

### Supplemental Figure 1C: X.I. Pax3 and X.I. Pax7 protein sequence alignment

x.l. Pax3	1	M T S L A G A V P R M M R P C P G Q N Y P R T G F P L E V S T P L G Q G R V N Q	40
x.l. Pax7	1	M A A L P G T I P R M M R P A P G Q N Y P R T G F P L E V S T P L G Q G R V N Q	40
		M L G . P R M M R P P G Q N Y P R T G F P L E V S T P L G Q G R V N Q	
x.l. Pax3	41	L G G V F I N G R P L P N H I R H K I V E M A H H G V R P C V I S R Q L R V S H	80
x.l. Pax7	41	L G G V F I N G R P L P N H I R H K I V E M A H H G I R P C V I S R Q L R V S H	80
		L G G V F I N G R P L P N H I R H K I V E M A H H G . R P C V I S R Q L R V S H	
x.l. Pax3	81	G C V S K I L C R Y Q E T G S I R P G A I G G S K P K Q V T T P E V E K K M E E E	120
x.l. Pax7	81	G C V S K I L C R Y Q E T G S I R P G A I G G S K P R - V A T P D V E K K I E E E	119
		G C V S K I L C R Y Q E T G S I R P G A I G G S K P . Q V T P . V E K K E E E	
x.l. Pax3	121	F K R D N P G M F S W E I R D K L L K D G V C D R N T V P S L - - V S S I S R I L	158
x.l. Pax7	120	Y K R E N P G M F S W E I R D R L L K D G H C D R S S V P S G L V S S I S R V L	159
		. K R . N P G M F S W E I R D . L L K D G C D R . V P S G L V S S I S R . L	
x.l. Pax3	159	R S K F G K G D E E D M E L D R K E Q E E S E K R A K H S I D G I L R E R A P V	198
x.l. Pax7	160	R I K F G K - K E E D D D C D K K E - E D G E K K A K H S I D G I L G D K G N R	197
		R K F G K G E E D . D . K E Q E . E K . A K H S I D G I L . . .	
x.l. Pax3	199	S P E S E E G S D I D S E P D L P L K R K Q R R S R T T F T A E Q L E E L E R A	238
x.l. Pax7	198	- - I D E G S D I V E S E P D L P L K R K Q R R S R T T F T A E Q L E E L E K A	234
		S P E . E G S D . . S E P D L P L K R K Q R R S R T T F T A E Q L E E L E . A	
x.l. Pax3	239	F E R T H Y P D I Y T R E E L A Q R A K L T E A R V Q V W F S N R R A R R W R K Q	278
x.l. Pax7	235	F E R T H Y P D I Y T R E E L A Q R T K L T E A R V Q V W F S N R R A R R W R K Q	274
		F E R T H Y P D I Y T R E E L A Q R K L T E A R V Q V W F S N R R A R R W R K Q	
x.l. Pax3	279	A G A N Q L M A F N H L L I P G A F P P A A M P A L P T Y Q L S E T S Y Q P T S I	318
x.l. Pax7	275	A G A N Q L A A F N H L L I P G G F P P T G M P A L P H Y Q L P D S S Y S A A S L	314
		A G A N Q L A F N H L . P G . F P P . M P A L P Y Q L . . S Y S .	
x.l. Pax3	319	P Q A V S D P S N T V H R P Q P L P P S S V H Q S S L P S N P E S S S A Y C L P	358
x.l. Pax7	315	G Q D V G - - S T V H R P Q P L P P S S M H Q G G L - S A A D T G S A Y G A -	349
		Q V D P S T V H R P Q P L P P S S H Q L P S . . S A Y . P	
x.l. Pax3	359	S G R H G F S S Y T D S F V P P S G P S N P M N P A I G N G L S P Q V M G L L T	398
x.l. Pax7	350	- - R H S F S S Y S D T F I N P S G G P S N H M N P V N - N G L S P Q V M S I L N	386
		S G R H F S S Y . D . F . P G P S N M N P . G N G L S P Q V M . L	
x.l. Pax3	399	N H G G V P H Q P Q T D Y A L S P L T G G L E P S T A V S A S C S Q R L E H M K	438
x.l. Pax7	387	S P G G V G P Q S Q S D F S I S P L H G G L E T S N S L S A S C S Q R S D S I K	426
		G G V G P Q Q . D . S P L H G G L E T S N S . S A S C S Q R . K	
x.l. Pax3	439	S L D S L S T S Q S Y C - P T Y S T S G Y S M E P V T G Y Q Y P Q Y G Q S A F H	477
x.l. Pax7	427	S V D S L S T S Q S Y C A P T Y S S G Y S M D P V A S Y Q Y G Q Y G Q T A V D	466
		S . D S L S T S Q S Y C A P T Y S . S G Y S M . P V Y Q Y Q Y G Q . A	
x.l. Pax3	478	Y L K P D I A	484
x.l. Pax7	467	Y L A K N V S L S T Q R R M K L G D H S A V L G L L P V E T G Q A Y	500
		Y L . L S T Q R R M K L G D H S A V L G L L P V E T G Q A Y	