

		PPR position	26	25	24	23	22	21	20	19	18	17	16	15	14	13	12	11	10	9	8	7	6	5	4	3	2	1	P-value	Rank without L, L2 and S2	P-value	Rank with L, L2 and S2			
Gene name	OGR1	motifs																				P	P	P	L	S	P	L2	S2						
AGI number	Os12g17080	6																				S	T	G	V	N	N	L	G						
Type	DYW	1'																				D	N	N	N	T	D	N	D						
Species	Os	A																				0.11	0.73	0.17	0.34	0	0.09	0.2	0.09						
Localization	mt	C																				0.34	0.05	0.44	0.14	0.78	0.25	0.38	0.07						
ref.	31	G																				0.45	0.22	0	0.12	0.14	0.06	0.7							
		U																				0.1	0	0.39	0.4	0.09	0.52	0.36	0.14						
cox2	167	Target seq	C	U	U	C	C	U	U	A	U	U	C	U	G	A	U	U	U	U	U	G	G	U	U	U	C	G	2.44E-02	48	3.86E-03	12			
		score																				0.45	0.22	0.39	0.40	0.09	0.52	0.38	0.70						
cox3	572	Target seq	A	G	U	A	G	C	A	A	C	C	G	U	U	U	U	A	C	U	U	G	G	C	U	C	U	A	G	2.44E-03	5	4.70E-04	1		
		score																				0.45	0.22	0.44	0.40	0.78	0.52	0.20	0.70						
nad4	458	Target seq	A	A	A	G	C	U	U	U	C	U	G	U	C	G	A	A	C	U	U	G	G	C	U	U	C	U	A	7.05E-02	70	2.67E-02	71		
		score																				0.45	0.73	0.39	0.14	0.14	0.25	0.38	0.70						
ccmC	1457	Target seq	C	G	A	U	C	U	U	A	C	U	C	A	U	C	A	A	A	U	U	G	G	C	A	C	U	C	A	1.88E-03	4	2.46E-03	5		
		score																				0.45	0.22	0.44	0.40	0.09	0.25	0.36	0.09						
ccmC	401	Target seq	A	A	U	U	U	G	U	G	A	A	U	U	U	C	U	A	A	U	U	G	A	U	C	G	C	C	G	8.02E-03	9	3.01E-03	6		
		score																				0.45	0.22	0.44	0.40	0.78	0.25	0.36	0.09						
nad2	416	Target seq	A	A	U	G	A	U	C	G	C	C	G	U	G	U	U	C	U	U	U	C	A	U	G	C	U	G	G	5.34E-04	2	3.20E-03	9		
		score																				0.45	0.22	0.44	0.34	0.78	0.52	0.38	0.09						
nad4	433	Target seq	G	C	A	U	G	C	U	G	G	A	U	C	U	U	C	U	A	C	U	U	A	U	U	C	U	A	U	8.02E-03	10	7.97E-03	20		
		score																				0.34	0.73	0.39	0.12	0.78	0.52	0.06	0.70						
nad4	458ue	Target seq	A	A	A	G	C	U	U	U	C	U	G	U	C	G	A	A	C	U	U	G	G	C	U	C	C	U	A	5.77E-03	6	5.20E-03	15		
		score																				0.10	0.73	0.39	0.40	0.78	0.52	0.20	0.14						
Gene name	MPR25	motifs								S	P	L	S	P	L	S	P	L	S	P	L	S	P	L	S	P	L	S	P	L2	S2				
AGI number	Os04g51350	6								A	N	S	N	N	V	S	N	L	N	N	T	S	N	A	T	T	L	C							
Type	E	1'								P	D	T	N	T	D	N	D	P	D	D	G	D	T	N	S	D	T	N							
Species	Os	A								0.25	0.09	0.25	0.14	0.04	0.25	0.70	0.09	0.20	0.15	0.09	0.40	0.06	0.04	0.34	0.45	0.04	0.20	0.91							
Localization	mt	C								0.25	0.14	0.25	0.41	0.00	0.25	0.04	0.14	0.00	0.07	0.14	0.28	0.85	0.00	0.12	0.17	0.93	0.06	0.00							
ref.	32	G								0.25	0.52	0.25	0.16	0.27	0.25	0.13	0.52	0.48	0.55	0.52	0.14	0.10	0.27	0.40	0.18	0.03	0.36	0.00							
		U								0.25	0.52	0.25	0.16	0.27	0.25	0.13	0.52	0.48	0.55	0.52	0.14	0.10	0.27	0.40	0.18	0.03	0.36	0.00							
nad5	1580	Target seq	C	A	A	A	C	U	A	A	U	A	C	C	U	A	U	U	C	U	U	G	U	U	A	G	U	A	4.17E-04	3	1.96E-05	2			
		score								0.25	0.52	0.25	0.29	0.69	0.25	0.70	0.52	0.48	0.23	0.52	0.28	0.10	0.27	0.40	0.45	0.93	0.36	0.91							

Figure S3