

Figure S2

N-terminus

Hu SAMHD1	MQRADSEQPS	KRPRCDDSPR	TPSNTPSAEA	DWSPGLELHP	DYKTWGPEQV	CSFLRRGGFE	60
Rhe SAMHD1	--Q---D---	----F-----	-----S-----	-C-----	-----	-F-----G	
Mnd SAMHD1	--Q---D---	----F-----	---S-----	-C---V----	-----	-F-----G	
RCM SAMHD1	--Q---D---	----F-----	---S-----	-C-----	-----	-F-----G	
AGM SAMHD1	--Q---D---	--L-F-----	---S-----	-----	-----D----	-F-----G	
Deb SAMHD1	--Q---D---	----F-----	---S-----	-G-----	-----D----	-F-----G	
Hu SAMHD1	EPVLLKNIRE	NEITGALLPC	LDESRFENLG	VSSLGERKKL	LSYIQRLVQI	HVDTMKVIND	120
Rhe SAMHD1	--A-----	-K-----	----H-----	-----	-----SG--	-----	
Mnd SAMHD1	--A-----	-K-----	----H-----	-----	-----SG--	-----	
RCM SAMHD1	--A-----	-K--D-----	----H-----	-----	-----SG--	-----	
AGM SAMHD1	--A-----Q-	-K-----	----H-----	-----	-----G--	-----	
Deb SAMHD1	--A-----	-K-----	----H-----	-----	-----G--	-----	

C-terminus

Hu SAMHD1	ITPQKKEWND	STSVQNPTRL	REASKSRVQL	FKDDPM	626
Rhe SAMHD1	-----Y	R---S---	-----L--	-----K	
Mnd SAMHD1	-----Y	R---S---	-----L--	-----K	
RCM SAMHD1	-----Y	R---S---	-----L--	-----K	
AGM SAMHD1	-----Y	R---S---	-----L--	-----K	
Deb SAMHD1	-----Y	R---S---	-----L--	-----K	