

Table S3**(A)**

Phylum/class	PNFT1	PNFT2	PFOH1	PFOH2	PFS1	IS2	IT3	IBD
Acidobacteria	0,00	0,71	0,00	0,00	0,00	0,34	0,00	0,00
Actinobacteria	42,78	3,67	1,98	0,00	3,49	2,24	1,55	1,28
BRC1	0,07	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Bacteroidetes	4,08	1,41	0,21	0,00	4,76	0,34	2,65	1,02
Chloroflexi	2,93	0,00	0,31	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Cyanobacteria	1,65	0,28	0,10	0,00	0,76	0,09	0,00	0,00
Deferribacteres	0,00	0,00	0,10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Firmicutes	4,15	15,23	2,29	0,00	6,92	0,78	0,22	0,13
Fusobacteria	0,00	0,00	0,00	0,00	0,25	0,00	0,00	0,06
GN02	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	1,55	1,34
Hyd24-12	0,00	0,00	0,10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Planctomycetes	0,43	0,56	0,00	0,00	0,00	2,41	1,77	0,19
SBR1093	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,44	0,19
SR1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,19	0,00	0,00	0,00
Thermi	0,07	2,54	0,10	0,00	0,25	0,00	0,44	0,06
Verrucomicrobia	0,07	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,22	0,00
uncl.bacteria	3,79	4,94	5,93	0,00	0,32	6,55	10,84	6,14
Alphaproteobacteria	19,74	17,91	54,99	7,53	12,19	30,23	52,21	50,06
Betaproteobacteria	5,65	39,35	2,39	78,66	40,06	27,91	8,63	8,70
Deltaproteobacteria	0,43	0,00	0,10	0,00	0,00	0,26	0,44	10,29
Epsilonproteobacteria	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,22	0,00
Gammaproteobacteria	13,66	13,26	27,86	13,81	30,79	28,17	18,14	17,84
uncl.Proteobacteria	0,50	0,14	3,53	0,00	0,00	0,69	0,66	2,69

Hyphomonas	0,00	0,00	0,10	0,00	0,00	0,00	1,11	0,19
uncl.Alteromonadaceae	0,00	0,00	0,10	0,00	0,00	0,00	0,22	0,19
unclassified	0,72	0,56	0,10	0,00	0,00	2,41	0,00	0,19
Hydrogenophaga	0,00	0,42	0,00	0,00	1,14	0,00	1,11	0,19
uncl.Puniceicoccaceae	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,44	0,19
uncl.Desulfovibrionales	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,19
uncl.Rhodobacteraceae	4,22	0,00	12,99	0,00	0,00	0,00	0,44	0,13
Acidocella	1,50	3,53	0,31	0,42	0,25	0,17	0,00	0,13
Devosia	1,50	0,71	0,21	0,00	0,00	1,29	1,55	0,13
uncl.Sphingomonadaceae	0,07	0,56	0,10	0,00	0,00	0,00	0,44	0,13
Propionibacterium	1,14	2,68	0,10	0,00	1,02	0,00	0,00	0,13
uncl.Comamonadaceae	1,36	0,00	0,00	0,00	2,35	0,52	0,00	0,13
Staphylococcus	0,64	11,42	0,00	0,00	0,57	0,09	0,00	0,13
uncl.GN02	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,13
Zobellella	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,13
Rheinheimera	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,13
Acinetobacter	0,43	5,36	2,08	0,00	21,59	1,46	0,22	0,06
Petrobacter	1,72	31,73	1,04	78,24	0,06	0,00	0,00	0,06
uncl.Patulibacteraceae	0,00	0,00	0,94	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
uncl.Phylobacteriaceae	0,00	0,00	0,10	0,00	0,00	0,09	0,66	0,06
Meiothermus	0,07	2,54	0,10	0,00	0,25	0,00	0,44	0,06
uncl.Actinomycetales	7,73	0,14	0,10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
Maricaulis	0,00	0,00	0,10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
uncl.Pirellulales	0,43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,66	0,06
A17	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,44	0,06
Azohydromonas	0,00	0,99	0,00	0,42	3,94	1,81	0,00	0,06
uncl.Burkholderiales	0,50	0,56	0,00	0,00	1,65	3,88	0,00	0,06
Planctomyces	0,00	0,56	0,00	0,00	0,00	2,33	0,00	0,06
Rhodoplanes	0,00	0,56	0,00	0,00	0,00	0,17	0,00	0,06
Sphingomonas	0,00	0,28	0,00	0,00	0,32	0,00	0,00	0,06
Fusobacterium	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00	0,00	0,06
Dietzia	0,93	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
Lutibacterium	0,36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
uncl.AKIW874	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
Bradyrhizobium	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
Catellibacterium	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
Aromatoleum	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
f_Pseudomonadaceae	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06
Marinobacterium	0,00	0,00	16,42	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Agrobacterium	0,00	1,83	5,09	5,44	8,63	0,52	0,66	0,00
Marinobacter	0,00	0,00	4,89	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Exiguobacterium	0,00	0,00	2,18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
uncl.Rhodobacterales	0,07	0,00	2,08	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Haererehalobacter	0,00	0,00	1,14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00

Pseudoxanthomonas	0,00	0,99	0,00	4,18	0,38	0,00	0,00	0,00
Ochrobactrum	0,00	0,42	0,00	1,26	0,00	0,00	0,00	0,00
Tessaracoccus	3,79	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
uncl.HN1-15	2,93	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
uncl.Micrococcaceae	2,43	0,14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Georgenia	2,43	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Planomicrobium	1,93	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Roseomonas	1,22	0,42	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Chroococciopsis	1,22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Lysobacter	1,14	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
Streptococcus	0,00	0,14	0,00	0,00	5,08	0,00	0,00	0,00
Wautersiella	0,00	0,00	0,00	0,00	3,43	0,00	0,00	0,00
Stenotrophomonas	0,57	0,00	0,00	0,00	2,10	0,00	0,00	0,00
uncl.Alteromonadales	0,00	0,00	0,00	0,00	1,59	0,00	0,00	0,00
Caulobacter	0,00	0,00	0,00	0,00	1,27	0,00	0,00	0,00
uncl.Enterobacteriaceae	0,29	0,00	0,00	0,00	1,08	0,00	0,00	0,00
Kocuria	1,36	0,00	0,00	0,00	0,00	0,09	0,00	0,00
Polaromonas	0,00	0,00	0,00	0,00	0,95	0,00	0,00	0,00
others	22,46	7,90	0,00	0,00	9,27	3,36	0,00	0,00