

Table S5 Mutation rate estimates for different minimum read-depth cutoffs.

Depth cutoff	No. of mutations in Line 33	Line 33 rate	95% CI	No. of mutations in Line 39	Line 39 rate	95% CI
5	514	7.71×10^{-9}	7.06×10^{-9} - 8.40×10^{-9}	218	3.27×10^{-9}	2.85×10^{-9} - 3.73×10^{-9}
6	511	7.77×10^{-9}	7.11×10^{-9} - 8.47×10^{-9}	216	3.28×10^{-9}	2.86×10^{-9} - 3.75×10^{-9}
7	503	7.80×10^{-9}	7.13×10^{-9} - 8.51×10^{-9}	212	3.28×10^{-9}	2.86×10^{-9} - 3.76×10^{-9}
8	487	7.75×10^{-9}	7.08×10^{-9} - 8.47×10^{-9}	207	3.29×10^{-9}	2.86×10^{-9} - 3.77×10^{-9}
9	474	7.81×10^{-9}	7.12×10^{-9} - 8.54×10^{-9}	200	3.29×10^{-9}	2.85×10^{-9} - 3.77×10^{-9}
10	454	7.83×10^{-9}	7.12×10^{-9} - 8.58×10^{-9}	193	3.31×10^{-9}	2.86×10^{-9} - 3.81×10^{-9}
11	420	7.67×10^{-9}	6.95×10^{-9} - 8.43×10^{-9}	182	3.29×10^{-9}	2.83×10^{-9} - 3.80×10^{-9}
12	394	7.72×10^{-9}	6.97×10^{-9} - 8.52×10^{-9}	174	3.35×10^{-9}	2.87×10^{-9} - 3.89×10^{-9}
13	365	7.79×10^{-9}	7.01×10^{-9} - 8.63×10^{-9}	160	3.33×10^{-9}	2.83×10^{-9} - 3.89×10^{-9}
14	323	7.64×10^{-9}	6.82×10^{-9} - 8.51×10^{-9}	144	3.28×10^{-9}	2.77×10^{-9} - 3.86×10^{-9}
15	285	7.59×10^{-9}	6.74×10^{-9} - 8.53×10^{-9}	132	3.34×10^{-9}	2.79×10^{-9} - 3.96×10^{-9}
16	249	7.62×10^{-9}	6.71×10^{-9} - 8.63×10^{-9}	115	3.28×10^{-9}	2.71×10^{-9} - 3.94×10^{-9}
17	214	7.68×10^{-9}	6.69×10^{-9} - 8.79×10^{-9}	99	3.23×10^{-9}	2.63×10^{-9} - 3.94×10^{-9}
18	179	7.70×10^{-9}	6.61×10^{-9} - 8.92×10^{-9}	91	3.46×10^{-9}	2.79×10^{-9} - 4.25×10^{-9}
19	142	7.49×10^{-9}	6.31×10^{-9} - 8.83×10^{-9}	73	3.29×10^{-9}	2.58×10^{-9} - 4.14×10^{-9}
20	115	7.61×10^{-9}	6.29×10^{-9} - 9.14×10^{-9}	60	3.26×10^{-9}	2.49×10^{-9} - 4.20×10^{-9}