

Peptide	Sequence Number		Sequence	Peptide	Sequence Number		Sequence
				25	270	289	EDIVIRSENFDTNAKTIIVQ
2	40	59	GVPVWREATTTLFCASDAKA	26	280	299	TDNAKTIIVQLNESVVINCT
3	50	69	TLFCASDAKAYDTEVHNVWA	27	290	309	LNESVVINCTRPNNTRRRL
4	60	79	YDTEVHNVWATHACVPTDPN	28	300	319	RPNNNTRRRRLSIGPGRFYA
5	70	89	THACVPTDPNPQEVVLGNVTE	29	310	329	SIGPGRFYARRNIIGDIRQ
6	80	99	PQEVVLGNVTENFNMWKNM	30	320	339	RRNIIGDIRQAHCNISRAKW
7	90	109	ENFNMWKNMVDQMHEDIIS	31	330	349	AHCNISRAKWNNLQQIVIK
				32	340	359	NNLQQIVIKLREKFRNKTI
				33	350	368	LREKFRNKTIAFNQSSGGD
				34	360	379	AFNQSSGGDPEIVMHSFNCG
				35	370	389	EIVMHSFNCGGEFFYCNTAQ
				36	380	399	GEFFYCNTAQLFNSTWNVTG
				37	390	409	LFNSTWNVTTGGTNGTEGNDI
				38	400	419	GTNGTEGNDIITLQCRKQI
				39	410	429	ITLQCRKQIINMWQKVGKA
16	180	199	LDVVPIENTNNTKYRLISCN	40	420	439	INMWQKVGKAMYAPPITGQI
17	190	209	NTKYRLISCNVITQACPK	41	430	449	MYAPPITGQIRCSSNITGLL
18	200	219	TSVITQACPKVSFQPIPIHY	42	440	459	RCSSNITGLLLTRDGGNSTE
19	210	229	VSFQPIPIHYCVPAGFAMLK	43	450	469	LTRDGGNSTETETEIFRPGG
20	220	239	CVPAGFAMLKCNKTFNGSG	44	460	479	TETEIFRPGGDMRDNWRSE
21	230	248	CNNKTFNGSGPCTNVSTVQ	45	470	489	GDMRDNWRSELYKYKVVRIE
22	240	259	PCTNVSTVQCTHGIRPVVST	46	480	499	LYKYKVVRIEPIGVAPTRAK
23	250	269	THGIRPVVSTQLLLNGLAE	47	490	508	PIGVAPTRAKRRTVQREKR
24	260	279	QLLLNGLAEEDIVIRSENF				