

SUPPLEMENTAL MATERIAL

Diskin et al., <http://www.jem.org/cgi/content/full/jem.20130012/DC1>

Table S1 . IC₅₀ Values (µg/ml)

Virus ID	Clade*	NIH45-46	NIH45-46 ^{G54W}	45-46m2	45-46m7	45-46m25	45-46m28
T278-50	CRF02_AG	>50	>50	>50	>50	>50	>50
89-F1_2_25	CD	>50	>50	>50	>50	>50	>50
6540.v4.c1	AC	>50	>50	>50	>50	>50	47.3
Ce1172_H1	C (T/F)	>50	>50	>50	>50	>50	>50
620345.c01	CRF01_AE	>50	>50	>50	>50	>50	>50
X2088_c9	G	>50	>50	44.345	>50	>50	23.7
Du422.1	C	>50	>50	8.473	1.647	2.572	0.603
3817.v2.c59	CD	>50	>50	5.138	>50	>50	>50
CAP210.2.00.E8	C	>50	>50	1.945	14.4	24	11.2
CAP45.2.00.G3	C	>50	32.25	0.02	0.44	1.456	0.12
6545.v4.c1	AC	>50	18.92	15.21	0.441	4.636	0.092
211-9	CRF02_AG	>50	16.41	0.253	27.6	26.2	8.414
Du172.17	C	>50	3.65	0.015	0.979	3.548	0.546
3016.v5.c45	D	>50	1.47	0.006	0.023	0.017	0.009
T250-4	CRF02_AG	>50	1.33	1.554	15.2	8.488	17.1
246F C1G	C (T/F)	>50	0.315	0.036	0.067	0.054	0.033
CNE20	BC	7.83	0.04	0.001	0.007	0.01	0.002
CNE21	BC	6.01	0.03	0.001	0.013	0.016	0.009
HIV-16845-2.22	C	5	0.45	0.38	0.181	0.305	0.213
C2101.c01	CRF01_AE	4.24	0.04	0.044	0.038	0.051	0.041
ZM247v1(Rev-)	C (T/F)	2.94	0.32	0.001	0.094	0.167	0.013
ZM233M.PB6	C	2.5	0.02	0.011	0.025	0.043	0.024
C1080.c03	CRF01_AE	2.48	0.2	0.154	0.211	0.357	0.325
THRO4156.18	B	1.91	0.54	0.685	0.652	0.676	0.629
2103.v3.c10	ACD	1.77	0.2	0.181	0.429	0.49	0.298
231966.c02	D	1.64	0.02	0.012	0.018	0.016	0.013
TRO.11	B	1.61	0.04	0.02	0.041	0.04	0.034
T251-18	CRF02_AG	1.35	0.26	0.336	0.421	0.448	0.292
Ce1176_A3	C (T/F)	0.93	0.16	0.172	0.291	0.316	0.241
BJOX010000.06.2	CRF01_AE (T/F)	0.87	0.769	1.382	1.137	1.133	0.758
QH0692.42	B	0.72	0.37	0.216	0.404	0.352	0.283
T255-34	CRF02_AG	0.71	0.001	0.013	0.042	0.047	0.034
ZM135M.PL10a	C	0.59	0.04	0.049	0.075	0.094	0.045
AC10.0.29	B	0.56	0.13	0.118	0.212	0.233	0.181
T257-31	CRF02_AG	0.49	0.13	0.126	0.206	0.191	0.163
6240_08_TA5_4622	B (T/F)	0.44	0.11	0.173	0.235	0.211	0.163
CNE58	BC	0.43	0.02	0.016	0.026	0.026	0.022
Ce0393_C3	C (T/F)	0.334	0.013	0.046	0.036	0.035	0.031
R1166.c01	CRF01_AE	0.31	0.13	0.278	0.292	0.297	0.151
CNE30	BC	0.309	0.052	0.082	0.158	0.156	0.114
235-47	CRF02_AG	0.3	0.001	0.001	0.016	0.014	0.01
CNE17	BC	0.261	0.036	0.064	0.096	0.096	0.065
BJOX009000.02.4	CRF01_AE	0.26	0.132	0.14	0.288	0.272	0.202
928-28	CRF02_AG	0.23	0.06	0.045	0.139	0.145	0.093
X2131_C1_B5	G	0.23	0.05	0.031	0.029	0.033	0.017
9004SS_A3_4	A (T/F)	0.18	0.054	0.046	0.083	0.074	0.074
BJOX025000.01.1	CRF01_AE (T/F)	0.18	0.014	0.031	0.059	0.146	0.098
ZM53M.PB12	C	0.175	0.04	0.091	0.084	0.09	0.063
ZM214M.PL15	C	0.17	0.03	0.036	0.038	0.102	0.054
Ce703010054_2A2	C (T/F)	0.159	0.027	0.016	0.023	0.027	0.026
CAAN5342.A2	B	0.15	0.07	0.078	0.072	0.072	0.046
ZM197M.PB7	C	0.15	0.04	0.074	0.102	0.098	0.049
Ce704809221_1B3	C (T/F)	0.15	0.007	0.101	0.092	0.099	0.069
7030102001E5(Rev-)	C (T/F)	0.14	0.042	0.038	0.079	0.08	0.047
6535.3	B	0.14	0.03	0.015	0.135	0.148	0.094
SC05_8C11_2344	B (T/F)	0.14	0.021	0.07	0.1	0.087	0.06
Q23.17	A	0.14	0.01	0.015	0.033	0.034	0.028
C4118.c09	CRF01_AE	0.14	0.01	0.011	0.025	0.03	0.021
PVO.4	B	0.12	0.05	0.014	0.044	0.051	0.029
1054_07_TC4_1499	B (T/F)	0.113	0.04	0.104	0.052	0.108	0.087
191955_A11	A (T/F)	0.11	0.015	0.013	1.22	3.083	0.568
Ce2010_F5	C (T/F)	0.101	0.038	0.03	0.098	0.092	0.062
ZM109F.PB4	C	0.095	0.002	0.013	0.012	0.011	0.012

1056_10_TA11_1826	B (T/F)	0.094	0.024	0.057	0.063	0.098	0.084
MS208.A1	A	0.09	0.031	0.022	0.041	0.04	0.028
191821_E6_1	D (T/F)	0.09	0.013	0.05	0.062	0.076	0.064
CNE5	CRF01_AE	0.09	0.009	0.032	0.078	0.066	0.041
1394C9G1(Rev-)	C (T/F)	0.09	0.001	0.012	0.011	0.012	0.005
P1981_C5_3	G	0.08	0.02	0.012	0.022	0.029	0.025
Q461.e2	A	0.076	0.009	0.034	0.055	0.057	0.045
P0402_c2_11	G	0.073	0.003	0.01	0.011	0.012	0.007
6244_13_B5_4576	B (T/F)	0.07	0.005	0.03	0.033	0.035	0.019
CNE19	BC	0.07	0.002	0.022	0.019	0.019	0.017
BJOX028000.10.3	CRF01_AE (T/F)	0.07	0.001	0.001	0.003	0.004	0.004
X1632_S2_B10	G	0.07	Not Tested	0.001	0.006	0.008	0.007
BJOX015000.11.5	CRF01_AE (T/F)	0.06	0.048	0.039	0.061	0.095	0.076
SC422661.8	B	0.06	0.02	0.024	0.042	0.045	0.029
62357_14_D3_4589	B (T/F)	0.06	0.02	0.015	0.085	0.177	0.087
WITO4160.33	B	0.06	0.01	0.015	0.023	0.038	0.027
Ce2060_G9	C (T/F)	0.058	0.005	0.014	0.028	0.035	0.02
Ce0682_E4	C (T/F)	0.054	0.01	0.007	0.021	0.026	0.018
231965.c01	D	0.051	0.001	0.001	0.026	0.033	0.023
263-8	CRF02_AG	0.05	0.001	0.018	0.027	0.029	0.028
Q259.d2.17	A	0.043	0.001	0.001	0.017	0.02	0.011
Ce1086_B2	C (T/F)	0.04	0.019	0.004	0.016	0.029	0.025
TRJO4551.58	B	0.04	0.01	0.004	0.023	0.02	0.015
249M B10	C (T/F)	0.04	0.001	0.001	0.013	0.025	0.018
6811.v7.c18	CD	0.035	0.001	0.026	0.044	0.043	0.038
R2184.c04	CRF01_AE	0.034	0.005	0.008	0.036	0.036	0.024
6480.v4.c25	CD	0.032	0.004	0.016	0.015	0.013	0.01
X1254_c3	G	0.032	0.002	0.006	0.017	0.02	0.01
Q842.d12	A	0.031	0.005	0.001	0.011	0.013	0.01
CNE52	BC	0.03	0.01	0.004	0.011	0.011	0.012
A07412M1.vrc12	D	0.03	0.001	0.001	0.032	0.029	0.024
3365.v2.c2	A	0.029	0.01	0.014	0.018	0.018	0.018
C3347.c11	CRF01_AE	0.029	0.001	0.007	0.031	0.037	0.024
1006_11_C3_1601	B (T/F)	0.027	0.001	0.009	0.011	0.011	0.01
3415.v1.c1	A	0.022	0.001	0.013	0.028	0.029	0.024
X1193_c1	G	0.021	0.001	0.008	0.02	0.021	0.02
6952.v1.c20	CD	0.02	0.001	0.007	0.016	0.012	0.013
Du156.12	C	0.02	0.001	0.003	0.009	0.009	0.005
HIV-16055-2.3	C	0.02	0.001	0.002	0.006	0.006	0.004
191084 B7-19	A (T/F)	0.02	0.001	0.001	0.021	0.022	0.019
ZM249M.PL1	C	0.017	0.002	0.001	0.013	0.016	0.009
RHPA4259.7	B	0.017	0.001	0.001	0.008	0.007	0.005
REJO4541.67	B	0.014	0.002	0.001	0.007	0.01	0.007
0815.v3.c3	ACD	0.014	0.001	0.001	0.006	0.009	0.01
HIV-0013095-2.11	C	0.01	0.005	0.002	0.009	0.01	0.006
BF1266.431a	C (T/F)	0.01	0.001	0.002	0.004	0.007	0.003
1012_11_TC21_3257	B (T/F)	0.01	0.001	0.001	0.008	0.009	0.005
Q769.d22	A	0.009	0.001	0.003	0.016	0.019	0.017
3301.v1.c24	AC	0.009	0.001	0.001	0.008	0.009	0.007
CNE53	BC	0.008	0.001	0.006	0.008	0.009	0.006
6041.v3.c23	AC	0.006	0.001	0.001	0.004	0.003	0.004
WEAU_d15_410_787	B (T/F)	0.005	0.001	0.008	0.007	0.007	0.006
HIV-001428-2.42	C	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001
0260.v5.c36	A	Not Tested	0.117	0.032	0.183	0.183	0.137
CNE8	CRF01_AE	Not Tested	0.055	0.038	0.096	0.08	0.068

IC ₅₀ values (µg/ml)	>50	10-50	1-10	0.1-1	0.01-0.1	<0.01
---------------------------------	-----	-------	------	-------	----------	-------

Table S2. IC₈₀ Values (µg/ml)

Virus ID	Virus ID	NIH45-46	NIH45-46 ^{GS4W}	45-46m2	45-46m7	45-46m25	45-46m28
Ce1172_H1	C (T/F)	>50	>50	>50	>50	>50	>50
620345.c01	CRF01_AE	>50	>50	>50	>50	>50	>50
X2088_c9	G	>50	>50	>50	>50	>50	>50
T278-50	CRF02_AG	>50	>50	>50	>50	>50	>50
89-F1_2_25	CD	>50	>50	>50	>50	>50	>50
6540.v4.c1	AC	>50	>50	>50	>50	>50	>50
6545.v4.c1	AC	>50	>50	>50	18.2	45.3	4.532
Du422.1	C	>50	>50	>50	10.7	19.9	4.841
3817.v2.c59	CD	>50	>50	>50	>50	>50	>50
CAP210.2.00.E8	C	>50	>50	9.052	>50	>50	>50
211-9	CRF02_AG	>50	>50	0.898	>50	>50	>50
CAP45.2.00.G3	C	>50	>50	0.089	6.308	11.2	1.274
T250-4	CRF02_AG	>50	44.94	38.902	>50	>50	>50
Du172.17	C	>50	42.85	0.125	7.854	24.1	5.092
3016.v5.c45	D	>50	15.37	0.037	0.076	0.068	0.065
246F C1G	C (T/F)	>50	2.446	0.14	0.275	0.225	0.203
CNE20	BC	>50	0.48	0.02	0.057	0.079	0.027
BJOX028000.10.3	CRF01_AE (T/F)	>50	0.002	0.006	0.016	0.019	0.021
X1632_S2_B10	G	>50	Not Tested	0.007	0.037	0.041	0.033
CNE21	BC	38.07	0.16	0.047	0.066	0.078	0.063
C2101.c01	CRF01_AE	31.37	0.17	0.169	0.253	0.346	0.33
ZM247v1(Rev-)	C (T/F)	24.5	2.6	0.034	0.527	0.907	0.115
HIV-16845-2.22	C	22.61	2.1	1.44	1.074	1.582	1.211
ZM233M.PB6	C	14.18	0.11	0.083	0.129	0.167	0.141
C1080.c03	CRF01_AE	11.56	0.91	0.589	1.166	1.233	1.541
BJOX025000.01.1	CRF01_AE (T/F)	10	0.135	0.211	0.422	0.69	0.336
231966.c02	D	9.64	0.11	0.076	0.077	0.088	0.062
THRO4156.18	B	8.22	1.81	2.736	3.263	3.271	4.789
TRO.11	B	7.49	0.13	0.079	0.156	0.153	0.13
BJOX010000.06.2	CRF01_AE (T/F)	6.37	4.499	5.037	4.897	4.963	4.009
3103.v3.c10	ACD	6.15	0.56	0.594	1.125	1.305	0.907
T251-18	CRF02_AG	3.68	0.92	1.426	1.526	1.616	1.1
T255-34	CRF02_AG	3.442	0.099	0.105	0.274	0.282	0.243
Ce1176_A3	C (T/F)	3.17	0.45	0.467	1.338	1.429	1.13
ZM135M.PL10a	C	2.79	0.16	0.163	0.261	0.311	0.216
CNE58	BC	2.08	0.05	0.042	0.095	0.093	0.068
AC10.0.29	B	1.93	0.63	0.554	0.932	0.773	0.489
QH0692.42	B	1.71	1.12	0.622	1.586	1.834	1.285
6240_08_TA5_4622	B (T/F)	1.55	0.603	0.623	1.136	0.75	0.613
235-47	CRF02_AG	1.49	0.017	0.019	0.061	0.045	0.037
T257-31	CRF02_AG	1.38	0.45	0.471	0.684	0.639	0.579
R1166.c01	CRF01_AE	1.21	0.51	1.01	1.044	1.086	0.842
BJOX009000.02.4	CRF01_AE	1.16	0.564	0.621	0.949	0.909	0.911
CNE30	BC	1.067	0.196	0.239	0.43	0.422	0.419
Ce0393_C3	C (T/F)	0.936	0.089	0.151	0.183	0.164	0.153
C4118.c09	CRF01_AE	0.91	0.087	0.058	0.154	0.129	0.136
X2131_C1_B5	G	0.88	0.24	0.145	0.121	0.148	0.093
Ce704809221_1B3	C (T/F)	0.88	0.21	0.484	0.421	0.343	0.269
CNE17	BC	0.734	0.127	0.254	0.427	0.333	0.238
9004SS_A3_4	A (T/F)	0.65	0.28	0.138	0.292	0.266	0.265
928-28	CRF02_AG	0.64	0.25	0.159	0.49	0.41	0.369
7030102001E5(Rev-)	C (T/F)	0.63	0.228	0.229	0.301	0.389	0.248
ZM53M.PB12	C	0.61	0.16	0.257	0.299	0.319	0.241
MS208.A1	A	0.6	0.17	0.089	0.188	0.181	0.127
ZM214M.PL15	C	0.59	0.15	0.258	0.394	0.643	0.671
ZM197M.PB7	C	0.55	0.18	0.274	0.368	0.346	0.23
6535.3	B	0.54	0.13	0.059	0.375	0.402	0.28
Ce703010054_2A2	C (T/F)	0.538	0.077	0.051	0.144	0.164	0.118
Q23.17	A	0.5	0.03	0.05	0.094	0.099	0.084
191821_E6_1	D (T/F)	0.46	0.099	0.13	0.223	0.218	0.232
1056_10_TA11_1826	B (T/F)	0.447	0.16	0.289	0.598	0.569	0.524
ZM109F.PB4	C	0.437	0.07	0.086	0.099	0.091	0.063
191955_A11	A (T/F)	0.43	0.076	0.046	9.265	>10	4.935
PVO.4	B	0.41	0.16	0.099	0.156	0.17	0.136
CNE5	CRF01_AE	0.41	0.116	0.137	0.233	0.309	0.204

1054_07_TC4_1499	B (T/F)	0.404	0.165	0.515	0.518	1.095	0.869
CAAN5342.A2	B	0.4	0.21	0.299	0.493	0.447	0.333
BJOX015000.11.5	CRF01_AE (T/F)	0.38	0.239	0.308	0.414	0.608	0.346
SC05_8C11_2344	B (T/F)	0.38	0.2	0.219	0.278	0.301	0.234
1394C9G1(Rev-)	C (T/F)	0.38	0.024	0.055	0.065	0.07	0.039
CNE19	BC	0.37	0.028	0.102	0.061	0.073	0.054
Ce2010_F5	C (T/F)	0.357	0.187	0.133	0.458	0.618	0.424
Q461.e2	A	0.291	0.091	0.134	0.253	0.203	0.212
Ce2060_G9	C (T/F)	0.29	0.042	0.062	0.097	0.133	0.081
Ce1086_B2	C (T/F)	0.28	0.091	0.042	0.125	0.197	0.128
6244_13_B5_4576	B (T/F)	0.26	0.095	0.109	0.156	0.166	0.103
WITO4160.33	B	0.26	0.04	0.073	0.151	0.227	0.166
P1981_C5_3	G	0.24	0.07	0.045	0.079	0.103	0.091
P0402_c2_11	G	0.214	0.023	0.042	0.066	0.054	0.031
1006_11_C3_1601	B (T/F)	0.196	0.008	0.037	0.049	0.054	0.052
62357_14_D3_4589	B (T/F)	0.19	0.07	0.084	0.63	1.438	0.681
249M B10	C (T/F)	0.17	0.019	0.017	0.145	0.107	0.062
Ce0682_E4	C (T/F)	0.155	0.039	0.031	0.078	0.094	0.084
Q259.d2.17	A	0.154	0.014	0.011	0.083	0.1	0.042
SC422661.8	B	0.13	0.07	0.09	0.188	0.196	0.138
TRJO4551.58	B	0.13	0.05	0.02	0.076	0.067	0.052
A07412M1.vrc12	D	0.13	0.042	0.064	0.146	0.136	0.122
R2184.c04	CRF01_AE	0.127	0.036	0.039	0.131	0.102	0.097
231965.c01	D	0.126	0.035	0.035	0.091	0.11	0.111
CNE52	BC	0.12	0.052	0.028	0.05	0.05	0.043
6811.v7.c18	CD	0.113	0.033	0.11	0.198	0.145	0.132
3365.v2.c2	A	0.11	0.056	0.049	0.079	0.062	0.083
X1254_c3	G	0.107	0.018	0.03	0.052	0.05	0.035
263-8	CRF02_AG	0.1	0.025	0.067	0.133	0.105	0.089
6480.v4.c25	CD	0.1	0.021	0.058	0.056	0.063	0.048
C3347.c11	CRF01_AE	0.094	0.028	0.034	0.194	0.157	0.102
3415.v1.c1	A	0.086	0.023	0.054	0.098	0.103	0.07
Q842.d12	A	0.073	0.025	0.017	0.049	0.043	0.045
191084 B7-19	A (T/F)	0.07	0.026	0.016	0.057	0.06	0.055
6952.v1.c20	CD	0.07	0.01	0.042	0.078	0.061	0.066
X1193_c1	G	0.064	0.009	0.054	0.124	0.093	0.123
HIV-16055-2.3	C	0.06	0.024	0.017	0.03	0.023	0.015
Du156.12	C	0.054	0.005	0.024	0.03	0.03	0.024
ZM249M.PL1	C	0.053	0.007	0.017	0.084	0.075	0.07
0815.v3.c3	ACD	0.052	0.003	0.004	0.03	0.042	0.044
RHPA4259.7	B	0.047	0.007	0.007	0.036	0.027	0.028
1012_11_TC21_3257	B (T/F)	0.04	0.003	0.008	0.047	0.054	0.031
6041.v3.c23	AC	0.04	0.001	0.003	0.022	0.018	0.015
CNE53	BC	0.039	0.005	0.039	0.03	0.026	0.031
REJO4541.67	B	0.035	0.013	0.01	0.036	0.044	0.034
Q769.d22	A	0.033	0.009	0.017	0.059	0.056	0.059
3301.v1.c24	AC	0.033	0.004	0.006	0.036	0.031	0.026
HIV-0013095-2.11	C	0.03	0.027	0.017	0.036	0.037	0.033
BF1266.431a	C (T/F)	0.03	0.001	0.013	0.034	0.04	0.028
WEAU_d15_410_787	B (T/F)	0.015	0.003	0.027	0.031	0.034	0.028
HIV-001428-2.42	C	0.01	0.001	0.002	0.005	0.006	0.005
0260.v5.c36	A	Not Tested	0.399	0.084	0.633	0.631	0.504
CNE8	CRF01_AE	Not Tested	0.24	0.156	0.421	0.285	0.347

IC ₈₀ values (µg/ml)	>50	10-50	1-10	0.1-1	0.01-0.1	<0.01
---------------------------------	-----	-------	------	-------	----------	-------

Table S3. Crystallographic data collection and refinement statistics

45-46m2/93TH057	
Data collection	
Wavelength (Å)	0.953
Space group	P2 ₁ 2 ₁ 2 ₁
Cell dimensions	
<i>a</i> , <i>b</i> , <i>c</i> (Å)	69.3, 70.5, 232.2
α , β , γ (°)	90.0, 90.0, 90.0
Resolution (Å)	34.85-2.82 (2.89-2.82)
<i>R</i> _{meas} (%)	9.9 (96.8)
<i>R</i> _{merged-<i>F</i>} (%)	14.4 (99.0)
CC _{1/2} [†]	99.7 (73.6)
<i>I</i> / σ <i>I</i>	11.0 (2.1)
Completeness (%)	98.4 (99.3)
Multiplicity	3.8
Reflections	106875
Unique reflections	27846
Refinement	
Resolution (Å)	34.85-2.82
No. reflections	27841
<i>R</i> _{work} / <i>R</i> _{free}	19.3 / 23.1
No. atoms	
Protein	5998
Carbohydrates	242
Water	23
<i>B</i> -factors	
Protein	76.3
Carbohydrates	115
Water	51
Ramachandran	
Favored (%)	95.63
Allowed (%)	4.1
Outlier (%)	0.26
r.m.s. deviations	
Bond lengths (Å)	0.007
Bond angles (°)	1.027

5% of unique reflections were removed as a test set for the *R*_{free} calculation.

Values in parentheses are for the highest resolution shell (2.89-2.82 Å).

[†] Correlation coefficients between two halves of the data set (CC_{1/2} values) (Karplus,

P.A., and K. Diederichs. 2012. Linking crystallographic model and data quality.

Science 336:1030-1033) were calculated using XSCALE (Kabsch, W. 2010.

Integration, scaling, space-group assignment and post-refinement. *Acta Crystallogr D*

Biol Crystallogr 66:133-144).

Table S4. Neutralization IC₅₀ and IC₈₀ values of protein mixtures (µg/ml of each antibody) against a panel of 118 HIV-1 strains

Virus	Clade	45-46m2		45-46m2 45-46m7		45-46m2 45-46m7 PG9		45-46m2 45-46m7 10-1074	
		IC ₅₀	IC ₈₀	IC ₅₀	IC ₈₀	IC ₅₀	IC ₈₀	IC ₅₀	IC ₈₀
T278-50	CRF02_AG	>50	>50	>50	>50	9.359	>50	4.598	49.546
89-F1_2_25	CD	>50	>50	>50	>50	1.881	>50	>50	>50
6540.v4.c1	AC	>50	>50	>50	>50	0.204	1.004	>50	>50
Ce1172_H1	C (T/F)	>50	>50	>50	>50	0.148	0.548	0.023	0.070
620345.c01	CRF01_AE	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50
X2088_c9	G	>50	>50	>50	>50	45.092	>50	<0.001	0.006
6545.v4.c1	AC	9.214	>50	7.283	>50	0.106	0.424	1.358	17.389
Du422.1	C	3.837	23.071	15.614	>50	0.144	0.677	0.015	0.044
CAP210.2.00.E8	C	1.866	8.872	2.729	14.238	0.212	0.735	1.601	7.407
T250-4	CRF02_AG	1.512	22.836	5.608	>50	0.006	0.023	<0.001	0.002
THRO4156.18	B	0.762	2.016	0.496	1.650	0.384	1.245	0.346	1.525
3817.v2.c59	CD	0.759	4.004	1.599	18.438	0.007	0.030	0.178	0.659
BJOX010000.06.2	CRF01_AE (T/F)	0.692	2.574	0.302	2.539	0.135	1.176	0.352	1.304
R1166.c01	CRF01_AE	0.588	2.314	0.241	0.773	0.105	0.268	0.085	0.279
T251-18	CRF02_AG	0.394	1.346	0.269	0.738	0.205	0.570	0.090	0.263
211-9	CRF02_AG	0.351	2.239	0.438	2.894	0.166	0.489	0.063	0.157
HIV-16845-2.22	C	0.335	1.568	0.261	1.200	0.160	0.570	0.071	0.344
3103.v3.c10	ACD	0.306	0.767	0.170	0.445	0.114	0.303	0.006	0.014
6240_08_TA5_4622	B (T/F)	0.282	0.814	0.113	0.374	0.065	0.232	0.010	0.043
BJOX009000.02.4	CRF01_AE	0.256	0.872	0.123	0.581	0.126	0.452	0.084	0.314
C1080.c03	CRF01_AE	0.245	0.854	0.109	0.523	0.005	0.017	0.115	0.425
QH0692.42	B	0.211	1.031	0.126	0.610	0.084	0.435	0.028	0.113
X2131_C1_B5	G	0.177	1.584	0.013	0.078	0.006	0.049	0.003	0.017
Ce1176_A3	C (T/F)	0.169	0.460	0.079	0.233	0.013	0.040	0.009	0.031
AC10.0.29	B	0.154	0.520	0.066	0.317	0.030	0.137	0.009	0.031
T257-31	CRF02_AG	0.135	0.496	0.069	0.254	0.028	0.109	0.038	0.156
1054_07_TC4_1499	B (T/F)	0.130	0.376	0.050	0.182	0.033	0.122	0.027	0.080
ZM214M.PL15	C	0.096	0.442	0.029	0.137	0.018	0.085	0.014	0.052
CAANS342.A2	B	0.087	0.241	0.054	0.193	0.039	0.141	0.004	0.013
Ce704809221_1B3	C (T/F)	0.083	0.497	0.046	0.227	0.011	0.081	0.011	0.080
SC05_8C11_2344	B (T/F)	0.080	0.195	0.030	0.106	0.020	0.062	0.006	0.026
7030102001E5(Rev-)	C (T/F)	0.080	0.380	0.045	0.158	0.036	0.127	0.002	0.009
BJOX025000.01.1	CRF01_AE (T/F)	0.073	0.201	0.033	0.123	0.020	0.080	0.046	0.133
CNE30	BC	0.072	0.322	0.055	0.229	0.033	0.142	0.029	0.096
BJOX015000.11.5	CRF01_AE (T/F)	0.069	0.402	0.023	0.225	0.011	0.122	0.018	0.093
0260.v5.c36	A	0.067	0.263	0.047	0.188	0.034	0.144	0.022	0.074
Q461.e2	A	0.065	0.246	0.035	0.145	0.027	0.095	0.019	0.084
ZM53M.PB12	C	0.057	0.220	0.024	0.105	0.010	0.049	0.018	0.089
Du172.17	C	0.056	0.295	0.028	0.091	0.038	0.138	0.012	0.032
246F C1G	C (T/F)	0.056	0.189	0.040	0.109	0.039	0.108	0.011	0.032
90045S_A3_4	A (T/F)	0.056	0.141	0.039	0.110	0.013	0.049	0.002	0.011
1056_10_TA11_1826	B (T/F)	0.052	0.264	0.026	0.124	0.017	0.080	0.005	0.027
CNE17	BC	0.052	0.228	0.023	0.117	0.012	0.070	0.014	0.068
Ce2010_F5	C (T/F)	0.051	0.143	0.027	0.084	0.022	0.066	0.024	0.074
928-28	CRF02_AG	0.051	0.159	0.035	0.121	0.021	0.077	0.015	0.062
191821_E6_1	D (T/F)	0.049	0.184	0.035	0.101	0.032	0.094	0.023	0.071
Ce0393_C3	C (T/F)	0.048	0.135	0.019	0.080	0.008	0.026	0.019	0.058
C2101.c01	CRF01_AE	0.046	0.167	0.017	0.089	0.010	0.037	0.019	0.064
ZM135M.PL10a	C	0.045	0.173	0.030	0.126	0.015	0.060	0.009	0.034
Ce2060_G9	C (T/F)	0.038	0.138	0.025	0.075	0.016	0.049	0.019	0.049
TRO.11	B	0.034	0.095	0.020	0.058	0.015	0.045	0.004	0.013
6811.v7.c18	CD	0.034	0.101	0.016	0.052	0.009	0.040	<0.001	0.001
CNE5	CRF01_AE	0.033	0.168	0.025	0.159	0.003	0.019	0.010	0.058
6535.3	B	0.032	0.143	0.008	0.060	0.007	0.041	0.001	0.006
Ce703010054_2A2	C (T/F)	0.031	0.087	0.022	0.055	0.005	0.020	0.010	0.030
C4118.c09	CRF01_AE	0.031	0.111	0.008	0.038	<0.001	0.014	0.004	0.017
3016.v5.c45	D	0.030	0.088	0.019	0.049	0.015	0.040	0.013	0.034
ZM109F.PB4	C	0.029	0.124	0.012	0.058	0.006	0.031	0.008	0.040
SC422661.8	B	0.026	0.075	0.011	0.040	0.007	0.028	0.006	0.019
WITO4160.33	B	0.025	0.088	0.010	0.036	0.005	0.013	0.008	0.028
P1981_C5_3	G	0.025	0.082	0.012	0.050	0.004	0.024	0.001	0.003

CAP45.2.00.G3	C	0.024	0.103	0.014	0.060	0.003	0.009	0.015	0.069
6244_13_B5_4576	B (T/F)	0.022	0.103	0.015	0.064	0.009	0.046	0.004	0.027
ZM233M.PB6	C	0.021	0.075	0.009	0.039	0.003	0.016	0.003	0.019
1394C9G1(Rev-)	C (T/F)	0.021	0.080	0.011	0.038	0.006	0.022	0.004	0.015
CNE8	CRF01_AE	0.021	0.106	0.013	0.074	0.004	0.047	0.003	0.036
MS208.A1	A	0.020	0.094	0.012	0.074	0.006	0.033	0.008	0.042
T255-34	CRF02_AG	0.020	0.140	0.006	0.051	0.002	0.021	0.001	0.017
6952.v1.c20	CD	0.019	0.053	0.007	0.029	0.004	0.021	0.003	0.011
231966.c02	D	0.017	0.076	0.013	0.042	0.006	0.028	0.009	0.030
A07412M1.vrc12	D	0.016	0.098	0.010	0.036	0.001	0.026	<0.001	<0.001
CNE21	BC	0.015	0.068	0.005	0.035	0.001	0.021	<0.001	0.017
ZM247v1(Rev-)	C (T/F)	0.015	0.048	0.009	0.038	0.006	0.032	0.003	0.015
62357_14_D3_4589	B (T/F)	0.015	0.097	0.009	0.041	0.009	0.039	0.006	0.047
231965.c01	D	0.015	0.046	0.012	0.044	0.008	0.024	0.006	0.024
Q23.17	A	0.013	0.057	0.003	0.036	<0.001	0.006	<0.001	0.002
ZM197M.PB7	C	0.012	0.056	0.008	0.032	0.001	0.012	0.004	0.018
Ce0682_E4	C (T/F)	0.012	0.053	0.006	0.025	0.004	0.014	0.006	0.027
HIV-0013095-2.11	C	0.011	0.042	0.005	0.027	0.005	0.019	0.004	0.022
249M B10	C (T/F)	0.011	0.042	0.005	0.027	0.005	0.019	0.004	0.022
X1193_c1	G	0.010	0.064	0.002	0.022	<0.001	0.009	0.001	0.011
6480.v4.c25	CD	0.010	0.033	0.005	0.018	0.002	0.009	0.003	0.017
PVO.4	B	0.009	0.066	0.007	0.035	0.006	0.031	0.004	0.017
C3347.c11	CRF01_AE	0.009	0.053	0.005	0.033	0.001	0.015	0.001	0.014
P0402_c2_11	G	0.009	0.050	0.003	0.021	0.001	0.010	0.001	0.005
RHPA4259.7	B	0.008	0.033	0.002	0.015	0.001	0.007	<0.001	0.008
REJO4541.67	B	0.008	0.029	0.003	0.013	0.003	0.010	0.005	0.017
TRJO4551.58	B	0.008	0.028	0.004	0.018	0.005	0.016	0.003	0.012
CNE20	BC	0.007	0.031	0.006	0.021	0.002	0.011	<0.001	0.002
CNE58	BC	0.007	0.045	0.005	0.034	0.002	0.018	<0.001	0.017
R2184.c04	CRF01_AE	0.007	0.038	0.003	0.023	0.002	0.015	0.002	0.017
Du156.12	C	0.006	0.026	0.002	0.010	<0.001	0.006	<0.001	0.004
1006_11_C3_1601	B (T/F)	0.005	0.020	0.002	0.011	0.001	0.006	<0.001	0.001
1012_11_TC21_3257	B (T/F)	0.005	0.021	<0.001	0.008	<0.001	0.006	<0.001	0.004
ZM249M.PL1	C	0.005	0.021	0.003	0.014	<0.001	0.006	<0.001	0.005
X1254_c3	G	0.005	0.027	0.002	0.013	<0.001	0.007	<0.001	0.005
HIV-16055-2.3	C	0.004	0.020	0.001	0.011	<0.001	0.005	0.001	0.010
191084 B7-19	A (T/F)	0.004	0.019	0.002	0.014	<0.001	0.007	<0.001	0.005
0815.v3.c3	ACD	0.004	0.016	0.002	0.009	0.001	0.006	0.001	0.008
3415.v1.c1	A	0.003	0.031	0.001	0.020	<0.001	0.008	<0.001	0.003
191955_A11	A (T/F)	0.003	0.019	0.005	0.034	0.006	0.033	0.024	0.115
3301.v1.c24	AC	0.003	0.014	<0.001	0.010	<0.001	0.004	<0.001	0.002
Ce1086_B2	C (T/F)	0.002	0.011	0.001	0.007	<0.001	0.005	0.001	0.004
3365.v2.c2	A	0.002	0.025	<0.001	0.010	<0.001	0.004	<0.001	0.001
6041.v3.c23	AC	0.002	0.009	<0.001	0.006	<0.001	0.005	<0.001	0.004
Q769.d22	A	0.001	0.012	<0.001	0.004	<0.001	0.003	<0.001	0.005
BJOX028000.10.3	CRF01_AE (T/F)	0.001	0.009	<0.001	0.007	<0.001	0.003	<0.001	0.004
X1632_S2_B10	G	0.001	0.011	<0.001	0.004	<0.001	0.002	<0.001	0.004
WEAU_d15_410_787	B (T/F)	<0.001	0.012	<0.001	0.005	<0.001	0.003	<0.001	0.003
HIV-001428-2.42	C	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
BF1266.431a	C (T/F)	<0.001	0.018	<0.001	0.011	<0.001	0.007	<0.001	0.006
CNE19	BC	<0.001	0.027	<0.001	0.017	<0.001	0.009	<0.001	0.005
CNE52	BC	<0.001	0.020	<0.001	0.018	<0.001	0.007	<0.001	0.005
CNE53	BC	<0.001	0.009	<0.001	0.008	<0.001	0.004	<0.001	0.004
Q259.d2.17	A	<0.001	0.005	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002
Q842.d12	A	<0.001	0.010	<0.001	0.004	<0.001	0.002	<0.001	0.003
263-8	CRF02_AG	<0.001	0.054	<0.001	0.029	<0.001	0.016	<0.001	0.007
235-47	CRF02_AG	<0.001	0.014	<0.001	0.009	<0.001	0.005	<0.001	0.002

IC ₅₀ and IC ₈₀ values (µg/ml)	>50	10-50	1-10	0.1-1	0.01-0.1	<0.01
---	-----	-------	------	-------	----------	-------

