

Table S6

Selected developmental process genes identified in the *de novo* *G. bimaculatus* transcriptome.

Process	# Hits	Hit ID (A/S)	Length (range)	Query Gene	Transcriptome Sequence Name(s)
MATERNAL GENES					
ANTERIOR GROUP					
<i>bicoid interacting protein 1</i>	1	A	1040	<i>Bin1</i>	isotig03457
<i>exuperantia</i>	2	A	3152-3225	<i>exu</i>	isotig04765, isotig04764
<i>staufen</i>	3	A	1287-1442	<i>stau</i>	isotig03172, isotig03173, isotig03174
POSTERIOR GROUP					
<i>armitage</i>	1	A	4095	<i>armi</i>	isotig07934
<i>Bruno</i>	1	A	1676	<i>aret</i>	isotig10307
<i>cappuccino</i>	2	A	817-866	<i>capu</i>	isotig06798, isotig06799
<i>fat facets</i>	5	A	1816-3259	<i>faf</i>	isotig01188, isotig01187, isotig01186, isotig01185, isotig01184
<i>Moesin</i>	1	A	4272	<i>Moe</i>	isotig00886
<i>mago nashi</i>	1	A	1021	<i>mago</i>	isotig12375
<i>par-1</i>	1	A	889	<i>par-1</i>	isotig07610
<i>pipsqueak</i>	2	A, S	337-430	<i>psq</i>	isotig19171, GFCP6CO01CETJB
<i>pumilio</i>	3	A, S	412-624	<i>pum</i>	isotig04477, isotig04476, GFJY65E02G1R75
<i>orb</i>	1	A	4765	<i>orb</i>	isotig00462
<i>Rabenosyn-5</i>	1	A	1853	<i>Rbsn-5</i>	isotig09916
<i>staufen</i>	3	A	1287-1442	<i>stau</i>	isotig03172, isotig03173, isotig03174
<i>tudor</i>	2	A	4146-5784	<i>tud</i>	isotig07719, isotig07925
<i>vasa</i>	2	A	765-1146	<i>vas</i>	isotig14543, isotig11874
<i>ypsilon schachtel</i>	1	A	2601	<i>yps</i>	isotig03079
TERMINAL GROUP					
<i>capicua</i>	2	S	314-438	<i>cic</i>	GE8SX9M02IXJOG, GE8SX9M01D8UIJ

<i>corkscrew</i>	1	S	266	<i>csw</i>	GE8SX9M02G96K3
<i>pole hole</i>	1	A	4282	<i>phl</i>	isotig07892
<i>Ras oncogene at 85D</i>	2	A	2078-2467	<i>Ras85D</i>	isotig09494, isotig08979
<i>rolled</i>	1	A	799	<i>rl</i>	isotig14164
<i>torso-like</i>	1	S	174	<i>ts1</i>	GFCP6CO02G92YK
DORSAL GROUP					
<i>cactus</i>	4	A	3168-4301	<i>cact</i>	isotig02364, isotig02362, isotig02363, isotig02361
<i>cappuccino</i>	2	A	817-866	<i>capu</i>	isotig06798, isotig06799
<i>cornichon</i>	1	A	1733	<i>cni</i>	isotig05694
<i>capicua</i>	2	S	314-438	<i>cic</i>	GE8SX9M02IXJOG, GE8SX9M01D8UIJ
<i>dorsal</i>	5	A, S	325-810	<i>dl</i>	isotig14031, GE8SX9M02HRGAV , GFJY65E02GK63W , GFJY65E02FIMPE , GE8SX9M01CGCYQ
<i>Egfr</i>	1	A	1099	<i>Egfr</i>	isotig12088
<i>gastrulation-defective</i>	1	A	862	<i>gd</i>	isotig13529
<i>Myd88</i>	1	A	2079	<i>Myd88</i>	isotig09497
<i>orb</i>	1	A	4765	<i>orb</i>	isotig00462
<i>pelle</i>	2	A	3507-4221	<i>pll</i>	isotig02382, isotig02381
<i>pipe</i>	1	A	6608	<i>pip</i>	isotig07697
<i>spatzle</i>	1	A	2006	<i>spz</i>	isotig09642
<i>squid</i>	1	A	1546	<i>sqd</i>	isotig00544
<i>Toll</i>	1	A	2125	<i>Tl</i>	isotig09438
<i>zucchini</i>	1	A	1455	<i>zuc</i>	isotig00915
ZYGOTICALLY TRANSCRIBED GENES					
<i>cap-n-collar</i>	2	A	1549-2281	<i>cnc</i>	isotig05578, isotig05577
<i>crocodile</i>	2	A	890-966	<i>croc</i>	isotig06650, isotig06649
<i>Tenascin major</i>	7	A, S	200-833	<i>Ten-m</i>	GFJY65E01CUG9F, GE8SX9M01AOG18 , GFCP6CO01DGZ87 , FQTBZRY01EVWST , GFCP6CO02HATIX , GFCP6CO02G16S1 , isotig13797
<i>C-terminal binding protein</i>	3	A, S	239-624	<i>CtBP</i>	isotig16142, GE8SX9M01EF4BJ, FQTBZRY01BYCPR
<i>domeless</i>	1	A	927	<i>dome</i>	isotig12992
<i>eyelid</i>	1	A	2298	<i>osa</i>	isotig09196
<i>ftz transcription factor 1</i>	1	S	397	<i>ftz-f1</i>	GFCP6CO02HU50W
<i>hopscotch</i>	1	A	2719	<i>hop</i>	isotig04276

<i>marelle</i>	1	A	2243	<i>Stat92E</i>	isotig03185
<i>Rpd3</i>	1	A	2212	<i>Rpd3</i>	isotig09325
<i>shuttle craft</i>	1	A	4369	<i>stc</i>	isotig07864
<i>Sir2</i>	1	A	2334	<i>Sir2</i>	contig14671
<i>squid</i>	1	A	1546	<i>sqd</i>	isotig00544
