		V1/V2				V3	
)9FPB4 :	* 20 * 4 Doslkpcvkltplcvti <mark>nct</mark> spaah <mark>nes</mark> etrvkhcse <mark>ni</mark>	0 * 6 Trdvkdrkqkvnatfydld?	60 * IVPLSSSI <mark>NSS</mark> LYRLIS	0 * 100 * 120 * 140 * 160 * NISPITQACPKVSFDPIPIHYCAPAGYAILKCIN <u>NKT</u> FSGKGPC <mark>SNV9</mark> TVQCTHGIRPVVSTQLLI <mark>NG9</mark> LAEBEIVIRSENLTPNAKTIIVH	180 INKSVEIECIRPONNTRK	* SIRLGPGQ	200 TFYA
3-2 : 3-3 :	т.	I		D	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	. E	A A
-4 : -5 :				D	K	. F	A A A
3-7 : 3-8 :	т.	I	G	D			F.
-9 : -10 : -11 :	т.	I		D	кк	.F	A A.F.
-12 : -13 :		I		D	к	. F	A A
-14 : -15 : -16 :	N	I	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	D	к	.F	 A.F.
-17 : -18 :		I		D R	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	I	A A.F.
-19 : -20 : -21 :	C	I	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	D	к.	.F	A A.F.
-22 :	T	I		D	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	I .F	A.F.
-24 : -25 : -26 :			• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	D	К	. F	A A
-26 : -27 : -28 :		I		D	K	. F	A F.
-29 : -30 :	A		T	D	K	. F	A F.
-31 : -32 : -33 :		I		D. P. H	кQ	. F. V . F	A A A
-34 : -35 :		I	N	D	К	IF	 A
-36 : N-1 : N-2 :	G	к		D	ĸ	. F IF . F	A F.
I-3 : I-4 :		R	••••••	D		. F	F.
J-5 : J-6 : J-7 :		к	G	D	C	. F . F	F.
N-8 : N-9 :	S	R	. L	D	к.	.F	
V-10 : V-11 : V-12 :	G	кк		D	RK	. F	F.
N-13 : N-14 :				D		. F	F.
V-15 : V-16 : V-17 :	тт.	ккк.	•••••••	D		. F	F.
J−18 : J−19 :	T		.L	D		. F	F.
-20 : -21 : -22 :	Тт		G	D	G	IF .F	
-23 : -24 :	TT	к.			s	IF	
I-25 : I-26 : I-27 :		I		D		. E	F. F.
V-28 : V-28 : V-29 :						.F.I	 A.F.
√-30 : √-31 : √-32 :		I		D	к	. F	
-32 : -33 : -34 :	т.			D	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	.F.I	A.F. F.
-35 :	T		G	D	¥	. F	
-37 : -38 : -1 :	. KN GA.	N		D		IF	 АТ
2:							АТ
5 :				D V. D V. D V.			АТ АТ
7 :	RL						АТ АТ
10 :				D V. D V. D V.			АТ
12 : 13 :					R		АТ АТ
15 :							АТ
17 : 18 :	. KN . GA	N					АТ АТ
19 : 20 : 21 :				D V			АТ
22 : 23 :							АТ АТ
24 : 25 :					R		АТ АТ
27 :				D V. D. N. D. V.			АТ
29 : 30 :	. KN . GA						АТ АТ
31 : 32 :	. FN . GA				R		АТ АТ
-33 : -34 : -35 :				D V			АТ
-36 : -37 :							АТ АТ
-39 :			G	D V. D V. R			АТ
:	and a second sec						

	* 220 * .	240 * <u>260</u> F	\	/4	┨	, ^{V5} −	40 * 360 * 380 * GGNMRDNWRSELYKYKVVEIKPLGIAPTEAKRRVVQREKRAVGIGAVFLGFLGAAGST
109FPB4 P3-1	: TGDVIGDIRKAYCKINGSEWNETLTKVSEKLKEYENKT	240 * 260 TIRFAQHSGGDLEVTTHSFNCRGEFFYQN	TSELFNS	VATE SNIT	* 300 JPCRIKQIINMWQGVGRAMY/	* 32U * 3 APPIRGEIKCT INITGLLLTRDGGNINNSTEBIFRPE	14U * 36U * 38U * GGNMRDNWRSELYKYKVVEIKPLGIAPTEAKRRVVQREKRAVGIGAVFLGFLGAAGST
2-2	КК. КК.						
23-4	:ККККККК				G	P	
23-5 23-6 23-7	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		I	R	C	
23-8 23-9	H					C	
23-10	:	<mark></mark> Ү.				cc. cc	D
93-11 93-12	:н			т	R		, ,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,
93-13 93-14	:			· · · · · · · · · · · ·		ç	D
23-15 23-16	:		к)		e	
23-18	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	к к	· · · · · · · · · · · ·		Г	
93-19 93-20	:	s	к к I	 5 <mark>.</mark>	R	C	;A
93-21 93-22	:	s	К КV I		R	CVG	;D.
23-23 23-24	:		К К			C	G
23-25 23-26	:		. к к	т	R	G	;
23-27 23-28	:н	АК	к к н			r	5
2-29	:	s.	к		N	rs	;
23-31 23-32	КК.						
23-32 23-33 23-34	н в					rD	
23-34 23-35 23-36	:нкк :к.кк.				R	G	C
23-36 23N-1 23N-2	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				rG	
23N-2 23N-3 23N-4	:					r	тт.
23N-5	:R		. к . к			r	
23N-7	:R	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				r	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
93N-8 93N-9	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	к к			rG	5
P3N−10 P3N−11	:		К К			e	; D
P3N-12 P3N-13	:E.HKR :	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	К К		T.	rG	;
23N-14 23N-15	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	К К			rG	;
23N-16 23N-17	:		К К			СК Сс	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
23N-18 23N-19	:		К К			C	;
23N-20 23N-21	:		к к			e	
23N-22 23N-23	:IK		К К		т.:	CSG	;
P3N−24 P3N−25	:E.HKR :HKR.		К К		т.:	CG	\$
P3N−26 P3N−27	:		к к			CG	; ;
23N-28 23N-29	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	к к		A 	CG	; ;
P3N-30 P3N-31	:		к G. к			rG	D
23N-32 23N-33	:R	•••••••••••••••••••••••••••••••••••••••	к к	A	к.	r	
23N-34 23N-35	:		. К К			rG	5E
P3N-36 P3N-37	:		к			r	КК
P3N-38		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	К	1		r	
94-2 94-3	:				G	G	ЕЕ.
24-4 24-5	:	R	ĸ	ä			κ
24-6	:		K\$	3			5T. 5
94-7 94-8 94-9			к				
24-9 24-10 24-11		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	ĸ				
24-11 24-12 24-13	H.N.SH.N.S		к	3		G	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
4-13 4-14 4-15	:		к				
4-16	:		K\$	s			;
4-17			ĸ		v		
4-19				s	G		·
4-21	н. N. S	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		a			k
4-23	:		KD.	a		G	G
4-25	:		ĸ				i
	:		KD. K				K
94-29 94-30	:		K.D.S	a			ş
94-31 94-32	:		K				;
4-33 4-34			ĸ	≋	v		S
24-35 24-36	:		ĸd.				5
4-37	:н. м. я	A	кс:	3		G	······································
4-39	:			.		G	5
			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				

Figure S1. Comparison of gp120 V1-V5 region of the parental SHIVC109F.PB4 and passage-derived isolates. Potential N-linked glycosylation sites in SHIVC109F.PB4 are bracketed in black, with red boxes indicating where glycosylation sites are deleted and green boxes designating repositioning.