

A3-VL 1 DIVLTQSE**ASLAV**SPGQRATIF**CKASQSVVYD**--**GDSYMN**WYQQKPGQPPKLLIY**AASNLES**GI PARFSGSGSGTDFTLNI 80
A4-VL 1 DIVLTQSE**ASLAMS**LGQRATIS**CKASQSVVYD**--**GDSYMN**WYQQKPGQPPKLLIY**AASNLES**GI PARFSGSGSGTDFTLNI 80
D4-VL 1 DIVLTQSE**GSLSV**SLGQRATIS**CKASQSVDYD**--**GDSYMN**WYQQKPGQPPKLLIY**AASNLES**GI PARFSGSGSGTDFTLNI 80
D8-VL 1 DIVLTQSE**ASLAMS**LGQRATIS**CKASQSVVYD**--**GDSYMN**WYQQKPGQPPKLLIY**AASNLES**GI PARFSGSGSGTDFTLNI 80

A3-VL 81 HPVEEEDAATYYC**QOSSE**--**DPWTF**GGG**TKLEIKRA** 117
A4-VL 81 HPVEEEDAATYYC**QOSSE**--**DPWTF**GGG**TKLEIKRA** 117
D4-VL 81 HPVEEEDAATYYC**QOSSE**--**DPWTF**GGG**TKLEIKRA** 117
D8-VL 81 HPVEEEDAATYYC**QOSSE**--**DPWTF**GGG**TKLEIKRA** 117

A3-VH 1 QVTLKESGPGILKPSQTL**SLTCSFSGFSLSTSGMGVGV**WIRQ**PSGKGLEWLANI**WDD---**DKY**YNPSLKS**QLTISKDTS**RNQV 83
A4-VH 1 QVTLKESGPGILKPSQTL**SLTCSFSGFSLSTSGMGVGV**WIRQ**PSGKGLEWLANI**WDD---**DKY**YNPSLKS**QLTISKDTS**RNQV 83
D4-VH 1 QVTLKESGPGILKPSQTL**SLTCSFSGFSLNITSGMGVGV**WIRQ**PSGKGLEWLANI**WDD---**DKY**YNPSLKS**HLTISKDTS**GNQV 83
D8-VH 1 QVTLKESGPGILKPSQTL**SLTCSFSGFSLSTSGMGVGV**WIRQ**PSGKGLEWLANI**WDD---**DKY**YNPSLKS**QLTISKDTS**RNQV 83

A3-VH 84 FLKITSVDT**ADTATYYCARRGEYDA**-----**MDY**WGQGS**SVTVSS** 132
A4-VH 84 FLKITSVDT**ADTATYYCARRGKYDS**-----**MDY**WGQGS**SVTVSS** 132
D4-VH 84 FLKITSVDT**ADSATYYCARRGDYDS**-----**LDY**WGQGS**SVTVSS** 132
D8-VH 84 FLKITSVDT**ADTATYYCARRGNYDA**-----**MDY**WGQGS**SVTVSS** 132

Figure S2. Amino acid sequences of the four positive clones. Complementarity determining regions (CDRs) are shown in bold, and the non-identical positions are boxed.