Type of file: table
Label: Table
Filename: pmic_200800638_sm_table.csv

Gene_Symbol,Representative_Public_ID,Gene_Title,Probe_name,Apoptosis_GOTERM_BP
,Regulation_of_cell_cycle_GOTERM_BP,Unfolded_protein_binding&chaperones,Cytosk
eleton_GOTERM_CC,Response_to_DNA_damage_stimulus_GOTERM_BP,Mitochondrion_GOTER
M_CC,Nucleus_GOTERM_CC,Signal_transduction_GOTERM_BP,Thioredoxin-like_fold_INT
ERPRO_NAME:IPR012336,fold_change,q-value
AARS,NM_001605,alanyl-tRNA_synthetase,201000_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,-2.77,1.04E-11
ACTN1,AI082078,"actinin,_alpha_1",208636_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,--
-,2.26,1.08E-08
ACTN4,U48734,"actinin,_alpha_4",200601_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,
1.97,2.03E-06
ADAM12,NM_003474,ADAM_metallopeptidase_domain_12_(meltrin_alpha),202952_s_at,-
--,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.92,8.25E-06
ADH5,M30471,"alcohol_dehydrogenase_5_(class_III),_chi_polypeptide",208848_at,-
--,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.57,9.53E-05
ADI1,NM_018269,acireductone_dioxygenase_1,217761_at,---,---,---,---,---,---,ye
s,---,---,1.54,7.11E-05
ADIPOR1,NM_015999,adiponectin_receptor_1,217748_at,---,---,---,---,---,---,---
,yes,---,1.87,1.78E-07
ADM,NM_001124,adrenomedullin,202912_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.8
1,8.90E-06
ADNP,NM_015339,activity-dependent_neuroprotector,201773_at,---,---,---,---,---
,---,yes,---,---,-1.61,3.59E-06
AHR,NM_001621,aryl_hydrocarbon_receptor,202820_at,yes,---,---,---,---,---,yes,
yes,---,-1.63,1.66E-05
AK2,AL513611,adenylate_kinase_2,212175_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,--
-,-1.81,2.55E-07
AKAP13,AI674926,A_kinase_(PRKA)_anchor_protein_13,227039_at,---,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,1.57,4.11E-04
ALDH3A2,NM_000382,"aldehyde_dehydrogenase_3_family,_member_A2",202054_s_at,---
,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.8,2.83E-06
ALDH3A2,L47162,"aldehyde_dehydrogenase_3_family,_member_A2",202053_s_at,---,--
-,---,---,---,---,---,---,---,-1.59,6.47E-06
ANKRD10,NM_017664,ankyrin_repeat_domain_10,218093_s_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.57,2.97E-04
ANKRD17,AI986295,ankyrin_repeat_domain_17,212211_at,---,---,---,---,yes,---,--
-,---,---,1.56,3.16E-05
ANKRD25,NM_015493,ankyrin_repeat_domain_25,218418_s_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,1.5,0.002908
ANLN,AK023208,"anillin,_actin_binding_protein",222608_s_at,yes,yes,---,yes,---
,---,---,---,---,1.64,4.15E-06
ANP32E,AI697657,"Acidic_(leucine-rich)_nuclear_phosphoprotein_32_family,_membe
r_E",229128_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.98,1.32E-07
ANP32E,AW612574,"acidic_(leucine-rich)_nuclear_phosphoprotein_32_family,_membe
r_E",221505_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.66,1.77E-06
ANXA3,M63310,annexin_A3,209369_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.82,4.9
7E-11
AP1S2,AA480858,"Adaptor-related_protein_complex_1,_sigma_2_subunit",230413_s_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.84,2.58E-06
AP1S2,NM_003916,"adaptor-related_protein_complex_1,_sigma_2_subunit",203300_x_
at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.71,1.42E-05
AP1S2,AA551090,"adaptor-related_protein_complex_1,_sigma_2_subunit",230264_s_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.52,8.80E-05
APEX1,M80261,APEX_nuclease_(multifunctional_DNA_repair_enzyme)_1,210027_s_at,-
--,---,---,---,yes,---,yes,---,---,-7.75,0
API5,NM_006595,apoptosis_inhibitor_5,201687_s_at,yes,---,---,---,---,---,yes,-
--,---,-1.51,1.78E-04
APPBP2,AV681579,amyloid_beta_precursor_protein_(cytoplasmic_tail)_binding_prot
ein_2,202629_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.51,4.74E-04
ARFGEF2,BF525399,ADP-ribosylation_factor_guanine_nucleotide-exchange_factor_2_
(brefeldin_A-inhibited),222518_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.58,1.
04E-04
ARHGAP23,AV701292,Rho_GTPase_activating_protein_23,226638_at,---,---,---,---,-
--,---,---,---,---,1.69,3.49E-05
ARHGEF2,BC000265,rho/rac_guanine_nucleotide_exchange_factor_(GEF)_2,209435_s_a
t,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,-1.64,2.21E-04
ARL1,AU151560,ADP-ribosylation_factor-like_1,201658_at,---,---,---,---,---,---
,---,yes,---,1.65,7.36E-05
ARL5A,NM_012097,ADP-ribosylation_factor-like_5A,218150_at,---,---,---,---,---,
---,---,yes,---,1.68,1.75E-04
ARL6IP1,D31885,ADP-ribosylation_factor-like_6_interacting_protein_1,211935_at,
---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.61,5.33E-07
ARL6IP6,AL581082,ADP-ribosylation-like_factor_6_interacting_protein_6,225707_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.6,1.52E-05
ARMC1,NM_018120,armadillo_repeat_containing_1,218185_s_at,---,---,---,---,---,
---,---,---,---,-1.8,1.33E-06
ARMC1,AK024053,armadillo_repeat_containing_1,222550_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.66,2.02E-06
ARMCX2,NM_014782,"armadillo_repeat_containing,_X-linked_2",203404_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,1.97,1.45E-07
ARPC5,AF017807,"actin_related_protein_2/3_complex,_subunit_5,_16kDa",1555797_a

_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,2.05,8.54E-09
ARPC5,AL516350,"actin_related_protein_2/3_complex,_subunit_5,_16kDa",211963_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,2.15,1.12E-09
ASB6,BC001719,ankyrin_repeat_and_SOCS_box-containing_6,221657_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.57,2.88E-04
ASNS,NM_001673,asparagine_synthetase,205047_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-16.34,0
ASPH,AF306765,aspartate_beta-hydroxylase,210896_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.1,9.73E-08
ASPH,AF289489,aspartate_beta-hydroxylase,209135_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.92,6.34E-07
ASPH,NM_004318,aspartate_beta-hydroxylase,205808_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.66,1.94E-04
ASPM,AA748494,"asp_(abnormal_spindle)_homolog,_microcephaly_associated_(Drosophila)",239002_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.61,3.12E-05
ASPM,NM_018123,"asp_(abnormal_spindle)_homolog,_microcephaly_associated_(Drosophila)",219918_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.7,2.44E-06
ASPM,AK001380,"asp_(abnormal_spindle)_homolog,_microcephaly_associated_(Drosophila)",232238_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.76,1.18E-05
ASS1,NM_000050,argininosuccinate_synthetase_1,207076_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-3.26,7.20E-12
ATAD2,AI139629,"ATPase_family,_AAA_domain_containing_2",235266_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.79,1.22E-09
ATAD2,NM_014109,"ATPase_family,_AAA_domain_containing_2",218782_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.75,1.38E-09
ATAD2,AI925583,"ATPase_family,_AAA_domain_containing_2",222740_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.44,1.48E-07
ATF1,AF047022,activating_transcription_factor_1,1565269_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.15,2.37E-07
ATF1,AI434345,activating_transcription_factor_1,222103_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.13,1.05E-07
ATF1,CA337502,activating_transcription_factor_1,1558233_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.95,1.07E-06
ATF4,NM_001675,activating_transcription_factor_4_(tax-responsive_enhancer_element_B67),200779_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.9,2.80E-12
ATP2A2,AW190070,"ATPase,_Ca++_transporting,_cardiac_muscle,_slow_twitch_2",212361_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.56,5.36E-04
ATP2B4,AW517686,"ATPase,_Ca++_transporting,_plasma_membrane_4",212135_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.77,2.06E-06
ATP6V0E1,AI252582,"ATPase,_H+_transporting,_lysosomal_9kDa,_V0_subunit_e1",214149_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,0.00732
ATP6V1C1,NM_001695,"ATPase,_H+_transporting,_lysosomal_42kDa,_V1_subunit_C1",202874_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,4.28E-06
ATP6V1H,AF112204,"ATPase,_H+_transporting,_lysosomal_50/57kDa,_V1_subunit_H",221504_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.6,2.16E-05
ATP9A,AB014511,"ATPase,_Class_II,_type_9A",212062_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,2.06E-04
AYTL2,NM_024830,acyltransferase_like_2,201818_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.67,9.74E-05
AZIN1,BF793951,antizyme_inhibitor_1,212461_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.7,1.12E-09
AZIN1,NM_015878,antizyme_inhibitor_1,201772_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.43,5.55E-09
B4GALT4,BF223021,"UDP-Gal:betaGlcNAc_beta_1,4-_galactosyltransferase,_polypeptide_4",212876_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.93,1.24E-05
B4GALT4,BC004523,"UDP-Gal:betaGlcNAc_beta_1,4-_galactosyltransferase,_polypeptide_4",210540_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.13,3.44E-07
BACE2,AF178532,beta-site_APP-cleaving_enzyme_2,222446_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.9,4.83E-08
BACE2,NM_012105,beta-site_APP-cleaving_enzyme_2,217867_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,4.38E-06
BAG3,NM_004281,BCL2-associated_athanogene_3,217911_s_at,yes,---,yes,---,---,---,---,---,1.95,1.61E-06
BAG4,T32429,BCL2-associated_athanogene_4,228189_at,yes,---,yes,---,---,---,---,---,---,-1.6,1.36E-04
BCAS2,NM_005872,breast_carcinoma_amplified_sequence_2,203053_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.51,9.61E-05
BCDIN3,NM_019606,"bin3,_bicoid-interacting_3,_homolog_(Drosophila)",219798_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.52,3.12E-04
BDNF,NM_001709,brain-derived_neurotrophic_factor,206382_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.94,1.38E-06
BLVRA,BC005902,biliverdin_reductase_A,211729_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.79,6.11E-07
BLVRA,NM_000712,biliverdin_reductase_A,203773_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.71,2.74E-06
BNIP3L,AL132665,BCL2/adenovirus_E1B_19kDa_interacting_protein_3-like,221478_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.86,4.44E-06
BNIP3L,AF060922,BCL2/adenovirus_E1B_19kDa_interacting_protein_3-like,221479_s_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.76,1.01E-05
BRCA1,NM_007295,"breast_cancer_1,_early_onset",204531_s_at,yes,yes,---,yes,yes,---,yes,yes,---,-1.69,2.65E-05
BRI3,AB055977,brain_protein_I3,223376_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---

,1.72,1.94E-05
BRP44L,NM_016098,brain_protein_44-like,218024_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,2.17E-04
BST2,NM_004335,bone_marrow_stromal_cell_antigen_2,201641_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.93,8.85E-07
BTBD6,AW149498,BTB_(POZ)_domain_containing_6,225389_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.68,1.34E-05
C10orf4,AI804930,chromosome_10_open_reading_frame_4,226398_s_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.5,0.002243
C10orf56,AK024784,chromosome_10_open_reading_frame_56,212423_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.58,4.70E-04
C11orf24,AA065185,chromosome_11_open_reading_frame_24,52164_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.09,1.01E-07
C11orf51,NM_014042,chromosome_11_open_reading_frame_51,204218_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.58,1.10E-04
C11orf54,BF109592,chromosome_11_open_reading_frame_54,223268_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,7.11E-04
C11orf59,BC001706,chromosome_11_open_reading_frame_59,223009_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.79,1.32E-06
C14orf1,AL136658,chromosome_14_open_reading_frame_1,202562_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.33,3.55E-08
C14orf112,AF151037,chromosome_14_open_reading_frame_112,223191_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.55,6.95E-05
C14orf124,AI347090,chromosome_14_open_reading_frame_124,213398_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,2.94E-04
C14orf169,NM_024644,chromosome_14_open_reading_frame_169,219526_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.95,1.07E-06
C14orf2,AF116639,chromosome_14_open_reading_frame_2,210532_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,5.11E-06
C14orf2,NM_004894,chromosome_14_open_reading_frame_2,202279_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,2.96E-05
C15orf15,NM_016304,chromosome_15_open_reading_frame_15,217915_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.73,1.68E-06
C15orf15_///_LOC284288,AF165521,chromosome_15_open_reading_frame_15_///_similar_to_ribosomal_protein_L24-like,222465_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.56,2.42E-05
C16orf72,BG495327,chromosome_16_open_reading_frame_72,225183_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.67,1.80E-05
C16orf75,AW138157,chromosome_16_open_reading_frame_75,226456_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.11,5.85E-08
C17orf71,NM_018149,chromosome_17_open_reading_frame_71,218514_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.97,4.43E-07
C19orf48,BC006151,chromosome_19_open_reading_frame_48,224468_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.91,6.20E-10
C19orf58,NM_024050,chromosome_19_open_reading_frame_58,218260_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.63,6.84E-05
C1orf119_///_LOC727778,AV712912,chromosome_1_open_reading_frame_119_///_similar_to_K07F5.15,222495_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.81,1.96E-05
C1orf121,AF229834,chromosome_1_open_reading_frame_121,222158_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.64,1.01E-06
C1orf19,AF288394,chromosome_1_open_reading_frame_19,225399_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.54,1.47E-04
C1orf9,NM_016227,chromosome_1_open_reading_frame_9,203429_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.9,3.36E-06
C20orf169-DBNDD2_///_DBNDD2,NM_018478,dysbindin_(dystrobrevin_binding_protein_1)_domain_containing_2_///_C20orf169-DBNDD2_readthrough_transcript,218094_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.98,9.48E-07
C20orf199_///_TALDO1,BG330520,transaldolase_1_///_chromosome_20_open_reading_frame_199,226835_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-4.46,7.63E-13
C20orf199_///_TALDO1,BF185165,transaldolase_1_///_chromosome_20_open_reading_frame_199,226227_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-4.39,1.16E-12
C20orf199_///_TALDO1,AV756131,transaldolase_1_///_chromosome_20_open_reading_frame_199,224915_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-4.22,2.60E-12
C21orf6,AF212232,chromosome_21_open_reading_frame_6,222614_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.53,2.97E-04
C4orf16,NM_018569,chromosome_4_open_reading_frame_16,219023_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.68,3.68E-05
C4orf30,AA031528,chromosome_4_open_reading_frame_30,228106_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,6.93E-04
C5orf13,U36189,chromosome_5_open_reading_frame_13,201309_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.05,2.91E-07
C5orf13,NM_004772,chromosome_5_open_reading_frame_13,201310_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.14,1.98E-08
C5orf28,W72333,chromosome_5_open_reading_frame_28,238635_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.37,1.98E-07
C5orf28,NM_022483,chromosome_5_open_reading_frame_28,219029_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.87,1.05E-06
C6orf151,NM_152551,chromosome_6_open_reading_frame_151,1553274_a_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.61,6.39E-05
C7orf11,AI869704,chromosome_7_open_reading_frame_11,225419_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.57,2.46E-06
C7orf40,AI937446,chromosome_7_open_reading_frame_40,225699_at,---,---,---,---,

---,---,---,---,---,-1.78,2.55E-06
C8orf53,AI056895,chromosome_8_open_reading_frame_53,227402_s_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,-2.11,6.76E-08
C8orf59,BF674436,chromosome_8_open_reading_frame_59,226165_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,-1.55,9.97E-06
C9orf5,BG402553,chromosome_9_open_reading_frame_5,223005_s_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,1.92,2.46E-06
C9orf5,AA495988,chromosome_9_open_reading_frame_5,223007_s_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,2.33,6.61E-08
C9orf5,AF153415,chromosome_9_open_reading_frame_5,223008_s_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,2.39,2.51E-09
C9orf5,AL567431,chromosome_9_open_reading_frame_5,223006_s_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,2.67,1.32E-09
C9orf85,AA824363,chromosome_9_open_reading_frame_85,238912_x_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,-1.72,1.86E-04
CAB39,NM_016289,calcium_binding_protein_39,217873_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,-2.35,2.71E-08
CADM1,NM_014333,cell_adhesion_molecule_1,209030_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,2.52,7.62E-09
CALD1,AL577531,caldesmon_1,201616_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.6
8,7.00E-07
CALD1,AL583520,caldesmon_1,212077_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.76,
7.44E-06
CALD1,NM_004342,caldesmon_1,201617_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,2.
23,1.19E-07
CALM1,AI653730,"calmodulin_1_(phosphorylase_kinase,_delta)",211984_at,---,---,
---,---,---,---,---,yes,---,1.59,1.73E-04
CALM3,AA807959,"Calmodulin_3_(phosphorylase_kinase,_delta)",1563431_x_at,---,-
--,---,---,---,---,---,yes,---,1.68,0.001555
CAMSAP1,AL043774,calmodulin_regulated_spectrin-associated_protein_1,212710_at,
---,---,---,---,---,---,---,---,yes,1.58,4.40E-04
CAMTA1,AV756867,calmodulin_binding_transcription_activator_1,225692_at,---,---
,---,yes,---,---,---,yes,---,1.51,3.62E-05
CAP2,N90755,"CAP,_adenylate_cyclase-associated_protein,_2_(yeast)",212554_at,-
--,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.79,8.05E-06
CAPZB,AL572341,"capping_protein_(actin_filament)_muscle_Z-line,_beta",201949_x
_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.59,1.01E-04
CAPZB,NM_004930,"capping_protein_(actin_filament)_muscle_Z-line,_beta",201950_
x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.61,5.61E-05
CAPZB,U03271,"capping_protein_(actin_filament)_muscle_Z-line,_beta",37012_at,-
--,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.75,1.20E-05
CARS,AI769685,cysteinyl-tRNA_synthetase,212971_at,---,---,---,---,---,---,---,
---,---,-3.75,1.75E-12
CARS,NM_001751,cysteinyl-tRNA_synthetase,202402_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,-3.52,3.06E-11
CASP2,AU153405,"caspase_2,_apoptosis-related_cysteine_peptidase_(neural_precur
sor_cell_expressed,_developmentally_down-regulated_2)",226032_at,yes,---,---,-
--,---,---,---,---,---,1.55,2.85E-04
CBLB,U26710,Cas-Br-M_(murine)_ecotropic_retroviral_transforming_sequence_b,209
682_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-2.41,4.44E-09
CBS,BC007257,cystathionine-beta-synthase,1553972_a_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,-2.07,2.35E-07
CBX4,AI570531,"chromobox_homolog_4_(Pc_class_homolog,_Drosophila)",227558_at,y
es,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.77,2.46E-05
CCNB1,N90191,cyclin_B1,228729_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,1.62,1.35
E-05
CCNB1IP1,NM_021178,cyclin_B1_interacting_protein_1,217988_at,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,---,-2.28,2.32E-08
CCND3,NM_001760,cyclin_D3,201700_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,1.78,9
.00E-07
CCNE2,NM_004702,cyclin_E2,205034_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,-1.98,
4.55E-06
CCNK,AA528091,cyclin_K,225824_at,yes,yes,---,---,---,---,---,---,---,2.24,1.36
E-06
CD164,AF263279,"CD164_molecule,_sialomucin",208653_s_at,---,---,---,---,---,--
-,---,yes,---,1.56,4.43E-05
CD164,BF669455,"CD164_molecule,_sialomucin",208654_s_at,---,---,---,---,---,--
-,---,yes,---,1.9,8.84E-08
CD164,NM_006016,"CD164_molecule,_sialomucin",208405_s_at,---,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,2.03,3.94E-08
CD24,AA761181,CD24_molecule,209771_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.
84,1.09E-12
CD24,M58664,CD24_molecule,208651_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.85
,4.64E-11
CD24,AK000168,CD24_molecule,216379_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.
87,3.24E-12
CD24,X69397,CD24_molecule,209772_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,3.1,
8.47E-12
CD24,L33930,CD24_molecule,266_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,3.17,2.
93E-11
CD24,BG327863,CD24_molecule,208650_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,3.
58,3.94E-13

CD3EAP,NM_012099,"CD3e_molecule,_epsilon_associated_protein",205264_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.76,1.98E-05
CD9,NM_001769,CD9_molecule,201005_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.57,1.17E-05
CDC25A,AY137580,cell_division_cycle_25_homolog_A_(S._pombe),1555772_a_at,yes,yes,---,---,---,---,---,---,---,2.65,7.26E-08
CDC26,AI363359,cell_division_cycle_26_homolog_(S._cerevisiae),225422_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.51,4.08E-05
CDC42SE2,BE675995,CDC42_small_effector_2,229026_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.76,1.12E-05
CDC42SE2,AF131831,CDC42_small_effector_2,224709_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.52,6.45E-05
CDC45L,NM_003504,CDC45_cell_division_cycle_45-like_(S._cerevisiae),204126_s_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,-1.59,1.64E-04
CDCA3,BC002551,cell_division_cycle_associated_3,223307_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,6.04E-05
CDCA3,NM_031299,cell_division_cycle_associated_3,221436_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.58,9.69E-05
CDCA7,AY029179,cell_division_cycle_associated_7,224428_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.52,2.61E-04
CDCA8,BC001651,cell_division_cycle_associated_8,221520_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.65,3.42E-05
CDH2,NM_001792,"cadherin_2,_type_1,_N-cadherin_(neuronal)",203441_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.41,5.15E-09
CDH2,M34064,"cadherin_2,_type_1,_N-cadherin_(neuronal)",203440_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.47,7.70E-10
CDKN1A,NM_000389,"cyclin-dependent_kinase_inhibitor_1A_(p21,_Cip1)",202284_s_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,1.98,5.00E-08
CDKN2C,U17074,"cyclin-dependent_kinase_inhibitor_2C_(p18,_inhibits_CDK4)",211792_s_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,1.67,6.04E-05
CDKN2C,NM_001262,"cyclin-dependent_kinase_inhibitor_2C_(p18,_inhibits_CDK4)",204159_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,2.14,1.84E-08
CDYL,AL050164,"chromodomain_protein,_Y-like",203098_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.5,3.00E-04
CEBPB,AL564683,"CCAAT/enhancer_binding_protein_(C/EBP),_beta",212501_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,-3.42,6.15E-12
CENPM,NM_024053,centromere_protein_M,218741_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.57,4.02E-05
CEP57,AA918224,centrosomal_protein_57kDa,203492_x_at,---,---,---,yes,---,---,yes,yes,---,-1.88,3.47E-05
CEP57,AI123527,centrosomal_protein_57kDa,203491_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,yes,---,-1.76,4.41E-06
CEP57,NM_014679,centrosomal_protein_57kDa,203494_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,yes,---,-1.74,3.68E-05
CEP57,AL525206,centrosomal_protein_57kDa,203493_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,yes,---,-1.7,4.80E-04
CEP57,BC001233,centrosomal_protein_57kDa,209862_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,yes,---,-1.62,3.16E-04
CFDP1,NM_006324,craniofacial_development_protein_1,203166_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.55,2.33E-04
CGA,NM_000735,"glycoprotein_hormones,_alpha_polypeptide",204637_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,6.34,0
CHCHD7,AA570393,coiled-coil-helix-coiled-coil-helix_domain_containing_7,222701_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.79,1.95E-06
CHCHD8,NM_016565,coiled-coil-helix-coiled-coil-helix_domain_containing_8,220647_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,5.35E-05
CHD2,AV756026,Chromodomain_helicase_DNA_binding_protein_2,225951_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.5,3.55E-05
CHIC2,NM_012110,cysteine-rich_hydrophobic_domain_2,219492_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,1.89E-04
CHURC1,BE568660,churchill_domain_containing_1,226736_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,6.01E-05
CKB,NM_001823,"creatine_kinase,_brain",200884_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.61,2.61E-05
CLIC4,AF109196,chloride_intracellular_channel_4,201559_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,-1.73,8.56E-05
CLN5,AI911687,"ceroid-lipofuscinosis,_neuronal_5",204084_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.51,4.27E-04
CLP1,NM_006831,"CLP1,_cleavage_and_polyadenylation_factor_I_subunit,_homolog_(S._cerevisiae)",204370_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.52,1.85E-04
CNN3,AI807004,"Calponin_3,_acidic",228297_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.51,1.31E-04
CNOT6L,AW514857,"CCR4-NOT_transcription_complex,_subunit_6-like",226153_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,2.71E-05
COL12A1,AA788946,"collagen,_type_XII,_alpha_1",225664_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.99,3.38E-05
COL1A1,BE221212,"collagen,_type_I,_alpha_1",1556499_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.16,1.23E-05
COL3A1,AU144167,"collagen,_type_III,_alpha_1_(Ehlers-Danlos_syndrome_type_IV,_autosomal_dominant)",215076_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.22,1.81E-10

COL3A1,AI813758,"collagen,_type_III,_alpha_1_(Ehlers-Danlos_syndrome_type_IV,_autosomal_dominant)",201852_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.53,3.54E-10
COL3A1,AF130082,"collagen,_type_III,_alpha_1_(Ehlers-Danlos_syndrome_type_IV,_autosomal_dominant)",211161_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.69,6.34E-10
COL4A1,AI922605,"collagen,_type_IV,_alpha_1",211980_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.38,5.47E-09
COL4A2,AA909035,"collagen,_type_IV,_alpha_2",211966_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.99,4.50E-07
COL4A2,X05610,"collagen,_type_IV,_alpha_2",211964_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2,4.53E-07
COL4A5,AW052179,"collagen,_type_IV,_alpha_5_(Alport_syndrome)",213110_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.29,6.90E-08
COL5A1,N30339,"collagen,_type_V,_alpha_1",212488_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.18,3.85E-08
COL5A1,AI130969,"collagen,_type_V,_alpha_1",203325_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.38,2.74E-07
COL5A1,AI983428,"collagen,_type_V,_alpha_1",212489_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.81,1.34E-06
COMMD7,AA148301,COMM_domain_containing_7,224815_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.79,1.27E-05
COPS5,NM_006837,COP9_constitutive_photomorphogenic_homolog_subunit_5_(Arabidopsis),201652_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.54,9.11E-06
COQ9,AC004382,coenzyme_Q9_homolog_(S._cerevisiae),212228_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.52,1.37E-04
COX6C,NM_004374,cytochrome_c_oxidase_subunit_VIc,201754_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,-1.82,5.27E-08
CPD,BE349147,carboxypeptidase_D,201941_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.95,1.56E-06
CPE,AI922855,carboxypeptidase_E,201116_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.56,3.62E-04
CPNE2,AW170571,copine_II,225129_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,4.18E-04
CPNE3,NM_003909,copine_III,202119_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.23,2.59E-08
CPNE3,AA541758,copine_III,202118_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.16,6.81E-08
CPS1,W80357,"carbamoyl-phosphate_synthetase_1,_mitochondrial",217564_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,3.70E-06
CREBZF,NM_021212,CREB/ATF_bZIP_transcription_factor,202979_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.8,3.77E-05
CREM,U44836,cAMP_responsive_element_modulator,214508_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.65,1.67E-05
CREM,NM_001881,cAMP_responsive_element_modulator,207630_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.71,2.35E-06
CREM,D14826,cAMP_responsive_element_modulator,209967_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.73,1.32E-06
CRIP1,NM_001311,cysteine-rich_protein_1_(intestinal),205081_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.91,3.69E-10
CRIPT,NM_014171,cysteine-rich_PDZ-binding_protein,218643_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,3.29E-04
CRLF1,NM_004750,cytokine_receptor-like_factor_1,206315_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.14,4.88E-07
CSE1L,AF053640,CSE1_chromosome_segregation_1-like_(yeast),210766_s_at,yes,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.54,1.09E-04
CSPP1,AI400587,centrosome_and_spindle_pole_associated_protein_1,227105_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.5,0.001615
CSRP1,NM_004078,cysteine_and_glycine-rich_protein_1,200621_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.99,3.97E-09
CTDSP2,NM_005730,"CTD_(carboxy-terminal_domain,_RNA_polymerase_II,_polypeptide_A)_small_phosphatase_2",203445_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.41,1.02E-07
CTNND1,AB002382,"catenin_(cadherin-associated_protein),_delta_1",211240_x_at,---,---,---,yes,---,---,yes,yes,---,1.94,1.11E-06
CTR9,NM_014633,"Ctr9,_Paf1/RNA_polymerase_II_complex_component,_homolog_(S._cerevisiae)",202060_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.54,4.83E-05
CTSB,NM_001908,cathepsin_B,200839_s_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.67,1.01E-04
CTSB,NM_001908,cathepsin_B,200838_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.6,2.31E-04
CTTNBP2NL,AI423056,CTTNBP2_N-terminal_like,226000_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.8,1.41E-06
CUTL1,BE046521,"cut-like_1,_CCAAT_displacement_protein_(Drosophila)",214743_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.5,2.85E-04
CXXC5,BC006428,CXXC_finger_5,224516_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.54,9.55E-04
CXXC5,AK001782,CXXC_finger_5,233955_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.76,5.62E-05
CYB5B,AW235051,cytochrome_b5_type_B_(outer_mitochondrial_membrane),201633_s_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,-1.69,5.29E-05

CYB5B,NM_030579,cytochrome_b5_type_B_(outer_mitochondrial_membrane),201634_s_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,-1.57,1.44E-04
CYP1B1,NM_000104,"cytochrome_P450,_family_1,_subfamily_B,_polypeptide_1",202437_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,9.93E-05
CYR61,NM_001554,"cysteine-rich,_angiogenic_inducer,_61",201289_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.84,1.53E-05
CYR61,AF003114,"cysteine-rich,_angiogenic_inducer,_61",210764_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.95,2.32E-06
DAB2,AF188298,"disabled_homolog_2,_mitogen-responsive_phosphoprotein_(Drosophila)",210757_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.03,3.80E-09
DAB2,N21202,"disabled_homolog_2,_mitogen-responsive_phosphoprotein_(Drosophila)",201278_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.99,2.42E-08
DAB2,BC003064,"disabled_homolog_2,_mitogen-responsive_phosphoprotein_(Drosophila)",201279_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.98,8.72E-09
DAB2,NM_001343,"disabled_homolog_2,_mitogen-responsive_phosphoprotein_(Drosophila)",201280_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.87,3.27E-07
DBF4,NM_006716,DBF4_homolog_(S._cerevisiae),204244_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.6,2.28E-05
DCBLD2,AA722799,"discoidin,_CUB_and_LCCL_domain_containing_2",224911_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.5,1.90E-08
DCC1,NM_024094,defective_in_sister_chromatid_cohesion_homolog_1_(S._cerevisiae),219000_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.02,8.87E-07
DCI,BC002746,"dodecenoyl-Coenzyme_A_delta_isomerase_(3,2_trans-enoyl-Coenzyme_A_isomerase)",209759_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.68,4.47E-05
DDAH1,AL078459,dimethylarginine_dimethylaminohydrolase_1,209094_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.39,2.37E-07
DDEF1,AW513835,development_and_differentiation_enhancing_factor_1,224791_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.71,9.68E-09
DDIT4,NM_019058,DNA-damage-inducible_transcript_4,202887_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-4.27,0
DDX20,AF106019,DEAD_(Asp-Glu-Ala-Asp)_box_polypeptide_20,223331_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.5,1.92E-04
DDX21,BG164358,DEAD_(Asp-Glu-Ala-Asp)_box_polypeptide_21,224654_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.5,5.16E-05
DDX24,NM_020414,DEAD_(Asp-Glu-Ala-Asp)_box_polypeptide_24,200694_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.04,1.54E-07
DDX5,NM_004396,DEAD_(Asp-Glu-Ala-Asp)_box_polypeptide_5,200033_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.5,8.57E-06
DECR1,NM_001359,"2,4-dienoyl_CoA_reductase_1,_mitochondrial",202447_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,-1.5,2.64E-04
DEGS1,BC000961,"degenerative_spermatocyte_homolog_1,_lipid_desaturase_(Drosophila)",209250_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.51,2.11E-04
DEGS1,NM_003676,"degenerative_spermatocyte_homolog_1,_lipid_desaturase_(Drosophila)",207431_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.58,1.57E-05
DENND4B,NM_014856,DENN/MADD_domain_containing_4B,202860_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.53,7.88E-04
DEPDC7,AJ245600,DEP_domain_containing_7,228293_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,2.02,1.07E-06
DERL1,AF131854,"Der1-like_domain_family,_member_1",222543_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,-2.92,3.86E-10
DERL1,NM_024295,"Der1-like_domain_family,_member_1",219402_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,-2.51,1.18E-09
DHX40,BF431360,DEAH_(Asp-Glu-Ala-His)_box_polypeptide_40,222574_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.5,3.14E-04
DICER1,BF590131,"Dicer1,_Dcr-1_homolog_(Drosophila)",213229_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.6,8.90E-05
DICER1,NM_030621,"Dicer1,_Dcr-1_homolog_(Drosophila)",206061_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.68,1.19E-05
DICER1,BG109746,"Dicer1,_Dcr-1_homolog_(Drosophila)",212888_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.23,1.13E-06
DIO2,AI038059,"deiodinase,_iodothyronine,_type_II",231240_at,---,---,---,---,---,---,---,---,yes,3.49,3.37E-12
DIO2,U53506,"deiodinase,_iodothyronine,_type_II",203699_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,yes,4.14,2.59E-11
DLX2,NM_004405,distal-less_homeobox_2,207147_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.51,0.001109
DNAJA1,NM_001539,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_A,_member_1",200881_s_at,---,---,yes,---,---,---,---,---,---,2.31,8.63E-11
DNAJA1,AL534104,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_A,_member_1",200880_at,---,---,yes,---,---,---,---,---,---,2.79,4.40E-11
DNAJA3,BC032100,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_A,_member_3",1554078_s_at,yes,---,yes,---,---,yes,---,---,---,-1.82,8.40E-08
DNAJA3,NM_005147,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_A,_member_3",205963_s_at,yes,---,yes,---,---,---,---,---,---,-1.73,1.14E-06
DNAJB1,NM_006145,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_B,_member_1",200666_s_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,1.58,6.76E-06
DNAJB1,BG537255,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_B,_member_1",200664_s_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,1.63,3.70E-05
DNAJB6_///_LOC387820,AF080569,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_B,_member_6_///_similar_to_DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_B,_member_6_isoform_a",208810_at,---,---,yes,---,---,---,---,---,---,2.4,6.75E-09

DNAJC3,AL119957,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_C,_member_3",235341_at,---,---,yes,---,---,---,---,---,---,-1.51,0.003796
DNAJC7,NM_003315,"DnaJ_(Hsp40)_homolog,_subfamily_C,_member_7",202416_at,---,---,yes,---,---,---,---,---,---,-1.78,6.28E-05
DNASE2,AB004574,"deoxyribonuclease_II,_lysosomal",209831_x_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.65,4.81E-05
DNTTIP1,AL050348,"deoxynucleotidyltransferase,_terminal,_interacting_protein_1",224825_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.79,1.17E-05
DPM1,NM_003859,"dolichyl-phosphate_mannosyltransferase_polypeptide_1,_catalytic_subunit",202673_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.59,3.21E-06
DPY19L4,AI669947,dpy-19-like_4_(C._elegans),213391_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.01,7.16E-07
DPYSL2,NM_001386,dihydropyrimidinase-like_2,200762_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.75,5.35E-05
DSE,NM_013352,dermatan_sulfate_epimerase,218854_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.39,4.07E-08
DSP,NM_004415,desmoplakin,200606_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.58,8.43E-04
DSTN,NM_006870,destrin_(actin_depolymerizing_factor),201022_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.58,1.86E-06
DSTN,BF697964,destrin_(actin_depolymerizing_factor),201021_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.7,2.91E-07
DTWD1,NM_020234,DTW_domain_containing_1,219291_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.82,5.76E-06
DUT,AB049113,dUTP_pyrophosphatase,208955_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.77,4.25E-06
DYNLL1,NM_003746,"dynein,_light_chain,_LC8-type_1",200703_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.69,3.48E-07
DYNLT3,NM_006520,"dynein,_light_chain,_Tctex-type_3",203303_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,2.74E-07
EBAG9,AA812215,"estrogen_receptor_binding_site_associated,_antigen,_9",204274_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.37,8.13E-10
EBI2,NM_004951,Epstein-Barr_virus_induced_gene_2_(lymphocyte-specific_G_protein-coupled_receptor),205419_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.9,1.40E-07
EDD1_///_LOC730429,AF006010,"E3_ubiquitin_protein_ligase,_HECT_domain_containing,_1_///_similar_to_E3_ubiquitin_protein_ligase,_HECT_domain_containing,_1",208884_s_at,---,---,---,---,yes,---,yes,yes,---,-2.22,1.25E-07
EDIL3,AA053711,EGF-like_repeats_and_discoidin_I-like_domains_3,225275_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,3.24,2.98E-13
EFNB2,BF001670,ephrin-B2,202668_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.4,7.17E-09
EFNB2,U16797,ephrin-B2,202669_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.62,5.47E-09
EGFLAM,BF114725,"EGF-like,_fibronectin_type_III_and_laminin_G_domains",226911_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.15,5.41E-07
EGR1,AI459194,Early_growth_response_1,227404_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.68,0.002624
EIF1B,NM_005875,eukaryotic_translation_initiation_factor_1B,201738_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,1.38E-06
EIF2S2,BC000461,"eukaryotic_translation_initiation_factor_2,_subunit_2_beta,_38kDa",208726_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-3.08,8.76E-12
EIF2S3,NM_001415,"eukaryotic_translation_initiation_factor_2,_subunit_3_gamma,_52kDa",205321_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.55,1.64E-04
EIF3S3,NM_003756,"eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_3_gamma,_40kDa",201592_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,3.10E-06
EIF3S6,BC000734,"eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_6_48kDa",208697_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.65,2.27E-06
EIF3S8_///_LOC728689,AA679705,"eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_8,_110kDa_///_similar_to_eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_8,_110kDa",215230_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.63,4.84E-07
EIF3S8_///_LOC728689,NM_003752,"eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_8,_110kDa_///_similar_to_eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_8,_110kDa",200647_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.59,1.04E-06
EIF3S8_///_LOC728689,BC000533,"eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_8,_110kDa_///_similar_to_eukaryotic_translation_initiation_factor_3,_subunit_8,_110kDa",210949_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.54,1.79E-06
EIF4E,NM_001968,eukaryotic_translation_initiation_factor_4E,201437_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.56,1.38E-04
EIF4EBP1,AB044548,eukaryotic_translation_initiation_factor_4E_binding_protein_1,221539_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-3.28,6.63E-12
ELL2,AI924426,"elongation_factor,_RNA_polymerase_II,_2",226099_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.62,4.20E-05
ENY2,NM_020189,enhancer_of_yellow_2_homolog_(Drosophila),218482_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.67,6.06E-06
EPB41,AA522435,"erythrocyte_membrane_protein_band_4.1_(elliptocytosis_1,_RH-linked)",225051_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,-1.71,1.81E-05
EPRS,AI142677,glutamyl-prolyl-tRNA_synthetase,200841_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.75,6.57E-06
EPS15,NM_001981,epidermal_growth_factor_receptor_pathway_substrate_15,217887_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.59,3.99E-04
EPS8,NM_004447,epidermal_growth_factor_receptor_pathway_substrate_8,202609_at,

---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.05,1.05E-07
ERGIC3,AF091085,ERGIC_and_golgi_3,216032_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,4.45E-04
ERLIN1,AL568449,ER_lipid_raft_associated_1,202441_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.64,1.22E-06
ERP29,NM_006817,endoplasmic_reticulum_protein_29,201216_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,-1.55,1.87E-05
ETNK1,AA829940,Ethanolamine_kinase_1,231576_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.39,4.55E-07
ETV5,AW206458,Ets_variant_gene_5_(ets-related_molecule),230102_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.01,3.52E-07
EXO1,NM_003686,exonuclease_1,204603_at,---,---,---,---,yes,---,---,---,---,-1.53,2.22E-04
EXOSC8,AL050353,exosome_component_8,215136_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.07,6.86E-08
FABP5_///_LOC728641_///_LOC729163_///_LOC731043_///_LOC732031,NM_001444,"fatty_acid_binding_protein_5_(psoriasis-associated)_///_similar_to_Fatty_acid-binding_protein,_epidermal_(E-FABP)_(Psoriasis-associated_fatty_acid-binding_protein_homolog)_(PA-FABP)",202345_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-3.19,1.51E-11
FAHD1,AW070436,fumarylacetoacetate_hydrolase_domain_containing_1,227960_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.52,3.47E-05
FAM101B,BG036514,"family_with_sequence_similarity_101,_member_B",226905_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.62,1.17E-04
FAM105A,NM_019018,"family_with_sequence_similarity_105,_member_A",219694_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.16,5.54E-07
FAM107B,AL136885,"family_with_sequence_similarity_107,_member_B",223058_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.73,6.60E-07
FAM107B,BC004872,"family_with_sequence_similarity_107,_member_B",223059_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,5.53E-06
FAM133A,AA909330,"family_with_sequence_similarity_133,_member_A",231131_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.54,1.94E-04
FAM133A,AI864183,"family_with_sequence_similarity_133,_member_A",239481_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.7,4.05E-06
FAM134A,AL040896,"family_with_sequence_similarity_134,_member_A",221984_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,0.001261
FAM134B,NM_019000,"family_with_sequence_similarity_134,_member_B",218532_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.79,1.35E-05
FAM29A,AB046794,"family_with_sequence_similarity_29,_member_A",222685_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.67,2.73E-05
FAM38A,NM_014745,"family_with_sequence_similarity_38,_member_A",202771_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.71,1.45E-04
FAM38B,NM_022068,"family_with_sequence_similarity_38,_member_B",219602_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.21,2.67E-08
FAM3C,NM_014888,"family_with_sequence_similarity_3,_member_C",201889_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.96,1.17E-06
FAM43A,AW264102,"family_with_sequence_similarity_43,_member_A",227410_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.79,3.95E-09
FAM60A,NM_021238,"family_with_sequence_similarity_60,_member_A",220147_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.55,5.64E-05
FAM60A_///_LOC650369_///_LOC728115,BG479856,"family_with_sequence_similarity_60,_member_A_///_similar_to_teratocarcinoma_expressed,_serine_rich_///_similar_to_Protein_FAM60A_(Tera_protein)",223038_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.81,2.41E-05
FAM76A,AI631072,"Family_with_sequence_similarity_76,_member_A",228638_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.79,3.65E-07
FAM98A,AL049943,"family_with_sequence_similarity_98,_member_A",212333_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.63,2.87E-09
FANCI,W74442,"Fanconi_anemia,_complementation_group_I",213007_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,2.08E-05
FBN2,NM_001999,fibrillin_2_(congenital_contractural_arachnodactyly),203184_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.65,1.43E-05
FBXL5,AF142481,F-box_and_leucine-rich_repeat_protein_5,209004_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.64,4.42E-05
FBXO22,BE966247,F-box_protein_22,225736_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,1.55E-05
FBXO28,AB007952,F-box_protein_28,202271_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.76,6.74E-06
FBXO28,AU154086,F-box_protein_28,1555971_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.79,3.08E-06
FBXO28,NM_015176,F-box_protein_28,202272_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.81,6.24E-07
FDX1,M18003,ferredoxin_1,203647_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.7,4.71E-06
FER1L3,AF207990,"fer-1-like_3,_myoferlin_(C._elegans)",211864_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.54,1.62E-04
FGF2,M27968,fibroblast_growth_factor_2_(basic),204421_s_at,yes,yes,---,---,---,---,---,yes,---,-2.53,3.51E-09
FGF2,NM_002006,fibroblast_growth_factor_2_(basic),204422_s_at,yes,yes,---,---,---,---,---,yes,---,-1.69,2.41E-04
FHL1,NM_001449,four_and_a_half_LIM_domains_1,201540_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.82,2.01E-07

FLJ11506,NM_024666,hypothetical_protein_FLJ11506,202852_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.55,6.77E-04
FLJ20323,BC005883,hypothetical_protein_FLJ20323,211724_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,8.02E-04
FLJ20628,NM_017910,hypothetical_protein_FLJ20628,221229_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.54,2.48E-04
FLJ23861,AI680874,hypothetical_protein_FLJ23861,231252_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.69,1.93E-05
FLJ38482_///_ZNF320,BC036301,zinc_finger_protein_320_///_hypothetical_protein_FLJ38482,1555790_a_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.86,2.73E-07
FLNA,NM_001456,"filamin_A,_alpha_(actin_binding_protein_280)",200859_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,1.67,1.13E-05
FLNA,AI625550,"filamin_A,_alpha_(actin_binding_protein_280)",214752_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,1.74,8.05E-06
FLNA,AW051856,"filamin_A,_alpha_(actin_binding_protein_280)",213746_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,1.87,5.40E-06
FN1,AF130095,fibronectin_1,210495_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.95,1.19E-09
FN1,AK026737,fibronectin_1,216442_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,3.1,7.59E-10
FN1,BC005858,fibronectin_1,211719_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,3.14,8.96E-11
FN1,X02761,fibronectin_1,212464_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,3.17,3.92E-09
FOLR1,NM_016725,folate_receptor_1_(adult),204437_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.15,7.38E-07
FOXP1,AW080845,forkhead_box_P1,224837_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.51,1.52E-04
FSCN1,NM_003088,"fascin_homolog_1,_actin-bundling_protein_(Strongylocentrotus_purpuratus)",201564_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.66,8.06E-05
FTH1,AA083483,"ferritin,_heavy_polypeptide_1",214211_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.73,5.37E-06
FTSJ3,NM_017647,FtsJ_homolog_3_(E._coli),218103_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.75,1.15E-05
FUCA2,BC003060,"fucosidase,_alpha-L-_2,_plasma",223120_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.78,4.27E-07
FUSIP1_///_LOC642558_///_LOC727922,AU130523,FUS_interacting_protein_(serine/arginine-rich)_1_///_similar_to_FUS_interacting_protein_(serine-arginine_rich)_1_///_similar_to_FUS-interacting_serine-arginine-rich_protein_1_(TLS-associated_protein_with_Ser-Arg_repeats)_(TLS-associated_protein_with_SR_repeats)_(TASR)_(TLS-associated_serine-arginine_protein)_(TLS-associated_SR_protein)_(Neural-specific_SR_protein...,213594_x_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,-1.61,8.27E-06
FZD10,NM_007197,frizzled_homolog_10_(Drosophila),219764_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-2.37,7.09E-08
FZD2,L37882,frizzled_homolog_2_(Drosophila),210220_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.55,6.88E-04
FZD6,NM_003506,frizzled_homolog_6_(Drosophila),203987_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-3.09,1.20E-11
G3BP1,BG500067,GTPase_activating_protein_(SH3_domain)_binding_protein_1,201503_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.56,7.42E-06
GADD45A,NM_001924,"growth_arrest_and_DNA-damage-inducible,_alpha",203725_at,yes,yes,---,---,yes,---,yes,---,---,-2.18,3.02E-08
GALNT1,AV692127,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_1_(GalNAc-T1),201722_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.84,8.80E-07
GALNT1,U41514,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_1_(GalNAc-T1),201723_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.85,1.32E-06
GALNT1,BC038440,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_1_(GalNAc-T1),1568618_a_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.94,6.34E-07
GALNT1,NM_020474,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_1_(GalNAc-T1),201724_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.53,1.33E-08
GALNT2,NM_004481,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_2_(GalNAc-T2),217788_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.95,7.79E-07
GALNT2,AL525086,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_2_(GalNAc-T2),217787_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.15,4.19E-07
GALNT2,AF130059,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_2_(GalNAc-T2),223991_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.2,1.21E-07
GALNT7,BF699855,UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide_N-acetylgalactosaminyltransferase_7_(GalNAc-T7),222587_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.56,2.91E-05
GARS,D30658,glycyl-tRNA_synthetase,208693_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.87,1.70E-12
GART,AI207338,"Phosphoribosylglycinamide_formyltransferase,_phosphoribosylglycinamide_synthetase,_phosphoribosylaminoimidazole_synthetase",230097_at,---,---

,---,---,---,---,---,---,---,-1.55,5.37E-05
GAS1,NM_002048,growth_arrest-specific_1,204457_s_at,yes,yes,---,---,---,---,--
-,---,---,1.94,1.44E-05
GAS2L3,AI860012,Growth_arrest-specific_2_like_3,238756_at,yes,yes,---,---,---,
---,---,---,---,1.51,5.59E-04
GAS5,AI056992,Growth_arrest-specific_5,227517_s_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,1.75,6.79E-06
GAS5,AW105301,growth_arrest-specific_5,228238_at,---,---,---,---,---,---,---,-
--,---,1.81,1.12E-05
GBAS,NM_001483,glioblastoma_amplified_sequence,201816_s_at,---,---,---,---,---
,yes,---,---,---,-1.64,4.68E-06
GDA,AF019638,guanine_deaminase,224209_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---
,-2.66,2.90E-09
GEMIN4,AF258545,gem_(nuclear_organelle)_associated_protein_4,217099_s_at,---,-
--,---,---,---,---,yes,---,---,1.86,4.83E-06
GEMIN4,NM_015487,gem_(nuclear_organelle)_associated_protein_4,205527_s_at,---,
---,---,---,---,---,yes,---,---,1.91,3.95E-06
GJA1,NM_000165,"gap_junction_protein,_alpha_1,_43kDa",201667_at,---,---,---,--
-,---,---,---,yes,---,1.79,2.95E-06
GLIPR1,AI912583,GLI_pathogenesis-related_1_(glioma),214085_x_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,2.08,3.85E-07
GLIPR1,NM_006851,GLI_pathogenesis-related_1_(glioma),204222_s_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,2.24,3.99E-08
GLIPR1,AV682252,GLI_pathogenesis-related_1_(glioma),226142_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,2.52,8.19E-08
GLIPR1,N32834,GLI_pathogenesis-related_1_(glioma),226136_at,---,---,---,---,--
-,---,yes,---,---,2.61,1.99E-08
GLO1,NM_006708,glyoxalase_I,200681_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.8
3,1.32E-07
GLRX5,AA133341,glutaredoxin_5_homolog_(S._cerevisiae),221932_s_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,yes,1.53,4.04E-05
GMPS,NM_003875,guanine_monphosphate_synthetase,214431_at,---,---,---,---,---,-
--,---,---,---,-1.68,1.60E-06
GNG10_///_LOC552891,NM_004125,"guanine_nucleotide_binding_protein_(G_protein),
_gamma_10_///_hypothetical_protein_LOC552891",201921_at,---,---,yes,---,---,--
-,---,yes,---,-2.36,1.26E-09
GOLPH4,NM_014498,golgi_phosphoprotein_4,204324_s_at,---,---,---,---,---,---,--
-,---,---,1.99,5.33E-08
GOT1,BC000498,"glutamic-oxaloacetic_transaminase_1,_soluble_(aspartate_aminotr
ansferase_1)",208813_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.8,1.12E-06
GPR125,M37712,G_protein-coupled_receptor_125,210473_s_at,---,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,1.5,0.00109
GPR177,AL534095,G_protein-coupled_receptor_177,228949_at,---,---,---,---,---,-
--,yes,yes,---,-1.87,7.42E-06
GPR177,AL534095,G_protein-coupled_receptor_177,228950_s_at,---,---,---,---,---
,---,yes,yes,---,-1.56,5.82E-04
GPRC5A,NM_003979,"G_protein-coupled_receptor,_family_C,_group_5,_member_A",203
108_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2.78,1.19E-08
GREM1,AF154054,"gremlin_1,_cysteine_knot_superfamily,_homolog_(Xenopus_laevis)
",218468_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2,1.42E-06
GREM1,NM_013372,"gremlin_1,_cysteine_knot_superfamily,_homolog_(Xenopus_laevis
)",218469_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.99,7.55E-06
GRPEL2,BF185904,"GrpE-like_2,_mitochondrial_(E._coli)",226881_at,---,---,yes,-
--,---,---,---,---,---,-1.98,1.17E-06
GTF2IRD1,NM_016328,GTF2I_repeat_domain_containing_1,218412_s_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,-1.5,1.49E-04
GTPBP10,AC006153,GTP-binding_protein_10_(putative),234311_s_at,---,---,---,---
,---,---,---,---,---,-1.78,9.94E-06
GUK1,BC006249,guanylate_kinase_1,200075_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-
--,1.68,3.42E-05
H2BFS_///_HIST1H2BK,NM_017445,"H2B_histone_family,_member_S_///_histone_cluste
r_1,_H2bk",208579_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,2.54,1.96E-09
HACL1,BC001627,2-hydroxyacyl-CoA_lyase_1,223211_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,-1.75,3.62E-05
HAX1,NM_006118,HCLS1_associated_protein_X-1,201145_at,---,---,---,yes,---,yes,
yes,---,---,-1.72,3.55E-07
HCCS,AI801013,holocytochrome_c_synthase_(cytochrome_c_heme-lyase),203745_at,--
-,---,---,---,---,---,---,---,---,1.66,3.03E-06
hCG_1806964,AA093668,hCG1806964,235173_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,
1.68,2.61E-05
hCG_1815491_///_LOC650242,AA954994,hCG1815491_///_hypothetical_protein_LOC6502
42,238021_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.24,3.62E-08
hCG_21078_///_RPL27A,NM_000990,ribosomal_protein_L27a_///_hCG21078,203034_s_at
,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,1.66E-08
HECTD1,BC006237,HECT_domain_containing_1,224481_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,-2,3.69E-07
HERC4,AI819938,hect_domain_and_RLD_4,225988_at,---,---,---,---,---,---,---,---
,---,1.56,6.34E-05
HERPUD1,AF217990,"homocysteine-inducible,_endoplasmic_reticulum_stress-inducib
le,_ubiquitin-like_domain_member_1",217168_s_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,-2.64,2.88E-11
HGS,AF260566,hepatocyte_growth_factor-regulated_tyrosine_kinase_substrate,2104

28_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.65,6.22E-04
HGSNAT,NM_025070,heparan-alpha-glucosaminide_N-acetyltransferase,218017_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.02,9.09E-07
HISPPD1,NM_015216,histidine_acid_phosphatase_domain_containing_1,203253_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.56,8.60E-04
HIST1H1C,BC002649,"histone_cluster_1,_H1c",209398_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.84,2.31E-06
HIST1H2AC,AL353759,"histone_cluster_1,_H2ac",215071_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.89,2.35E-06
HIST1H2BD,AL353759,"histone_cluster_1,_H2bd",222067_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.72,2.76E-06
HIST1H2BD,BC002842,"histone_cluster_1,_H2bd",209911_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,2.81,1.96E-09
HIST1H2BE,NM_003523,"histone_cluster_1,_H2be",208527_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,2,1.60E-06
HIST1H2BK,BC000893,"histone_cluster_1,_H2bk",209806_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,3.35,1.54E-13
HIST1H4C,NM_003542,"histone_cluster_1,_H4c",205967_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-1.85,3.27E-05
HIST2H2AA3_///_HIST2H2AA4,NM_003516,"histone_cluster_2,_H2aa3_///_histone_cluster_2,_H2aa4",218280_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.57,1.24E-04
HIST2H2AA3_///_HIST2H2AA4,AI313324,"histone_cluster_2,_H2aa3_///_histone_cluster_2,_H2aa4",214290_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.81,2.00E-07
HIST3H2A,BC001193,"histone_cluster_3,_H2a",221582_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.78,3.49E-05
HLA-B,D83043,"major_histocompatibility_complex,_class_I,_B",208729_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,2.02E-04
HLA-B,L07950,"major_histocompatibility_complex,_class_I,_B",211911_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.64,1.94E-05
HLA-B,L42024,"major_histocompatibility_complex,_class_I,_B",209140_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.97,3.68E-07
HLA-C,M12679,"major_histocompatibility_complex,_class_I,_C",214459_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.75,2.65E-06
HLA-C,AK024836,"major_histocompatibility_complex,_class_I,_C",216526_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.77,8.59E-06
HLA-C_///_LOC732037,BC004489,"major_histocompatibility_complex,_class_I,_C_///_similar_to_major_histocompatibility_complex,_class_I,_C",208812_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.74,1.08E-06
HMGCR,AL518627,3-hydroxy-3-methylglutaryl-Coenzyme_A_reductase,202539_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.23,1.55E-07
HN1,NM_016185,hematological_and_neurological_expressed_1,217755_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.64,1.74E-07
HN1,AF060925,hematological_and_neurological_expressed_1,222396_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.85,1.52E-07
HNRPD,BG180941,"heterogeneous_nuclear_ribonucleoprotein_D_(AU-rich_element_RNA_binding_protein_1,_37kDa)",221480_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.56,0.001742
HNRPDL,D89678,heterogeneous_nuclear_ribonucleoprotein_D-like,209068_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.59,1.36E-04
HNRPUL1,BC004242,heterogeneous_nuclear_ribonucleoprotein_U-like_1,209675_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.58,6.39E-04
HOXA7,NM_006896,homeobox_A7,206848_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.58,1.61E-05
HOXC6,NM_004503,homeobox_C6,206858_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.53,0.001813
HP1BP3,BC022342,"heterochromatin_protein_1,_binding_protein_3",1554251_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,2.38,9.71E-08
HPCAL1,BE617588,hippocalcin-like_1,212552_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.66,1.51E-06
HPCAL1,NM_002149,hippocalcin-like_1,205462_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.9,9.09E-07
HRSP12,N54448,heat-responsive_protein_12,203790_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.11,9.98E-08
HSPA1A,NM_005345,heat_shock_70kDa_protein_1A,200799_at,yes,---,yes,---,---,yes,yes,---,---,6.65,0
HSPA8,AA704004,heat_shock_70kDa_protein_8,221891_x_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,3.49,3.94E-13
HSPA8,AF217511,heat_shock_70kDa_protein_8,224187_x_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,4.03,0
HSPA8,AB034951,heat_shock_70kDa_protein_8,210338_s_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,4.21,0
HSPA8,AF352832,heat_shock_70kDa_protein_8,208687_x_at,---,---,yes,---,---,---,yes,---,---,4.29,0
HSPH1,NM_006644,heat_shock_105kDa/110kDa_protein_1,206976_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,1.76E-04
HSPH1,BG403660,heat_shock_105kDa/110kDa_protein_1,208744_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.81,5.57E-07
IARS,NM_013417,isoleucyl-tRNA_synthetase,204744_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.5,8.53E-06
IDH1,NM_005896,"isocitrate_dehydrogenase_1_(NADP+),_soluble",201193_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.96,3.43E-08
IDH1,BC012846,"isocitrate_dehydrogenase_1_(NADP+),_soluble",1555037_a_at,---,-

--,---,---,---,---,---,---,---,-1.91,6.71E-08
IDH3A,AI826060,isocitrate_dehydrogenase_3_(NAD+)_alpha,202069_s_at,---,---,---
,---,---,yes,---,---,---,-1.52,2.78E-04
IDI1,BC005247,isopentenyl-diphosphate_delta_isomerase_1,208881_x_at,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,1.74,4.19E-06
IDI1,NM_004508,isopentenyl-diphosphate_delta_isomerase_1,204615_x_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,1.83,3.05E-07
IER5,NM_016545,immediate_early_response_5,218611_at,---,---,---,---,---,---,--
-,---,---,1.84,4.36E-06
IFITM2,NM_006435,interferon_induced_transmembrane_protein_2_(1-8D),201315_x_at
,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,2.52E-05
IFITM3,BF338947,interferon_induced_transmembrane_protein_3_(1-8U),212203_x_at,
---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.6,9.25E-06
IFNGR1,AF056979,interferon_gamma_receptor_1,211676_s_at,---,---,---,---,---,--
-,---,yes,---,-1.56,3.62E-04
IFRD1,NM_001550,interferon-related_developmental_regulator_1,202147_s_at,---,-
--,---,---,---,---,---,---,---,-2.13,1.00E-08
IFRD1,AA747426,interferon-related_developmental_regulator_1,202146_at,---,---,
---,---,---,---,---,---,---,-1.9,1.45E-07
IGF2BP3,AU160004,insulin-like_growth_factor_2_mRNA_binding_protein_3,203819_s_
at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.62,1.83E-06
IGF2BP3,NM_006547,insulin-like_growth_factor_2_mRNA_binding_protein_3,203820_s
_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.91,7.98E-08
IGF2BP3_///_LOC645468_///_LOC651107,AL023775,insulin-like_growth_factor_2_mRNA
_binding_protein_3_///_similar_to_insulin-like_growth_factor_2_mRNA_binding_pr
otein_3_///_similar_to_IGF-II_mRNA-binding_protein_3,216493_s_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,1.59,1.46E-04
IGFBP7,NM_001553,insulin-like_growth_factor_binding_protein_7,201163_s_at,---,
---,---,---,---,---,---,---,---,1.66,2.13E-06
IGFBP7,NM_001553,insulin-like_growth_factor_binding_protein_7,201162_at,---,--
-,---,---,---,---,---,---,---,1.76,8.69E-06
IGSF10,AW341661,"immunoglobulin_superfamily,_member_10",230670_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,---,2.08,9.73E-08
IGSF10,AF087980,"immunoglobulin_superfamily,_member_10",1556579_s_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,---,2.72,3.09E-08
IGSF3,AB007935,"immunoglobulin_superfamily,_member_3",202421_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,-1.76,2.29E-05
IL6ST,AB015706,"interleukin_6_signal_transducer_(gp130,_oncostatin_M_receptor)
",211000_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-2.03,3.26E-04
IL6ST,BE856546,"interleukin_6_signal_transducer_(gp130,_oncostatin_M_receptor)
",204863_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.88,4.80E-05
IL6ST,AW242916,"Interleukin_6_signal_transducer_(gp130,_oncostatin_M_receptor)
",212196_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.6,1.07E-04
IMPA1,NM_005536,inositol(myo)-1(or_4)-monophosphatase_1,203011_at,---,---,---,
---,---,---,---,yes,---,-1.67,9.98E-06
IMPAD1,NM_017813,inositol_monophosphatase_domain_containing_1,218516_s_at,---,
---,---,---,---,---,---,---,---,1.75,2.76E-05
IMPAD1,AI302253,inositol_monophosphatase_domain_containing_1,222654_at,---,---
,---,---,---,---,---,---,---,2.18,3.56E-07
INPP5A,NM_005539,"inositol_polyphosphate-5-phosphatase,_40kDa",203006_at,---,-
--,---,---,---,---,---,---,---,3.11,1.27E-10
INSIG1,BG292233,insulin_induced_gene_1,201626_at,---,---,---,---,---,---,---,-
--,---,3.06,9.98E-11
INSIG1,NM_005542,insulin_induced_gene_1,201627_s_at,---,---,---,---,---,---,--
-,---,---,3.08,1.01E-10
INTS5,AI869988,integrator_complex_subunit_5,53968_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,1.92,1.00E-05
INTS8,NM_017864,integrator_complex_subunit_8,218905_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.87,2.69E-07
IRF2BP2,BF968057,interferon_regulatory_factor_2_binding_protein_2,224571_at,--
-,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.63,5.59E-05
IRS2,AF073310,insulin_receptor_substrate_2,209185_s_at,---,---,---,---,---,---
,---,yes,---,1.71,1.96E-06
ISCA2,AV715993,iron-sulfur_cluster_assembly_2_homolog_(S._cerevisiae),226007_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.02,8.87E-07
ITGA6,NM_000210,"integrin,_alpha_6",201656_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,
---,1.62,4.06E-05
ITGB4BP,AF022229,integrin_beta_4_binding_protein,210213_s_at,---,---,---,---,-
--,---,yes,yes,---,-1.81,3.15E-06
ITPR1,L38019,"inositol_1,4,5-triphosphate_receptor,_type_1",211323_s_at,---,--
-,---,---,---,---,---,yes,---,2.64,9.77E-10
ITPR1,NM_002222,"inositol_1,4,5-triphosphate_receptor,_type_1",203710_at,---,-
--,---,---,---,---,---,yes,---,2.69,1.10E-10
ITPR1,U23850,"inositol_1,4,5-triphosphate_receptor,_type_1",216944_s_at,---,--
-,---,---,---,---,---,yes,---,2.9,1.11E-09
IVNS1ABP,NM_006469,influenza_virus_NS1A_binding_protein,206245_s_at,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,2.94,1.26E-10
JAG1,U77914,jagged_1_(Alagille_syndrome),216268_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,yes,---,-1.64,0.001596
JAG1,U73936,jagged_1_(Alagille_syndrome),209099_x_at,---,---,---,---,---,---,-
--,yes,---,-1.6,1.74E-04
JARID1B,NM_006618,"jumonji,_AT_rich_interactive_domain_1B",201549_x_at,---,---

,---,---,---,---,yes,---,---,1.56,4.20E-05
JARID1B,W02593,"jumonji,_AT_rich_interactive_domain_1B",201548_s_at,---,---,--
-,---,---,---,yes,---,---,1.7,1.72E-05
JMJD6,AK021780,jumonji_domain_containing_6,212723_at,---,---,---,---,---,---,y
es,---,---,1.78,3.78E-06
JUB,AI289311,"jub,_ajuba_homolog_(Xenopus_laevis)",225806_at,---,---,---,---,-
--,---,---,---,---,-2.51,3.13E-10
JUND,NM_005354,jun_D_proto-oncogene,203752_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,--
-,---,1.5,9.41E-04
JUP,NM_021991,junction_plakoglobin,201015_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---
,---,1.67,9.48E-06
KCNK1,NM_002245,"potassium_channel,_subfamily_K,_member_1",204679_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,1.59,3.52E-06
KCNK1,U90065,"potassium_channel,_subfamily_K,_member_1",204678_s_at,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,1.87,6.06E-07
KIAA0143,AW470003,KIAA0143_protein,212149_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-
--,-2.82,4.44E-09
KIAA0182,AA206161,KIAA0182,212057_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.63
,2.88E-04
KIAA0256,N52532,KIAA0256_gene_product,212451_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,1.77,9.64E-06
KIAA0494,NM_014774,KIAA0494,201778_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.
78,3.16E-05
KIAA0692,AK025933,KIAA0692,212200_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.65,
0.001439
KIAA0746,AB018289,KIAA0746_protein,212314_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-
--,-1.77,1.21E-05
KIAA1429,BC003701,KIAA1429,223110_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,
8.22E-06
KIAA1430,AI912523,KIAA1430,226254_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.
08,5.22E-07
KIAA1702,AK027074,KIAA1702_protein,1556060_a_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,-1.55,2.67E-04
KIF14,NM_014875,kinesin_family_member_14,206364_at,---,---,---,yes,---,---,---
,---,---,1.56,1.13E-04
KIF14,AW183154,kinesin_family_member_14,236641_at,---,---,---,yes,---,---,---,
---,---,1.78,1.11E-05
KLC1,AA284075,kinesin_light_chain_1,212878_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,--
-,---,1.59,2.23E-04
KLF10,NM_005655,Kruppel-like_factor_10,202393_s_at,---,---,---,---,---,---,yes
,yes,---,-1.86,3.16E-06
KLHL13,AB037730,kelch-like_13_(Drosophila),227875_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,1.92,1.17E-07
KLHL15,BG149487,kelch-like_15_(Drosophila),226370_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,1.64,8.70E-05
KLHL5,AK002174,kelch-like_5_(Drosophila),226001_at,---,---,---,yes,---,---,---
,---,---,-1.53,4.39E-04
KLHL8,BF591270,kelch-like_8_(Drosophila),226874_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,-1.64,3.25E-05
KPNA2,BC005978,"karyopherin_alpha_2_(RAG_cohort_1,_importin_alpha_1)",211762_s
_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.67,2.97E-07
KPNA2,NM_002266,"karyopherin_alpha_2_(RAG_cohort_1,_importin_alpha_1)",201088_
at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.76,1.65E-07
KPNA3,AL120704,karyopherin_alpha_3_(importin_alpha_4),221502_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,1.59,8.49E-05
KPNA3,AF034756,karyopherin_alpha_3_(importin_alpha_4),221503_s_at,---,---,---,
---,---,---,yes,---,---,1.77,1.29E-05
KRCC1,BE326678,lysine-rich_coiled-coil_1,222585_x_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,-1.84,3.37E-06
KRCC1,NM_016618,lysine-rich_coiled-coil_1,218303_x_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,-1.53,6.36E-05
KRT17,Z19574,keratin_17,212236_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,4.15,1
.54E-13
KRT17,NM_000422,keratin_17,205157_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,5.1
4,0
KRT8,U76549,keratin_8,209008_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.85,1.3
4E-06
KTN1,NM_004986,kinectin_1_(kinesin_receptor),200915_x_at,---,---,---,---,---,-
--,---,---,yes,-1.61,1.14E-05
KTN1,Z22551,kinectin_1_(kinesin_receptor),214709_s_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,yes,-1.61,5.70E-06
KYNU,BC000879,kynureninase_(L-kynurenine_hydrolase),210663_s_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,-1.51,2.36E-04
LACTB2,BC000878,"lactamase,_beta_2",222714_s_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,-1.65,1.70E-05
LAMC1,NM_002293,"laminin,_gamma_1_(formerly_LAMB2)",200771_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,1.51,3.29E-05
LAPTM4A,NM_014713,lysosomal-associated_protein_transmembrane_4_alpha,200673_at
,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,3.32E-06
LAPTM4B,NM_018407,lysosomal_associated_protein_transmembrane_4_beta,208029_s_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.6,1.49E-06
LAPTM4B,AF317417,lysosomal_associated_protein_transmembrane_4_beta,1554679_a_a

t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,2.79E-05
LAPTM4B,AW149681,lysosomal_associated_protein_transmembrane_4_beta,208767_s_at
,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.57,1.59E-06
LARP6,BF792126,"La_ribonucleoprotein_domain_family,_member_6",236565_s_at,---,
---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.77,1.13E-06
LASP1,NM_006148,LIM_and_SH3_protein_1,200618_at,---,---,---,yes,---,---,---,--
-,---,1.77,1.30E-06
LDLR,NM_000527,low_density_lipoprotein_receptor_(familial_hypercholesterolemia
),202068_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.07,3.95E-07
LDLRAD3,AW043782,low_density_lipoprotein_receptor_class_A_domain_containing_3,
234985_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.76,1.16E-05
LEMD3,NM_014319,LEM_domain_containing_3,218604_at,---,---,---,---,---,---,yes,
---,---,-1.69,6.91E-06
LOC152217,BE563042,hypothetical_protein_BC007882,225657_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,-1.55,3.13E-04
LOC221710,AI870473,Hypothetical_protein_LOC221710,227124_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,-1.54,2.22E-04
LOC253039,AL117474,Hypothetical_protein_LOC253039,231828_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,-1.81,1.09E-05
LOC283267,AI913533,hypothetical_protein_LOC283267,226793_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,2.08,5.50E-08
LOC339047,AF229069,hypothetical_protein_LOC339047,221501_x_at,---,---,---,---,
---,---,---,yes,---,-1.64,1.42E-05
LOC339047_///_LOC642778_///_LOC642799_///_NPIP,NM_006985,nuclear_pore_complex_
interacting_protein_///_hypothetical_protein_LOC339047_///_similar_to_nuclear_
pore_complex_interacting_protein,204538_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,-
--,-1.56,7.89E-05
LOC339047_///_LOC642799_///_NPIP,AC002045,nuclear_pore_complex_interacting_pro
tein_///_hypothetical_protein_LOC339047_///_similar_to_nuclear_pore_complex_in
teracting_protein,214870_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.6,2.18E-0
5
LOC339229,AA150503,hypothetical_protein_LOC339229,50374_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,-1.57,1.96E-04
LOC340318_///_LOC729316_///_POM121,AA514622,POM121_membrane_glycoprotein_(rat)
_///_nuclear_envelope_pore_membrane_LOC340318_///_similar_to_Nuclear_envelope_
pore_membrane_protein_POM_121_(Pore_membrane_protein_of_121_kDa)_(P145),213360
_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.69,1.40E-05
LOC340318_///_LOC729316_///_POM121,AK022555,POM121_membrane_glycoprotein_(rat)
_///_nuclear_envelope_pore_membrane_LOC340318_///_similar_to_Nuclear_envelope_
pore_membrane_protein_POM_121_(Pore_membrane_protein_of_121_kDa)_(P145),212178
_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.7,2.82E-04
LOC341315_///_LOC652607_///_PABPC1_///_PABPC3,U64661,"poly(A)_binding_protein,
_cytoplasmic_3_///_poly(A)_binding_protein,_cytoplasmic_1_///_hypothetical_LOC
341315_///_similar_to_Polyadenylate-binding_protein_1_(Poly(A)-binding_protein
_1)_(PABP_1)",215823_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.66,1.71E-07
LOC399491,AA308853,LOC399491_protein,214035_x_at,---,---,---,---,---,---,---,y
es,---,-1.61,4.02E-05
LOC401152,BF244081,HCV_F-transactivated_protein_1,224602_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,2.18,1.20E-09
LOC441212,BE670798,retinitis_pigmentosa_9_pseudogene,227035_x_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,-1.58,3.71E-04
LOC493869,AL571557,similar_to_RIKEN_cDNA_2310016C16,227628_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,yes,-1.65,3.86E-06
LOC554363,AV758342,hypothetical_gene_LOC554363,226006_at,---,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,1.6,2.76E-05
LOC642732_///_LOC730793,AI685944,similar_to_CG10721-PA,213878_at,---,---,---,-
--,yes,---,yes,---,---,-1.92,3.58E-06
LOC643167_///_RBM39,BE466173,RNA_binding_motif_protein_39_///_similar_to_RNA-b
inding_region-containing_protein_2_(Hepatocellular_carcinoma_protein_1)_(Splic
ing_factor_HCC1),227223_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.5,1.02E-08
LOC644215,BC009463,Hypothetical_LOC644215,1559822_s_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-2.43,5.51E-09
LOC647979,AV729406,hypothetical_protein_LOC647979,224597_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,-1.59,1.24E-05
LOC728177_///_LOC730675,AI761675,hypothetical_protein_LOC728177_///_hypothetic
al_protein_LOC730675,230543_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.7,0.0374
27
LOC728661_///_SLC35E2,AL031282,"solute_carrier_family_35,_member_E2_///_simila
r_to_solute_carrier_family_35,_member_E2",217122_s_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,-1.6,1.59E-05
LOC732402_///_PTPLAD1,AL573951,protein_tyrosine_phosphatase-like_A_domain_cont
aining_1_///_similar_to_butyrate-induced_transcript_1,222405_at,---,---,---,--
-,---,---,---,yes,---,-1.52,2.77E-05
LONP1,U02389,"lon_peptidase_1,_mitochondrial",209017_s_at,---,---,---,---,---,
---,---,---,---,-1.85,1.34E-05
LOX,L16895,lysyl_oxidase,215446_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.61,
6.79E-05
LRRC8D,NM_018103,"leucine_rich_repeat_containing_8_family,_member_D",218684_at
,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.76,1.58E-06
LSM3,NM_014463,"LSM3_homolog,_U6_small_nuclear_RNA_associated_(S._cerevisiae)"
,202209_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.5,8.50E-06
LSS,AW084510,"lanosterol_synthase_(2,3-oxidosqualene-lanosterol_cyclase)",2022

45_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.75,9.15E-05
LUC7L2,AI963460,LUC7-like_2_(S._cerevisiae),243852_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.64,8.36E-05
LUC7L2,AA043552,LUC7-like_2_(S._cerevisiae),226758_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.54,1.68E-04
LUM,NM_002345,lumican,201744_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.22,8.71E-07
M6PRBP1,NM_005817,mannose-6-phosphate_receptor_binding_protein_1,202122_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.62,1.18E-04
MAGEA12,BC003408,"melanoma_antigen_family_A,_12",210467_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.78,1.41E-06
MAP3K7IP3,BF593914,mitogen-activated_protein_kinase_kinase_kinase_7_interacting_protein_3,227357_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.62,2.94E-04
MAP7,T62571,microtubule-associated_protein_7,202889_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.54,1.83E-04
MAP7,AW242297,microtubule-associated_protein_7,202890_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.7,1.24E-05
MAPKAP1,NM_024117,mitogen-activated_protein_kinase_associated_protein_1,217808_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.55,6.82E-05
MAPKAP1,BF939919,mitogen-activated_protein_kinase_associated_protein_1,229846_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.68,4.34E-04
MARCKS,NM_002356,myristoylated_alanine-rich_protein_kinase_C_substrate,201669_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.61,1.16E-05
MARCKS,AA770596,Myristoylated_alanine-rich_protein_kinase_C_substrate,213002_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.62,3.29E-04
MARCKS,M68956,myristoylated_alanine-rich_protein_kinase_C_substrate,201670_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.83,5.66E-07
MARCKS,AW163148,myristoylated_alanine-rich_protein_kinase_C_substrate,201668_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.96,6.22E-04
MARCKSL1,NM_023009,MARCKS-like_1,200644_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.95,1.22E-07
MARS,AA621558,methionyl-tRNA_synthetase,213671_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,yes,-2.58,1.04E-10
MARS,NM_004990,methionyl-tRNA_synthetase,201475_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,yes,-2.51,3.12E-10
MCAM,M29277,melanoma_cell_adhesion_molecule,210869_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.55,2.75E-04
MCAM,M28882,melanoma_cell_adhesion_molecule,211340_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.55,3.05E-04
MCAM,BE964361,melanoma_cell_adhesion_molecule,209086_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,2.78E-04
MCM5,AA807529,minichromosome_maintenance_complex_component_5,216237_s_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,-1.61,3.79E-05
MCM6,NM_005915,minichromosome_maintenance_complex_component_6,201930_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.99,3.40E-08
MED10,BC003353,"mediator_of_RNA_polymerase_II_transcription,_subunit_10_homolog_(NUT2,_S._cerevisiae)",223247_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.62,5.86E-06
MED28,NM_025205,"mediator_of_RNA_polymerase_II_transcription,_subunit_28_homolog_(S._cerevisiae)",218438_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.69,7.09E-05
MED31,AV760596,"mediator_of_RNA_polymerase_II_transcription,_subunit_31_homolog_(S._cerevisiae)",222867_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.82,1.59E-05
MEGF9,W68084,multiple_EGF-like-domains_9,212830_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.41,1.52E-08
MEN1,NM_000244,multiple_endocrine_neoplasia_I,202645_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.57,0.003142
MESDC1,BC001373,mesoderm_development_candidate_1,223264_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.54,0.002934
MFAP2,NM_017459,microfibrillar-associated_protein_2,203417_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.57,8.96E-05
MGC3205_///_UNQ501,BF343862,hypothetical_protein_MGC3205_///_MBC3205,225003_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.59,1.27E-04
MGST2,NM_002413,microsomal_glutathione_S-transferase_2,204168_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.61,1.76E-04
MINA,BE966695,MYC_induced_nuclear_antigen,213189_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.91,1.45E-07
MINA,AI823896,MYC_induced_nuclear_antigen,213188_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.82,8.81E-06
MITF,NM_000248,microphthalmia-associated_transcription_factor,207233_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.6,7.57E-06
MKX,AW023227,mohawk_homeobox,239468_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-3.02,6.63E-10
MLF2,NM_005439,myeloid_leukemia_factor_2,200948_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.59,2.51E-04
MN1,NM_002430,meningioma_(disrupted_in_balanced_translocation)_1,205330_at,yes,yes,---,---,---,---,---,---,---,1.5,0.002631
MOBKL1A,AL162039,"MOB1,_Mps_One_Binder_kinase_activator-like_1A_(yeast)",225997_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.53,8.09E-04
MOSC1,NM_022746,MOCO_sulphurase_C-terminal_domain_containing_1,218865_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.75,3.76E-06

MOSPD1,AF086333,motile_sperm_domain_containing_1,1557455_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.51,0.001831
M-RIP,AB020671,myosin_phosphatase-Rho_interacting_protein,212197_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.85,1.02E-06
M-RIP,AK025604,myosin_phosphatase-Rho_interacting_protein,214771_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2,1.23E-07
MRPL13,NM_014078,mitochondrial_ribosomal_protein_L13,218049_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.11,2.41E-08
MRPS10,AF277180,mitochondrial_ribosomal_protein_S10,224247_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.52,4.43E-05
MRPS31,NM_005830,mitochondrial_ribosomal_protein_S31,212603_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.59,7.84E-05
MSL-1,AA001203,male-specific_lethal-1_homolog,224765_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.64,1.86E-04
MSN,NM_002444,moesin,200600_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.53,1.66E-05
MTCH2,AV756532,mitochondrial_carrier_homolog_2_(C._elegans),222403_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,5.16E-04
MTDH,AI886796,"CDNA_FLJ41088_fis,_clone_ASTRO2002459_///_Metadherin",212248_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.58,3.13E-10
MTDH,AI972475,metadherin,212251_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.38,1.22E-08
MTDH,AV700332,metadherin,212250_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.24,2.94E-09
MTERFD1,NM_015942,MTERF_domain_containing_1,219363_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.77,2.04E-09
MTHFD1,NM_005956,"methylenetetrahydrofolate_dehydrogenase_(NADP+_dependent)_1,_methenyltetrahydrofolate_cyclohydrolase,_formyltetrahydrofolate_synthetase",202309_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,-1.52,1.18E-05
MTHFD2,NM_006636,"methylenetetrahydrofolate_dehydrogenase_(NADP+_dependent)_2,_methenyltetrahydrofolate_cyclohydrolase",201761_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,-4.03,7.63E-13
MTO1,NM_012123,mitochondrial_translation_optimization_1_homolog_(S._cerevisiae),218716_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.5,5.67E-04
MXI1,NM_005962,MAX_interactor_1,202364_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.56,1.39E-05
MYC,NM_002467,v-myc_myelocytomatosis_viral_oncogene_homolog_(avian),202431_s_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,-2.11,4.27E-09
MYD88,U70451,myeloid_differentiation_primary_response_gene_(88),209124_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.66,5.99E-05
NARG2,NM_024611,NMDA_receptor_regulated_2,218713_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.73,4.40E-05
NARS,NM_004539,asparaginyl-tRNA_synthetase,200027_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.8,3.41E-07
NAT10,NM_024662,N-acetyltransferase_10,217884_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.55,1.63E-04
NBN,AI796269,nibrin,202905_x_at,yes,yes,---,---,yes,---,yes,---,---,-2.11,8.45E-09
NBN,NM_002485,nibrin,202907_s_at,yes,yes,---,---,yes,---,yes,---,---,-1.83,7.90E-06
NCOA7,AL035689,nuclear_receptor_coactivator_7,225344_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.13,3.99E-08
NCOR2,NM_006312,nuclear_receptor_co-repressor_2,207760_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.97,1.54E-05
NDFIP2,AW290956,Nedd4_family_interacting_protein_2,224799_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.74,7.90E-07
NDFIP2,AA019338,Nedd4_family_interacting_protein_2,224802_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.84,3.85E-08
NDUFA3,NM_004542,"NADH_dehydrogenase_(ubiquinone)_1_alpha_subcomplex,_3,_9kDa",218563_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.81,4.06E-07
NDUFB9,AF261090,"NADH_dehydrogenase_(ubiquinone)_1_beta_subcomplex,_9,_22kDa",222992_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.69,3.00E-07
NEK7,AL080111,NIMA_(never_in_mitosis_gene_a)-related_kinase_7,212530_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.36,5.59E-09
NETO2,NM_018092,neuropilin_(NRP)_and_tolloid_(TLL)-like_2,218888_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.57,3.38E-04
NFAT5,NM_006599,"nuclear_factor_of_activated_T-cells_5,_tonicity-responsive",208003_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-1.5,6.20E-04
NFE2L1,H93013,nuclear_factor_(erythroid-derived_2)-like_1,214179_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.57,1.57E-04
NFE2L1,NM_003204,nuclear_factor_(erythroid-derived_2)-like_1,200759_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.51,9.31E-05
NINJ2,NM_016533,ninjurin_2,219594_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.08,1.38E-07
NIT1,NM_005600,nitrilase_1,202891_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.55,7.38E-04
NNMT,NM_006169,nicotinamide_N-methyltransferase,202238_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.67,2.18E-05
NNMT,NM_006169,nicotinamide_N-methyltransferase,202237_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.63,1.12E-05
NNT,NM_012343,nicotinamide_nucleotide_transhydrogenase,202784_s_at,---,---,---

,---,---,yes,---,---,---,-1.56,1.32E-05
NOB1,BC000050,NIN1/RPN12_binding_protein_1_homolog_(S._cerevisiae),223018_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.43,2.43E-09
NPM1,AA191576,"nucleophosmin_(nucleolar_phosphoprotein_B23,_numatrin)",221923_s_at,yes,---,yes,yes,---,---,yes,yes,---,-1.64,4.19E-07
NPTN,NM_017455,neuroplastin,202228_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.57,2.27E-06
NPTX1,NM_002522,neuronal_pentraxin_I,204684_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,0.001153
NR2F1,AI951185,"Nuclear_receptor_subfamily_2,_group_F,_member_1",209505_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.64,5.45E-05
NR3C1,X03348,"nuclear_receptor_subfamily_3,_group_C,_member_1_(glucocorticoid_receptor)",216321_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-1.72,1.57E-07
NR3C1,AI432196,"nuclear_receptor_subfamily_3,_group_C,_member_1_(glucocorticoid_receptor)",201865_x_at,---,---,---,---,---,yes,yes,yes,---,-1.52,6.52E-05
NSFL1C,AK023585,NSFL1_(p97)_cofactor_(p47),232520_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.51,7.38E-04
NSMCE2,AL562908,"non-SMC_element_2,_MMS21_homolog_(S._cerevisiae)",226536_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.07,3.41E-07
NT5E,NM_002526,"5'-nucleotidase,_ecto_(CD73)",203939_at,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,4.22E-05
NUDCD1,AI802955,NudC_domain_containing_1,225439_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.32,4.58E-08
NUP210,AI867102,nucleoporin_210kDa,213947_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.52,2.67E-04
NXT2,AK023289,nuclear_transport_factor_2-like_export_factor_2,209628_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.57,3.33E-04
OGT,U77413,O-linked_N-acetylglucosamine_(GlcNAc)_transferase_(UDP-N-acetylglucosamine:polypeptide-N-acetylglucosaminyl_transferase),207563_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-2.4,4.05E-08
OGT,BF001665,O-linked_N-acetylglucosamine_(GlcNAc)_transferase_(UDP-N-acetylglucosamine:polypeptide-N-acetylglucosaminyl_transferase),212307_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-2.18,1.99E-08
OGT,AI742039,O-linked_N-acetylglucosamine_(GlcNAc)_transferase_(UDP-N-acetylglucosamine:polypeptide-N-acetylglucosaminyl_transferase),229787_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-2.02,8.25E-06
OGT,NM_003605,O-linked_N-acetylglucosamine_(GlcNAc)_transferase_(UDP-N-acetylglucosamine:polypeptide-N-acetylglucosaminyl_transferase),207564_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-1.83,9.79E-07
OLFM1,NM_006334,olfactomedin_1,205591_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.57,6.06E-06
OLFM1,R38389,olfactomedin_1,213131_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.73,2.01E-07
OLFML2A,AL050002,olfactomedin-like_2A,213075_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.75,7.29E-05
OPN3,NM_014322,"opsin_3_(encephalopsin,_panopsin)",219032_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.58,3.49E-05
ORC5L,NM_002553,"origin_recognition_complex,_subunit_5-like_(yeast)",204957_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.98,9.39E-08
OSBPL10,NM_017784,oxysterol_binding_protein-like_10,219073_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.76,1.17E-06
OSMR,BC010943,oncostatin_M_receptor,1554008_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.61,6.55E-04
PABPC1,AI734929,"poly(A)_binding_protein,_cytoplasmic_1",215157_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.87,2.48E-08
PABPC3,NM_030979,"poly(A)_binding_protein,_cytoplasmic_3",208113_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.68,5.56E-07
PAIP2,BC001716,poly(A)_binding_protein_interacting_protein_2,222983_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,2.54E-05
PALB2,NM_024675,partner_and_localizer_of_BRCA2,219530_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,8.88E-05
PALLD,NM_016081,"palladin,_cytoskeletal_associated_protein",200897_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.6,1.45E-06
PALLD,AK025843,"palladin,_cytoskeletal_associated_protein",200906_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.66,1.67E-05
PALLD,AU157932,"palladin,_cytoskeletal_associated_protein",200907_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.73,1.06E-06
PAM,AI022882,peptidylglycine_alpha-amidating_monooxygenase,212958_x_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.89,7.47E-07
PAM,NM_000919,peptidylglycine_alpha-amidating_monooxygenase,202336_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.92,2.18E-07
PAPPA,BF107618,"pregnancy-associated_plasma_protein_A,_pappalysin_1",224940_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.89,6.26E-05
PAQR3,AW173157,progestin_and_adipoQ_receptor_family_member_III,213372_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.78,2.12E-06
PARN,NM_002582,poly(A)-specific_ribonuclease_(deadenylation_nuclease),203905_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.53,3.14E-04
PBK,NM_018492,PDZ_binding_kinase,219148_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.64,9.29E-07
PCM1,AI924817,pericentriolar_material_1,214937_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,-1.57,9.73E-04
PCSK9,W92036,proprotein_convertase_subtilisin/kexin_type_9,227759_at,---,---,-

--,---,---,---,---,---,---,1.6,0.001388
PDE1A,BQ894022,"phosphodiesterase_1A,_calmodulin-dependent",1558680_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.91,2.12E-06
PDE1A,NM_005019,"phosphodiesterase_1A,_calmodulin-dependent",208396_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.88,1.56E-06
PDE1A,N53248,"phosphodiesterase_1A,_calmodulin-dependent",233547_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.6,1.10E-04
PDE3A,NM_000921,"phosphodiesterase_3A,_cGMP-inhibited",206389_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.78,1.30E-04
PDE8B,AK023913,phosphodiesterase_8B,213228_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.6,1.13E-04
PDIA6,NM_005742,"protein_disulfide_isomerase_family_A,_member_6",207668_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,-1.57,7.93E-06
PDLIM5,NM_006457,PDZ_and_LIM_domain_5,203243_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.56,7.32E-04
PDLIM5,AV715767,PDZ_and_LIM_domain_5,212412_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,4.81E-05
PDXK,NM_021941,"pyridoxal_(pyridoxine,_vitamin_B6)_kinase",218019_s_at,---,---,---,---,---,---,---,1.57,7.39E-04
PDXK,AW449022,"pyridoxal_(pyridoxine,_vitamin_B6)_kinase",218018_at,---,---,---,---,---,---,---,1.58,1.39E-04
PDXK,NM_003681,"pyridoxal_(pyridoxine,_vitamin_B6)_kinase",202671_s_at,---,---,---,---,---,---,---,1.97,1.03E-07
PELO,NM_015946,pelota_homolog_(Drosophila),218472_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.63,7.88E-05
PHF17,AW138134,PHD_finger_protein_17,225816_at,yes,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.97,1.92E-06
PHF20,AL109965,PHD_finger_protein_20,209422_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.86,1.49E-05
PHGDH,NM_006623,phosphoglycerate_dehydrogenase,201397_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.71,1.96E-09
PHLDA1,AK026181,"pleckstrin_homology-like_domain,_family_A,_member_1",225842_at,yes,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.06,7.43E-07
PHLDA1,AA576961,"pleckstrin_homology-like_domain,_family_A,_member_1",217996_at,yes,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.77,1.09E-05
PIH1D1,NM_017916,PIH1_domain_containing_1,217872_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,3.07E-05
PITPNC1,NM_012417,"phosphatidylinositol_transfer_protein,_cytoplasmic_1",219155_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.57,1.96E-05
PKN2,AI633689,protein_kinase_N2,212629_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.62,2.44E-05
PLAA,AF145020,phospholipase_A2-activating_protein,209533_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.63,3.25E-05
PLAGL1,BG547855,pleiomorphic_adenoma_gene-like_1,209318_x_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,2.02,5.07E-07
PLAGL1,NM_002656,pleiomorphic_adenoma_gene-like_1,207002_s_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,2.27,1.41E-06
PLAUR,U08839,"plasminogen_activator,_urokinase_receptor",210845_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.7,1.88E-05
PLAUR,AY029180,"plasminogen_activator,_urokinase_receptor",211924_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.76,9.30E-06
PLEK2,NM_016445,pleckstrin_2,218644_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,1.65,9.64E-06
PLEKHA2,BF347859,"pleckstrin_homology_domain_containing,_family_A_(phosphoinositide_binding_specific)_member_2",238013_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.51,0.003519
PLEKHA2,BF968578,"Pleckstrin_homology_domain_containing,_family_A_(phosphoinositide_binding_specific)_member_2",225136_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.5,8.30E-05
PLK2,NM_006622,polo-like_kinase_2_(Drosophila),201939_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2,2.76E-07
PLOD2,NM_000935,"procollagen-lysine,_2-oxoglutarate_5-dioxygenase_2",202620_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.06,1.56E-08
PLOD2,AI754404,"procollagen-lysine,_2-oxoglutarate_5-dioxygenase_2",202619_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.21,5.40E-09
PLRG1,NM_002669,"pleiotropic_regulator_1_(PRL1_homolog,_Arabidopsis)",225194_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.66,4.13E-06
PLSCR1,AI825926,phospholipid_scramblase_1,202446_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.65,2.45E-05
PMAIP1,AI857639,phorbol-12-myristate-13-acetate-induced_protein_1,204285_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.11,5.52E-09
PMAIP1,NM_021127,phorbol-12-myristate-13-acetate-induced_protein_1,204286_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.09,2.01E-07
PMF1,NM_007221,polyamine-modulated_factor_1,202337_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.65,6.79E-05
PNMA1,NM_006029,paraneoplastic_antigen_MA1,218224_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.94,3.75E-08
PNRC2,AV738970,proline-rich_nuclear_receptor_coactivator_2,222406_s_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.53,1.62E-04
PNRC2,NM_017761,proline-rich_nuclear_receptor_coactivator_2,217779_s_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.61,4.58E-06
POLA1,NM_016937,"polymerase_(DNA_directed),_alpha_1",204835_at,---,---,---,---

,---,---,yes,---,---,-1.54,7.93E-05
POLD3,D26018,"polymerase_(DNA-directed),_delta_3,_accessory_subunit",212836_at
,---,---,---,---,yes,---,yes,---,---,-1.64,4.01E-05
POLR1E,NM_022490,"polymerase_(RNA)_I_polypeptide_E,_53kDa",218997_at,---,---,-
--,---,---,---,yes,---,---,-1.52,2.16E-04
POLR2K,NM_005034,"polymerase_(RNA)_II_(DNA_directed)_polypeptide_K,_7.0kDa",20
2635_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.64,5.03E-06
POLRMT,NM_005035,polymerase_(RNA)_mitochondrial_(DNA_directed),203782_s_at,---
,---,---,---,---,---,---,---,---,1.92,1.57E-05
PPM1B,AF136972,"protein_phosphatase_1B_(formerly_2C),_magnesium-dependent,_bet
a_isoform",209296_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.97,2.26E-06
PPP1R2,BF966540,"protein_phosphatase_1,_regulatory_(inhibitor)_subunit_2",2021
65_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.75,2.12E-05
PPP1R2,NM_006241,"protein_phosphatase_1,_regulatory_(inhibitor)_subunit_2",202
166_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.57,8.27E-06
PPP2R1B,T79584,"protein_phosphatase_2_(formerly_2A),_regulatory_subunit_A,_bet
a_isoform",202883_s_at,yes,yes,---,yes,---,---,yes,yes,---,1.68,2.88E-05
PPP2R5C,NM_002719,"protein_phosphatase_2,_regulatory_subunit_B',_gamma_isoform
",201877_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.9,1.11E-06
PPP3CB,NM_021132,"protein_phosphatase_3_(formerly_2B),_catalytic_subunit,_beta
_isoform",202432_at,yes,yes,---,---,---,---,---,yes,---,1.64,4.83E-05
PRDX3,NM_006793,peroxiredoxin_3,201619_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,yes,
-1.7,4.10E-06
PRIM1,NM_000946,"primase,_polypeptide_1,_49kDa",205053_at,---,---,---,---,---,
---,yes,---,---,-2.51,1.08E-07
PRKAG1,NM_002733,"protein_kinase,_AMP-activated,_gamma_1_non-catalytic_subunit
",201805_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.66,1.31E-04
PRKCDBP,AI088622,"protein_kinase_C,_delta_binding_protein",213010_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,1.81,1.20E-05
PRMT1,NM_001536,protein_arginine_methyltransferase_1,206445_s_at,---,---,---,-
--,---,---,yes,yes,---,-1.88,2.40E-06
PRMT3,AL551971,protein_arginine_methyltransferase_3,213320_at,---,---,---,---,
---,---,yes,---,---,-1.82,1.61E-06
PRNP,AV725328,"prion_protein_(p27-30)_(Creutzfeldt-Jakob_disease,_Gerstmann-St
rausler-Scheinker_syndrome,_fatal_familial_insomnia)",215707_s_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.6,5.48E-05
PRNP,NM_000311,"prion_protein_(p27-30)_(Creutzfeldt-Jakob_disease,_Gerstmann-S
trausler-Scheinker_syndrome,_fatal_familial_insomnia)",201300_s_at,---,---,---
,---,---,---,---,---,---,-1.56,1.46E-05
PRPF4,U82756,PRP4_pre-mRNA_processing_factor_4_homolog_(yeast),209162_s_at,---
,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.52,4.42E-05
PRPF4,AI184802,PRP4_pre-mRNA_processing_factor_4_homolog_(yeast),209161_at,---
,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.61,2.35E-05
PSAT1,NM_021154,phosphoserine_aminotransferase_1,220892_s_at,---,---,---,---,-
--,---,---,---,---,-4.69,3.94E-13
PSAT1,BC004863,phosphoserine_aminotransferase_1,223062_s_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,-3.41,1.54E-13
PSIP1,NM_004682,PC4_and_SFRS1_interacting_protein_1,205961_s_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,-1.67,1.99E-06
PSIP1,AF063020,PC4_and_SFRS1_interacting_protein_1,209337_at,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,---,-1.52,6.75E-05
PSMC3,AL545523,"proteasome_(prosome,_macropain)_26S_subunit,_ATPase,_3",201267
_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.8,4.76E-07
PSMC3IP,BE964655,PSMC3_interacting_protein,213951_s_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.63,1.03E-04
PSPH,NM_004577,phosphoserine_phosphatase,205194_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,-3.71,2.40E-12
PTDSS1,NM_014754,phosphatidylserine_synthase_1,201433_s_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,-2.23,2.74E-09
PTER,NM_030664,phosphotriesterase_related,218967_s_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,-2.05,1.14E-07
PTK2,AL037339,PTK2_protein_tyrosine_kinase_2,208820_at,---,---,---,yes,---,---
,---,yes,---,-1.66,2.61E-05
PYCR1,NM_006907,pyrroline-5-carboxylate_reductase_1,202148_s_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,-1.76,8.92E-06
QDPR,BC000576,quinoid_dihydropteridine_reductase,209123_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,1.51,2.41E-04
RAB11A,NM_004663,"RAB11A,_member_RAS_oncogene_family",200864_s_at,---,---,---,
---,---,---,---,yes,---,1.6,1.39E-04
RAB27A,AF125393,"RAB27A,_member_RAS_oncogene_family",210951_x_at,---,---,---,-
--,---,---,---,yes,---,-1.5,0.001186
RAB2A,AI743756,"RAB2A,_member_RAS_oncogene_family",208732_at,---,---,---,---,-
--,---,---,yes,---,1.81,6.37E-06
RAB2A,M28213,"RAB2A,_member_RAS_oncogene_family",208734_x_at,---,---,---,---,-
--,---,---,yes,---,1.92,1.94E-08
RAB2A,AU158062,"RAB2A,_member_RAS_oncogene_family",208731_at,---,---,---,---,-
--,---,---,yes,---,1.96,2.81E-09
RAB31,NM_006868,"RAB31,_member_RAS_oncogene_family",217763_s_at,---,---,---,--
-,---,---,---,yes,---,-1.81,1.26E-07
RAB31,BE789881,"RAB31,_member_RAS_oncogene_family",217762_s_at,---,---,---,---
,---,---,---,yes,---,-1.57,9.36E-06
RAB31,AF183421,"RAB31,_member_RAS_oncogene_family",217764_s_at,---,---,---,---

,---,---,---,yes,---,-1.55,5.00E-06
RAB4A,NM_004578,"RAB4A,_member_RAS_oncogene_family",203582_s_at,---,---,---,--
-,---,---,---,yes,---,1.74,3.05E-05
RAB4A,BC002438,"RAB4A,_member_RAS_oncogene_family",203581_at,---,---,---,---,-
--,---,---,yes,---,2,5.05E-08
RAD21,BG289967,RAD21_homolog_(S._pombe),200607_s_at,yes,---,---,---,yes,---,ye
s,---,---,-1.91,2.35E-07
RAD21,NM_006265,RAD21_homolog_(S._pombe),200608_s_at,yes,---,---,---,yes,---,y
es,---,---,-1.65,3.86E-06
RAE1,NM_003610,RAE1_RNA_export_1_homolog_(S._pombe),201558_at,---,---,---,yes,
---,---,yes,---,---,-1.93,1.97E-08
RAE1,U85943,RAE1_RNA_export_1_homolog_(S._pombe),211318_s_at,---,---,---,yes,-
--,---,yes,---,---,-1.75,5.46E-06
RAI14,NM_015577,retinoic_acid_induced_14,202052_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,1.76,4.13E-06
RALA,AV703462,v-ral_simian_leukemia_viral_oncogene_homolog_A_(ras_related),224
880_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.52,5.39E-05
RALA,NM_005402,v-ral_simian_leukemia_viral_oncogene_homolog_A_(ras_related),21
4435_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.58,1.20E-05
RANGNRF,NM_014185,RAN_guanine_nucleotide_release_factor,218526_s_at,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,-1.62,1.57E-05
RBCK1,BE788439,RanBP-type_and_C3HC4-type_zinc_finger_containing_1,221827_at,--
-,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.16,5.41E-08
RBM12,AL514547,RNA_binding_motif_protein_12,212168_at,---,---,---,---,---,---,
yes,---,---,1.76,6.02E-05
RBM13,AF251062,RNA_binding_motif_protein_13,211686_s_at,---,---,---,---,---,--
-,yes,---,---,-1.67,4.08E-05
RBM15B,NM_013286,RNA_binding_motif_protein_15B,202689_at,---,---,---,---,---,-
--,yes,---,---,1.61,2.30E-04
RBM25,BF055107,RNA_binding_motif_protein_25,212033_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,1.7,5.37E-06
RBM25,BG251218,RNA_binding_motif_protein_25,212030_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,1.87,4.19E-07
RBM25,AV757384,RNA_binding_motif_protein_25,212031_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,1.89,2.99E-07
RBM25,AI925305,RNA_binding_motif_protein_25,212027_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,1.98,3.68E-07
RBM25,BE466128,RNA_binding_motif_protein_25,212028_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,2.01,7.32E-08
RELL1,AI394438,receptor_expressed_in_lymphoid_tissues_like_1,226430_at,---,---
,---,---,---,---,---,---,---,-1.64,5.60E-04
RFC3,NM_002915,"replication_factor_C_(activator_1)_3,_38kDa",204128_s_at,---,-
--,---,---,---,---,yes,---,---,-1.69,2.53E-05
RFC4,NM_002916,"replication_factor_C_(activator_1)_4,_37kDa",204023_at,---,---
,---,---,yes,---,yes,yes,---,-1.62,2.27E-06
RGS2,NM_002923,"regulator_of_G-protein_signalling_2,_24kDa",202388_at,---,---,
---,---,---,---,---,yes,---,6.63,0
RHOC,NM_005167,"ras_homolog_gene_family,_member_C",200885_at,---,---,---,---,-
--,---,---,yes,---,1.78,1.58E-06
RHOD,BC001338,"ras_homolog_gene_family,_member_D",209885_at,---,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,1.6,0.001105
RHOT1,NM_018307,"ras_homolog_gene_family,_member_T1",218323_at,---,---,---,---
,---,---,---,yes,---,-1.53,4.83E-04
RIPK2,AF064824,receptor-interacting_serine-threonine_kinase_2,209545_s_at,yes,
---,---,---,---,---,---,yes,---,-3.66,3.37E-12
RMI1,NM_024945,"RMI1,_RecQ_mediated_genome_instability_1,_homolog_(S._cerevisi
ae)",218979_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.71,2.76E-05
RNF11,AB024703,ring_finger_protein_11,208924_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,2.01,6.20E-08
RNF113A,BC000832,ring_finger_protein_113A,209565_at,---,---,---,---,---,---,--
-,---,---,-1.69,1.20E-05
RNF13,AF070558,ring_finger_protein_13,201779_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,
---,---,-1.6,3.33E-05
RNF139,AF064801,ring_finger_protein_139,209510_at,---,---,---,---,---,---,---,
yes,---,-2.18,5.16E-08
RNF182,AI884906,ring_finger_protein_182,230720_at,---,---,---,---,---,---,---,
---,---,-4.98,0
RNF19,AB029316,ring_finger_protein_19,223085_at,---,---,---,yes,---,---,---,--
-,---,-1.88,2.14E-06
RNF213,AI523817,ring_finger_protein_213,230000_at,---,---,---,---,---,---,---,
---,---,-1.56,7.46E-04
RP3-452H17.2,AK026566,Kita-kyushu_lung_cancer_antigen_1,1559258_a_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,-2.93,5.06E-10
RPL22L1,BE274422,ribosomal_protein_L22-like_1,225541_at,---,---,---,---,---,--
-,---,---,---,-1.67,1.02E-06
RPL27A,BE737027,Ribosomal_protein_L27a,212044_s_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,-1.78,5.82E-06
RPL30,L05095,ribosomal_protein_L30,200062_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---
,---,-1.53,3.70E-08
RPN2,AI560720,ribophorin_II,213399_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1
.79,1.23E-07
RPN2,AL514285,ribophorin_II,213491_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1

.77,1.54E-07
RPN2,BC003560,ribophorin_II,208689_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1
.7,3.56E-07
RPP14,BF439230,Ribonuclease_P_14kDa_subunit,227005_at,---,---,---,---,---,---,
yes,---,---,-1.52,1.51E-04
RSPO3,BF589322,R-spondin_3_homolog_(Xenopus_laevis),228186_s_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,-1.85,8.56E-07
S100A2,NM_005978,S100_calcium_binding_protein_A2,204268_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,1.61,2.88E-05
SAE1,AF110956,SUMO1_activating_enzyme_subunit_1,1555618_s_at,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,---,-1.67,3.03E-06
SAE1,NM_016402,SUMO1_activating_enzyme_subunit_1,217946_s_at,---,---,---,---,-
--,---,yes,---,---,-1.66,4.15E-06
SARS,NM_006513,seryl-tRNA_synthetase,200802_at,---,---,---,---,---,---,---,---
,---,-2.3,5.91E-09
SC4MOL,AV704962,sterol-C4-methyl_oxidase-like,209146_at,---,---,---,---,---,--
-,---,---,---,2.59,3.17E-09
SC5DL,D85181,"sterol-C5-desaturase_(ERG3_delta-5-desaturase_homolog,_S._cerevi
siae)-like",211423_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.76,4.56E-10
SCARB2,AA885297,"scavenger_receptor_class_B,_member_2",201646_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,-1.62,0.002728
SCARB2,BF339821,"scavenger_receptor_class_B,_member_2",224983_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,-1.57,4.65E-05
SCHIP1,NM_014575,schwannomin_interacting_protein_1,204030_s_at,---,---,---,---
,---,---,---,---,---,2.36,2.66E-08
SCRN1,NM_014766,secernin_1,201462_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.52
,1.32E-05
SDCBP,NM_005625,syndecan_binding_protein_(syntenin),200958_s_at,---,---,---,ye
s,---,---,yes,yes,---,1.68,2.21E-07
SEC24C,NM_004922,"SEC24_related_gene_family,_member_C_(S._cerevisiae)",202361_
at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,0.001784
SEC31A,U92014,SEC31_homolog_A_(S._cerevisiae),215009_s_at,---,---,---,---,---,
---,---,---,---,-2.08,4.19E-07
SEPHS2,NM_012248,selenophosphate_synthetase_2,200961_at,---,---,---,---,---,--
-,---,---,---,-1.52,6.41E-05
SERINC3,U49188,serine_incorporator_3,221473_x_at,---,---,---,---,---,---,---,-
--,---,-1.78,2.09E-06
SERINC3,BC006088,serine_incorporator_3,211769_x_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,-1.73,4.36E-06
SERINC3,Z97053,serine_incorporator_3,221472_at,---,---,---,---,---,---,---,---
,---,-1.61,8.00E-05
SERPINB5,NM_002639,"serpin_peptidase_inhibitor,_clade_B_(ovalbumin),_member_5"
,204855_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.68,5.21E-09
SF1,NM_004630,splicing_factor_1,208313_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,--
-,1.71,2.05E-04
SFRS11,AW241752,"splicing_factor,_arginine/serine-rich_11",213742_at,---,---,-
--,---,---,---,yes,---,---,-1.84,1.85E-04
SGMS1,AI377497,sphingomyelin_synthase_1,212989_at,---,---,---,---,---,---,---,
---,---,1.76,4.36E-05
SGOL2,N31731,shugoshin-like_2_(S._pombe),230165_at,---,---,---,---,---,---,yes
,---,---,1.76,1.14E-04
SH3BGRL,NM_003022,SH3_domain_binding_glutamic_acid-rich_protein_like,201312_s_
at,---,---,---,---,---,---,yes,---,yes,1.72,8.87E-07
SH3RF1,AB040927,SH3_domain_containing_ring_finger_1,225589_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,1.73,1.85E-04
SHCBP1,NM_024745,SHC_SH2-domain_binding_protein_1,219493_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,1.72,6.09E-06
SHMT2,NM_005412,serine_hydroxymethyltransferase_2_(mitochondrial),214437_s_at,
---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.8,1.74E-10
SHMT2,AW190316,serine_hydroxymethyltransferase_2_(mitochondrial),214096_s_at,-
--,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.49,3.86E-11
SIRT1,NM_012238,sirtuin_(silent_mating_type_information_regulation_2_homolog)_
1_(S._cerevisiae),218878_s_at,yes,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.6,2.05E-0
4
SLC16A7,NM_004731,"solute_carrier_family_16,_member_7_(monocarboxylic_acid_tra
nsporter_2)",207057_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.18,2.74E-07
SLC1A5,AF105230,"solute_carrier_family_1_(neutral_amino_acid_transporter),_mem
ber_5",208916_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.1,1.01E-08
SLC20A1,NM_005415,"solute_carrier_family_20_(phosphate_transporter),_member_1"
,201920_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.76,2.21E-07
SLC25A32,NM_030780,"solute_carrier_family_25,_member_32",221020_s_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,-2.43,6.40E-09
SLC25A36,AI694452,"solute_carrier_family_25,_member_36",201917_s_at,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,---,-1.75,4.22E-06
SLC25A36,AL049246,"Solute_carrier_family_25,_member_36",201919_at,---,---,---,
---,---,yes,---,---,---,-1.64,1.49E-05
SLC25A36,AI927944,"Solute_carrier_family_25,_member_36",201918_at,---,---,---,
---,---,yes,---,---,---,-1.57,6.25E-06
SLC25A37,BG251467,"solute_carrier_family_25,_member_37",222528_s_at,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,-2.19,4.04E-08
SLC25A37,BG251467,"solute_carrier_family_25,_member_37",222529_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.94,7.16E-07

SLC25A37,R92925,"Solute_carrier_family_25,_member_37",231274_s_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.93,5.61E-06
SLC25A37,BE677761,"Solute_carrier_family_25,_member_37",226928_x_at,---,---,--
-,---,---,---,---,---,---,-1.66,6.68E-05
SLC25A4,NM_001151,"solute_carrier_family_25_(mitochondrial_carrier;_adenine_nu
cleotide_translocator),_member_4",202825_at,---,---,---,---,---,---,---,---,--
-,1.6,7.16E-05
SLC27A2,NM_003645,"solute_carrier_family_27_(fatty_acid_transporter),_member_2
",205769_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.83,1.35E-06
SLC2A1,NM_006516,"solute_carrier_family_2_(facilitated_glucose_transporter),_m
ember_1",201250_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.62,1.15E-05
SLC2A13,AL565362,"solute_carrier_family_2_(facilitated_glucose_transporter),_m
ember_13",227176_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.88,1.24E-05
SLC30A1,AI553933,"solute_carrier_family_30_(zinc_transporter),_member_1",22818
1_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.55,0.001429
SLC31A1,NM_001859,"solute_carrier_family_31_(copper_transporters),_member_1",2
03971_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.64,5.90E-05
SLC38A1,NM_030674,"solute_carrier_family_38,_member_1",218237_s_at,---,---,---
,---,---,---,---,---,---,-2.1,6.58E-09
SLC38A1,BF247552,"solute_carrier_family_38,_member_1",224579_at,---,---,---,--
-,---,---,---,---,---,-1.53,2.31E-05
SLC38A2,NM_018573,"solute_carrier_family_38,_member_2",218041_x_at,---,---,---
,---,---,---,---,---,---,-1.8,2.50E-08
SLC38A2,NM_018976,"solute_carrier_family_38,_member_2",220924_s_at,---,---,---
,---,---,---,---,---,---,-1.8,2.50E-08
SLC38A2,AF298897,"solute_carrier_family_38,_member_2",222982_x_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.66,1.22E-07
SLC39A10,AB033091,"solute_carrier_family_39_(zinc_transporter),_member_10",225
295_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,yes,-1.58,6.30E-05
SLC39A14,D31887,"solute_carrier_family_39_(zinc_transporter),_member_14",21211
0_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.13,6.71E-09
SLC7A11,NM_014331,"solute_carrier_family_7,_(cationic_amino_acid_transporter,_
y+_system)_member_11",207528_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.89,1.
72E-07
SLC7A11,AA488687,"solute_carrier_family_7,_(cationic_amino_acid_transporter,_y
+_system)_member_11",217678_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2,4.17E-07
SLC7A11,AB040875,"solute_carrier_family_7,_(cationic_amino_acid_transporter,_y
+_system)_member_11",209921_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.97,2.29E
-08
SLFN5,AI923675,schlafen_family_member_5,238430_x_at,---,---,---,---,---,---,--
-,---,---,-1.57,1.93E-05
SMAD5,NM_005903,SMAD_family_member_5,205188_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,y
es,---,-1.57,1.89E-04
SMARCA4,AI831675,"SWI/SNF_related,_matrix_associated,_actin_dependent_regulato
r_of_chromatin,_subfamily_a,_member_4",213720_s_at,---,---,---,---,---,---,yes
,---,---,1.57,7.39E-04
SMC6,NM_024624,structural_maintenance_of_chromosomes_6,218781_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,-1.5,3.41E-04
SMEK1,NM_017936,"SMEK_homolog_1,_suppressor_of_mek1_(Dictyostelium)",220368_s_
at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.52,6.39E-04
SMEK1,AK024297,"SMEK_homolog_1,_suppressor_of_mek1_(Dictyostelium)",223160_s_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.57,7.72E-05
SMG1,AK025794,PI-3-kinase-related_kinase_SMG-1,224842_at,---,---,---,---,---,-
--,---,---,---,-1.52,0.00142
SMURF2,AY014180,SMAD_specific_E3_ubiquitin_protein_ligase_2,205596_s_at,---,--
-,---,---,---,---,yes,yes,---,1.54,2.51E-04
SNAP23,BC003686,"synaptosomal-associated_protein,_23kDa",209130_at,---,---,---
,---,---,---,---,---,---,-2.3,2.44E-08
SNHG1,AL530869,small_nucleolar_RNA_host_gene_(non-protein_coding)_1,224610_at,
---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.9,5.46E-11
SNHG7,AL533103,small_nucleolar_RNA_host_gene_(non-protein_coding)_7,229050_s_a
t,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.85,9.60E-07
SNHG8,BF340290,Small_nucleolar_RNA_host_gene_(non-protein_coding)_8,225220_at,
---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.93,1.75E-11
SNX6,NM_021249,sorting_nexin_6,217789_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-
1.66,1.01E-04
SON,BF676840,SON_DNA_binding_protein,226465_s_at,yes,---,---,---,---,---,yes,-
--,---,1.52,0.001901
SON,NM_003103,SON_DNA_binding_protein,201086_x_at,yes,---,---,---,---,---,yes,
---,---,1.53,3.64E-04
SON,X63071,SON_DNA_binding_protein,214988_s_at,yes,---,---,---,---,---,yes,---
,---,1.64,7.32E-04
SORBS2,NM_021069,sorbin_and_SH3_domain_containing_2,204288_s_at,---,---,---,ye
s,---,---,yes,---,---,-1.58,6.26E-05
SPAG5,NM_006461,sperm_associated_antigen_5,203145_at,---,---,---,yes,---,---,-
--,yes,---,1.72,7.53E-06
SPINK5L3,AI024610,serine_PI_Kazal_type_5-like_3,233340_at,---,---,---,---,---,
---,---,---,---,2.19,3.53E-08
SPINK6,BC032003,"serine_peptidase_inhibitor,_Kazal_type_6",1553973_a_at,---,--
-,---,---,---,---,---,---,---,1.96,5.47E-09
SPTAN1,U83867,"spectrin,_alpha,_non-erythrocytic_1_(alpha-fodrin)",208611_s_at

,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.76,3.95E-07
SPTAN1,AL110273,"spectrin,_alpha,_non-erythrocytic_1_(alpha-fodrin)",215235_at
,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.9,2.76E-07
SSSCA1,NM_006396,Sjogren's_syndrome/scleroderma_autoantigen_1,203114_at,---,--
-,---,---,---,---,---,---,---,1.82,1.07E-05
SSTR1,R62424,somatostatin_receptor_1,235591_at,---,---,---,---,---,---,---,yes
,---,2.83,4.03E-08
ST13,U17714,suppression_of_tumorigenicity_13_(colon_carcinoma)_(Hsp70_interact
ing_protein),208667_s_at,---,---,yes,---,---,---,---,---,---,-1.55,1.19E-04
STAG1,AI126490,stromal_antigen_1,202294_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---
,-1.59,1.06E-04
STAG2,NM_006603,stromal_antigen_2,207983_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,
---,-1.7,4.18E-07
STAG2,AK026678,stromal_antigen_2,209022_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---
,-1.66,1.94E-06
STAG2,BC001765,stromal_antigen_2,209023_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,-
--,-1.57,1.44E-05
STAMBPL1,AI638611,STAM_binding_protein-like_1,227607_at,---,---,---,---,---,--
-,---,---,---,1.72,3.29E-05
STARD3NL,BC003074,STARD3_N-terminal_like,223065_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,1.6,3.80E-05
STARD4,AA628398,"START_domain_containing_4,_sterol_regulated",226390_at,---,--
-,---,---,---,---,---,---,---,1.84,7.01E-06
STAU1,NM_004602,"staufen,_RNA_binding_protein,_homolog_1_(Drosophila)",207320_
x_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,-1.7,1.99E-06
STAU1,AJ132258,"staufen,_RNA_binding_protein,_homolog_1_(Drosophila)",213037_x
_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,-1.67,6.76E-06
STAU1,BC000830,"staufen,_RNA_binding_protein,_homolog_1_(Drosophila)",208948_s
_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,-1.51,5.15E-05
STK17A,AW194730,serine/threonine_kinase_17a,202693_s_at,yes,---,---,---,---,--
-,yes,yes,---,1.9,2.78E-07
STK24,AA586774,"serine/threonine_kinase_24_(STE20_homolog,_yeast)",208854_s_at
,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.5,1.01E-04
STX16,BE878126,syntaxin_16,1558249_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1
.78,1.09E-05
SUMF1,AA683501,sulfatase_modifying_factor_1,226850_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,1.86,2.61E-06
SUMO2,L76416,SMT3_suppressor_of_mif_two_3_homolog_2_(S._cerevisiae),208739_x_a
t,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.72,2.89E-07
SUMO3,NM_006936,SMT3_suppressor_of_mif_two_3_homolog_3_(S._cerevisiae),200740_
s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.64,6.09E-06
SUMO4,AL031133,SMT3_suppressor_of_mif_two_3_homolog_4_(S._cerevisiae),215452_x
_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.86,4.25E-07
SYF2,NM_015484,"SYF2_homolog,_RNA_splicing_factor_(S._cerevisiae)",202553_s_at
,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.67,3.05E-05
SYNC1,NM_030786,"syncoilin,_intermediate_filament_1",221276_s_at,---,---,---,-
--,---,---,---,---,---,1.75,2.88E-06
TACC3,NM_006342,"transforming,_acidic_coiled-coil_containing_protein_3",218308
_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.66,5.16E-05
TAF10,NM_006284,"TAF10_RNA_polymerase_II,_TATA_box_binding_protein_(TBP)-assoc
iated_factor,_30kDa",200055_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.7,5.27E-0
6
TAF2,AK001618,"TAF2_RNA_polymerase_II,_TATA_box_binding_protein_(TBP)-associat
ed_factor,_150kDa",209523_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.45,7.57E-0
9
TAF2,AF040701,"TAF2_RNA_polymerase_II,_TATA_box_binding_protein_(TBP)-associat
ed_factor,_150kDa",1554721_a_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.9,2.64E
-06
TAGLN,BC010946,transgelin,1555724_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.1
6,2.96E-07
TAGLN,NM_003186,transgelin,205547_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.4
3,3.51E-09
TARS,NM_003191,threonyl-tRNA_synthetase,201263_at,---,---,---,---,---,---,---,
---,---,-1.72,2.44E-08
TATDN1,AF212250,TatD_DNase_domain_containing_1,223231_at,---,---,---,---,---,-
--,---,---,---,-1.91,4.18E-08
TBL1X,AW968555,transducin_(beta)-like_1X-linked,201867_s_at,---,---,---,---,--
-,---,yes,yes,---,-1.67,4.06E-05
TBL1XR1,AF314544,transducin_(beta)-like_1X-linked_receptor_1,222634_s_at,---,-
--,---,---,---,---,yes,---,---,-1.74,2.79E-05
TCEAL3,AA847654,transcription_elongation_factor_A_(SII)-like_3,227279_at,---,-
--,---,---,---,---,---,---,---,1.56,3.62E-04
TERF1,NM_017489,telomeric_repeat_binding_factor_(NIMA-interacting)_1,203449_s_
at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,-1.52,1.54E-04
TEX261,BG170659,testis_expressed_261,212083_at,---,---,---,---,---,---,---,---
,---,-1.51,6.50E-04
TFDP1,AI950069,transcription_factor_Dp-1,242939_at,yes,yes,---,---,---,---,yes
,---,---,1.86,3.33E-06
TFPI,BF511231,tissue_factor_pathway_inhibitor_(lipoprotein-associated_coagulat
ion_inhibitor),213258_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.53,1.57E-04
TFPI2,L27624,tissue_factor_pathway_inhibitor_2,209278_s_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,1.73,3.94E-06

TGFB1,BC000125,"transforming_growth_factor,_beta_1",203085_s_at,yes,yes,---,---,---,---,---,yes,---,2.48,1.77E-06
TGFB1I1,BC001830,transforming_growth_factor_beta_1_induced_transcript_1,209651_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.75,2.39E-05
TGFBR1,AA604375,"transforming_growth_factor,_beta_receptor_I_(activin_A_receptor_type_II-like_kinase,_53kDa)",224793_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.71,2.25E-05
THAP10,NM_020147,THAP_domain_containing_10,219596_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.72,1.32E-05
THAP11,W19873,THAP_domain_containing_11,212910_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.66,8.62E-05
THBS1,BF055462,thrombospondin_1,201108_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.6,1.74E-04
THBS1,AV726673,thrombospondin_1,201109_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.78,4.15E-06
THBS1,NM_003246,thrombospondin_1,201110_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.89,1.69E-05
THRAP2,AL133033,thyroid_hormone_receptor_associated_protein_2,212209_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.53,0.001247
TIMM17A,AK023063,translocase_of_inner_mitochondrial_membrane_17_homolog_A_(yeast),215171_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.7,3.68E-07
TIMM17A,BC004439,translocase_of_inner_mitochondrial_membrane_17_homolog_A_(yeast),201821_s_at,---,---,---,---,---,yes,---,---,---,1.74,5.54E-07
TIMP2,BE968786,TIMP_metallopeptidase_inhibitor_2,231579_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.73,8.12E-06
TIMP2,BF107565,TIMP_metallopeptidase_inhibitor_2,224560_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.93,4.65E-06
TM2D1,AA012917,TM2_domain_containing_1,213883_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.5,1.72E-04
TM4SF1,AI346835,transmembrane_4_L_six_family_member_1,209386_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.12,8.80E-11
TM4SF1,AI189753,transmembrane_4_L_six_family_member_1,215034_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.25,3.14E-10
TM4SF1,M90657,transmembrane_4_L_six_family_member_1,209387_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.33,8.96E-11
TMEM19,AW572609,transmembrane_protein_19,226860_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.57,1.19E-04
TMEM5,NM_014254,transmembrane_protein_5,204808_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.52,7.46E-05
TMEM77,AI735261,transmembrane_protein_77,225230_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.57,0.001762
TMEM87A,AL049944,transmembrane_protein_87A,212204_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.51,1.67E-04
TMEM99,AW054855,transmembrane_protein_99,226565_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.61,1.71E-04
TMEM9B,AI188389,"TMEM9_domain_family,_member_B",222507_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.51,0.001961
TMEM9B,NM_020644,"TMEM9_domain_family,_member_B",218065_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,1.57,1.24E-05
TMTC1,AF319520,transmembrane_and_tetratricopeptide_repeat_containing_1,224397_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.59,4.55E-04
TncRNA,AI042152,trophoblast-derived_noncoding_RNA,224566_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.92,4.15E-06
TncRNA,BE675516,trophoblast-derived_noncoding_RNA,224565_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.58,5.23E-04
TNFAIP8,NM_014350,"tumor_necrosis_factor,_alpha-induced_protein_8",208296_x_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.67,6.13E-10
TNFAIP8,BC005352,"tumor_necrosis_factor,_alpha-induced_protein_8",210260_s_at,yes,---,---,---,---,---,---,---,---,2.68,1.76E-09
TNFRSF10B,AF016266,"tumor_necrosis_factor_receptor_superfamily,_member_10b",209295_at,yes,---,---,---,---,---,---,yes,---,-2.53,4.53E-09
TNPO3,AK022910,transportin_3,212317_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.68,1.07E-05
TOM1L1,NM_005486,target_of_myb1_(chicken)-like_1,204485_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.37,8.80E-09
TPBG,NM_006670,trophoblast_glycoprotein,203476_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-3.56,3.26E-12
TPM1,Z24727,tropomyosin_1_(alpha),210986_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,2.16,1.69E-08
TPM1,NM_000366,tropomyosin_1_(alpha),206116_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,2.22,9.81E-09
TPM1,M19267,tropomyosin_1_(alpha),210987_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,2.26,1.33E-10
TPM2,NM_003289,tropomyosin_2_(beta),204083_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.7,4.07E-06
TPM4,BC002827,tropomyosin_4,209344_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.62,3.93E-04
TPM4,AF362887,tropomyosin_4,1567107_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.86,1.20E-05
TRAPPC1,BG340967,trafficking_protein_particle_complex_1,225294_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,2.34,1.60E-06

TRIOBP,AF281030,TRIO_and_F-actin_binding_protein,210276_s_at,---,---,---,yes,---,---,yes,---,---,1.79,3.80E-05
TRPS1,AF264784,trichorhinophalangeal_syndrome_I,224218_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.1,3.97E-07
TRPS1,BF701166,trichorhinophalangeal_syndrome_I,222651_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.55,1.59E-04
TRPS1,NM_014112,trichorhinophalangeal_syndrome_I,218502_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.54,5.54E-04
TSC22D3,AL110191,"TSC22_domain_family,_member_3",208763_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-3.15,1.04E-11
TSHZ1,W60810,teashirt_family_zinc_finger_1,223282_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.53,0.003217
TSPAN13,NM_014399,Tetraspanin_13,217979_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.88,2.26E-06
TTC32,BE465877,tetratricopeptide_repeat_domain_32,226838_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.22,1.20E-07
TUBA4A,AL565074,"tubulin,_alpha_4a",212242_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.76,2.04E-07
TUBB,AF141349,"tubulin,_beta",209026_x_at,yes,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.7,2.55E-07
TUBB,BC005838,"tubulin,_beta",211714_x_at,yes,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.75,8.75E-08
TUBB,BC001002,"tubulin,_beta",212320_at,yes,---,---,yes,---,---,---,---,---,1.85,1.50E-08
TUBB2A,NM_001069,"tubulin,_beta_2A",204141_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,2.67,4.53E-09
TUBB2C,AA515698,"tubulin,_beta_2C",213726_x_at,yes,---,yes,yes,---,---,---,---,---,2.6,8.05E-12
TUBB2C,BC004188,"tubulin,_beta_2C",208977_x_at,yes,---,yes,yes,---,---,---,---,---,2.75,2.83E-12
TUBB3,NM_006086,"tubulin,_beta_3",202154_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,2.56,8.96E-11
TUBB3,AL565749,"tubulin,_beta_3",213476_x_at,---,---,---,yes,---,---,---,yes,---,2.58,1.26E-10
TUBB6,BC002654,"tubulin,_beta_6",209191_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,2.45,5.19E-10
TUSC3,AI884858,tumor_suppressor_candidate_3,213423_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,yes,-1.62,2.41E-06
TUSC3,U42349,tumor_suppressor_candidate_3,209228_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,yes,-1.57,2.51E-05
TXNDC1,NM_030755,thioredoxin_domain_containing_1,208097_s_at,yes,---,---,---,---,---,yes,yes,-3.17,3.54E-11
TXNDC1,AL080080,thioredoxin_domain_containing_1,209476_at,yes,---,---,---,---,---,---,yes,yes,-2.58,3.66E-10
TXNIP,AA812232,thioredoxin_interacting_protein,201008_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.98,3.86E-10
TXNIP,NM_006472,thioredoxin_interacting_protein,201010_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.77,1.58E-09
TXNIP,AI439556,thioredoxin_interacting_protein,201009_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.72,3.52E-09
UBAP2,AK026088,ubiquitin_associated_protein_2,221839_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.53,3.12E-04
UBAP2,NM_018449,ubiquitin_associated_protein_2,219192_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.86,1.13E-06
UBAP2L,NM_014847,ubiquitin_associated_protein_2-like,201378_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.83,1.68E-07
UBAP2L,NM_014847,ubiquitin_associated_protein_2-like,201377_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.95,1.38E-07
UBE2Q2,AK000617,ubiquitin-conjugating_enzyme_E2Q_(putative)_2,224747_at,---,---,---,---,---,---,---,---,2.24,2.93E-08
UCP2,U94592,"uncoupling_protein_2_(mitochondrial,_proton_carrier)",208998_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1.94,1.13E-05
UFM1,BC005193,ubiquitin-fold_modifier_1,222502_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.91,4.28E-06
UFM1,NM_016617,ubiquitin-fold_modifier_1,218050_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.73,4.27E-07
UPF2,NM_015542,UPF2_regulator_of_nonsense_transcripts_homolog_(yeast),203519_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.6,2.33E-04
UPF3B,NM_023010,UPF3_regulator_of_nonsense_transcripts_homolog_B_(yeast),218757_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.75,2.79E-06
USP1,NM_003368,ubiquitin_specific_peptidase_1,202413_s_at,---,---,---,---,yes,---,yes,---,---,-1.63,8.69E-06
USP1,AW499935,ubiquitin_specific_peptidase_1,202412_s_at,---,---,---,---,yes,---,yes,---,---,-1.51,2.09E-05
USP15,AF153604,ubiquitin_specific_peptidase_15,210681_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.81,9.78E-06
USP3,AF077040,ubiquitin_specific_peptidase_3,221654_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.68,8.22E-06
VAPA,AF154847,"VAMP_(vesicle-associated_membrane_protein)-associated_protein_A,_33kDa",208780_x_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.52,3.21E-05
VCP,W60953,valosin-containing_protein,208648_at,yes,---,---,---,yes,---,yes,ye

s,---,1.51,2.21E-05
VEGFA,AF022375,vascular_endothelial_growth_factor_A,210512_s_at,yes,yes,---,--
-,---,---,---,yes,---,-3.83,9.36E-13
VIL2,BF663141,villin_2_(ezrin),208621_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---
,1.51,0.007571
VIL2,AF199015,villin_2_(ezrin),217234_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---
,1.58,4.42E-04
VIL2,J05021,villin_2_(ezrin),208623_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---,1
.7,2.18E-06
VIL2,AA670344,villin_2_(ezrin),208622_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,---
,1.73,3.62E-06
WARS,NM_004184,tryptophanyl-tRNA_synthetase,200629_at,---,---,---,---,---,---,
---,---,---,-1.7,5.73E-06
WARS,M61715,tryptophanyl-tRNA_synthetase,200628_s_at,---,---,---,---,---,---,-
--,---,---,-1.66,4.36E-05
WDR1,AB010427,WD_repeat_domain_1,200611_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,-
--,1.58,2.84E-05
WDR1,NM_017491,WD_repeat_domain_1,200609_s_at,---,---,---,yes,---,---,---,---,
---,1.67,3.08E-06
WDR26,NM_025160,WD_repeat_domain_26,218107_at,---,---,---,---,---,---,---,---,
---,1.63,4.18E-05
WDR26,AA482548,WD_repeat_domain_26,224905_at,---,---,---,---,---,---,---,---,-
--,1.9,5.27E-06
WDR44,NM_019045,WD_repeat_domain_44,219297_at,---,---,---,---,---,---,---,---,
---,1.64,1.13E-04
WDR6,NM_018031,WD_repeat_domain_6,217734_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,
---,1.59,8.81E-05
WDR77,NM_024102,WD_repeat_domain_77,201421_s_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,1.54,1.54E-04
WDSOF1,BE409290,WD_repeats_and_SOF1_domain_containing,225676_s_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.84,2.78E-07
WFDC1,NM_021197,WAP_four-disulfide_core_domain_1,219478_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,2.36,2.18E-07
WHSC1L1,AI697751,Wolf-Hirschhorn_syndrome_candidate_1-like_1,222544_s_at,---,-
--,---,---,---,---,yes,---,---,-2,7.42E-08
WWP1,BF131791,WW_domain_containing_E3_ubiquitin_protein_ligase_1,212638_s_at,-
--,---,---,---,---,---,---,yes,---,-1.52,2.72E-05
WWTR1,BF674349,WW_domain_containing_transcription_regulator_1,202133_at,---,--
-,---,---,---,---,yes,---,---,1.55,5.62E-05
XBP1,NM_005080,X-box_binding_protein_1,200670_at,---,---,---,---,---,---,yes,-
--,---,-2.94,2.23E-11
XPOT,AI984005,"exportin,_tRNA_(nuclear_export_receptor_for_tRNAs)",212160_at,-
--,---,---,---,---,---,yes,---,---,-2.39,4.96E-10
XRCC5,J04977,"X-ray_repair_complementing_defective_repair_in_Chinese_hamster_c
ells_5_(double-strand-break_rejoining;_Ku_autoantigen,_80kDa)",208643_s_at,---
,---,---,---,yes,---,yes,---,---,-1.5,2.09E-05
YAP1,AA557632,"Yes-associated_protein_1,_65kDa",224895_at,---,---,---,---,---,
---,---,---,---,-2.44,2.04E-07
YAP1,BF247906,"Yes-associated_protein_1,_65kDa",224894_at,---,---,---,---,---,
---,---,---,---,-1.98,2.19E-07
YARS,AW245400,tyrosyl-tRNA_synthetase,212048_s_at,yes,---,---,---,---,---,---,
---,---,-2.01,6.69E-08
YIPF5,AA169752,"Yip1_domain_family,_member_5",224949_at,---,---,---,---,---,--
-,---,---,---,1.55,5.80E-04
YLPM1,AI952986,YLP_motif_containing_1,212787_at,---,---,---,---,---,---,yes,--
-,---,2.28,1.09E-06
YPEL5,NM_016061,yippee-like_5_(Drosophila),217783_s_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.58,2.61E-04
YRDC,NM_024640,yrdC_domain_containing_(E._coli),218647_s_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,1.58,6.47E-05
YWHAH,NM_003405,"tyrosine_3-monooxygenase/tryptophan_5-monooxygenase_activatio
n_protein,_eta_polypeptide",201020_at,yes,yes,---,---,---,---,---,yes,---,1.51
,4.58E-04
YWHAZ,U28964,"tyrosine_3-monooxygenase/tryptophan_5-monooxygenase_activation_p
rotein,_zeta_polypeptide",200641_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.8
,1.50E-06
YWHAZ,NM_003406,"tyrosine_3-monooxygenase/tryptophan_5-monooxygenase_activatio
n_protein,_zeta_polypeptide",200640_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.
65,1.47E-06
YWHAZ,BC003623,"tyrosine_3-monooxygenase/tryptophan_5-monooxygenase_activation
_protein,_zeta_polypeptide",200638_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1
.53,4.96E-06
YWHAZ,NM_003406,"tyrosine_3-monooxygenase/tryptophan_5-monooxygenase_activatio
n_protein,_zeta_polypeptide",200639_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-
1.5,6.67E-06
ZAK,AI129320,sterile_alpha_motif_and_leucine_zipper_containing_kinase_AZK,2256
65_at,yes,yes,---,---,yes,---,---,yes,---,1.5,2.23E-04
ZBED1,NM_004729,"zinc_finger,_BED-type_containing_1",203043_at,---,---,---,---
,---,---,yes,---,---,1.57,4.93E-04
ZBED3,AI679968,"zinc_finger,_BED-type_containing_3",228402_at,---,---,---,---,
---,---,---,---,---,-2.45,2.84E-08
ZC3H8,AF334161,zinc_finger_CCCH-type_containing_8,223506_at,---,---,---,---,--

-,---,yes,---,---,-2.1,2.90E-07
ZC3HAV1,BG533558,"zinc_finger_CCCH-type,_antiviral_1",225634_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,1.91,8.22E-06
ZCCHC7,BG291039,"zinc_finger,_CCHC_domain_containing_7",226496_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.92,1.42E-06
ZCCHC8,NM_017612,"zinc_finger,_CCHC_domain_containing_8",218478_s_at,---,---,-
--,---,---,---,---,---,---,-1.95,2.09E-06
ZFAND1,NM_024699,"zinc_finger,_AN1-type_domain_1",218919_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,-2.44,7.69E-09
ZFP91,AA758013,zinc_finger_protein_91_homolog_(mouse),224631_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,-1.7,4.40E-05
ZFP91,AL045405,zinc_finger_protein_91_homolog_(mouse),224636_at,---,---,---,--
-,---,---,yes,---,---,-1.57,1.96E-05
ZNF146,BC005154,zinc_finger_protein_146,1554433_a_at,---,---,---,---,---,---,y
es,---,---,-1.5,6.84E-04
ZNF281,AA121673,Zinc_finger_protein_281,228785_at,---,---,---,---,---,---,yes,
---,---,1.69,8.67E-06
ZNF281,AU150752,zinc_finger_protein_281,222619_at,---,---,---,---,---,---,yes,
---,---,1.72,2.20E-05
ZNF313,AF090934,zinc_finger_protein_313,211678_s_at,---,---,---,---,---,---,--
-,---,---,-1.77,2.13E-05
ZNF706,NM_016096,zinc_finger_protein_706,218059_at,---,---,---,---,---,---,yes
,---,---,-1.93,1.62E-08
ZZZ3,AL080063,"zinc_finger,_ZZ-type_containing_3",212893_at,---,---,---,---,--
-,---,yes,---,---,-1.9,1.19E-06
---,NM_016947,---,222968_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.19,3.31E-08
---,BE312027,---,213642_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.86,7.34E-06
---,AA775408,---,224893_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.59,1.11E-05
---,BF677084,---,238342_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.57,0.040074
---,BF591637,---,240698_s_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-1.57,6.69E-0
4
---,AI494291,---,240690_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.56,2.34E-04
---,AI056692,---,227278_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1.51,9.07E-04
---,AA805633,---,230175_s_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,2,1.91E-07
---,AL523076,3'UTR_of_hypothetical_protein_(ORF1),212233_at,---,---,---,yes,--
-,---,---,---,---,-1.81,1.51E-04
---,BF448315,"ARTC1_mRNA,_complete_sequence",213015_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.57,1.47E-05
---,BF508813,"ARTC1_mRNA,_complete_sequence",226331_at,---,---,---,---,---,---
,---,---,---,-1.51,7.59E-04
---,AA632758,"CDNA:_FLJ22765_fis,_clone_KAIA1180",232615_at,---,---,---,---,--
-,---,---,---,---,-1.59,4.51E-04
---,AI252087,"CDNA:_FLJ23242_fis,_clone_COL01514",232681_at,---,---,---,---,--
-,---,yes,---,---,-1.53,5.31E-05
---,BF002121,CDNA_clone_IMAGE:4816860,225937_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,1.51,3.04E-04
---,AI350995,CDNA_clone_IMAGE:4816860,225935_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,1.6,9.57E-05
---,BG391282,CDNA_clone_IMAGE:4842353,212126_at,---,---,---,---,---,---,yes,--
-,---,1.99,1.22E-06
---,BI547087,CDNA_clone_IMAGE:5261717,1568983_a_at,---,---,---,---,---,---,---
,---,---,-1.86,4.66E-05
---,BF064224,"CDNA_FLJ12540_fis,_clone_NT2RM4000425",226116_at,---,---,---,---
,---,---,---,---,---,-1.53,2.17E-04
---,AU157881,"CDNA_FLJ13598_fis,_clone_PLACE1009921",227290_at,---,---,---,---
,---,---,---,---,---,-2,2.46E-06
---,AI983043,"CDNA_FLJ23679_fis,_clone_HEP09084",201410_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,1.8,8.41E-06
---,AI760366,"CDNA_FLJ25706_fis,_clone_TST04817",236907_at,---,---,---,---,---
,---,yes,---,---,-1.85,9.67E-06
---,AI355441,"CDNA_FLJ26120_fis,_clone_SYN00419",225239_at,---,---,---,---,---
,---,---,---,---,1.59,6.68E-05
---,H16409,"CDNA_FLJ30478_fis,_clone_BRAWH1000167",227623_at,---,---,---,---,-
--,---,---,---,---,1.71,8.78E-06
---,AW173164,"CDNA_FLJ31718_fis,_clone_NT2RI2006647",226893_at,---,---,---,---
,---,---,---,yes,---,1.71,3.16E-05
---,BF698797,"CDNA_FLJ37884_fis,_clone_BRSTN2012451",236300_at,---,---,---,---
,---,---,---,yes,---,-1.61,7.88E-06
---,U58658,"CDNA_FLJ39726_fis,_clone_SMINT2015306",224185_at,---,---,---,---,-
--,---,---,---,---,-1.65,1.28E-04
---,AW242820,"CDNA_FLJ40762_fis,_clone_TRACH2002847",227117_at,---,---,---,---
,---,---,yes,---,---,-2.35,7.76E-08
---,AI457965,"CDNA_FLJ41369_fis,_clone_BRCAN2006117",225256_at,---,---,---,---
,---,---,---,---,---,-1.99,1.78E-05
---,AA156754,"CDNA_FLJ42149_fis,_clone_THYMU1000692",225176_at,---,---,---,---
,---,---,---,---,---,-1.83,2.06E-05
---,AI859767,Full-length_cDNA_clone_CS0DI039YF12_of_Placenta_Cot_25-normalized
_of_Homo_sapiens_(human),227836_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-2.36,3
.88E-08
---,AK055769,"Homo_sapiens,_clone_IMAGE:2900205,_mRNA",1558801_at,---,---,---,
---,---,---,---,---,---,-1.61,9.98E-06
---,BC020854,"Homo_sapiens,_clone_IMAGE:3906992,_mRNA",1553979_at,---,---,---,

```
---,---,---,---,---,---,-1.56,4.62E-06
---,AI709406,"Homo_sapiens,_clone_IMAGE:5547644,_mRNA",225897_at,---,---,---,y
es,---,---,---,---,---,1.85,4.76E-07
---,BE622897,"Homo_sapiens,_Similar_to_likely_ortholog_of_yeast_ARV1,_clone_IM
AGE:3460560,_mRNA",224691_at,yes,yes,---,---,---,---,yes,---,---,1.53,1.46E-04
---,AL050043,MRNA;_cDNA_DKFZp566M0524_(from_clone_DKFZp566M0524),216635_at,---
,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.62,1.16E-04
---,AI679611,MRNA_full_length_insert_cDNA_clone_EUROIMAGE_898037,228930_at,---
,---,---,---,---,---,---,---,---,-1.68,1.83E-05
---,BF110534,Transcribed_locus,230233_at,---,---,---,---,---,---,---,yes,---,-
4.26,3.46E-12
---,AI094180,Transcribed_locus,228479_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-
1.88,3.65E-06
---,BE245080,Transcribed_locus,235907_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-
1.88,1.53E-05
---,BF114679,Transcribed_locus,238831_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-
1.88,4.95E-06
---,AA004210,Transcribed_locus,229835_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---
,-1.87,6.50E-07
---,BG149849,Transcribed_locus,226426_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,-
1.7,2.28E-05
---,AI828075,Transcribed_locus,230795_at,---,---,---,---,---,---,yes,yes,---,-
1.68,7.71E-06
---,AI733194,Transcribed_locus,242134_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,-
1.53,0.047157
---,AI093722,Transcribed_locus,226377_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1
.52,0.003505
---,AI709335,Transcribed_locus,230416_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1
.53,0.001942
---,BF594695,Transcribed_locus,235072_s_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---
,1.54,8.62E-04
---,BE893995,Transcribed_locus,234983_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---,1
.56,5.44E-04
---,AA532718,Transcribed_locus,236545_at,---,---,---,---,---,---,yes,---,---,1
.78,1.70E-05
---,N51102,Transcribed_locus,226525_at,yes,---,---,---,---,---,yes,yes,---,1.7
9,3.29E-05
---,AW205919,Transcribed_locus,229830_at,yes,yes,---,---,---,---,---,yes,---,2
.05,1.36E-07
---,AA523172,"Transcribed_locus,_strongly_similar_to_XP_001172939.1__hypotheti
cal_protein_[Pan_troglodytes]",228049_x_at,---,---,---,---,---,---,---,---,---
,-1.79,1.82E-06
---,AV687517,"Transcribed_locus,_strongly_similar_to_XP_531236.1__hypothetical
_protein_XP_531236_[Pan_troglodytes]",228498_at,---,---,---,---,---,---,---,--
-,---,-1.55,1.67E-07
```