

Figure S1. Sequence alignment of human vs bovine complexes.

Complex III

MT-CYB

Sequence alignment of human (CYTB_H_sapiens) and bovine (CYTB_B_taurus) MT-CYB proteins. The alignment shows the amino acid sequence from position 1 to 380. Red boxes highlight conserved residues across both species.

	1	10	20	30	40	50	60	70
CYTB_H_sapiens	M	T	P	R	K	T	N	
CYTB_B_taurus	M	T	N	I	R	K	S	H
	PLM	KL	I	N	H	S	F	I
	FID	L	P	T	P	S	N	I
	S	W	W	N	F	G	S	L
	G	A	W	N	F	G	S	L
	C	L	I	L	O	I	T	
	T	G	L	F	L	A	M	H
	A	M	H	S	P	D	A	S
	S	T	A	F	S	T	A	F
	S	S	I	A	H	I	S	I
	V	H	I	H	I	T	T	H

	80	90	100	110	120	130	140																							
CYTB_H_sapiens	R	D	V	N	Y	G	W	I	I	R	Y	I	H	A	N	G	A	M	F	G	Y	V	L	P	W	G	Q	M	S	F
CYTB_B_taurus	R	D	V	N	Y	G	W	I	I	R	Y	I	H	A	N	G	A	M	F	G	Y	V	L	P	W	G	Q	M	S	F

	150	160	170	180	190	200	210																																																									
CYTB_H_sapiens	W	G	A	T	V	I	T	N	L	S	A	I	P	Y	I	G	T	D	L	V	Q	W	I	G	G	Y	S	V	D	P	T	L	T	R	F	T	F	H	F	I	L	P	F	I	A	A	C	A	T	L	H	L	F	L	H	E	T	G	S	N	N	P	I	G
CYTB_B_taurus	W	G	A	T	V	I	T	N	L	S	A	I	P	Y	I	G	T	D	L	V	Q	W	I	G	G	Y	S	V	D	P	T	L	T	R	F	T	F	H	F	I	L	P	F	I	A	A	C	A	T	L	H	L	F	L	H	E	T	G	S	N	N	P	I	G

	220	230	240	250	260	270	280																																																												
CYTB_H_sapiens	I	T	S	H	S	D	K	I	T	F	H	P	Y	Y	T	I	K	D	A	G	L	L	F	I	L	S	L	M	T	L	T	L	F	S	P	D	L	L	G	D	P	D	N	Y	T	L	A	N	P	L	N	T	P	P	H	I	K	P	E	W	Y	F	L	F	A	Y	I
CYTB_B_taurus	I	S	S	D	V	D	K	I	P	F	H	P	Y	Y	T	I	K	D	I	L	G	A	L	L	I	L	A	M	L	L	V	L	F	A	P	D	L	L	G	D	P	D	N	Y	T	P	A	N	P	L	N	T	P	P	H	I	K	P	E	W	Y	F	L	F	A	Y	I

	290	300	310	320	330	340	350																																																								
CYTB_H_sapiens	L	R	S	V	P	N	K	L	G	G	V	V	L	A	L	L	S	I	L	I	A	M	I	P	L	H	M	S	K	Q	S	M	M	F	R	P	L	S	Q	S	L	Y	W	L	A	D	L	L	L	T	W	I	G	G	Q	P	V	E	Y	P	F	T	I
CYTB_B_taurus	L	R	S	I	P	N	K	L	G	G	V	V	L	A	L	L	S	I	L	I	A	M	I	P	L	H	M	S	K	Q	R	S	M	M	F	R	P	L	S	Q	C	L	W	A	V	D	L	L	L	T	W	I	G	G	Q	P	V	E	H	P	Y	I	I

	360	370	380																										
CYTB_H_sapiens	G	Q	V	A	S	V	L	Y	F	T	T	I	L	I	L	M	P	T	I	S	I	E	N	K	M	L	K	W	A
CYTB_B_taurus	G	Q	L	A	S	V	L	Y	F	L	L	I	V	L	M	P	T	A	G	T	I	E	N	K	L	K	W	.	

Complex IV

a) MT-CO1

COX1_H_sapiens	1	10	20	30	40	50	60	70
	M P A D H W L F S T N H K D I G T L L F G A W C	V I G T A L S L L I R E L G Q P G N	L L G N D H I Y N V V T A H A F V M I F F M V					
COX1_B_taurus	M P I N R W L F S T N H K D I G T L L F G A W C	M V G T A L S L L I R E L G Q P G T	L L G D D Q I Y N V V T A H A F V M I F F M V					
80 90 100 110 120 130 140								
COX1_H_sapiens	M P I M I G G F G N W L V P L M I G A P D M A	F P R M N N M S F W L P P S L	L L L A S A M V E A G A G T G W T V Y P P L A C	N Y S H P C				
COX1_B_taurus	M P I M I G G F G N W L V P L M I G A P D M A	F P R M N N M S F W L P P S F	L L L A S A M V E A G A G T G W T V Y P P L A B C	N Y S H A C				
150 160 170 180 190 200 210								
COX1_H_sapiens	A S V D L T I F S L H AG V S S I L G A N F P I T T I I N M K P P A M	T Q Y Q T P L F V W S V M	I T A V L L L S L P V L A A G I T M L					
COX1_B_taurus	A S V D L T I F S L H AG V S S I L G A N F P I T T I I N M K P P A M	T Q Y Q T P L F V W S V M	I T A V L L L S L P V L A A G I T M L					
220 230 240 250 260 270 280								
COX1_H_sapiens	T D R N L N T T F F D P A G G D P I L Y Q H L F W F F G H P E V Y I L I L P G F G M I S H I V T Y Y S G K K E P F G Y M G M V W A M M S I							
COX1_B_taurus	T D R N L N T T F F D P A G G D P I L Y Q H L F W F F G H P E V Y I L I L P G F G M I S H I V T Y Y S G K K E P F G Y M G M V W A M M S I							
290 300 310 320 330 340 350								
COX1_H_sapiens	G F L G F I V W A H H M F T V G M D V D T R A Y F T S A T M I I A I P T G V K V F S W L A T L H G C	S N M K W S A A V W A L G F I F L P T V						
COX1_B_taurus	G F L G F I V W A H H M F T V G M D V D T R A Y F T S A T M I I A I P T G V K V F S W L A T L H G C	S N I K W S P A M W A L G F I F L P T V						
360 370 380 390 400 410 420								
COX1_H_sapiens	G G L T G I V L A N S S L D I V L H D T Y Y V V A H F Y V L S M G A V F A I M G F I H W F P L F S G T I D Q T Y A K I H E T I M P I G	T Y A K I H E T I M P I G						
COX1_B_taurus	G G L T G I V L A N S S L D I V L H D T Y Y V V A H F Y V L S M G A V F A I M G F I H W F P L F S G T I D Q T Y A K I H E T I M P I G	T Y A K I H E T I M P I G						
500 510								
COX1_H_sapiens	N L E W I Y G C P P P Y H E E P V Y I M K S .							
COX1_B_taurus	N L E W I Y G C P P P Y H E E P V Y I M K S N L K							

b) MT-CO2

COX2_H_sapiens	1	10	20	30	40	50	60	70
	M A A C V G L Q D A T S P I M E E L I T F H D H A L M I I F L I C P F L V Y Y G F G N T I N I S D A Q E M E T V W T I L P A	L L G N D H I Y N V V T A H A F V M I F F M V						
COX2_B_taurus	M A A C V G L Q D A T S P I M E E L I T F H D H A L M I I F L I C P F L V Y Y G F G N T I N I S D A Q E M E T V W T I L P A	L L G N D H I Y N V V T A H A F V M I F F M V						
80 90 100 110 120 130 140								
COX2_H_sapiens	I I L V L I A L P S L R I L Y M T D E V N D P S L T I K S I G H Q W Y W T Y E Y T D Y G G L I E N S Y M I E P L F L E P G D L R L L D V D	N M S R P G L I E N S Y M I E P L F L E P G D L R L L D V D						
COX2_B_taurus	I I L V L I A L P S L R I L Y M D E I N N P S L T V X T M G H Q W Y W T Y E Y T D Y G G L I E N S Y M I E P L F L E P G D L R L L D V D	N M S R P G L I E N S Y M I E P L F L E P G D L R L L D V D						
150 160 170 180 190 200 210								
COX2_H_sapiens	R V V L P I E A P I R M M I T S Q D V L H S W A V P T L G L K T D A I P G R L N Q T T F A T R F G V Y Y G Q C S E I C G A N H S F M P I V	R V V L P I E A P I R M M I T S Q D V L H S W A V P T L G L K T D A I P G R L N Q T T F A T R F G V Y Y G Q C S E I C G A N H S F M P I V						
COX2_B_taurus	R V V L P I E A P I M M I T S Q D V L H S W A V P T L G L K T D A I P G R L N Q T T F A T R F G V Y Y G Q C S E I C G A N H S F M P I V	R V V L P I E A P I M M I T S Q D V L H S W A V P T L G L K T D A I P G R L N Q T T F A T R F G V Y Y G Q C S E I C G A N H S F M P I V						
220								
COX2_H_sapiens	L E L I P L K I F E M G P V F T L							
COX2_B_taurus	L E L V P L K I F E K W S A S M L							

c) MT-CO3

COX3_H_sapiens	1	10	20	30	40	50	60	70
COX3_B_taurus	MTHQS HAYHMVK PSPWP L TGAL SALLMTSGLA MWFFH H SMTLL N IGI L TNT LTMYQWWRDV TRESTYQGH							
COX3_H_sapiens	80	90	100	110	120	130	140	
COX3_B_taurus	HTP VQKGLRYGMILFITSEVF FFAGFFWAFYHS SLAPTPC LGCH WFPPTGI T PLNPLEVPLLNTSVLLAS							
COX3_H_sapiens	150	160	170	180	190	200	210	
COX3_B_taurus	GVSIT WAHHSLME NNRNQ M I Q ALL IT IL LG LYFT LLQASEYF E SPFT ISDG I YGST TFFV ATGF HGLHVII							
COX3_H_sapiens	220	230	240	250	260			
COX3_B_taurus	G STFL T ICFI RQLM FHFTSK HHFGFEAA AWYWHFVDVV WL FLY V SIY WWGS							