

**Figure S3. Alignement of the SpoIID regulator of several bacilli and clostridia.**

**HTH**

|                                |  |
|--------------------------------|--|
| SpoIIDbs                       | MHDYIKERTIKIGKYIVETKKTVRVIKEFGVSKSTVHKDLTERLPEINPDLANEVKEIL            |
| SpoIIDba                       | MHDYIKERTIKIGKYIVETKKTVRVIKEFGVSKSTVHKDLTERLPEINPDLANEVKEIL            |
| SpoIIDbc                       | MHDYIKERTIKIGKYIVETRKTVRVIKEFGVSKSTVHKDLTERLPEINPELANEVKEIL            |
| SpoIIDcd                       | MRSHIEERAIVVAKYILEKNTTVROTAKTFGVSKSTIHKDMTERLPQINPQIAELAKGVL           |
| SpoIIDca                       | MKDYEERVMEVAKYIIIESKATIRKTAKVFGVSKSTIHKDMTERLPQINPQIAELAKGVL           |
| SpoIIDcp                       | MKDYEERVLEVAQYIIYSRATIRKTAKVFGVSKSTIHKDMTERLPKINPDIAEEAKSIL            |
|                                | * : * : * : * . : : * : * . .. * : * * * * * : * : * : * : * : * : * : |
| <b>basic DNA binding motif</b> |  |
| SpoIIDbs                       | DYHKSIRHLRGGEATKLKYKKDEILEGEPVQQS                                      |
| SpoIIDba                       | DYHKSIRHLRGGEATKLKYKKDEILEGEPVQQP                                      |
| SpoIIDbc                       | DYHKSIRHLRGGEATKQKYRKEDVEKPVRQ   |
| SpoIIDcd                       | DKNKSERHIRGGLATKLKYEKEHKKM   |
| SpoIIDca                       | ELNKAERHIRGGKATKMKYKAIEG   |
| SpoIIDcp                       | DLNKAERHIRGGKATKLKYKVVE  |
|                                | : : * : * : * : * : * . .  |