

Table S5. Relative Expression of 20 *Gossypium hirsutum* Housekeeping Genes Based on Microarray and QRT-PCR Analysis

Array ID	Relative expression ratios ^a				Annotation ^b
	May	Aug.	Nov.	Feb.	
28k_212_F04	0.94 ± 0.10	0.93 ± 0.11	0.91 ± 0.05	0.90 ± 0.14	<i>UBQ7</i>
	0.96 ± 0.05	0.99 ± 0.02	1.00 ± 0.12	1.05 ± 0.05	
28k_172_C11	1.02 ± 0.12	1.10 ± 0.06	1.10 ± 0.10	0.99 ± 0.17	<i>UBQF</i>
	1.14 ± 0.09	0.97 ± 0.08	0.93 ± 0.05	0.96 ± 0.03	
28k_070_H12	0.96 ± 0.11	0.99 ± 0.09	0.90 ± 0.07	1.02 ± 0.17	<i>TUA3</i>
	1.04 ± 0.03	0.95 ± 0.04	0.92 ± 0.04	1.10 ± 0.09	
28k_211_H07	1.08 ± 0.07	1.07 ± 0.07	1.06 ± 0.09	1.13 ± 0.14	<i>TUA8</i>
	1.02 ± 0.07	0.98 ± 0.07	0.97 ± 0.08	1.03 ± 0.08	
28k_284_E12	1.00 ± 0.05	0.97 ± 0.08	0.95 ± 0.07	0.93 ± 0.09	<i>TUB2</i>
	1.05 ± 0.13	0.99 ± 0.02	0.96 ± 0.05	1.00 ± 0.05	
28k_285_C10	1.01 ± 0.02	1.01 ± 0.05	0.99 ± 0.04	1.12 ± 0.24	<i>TUB10</i>
	1.00 ± 0.03	1.02 ± 0.12	0.99 ± 0.11	0.99 ± 0.11	
28k_242_B06	1.01 ± 0.10	0.93 ± 0.13	0.96 ± 0.09	1.03 ± 0.14	<i>TUB18</i>
	1.07 ± 0.08	0.97 ± 0.06	1.02 ± 0.04	0.94 ± 0.02	
28k_099_G03	0.95 ± 0.02	0.94 ± 0.06	0.95 ± 0.07	1.03 ± 0.14	<i>RPL8C</i>
	1.04 ± 0.14	0.94 ± 0.07	1.04 ± 0.12	0.98 ± 0.09	
28k_170_E03	0.92 ± 0.05	0.93 ± 0.03	0.97 ± 0.07	0.98 ± 0.14	<i>RPL19B</i>
	1.12 ± 0.05	0.91 ± 0.04	0.94 ± 0.02	1.04 ± 0.06	
28k_220_B09	0.99 ± 0.06	0.92 ± 0.09	1.02 ± 0.07	1.02 ± 0.10	<i>RPS4A</i>
	0.97 ± 0.05	0.93 ± 0.06	1.05 ± 0.04	1.05 ± 0.03	
28k_211_B03	0.95 ± 0.11	1.04 ± 0.10	1.02 ± 0.08	1.00 ± 0.06	<i>RPSA</i>
	0.95 ± 0.04	1.01 ± 0.03	1.11 ± 0.08	0.94 ± 0.02	
28k_170_A12	0.91 ± 0.06	0.91 ± 0.08	1.06 ± 0.09	1.01 ± 0.08	<i>RPS9C</i>
	0.93 ± 0.10	1.06 ± 0.04	1.02 ± 0.06	0.98 ± 0.02	
28k_121_D07	1.07 ± 0.16	0.94 ± 0.10	1.04 ± 0.12	0.93 ± 0.15	<i>eIF2A</i>
	1.05 ± 0.12	0.95 ± 0.16	1.02 ± 0.09	0.98 ± 0.10	
28k_284_D01	1.08 ± 0.11	1.07 ± 0.11	1.05 ± 0.11	0.99 ± 0.17	<i>eIF2B</i>
	1.05 ± 0.10	1.00 ± 0.09	1.01 ± 0.09	0.95 ± 0.09	
28k_273_D08	1.12 ± 0.04	1.15 ± 0.12	1.12 ± 0.05	1.07 ± 0.19	<i>eIF3B</i>
	1.07 ± 0.16	1.03 ± 0.15	0.94 ± 0.02	0.96 ± 0.13	
28k_088_G09	1.07 ± 0.16	0.95 ± 0.06	1.05 ± 0.10	1.01 ± 0.07	<i>eIF4A</i>
	0.95 ± 0.06	1.04 ± 0.04	0.95 ± 0.08	1.06 ± 0.02	
28k_184_A01	0.92 ± 0.07	1.10 ± 0.18	0.92 ± 0.08	0.95 ± 0.10	<i>GAPDH</i>
	0.97 ± 0.10	1.00 ± 0.05	0.94 ± 0.08	1.08 ± 0.03	

28k_207_F09	0.92 ± 0.07	0.95 ± 0.05	0.93 ± 0.08	1.02 ± 0.16	<i>COX</i>
	0.96 ± 0.12	1.05 ± 0.08	1.04 ± 0.04	0.94 ± 0.04	
28k_121_A02	1.02 ± 0.10	0.96 ± 0.06	1.08 ± 0.06	0.95 ± 0.12	<i>ACT7</i>
	0.95 ± 0.05	1.01 ± 0.10	0.92 ± 0.01	1.12 ± 0.09	
28k_282_A09	0.96 ± 0.07	1.00 ± 0.05	1.02 ± 0.07	1.04 ± 0.11	<i>FBA</i>
	1.04 ± 0.11	0.97 ± 0.08	1.01 ± 0.04	0.99 ± 0.02	

^aRelative expression ratios of May, August, November, and February compared to CR based on microarray (top) and QRT-PCR (bottom) analysis.

^b*UBQF*, ubiquitin family; *TUA*, tubulin alpha; *TUB*, tubulin beta; *RPL*, 60S ribosomal protein; *RPS*, 40S ribosomal protein; *eIF*, eukaryotic translation initiation factor; *GAPDH*, glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase; *COX*, cytochrome c oxidase subunit; *ACT*, actin; *FBA*, fructose-bisphosphate aldolase.