TCTTGCGCGATATAAATGCGGCTTAAATTTTCTTAACTGCAAAA	Ciona savignyi
1349849	chromosome	18	13326157	13326206	1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTAATCGGTGTGACTATTCTGCTGGCAGGT	Canis familiaris
1349849	chromosome	7	39359972	39360021	-1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTAATCGGTGTGACTATTCTGCTGGCAGGT	Homo sapiens
1349849	scaffold	scaffold_223	244915	244964	-1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTAATCGCGGGACTATTCTGCTGGCAGGT	Takifugu rubripes
1349849	chromosome	2q	1833045	1833094	-1	TTTCTCAGTTTTGGAATAAATAGGCGCAGATTATGCGCCGCGAGAT	Ciona intestinalis
1349849	group	groupXXI	9778725	9778774	-1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTAATCGCGCGACCATCTGCTGTGGCAGGT	Gasterosteus aculeatus
1349849	chromosome	20	19212563	19212612	-1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTAATCGCGCGACCATCTGCTGTGGCAGGT	Oryzias latipes
1349849	toplevel	24	9476692	9476741	1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTAATCGCTGTGACCATCTGCTGTGGCAGGT	Danio rerio

1349849	chromosome	13	18310820	18310869	1	TTTCTCCTGTTTTTCATTTTAACTCGGTGACTATTCTGCTGTGGCGGGT	Mus musculus
1350222	reflig	reflig_133	349672	349714	1	GCCAAGCCTAGGTTGATTTGATATTGGAGTATAATAGTT	Ciona savignyi
1350222	chromosome	6	18663393	18663433	-1	GAAAAGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Canis familiaris
1350222	chromosome	7	1243972	1244012	1	GAAAAGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Homo sapiens
1350222	scaffold	scaffold_15	771273	771314	1	GAAAAGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Takifugu rubripes
1350222	chromosome	5q	1236057	1236099	-1	GCAAAGGCATAAGTTGATTTGATATCGGTTGATATAATGGCC	Ciona intestinalis
1350222	group	groupXI	14178365	14178406	1	GAAAAGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Gasterosteus aculeatus
1350222	chromosome	8	7499791	7499832	-1	GAAAAGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Oryzias latipes
1350222	toplevel	3	41253419	41253458	-1	AAAGGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Danio rerio
1350222	chromosome	5	140024770	140024810	1	GAAAAGCTGGGGTGTCAAATTTGAAATGGAGAATAATAGCC	Mus musculus
1350314	reflig	reflig_31	374336	374377	-1	TTGATTAAGAATTGATTGACGGCTCAGCAGATAAATGGCT	Ciona savignyi
1350314	chromosome	4	29321316	29321354	1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Canis familiaris
1350314	chromosome	10	77397326	77397364	1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Homo sapiens
1350314	scaffold	scaffold_59	1337773	1337811	1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Takifugu rubripes
1350314	chromosome	3q	2932302	2932343	-1	GTGATTAAGGTTGATTGACATCTCAACAGATAAATAGCT	Ciona intestinalis
1350314	chromosome	19	9344914	9344952	-1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Oryzias latipes
1350314	group	groupV	393506	393544	-1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Gasterosteus aculeatus
1350314	toplevel	13	15338535	15338573	1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Danio rerio
1350314	chromosome	14	23325043	23325081	1	GTAATTATAATTTGATAAATCATCAGCAGAAAATTAAC	Mus musculus
1352987	reflig	reflig_91	147150	147194	-1	CCAGAGCAGGATTTGATTGAACGGGTCGATTTATGTTGTAAGTA	Ciona savignyi
1352987	chromosome	3	17590802	17590845	1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Canis familiaris
1352987	chromosome	5	94138005	94138048	-1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Homo sapiens
1352987	scaffold	scaffold_101	343508	343551	1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Takifugu rubripes
1352987	chromosome	5q	6150478	6150523	-1	CCAGACAAGATTTGATTGAACCTAGTTCGAAATGTTGTAGGTA	Ciona intestinalis
1352987	group	groupXIII	11281361	11281404	-1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Gasterosteus aculeatus
1352987	chromosome	9	15738347	15738390	-1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Oryzias latipes
1352987	toplevel	5	45981863	45981906	1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Danio rerio
1352987	chromosome	13	77067375	77067418	1	CCAAGCCTCACITTAATGAACTGAAGCATATGTTGCAAGTA	Mus musculus
1349989	reflig	reflig_148	461498	461537	-1	TTTGTTGTGCATAATTACTTGTTTGGTTGTAGTCTGT	Ciona savignyi
1349989	chromosome	36	22568348	22568388	1	CTTATGCAGTAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Canis familiaris
1349989	chromosome	2	176259821	176259861	1	CTTATGCAGTAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Homo sapiens
1349989	scaffold	scaffold_100	413222	413262	-1	CTTATGCAGTAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Takifugu rubripes
1349989	chromosome	8q	3507310	3507349	-1	CTTGTTGTGCATAATTACTTGTTTGGTTGTTGTGT	Ciona intestinalis
1349989	group	groupXVI	9873792	9873832	-1	CTTATGCAGTAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Gasterosteus aculeatus
1349989	chromosome	21	24507872	24507912	1	CTTGTTGTGCATAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Oryzias latipes
1349989	toplevel	9	2108411	2108451	-1	CTTATGCAGTAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Danio rerio
1349989	chromosome	2	74135162	74135202	1	CTTATGCAGTAATAAATCACTCCATTACATTACTTTGTGT	Mus musculus
1352080	reflig	reflig_17	1366966	1367004	1	AGCAACCCACATTCAGAAATCTTTCGCACTTAAGTGA	Ciona savignyi
1352080	chromosome	23	45494110	45494150	-1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Canis familiaris
1352080	chromosome	3	148513548	148513588	-1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Homo sapiens
1352080	scaffold	scaffold_142	265798	265838	1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Takifugu rubripes
1352080	chromosome	2q	5572259	5572299	1	AGCAACGACGACTCAAGCAGAATCTACAGACTCTGCTGA	Ciona intestinalis
1352080	chromosome	20	16798789	16798829	1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Oryzias latipes
1352080	group	groupXXI	8395986	8396026	1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Gasterosteus aculeatus
1352080	toplevel	24	4339808	4339848	1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Danio rerio
1352080	chromosome	9	91358069	91358109	1	AGCAAAATCTCATTAAGTGCAATTCACAGACTCTGCTGA	Mus musculus
1352117	reflig	reflig_172	255102	255144	1	TAATTTATTTGATTGAGGCTCAAAACTTATCACGTTTTCA	Ciona savignyi
1352117	chromosome	21	34974166	34974206	1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Canis familiaris
1352117	chromosome	11	8261474	8261514	1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Homo sapiens
1352117	scaffold	scaffold_14	107567	107607	1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Takifugu rubripes
1352117	chromosome	8q	3267484	3267526	-1	CAATTATTTGATTGAGTTCAAACAGCAATCAGATTTCA	Ciona intestinalis
1352117	group	groupII	9881014	9881054	1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Gasterosteus aculeatus
1352117	chromosome	3	18032030	18032070	1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Oryzias latipes
1352117	toplevel	7	23643838	23643878	-1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Danio rerio
1352117	chromosome	7	116335079	116335119	1	CAATTAGTTAATATCAAAACAGCTAATTAATAATGCACA	Mus musculus
1351439	reflig	reflig_494	5165	5202	-1	TTAATGACGCATAATGGAAGGTAGTTATTTAGCAATC	Ciona savignyi
1351439	chromosome	30	7552725	7552764	1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATCATTACTTTTAACAGCT	Canis familiaris
1351439	chromosome	15	35117121	35117160	1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATCATTACTTTTAACAGCT	Homo sapiens
1351439	scaffold	scaffold_10	1616208	1616247	-1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATGATTACTTTTAACAGCT	Takifugu rubripes
1351439	scaffold	scaffold_114	344539	344579	1	TTGATGACGCATAATGAAATTAATCAACTCTAACAACT	Ciona intestinalis
1351439	group	groupXV	9331632	9331671	1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATGATTACTTTTAACAGCT	Gasterosteus aculeatus
1351439	chromosome	22	6750152	6750191	-1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATGATTACTTTTAACAGCT	Oryzias latipes
1351439	toplevel	17	50336266	50336305	-1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATGATTACTTTTAACAGCT	Danio rerio
1351439	chromosome	2	115826708	115826747	1	TTAATTTGTCATTGCAAAAATCATTACTTTTAACAGCT	Mus musculus
1351073	reflig	reflig_19	4761693	4761738	1	TTGTTCAATGAAATCGAAATGAGCTCTGAATATTTTAAAAACATTA	Ciona savignyi
1351073	chromosome	1	4582421	4582463	1	ATGTTAATGAAGTGAATGATCTAATATTTTTGAAAAGAATA	Canis familiaris
1351073	chromosome	18	74619304	74619346	-1	ATGTTAATGAAGTGAATGATCTAATATTTTTGAAAAGAATA	Homo sapiens
1351073	scaffold	scaffold_133	139018	139062	-1	TCGTTAATGAGGTGTAATGATCTCAATATTTTTGAAAAGATA	Takifugu rubripes
1351073	chromosome	2q	2586260	2586305	1	TTGTTCAATGAAATCGAAATGAGCTCTGAATATTTTAAAAACATTA	Ciona intestinalis
1351073	group	groupXX	4252188	4252231	-1	TCGTTAATGAGGTGTAATGATCTCAATATTTTTGAAAAGATA	Gasterosteus aculeatus
1351073	ultracontig	ultracontig182	1590694	1590737	-1	TTGTTAATGAGGTGTAATGATCTCAATATTTTTGAAAAGATA	Oryzias latipes
1351073	toplevel	16	2498538	2498577	1	GTTAATGAGGTGTAATGATCTCAATATTTTTGAAAAGATA	Danio rerio
1351073	chromosome	18	81328711	81328753	1	ATGTTAATGAAGTGAATGATCTAATATTTTTGAAAAGAACA	Mus musculus
1352042	reflig	reflig_72	965002	965046	1	AACATAATCTTGTCAGTTTATTGTCAAAAGACAGTCTGTTATCG	Ciona savignyi
1352042	chromosome	28	35638959	35638999	1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATACGCTGTTTATG	Canis familiaris
1352042	chromosome	10	124842609	124842649	1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATACGCTGTTTATG	Homo sapiens
1352042	scaffold	scaffold_76	12770	12810	1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATACGCTGTTTATG	Takifugu rubripes
1352042	scaffold	scaffold_121	228934	228976	-1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATACGCTGTTTATG	Ciona intestinalis
1352042	group	groupVI	11858385	11858425	-1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATACGCTGTTTATG	Gasterosteus aculeatus
1352042	chromosome	15	18106367	18106407	1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATATGTTTATG	Oryzias latipes
1352042	toplevel	17	23310504	23310544	1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATAGGTTTATG	Danio rerio
1352042	chromosome	7	138640978	138641018	1	AAAAATTTATCGGCTTTGATTCTCAATATACGCTGTTTATG	Mus musculus
1352802	reflig	reflig_48	2431465	2431503	1	TTGCGCAATTTAATTAATTCAGCGCATAAAAAAGAT	Ciona savignyi
1352802	chromosome	21	34957754	34957793	1	TTCCCCCTTTGAATCAATATTCAATACACAAACATAAT	Canis familiaris
1352802	chromosome	11	8246991	8247032	1	TTCCCCCTTTGAATCAATATTCAATACACAAACATAAT	Homo sapiens
1352802	scaffold	scaffold_14	103728	103769	1	TTCCCCCTTTGAATCAATATTCAATACACAAACATAAT	Takifugu rubripes
1352802	chromosome	5q	5027323	5027365	-1	TTCTCTCTATGACATCAATATTTACGGCCATAAAAATAAT	Ciona intestinalis
1352802	group	groupIII	9877679	9877720	1	TTCCCCCTTTGAATCAATATTCAATACACAAACATAAT	Gasterosteus aculeatus
1352802	chromosome	3	18029164	18029205	1	TTCCCCCTTTGAATCAATATTCAATACACAAACATAAT	Oryzias latipes
1352802	toplevel	7	23649370	23649411	-1	TTCCCCCTTTGAATCAATATTCAATACACAAACATAAT	Danio rerio

1352802	chromosome	7	116318944	116318984	1	TTCCCCCCTTTAGTAACATTTTCAATACACAAACATAAT	Mus musculus
1351047	reflig	reftig_14	422323	422362	-1	GCTGCTAAATTTAGTGCCGAAGCTGGTTTTTATTTAGTT	Ciona savignyi
1351047	chromosome	1	123753161	123753201	1	ACTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Canis familiaris
1351047	chromosome	19	36045590	36045630	-1	ACTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Homo sapiens
1351047	scaffold	scaffold_117	638285	638325	1	GCTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Takifugu rubripes
1351047	chromosome	1q	3459594	3459633	-1	GCCGTGCAATTAGTAGCGAAATTTACTTTTTATTTAGTT	Ciona intestinalis
1351047	chromosome	3	35751767	35751807	1	GCTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Oryzias latipes
1351047	group	groupI	1481133	1481173	-1	TCTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Gasterosteus aculeatus
1351047	toplevel	7	42643807	42643846	1	CTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Danio rerio
1351047	chromosome	7	37945206	37945246	1	ACTAACAAATTTGGTAATGAAATATTGATTTTAGTTAGATT	Mus musculus
1349625	reflig	reftig_19	1629510	1629551	-1	TCAGAGATGGGCTTTTATGAAGTTTAAATGAGCCAATATA	Ciona savignyi
1349625	chromosome	6	60906088	60906126	-1	TCGTTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACAC	Canis familiaris
1349625	chromosome	1	91079158	91079196	1	TCATTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACAC	Homo sapiens
1349625	scaffold	scaffold_67	1184743	1184781	1	TCATTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACAC	Takifugu rubripes
1349625	scaffold	scaffold_165	47943	47984	-1	TCACAGATGGGATTTTATGAATTTTAAACGAGCCAATCAC	Ciona intestinalis
1349625	group	groupVIII	2550902	2550940	-1	TCATTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACGC	Gasterosteus aculeatus
1349625	chromosome	4	5609607	5609645	1	TCATTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACAG	Oryzias latipes
1349625	toplevel	6	48829858	48829896	-1	TCATTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACAC	Danio rerio
1349625	chromosome	5	106994360	106994398	1	TCATTGATGGAGTTGATTAAGTTTAAATGAAGCAGACAC	Mus musculus
1349996	reflig	reftig_55	822869	822912	-1	ATCAATAATGCAATGCAAATTTAAGCGGACACAGTTTAAAGTAA	Ciona savignyi
1349996	chromosome	18	13452294	13452332	1	ACTAACATTACAACATCATGCAGAACACAGATAAATGTAA	Canis familiaris
1349996	chromosome	7	39232349	39232387	-1	ACTAACATTACAACATCATGCAGAACACAGATAAATGTAA	Homo sapiens
1349996	scaffold	scaffold_223	235744	235782	-1	ATTAACATTACAATCAAGCAGAACACAGATAAATGTAA	Takifugu rubripes
1349996	chromosome	9q	511359	511401	-1	ATTAATAATGCAAGTCAAATTTGAGGACACAGTTTAAAGTAA	Ciona intestinalis
1349996	group	groupXXI	9768230	9768268	-1	ATTAACATTACAACATCATGCAGAACACAGATAAATGTAA	Gasterosteus aculeatus
1349996	chromosome	20	19199713	19199751	-1	ATTAACATTACAACATCATGCAGAACACAGATAAATGTAA	Oryzias latipes
1349996	toplevel	24	9569199	9569237	1	ATTAGCATTACGAGTATGCAGAACCCAGATAAATGTAA	Danio rerio
1349996	chromosome	13	18439340	18439378	1	ACTAACATTACAACATCATGCAGAACACAGATAAATGTAA	Mus musculus
1350575	reflig	reftig_24	407659	407705	1	ATTAGCGTGGGATCAAGCCCGCAATTCCTGCTCACCGCAACC	Ciona savignyi
1350575	chromosome	14	46790585	46790631	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGAAGTCTTCCAGCCAGCT	Canis familiaris
1350575	chromosome	7	31241134	31241180	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGAAGTCTTCCAGCCAGCT	Homo sapiens
1350575	scaffold	scaffold_15	1667399	1667445	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGAAGTCTTCCAGCCAGCT	Takifugu rubripes
1350575	chromosome	8q	4493614	4493660	1	ATTAGCGTGGGATCAAGCCCGCAATTCCTGCTCACCGCACGGCT	Ciona intestinalis
1350575	group	groupXI	6132226	6132272	1	ATTCACATGCATATTCATCAGCCTAATTAAGTCTGCTCCGCGTCT	Gasterosteus aculeatus
1350575	chromosome	8	5817555	5817601	-1	ATTCACATGCATATTCATCAGCCTAATTAAGTCTGCTCCGCGTCT	Oryzias latipes
1350575	toplevel	24	30905770	30905807	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGAAGTCTTCCAGCCAGCT	Danio rerio
1350575	chromosome	6	55529761	55529807	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGAAGTCTTCCAGCCAGCT	Mus musculus
1350679	reflig	reftig_140	609591	609630	-1	TAATTTCCGATTTAAACGAATCATCCCATCAAGCCCTTT	Ciona savignyi
1350679	chromosome	36	21299393	21299434	1	TCATTTACAGTTTGAAGTATGCTCCATAGCAACTCCCT	Canis familiaris
1350679	chromosome	2	174750093	174750134	1	TCATTTACAGTTTGAAGTATGCTCCATAGCAACTCCCT	Homo sapiens
1350679	scaffold	scaffold_100	537775	537816	-1	TCATTTACAGTTTGAAGTATGCTCCATAGCAACTCCCT	Takifugu rubripes
1350679	chromosome	9q	2662432	2662474	-1	TAATTTCCGATTTAAAGCGACATCATTCTATCAAGGCCCTT	Ciona intestinalis
1350679	group	groupXVI	10015821	10015862	-1	TCATTTCCGATTTGAAGCGAGATCCCATAGCAACTCCCT	Gasterosteus aculeatus
1350679	chromosome	21	24314955	24314997	1	TCATTTCCGATTTGAAGCGAGATCCCATAGCAACTCCCT	Oryzias latipes
1350679	toplevel	Zv7_scaffold2619	45874	45915	-1	TCGTTTCCGCTTTGAAGCAGATCTCCATAGCAACTCTCT	Danio rerio
1350679	chromosome	2	73018245	73018286	1	TCATTTACAGTTTGAAGCAGATCCCATAGCAACTCCCT	Mus musculus
1351070	reflig	reftig_19	4761705	4761753	1	TCGAAATGAGCTCGAATATTTTATAAAACATTAGCTCGATAAAATATT	Ciona savignyi
1351070	chromosome	28	26579682	26579731	1	TCTAAAGAAGTGGGTATCATTTCATATAGCCCTGGCAGAGCAGATCATT	Canis familiaris
1351070	chromosome	10	114280545	114280594	1	TCTAAAGAAGTGGGTATCATTTCATATAGCCCTGGCAGAGCAGATCATT	Homo sapiens
1351070	scaffold	scaffold_29	1606286	1606335	-1	TCTAAAGAAGTGGGTATCATTTCATATAGCCCTGGCAGAGCAGATCATT	Takifugu rubripes
1351070	chromosome	2q	2586272	2586320	1	TCGAAATGAGCTCGAATATTTTATAAAACATTAGCTCGATAAAATATT	Ciona intestinalis
1351070	group	groupV	99673	99722	-1	TCTGAAAGAGTTCAGGATCATTTCATATAGCCCTGGCTGAGCAGATCATT	Gasterosteus aculeatus
1351070	chromosome	19	8931226	8931275	-1	TCTGAAAGAGTTCAGGATCATTTCATATAGCCCTGGCTGAGCAGATCATT	Oryzias latipes
1351070	toplevel	Zv7_NA53	454298	454347	1	TCTGAAAGAGTTCAGGATCATTTCATATAGCCCTGGCTGAGCAGATCATT	Danio rerio
1351070	chromosome	19	55458999	55459048	1	TCTGAAAGAGTTCAGGATCATTTCATATAGCCCTGGCAGAGCAGATCATT	Mus musculus
1351518	reflig	reftig_5	646435	646470	-1	GAACGGTGTGGTAAGTGGAAATGTAAGCAATATTTAA	Ciona savignyi
1351518	chromosome	22	28665120	28665160	1	AAGTGTGACACAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCCAAA	Canis familiaris
1351518	chromosome	13	70937103	70937143	1	AAGTGTGACACAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCCAAA	Homo sapiens
1351518	scaffold	scaffold_31	451880	451921	-1	GAAGTGTGACAAAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCTAAA	Takifugu rubripes
1351518	chromosome	1p	2255332	2255372	1	GAACGGTGTATTAAGCCCAATACAAGCAATTTGTTCTCAA	Ciona intestinalis
1351518	chromosome	21	9426761	9426802	1	GAAGTGTGACAAAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCCAAA	Oryzias latipes
1351518	group	groupXVI	2762024	2762065	-1	GAAGTGTGACAAAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCTAAA	Gasterosteus aculeatus
1351518	toplevel	9	24998943	24998982	-1	AGTGTGACAAAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCTGAA	Danio rerio
1351518	chromosome	14	98214032	98214072	1	AAGTGTGACACAAGCAAAATAGAAATAATTAGTTCTCCAAA	Mus musculus
1352693	reflig	reftig_1	3605347	3605404	1	TTGAAAGGGCGACGAAAACACCGGAAATGATCTCAATACGCCAATGCAATATT	Ciona savignyi
1352693	chromosome	22	28664719	28664775	1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Canis familiaris
1352693	chromosome	13	70936702	70936758	1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Homo sapiens
1352693	scaffold	scaffold_31	452284	452340	-1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Takifugu rubripes
1352693	scaffold	scaffold_119	90383	90440	-1	CGTTGAAAGGTTAAGGAAATACGAGTAAATGATCTCAATACGCCAATGCAAAATATT	Ciona intestinalis
1352693	chromosome	21	9426336	9426392	1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Oryzias latipes
1352693	group	groupXVI	2762427	2762483	-1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Gasterosteus aculeatus
1352693	toplevel	9	24999335	24999391	-1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Danio rerio
1352693	chromosome	14	98213631	98213687	1	CCTTTGAAAGATTAATTAATCATGCAAAATAGCAAAATAGCCCATGCAAAATATT	Mus musculus
1349622	reflig	reftig_19	1629371	1629418	1	AACACAACACCTGGCAGAAAACAGAATGACCTGACTTAAATTTAGGC	Ciona savignyi
1349622	chromosome	9	61084637	61084686	1	AACAGAATCCCTGGAGAAAACACACAGGGAATGCTGTAAATCCACT	Canis familiaris
1349622	chromosome	9	127181516	127181565	-1	AACAGAATCCCTGGAGAAAACACACAGGGAATGCTGTAAATCCACT	Homo sapiens
1349622	scaffold	scaffold_18	637591	637640	-1	AACCAATCCCTGGAGAAAACACATAAGGAAATCGCTGTAATTCCTT	Takifugu rubripes
1349622	scaffold	scaffold_165	47789	47836	1	AACACAACACCTGGCAGAAAACAAATGACCTGGCCCTTAAATTTGCTTA	Ciona intestinalis
1349622	group	groupXIII	13457921	13457970	-1	AACCAATCCCTGGAGAAAACACATAAGGAAATCGCTGTAATTCACT	Gasterosteus aculeatus
1349622	chromosome	9	18840121	18840170	-1	AACCAATCCCTGGAGAAAACACATAAGGAAATCGCTGTAATTCACT	Oryzias latipes
1349622	toplevel	8	33470394	33470443	-1	AACCAATCCCTGGAGAAAACACATAAGGAAATCGCTGTAATTCACT	Danio rerio
1349622	chromosome	2	34521101	34521150	1	AACAGAATCCCTGGAGAAAACACACAGGGAATGCTGTAAACCCACT	Mus musculus
1352377	reflig	reftig_2	1643329	1643368	-1	TGATTTGGCTTAATTCAGCGCTAAGTATTGATCTGAGTTTGT	Ciona savignyi
1352377	chromosome	15	48058721	48058761	-1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Canis familiaris
1352377	chromosome	4	147793774	147793814	-1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Homo sapiens
1352377	scaffold	scaffold_17	1505535	1505575	-1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Takifugu rubripes
1352377	chromosome	7q	491287	491326	1	TCATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Ciona intestinalis
1352377	group	groupIX	6738510	6738550	1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Gasterosteus aculeatus
1352377	chromosome	1	22407732	22407772	-1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Oryzias latipes
1352377	toplevel	1	35364469	35364509	-1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Danio rerio

1352377	chromosome	8	80946009	80946049	1	TTATTTGCCTTAAGGACTTTATGTAATGATTCTGTCTGT	Mus musculus
1350888	reflig	reflig_9	2823395	2823430	-1	TTATATTTTCAAAACAGAGGGATTTTCAATTAATA	Ciona savignyi
1350888	chromosome	21	41305126	41305165	1	TTACAAACCTTTTCAACTTTAATTTGACTTTCAAATATTA	Canis familiaris
1350888	chromosome	11	15279034	15279073	1	TTACAAACCTTTTCAACTTTAATTTGACTTTCAAATATTA	Homo sapiens
1350888	scaffold	scaffold_1	7218639	7218678	-1	TTACTGGCTTTTCAACTTAAATTTGACTTTCAAATATTA	Takifugu rubripes
1350888	chromosome	12q	817081	817120	1	TTGTTAGACTTTCAAACAAATTTGATTTTCAATTAATA	Ciona intestinalis
1350888	group	groupII	9695998	9696037	-1	TTACAGGCCTTTTCAACTTAAATTTGACTTTCAAATATTA	Gasterosteus aculeatus
1350888	chromosome	3	17771450	17771489	-1	TTACAGTCTTTTCAACTTAAATTTGACTTTCAAATATTA	Oryzias latipes
1350888	toplevel	7	18711913	18711946	-1	GCCTTTCAACTTAAATTTGACTTTCAAATATTA	Danio rerio
1350888	chromosome	7	122040822	122040861	1	TTACAAACCTTTTCAACTTAAATTTGACTTTCAAATATTA	Mus musculus
1352948	reflig	reflig_35	883430	883470	-1	TAGCGCTCGAGCAATCTGCAACATGATTATGTTCCACGA	Ciona savignyi
1352948	chromosome	2	88017269	88017311	1	TATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Canis familiaris
1352948	chromosome	1	10848058	10848100	-1	TATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Homo sapiens
1352948	scaffold	scaffold_20	741598	741639	1	TATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Takifugu rubripes
1352948	chromosome	3q	1319835	1319875	1	TACCGCTCTCGAATCTGCAACATGATTATGTTCCACGA	Ciona intestinalis
1352948	chromosome	7	9860235	9860276	-1	TATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Oryzias latipes
1352948	group	groupXII	9355396	9355437	-1	TATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Gasterosteus aculeatus
1352948	toplevel	23	25422769	25422809	1	ATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Danio rerio
1352948	chromosome	4	148118635	148118677	1	TATTGCTCTCAGGGCCTTGAATATTACTTTAATGTTCCATGT	Mus musculus
1349879	reflig	reflig_37	112686	112730	-1	ACCAATATTGTTTTATTTCATAATCCAATCCCGCTTTATGGCG	Ciona savignyi
1349879	chromosome	1	124059547	124059592	1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATCTCTGACATTTGAAG	Canis familiaris
1349879	chromosome	19	35707025	35707070	-1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATCTCTGACATTTGAAG	Homo sapiens
1349879	scaffold	scaffold_2	297434	297479	1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATCTCTGACATTTGAAG	Takifugu rubripes
1349879	chromosome	10p	958624	958666	-1	ACTAATATTGTTTTATTGCTTAATCCATACCSCCTTTCAAG	Ciona intestinalis
1349879	group	groupXIX	17633795	17633840	-1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATCTCTGACATTTGAAG	Gasterosteus aculeatus
1349879	chromosome	6	25863473	25863518	-1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATCTCTGACATTTGAAG	Oryzias latipes
1349879	toplevel	7	42808530	42808575	1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATTTGACATTTGAAG	Danio rerio
1349879	chromosome	7	38288599	38288644	1	ACAAATATTGACAGTTTATTGCACAAACATCTCTGACATTTGAAG	Mus musculus
1354244	reflig	reflig_37	1576437	1576478	-1	CTGTAGATCAAAACCAAGCAAGCTATCCTTCTCTTTTGAA	Ciona savignyi
1354244	chromosome	36	22338599	22338637	1	CTGTAGGTTAGGATCAGAGCATGCTTAATTTGTTTTGTA	Canis familiaris
1354244	chromosome	2	175943973	175944011	1	CTGTAGGTTAGGATCAGAGCATGCTTAATTTGTTTTGTA	Homo sapiens
1354244	scaffold	scaffold_100	450662	450700	-1	CTATAGGTTAAGATCAGAGCATGCTTAATTTGTTTTGTA	Takifugu rubripes
1354244	chromosome	10q	3285717	3285756	-1	CTGTAGATCAAAACCAAGCAAGCTATCCTTCTTTTGAA	Ciona intestinalis
1354244	group	groupXVI	9912717	9912755	-1	CTATAGGTTAAGATCAGAGCATGCTTAATTTGTTTTGTA	Gasterosteus aculeatus
1354244	chromosome	21	24461033	24461071	1	CTATAGGTTAAGATCAGAGCATGCTTAATTTGTTTTGTA	Oryzias latipes
1354244	toplevel	9	2264198	2264231	-1	GGTTAAGATCAGAGCGTTTAATTTGTTTTGTA	Danio rerio
1354244	chromosome	2	73909066	73909104	1	CTGTAGGTTAGGATCAAAACATGCTTAATTTGTTTTGTA	Mus musculus
1351246	reflig	reflig_1	386998	387037	1	CGATTTACATATCTGAGTGGTCTTATCCCGTATTAAGAC	Ciona savignyi
1351246	chromosome	28	16355659	16355696	1	AGAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Canis familiaris
1351246	chromosome	10	102404315	102404352	1	AGAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Homo sapiens
1351246	scaffold	scaffold_86	623784	623821	-1	GGAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Takifugu rubripes
1351246	chromosome	3q	2192931	2192970	1	GGATTTATATATCTATCTATGCTTATACCTTATTAAGTA	Ciona intestinalis
1351246	group	groupVI	9677517	9677554	1	GGAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Gasterosteus aculeatus
1351246	chromosome	15	21084005	21084042	-1	GGAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Oryzias latipes
1351246	toplevel	13	29145920	29145956	1	GAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Danio rerio
1351246	chromosome	19	44744799	44744836	1	AGAATTACATCTTATGTCATCATTATGTTATTAAGCG	Mus musculus
1351400	reflig	reflig_17	779609	779657	1	GTTGAGCAGAACCAATAAATCGAGATTACTAAACGAGCGTAACTTAT	Ciona savignyi
1351400	chromosome	22	48663244	48663288	1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Canis familiaris
1351400	chromosome	13	94416959	94417003	1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Homo sapiens
1351400	scaffold	scaffold_103	117034	117078	-1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Takifugu rubripes
1351400	chromosome	2q	123920	123968	1	GCTAAGCAGAACTAAATAAATGAGATTACCAACAGCGGTAACCTCAT	Ciona intestinalis
1351400	group	groupXVI	9268760	9268804	1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Gasterosteus aculeatus
1351400	chromosome	21	25474788	25474832	-1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Oryzias latipes
1351400	toplevel	14	2403023	2403067	-1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Danio rerio
1351400	chromosome	14	118835187	118835231	1	GATAAACAGAGTGGAAAATTAAGATTAATAAATATGGTAATTCAT	Mus musculus
1353136	reflig	reflig_17	593499	593541	-1	AGCAGCAAAATAAACAGCTCGCGGCTTCTCGACGGATTAC	Ciona savignyi
1353136	chromosome	28	41543171	41543217	1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Canis familiaris
1353136	chromosome	10	131584264	131584310	1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Homo sapiens
1353136	scaffold	scaffold_76	482377	482423	1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Takifugu rubripes
1353136	chromosome	2q	2261085	2261127	-1	AGCAGCAAAATAAACAGCTCGCGGCTTCTCGACGGATTAC	Ciona intestinalis
1353136	group	groupVI	11277868	11277914	-1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Gasterosteus aculeatus
1353136	chromosome	15	18875866	18875912	1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Oryzias latipes
1353136	toplevel	12	39082201	39082247	1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Danio rerio
1353136	chromosome	7	144444764	144444810	1	AGCATCAAGCTAATTAACAGTATTATGGCATTTTTGAAGATGAC	Mus musculus
1351602	reflig	reflig_19	4551112	4551157	1	CCAGAGTGGTAATTAACAGTAAAGCTGTCGAGATAGGCGGTTGT	Ciona savignyi
1351602	chromosome	24	4030301	4030347	-1	CTAGCATTTTTATTTCCGGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Canis familiaris
1351602	chromosome	20	22491054	22491100	1	CTAGCATTTTTATTTCCGGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Homo sapiens
1351602	scaffold	scaffold_23	397587	397633	1	CTAGCATTTTTATTTCCAGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Takifugu rubripes
1351602	chromosome	2q	5714214	5714259	1	CCAGAGTGGTAATTAACAGTAAAGCTGTCGAGATTGGCGGTTTT	Ciona intestinalis
1351602	chromosome	22	16034554	16034600	-1	CTAGCATTTTTATTTCCAGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Oryzias latipes
1351602	group	groupXV	3763397	3763443	-1	CTAGCATTTTTATTTCCAGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Gasterosteus aculeatus
1351602	toplevel	17	43835200	43835245	1	CTAGCATTTTTATTTCCGGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Danio rerio
1351602	chromosome	2	147849293	147849339	1	CTAGCATTTTTATTTCCGGCTCCAAGCTGTCAAAGACTGGAGAGTTT	Mus musculus
1353884	reflig	reflig_3	715089	715130	-1	TTACCGGAGGCAAGTGTAGCATTCTGATAGACAGATGATATGATA	Ciona savignyi
1353884	chromosome	20	23876697	23876737	-1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Canis familiaris
1353884	chromosome	3	71237164	71237204	1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Homo sapiens
1353884	scaffold	scaffold_150	614682	614722	1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Takifugu rubripes
1353884	chromosome	4q	3836759	3836800	1	TTACCGGAGGCAAGTGTAGAAATTTGTAGACAGATGAGAAGAGA	Ciona intestinalis
1353884	group	groupXVII	13952214	13952254	-1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Gasterosteus aculeatus
1353884	chromosome	5	4978907	4978947	-1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Oryzias latipes
1353884	toplevel	6	30476483	30476523	1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Danio rerio
1353884	chromosome	6	99018084	99018124	1	TTACCTGGGGCTGCAATCCAATTTGAAGTGATGACAAGAAA	Mus musculus
1353461	reflig	reflig_2	2660465	2660505	1	ATTATTAACGCAAAACACTCCATGATTATTCATGCAC	Ciona savignyi
1353461	chromosome	20	23753056	23753098	-1	ATTGGTTAAAGTTTAAAACAAATACCAATTTTGTAAATGAAC	Canis familiaris
1353461	chromosome	3	71373655	71373697	1	ATTGGTTAAAGTTTAAAACAAATACCAATTTTGTAAATGAAC	Homo sapiens
1353461	scaffold	scaffold_150	646361	646403	1	ATTGGTTAAAGTTTAAAACAAATACCAATTTTGTAAATGAAC	Takifugu rubripes
1353461	chromosome	7q	2134068	2134108	1	ATTATTAAGTCAAACAGTCCATACATTTAATGACC	Ciona intestinalis
1353461	group	groupXVII	13919943	13919985	-1	ATTGGTTAAAGTTGAAAACAAATACGCAATTTTGTAAATGAAC	Gasterosteus aculeatus
1353461	chromosome	5	4935622	4935664	-1	ATTGGTTAAAGTTGAAAACAAATACGCAATTTTGTAAATGAAC	Oryzias latipes
1353461	toplevel	6	30557451	30557493	1	ATTGGTTAAAGTTTAAAACAAATACCAATTTTCCGCTAATGAA	Danio rerio

1353461	chromosome	6	99151773	99151815	1	ATTGGTTAAAGTTTAAACAAATACCAAAATTTTGTATGAAC	Mus musculus
1350669	reflig	reflig_19	4768711	4768752	1	ATTTCTGATGCCGCTTCATTCATTAATATATAATTTTAC	Ciona savignyi
1350669	chromosome	28	31749194	31749237	1	ATTTTGAAGCTAATTCATTTATTAATATATTTAACTCTGAC	Canis familiaris
1350669	chromosome	10	120108127	120108170	1	ATTTTGAAGCTAATTCATTTATTAATATATTTAACTCTGAC	Homo sapiens
1350669	scaffold	scaffold_53	12072000	1207242	1	ATTTTGAAGCTAATTCATTTATTAACCATATTTACTCTGAC	Takifugu rubripes
1350669	chromosome	2q	2592769	2592808	1	ATTTCTGATGCCGTTTCATTCATTAATATTTAATTTTAC	Ciona intestinalis
1350669	group	groupVI	2777620	2777662	1	ATTTTGAAGCTAATTCATTTATTAACCTTTTACTCTGAC	Gasterosteus aculeatus
1350669	chromosome	15	29591064	29591106	-1	ATTTTGAAGCTAATTCATTTATTAACCATATTTACTCTGAC	Oryzias latipes
1350669	toplevel	13	12377980	12378022	1	ATTTTGAAGTAAATTCATTTATTAACCATATTTACGCAGAC	Danio rerio
1350669	chromosome	19	60318892	60318935	1	ATTTTGAAGCTAATTCATTTATTAATATATTTTAACTCTGAC	Mus musculus
1350760	reflig	reflig_7	2698983	2699038	1	TCATTTAAAGATCATTCCCACACTCTTTTGTGGCCATTCCTAAATAAAAAAG	Ciona savignyi
1350760	chromosome	9	60686130	60686184	1	CCATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTCATCCTTAAATCATAATG	Canis familiaris
1350760	chromosome	9	127623969	127624023	-1	CCATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTCATCCTTAAATCATAATG	Homo sapiens
1350760	scaffold	scaffold_18	735412	735466	-1	GCATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTCATCCTTAAATATTAATG	Takifugu rubripes
1350760	chromosome	8q	5309519	5309573	1	GCCTTTAAAGATCATGCCCGCCAGCTTTTGTGGCCATTTAAATAAAGATG	Ciona intestinalis
1350760	group	groupXIII	13550424	13550478	-1	CCATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTTAAATCATAATG	Gasterosteus aculeatus
1350760	chromosome	9	18953891	18953945	-1	CCATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTCATCCTTAAATCATAATG	Oryzias latipes
1350760	toplevel	8	32406200	32406253	-1	CATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTCATCCTTAAATCATAATG	Danio rerio
1350760	chromosome	2	34166373	34166427	1	CCATTTACATATCATAAATTAAGCCCTCTCTCTCATCCTTAAATCATAATG	Mus musculus
1351589	reflig	reflig_1	2385742	2385788	-1	AAACGCTTAATTGAAGCACTTCGCAAAATACGAATAAATTCACG	Ciona savignyi
1351589	chromosome	35	12755250	12755298	1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTAAAGAAATGAAGATCATCTTTATG	Canis familiaris
1351589	chromosome	6	10041536	10041584	1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTAAAGAAATGAAGATCATCTTTATG	Homo sapiens
1351589	scaffold	scaffold_162	406079	406127	-1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTGAGAATGAAGATCATCTTTATG	Takifugu rubripes
1351589	chromosome	3p	1211665	1211711	-1	AAACGGTTAATTGAAGCACTTCGCAAAATACGAATAAATTCATG	Ciona intestinalis
1351589	group	groupXXI	4163046	4163094	1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTGAGAATGAAGATCATCTTTATG	Gasterosteus aculeatus
1351589	chromosome	20	10922008	10922056	1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTGAGAATGAAGATCATCTTTATG	Oryzias latipes
1351589	toplevel	Zv7_NA1854	9969	10017	-1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTGAGAATGAAGATCATCTTTCTG	Danio rerio
1351589	chromosome	13	40376291	40376339	1	AAATTTGTTAAATGAATAAATAGCTAAAGAAATGAAGATCATCTTTATG	Mus musculus
1354247	reflig	reflig_37	1576368	1576415	-1	CATCTCATGTGTTTGTATTGTACTAACTGTTTAAATTTATTTTTTGC	Ciona savignyi
1354247	chromosome	9	26232110	26232155	-1	CAGCTTGATGAACATTCGCGTAATAACCATCTCTTACATACTGC	Canis familiaris
1354247	chromosome	17	34972875	34972920	1	CAGCTTGATGAACATTCGCGTAATAACCATCTCTTACATACTGC	Homo sapiens
1354247	scaffold	scaffold_80	807863	807910	-1	CAGCTTGATGAACGTTGCTGTGAATAACAGCTCATTACATTTCTGC	Takifugu rubripes
1354247	chromosome	10q	3285648	3285695	-1	CATCTCATGTGTTTGTATTGTACTAACTGTTTAAATTTACTTTTTGC	Ciona intestinalis
1354247	group	groupIII	13097907	13097954	-1	CAGCTTGATGAACGTTGCTGTGAATAACAGCTCATTACATTTCTGC	Gasterosteus aculeatus
1354247	chromosome	17	30337117	30337164	1	CAGCTTGATGAACGTTGCTGTGAATAACAGCTCATTACATTTCTGC	Oryzias latipes
1354247	toplevel	24	30905815	30905856	1	GCTTGATGAACGTTGCTGTGAATAACCATCTCTTACATCTTC	Danio rerio
1354247	chromosome	11	98145157	98145202	1	CAGCTTGATGAACATTCGCGTAATAACCATCTCTTACATACTGC	Mus musculus
1354048	reflig	reflig_11	1364624	1364667	-1	CCATTTGTTAGAGAGAAACATCTGCCGCAAGTCGAAAAATCT	Ciona savignyi
1354048	chromosome	27	26837614	26837658	-1	CCATTTTGAACAACAAAAACATCTGGCCATAAATCCTCAATCT	Canis familiaris
1354048	chromosome	12	23608796	23608840	1	CCATTTTGAACAACAAAAACATCTGGCCATAAATCCTCAATCT	Homo sapiens
1354048	scaffold	scaffold_273	146881	146927	-1	CCATTTTTCGAAACAAAAACATCTGGGACCGCAAAATCCTACTAATCT	Takifugu rubripes
1354048	chromosome	3q	990067	990110	1	CCATTTGTTAGAGAAATGGAACATCTGCCGCAAGTCGAAAAATCT	Ciona intestinalis
1354048	chromosome	23	435056	435102	1	CCATTTTTCGAAACAAAAACATCTGGGACCGGAAATCCTCAATCT	Oryzias latipes
1354048	group	groupIV	21316714	21316760	1	CCATTTTCTGAAACAAAAACATCTGGGACCGGAAATCCTACTAATCT	Gasterosteus aculeatus
1354048	toplevel	4	17745693	17745738	1	CCATTTTTCGAAACAAAAACATCTGGGTCGCAAAATCCTACTAATCT	Danio rerio
1354048	chromosome	6	143811414	143811458	1	CCATTTTTCGAAACAAAAACATCTGGGCAATAAATCCTCAATCT	Mus musculus
1353620	reflig	reflig_91	136591	136632	1	CGCGGATGCATTAATTTATCCGATCGAAATTAATAGCGGAA	Ciona savignyi
1353620	chromosome	28	4314319	4314358	-1	CAGTGGTGCAATAAATTAATACATGCATTTAATAACCAAA	Canis familiaris
1353620	chromosome	10	50274953	50274992	-1	CAGTGGTGCAATAAATTAATACACGCATTTAATAACCAAA	Homo sapiens
1353620	scaffold	scaffold_24	782186	782225	-1	CAGCGGTGCAATAAATTAATACGCGCATTTAATAACCAAA	Takifugu rubripes
1353620	chromosome	5q	6140054	6140095	1	CGCGGATGCATTAATTTATCCGATCGAAATTAATAGCGGAA	Ciona intestinalis
1353620	group	groupVI	8143290	8143329	1	CAGTGGTGCAATAAATTAATACGCGCATTTAATAACCAAA	Gasterosteus aculeatus
1353620	chromosome	15	23044696	23044735	-1	CAGTGGTGCAATAAATTAATACGCGCATTTAATAACCAAA	Oryzias latipes
1353620	toplevel	13	30381126	30381165	1	CAGCGGTGCAATAAATTAATACACGCATTTAATAACCAAA	Danio rerio
1353620	chromosome	14	33411708	33411747	1	CAGTGGTGCAATAAATTAATACACGCATTTAATAACCAAA	Mus musculus
1351471	reflig	reflig_54	2554557	2554602	-1	TTATAATTTTCCAGTCGGATCGTAATTTGGCAATTTTCGATTTAA	Ciona savignyi
1351471	chromosome	18	13326135	13326178	1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Canis familiaris
1351471	chromosome	7	39360000	39360043	-1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Homo sapiens
1351471	scaffold	scaffold_223	244943	244986	-1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Takifugu rubripes
1351471	chromosome	12p	1020141	1020185	1	TTATAATTTAAGCGTCGATTCGTAATTTGCCAATTTTCGATTTAA	Ciona intestinalis
1351471	group	groupXXI	9778753	9778796	-1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Gasterosteus aculeatus
1351471	chromosome	20	19212591	19212634	-1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Oryzias latipes
1351471	toplevel	24	9476670	9476713	1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Danio rerio
1351471	chromosome	13	18310798	18310841	1	TTATGATTAATTTGATCAGTAATTTCTCTGTTTTTCATTTTAA	Mus musculus
1354230	reflig	reflig_44	127188	127227	-1	AAAAAACTAATCAAAATCAGACGTCGCGGAAATAGCCG	Ciona savignyi
1354230	chromosome	8	52260396	52260438	1	AAAACTACTCATCCGTGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGAAG	Canis familiaris
1354230	chromosome	14	75807835	75807877	1	AAAACTACTCATCCGTGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGAAG	Homo sapiens
1354230	scaffold	scaffold_193	463775	463817	1	AAAACTACTCGTCATGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGAAG	Takifugu rubripes
1354230	chromosome	10q	3931400	3931439	-1	AAAGTTACTCTAATCGAATCGGAATTTTGGAAATGAGC	Ciona intestinalis
1354230	chromosome	22	13067303	13067345	1	AAAACTACTCGTCATGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGAAG	Oryzias latipes
1354230	group	groupXV	4632056	4632098	-1	AAAACTACTCGTCATGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGAAG	Gasterosteus aculeatus
1354230	toplevel	17	48254278	48254320	-1	AAAACTACTCGTCATGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGCAG	Danio rerio
1354230	chromosome	12	87672243	87672285	1	AAAACTACTCGTCATGTAATCGGAATTTTGGAAATGAGAAG	Mus musculus
1352852	reflig	reflig_0	1543006	1543048	1	TGCCATAATATGATAACTTTCATTTCAATATTTTAAAT	Ciona savignyi
1352852	chromosome	36	19511866	19511904	1	CAACATAATTACAGTAATTTACAGTTTTTATTTCTAAT	Canis familiaris
1352852	chromosome	2	172664863	172664901	1	CAACATAATTACAGTAATTTACAGTTTTTATTTCTAAT	Homo sapiens
1352852	scaffold	scaffold_100	686189	686227	-1	CACCATAATTACAGTCATTTCCGCCCTATTTATTCTAAT	Takifugu rubripes
1352852	chromosome	10q	2073875	2073914	-1	TACTATAATTGATACITTCATTTCAATTTGTTTTTAAAT	Ciona intestinalis
1352852	chromosome	21	24081705	24081744	1	CAGCATAATTACAGTAATTTCCGCCCTATTTATTCTAAT	Oryzias latipes
1352852	group	groupXVI	10184891	10184929	-1	CAGCATAATTACAGTAATTTCCGCCCTATTTATTCTAAT	Gasterosteus aculeatus
1352852	toplevel	9	3016860	3016895	-1	CATAATTACAGTCATTTCCCTCTTACTTATTCTAAT	Danio rerio
1352852	chromosome	2	71374184	71374222	1	CAACATAATTACAGTAATTTACAGTTTTTATTTCTAAT	Mus musculus
1350630	reflig	reflig_251	78343	78384	1	GAAACCCAGTCCATTAAGCTGCGAAATAAAACACTCC	Ciona savignyi
1350630	chromosome	22	28450408	28450449	1	GAAAAATCAATTTCAATTTAAATTTTGGAAATAAAGAACCC	Canis familiaris
1350630	chromosome	13	70692018	70692059	1	GAAAAATCAATTTCAATTTAAATTTTGGAAATAAAGAACCC	Homo sapiens
1350630	scaffold	scaffold_31	459313	459354	-1	GAAAAATCAATTTCAATTTAAATTTTGGAAATAAAGAACCTCC	Takifugu rubripes
1350630	chromosome	2q	4248493	4248534	1	GAAACCCAGTCCCAATTAAGCTGCGAAATAAAACACTCC	Ciona intestinalis
1350630	chromosome	21	9415011	9415052	1	GAAAAATCAATTTCAATTTAAATTTTGGAAATAAAGAACCTCC	Oryzias latipes
1350630	group	groupXVI	2768044	2768085	-1	GAAAAATCAATTTCCCAATTTAAATTTTGGAAATAAAGAACCTCC	Gasterosteus aculeatus
1350630	toplevel	9	25016473	25016514	-1	GAAAAATCAATTTCAATTTAAATTTTGGAAATAAAGAACCTCC	Danio rerio

1350630 chromosome	14	97959671	97959712	1	GAAAAATCAAGTTCCAATTTAAATATTGGAATAAAGAACACC	Mus musculus
1352726 reftig	refitg_107	254400	254442	1	CATGGATCCAGTACACATCCGTGACTAAACATGTAACCGTT	Ciona savignyi
1352726 chromosome	28	41540721	41540762	1	CATACATAATGTACAACCTCTCCATTTAATATGCAAAATTTT	Canis familiaris
1352726 chromosome	10	131581626	131581667	1	CATACATAATGTACAACCTCCCTCAATTAATATGCAAAATTTT	Homo sapiens
1352726 scaffold	scaffold_76	480556	480597	1	CATGCATAATGCACAACCTCCCTCAATTAATATGCAAAATTTT	Takifugu rubripes
1352726 chromosome	3p	3792072	3792114	-1	CATGGATCATAGTACTCCATCCGTGACTAAACATGCAAAACTT	Ciona intestinalis
1352726 group	groupVI	11279767	11279808	-1	CATGCATAATGCACAACCTCCCTCAATTAATATGCAAAATTTT	Gasterosteus aculeatus
1352726 chromosome	15	18874023	18874064	1	CATGCATAATGCACAACCTCCCTCAATTAATATGCAAAATTTT	Oryzias latipes
1352726 toplevel	12	39079416	39079457	1	CATGCATAATGTACAACCTCCCTCAATTAATATGCAAAATTTT	Danio rerio
1352726 chromosome	7	144442287	144442328	1	CATACATAATGTACAACCTCCCTCAATTAATATGCAAAATTTT	Mus musculus
1350233 reftig	refitg_37	1557639	1557685	-1	TCAGTTGATTTAACACATATCATGCATGTTGGAATAGACTAGTTTAT	Ciona savignyi
1350233 chromosome	14	46790568	46790613	1	ATTAACCTAATTAACAAATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGA	Canis familiaris
1350233 chromosome	7	31241117	31241162	1	ATTAACCTAATTAACAAATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGA	Homo sapiens
1350233 scaffold	scaffold_29	1341496	1341541	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGCCTATTAA	Takifugu rubripes
1350233 chromosome	10q	3268625	3268670	-1	ATCAGTTGATTTAACTCAATAATGCATGTTGACTAGCCTAGTAC	Ciona intestinalis
1350233 chromosome	19	8639464	8639509	1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGCCTATTAA	Oryzias latipes
1350233 group	groupV	8010973	8011018	-1	ATTAACCTAATTAACAAATTCACATGCATATTCATCAGCCTATTAA	Gasterosteus aculeatus
1350233 toplevel	24	30905753	30905796	1	ATTAACCTAATTAACAAATTTGCATGCATATTCATCAAGCTATT	Danio rerio
1350233 chromosome	6	55529744	55529789	1	ATTAACCTAATTAACAAATTTGCATGCATATTCATCAGGCTATTGA	Mus musculus
1351312 reftig	refitg_76	1552314	1552356	1	TACTTTTCAACAAGGGCTTATGTATTAATATAGGGCTAACGG	Ciona savignyi
1351312 chromosome	22	28924479	28924524	1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Canis familiaris
1351312 chromosome	13	71199271	71199316	1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Homo sapiens
1351312 scaffold	scaffold_31	409139	409184	-1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Takifugu rubripes
1351312 chromosome	14p	2664996	2665041	-1	TACTTAATAAACATTTGCTGATGATTTCAATAGGGCTTAGGTAGGT	Ciona intestinalis
1351312 chromosome	21	9487996	9488041	1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Oryzias latipes
1351312 group	groupXVI	2722516	2722561	-1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Gasterosteus aculeatus
1351312 toplevel	9	24892413	24892458	-1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Danio rerio
1351312 chromosome	14	98446266	98446311	1	TATTTAAATAAAATCTAATCCTGCATTTAAGGCTCACATAAAT	Mus musculus
1352396 reftig	refitg_4	860590	860630	-1	AACCGTATTAATGATTAATTTGACGGGATTCAGAAAGATT	Ciona savignyi
1352396 chromosome	9	61018620	61018661	1	AGCGGTTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCAAGAAGATT	Canis familiaris
1352396 chromosome	9	127265186	127265227	-1	AGCGGTTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCAAGAAGATT	Homo sapiens
1352396 scaffold	scaffold_18	681409	681450	-1	AGCGGTTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCATGAAGATT	Takifugu rubripes
1352396 chromosome	9q	3328232	3328272	1	AGCGGTAAATGATTAATTTGACGGGATTCACAGCAGATT	Ciona intestinalis
1352396 group	groupXIII	13493160	13493201	-1	AGCGGTTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCATGAAGATT	Gasterosteus aculeatus
1352396 chromosome	9	18878489	18878530	-1	AGCGGTTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCATGAAGATT	Oryzias latipes
1352396 toplevel	8	33596413	33596454	-1	AGCGGTTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCATGAAGATT	Danio rerio
1352396 chromosome	2	34457822	34457863	1	AACGGTCTGCATGACTAGTTAAAGAAAGTGGCAAGAAGATT	Mus musculus
1350574 reftig	refitg_24	407659	407705	1	ATTAGCGTGCATATCAAGCCCGCAATTCACCTCACCCGCAACCC	Ciona savignyi
1350574 chromosome	9	26232151	26232197	-1	ATTCACATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Canis familiaris
1350574 chromosome	17	34972833	34972879	1	ATTCACATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Homo sapiens
1350574 scaffold	scaffold_15	1667399	1667445	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Takifugu rubripes
1350574 chromosome	8q	4493614	4493660	1	ATTAGCGTGCATATTCAGGCGGCAATTAACGCTCTCACCCGACGGCT	Ciona intestinalis
1350574 group	groupXI	6132226	6132272	1	ATTCACATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Gasterosteus aculeatus
1350574 chromosome	8	5817555	5817601	-1	ATTCACATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Oryzias latipes
1350574 toplevel	24	30905770	30905807	1	ATTTGCATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Danio rerio
1350574 chromosome	11	98145115	98145161	1	ATTCACATGCATATTCATCAGGCTAATTAATGCTCTCCGCTCAGCT	Mus musculus
1350574 reftig	refitg_91	136575	136628	1	GACAAAGTTAGTAATGCGCGGATGCATTTATTTCCCGTCGAAATTAATAGC	Ciona savignyi
1353622 chromosome	35	12689535	12689590	1	GGCAGGATTACTGATGCAGGACAGCCAGTTATTAACACACTTAAATTAACGC	Canis familiaris
1353622 chromosome	6	9949969	9950024	1	GGCAGGATTACTGATGCAGGACAGGATGAGTTATTAACACACTTAAATTAACGC	Homo sapiens
1353622 scaffold	scaffold_162	415504	415559	-1	GGCAGGATTACTGATGCAGGACAGCTTATTAATTAACACACTTAAATTAACGC	Takifugu rubripes
1353622 chromosome	5q	6140038	6140091	1	GACAAAGTTAGTAATGCGGCGATGCATTTATTTCCGATCGAAATTAATAGC	Ciona intestinalis
1353622 chromosome	20	10910398	10910453	1	GGCAGGATTACTGATGCAGGCTGCCTTAGTTATTAACACGTTCTAGATTAATGC	Oryzias latipes
1353622 group	groupXXI	4151730	4151785	1	GGCAGGATTACTGATGCAGGCTGCCTTAGTTATTAACACGTTCTAAATTAATGC	Gasterosteus aculeatus
1353622 toplevel	Zv7_NA1854	33300	33355	-1	GGCAGGATTACTGATGCAGGACAGGCTTATTAATTAACACGTTCTAAATTAATGC	Danio rerio
1353622 chromosome	13	40303388	40303443	1	GGCAGGATTACTGATGCAGGACAGGATTTAATTAACACACTTAAATTAACGC	Mus musculus
1350521 reftig	refitg_25	92564	92611	1	AAGCGAGGCGAAGCTGTCAGGACACCGTGAAGTTTATGACGGTTT	Ciona savignyi
1350521 chromosome	28	35639135	35639183	1	GCAGAAAGCGAAGCTGTTATGACACTAGAAATGCTTTATTGATAGCTT	Canis familiaris
1350521 chromosome	10	124842785	124842833	1	GCAGAAAGCGAAGCTGTTATGACACTAGAAATGCTTTATTGATAGCTT	Homo sapiens
1350521 scaffold	scaffold_76	12954	13002	1	AAGAAAGCGGGGCTGTTATGACACAGGAATGCTTTATTGATGGTCT	Takifugu rubripes
1350521 chromosome	7q	835035	835082	1	AAGCAGGCGGAGCTGTCAGGACACCGTGAAGTTTATTGACGGTTT	Ciona intestinalis
1350521 group	groupVI	11858194	11858242	-1	AGGAAAGCGGAGCTGTTATGACACAGAAATGCTTTATTGATGGTCT	Gasterosteus aculeatus
1350521 chromosome	15	18106550	18106598	1	AGGAAAGCGGAGCTGTTATGACACAGAAATGCTTTATTGATGGTCT	Oryzias latipes
1350521 toplevel	17	23310692	23310737	1	AAAAGCGCTGCTGTTATGACACAGAAATGCTTTATTGATGGTCT	Danio rerio
1350521 chromosome	7	138641154	138641202	1	GCAGAAAGCGAAGCTGTTATGACACTAGAAATGCTTTATTGATAGCTT	Mus musculus
1354250 reftig	refitg_37	1576368	1576415	-1	CATCTCATGTGTTGTTATTTACTAATCTGTTAAATTTATTTTTTGC	Ciona savignyi
1354250 chromosome	14	46790627	46790672	1	CAGCTTGATGAGCGCTGGTGTAAATTTGCTCATTACATTCTGC	Canis familiaris
1354250 chromosome	7	31241176	31241221	1	CAGCTTGATGAGCGCTGGTGTAAATTTGCTCATTACATTCTGC	Homo sapiens
1354250 scaffold	scaffold_80	807863	807910	-1	CAGCTTGATGAGCGCTGGTGTAAATTTGCTCATTACATTCTGC	Takifugu rubripes
1354250 chromosome	10q	3285648	3285695	-1	CATCTCATGTGTTGTTATTTACTAATCTGTTAAATTTACTTTTTGC	Ciona intestinalis
1354250 group	groupIII	13097907	13097954	-1	CAGCTTGATGAGCGCTGGTGTAAATTTGCTCATTACATTCTGC	Gasterosteus aculeatus
1354250 chromosome	17	30337117	30337164	1	CAGCTTGATGAGCGCTGGTGTAAATTTGCTCATTACATTCTGC	Oryzias latipes
1354250 toplevel	24	30905815	30905856	1	GCTTGATGAGCGCTGGGCAATTAACACTCTCATTACATTCTGC	Danio rerio
1354250 chromosome	6	55529803	55529848	1	CAGCTTGATGAGCGCTGGTGTAAATTTGCTCATTACATTCTGC	Mus musculus
1350641 reftig	refitg_281	63299	63343	-1	ACTAGTTTAAATTAATAGTGAAGGGGACGGCTGATATGACTTTTG	Ciona savignyi
1350641 chromosome	21	34974184	34974225	1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Canis familiaris
1350641 chromosome	11	8261492	8261533	1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Homo sapiens
1350641 scaffold	scaffold_14	107585	107626	1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Takifugu rubripes
1350641 chromosome	1q	3817791	3817832	-1	AAACAGCTAATTAATAATGAGCGGAGTGGTTTGTACTTTTG	Ciona intestinalis
1350641 group	groupII	9881032	9881073	1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Gasterosteus aculeatus
1350641 chromosome	3	18032048	18032089	1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Oryzias latipes
1350641 toplevel	7	23643819	23643860	-1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Danio rerio
1350641 chromosome	7	116335097	116335138	1	AAACAGCTAATTAATAATGACACAGTTCCTAATTAAGTCTCTTG	Mus musculus
1352078 reftig	refitg_1	2388734	2388775	1	CTGCAAGTGTTCCTCTCTCTTTGGGCTAATTTGGCCGT	Ciona savignyi
1352078 chromosome	5	49869341	49869383	-1	GTGGAATGTTCAATCAGTCTCTCTGTTGGAAAGTTAGGTCAT	Canis familiaris
1352078 chromosome	1	63513280	63513322	1	GTGGAATGTTCAATCAGTCTCTCTGTTGGAAAGTTAGGTCAT	Homo sapiens
1352078 scaffold	scaffold_55	1001151	1001194	1	TTGAAAGTGTTCATCAGCCTCTCTGTTGGAAAGTTAGGTCAT	Takifugu rubripes
1352078 chromosome	3p	1214858	1214898	1	TTGCAAGTGTTCCTCTCTCTGTTGGCTAATTTAGCCGT	Ciona intestinalis
1352078 group	groupVIII	7693293	7693336	1	TTGAAAGTGTTCATCAGCCTCTCTGTTGGAAAGTTAGGTCAT	Gasterosteus aculeatus
1352078 chromosome	4	17178575	17178616	-1	TTGAAAGTGTTCATCAGCCTCTCTGTTGGAAAGTTAGGTCAT	Oryzias latipes
1352078 toplevel	6	17362409	17362443	-1	TTCAATCAGCCATCTCTGTTGGAAAGTTAGGTCAT	Danio rerio



1352078	chromosome	4	99291517	99291559	1	GTGGAATGTTCAATCAGTCTCTCGTGGGAAAGTTAGTTCAT	Mus musculus
1350509	reflig	reflig_1398	49458	49506	1	GCAGGTCTACGAATAATAATTTTTATTACGACCTAACGCTGCCAAAT	Ciona savignyi
1350509	chromosome	24	4030314	4030363	-1	TCTCTCCCGGAGAAGTACGATTTTTTTTCGGCTCCAAGCTGTCAAAG	Canis familiaris
1350509	chromosome	20	22491038	22491087	1	TCTCTCCCGGAGAAGTACGATTTTTTTTCGGCTCCAAGCTGTCAAAG	Homo sapiens
1350509	scaffold	scaffold_23	397511	397620	1	GCCGTCCCGGAGAAGTACGATTTTTTTTCAGCTCCAAGCTGTCAAAG	Takifugu rubripes
1350509	chromosome	4q	2982561	2982610	1	GCAGGTCCAGAGGTAATAATTTTTATTACGACCTACCGTGTCCAAAG	Ciona intestinalis
1350509	chromosome	22	16034567	16034616	-1	GCCGTCCCGGAGAAGTACGATTTTTTTTCAGCTCCAAGCTGTCAAAG	Oryzias latipes
1350509	group	groupXV	3763410	3763459	-1	GCCGTCCCGGAGAAGTACGATTTTTTTTCAGCTCCAAGCTGTCAAAG	Gasterosteus aculeatus
1350509	toplevel	17	43835184	43835233	1	GCTGTCCCGGAGAAGTACGATTTTTGATTGGGCTCCAAGCTGTCAAAG	Danio rerio
1350509	chromosome	2	147849277	147849326	1	CCTCTCCCGGAGAAGTACGATTTTTTTTCGGCTCCAAGCTGTCAAAG	Mus musculus
1353043	reflig	reflig_9	2687423	2687464	-1	ACGTCTCAAGGGCGGATGTTTCTGTGTTTTTCAAAGGA	Ciona savignyi
1353043	chromosome	21	42373604	42373643	1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Canis familiaris
1353043	chromosome	11	16418398	16418437	1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Homo sapiens
1353043	scaffold	scaffold_1	7074174	7074213	-1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Takifugu rubripes
1353043	chromosome	12q	1232583	1232624	-1	ACATCTCAAGAGCGATTAATTTCTGTGTTTTTCGAAAGCA	Ciona intestinalis
1353043	group	groupII	9529667	9529706	-1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Gasterosteus aculeatus
1353043	chromosome	3	17575150	17575189	-1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Oryzias latipes
1353043	toplevel	7	18348817	18348856	-1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Danio rerio
1353043	chromosome	7	123048420	123048459	1	ACATGTCAGGAAGAATTAATTTCTCATTTTTCAAAGGA	Mus musculus
1353401	reflig	reflig_442	30988	31038	-1	AGCGCAAGCGAACAATAAAACCAGAGGCCCTTCGATCAATTTGGGAAC	Ciona savignyi
1353401	chromosome	9	55078440	55078486	1	AGTGTAAAAGACCATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Canis familiaris
1353401	chromosome	9	134421880	134421926	-1	AGTGTAAAAGACCATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Homo sapiens
1353401	scaffold	scaffold_370	139872	139919	1	AGCGCAAGAGACCATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Takifugu rubripes
1353401	chromosome	4q	3157340	3157390	1	AGCGCAAGTGAACAATAAAACCAGAGGCCCTTCGATCAATTTGGGAAC	Ciona intestinalis
1353401	group	groupXIV	11480608	11480655	1	AGCGCAAGAGACCATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Gasterosteus aculeatus
1353401	chromosome	12	23386947	23386994	-1	AGCGCAAGAGACCATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Oryzias latipes
1353401	toplevel	Zv7_NA1231	2678	2725	1	AGCGCAAAACACCAATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Danio rerio
1353401	chromosome	2	28799763	28799809	1	AGCGTAAAAGACCATAAAAAACAGCCATTTTGATTTAATGGAGGC	Mus musculus
1352459	reflig	reflig_44	406049	406091	-1	TGCAATCTCCAATCGAAGGTCATTAAGTTGCGATTACGGTTT	Ciona savignyi
1352459	chromosome	20	23764386	23764430	-1	AGCAATCCCAACTGATTAGGGTCATTATGTTGGAGTCTGATT	Canis familiaris
1352459	chromosome	3	71360446	71360490	1	AGCAATCCCAACTGATTAGGGTCATTATGTTGGAGTCTGATT	Homo sapiens
1352459	scaffold	scaffold_150	645195	645239	1	TGCAATCCCAACTGATTAGGGTCATTATGTTGGGGCCTGATT	Takifugu rubripes
1352459	chromosome	10p	1051647	1051688	1	TGCAATCCCAACTCGAAGGTCATTAAGTTGATTATGATT	Ciona intestinalis
1352459	group	groupXVII	13921134	13921178	-1	TGCAATCCCGACTGATTAGGGTCATTATGCTGGAGGCTGATT	Gasterosteus aculeatus
1352459	chromosome	5	4936916	4936960	-1	TGCAATCCCAACTGATTAGGGTCATTATGTTGGAGACCTGATT	Oryzias latipes
1352459	toplevel	6	30555542	30555586	1	TGCAATCCCAAGCTGATTAGGGTCATTATGTTGAAACCTGATT	Danio rerio
1352459	chromosome	6	99140100	99140144	1	AGCAATCCCAACTGATTAGGGTCATTATGTTGGAGTCTGATT	Mus musculus
1349895	reflig	reflig_19	1631855	1631891	-1	AGCCATTGTTGCAATGAATGTTTAAAAGTAGAGCTG	Ciona savignyi
1349895	chromosome	14	58039598	58039638	1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATAGGGCAA	Canis familiaris
1349895	chromosome	7	115511206	115511246	1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATAGGGCAA	Homo sapiens
1349895	scaffold	scaffold_8	2912215	2912255	-1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATAGGGCAA	Takifugu rubripes
1349895	scaffold	scaffold_165	50421	50460	-1	GCCCATTTTGGGAATGAATGATTAAAGTAGAAAGCCAA	Ciona intestinalis
1349895	group	groupIV	18850244	18850284	-1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATAGGGCAA	Gasterosteus aculeatus
1349895	chromosome	23	4097243	4097283	-1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATAGGGCAA	Oryzias latipes
1349895	toplevel	4	4555329	4555365	-1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATGGG	Danio rerio
1349895	chromosome	6	16892609	16892649	1	ACCCATTATTTGAGTCAATGAATGAAAGAAATGGGGCAA	Mus musculus
1352581	reflig	reflig_51	560857	560897	-1	GCATTAGACTATTCAATATCCGCGCATGATTATCTGTCT	Ciona savignyi
1352581	chromosome	22	48663316	48663356	1	CCTATTATGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Canis familiaris
1352581	chromosome	13	94417031	94417071	1	CCTATTATGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Homo sapiens
1352581	scaffold	scaffold_103	116966	117006	-1	CCTATTATGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Takifugu rubripes
1352581	chromosome	1p	3888638	3888678	1	CCATTAGACTATTCAATATCCAGAATTGATTTCCTGCTT	Ciona intestinalis
1352581	group	groupXVI	9268832	9268872	1	CCATTATGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Gasterosteus aculeatus
1352581	chromosome	21	25474720	25474760	-1	CCATTATGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Oryzias latipes
1352581	toplevel	14	24022963	2403002	-1	CCATTATGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Danio rerio
1352581	chromosome	14	118835259	118835299	1	CCTATTGCTATTGATTACCTCTGAATCAATTTCTTT	Mus musculus
1354063	reflig	reflig_27	1807239	1807280	1	TTTTCCATTCATCCCGAAATTCGATACCAGCAAAAGGAT	Ciona savignyi
1354063	chromosome	23	54812057	54812098	1	TTTATTCATTCAGCAACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Canis familiaris
1354063	chromosome	3	159586264	159586305	1	TTTATTCATTCAGCAACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Homo sapiens
1354063	scaffold	scaffold_9	1559686	1559727	1	TTTTCCATTCACACACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Takifugu rubripes
1354063	chromosome	1q	4868349	4868390	1	TTTTCCATTCATTCCTGAAATTTTGATACACATAACGGAT	Ciona intestinalis
1354063	group	groupI	8743966	8744007	-1	TTTTCCATTCACACACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Gasterosteus aculeatus
1354063	chromosome	13	14853708	14853749	1	TTTTCCATTCACACACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Oryzias latipes
1354063	toplevel	15	1703998	1704034	1	CTTATTCAGAACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Danio rerio
1354063	chromosome	3	67025697	67025738	1	TTTATTCATTCAGCAACCTGATATCTTTCCCAATAACAAAT	Mus musculus
1351455	reflig	reflig_37	779903	779944	1	CGCTTGAGTGATTAATAATGATGAGAAATACACGTGTGCA	Ciona savignyi
1351455	chromosome	18	10957628	10957669	1	CAGGCCCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Canis familiaris
1351455	chromosome	7	42069017	42069058	-1	CAGGCACCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Homo sapiens
1351455	scaffold	scaffold_210	267537	267578	1	CAGTCACCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Takifugu rubripes
1351455	chromosome	10q	2874004	2874045	1	CGGTGAGTGAATAAAAAATGCAATGATGACACGTGTGCA	Ciona intestinalis
1351455	chromosome	20	20093330	20093371	1	CAGTCACCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Oryzias latipes
1351455	group	groupXXI	10302411	10302452	1	CAGTCACCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Gasterosteus aculeatus
1351455	toplevel	24	8043918	8043959	1	CAGTCACCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Danio rerio
1351455	chromosome	13	15719956	15719997	1	CAGGCACCTGAAATGAAATATTCAGTCATACCAATATTGCA	Mus musculus
1351796	reflig	reflig_19	4546288	4546330	-1	ACCGTATGGCAATCAAAATTCGAGCAATAGGTTCCCGGTG	Ciona savignyi
1351796	chromosome	8	38468231	38468273	1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Canis familiaris
1351796	chromosome	14	59893305	59893347	1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Homo sapiens
1351796	scaffold	scaffold_88	448826	448868	1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Takifugu rubripes
1351796	chromosome	2q	5709046	5709088	-1	ACCATGATGGCAATCAAAATTCAGCAATAGGTTCCCGGTG	Ciona intestinalis
1351796	group	groupXV	5684201	5684243	1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Gasterosteus aculeatus
1351796	chromosome	22	11736985	11737027	-1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Oryzias latipes
1351796	toplevel	20	22443751	22443792	1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Danio rerio
1351796	chromosome	12	73955377	73955419	1	ATTATGATGCTAATCTCAATACAGCAATGTTTCTCTGTG	Mus musculus
1349840	reflig	reflig_19	4171779	4171822	1	ACGGAACAATGATGACAGATCTGTTTCTGATTAGAAACAT	Ciona savignyi
1349840	chromosome	28	35856826	35856869	1	ACCATATTGATGCTAGATGTTATTATGGGTGATTACAAACAA	Canis familiaris
1349840	chromosome	10	125098931	125098974	1	ACCATATTGATGCTAGATGTTATTATGGGTGATTACAAACAA	Homo sapiens
1349840	scaffold	scaffold_76	45436	45479	1	ACCATACTGATGCTGGATGTTATTATGGGTGATTACAAACAA	Takifugu rubripes
1349840	chromosome	2q	296974	297017	1	ACTGAACAGTACTGAATACTATTGTTCTGATTATAAAACAT	Ciona intestinalis
1349840	group	groupVI	11810008	11810051	-1	ACCATACTGATGCTGGATGTTATTATGGGTGATTACAAACAA	Gasterosteus aculeatus
1349840	chromosome	15	18166911	18166954	1	ACCATACTGATGCTGGATGTTATTATGGGTGATTACAAACAA	Oryzias latipes
1349840	toplevel	17	23393306	23393349	1	ACCATACTGATGCTAGATGTTATTATGGGTGATTACAAACAA	Danio rerio

1349840	chromosome	7	138904889	138904932	1	ACCATATTGATGCTAGATGTTTATTGGGTGATTATCAAAACAA	Mus musculus
1352890	reflig	16	1755769	1755818	-1	ATTTTCACAGCAATTTAAGTCGATTATTTCAAAAACCTATGATAACCG	Ciona savignyi
1352890	chromosome	36	2083827	2083876	1	GTTTTATAAAGCTTCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Canis familiaris
1352890	chromosome	2	174226402	174226451	1	GTTTTATAAAGCTTCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Homo sapiens
1352890	scaffold	scaffold_100	578408	578457	-1	GTTTTACAGAGCTGCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Takifugu rubripes
1352890	scaffold	scaffold_47	801565	801613	1	ATTTTCACAGCAATTTAAGTCGTTTATTTCAAAAACCTATGATCAGCA	Ciona intestinalis
1352890	group	groupXVI	10063392	10063441	-1	GTTTTCATAGAGCTGCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Gasterosteus aculeatus
1352890	chromosome	21	24248208	24248257	1	GTTTTCATAGAGCTGCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Oryzias latipes
1352890	toplevel	9	3567343	3567392	1	GTTTTCATAGAGCTGCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Danio rerio
1352890	chromosome	2	72546377	72546426	1	GTTTTATAAAGCTTCAGTCAATTTATTTATTTTCTAATGAAGAGCA	Mus musculus
1349788	reflig	reflig_140	599562	599601	1	AATCAAAATTGTAGCAATAGGTCGGTTTCTACTTAAGA	Ciona savignyi
1349788	chromosome	34	13755116	13755158	1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCA	Canis familiaris
1349788	chromosome	5	2165797	2165839	-1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCA	Homo sapiens
1349788	scaffold	scaffold_22	324242	324284	-1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCG	Takifugu rubripes
1349788	chromosome	9q	2651972	2652012	1	TATCAAAATTGTAGTATTAGCTACGGTTTCTACTTAACG	Ciona intestinalis
1349788	group	groupXX	6765725	6765767	-1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCG	Gasterosteus aculeatus
1349788	chromosome	16	8806192	8806234	1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCG	Oryzias latipes
1349788	toplevel	16	15191609	15191651	1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCG	Danio rerio
1349788	chromosome	13	73254662	73254704	1	TGTAAGATTGTAATTAACAAGCTTCGTTGGTTTGTCTACTTATCA	Mus musculus
1351415	reflig	reflig_1	2384555	2384600	-1	TGTGAGACACATAGAGGTTGTTGGTCTGTTGATTGGGTCATTG	Ciona savignyi
1351415	chromosome	2	67434669	67434712	-1	TGTCAGAACCATTTAAATGATTAGAGTTAAATTAATCAATG	Canis familiaris
1351415	chromosome	16	49406584	49406627	1	TGTCAGAACCATTTAAATGATTAGAGTTAAATTAATCAATG	Homo sapiens
1351415	scaffold	scaffold_28	636778	636821	1	TGTCAGAACCATTTAAATGATTGGTGGTTAAATGAATCAATG	Takifugu rubripes
1351415	chromosome	3p	1210514	1210558	-1	TGTGAGACACCTCAGTATTGATTGGTGGTTGTTGATCGTCATTG	Ciona intestinalis
1351415	chromosome	3	29411034	29411077	-1	TGTCAGAACCCTTGAATGATTGGTGGTTAAATGAATCAATG	Oryzias latipes
1351415	group	groupII	17841812	17841855	-1	TGTCAGAACCCTTGAATGATTGGTGGTTAAATGAATCAATG	Gasterosteus aculeatus
1351415	toplevel	7	25949764	25949807	1	TGTCAGAACCCTTGAATGATTGGTGGTTAAATGAATCAATG	Danio rerio
1351415	chromosome	8	91282513	91282556	1	TGTCAGAACCCTTGAATGATTAGAGTTAAATTAATCAATG	Mus musculus
1350078	reflig	reflig_13	1886336	1886392	1	CGTATGCAATTAATAAAGATTGCATAAATAAATGAGGTCAGGTCATTATTA	Ciona savignyi
1350078	chromosome	36	22568347	22568402	1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Canis familiaris
1350078	chromosome	2	176259820	176259875	1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Homo sapiens
1350078	scaffold	scaffold_100	413208	413263	-1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Takifugu rubripes
1350078	scaffold	scaffold_78	503963	504018	-1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Ciona intestinalis
1350078	group	groupXVI	9873778	9873833	-1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Gasterosteus aculeatus
1350078	chromosome	21	24507871	24507926	1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Oryzias latipes
1350078	toplevel	9	2108397	2108452	-1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Danio rerio
1350078	chromosome	2	74135161	74135216	1	GCTTATGCAAGTAATAAATTAACCTCCATTACACTTTGTGTTACTTCTTAA	Mus musculus
1352850	reflig	reflig_0	1542740	1542781	-1	GGAAGGATAAATGCTTCTTTCTCATTAAAATTTGAATT	Ciona savignyi
1352850	chromosome	14	56795951	56795994	1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Canis familiaris
1352850	chromosome	7	114088225	114088268	1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Homo sapiens
1352850	scaffold	scaffold_8	3086025	3086068	-1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Takifugu rubripes
1352850	chromosome	10q	2074152	2074196	1	GCAAGTATAATAAATTAATGATCCTTCGCTCATTAAAATTTGAATT	Ciona intestinalis
1352850	group	groupIV	19051017	19051060	-1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Gasterosteus aculeatus
1352850	chromosome	23	4508793	4508836	-1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Oryzias latipes
1352850	toplevel	4	40363392	40363435	1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Danio rerio
1352850	chromosome	6	15362637	15362680	1	GCATGCATAATAAACTGCTCATTGTCTAATAATTAATAAAT	Mus musculus
1351498	reflig	reflig_54	608934	608981	1	TGGCTATTGACGCTCAATAATCGCTTAGTTACAGCAGCAACGCA	Ciona savignyi
1351498	chromosome	1	84620005	84620054	1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Canis familiaris
1351498	chromosome	9	78817732	78817781	-1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Homo sapiens
1351498	scaffold	scaffold_11	32709	32758	-1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Takifugu rubripes
1351498	chromosome	12q	1876129	1876178	-1	TGGCTATTACGCTCAATAAATCGCTAGTTACAGCAGCTCGACGCAAA	Ciona intestinalis
1351498	chromosome	9	11248905	11248954	1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Oryzias latipes
1351498	group	groupXIII	8011765	8011814	1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Gasterosteus aculeatus
1351498	toplevel	23	44469813	44469862	1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Danio rerio
1351498	chromosome	19	16954333	16954382	1	TGACTAATTACATAAATTAATCTCATTAAATTTACAGCACATCAATATAAA	Mus musculus
1350225	reflig	reflig_60	320895	320938	-1	TCTGTAGCAGTGAGCTGATTATACACGTTAAAAGTTGTTACCG	Ciona savignyi
1350225	chromosome	12	13260110	13260152	-1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Canis familiaris
1350225	chromosome	6	41638055	41638097	-1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Homo sapiens
1350225	scaffold	scaffold_79	142417	142459	1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Takifugu rubripes
1350225	chromosome	5q	5655761	5655804	-1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Ciona intestinalis
1350225	chromosome	5	28991792	28991834	-1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Oryzias latipes
1350225	scaffold	scaffold_27	474552	474594	1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Gasterosteus aculeatus
1350225	toplevel	11	19748804	19748846	1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Danio rerio
1350225	chromosome	17	48044904	48044946	1	TTTGCATGCTTGAGATTATATGCAATTTGAAAAGTCAATTCGCG	Mus musculus
1351292	reflig	reflig_49	2528319	2528364	-1	GTAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Ciona savignyi
1351292	chromosome	20	23876683	23876725	-1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Canis familiaris
1351292	chromosome	3	71237176	71237218	1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Homo sapiens
1351292	scaffold	scaffold_150	614694	614736	1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Takifugu rubripes
1351292	chromosome	14p	2196833	2196875	-1	GTAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Ciona intestinalis
1351292	group	groupXVII	13952200	13952242	-1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Gasterosteus aculeatus
1351292	chromosome	5	4978893	4978935	-1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Oryzias latipes
1351292	toplevel	6	30476495	30476537	1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Danio rerio
1351292	chromosome	6	99018096	99018138	1	GCAATCCAATTTGAAGTATGATGCAAGAAAGTATTCCTGGGACA	Mus musculus
1354042	reflig	reflig_1	2897205	2897247	1	AACAATGTTTTGTTTGGATGGATGTTATCTGTTTGGTTCCG	Ciona savignyi
1354042	chromosome	4	29078477	29078519	1	AGCAAAGGGCCGCTGACAGGGATTATTTATTTTGTGCATC	Canis familiaris
1354042	chromosome	10	77137866	77137908	1	AGCAAAGGGCCGCTGACAGGGATTATTTATTTTGTGCATC	Homo sapiens
1354042	scaffold	scaffold_59	1359246	1359288	-1	AGCAAAGGGCCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTTGTGCATG	Takifugu rubripes
1354042	chromosome	3q	3293648	3293690	-1	AACAATGTTTTGTTTGGATGGATGTTATCTGTTTGGTTCCG	Ciona intestinalis
1354042	group	groupV	369916	369958	1	AGCAAAGGGCCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTTGTGCATG	Gasterosteus aculeatus
1354042	chromosome	19	9307765	9307807	1	AGCAAAGGGCCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTTGTGCATG	Oryzias latipes
1354042	toplevel	13	15193233	15193275	1	AGCAAAGGGCCGCTGTTGACAGGCATTATTTATTTTGTGCATG	Danio rerio
1354042	chromosome	14	23074769	23074811	1	AGCAAAGGGCCGCTGCTGACAGGGATTATTTATTTTGTGCATG	Mus musculus
1353736	reflig	reflig_281	132878	132916	-1	ATCTCAATCTATGATTTTGAATTTCTACTGTTGGTTGA	Ciona savignyi
1353736	chromosome	28	35682299	35682336	1	ATTTTAAATGTGTTTTAATTTGACATATAGTTGCAGA	Canis familiaris
1353736	chromosome	10	124893498	124893535	1	ATTTTAAATGTGTTTTAATTTGACATATAGTTGCAGA	Homo sapiens
1353736	scaffold	scaffold_76	20469	20506	1	ATTTTAAATGTGTTTTAATTTGACATATAGTTGCCTG	Takifugu rubripes
1353736	chromosome	3p	4035825	4035864	-1	ATCTCAATGAGTATTTGATTTGCTAGTGTGTTGTTG	Ciona intestinalis
1353736	group	groupVI	11848442	11848479	-1	ATTTTAAATGTGTTTTAATTTGACATATAGTTGCCTG	Gasterosteus aculeatus
1353736	chromosome	15	18115544	18115581	1	ATTTTAAATGTGTTTTAATTTGACATATAGTTGCCTG	Oryzias latipes
1353736	toplevel	17	23321135	23321169	1	ATTTTAAATGTGTTTTAATTTGACATATAGTTGC	Danio rerio

1353736 chromosome	7	138693744	138693781	1	ATTTAATTGTGTTTTTAATTGGACATATAGTTGCAGA	Mus musculus
1352277 reftig	reftig_14	1107154	1107198	1	CGGAGGAGTGAGTAATAGTTTATGACTAGAAGGAAGCCATGCGTT	Ciona savignyi
1352277 chromosome	30	28343609	28343652	-1	AAGTGGAAAGTGGGTATGTTAATGAACGTAGGAATCAATTCATT	Canis familiaris
1352277 chromosome	15	58604935	58604978	-1	AAGTGGAAAGTGGGTATGTTAATGAACGTAGGAATCAATTCATT	Homo sapiens
1352277 scaffold	scaffold_2	740416	740459	1	CAGTAGAGTGGGGCATGTTAATGATGTGCTGGAATCAATTCATT	Takifugu rubripes
1352277 chromosome	1q	1042792	1042836	1	CAGGCGAGTGAGTAATAGTTTATGACGAAACGGAATCCATGCGTT	Ciona intestinalis
1352277 group	groupXIX	12394608	12394651	1	CAGAAGAGTGGGGCATGTTAATGATGTGCTGGAATCGATTCATT	Gasterosteus aculeatus
1352277 chromosome	6	12122767	12122810	-1	CAGTAGAGTGGGGCATGTTAATGATGTGCTGGAATCAATTCATT	Oryzias latipes
1352277 toplevel	25	28188967	28189008	-1	GTGGAGTGGGGTGTGTTAATGACGAGCTGGAATCAATTCATT	Danio rerio
1352277 chromosome	9	69202316	69202359	1	AAGTGGAAAGTGGGTATGTTAATGAACGTAGGAATCAATTCATT	Mus musculus
1350269 reftig	reftig_283	91361	91406	1	AGCATGTATTGTGACATCAACAATAGCATGATTGATGAAAACAAA	Ciona savignyi
1350269 chromosome	4	28725977	28726023	1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACGTTTGTCTTGAAGAAAA	Canis familiaris
1350269 chromosome	10	76725254	76725300	1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACATTTGTCTTGAAGAAAA	Homo sapiens
1350269 scaffold	scaffold_86	61341	61387	1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACATTTGTCTTGAAGAAAA	Takifugu rubripes
1350269 chromosome	2q	6942455	6942500	-1	ATCTAGCATTGTGACATCAACAAGCTGAATTGATGAAAACAAA	Ciona intestinalis
1350269 group	groupVI	10366564	10366610	-1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACATTTGTCTTGAAGAAAA	Gasterosteus aculeatus
1350269 chromosome	15	20142997	20143043	1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACATTTGTCTTGAAGAAAA	Oryzias latipes
1350269 toplevel	13	14991889	14991935	1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACATTTGTCTTGAAGAAAA	Danio rerio
1350269 chromosome	14	22723687	22723733	1	ATCTAATTTTGGAAACATGAAAAACAGCACATTTGTCTTGAAGAAAA	Mus musculus
1352661 reftig	reftig_244	114285	114326	1	TTTTTATTTGGTGTGCTGAAATTAGATTTGAATCTGAGCAAT	Ciona savignyi
1352661 chromosome	28	16329487	16329528	1	TTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTTTAATTTATTCGATATAAT	Canis familiaris
1352661 chromosome	10	102372596	102372637	1	TTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTTTAATTTATTCGATATAAT	Homo sapiens
1352661 scaffold	scaffold_86	642639	642680	-1	TTTCAATTTGCTGCTGCAGTAGTTTAATTTATTCATATAAT	Takifugu rubripes
1352661 chromosome	14p	192197	192238	1	TTTTTATTTGATCTGCACGAATTTAATTTATCCAGACGAT	Ciona intestinalis
1352661 group	groupVI	9653144	9653185	1	TTTCAATTTGCTGCTGCAGTAGTTTAATTTATTCATATAAT	Gasterosteus aculeatus
1352661 chromosome	15	21110235	21110276	-1	TTTCAATTTGCTGCTGCAGTAGTTTAATTTATTCATATAAT	Oryzias latipes
1352661 toplevel	12	47408158	47408199	-1	TTTCAATTTGCTGCCAGTAGTTTAATTTATTCATATAAT	Danio rerio
1352661 chromosome	19	44716014	44716055	1	TTTCAATTTGCTGCCACAGTAGTTTAATTTATTCGATATAAT	Mus musculus